

# Ré-identification sans coordination dans les types de données répliquées sans conflits (CRDTs)

## THÈSE

présentée et soutenue publiquement le TODO : Définir une date

pour l'obtention du

### Doctorat de l'Université de Lorraine

(mention informatique)

par

Matthieu Nicolas

### Composition du jury

Président : À déterminer

Rapporteurs:Hanifa Boucheneb Professeure, Polytechnique Montréal

> Davide Frev Chargé de recherche, HdR, Inria Rennes Bretagne-Atlantique

Hala Skaf-Molli Maîtresse de conférences, HdR, Nantes Université Examinateurs:

> Directeur de Recherche, Inria Nancy - Grand Est Stephan Merz

Encadrants: Olivier Perrin Professeur des Universités, Université de Lorraine, LORIA

> Gérald Oster Maître de conférences, Université de Lorraine, LORIA



## Remerciements

WIP

WIP

# Sommaire

Chapit	tre 1		
Introd	uction	1	
1.1	Conte	exte	1
1.2	Quest	tions de recherche et contributions	6
	1.2.1	Ré-identification sans coordination synchrone pour les Conflict-free	
		Replicated Data Types (CRDTs) pour le type Séquence	6
	1.2.2	Éditeur de texte collaboratif Pair-à-Pair (P2P) temps réel chiffré de	
		bout en bout	7
1.3	Plan o	du manuscrit	8
1.4	Public	cations	9
Chapit	tre 2		
État d	e l'art	11	
2.1	Modè	le du système	12
2.2	Types	s de données répliquées sans conflits	13
	2.2.1	Sémantiques en cas de conflits	17
	2.2.2	Modèles de synchronisation	21
2.3	3 Séquences répliquées sans conflits		30
	2.3.1	Approche à pierres tombales	33
	2.3.2	Approche à identifiants densément ordonnés	41
	2.3.3	Synthèse	49
2.4	Logoc	ptSplit	52
	2.4.1	Identifiants	52
	2.4.2	Aggrégation dynamique d'élements en blocs	53
	2.4.3	Modèle de données	55
	2.4.4	Modèle de livraison	57
	2.4.5	Limites	59

2.5 Mitigation du surcoût des séquences répliquées sans conflits						
	2.5.1	Mécanisme de Garbage Collection (GC) des pierres tombales	62			
	2.5.2	Ré-équilibrage de l'arbre des identifiants de position	62			
	2.5.3	Réduction de la croissance des identifiants de position	63			
	2.5.4	Synthèse	64			
2.6	Synth	èse	64			
2.7	Propo	osition	65			
Chapit	tre 3					
Conclu	usions	et perspectives 67				
3.1	Résur	nés des contributions	67			
	3.1.1	Réflexions sur l'état de l'art des CRDTs	67			
	3.1.2	Ré-identification sans coordination pour les CRDTs pour Séquence	69			
	3.1.3	Éditeur de texte collaboratif P2P chiffré de bout en bout	71			
3.2	Persp	ectives	73			
	3.2.1	Définition de relations de priorité pour minimiser les traitements	73			
	3.2.2	Détection et fusion manuelle de versions distantes	74			
	3.2.3	Étude comparative des différents modèles de synchronisation pour				
		CRDTs	78			
	3.2.4	Approfondissement du patron de conception de Pure Operation-				
		Based CRDTs	79			
Annex	e A					
Entrel	aceme	nt d'insertions concurrentes dans Treedoc				
Annex						
Algori	thmes	RENAMEID				
Annex	e C					
Algori	$_{ m thmes}$	REVERTRENAMEID				
Bibliog	graphi	e				

# Table des figures

1.1	Caption for decentralised-system	2
1.2	Caption for distributed-system	4
1.3	Caption for lfs-comparison-apps	5
2.1	Spécification algébrique du type abstrait usuel Ensemble	14
2.2	Modifications concurrentes d'un Ensemble répliqué provoquant un conflit suite à l'ajout et la suppression d'un même élément	15
2.3	Résolution du conflit en utilisant la sémantique Last-Writer-Wins (LWW)	$\frac{15}{17}$
2.4	Résolution du conflit en utilisant la sémantique Multi-Value (MV)	18
2.5	Résolution du conflit en utilisant soit la sémantique Add-Wins (AW), soit	10
2.0	la sémantique Remove-Wins (RW)	19
2.6	Résolution du conflit en utilisant la sémantique Causal-Length (CL)	20
2.7	Modifications en concurrence d'un Ensemble répliqué par les noeuds A et B	21
2.8	Synchronisation des noeuds A et B en adoptant le modèle de synchronisa-	
	tion par états	23
2.9	Synchronisation des noeuds A et B en adoptant le modèle de synchronisa-	
	tion par opérations	25
2.10	Synchronisation des noeuds A et B en adoptant le modèle de synchronisa-	
	tion par différences d'états	27
	Représentation de la séquence "HELLO"	30
	Spécification algébrique du type abstrait usuel Séquence	30
	Modifications concurrentes d'une séquence	31
	Modifications concurrentes d'une séquence répliquée WOOT	35
2.15	Modifications concurrentes d'une séquence répliquée Replicated Growable	
	Array (RGA)	38
	Entrelacement d'éléments insérés de manière concurrente	40
	Identifiants de positions	42
	Identifiants de position avec désambiguateurs	43
	Modifications concurrentes d'une séquence répliquée Treedoc	43
	Modifications concurrentes d'une séquence répliquée Logoot	47
	Représentation d'une séquence LogootSplit contenant les éléments "HLO"	54
	Spécification algébrique du type abstrait LogootSplit	55
	Modifications concurrentes d'une séquence répliquée LogootSplit	56
	Résurgence d'un élément supprimé suite à la relivraison de son opération ins	57
2.25	Non-effet de l'opération rmv car reçue avant l'opération ins correspondante	58

## Table des figures

2.26	Insertion menant à une augmentation de la taille des identifiants	60
2.27	Insertion menant à une augmentation de la taille des identifiants	61
2.28	Taille du contenu comparé à la taille de la séquence LogootSplit	61
A.1	Modifications concurrentes d'une séquence Treedoc résultant en un entre- lacement	83

## Chapitre 1

## Introduction

### Sommaire

1.1 Contexte	. 1
1.2 Questions de recherche et contributions	. 6
1.2.1 Ré-identification sans coordination synchrone pour les CRDTs	
pour le type Séquence	. 6
1.2.2 Éditeur de texte collaboratif P2P temps réel chiffré de bout en	
bout	. 7
1.3 Plan du manuscrit	. 8
1.4 Publications	. 9

### 1.1 Contexte

L'évolution des technologies du web a conduit à l'avènement de ce qui est communément appelé le Web 2.0. La principale caractéristique de ce média est la possibilité aux utilisateur-rices non plus seulement de le consulter, mais aussi d'y contribuer.

Ces nouvelles fonctionnalités ont permis l'apparition d'applications incitant les utilisateurrices à créer et partager leur propre contenu, ainsi que d'échanger avec d'autres utilisateurrices à ce sujet. Un cas particulier de ces applications proposent aux utilisateurrices de travailler ensemble pour la création d'un même contenu, en d'autres termes de collaborer. Nous appelons ces applications des systèmes collaboratifs:

**Définition 1** (Système collaboratif). Un système collaboratif est un système supportant ses utilisateur-rices dans leurs processus de collaboration pour la réalisation de tâches.

De nos jours, ces systèmes font parties des applications les plus populaires du paysage internet, e.g. la suite logicielle dont fait partie GoogleDocs compte 2 milliards utilisateurrices [1], Wikipedia 788 millions [2], Quora 300 millions [3] ou encore GitHub 60 millions [4]. De leur côté, d'autres plateformes fédèrent leur communautés en organisant ponctuellement des collaborations éphémères et généralement massives, e.g. r/Place [5] ou TwitchPlaysPokemon [6].

En raison de leur popularité, les systèmes collaboratifs doivent assurer plusieurs propriétés pour garantir leur bon fonctionnement et qualité de service : une haute disponibilité, tolérance aux pannes et capacité de passage à l'échelle.

**Définition 2** (Disponibilité). La disponibilité d'un système indique sa capacité à répondre à tout moment à une requête d'un-e utilisateur-rice.

**Définition 3** (Tolérance aux pannes). La tolérance aux pannes d'un système indique sa capacité à continuer à répondre aux requêtes malgré l'absence de réponse d'un ou plusieurs de ses composants.

**Définition 4** (Capacité de passage à l'échelle). La capacité de passage à l'échelle d'un système indique sa capacité à traiter un volume toujours plus conséquent de requêtes.

Pour cela, ces systèmes adoptent une architecture décentralisée, que nous illustrons par la Figure 1.1.

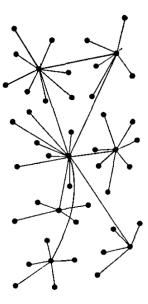


FIGURE 1.1 – Représentation d'une architecture décentralisée <sup>1</sup>. Les noeuds aux extrêmités du graphe correspondent à des clients, les noeuds internes à des serveurs et les arêtes du graphe représentent les connexions entre appareils.

Dans ce type d'architecture, les responsabilités, tâches et la charge travail sont réparties entre un ensemble de serveurs. Il convient toutefois de noter que les serveurs jouent de manière globale toujours un rôle central dans ces systèmes, malgré ce que le nom de cette architecture peut suggérer. En effet, ces systèmes reposent toujours sur leurs serveurs pour authentifier les utilisateur-rices, stocker les données de leurs utilisateur-rices ou encore fusionner les modifications effectuées par ces dernier-es.

<sup>1.</sup> Source : [7]

Bien que cette architecture système permette de répondre aux problèmes d'ordre technique que nous présentons précédemment, elle souffre néanmoins de limites. Notamment, de part le rôle prédominant que jouent les serveurs dans les systèmes décentralisés, ces derniers échouent à assurer un second ensemble de propriétés que nous jugeons néanmoins fondamentales :

**Définition 5** (Confidentialité des données). La confidentialité des données d'un système indique sa capacité à garantir à ses utilisateur-rices que leurs données ne seront pas accessibles par des tiers non autorisés ou par le système lui-même.

**Définition 6** (Souveraineté des données). La souveraineté des données d'un système indique sa capacité à garantir à ses utilisateur-rices leur maîtrise de leurs données, c.-à-d. leur capacité à les consulter, modifier, partager, exporter; supprimer ou encore à décider de l'usage qui en est fait.

**Définition 7** (Pérennité). La pérennité d'un système indique sa capacité à garantir à ses utilisateur-rices son fonctionnement continu dans le temps.

**Définition 8** (Résistance à la censure). La résistance à la censure d'un système indique sa capacité à garantir à ses utilisateur-rices son fonctionnement malgré des actions de contrôle de l'information par des autorités.

De plus, les serveurs ne sont pas une ressource libre. En effet, ils sont déployés et maintenus par la ou les organisations qui proposent le système collaboratif. Ces organisations font alors office d'autorités centrales du système, e.g. en se portant garantes de l'identité des utilisateur-rices, de l'authenticité d'un contenu ou encore de la disponibilité dudit contenu.

De part le fait que les autorités centrales possèdent les serveurs hébergeant le système, elles ont tout pouvoir sur ces derniers. Ainsi, les utilisateur-rices de systèmes collaboratifs prennent, de manière consciente ou non, le risque que les propriétés présentées précédemment soient transgressées par les autorités auxquelles appartiennent ces applications ou par des tiers avec lesquelles ces autorités interagissent, e.g. des gouvernements. Plusieurs faits d'actualités nous ont malheureusement montré de tels faits, e.g. la censure de Wikipedia par des gouvernements [8], la fermeture de services par les entreprises les proposant [9] ou encore la mise à disposition des données hébergées par des applications aux services de renseignement de différentes nations [10, 11]. Cependant, le coût conséquent de l'infrastructure nécessaire pour déployer des systèmes à large échelle équivalents entrave la mise en place d'alternatives, plus respectueuses de leurs utilisateur-rices.

Ainsi, il nous paraît fondamental de proposer des moyens technologiques rendant accessible la conception et le déploiement des systèmes collaboratifs alternatifs. Ces derniers devraient minimiser le rôle des autorités centrales, voire l'éliminer, de façon à protéger et privilégier les intérêts de leurs utilisateur-rices.

Dans cette optique, une piste de recherche que nous jugeons intéressante est celle des systèmes collaboratifs Pair-à-Pair (P2P). Cette architecture système, que nous illustrons

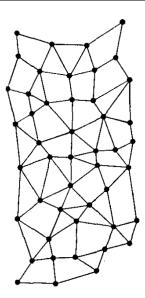


FIGURE 1.2 – Représentation d'une architecture distribuée<sup>1</sup>. Ici, tout noeud du graphe correspond à un pair du système P2P.

par la Figure 1.2, place les utilisateur-rices au centre du système et relègue les éventuels serveurs à un simple rôle de support de la collaboration, e.g. la mise en relation des pairs.

Récemment, la conception de systèmes collaboratifs P2P a gagné en traction suite à [12]. Dans cet article, les auteurs définissent un ensemble de propriétés qui correspondent à celles que nous avons établies précédemment, de la Définition 1 à la Définition 8. En utilisant ces propriétés comme critères, les auteurs comparent les fonctionnalités et garanties offertes par les différents types d'applications, notamment les applications lourdes et les applications basées sur le cloud.

Le résultat de cette comparaison est le suivant : alors que les applications basées sur le cloud permettent de nouveaux usages, notamment la collaboration entre utilisateur-rices ou la synchronisation automatique entre appareils, elles retirent à leurs utilisateur-rices toute garantie de pérennité, confidentialité des données et souveraineté des données. Ces dernières propriétés sont pourtant communément offertes par les applications lourdes. La Figure 1.3 détaille ce résultat.

Malgré ce que ce résultat pourrait suggérer, les auteurs affirment que les nouveaux usages offerts par les applications basées sur le cloud ne sont pas antinomiques avec les propriétés de confidentialité, souveraineté, pérennité.

Ainsi, ils proposent un nouveau paradigme de conception d'applications collaboratives P2P, nommées Local-First Softwares (LFS). Ce paradigme vise à la conception d'applications offrant le meilleur des approches existantes, c.-à-d. des applications cochant l'intégralité des critères de la Figure 1.3. Nous partageons cette vision.

Cependant, de nombreuses problématiques de recherche identifiées dans [12] sont encore non résolues et entravent la démocratisation des applications LFS, notamment celles à large échelle. Spécifiquement, les applications LFS se doivent de répliquer les données entre les appareils pour permettre :

Tedualagy	Section	\.Fa <sup>s</sup>	2.Mi	itidesitee (\$	12.2) A. Col	kabaration	Bevily Si	1.13et
Applications employed by end	l users							
Files + email attachments	§ 3.1.1	$\checkmark$	_	✓	•	$\checkmark$	_	✓
Google Docs	§ 3.1.2	_	$\checkmark$	_	✓	_	•	_
Trello	§ 3.1.2	_	$\checkmark$	_	✓	_	•	•
Pinterest	§ 3.1.2	•	$\checkmark$	•	✓	•	•	•
Dropbox	§ 3.1.3	$\checkmark$	_	_	•	$\checkmark$	_	✓
Git + GitHub	§ 3.1.4	$\checkmark$	_	✓	_	$\checkmark$	_	✓
Technologies employed by app	plication dev	elopers						
Thin client (web apps)	§ 3.2.1	•	$\checkmark$	•	✓	•	•	•
Thick client (mobile apps)	§ 3.2.2	$\checkmark$	_	$\checkmark$	•	_	•	•
Backend-as-a-service	§ 3.2.3	_	$\checkmark$	$\checkmark$	_	•	•	•
CouchDB	§ 3.2.4	_	_	✓	•	_	_	_

FIGURE 1.3 – Évaluation d'applications et de technologies vis-à-vis des 7 propriétés visées par les applications Local-First Softwares <sup>2</sup>. ✓, — et ● indiquent respectivement que l'application ou la technologie satisfait pleinement, partiellement ou aucunement le critère évalué.

- (i) Le fonctionnement en mode hors-ligne et le fonctionnement avec une faible latence.
- (ii) Le partage de contenu entre appareils d'un-e même utilisateur-rice.
- (iii) Le partage de contenu entre utilisateur-rices pour la collaboration.

Toutefois, compte tenu des propriétés visées par les applications LFS, plusieurs contraintes restreignent le choix des méthodes de réplication possibles. Ainsi, pour permettre le fonctionnement en mode hors-ligne de l'application, c.-à-d. la consultation et la modification de contenu, les applications LFS doivent relaxer la propriété de cohérence des données.

**Définition 9** (Cohérence). La cohérence d'un système indique sa capacité à présenter une vue uniforme de son état à chacun de ses utilisateur-rices à un moment donné.

Les applications LFS doivent donc adopter des méthodes de réplication dites optimistes [13]. Ces méthodes autorisent chaque noeud possédant une copie de la donnée à la consulter et à la modifier sans coordination au préalable avec les autres noeuds <sup>3</sup>. L'état des copies des noeuds peut donc diverger temporairement. Un mécanisme de synchronisation permet ensuite aux noeuds de partager les modifications effectuées et de les intégrer de façon à converger à terme [14], c.-à-d. obtenir à terme de nouveau des états équivalents.

<sup>3.</sup> Par opposition aux méthodes de réplication dites pessimistes, qui nécessitent une coordination préalable entre les noeuds avant toute modification de la donnée.

Cependant, il convient de noter que les méthodes de réplication optimistes autorisent la génération en concurrence de modifications provoquant un conflit, e.g. la modification et la suppression d'une même page dans un wiki. Un mécanisme de résolution de conflits est alors nécessaire pour assurer la convergence à terme des noeuds.

De nouveau, le modèle du système des applications que nous visons, c.-à-d. des applications LFS à large échelle, limitent les choix possibles concernant les mécanismes de résolution de conflits. Notamment, ces applications ne disposent d'aucun contrôle sur le nombre de noeuds qui compose le système, c.-à-d. le nombre d'appareils utilisés par l'ensemble de leurs utilisateur-rices. Ce nombre de noeuds peut donc croître de manière non-bornée. Les mécanismes de résolution de conflits choisis devraient donc rester efficaces, de manière indépendante à l'évolution de ce paramètre.

De plus, les noeuds composant le système n'offrent aucune garantie sur leur stabilité. Des noeuds peuvent donc rejoindre et participer au système, mais uniquement de manière éphèmère. Ce phénonème est connu sous le nom de *churn* [15]. Ainsi, de part l'absence de garantie sur le nombre de noeuds connectés de manière stable, les applications LFS à large échelle ne peuvent pas utiliser des mécanismes de résolution de conflits reposant sur une coordination synchrone d'une proportion des noeuds du système, c.-à-d. sur des algorithmes de consensus [16, 17].

Ainsi, pour permettre la conception d'applications LFS à large échelle, il convient de disposer de mécanismes de résolution de conflits pour l'ensemble des types de données avec une complexité algorithmique efficace peu importe le nombre de noeuds et ne nécessitant pas de coordination synchrone entre une proportion des noeuds du système.

## 1.2 Questions de recherche et contributions

# 1.2.1 Ré-identification sans coordination synchrone pour les CRDTs pour le type Séquence

Les Conflict-free Replicated Data Types (CRDTs) [18, 19] sont des types de données répliqués. Ils sont conçus pour permettre à un ensemble de noeuds d'un système de répliquer une donnée et pour leur permettre de la consulter, de la modifier sans aucune coordination préalable et d'assurer à terme la convergence des copies. Dans ce but, les CRDTs incorporent des mécanismes de résolution de conflits automatiques directement au sein leur spécification.

Cependant, ces mécanimes induisent un surcoût, aussi bien en termes de métadonnées et de calculs que de bande-passante. Ces surcoûts sont néanmoins jugés acceptables par la communauté pour une variété de types de données, e.g. le Registre ou l'Ensemble. Cependant, le surcoût des CRDTs pour le type Séquence constitue toujours une problématique de recherche.

En effet, la particuliarité des CRDTs pour le type Séquence est que leur surcoût croît de manière monotone au cours de la durée de vie de la donnée, c.-à-d. au fur et à mesure des modifications effectuées. Le surcoût introduit par les CRDTs pour ce type de données se révèle donc handicapant dans le contexte de collaborations sur de longues durées ou à large échelle.

De manière plus précise, le surcoût des CRDTs pour le type Séquence provient de la croissance des métadonnées utilisées par leur mécanisme de résolution de conflits automatique. Ces métadonnées correspondent à des identifiants qui sont associés aux éléments de la Séquence. Ces identifiants permettent de résoudre les conflits, e.g. en précisant quel est l'élement à supprimer ou en spécifiant la position d'un nouvel élément à insérer par rapport aux autres.

Plusieurs approches ont été proposées pour réduire le coût induit par ces identifiants. Notamment, [20, 21] proposent un mécanisme de ré-assignation des identifiants pour réduire leur coût a posteriori. Ce mécanisme génère toutefois des conflits en cas de modifications concurrentes de la séquence, c.-à-d. l'insertion ou la suppression d'un élément. Les auteurs résolvent ce problème en proposant un mécanisme de transformation des modifications concurrentes par rapport à l'effet du mécanisme de ré-assignation des identifiants.

Cependant, l'exécution en concurrence du mécanisme de ré-assignation des identifiants par plusieurs noeuds provoque elle-même un conflit. Pour éviter ce dernier type de conflit, les auteurs choisissent de subordonner à un algorithme de consensus l'exécution du mécanisme de ré-assignation des identifiants. Ainsi, le mécanisme de ré-assignation des identifiants ne peut être déclenché en concurrence par plusieurs noeuds du systèmes.

Comme nous l'avons évoqué précédemment, reposer sur un algorithme de consensus qui requiert une coordination synchrone entre une proportion de noeuds du système est une contrainte incompatible avec les systèmes P2P à large échelle sujets au churn.

Notre problématique de recherche est donc la suivante : pouvons-nous proposer un mécanisme sans coordination synchrone de réduction du surcoût des CRDTs pour Séquence, c.-à-d. adapté aux applications LFS?

Pour répondre à cette problématiquee, nous proposons RenamableLogootSplit, un nouveau CRDT pour le type Séquence. Ce CRDT intègre un mécanisme de ré-assignation des identifiants, dit de renommage, directement au sein de sa spécification. Nous associons au mécanisme de renommage un mécanisme de résolution de conflits automatique additionnel pour gérer ses exécutions concurrentes. Ainsi, nous proposons un CRDT pour le type Séquence dont le surcoût est périodiquement réduit par le biais d'un mécanisme n'introduisant aucune contrainte de coordination synchrone entre les noeuds du système.

# 1.2.2 Éditeur de texte collaboratif P2P temps réel chiffré de bout en bout

Comme évoqué précédemment, la conception d'applications LFS à large échelle présente un ensemble de problématiques issues de domaines variés, e.g.

- (i) Comment permettre aux utilisateur-rices de collaborer en l'absence d'autorités centrales pour résoudre les conflits de modifications?
- (ii) Comment authentifier les utilisateur-rices en l'absence d'autorités centrales?
- (iii) Comment structurer le réseau de manière efficace, c.-à-d. en limitant le nombre de connexions par pair?

Cet ensemble de questions peut être résumé en la problématique suivante : pouvonsnous concevoir une application LFS à large échelle, sûre et sans autorités centrales?

Pour étudier cette problématique, l'équipe Coast développe l'application Multi User Text Editor (MUTE) <sup>4</sup> [22]. Il s'agit d'un Proof of Concept (PoC) d'éditeur de texte web collaboratif P2P temps réel chiffré de bout en bout.

Ce projet permet à l'équipe de présenter ses travaux de recherche portant sur les mécanismes de résolutions de conflits automatiques pour le type Séquence [23, 24, 25] et les mécanismes d'authentification des pairs dans les systèmes sans autorités centrales [26, 27].

De plus, en inscrivant ses travaux dans le cadre d'un système complet, ce projet permet à l'équipe d'identifier de nouvelles problématiques en relation avec les nombreux domaines de recherche nécessaires à la conception d'un tel système, c.-à-d. le domaine des protocoles d'appartenance aux groupes [28, 29], des topologies réseaux P2P [30] ou encore des protocoles d'établissement de clés de chiffrement de groupe [31].

Dans le cadre de notre thèse, nous avons contribué au développement de ce projet. Nous avons notamment implémenté plusieurs CRDTs pour le type Séquence [23, 25] et le protocole d'appartenance au réseau SWIM [28].

## 1.3 Plan du manuscrit

Ce manuscrit de thèse est organisé de la manière suivante :

Dans le chapitre 2, nous introduisons le modèle du système que nous considérons, c.-à-d. les systèmes P2P à large échelle sujets au churn et sans autorités centrales. Puis nous présentons dans ce chapitre l'état de l'art des mécanismes de résolution de conflits automatiques utilisés dans les systèmes adoptant le paradigme de la réplication optimiste. À partir de cet état de l'art, nous identifions et motivons notre problématique de recherche, c.-à-d. l'absence de mécanisme adapté aux systèmes P2P à large échelle sujets au churn permettant de réduire le surcoût induit par les mécanismes de résolution de conflits automatiques pour le type Séquence.

Dans le ??, nous présentons notre approche pour présenter un tel mécanisme, c.-à-d. un mécanisme de résolution de conflits automatiques pour le type Séquence auquel nous associons un mécanisme de GC de son surcoût ne nécessitant pas de coordination synchrone entre les noeuds du système. Nous détaillons le fonctionnement de notre approche, sa validation par le biais d'une évaluation empirique puis comparons notre approche par rapport aux approches existantes Finalement, nous concluons la présentation de notre approche en identifiant et en détaillant plusieurs de ses limites.

Dans le ??, nous présentons MUTE, l'éditeur de texte collaboratif temps réel P2P chiffré de bout en bout que notre équipe de recherche développe dans le cadre de ses travaux de recherche. Nous présentons les différentes couches logicielles formant un pair et les services tiers avec lesquels les pairs interagissent, et détaillons nos travaux dans

<sup>4.</sup> Disponible à l'adresse : https://mutehost.loria.fr

le cadre de ce projet, c.-à-d. l'intégration de notre mécanisme de résolution de conflits automatiques pour le type Séquence et le développement de la couche de livraison des messages associée. Pour chaque couche logicielle, nous identifions ses limites et présentons de potentielles pistes d'améliorations.

Finalement, nous récapitulons dans le chapitre 3 les contributions réalisées dans le cadre de cette thèse. Puis nous clotûrons ce manuscrit en introduisant plusieurs des pistes de recherches que nous souhaiterons explorer dans le cadre de nos travaux futurs.

## 1.4 Publications

Notre travail sur la problématique identifiée dans la sous-section 1.2.1, c.-à-d. la proposition d'un mécanisme ne nécessitant aucune coordination synchrone pour réduire le surcoût des CRDTs pour le type Séquence, a donné lieu à des publications à différents stades de son avancement :

- (i) Dans [32], nous motivons le problème identifié et présentons l'idée de notre approche pour y répondre.
- (ii) Dans [33], nous détaillons une première partie de notre approche et présentons notre protocole d'évaluation expérimentale ainsi que ses premiers résultats.
- (iii) Dans [25], nous détaillons notre proposition dans son entièreté. Nous accompagnons cette proposition d'une évaluation expérimentale poussée. Finalement, nous complétons notre travail d'une discussion identifiant plusieurs de ses limites et présentant des pistes de travail possibles pour y répondre.

Nous précisons ci-dessous les informations relatives à chacun de ces articles.

## Efficient renaming in CRDTs [32]

Auteur Matthieu Nicolas

**Article de position** à Middleware 2018 - 19th ACM/IFIP International Middleware Conference (Doctoral Symposium), Dec 2018, Rennes, France.

Abstract Sequence Conflict-free Replicated Data Types (CRDTs) allow to replicate and edit, without any kind of coordination, sequences in distributed systems. To ensure convergence, existing works from the literature add metadata to each element but they do not bound its footprint, which impedes their adoption. Several approaches were proposed to address this issue but they do not fit a fully distributed setting. In this paper, we present our ongoing work on the design and validation of a fully distributed renaming mechanism, setting a bound to the metadata's footprint. Addressing this issue opens new perspectives of adoption of these CRDTs in distributed applications.

## Efficient Renaming in Sequence CRDTs [33]

**Auteurs** Matthieu Nicolas, Gérald Oster, Olivier Perrin

**Article de workshop** à PaPoC 2020 - 7th Workshop on Principles and Practice of Consistency for Distributed Data, Apr 2020, Heraklion / Virtual, Greece.

**Abstract** To achieve high availability, large-scale distributed systems have to replicate data and to minimise coordination between nodes. Literature and industry increasingly adopt Conflict-free Replicated Data Types (CRDTs) to design such systems. CRDTs are data types which behave as traditional ones, e.g. the Set or the Sequence. However, unlike traditional data types, they are designed to natively support concurrent modifications. To this end, they embed in their specification a conflict-resolution mechanism.

To resolve conflicts in a deterministic manner, CRDTs usually attach identifiers to elements stored in the data structure. Identifiers have to comply with several constraints, such as uniqueness or belonging to a dense order. These constraints may hinder the identifiers' size from being bounded. As the system progresses, identifiers tend to grow. This inflation deepens the overhead of the CRDT over time, leading to performance issues.

To address this issue, we propose a new CRDT for Sequence which embeds a renaming mechanism. It enables nodes to reassign shorter identifiers to elements in an uncoordinated manner. Experimental results demonstrate that this mechanism decreases the overhead of the replicated data structure and eventually limits it.

## Efficient Renaming in Sequence CRDTs [25]

Auteurs Matthieu Nicolas, Gérald Oster, Olivier Perrin

**Article de journal** dans IEEE Transactions on Parallel and Distributed Systems, Institute of Electrical and Electronics Engineers, 2022, 33 (12), pp.3870-3885.

**Abstract** To achieve high availability, large-scale distributed systems have to replicate data and to minimise coordination between nodes. For these purposes, literature and industry increasingly adopt Conflict-free Replicated Data Types (CRDTs) to design such systems. CRDTs are new specifications of existing data types, e.g. Set or Sequence. While CRDTs have the same behaviour as previous specifications in sequential executions, they actually shine in distributed settings as they natively support concurrent updates. To this end, CRDTs embed in their specification conflict resolution mechanisms. These mechanisms usually rely on identifiers attached to elements of the data structure to resolve conflicts in a deterministic and coordination-free manner. Identifiers have to comply with several constraints, such as being unique or belonging to a dense total order. These constraints may hinder the identifier size from being bounded. Identifiers hence tend to grow as the system progresses, which increases the overhead of CRDTs over time and leads to performance issues. To address this issue, we propose a novel Sequence CRDT which embeds a renaming mechanism. It enables nodes to reassign shorter identifiers to elements in an uncoordinated manner. Experimental results demonstrate that this mechanism decreases the overhead of the replicated data structure and eventually minimises it.

# Chapitre 2

# État de l'art

2	O	$\mathbf{m}$	$\mathbf{m}$	$\mathbf{a}$	ir	e

2.1	Mod	lèle du système	12
2.2	Typ	es de données répliquées sans conflits	13
	2.2.1	Sémantiques en cas de conflits	17
	2.2.2	Modèles de synchronisation	21
2.3	Séqu	uences répliquées sans conflits	30
	2.3.1	Approche à pierres tombales	33
	2.3.2	Approche à identifiants densément ordonnés	41
	2.3.3	Synthèse	49
<b>2.4</b>	Logo	ootSplit	<b>52</b>
	2.4.1	Identifiants	52
	2.4.2	Aggrégation dynamique d'élements en blocs	53
	2.4.3	Modèle de données	55
	2.4.4	Modèle de livraison	57
	2.4.5	Limites	59
2.5	Miti	gation du surcoût des séquences répliquées sans conflits	<b>62</b>
	2.5.1	Mécanisme de GC des pierres tombales	62
	2.5.2	Ré-équilibrage de l'arbre des identifiants de position	62
	2.5.3	Réduction de la croissance des identifiants de position	63
	2.5.4	Synthèse	64
2.6	Synt	hèse	64
2.7	Prop	position	65

Dans ce chapitre, nous définissons le modèle du système que nous considérons (section 2.1). Puis nous présentons le fonctionnement de LogootSplit, le Conflict-free Replicated Data Type (CRDT) pour le type Séquence qui sert de base pour nos travaux (section 2.4). Ensuite, nous présentons les approches proposées pour réduire le surcoût des CRDTs pour le type Séquence et identifions leurs limites (sous-section 2.5.2 et sous-section 2.5.3). Finalement, nous introduisons l'approche que nous proposons (section 2.7) pour répondre à notre première problématique de recherche (cf. sous-section 1.2.1, page 6), que nous présentons en détails par la suite dans le ??.

Néanmoins, afin d'offrir une vision plus globale de notre domaine de recherche, nous complétons notre état de l'art de plusieurs points. Dans la section 2.2, nous rappelons la notion de CRDTs, c.-à-d. de types de données répliquées sans conflits. Ce rappel se compose d'une section présentant la notion de sémantique pour un mécanisme de résolution de conflits automatiques (sous-section 2.2.1) et d'une section présentant les différents modèles de synchronisation pour CRDTs définis dans la littérature, c.-à-d. la synchronisation par états, la synchronisation par opérations et la synchronisation par différences d'états (sous-section 2.2.2). À notre connaissance, nous présentons une des études les plus complètes comparant ces modèles de synchronisation en guise de synthèse de cette même section.

De manière similaire, nous rappelons les différents CRDTs pour le type Séquence définis dans la littérature dans la section 2.3. Ce rappel prend la forme d'un historique des CRDTs pour le type Séquence, catégorisés en fonction de l'approche sur laquelle se base leur mécanisme de résolution de conflits, c.-à-d. l'approche à pierres tombales ou l'approche à identifiants densément ordonnés. De nouveau, ce rappel aboutit à notre connaissance à l'une des études les plus précises comparant ces deux approches (sous-section 2.3.3).

## 2.1 Modèle du système

Le système que nous considérons est un système Pair-à-Pair (P2P) à large échelle. Il est composé d'un ensemble de noeuds dynamique. En d'autres termes, un noeud peut rejoindre ou quitter le système à tout moment.

À un instant donné, un noeud est soit connecté, soit déconnecté. Nous considérons possible qu'un noeud se déconnecte de manière définitive, sans indication au préalable. Ainsi, du point de vue des autres noeuds du système, il est impossible de déterminer le statut d'un noeud déconnecté. Ce dernier peut être déconnecté de manière temporaire ou définitive. Toutefois, nous assimilons les noeuds déconnectés de manière définitive à des noeuds ayant quittés le système, ceux-ci ne participant plus au système.

Dans ce système, nous considérons comme confondus les noeuds et clients. Un noeud correspond alors à un appareil d'un-e utilisateur-rice du système. Un-e même utilisateur-rice peut prendre part au système au travers de différents appareils, nous considérons alors chaque appareil comme un noeud distinct.

Le système consiste en une application permettant de répliquer une donnée. Chaque noeud du système possède en local une copie de la donnée. Les noeuds peuvent consulter et éditer leur copie locale à tout moment, sans se coordonner entre eux. Les modifications sont appliquées à la copie locale immédiatement et de manière atomique. Les modifications sont ensuite transmises aux autres noeuds de manière asynchrone par le biais de messages, afin qu'ils puissent à leur tour intégrer les modifications à leur copie. L'application garantit la convergence à terme des copies.

**Définition 10** (Convergence à terme). La convergence à terme est une propriété de sûreté indiquant que l'ensemble des noeuds du système ayant intégrés le même ensemble

de modifications obtiendront des états équivalents <sup>5</sup>.

Les noeuds communiquent entre eux par l'intermédiaire d'un réseau non-fiable. Les messages envoyés peuvent être perdus, ré-ordonnés et/ou dupliqués. Le réseau est aussi sujet à des partitions, qui séparent les noeuds en des sous-groupes disjoints. Aussi, nous considérons que les noeuds peuvent initier de leur propre chef des partitions réseau : des groupes de noeuds peuvent décider de travailler de manière isolée pendant une certaine durée, avant de se reconnecter au réseau.

Pour compenser les limitations du réseau, les noeuds reposent sur une couche de livraison de messages. Cette couche permet de garantir un modèle de livraison donné des messages à l'application. En fonction des garanties du modèle de livraison sélectionné, cette couche peut ré-ordonner les messages reçus avant de les livrer à l'application, dédupliquer les messages, et détecter et ré-échanger les messages perdus. Nous considérons a minima que la couche de livraison garantit la livraison à terme des messages.

**Définition 11** (Livraison à terme). La livraison à terme est un modèle de livraison garantissant que l'ensemble des messages du système seront livrés à l'ensemble des noeuds du système à terme.

Finalement, nous supposons que les noeuds du système sont honnêtes. Les noeuds ne peuvent dévier du protocole de la couche de livraison des messages ou de l'application. Les noeuds peuvent cependant rencontrer des défaillances. Nous considérons que les noeuds disposent d'une mémoire durable et fiable. Ainsi, nous considérons que les noeuds peuvent restaurer le dernier état valide, c.-à-d. pas en cours de modification, qu'il possédait juste avant la défaillance.

## 2.2 Types de données répliquées sans conflits

Afin d'offrir une haute disponibilité à leurs clients et afin d'accroître leur tolérance aux pannes [34], les systèmes distribués peuvent adopter le paradigme de la réplication optimiste [13]. Ce paradigme consiste à ce que chaque noeud composant le système possède une copie de la donnée répliquée. Chaque noeud possède le droit de la consulter et de la modifier, sans coordination préalable avec les autres noeuds. Les noeuds peuvent alors temporairement diverger, c.-à-d. posséder des états différents. Un mécanisme de synchronisation leur permet ensuite de partager leurs modifications respectives et d'obtenir de nouveau des états équivalent, c.-à-d. de converger à terme [14].

Pour permettre aux noeuds de converger, les protocoles de réplication optimiste ordonnent généralement les évènements se produisant dans le système distribué. Pour les ordonner, la littérature repose généralement sur la relation de causalité entre les évènements, qui est définie par la relation happens-before [35]. Nous l'adaptons ci-dessous à notre contexte, en ne considérant que les modifications  $^6$  effectuées et celles intégrées :

<sup>5.</sup> Nous considérons comme équivalents deux états pour lesquels chaque observateur du type de données renvoie un même résultat, c.-à-d. les deux états sont indifférenciables du point de vue des utilisateurrices du système.

<sup>6.</sup> Nous utilisons le terme *modifications* pour désigner les *opérations de modifications* des types abstraits de données afin d'éviter une confusion avec le terme *opération* introduit ultérieurement.

**Définition 12** (Relation happens-before). La relation happens-before indique qu'une modification  $m_1$  a eu lieu avant une modification  $m_2$ , notée  $m_1 \to m_2$ , si et seulement si une des conditions suivantes est satisfaite :

- (i)  $m_1$  a été effectuée avant  $m_2$  sur le même noeud.
- (ii)  $m_1$  a été intégrée par le noeud auteur de  $m_2$  avant qu'il n'effectue  $m_2$ .
- (iii) Il existe une modification m telle que  $m_1 \to m \land m \to m_2$ .

Dans le cadre d'un système distribué, nous notons que la relation happens-before ne permet pas d'établir un ordre total entre les modifications. En effet, deux modifications  $m_1$  et  $m_2$  peuvent être effectuées en parallèle par deux noeuds différents, sans avoir connaissance de la modification de leur pair respectif. De telles modifications sont alors dites concurrentes:

**Définition 13** (Concurrence). Deux modifications  $m_1$  et  $m_2$  sont concurrentes, noté  $m_1 \parallel m_2$ , si et seulement si  $m_1 \nrightarrow m_2 \land m_1 \nrightarrow m_2$ .

Lorsque les modifications possibles sur un type de données sont commutatives, l'intégration des modifications effectuées par les autres noeuds, même concurrentes, ne nécessite aucun mécanisme particulier. Cependant, les modifications permises par un type de données ne sont généralement pas commutatives car de sémantiques contraires, e.g. l'ajout et la suppression d'un élément dans une Collection. Ainsi, une exécution distribuée peut mener à la génération de modifications concurrentes non commutatives. Nous parlons alors de conflits.

Avant d'illustrer notre propos avec un exemple, nous introduisons la spécification algébrique du type Ensemble dans la Figure 2.1 sur laquelle nous nous basons.

FIGURE 2.1 – Spécification algébrique du type abstrait usuel Ensemble

Un Ensemble est une collection dynamique non-ordonnée d'éléments de type E. Cette spécification définit que ce type dispose d'un constructeur, emp, permettant de générer un ensemble vide.

La spécification définit deux modifications sur l'ensemble :

(i) add(s,e), qui permet d'ajouter un élément donné e à un ensemble s. Cette modification renvoie un nouvel ensemble construit de la manière suivante :

$$add(s,e) = s \cup \{e\}$$

(ii) rmv(s,e), qui permet de retirer un élément donné e d'un ensemble s. Cette modification renvoie un nouvel ensemble construit de la manière suivante :

$$rmv(s,e) = s \setminus \{e\}$$

Elle définit aussi deux observateurs :

- (i) len(s), qui permet de récupérer le nombre d'éléments présents dans un ensemble s.
- (ii) rd(s), qui permet de consulter l'état d'ensemble s. Dans le cadre de nos exemples, nous considérons qu'une consultation de l'état est effectuée de manière implicite à l'aide de rd après chaque modification.

Dans le cadre de ce manuscrit, nous travaillons sur des ensembles de caractères. Cette restriction du domaine se fait sans perte en généralité. En se basant sur cette spécification, nous présentons dans la Figure 2.2 un scénario où des noeuds effectuent en concurrence des modifications provoquant un conflit.

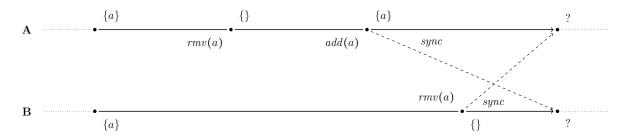


FIGURE 2.2 – Modifications concurrentes d'un Ensemble répliqué provoquant un conflit suite à l'ajout et la suppression d'un même élément

Dans cet exemple, deux noeuds A et B répliquent et partagent une même structure de données de type Ensemble. Les deux noeuds possèdent le même état initial :  $\{a\}$ . Le noeud A retire l'élément a de l'ensemble, en procédant à la modification rmv(a). Puis, le noeud A ré-ajoute l'élément a dans l'ensemble via la modification add(a). En concurrence, le noeud B retire lui aussi l'élément a de l'ensemble. Les deux noeuds se synchronisent ensuite.

À l'issue de ce scénario, l'état à produire n'est pas trivial : le noeud A a exprimé son intention d'ajouter l'élément a à l'ensemble, tandis que le noeud B a exprimé son intention contraire de retirer l'élément a de ce même ensemble. Ainsi, les états  $\{a\}$  et  $\{\}$  semblent tous les deux corrects et légitimes dans cette situation. Il est néanmoins primordial que les noeuds choisissent et convergent vers un même état pour leur permettre de poursuivre leur collaboration. Pour ce faire, il est nécessaire de mettre en place un mécanisme de résolution de conflits, potentiellement automatique.

Les Conflict-free Replicated Data Types (CRDTs) [19, 36, 37] répondent à ce besoin.

**Définition 14** (Conflict-free Replicated Data Type). Les CRDTs sont de nouvelles spécifications des types de données existants, e.g. l'Ensemble ou la Séquence. Ces nouvelles spécifications sont conçues pour être utilisées dans des systèmes distribués adoptant la réplication optimiste. Ainsi, elles offrent les deux propriétés suivantes :

- (i) Les CRDTs peuvent être modifiés sans coordination avec les autres noeuds.
- (ii) Les CRDTs garantissent la convergence forte [19].

**Définition 15** (Convergence forte). La convergence forte est une propriété de sûreté indiquant que l'ensemble des noeuds d'un système ayant intégrés le même ensemble de modifications obtiendront des états équivalents, sans échange de message supplémentaire.

Pour offrir la propriété de *convergence forte*, la spécification des CRDTs reposent sur la théorie des treillis [38] :

**Définition 16** (Spécification des CRDTs). Les CRDTs sont spécifiés de la manière suivante :

- (i) Les différents états possibles d'un CRDT forment un sup-demi-treillis, possédant une relation d'ordre partiel ≤.
- (ii) Les modifications génèrent par inflation un nouvel état supérieur ou égal à l'état original d'après ≤.
- (iii) Il existe une fonction de fusion qui, pour toute paire d'états, génère l'état minimal supérieur d'après ≤ aux deux états fusionnés. Nous parlons alors de borne supérieure ou de Least Upper Bound (LUB) pour catégoriser l'état résultant de cette fusion.

Malgré leur spécification différente, les CRDTs partagent la même sémantique, c.-à-d. le même comportement, et la même interface que les types séquentiels <sup>7</sup> correspondants du point de vue des utilisateur-rices. Ainsi, les CRDTs partagent le comportement des types séquentiels dans le cadre d'exécutions séquentielles. Cependant, ils définissent aussi une sémantique additionnelle pour chaque type de conflit ne pouvant se produire que dans le cadre d'une exécution distribuée.

Plusieurs sémantiques valides peuvent être proposées pour résoudre un type de conflit. Un CRDT se doit donc de préciser quelle sémantique il choisit.

L'autre aspect définissant un CRDT donné est le modèle qu'il adopte pour propager les modifications. Au fil des années, la littérature a établi et défini plusieurs modèles dit de synchronisation, chacun ayant ses propres besoins et avantages. De fait, plusieurs CRDTs peuvent être proposés pour un même type donné en fonction du modèle de synchronisation choisi.

Ainsi, ce qui définit un CRDT est sa ou ses sémantiques en cas de conflits et son modèle de synchronisation. Dans les prochaines sections, nous présentons les différentes sémantiques possibles pour un type donné, l'Ensemble, en guise d'exemple. Nous présentons ensuite les différents modèles de synchronisation proposés dans la littérature, et détaillons leurs contraintes et impact sur les CRDT les adoptant, toujours en utilisant le même exemple.

<sup>7.</sup> Nous dénotons comme *types séquentiels* les spécifications usuelles des types de données supposant une exécution séquentielle de leurs modifications.

## 2.2.1 Sémantiques en cas de conflits

Plusieurs sémantiques peuvent être proposées pour résoudre les conflits. Certaines de ces sémantiques ont comme avantage d'être générique, c.-à-d. applicable à l'ensemble des types de données. En contrepartie, elles souffrent de cette même généricité, en ne permettant que des comportements simples en cas de conflits.

À l'inverse, la majorité des sémantiques proposées dans la littérature sont spécifiques à un type de données. Elles visent ainsi à prendre plus finement en compte l'intention des modifications pour proposer des comportements plus précis.

Dans la suite de cette section, nous présentons ces sémantiques génériques ainsi que celles spécifiques à l'Ensemble et, à titre d'exemple, les illustrons à l'aide du scénario présenté dans la Figure 2.2.

#### Sémantique Last-Writer-Wins

Une manière simple pour résoudre un conflit consiste à trancher de manière arbitraire et de sélectionner une modification parmi l'ensemble des modifications en conflit. Pour faire cela de manière déterministe, une approche est de reproduire et d'utiliser l'ordre total sur les modifications qui serait instauré par une horloge globale pour choisir la modification à prioritiser.

Cette approche, présentée dans [39], correspond à la sémantique nommée *Last-Writer-Wins* (LWW). De par son fonctionnement, cette sémantique est générique et est donc utilisée par une variété de CRDTs pour des types différents. La Figure 2.3 illustre son application à l'Ensemble pour résoudre le conflit de la Figure 2.2.

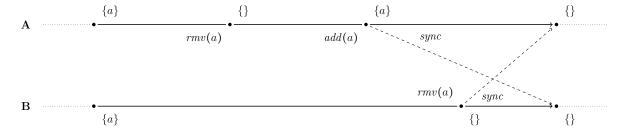


FIGURE 2.3 – Résolution du conflit en utilisant la sémantique LWW

Comme indiqué précédemment, le scénario illustré dans la Figure 2.3 présente un conflit entre les modifications concurrentes add(a) et rmv(a) générées de manière concurrente respectivement par les noeuds A et B. Pour le résoudre, la sémantique LWW associe à chaque modification une estampille. L'ordre créé entre les modifications par ces dernières permet de déterminer quelle modification désigner comme prioritaire. Ici, nous considérons que add(a) a eu lieu plus tôt que rmv(a). La sémantique LWW désigne donc rmv(a) comme prioritaire et ignore add(a). L'état obtenu à l'issue de cet exemple par chaque noeud est donc  $\{\}$ .

Il est à noter que si la modification rmv(a) du noeud B avait eu lieu plus tôt dans notre exemple, l'état final obtenu aurait été  $\{a\}$ . Ainsi, des exécutions reproduisant le même ensemble de modifications produiront des résultats différents en fonction de l'ordre créé

par les estampilles associées à chaque modification. Ces estampilles étant des métadonnées du mécanisme de résolution de conflits, elles sont dissimulées aux utilisateur-rices. Le comportement de cette sémantique peut donc être perçu comme aléatoire et s'avérer perturbant pour les utilisateur-rices.

La sémantique LWW repose sur l'horloge de chaque noeud pour attribuer une estampille à chacune de leurs modifications. Les horloges physiques étant sujettes à des imprécisions et notamment des décalages, utiliser les estampilles qu'elles fournissent peut provoquer des anomalies vis-à-vis de la relation *happens-before*. Les systèmes distribués préfèrent donc généralement utiliser des horloges logiques [35].

### Sémantique Multi-Value

Une seconde sémantique générique <sup>8</sup> est la sémantique *Multi-Value* (MV). Cette approche propose de gérer les conflits de la manière suivante : plutôt que de prioritiser une modification par rapport aux autres modifications concurrentes, la sémantique MV maintient l'ensemble des états résultant possibles. Nous présentons son application à l'Ensemble dans la Figure 2.4.

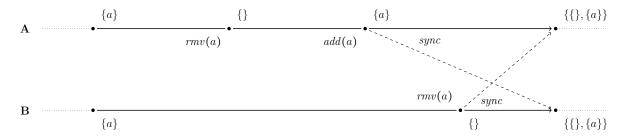


FIGURE 2.4 – Résolution du conflit en utilisant la sémantique MV

La Figure 2.4 présente la gestion du conflit entre les modifications concurrentes add(a) et rmv(a) par la sémantique MV. Devant ces modifications contraires, chaque noeud calcule chaque état possible, c.-à-d. un état sans l'élément a,  $\{\}$ , et un état avec ce dernier,  $\{a\}$ . Le CRDT maintient alors l'ensemble de ces états en parallèle. L'état obtenu est donc  $\{\{\},\{a\}\}$ .

Ainsi, la sémantique MV expose les conflits aux utilisateur-rices lors de leur prochaine consultation de l'état du CRDT. Les utilisateur-rices peuvent alors prendre connaissance des intentions de chacun-e et résoudre le conflit manuellement. Dans la Figure 2.4, résoudre le conflit revient à re-effectuer une modification add(a) ou rmv(a) selon l'état choisi. Ainsi, si plusieurs personnes résolvent en concurrence le conflit de manière contraire, la sémantique MV exposera de nouveau les différents états proposés sous la forme d'un conflit.

Il est intéressant de noter que cette sémantique mène à un changement du domaine du CRDT considéré : en cas de conflit, la valeur retournée par le CRDT correspond à un Ensemble de valeurs du type initialement considéré. E.g. si nous considérons que le type correspondant au CRDT dans la Figure 2.4 est le type Set(V), nous observons que

<sup>8.</sup> Bien qu'uniquement associée au type Registre dans le domaine des CRDTs généralement.

la valeur finale obtenue a pour type  $Set\langle Set\langle V\rangle\rangle$ . Il s'agit à notre connaissance de la seule sémantique opérant ce changement.

### Sémantiques Add-Wins et Remove-Wins

Comme évoqué précédemment, d'autres sémantiques sont spécifiques au type de données concerné. Ainsi, nous abordons à présent des sémantiques spécifiques au type de l'Ensemble.

Dans le cadre de l'Ensemble, un conflit est provoqué lorsque des modifications add et rmv d'un même élément sont effectuées en concurrence. Ainsi, deux approches peuvent être proposées pour résoudre le conflit :

- (i) Une sémantique où la modification add d'une élément prend la précédence sur les modifications concurrentes rmv du même élément, nommée Add-Wins (AW). L'élément est alors présent dans l'état obtenu à l'issue de la résolution du conflit.
- (ii) Une sémantique où la modification rmv d'une élément prend la précédence sur les opérations concurrentes add du même élément, nommée Remove-Wins (RW). L'élément est alors absent de l'état obtenu à l'issue de la résolution du conflit.

La Figure 2.5 illustre l'application de chacune de ces sémantiques sur notre exemple.

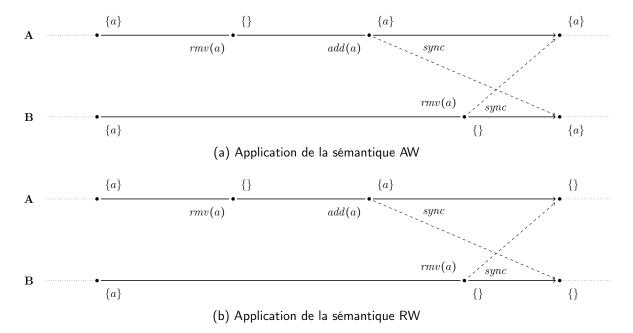


FIGURE 2.5 – Résolution du conflit en utilisant soit la sémantique AW, soit la sémantique RW

#### Sémantique Causal-Length

Une nouvelle sémantique pour l'Ensemble fut proposée [40] récemment. Cette sémantique se base sur les observations suivantes :

- (i) add et rmv d'un élément prennent place à tour de rôle, chaque modification invalidant la précédente.
- (ii) add (resp. rmv) concurrents d'un même élément représentent la même intention. Prendre en compte une de ces modifications concurrentes revient à prendre en compte leur ensemble.

À partir de ces observations, Yu et al. [40] proposent de déterminer pour chaque élément la chaîne d'ajouts et retraits la plus longue. C'est cette chaîne, et précisément son dernier maillon, qui indique si l'élement est présent ou non dans l'ensemble final. La Figure 2.6 illustre son fonctionnement.

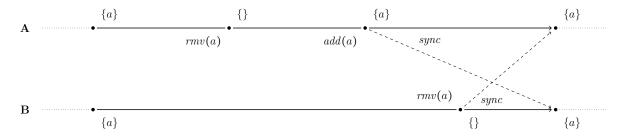


FIGURE 2.6 – Résolution du conflit en utilisant la sémantique CL

Dans notre exemple, la modification rmv(a) effectuée par B est en concurrence avec une modification identique effectuée par A. La sémantique CL définit que ces deux modifications partagent la même intention. Ainsi, A ayant déjà appliqué sa propre modification préalablement, il ne prend pas en compte de nouveau cette modification lorsqu'il la reçoit de B. Son état reste donc inchangé.

À l'inverse, la modification add(a) effectuée par A fait suite à sa modification rmv(a). La sémantique CL définit alors qu'elle fait suite à toute autre modification rmv(a) concurrente. Ainsi, B intègre cette modification lorsqu'il la reçoit de A. Son état évolue donc pour devenir  $\{a\}$ .

#### Synthèse

Dans cette section, nous avons mis en lumière l'existence de solutions différentes pour résoudre un même conflit. Chacune de ces solutions correspond à une sémantique spécifique de résolution de conflits. Ainsi, pour un même type de données, différents CRDTs peuvent être spécifiés. Chacun de ces CRDTs est spécifié par la combinaison de sémantiques qu'il adopte, chaque sémantique servant à résoudre un des types de conflits du type de données.

Il est à noter qu'aucune sémantique n'est intrinsèquement meilleure et préférable aux autres. Il revient aux concepteur-rices d'applications de choisir les CRDTs adaptés en fonction des besoins et des comportements attendus en cas de conflits.

Par exemple, pour une application collaborative de listes de courses, l'utilisation d'un MV-Registre pour représenter le contenu de la liste se justifie : cette sémantique permet d'exposer les modifications concurrentes aux utilisateur-rices. Ainsi, les personnes peuvent détecter et résoudre les conflits provoquées par ces éditions concurrentes, e.g. l'ajout

de l'élément *lait* à la liste, pour cuisiner des crêpes, tandis que les *oeufs* nécessaires à ces mêmes crêpes sont retirés. En parallèle, cette même application peut utiliser un LWW-Registre pour représenter et indiquer aux utilisateur-rices la date de la dernière modification effectuée.

## 2.2.2 Modèles de synchronisation

Dans le modèle de réplication optimiste, les noeuds divergent momentanément lorsqu'ils effectuent des modifications locales. Pour ensuite converger vers des états équivalents, les noeuds doivent propager et intégrer l'ensemble des modifications. La Figure 2.7 illustre ce point.

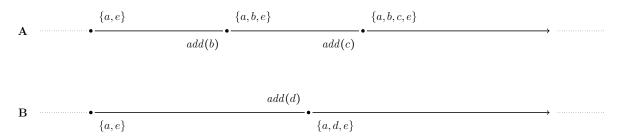


FIGURE 2.7 – Modifications en concurrence d'un Ensemble répliqué par les noeuds A et B

Dans cet exemple, deux noeuds A et B partagent et éditent un même Ensemble à l'aide d'un CRDT. Les deux noeuds possèdent le même état initial :  $\{a, e\}$ .

Le noeud A effectue les modifications add(b) puis add(c). Il obtient ainsi l'état  $\{a, b, c, e\}$ . De son côté, le noeud B effectue la modification suivante : add(d). Son état devient donc  $\{a, d, e\}$ . Ainsi, les noeuds doivent encore s'échanger leur modifications pour converger vers l'état souhaité  $^9$ , c.-à-d.  $\{a, b, c, d, e\}$ .

Dans le cadre des CRDTs, le choix de la méthode pour synchroniser les noeuds n'est pas anodin. En effet, ce choix impacte la spécification même du CRDT et ses prérequis.

Initialement, deux approches ont été proposées : une méthode de synchronisation par états [19, 41] et une méthode de synchronisation par opérations [19, 41, 42, 43]. Une troisième approche, nommée synchronisation par différence d'états [44, 45], fut spécifiée par la suite. Le but de cette dernière est d'allier le meilleur des deux approches précédentes.

Dans la suite de cette section, nous présentons ces approches ainsi que leurs caractéristiques respectives. Pour les illustrer, nous complétons l'exemple décrit ici. Cependant, nous nous focalisons uniquement sur les messages envoyés par les noeuds et n'évoquons seulement les métadonnées introduites par chaque modèle de synchronisation, par soucis de clarté et de simplicité.

<sup>9.</sup> Le scénario ne comportant uniquement des modifications add, aucun conflit n'est produit malgré la concurrence des modifications.

#### Synchronisation par états

L'approche de la synchronisation par états propose que les noeuds diffusent leurs modifications en transmettant leur état. Les CRDTs adoptant cette approche doivent définir une fonction merge. Cette fonction correspond à la fonction de fusion mentionnée précédemment (cf. Définition 16, page 16) : elle prend en paramètres une paire d'états et génère en retour leur LUB, c.-à-d. l'état correspondant à la borne supérieure des deux états en paramètres. Cette fonction doit être associative, commutative et idempotente.

Ainsi, lorsqu'un noeud reçoit l'état d'un autre noeud, il fusionne ce dernier avec son état courant à l'aide de la fonction merge. Il obtient alors un nouvel état intégrant l'ensemble des modifications ayant été effectuées sur les deux états.

La nature croissante des états des CRDTs couplée aux propriétés d'associativité, de commutativité et d'idempotence de la fonction merge permettent de reposer sur la couche de livraison sans lui imposer de contraintes fortes : les messages peuvent être perdus, réordonnés ou même dupliqués. Les noeuds convergeront tant que la couche de livraison garantit que les noeuds seront capables de transmettre leur état aux autres à terme. Il s'agit là de la principale force des CRDTs synchronisés par états.

Néanmoins, la définition de la fonction merge offrant ces propriétés peut s'avérer complexe et a des répercussions sur la spécification même du CRDT. Notamment, les états doivent conserver une trace de l'existence des éléments et de leur suppression afin d'éviter qu'une fusion d'états ne les fassent ressurgirent. Ainsi, les CRDTs synchronisés par états utilisent régulièrement des pierres tombales.

**Définition 17** (Pierre tombale). Une pierre tombale est un marqueur de la présence passée d'un élément.

Dans le contexte des CRDTs, un identifiant est généralement associé à chaque élément. Dans ce contexte, l'utilisation de pierres tombales correspond au comportement suivant : la suppression d'un élément peut supprimer de manière effective ce dernier, mais doit cependant conserver son identifiant dans la structure de données.

En plus de l'utilisation de pierres tombales, la taille de l'état peut croître de manière non-bornée dans le cas de certains types de donnés, e.g. l'Ensemble ou la Séquence. Ainsi, ces structures peuvent atteindre à terme des tailles conséquentes. Dans de tels cas, diffuser l'état complet à chaque modification induirait alors un coût rédhibitoire. L'approche de la synchronisation par états s'avère donc inadaptée aux systèmes nécessitant une diffusion et intégration instantanée des modifications, c.-à-d. les systèmes temps réel. Ainsi, les systèmes utilisant des CRDTs synchronisés par états reposent généralement sur une synchronisation périodique des noeuds, c.-à-d. chaque noeud diffuse périodiquement son état.

Nous illustrons le fonctionnement de cette approche avec la Figure 2.8. Dans cet exemple, après que les noeuds aient effectués leurs modifications respectives, le mécanisme de synchronisation périodique de chaque noeud se déclenche. Le noeud A (resp. B) diffuse alors son état  $\{a, b, c, e\}$  (resp.  $\{a, d, e\}$ ) à B (resp. A).

À la réception de l'état, chaque noeud utilise la fonction merge pour intégrer les modifications de l'état reçu dans son propre état. Dans le cadre de l'Ensemble répliqué, cette fonction consiste généralement à faire l'union des états, en prenant en compte l'estampille

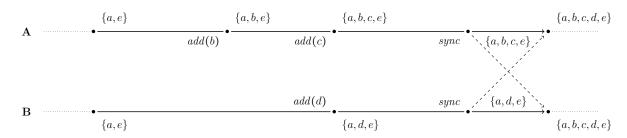


FIGURE 2.8 – Synchronisation des noeuds A et B en adoptant le modèle de synchronisation par états

et le statut (présent ou non) associé à chaque élément. Ainsi la fusion de leur état respectif,  $\{a, b, c, e\} \cup \{a, d, e\}$ , permet aux noeuds de converger à l'état souhaité :  $\{a, b, c, d, e\}$ .

Avant de conclure, il est intéressant de noter que les CRDTs adoptant ce modèle de synchronisation respectent de manière intrinsèque le modèle de cohérence causale [46].

**Définition 18** (Modèle de cohérence causale). Le modèle de cohérence causale définit que, pour toute paire de modifications  $m_1$  et  $m_2$  d'une exécution, si  $m_1 \rightarrow m_2$ , alors l'ensemble des noeuds doit intégrer la modification  $m_1$  avant d'intégrer la modification  $m_2$ .

En effet, ce modèle de synchronisation assure l'intégration soit de toutes les modifications connues d'un noeud, soit d'aucune. Par exemple, dans la Figure 2.8, le noeud B ne peut pas recevoir et intégrer l'élément c sans l'élement b. Ainsi, ce modèle permet naturellement d'éviter ce qui pourrait être interprétées comme des anomalies par les utilisateur-rices.

#### Synchronisation par opérations

L'approche de la synchronisation par opérations propose quant à elle que les noeuds diffusent leurs modifications sous la forme d'opérations. Pour chaque modification possible, les CRDTs synchronisés par opérations doivent définir deux fonctions : prepare et effect [43].

La fonction prepare a pour but de générer une opération correspondant à la modification effectuée, et commutative avec les potentielles opérations concurrentes. Elle prend en paramètres la modification ainsi que ses paramètres, et l'état courant du noeud. Cette fonction n'a pas d'effet de bord, c.-à-d. ne modifie pas l'état courant, et génère en retour l'opération à diffuser à l'ensemble des noeuds.

Une opération est un message. Son rôle est d'encoder la modification sous la forme d'un ou plusieurs éléments irréductibles du sup-demi-treillis.

**Définition 19** (Élément irréductible). Un élément irréductible d'un sup-demi-treillis est un élément atomique de ce dernier. Il ne peut être obtenu par la fusion d'autres états.

Il est à noter que dans le cas des CRDTs purs synchronisés par opérations [43], les modifications estampillées avec leur information de causalité correspondent à des éléments

irréductibles, c.-à-d. à des opérations. La fonction **prepare** peut donc être omise pour cette sous-catégorie de CRDTs synchronisés par opérations.

La fonction effect permet quant à elle d'intégrer les effets d'une opération générée ou reçue. Elle prend en paramètre l'état courant et l'opération, et retourne un nouvel état. Ce nouvel état correspond à la LUB entre l'état courant et le ou les éléments irréductibles encodés par l'opération.

La diffusion des modifications par le biais d'opérations présentent plusieurs avantages. Tout d'abord, la taille des opérations est généralement fixe et inférieure à la taille de l'état complet du CRDT, puisque les opérations servent à encoder un de ses éléments irréductibles. Ensuite, l'expressivité des opérations permet de proposer plus simplement des algorithmes efficaces pour leur intégration par rapport aux modifications équivalentes dans les CRDTs synchronisés par états. Par exemple, la suppression d'un élément dans un Ensemble se traduit en une opération de manière presque littérale, tandis que pour les CRDTs synchronisés par états, c'est l'absence de l'élément dans l'état qui va rendre compte de la suppression effectuée. Ces avantages rendent possible la diffusion et l'intégration une à une des modifications et rendent ainsi plus adaptés les CRDTs synchronisés par opérations pour construire des systèmes temps réels.

Il est à noter que la seule contrainte imposée aux CRDTs synchronisés par opérations est que leurs opérations concurrentes soient commutatives [19]. Ainsi, il n'existe aucune contrainte sur la commutativité des opérations liées causalement. De la même manière, aucune contrainte n'est définie sur l'idempotence des opérations. Ces libertés impliquent qu'il peut être nécessaire que les opérations soient livrées au CRDT en respectant un ordre donné et en garantissant leur livraison en exactement une fois pour garantir la convergence. Ainsi, un intergiciel chargé de la diffusion et de la livraison des opérations est usuellement associé aux CRDTs synchronisés par opérations pour respecter ces contraintes. Il s'agit de la couche de livraison de messages que nous avons introduit dans le cadre de notre modèle du système (cf. section 2.1, page 12).

Généralement, les CRDTs synchronisés par opérations sont présentés dans la littérature comme nécessitant une livraison causale des opérations.

**Définition 20** (Modèle de livraison causale). Le modèle de livraison causale définit que, pour toute paire de messages  $m_1$  et  $m_2$  d'une exécution, si  $m_1 \to m_2$ , alors la couche de livraison de l'ensemble des noeuds doit livrer le message  $m_1$  à l'application avant de livrer le message  $m_2$ .

Ce modèle de livraison permet de respecter le modèle de cohérence causale et ainsi de simplifier le raisonnement sur les exécutions.

Ce modèle de livraison introduit néanmoins plusieurs effets négatifs. Tout d'abord, ce modèle peut provoquer un délai dans l'intégration des modifications. En effet, la perte d'une opération par le réseau provoque la mise en attente de la livraison des opérations suivantes. Les opérations mises en attente ne pourront en effet être livrées qu'une fois l'opération perdue re-diffusée et livrée.

De plus, il nécessite que des informations de causalité précises soient attachées à chaque opération. Pour cela, les systèmes reposent généralement sur l'utilisation de vecteurs de version [47, 48]. Or, la taille de cette structure de données croît de manière linéaire avec le nombre de noeuds du système. Les métadonnées de causalité peuvent ainsi représenter la

majorité des données diffusées sur le réseau <sup>10</sup>. Cependant, nous observons que la livraison dans l'ordre causal de toutes les opérations n'est pas toujours nécessaire. Par exemple, l'ordre d'intégration de deux opérations d'ajout d'éléments différents dans un Ensemble n'a pas d'importance. Nous pouvons alors nous affranchir du modèle de livraison causale pour accélérer la vitesse d'intégration des modifications et pour réduire les métadonnées envoyées.

Pour compenser la perte d'opérations par le réseau et ainsi garantir la livraison à terme des opérations, la couche de livraison des opérations doit mettre en place un mécanisme d'anti-entropie, c.-à-d. un mécanisme permettant de détecter et ré-échanger les messages perdus. Plusieurs mécanismes de ce type ont été proposés dans la littérature [50, 51, 52, 53] et proposent des compromis variés entre complexité en temps, complexité spatiale et consommation réseau.

Nous illustrons le modèle de synchronisation par opérations à l'aide de la Figure 2.9. Dans ce nouvel exemple, les noeuds diffusent les modifications qu'ils effectuent sous la forme d'opérations. Nous considèrons que le CRDT utilisé est un CRDT pur synchronisé par opérations, c.-à-d. que les modifications et opérations sont confondues, et qu'il autorise une livraison dans le désordre des opérations add.

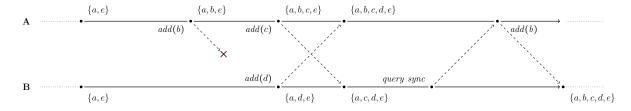


FIGURE 2.9 – Synchronisation des noeuds A et B en adoptant le modèle de synchronisation par opérations

Le noeud A diffuse donc les opérations add(b) et add(c). Il reçoit ensuite l'opération add(d) de B, qu'il intègre à sa copie. Il obtient alors l'état  $\{a, b, c, d, e\}$ .

De son côté, le noeud B ne reçoit initialement pas l'opération add(b) suite à une défaillance réseau. Il génère et diffuse add(d) puis reçoit l'opération add(c). Comme indiqué précédemment, nous considérons que la livraison causale des opérations add n'est pas obligatoire dans cet exemple, cette opération est alors intégrée sans attendre. Le noeud B obtient alors l'état  $\{a, c, d, e\}$ .

Ensuite, le mécanisme d'anti-entropie du noeud B se déclenche. Le noeud B envoie alors à A une demande de synchronisation contenant un résumé de son état, e.g. son vecteur de version. À partir de cette donnée, le noeud A détermine que B n'a pas reçu l'opération add(a). Il génère alors une réponse contenant cette opération et lui envoie. À la réception de l'opération, le noeud B l'intègre. Il obtient l'état  $\{a,b,c,d,e\}$  et converge ainsi avec A.

<sup>10.</sup> La relation de causalité étant transitive, les opérations et leurs relations de causalité forment un DAG. [49] propose d'ajouter en dépendances causales d'une opération seulement les opérations correspondant aux extremités du DAG au moment de sa génération. Ce mécanisme plus complexe permet de réduire la consommation réseau, mais induit un surcoût en calculs et en mémoire utilisée.

Avant de conclure, nous noterons qu'il est nécessaire pour les noeuds de maintenir leur journal des opérations. En effet, les noeuds l'utilisent pour renvoyer les opérations manquées lors de l'exécution du mécanisme d'anti-entropie évoqué ci-dessus. Ceci se traduit par une augmentation perpétuelle des métadonnées des CRDTs synchronisés par opérations. Pour y pallier, des travaux [43, 54] proposent de tronquer le journal des opérations pour en supprimer les opérations connues de tous. Les noeuds reposent alors sur la notion de stabilité causale [55] pour déterminer les opérations supprimables de manière sûre.

**Définition 21** (Stabilité causale). Une opération est stable causalement lorsqu'elle a été intégrée par l'ensemble des noeuds du système. Ainsi, toute opération future dépend causalement des opérations causalement stables, c.-à-d. les noeuds ne peuvent plus générer d'opérations concurrentes aux opérations causalement stables.

Un mécanisme d'instantané doit néanmoins être associé au mécanisme de troncature du journal pour générer un état équivalent à la partie tronquée. Ce mécanisme est en effet nécessaire pour permettre un nouveau noeud de rejoindre le système et d'obtenir l'état courant à partir de l'instantané et du journal tronqué.

Pour résumer, cette approche permet de mettre en place un système en composant un CRDT synchronisé par opérations avec une couche de livraison des messages. Mais comme illustré ci-dessus, chaque CRDT synchronisé par opérations établit les propriétés de ses différentes opérations et délègue potentiellement des responsabilités à la couche de livraison. Une partie de la complexité de cette approche réside ainsi dans l'ajustement du couple  $\langle CRDT, couche \ livraison \rangle$  pour régler finement et optimiser leur fonctionnement en tandem. Des travaux [43, 54] ont proposé un patron de conception pour modéliser ces deux composants et leurs interactions. Cependant, ce patron repose sur l'hypothèse d'une livraison causale des opérations et n'est donc pas optimal.

#### Synchronisation par différences d'états

Almeida et al. [44] introduisent un nouveau modèle de synchronisation pour CRDTs. La proposition de ce modèle est nourrie par les observations suivantes :

- (i) Les CRDTs synchronisés par opérations sont sujets aux défaillances du réseau et nécessitent généralement pour pallier à cette une livraison des opérations respectant le modèle de livraison causal.
- (ii) Les CRDTs synchronisés par états pâtissent du surcoût induit par la diffusion de leurs états complets, généralement croissant de manière monotone.

Pour pallier aux faiblesses de chaque approche et allier le meilleur des deux mondes, les auteurs proposent les CRDTs synchronisés par différences d'états [44, 45, 56]. Il s'agit en fait d'une sous-famille des CRDTs synchronisés par états. Ainsi, comme ces derniers, ils disposent d'une fonction merge associative, commutative et idempotente qui permet de produire la LUB de deux états, c.-à-d. l'état correspond à la borne supérieure de ces deux états.

La spécificité des CRDTs synchronisés par différences d'états est qu'une modification locale produit en retour un delta. Un delta encode la modification effectuée sous la forme d'un état du lattice. Les deltas étant des états, ils peuvent être diffusés puis intégrés par

les autres noeuds à l'aide de la fonction merge. Ceci permet de bénéficier des propriétés d'associativité, de commutativité et d'idempotence offertes par cette fonction. Les CRDTs synchronisés par différences d'états offrent ainsi :

- (i) Une diffusion des modifications avec un surcoût pour le réseau proche de celui des CRDTs synchronisés par opérations.
- (ii) Une résistance aux défaillances réseaux similaire celle des CRDTs synchronisés par états.

Cette définition des CRDTs synchronisés par différences d'états, introduite dans [44, 45], fut ensuite précisée dans [56]. Dans cet article, les auteurs précisent qu'utiliser des éléments irréductibles (cf. Définition 19, page 23) comme deltas est optimal du point de vue de la taille des deltas produits.

Concernant la diffusion des modifications, les CRDTs synchronisés par différences d'états autorisent un large éventail de possibilités. Par exemple, les deltas peuvent être diffusés et intégrés de manière indépendante. Une autre approche possible consiste à tirer avantage du fait que les deltas sont des états : il est possible d'agréger plusieurs deltas à l'aide de la fonction merge, éliminant leurs éventuelles redondances. Ainsi, la fusion de deltas permet ensuite de diffuser un ensemble de modifications par le biais d'un seul et unique delta, minimal. Et en dernier recours, les CRDTs synchronisés par différences d'états peuvent adopter le même schéma de diffusion que les CRDTs synchronisés par états, c.-à-d. diffuser leur état complet de manière périodique. Chacune de ces approches proposent un compromis entre délai d'intégration des modifications, surcoût en métadonnées, calculs et bande-passante [56]. Ainsi, il est possible pour un système utilisant des CRDTs synchronisés par différences d'états de sélectionner la technique de diffusion des modifications la plus adaptée à ses besoins, ou même d'alterner entre plusieurs en fonction de son état courant.

Nous illustrons cette approche avec la Figure 2.10. Dans cet exemple, nous considérons que les noeuds adoptent la seconde approche évoquée, c.-à-d. que périodiquement les noeuds aggrégent les deltas issus de leurs modifications et diffusent le delta résultant.

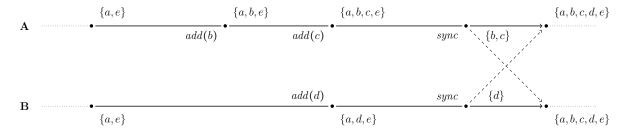


FIGURE 2.10 – Synchronisation des noeuds A et B en adoptant le modèle de synchronisation par différences d'états

Le noeud A effectue les modifications add(b) et add(c), qui retournent respectivement les deltas  $\{b\}$  et  $\{c\}$ . Le noeud A aggrége ces deltas et diffuse donc le delta suivant  $\{b,c\}$ . Quant au noeud B, il effectue la modification add(d) qui produit le delta  $\{d\}$ . S'agissant de son unique modification, il diffuse ce delta inchangé.

Quand A (resp. B) reçoit le delta  $\{d\}$  (resp.  $\{b,c\}$ ), il l'intègre à sa copie en utilisant la fonction merge. Les deux noeuds convergent alors à l'état  $\{a,b,c,d,e\}$ .

La synchronisation par différences d'états permet donc de réduire la taille des messages diffusés sur le réseau par rapport à la synchronisation par états. Cependant, il est important de noter que la décomposition en deltas entraîne la perte d'une des propriétés intrinsèques des CRDTs synchronisés par états : le respect du modèle de cohérence causale. En effet, sans mécanisme supplémentaire, la perte ou le ré-ordonnement de deltas par le réseau peut mener à une livraison dans le désordre des modifications à l'un des noeuds. S'ils souhaitent assurer une intégration causale des modifications, les CRDTs synchronisés par différences d'états doivent donc définir et ajouter à leur spécification un mécanisme similaire à la couche de livraison des CRDTs synchronisés par opérations.

Ainsi, les CRDTs synchronisés par différences d'états sont une évolution prometteuse des CRDTs synchronisés par états. Ce modèle de synchronisation rend ces CRDTs utilisables dans les systèmes temps réels sans introduire de contraintes sur la fiabilité du réseau. Mais pour cela, il ajoute une couche supplémentaire de complexité à la spécification des CRDTs synchronisés par états, c.-à-d. le mécanisme dédié à la livraison des deltas.

#### Synthèse

Ainsi, plusieurs modèles de synchronisation ont été proposées pour permettre aux noeuds utilisant un CRDT pour répliquer une donnée de diffuser leurs modifications et d'intégrer celles des autres. Nous récapitulons dans cette section les principales propriétés et différences entre ces modèles.

Tout d'abord, rappelons que chaque approche repose sur l'utilisation d'un sup-demitreillis pour assurer la convergence forte. Dans le cadre des CRDTs synchronisés par états et des CRDTs synchronisés par différences d'états, ce sont les états du CRDTs même qui forment un sup-demi-treillis.

Ce n'est pas exactement le cas dans le cadre des CRDTs synchronisés par opérations. Comme indiqué précédemment, les CRDTs synchronisés par opérations demandent à la couche de livraison des messages qui leur est associée qu'elle satisfasse un ensemble de contraintes. Si la couche de livraison ne garantit pas ces contraintes, e.g. les opérations sont livrées dans le désordre, l'état des noeuds peut diverger définitivement. Ainsi, pour être précis, c'est le couple (etats du CRDT, couche livraison) qui forme un sup-demi-treillis dans le cadre de ce modèle de synchronisation.

La principale différence entre les modèles de synchronisation proposés réside dans l'unité utilisée lors d'une synchronisation. Le modèle de synchronisation par états, de manière équivoque, utilise les états complets. L'intégration des modifications effectuées par un noeud dans la copie locale d'un second se fait alors en diffusant l'état du premier au second et en fusionnant cet état avec l'état du second.

Le modèle de synchronisation par opérations repose sur des opérations pour diffuser les modifications. Les opérations encodent les modifications sous la forme d'un ou plusieurs états spécifiques du sup-demi-trellis : les éléments irréductibles (cf. Définition 19, page 23). L'intégration des modifications d'un noeud par un second se fait alors en diffusant les opérations correspondant aux modifications et en intégrant chacune d'entre elle à la

copie locale du second.

Le modèle de synchronisation par différences d'états permet quant à lui d'intégrer les modifications soit par le biais d'éléments irréductibles, soit par le biais d'états complets. Dans les deux cas, les CRDTs synchronisés par différences d'états reposent sur la fonction de fusion du sup-demi-treillis pour intégrer les modifications.

De cette différence d'unité de synchronisation découle l'ensemble des différences entre ces modèles. La capacité d'intégrer les modifications par le biais d'une fusion d'états permet aux CRDTs synchronisé par états et différences d'états de résister aux défaillances du réseau. En effet, la perte, le ré-ordonnement ou la duplication de messages, c.-à-d. d'états ou de différences d'états, n'empêche pas la convergence des noeuds. Tant que deux noeuds peuvent à terme échanger leur états respectifs et les fusionner, la fonction de fusion garantit qu'ils obtiendront à terme des états équivalents.

À l'inverse, la perte, le ré-ordonnement ou la duplication de messages, c.-à-d. d'opérations, peut entraîner une divergence des noeuds dans le cadre du modèle de synchronisation par opérations. Pour éviter ce problème, la couche de livraison de messages associée au CRDT doit satisfaire le modèle de livraison requis par ce dernier.

Un autre aspect impacté par l'unité de synchronisation est la fréquence de synchronisation. La synchronisation par états nécessite de diffuser son état complet pour diffuser ses modifications. En fonction du type de données, le coût réseau pour diffuser chaque modification dès qu'elle est effectuée peut s'avérer prohibitif. Ce modèle de synchronisation repose donc généralement sur une synchronisation périodique, c.-à-d. chaque noeud diffuse son état périodiquement.

À l'inverse, la synchronisation par éléments irréductibles, que ça soit sous la forme d'opérations ou leur forme primaire, induit un coût réseau raisonnable : les éléments sont généralement petits et de taille fixe. Les modèles de synchronisation par opérations et par différences d'états permettent donc de diffuser des modifications dès leur génération. Ceci permet aux noeuds du système d'intégrer les modifications effectuées par les autres noeuds de manière plus fréquente, voire en temps réel.

Finalement, la dernière différence entre ces modèles concerne le modèle de cohérence causale (cf. Définition 18, page 23). Par nature, le modèle de synchronisation par états garantit le respect du modèle de cohérence causale. En effet, un état correspond à l'intégration d'un ensemble de modifications. De manière similaire, le résultat de la fusion de deux états correspond à l'intégration de l'union de leur ensemble respectif de modifications. Ce modèle de synchronisation empêche donc l'intégration d'une modification sans avoir intégré aussi les modifications l'ayant précédé d'après la relation happens-before.

À l'inverse, par défaut, les modèles de synchronisation par opérations ou différences d'états permettent l'intégration d'un élément irréductible sans avoir intégré au préalable les éléments irréductibles l'ayant précédé d'après la relation *happens-before*. Pour satisfaire le modèle de cohérence causale, les CRDTs adoptant ces modèles de synchronisation doivent être associés à une couche de livraison de messages garantissant leur livraison causale (cf. Définition 20, page 24).

Nous récapitulons le contenu de cette discussion sous la forme du Tableau 2.1.

Table 2.1 – Récapitulatif comparatif des différents modèles de synchronisation pour CRDTs

	Sync. par états	Sync. par opérations	Sync. par diff. d'états
Forme un sup-demi-treillis	<b>√</b>	✓	<b>√</b>
Intègre modifications par fusion d'états	✓	×	✓
Intègre modifications par élts irréductibles	×	✓	✓
Résiste nativ. aux défaillances réseau	✓	×	✓
Adapté pour systèmes temps réel	×	✓	✓
Offre nativ. modèle de cohérence causale	✓	X	Х

# 2.3 Séquences répliquées sans conflits

Dans le cadre des travaux de cette thèse, nous nous sommes focalisés sur les CRDTs pour un type de donnée précis : la *Séquence*.

La Séquence, aussi appelée *Liste*, est un type abstrait de données représentant une collection ordonnée et de taille dynamique d'éléments. Dans une séquence, un même élément peut apparaître à de multiples reprises. Chacune des occurrences de cet élément est alors considérée comme distincte.

Dans le cadre de ce manuscrit, nous travaillons sur des séquences de caractères. Cette restriction du domaine se fait sans perte en généralité. Nous illustrons par la Figure 2.11 notre représentation des séquences.

FIGURE 2.11 – Représentation de la séquence "HELLO"

Dans la Figure 2.12, nous présentons la spécification algébrique du type Séquence que nous utilisons.

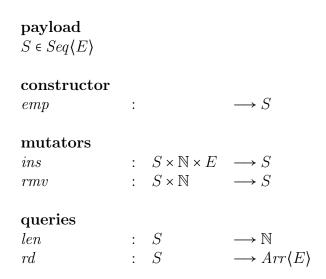


FIGURE 2.12 – Spécification algébrique du type abstrait usuel Séquence

Celle-ci définit deux modifications:

(i) ins(s,i,e), qui permet d'insérer un élément donné e à un index donné i dans une séquence s de taille m. Cette modification renvoie une nouvelle séquence construite de la manière suivante :

$$\forall s \in S, e \in E, i \in [0, m] \mid m = len(s), s = \langle e_0, ..., e_{i-1}, e_i, ..., e_{m-1} \rangle \cdot ins(s, i, e) = \langle e_0, ..., e_{i-1}, e, e_i, ..., e_{m-1} \rangle$$

(ii) rmv(s,i), qui permet de retirer l'élément situé à l'index i dans une séquence s de taille m. Cette modification renvoie une nouvelle séquence construite de la manière suivante :

$$\forall s \in S, e \in E, i \in [0, m[ \mid m = len(s), s = \langle e_0, ..., e_{i-1}, e_i, e_i + 1, ..., e_{m-1} \rangle \cdot rmv(s, i) = \langle e_0, ..., e_{i-1}, e_{i+1}, ..., e_{m-1} \rangle$$

Les modifications définies dans Figure 2.12, ins et rmv, ne permettent respectivement que l'insertion ou la suppression d'un élément à la fois. Cette simplification du type se fait cependant sans perte de généralité, la spécification pouvant être étendue pour insérer successivement plusieurs éléments à partir d'un index donné ou retirer plusieurs éléments consécutifs.

La spécification définit aussi deux observateurs :

- (i) len(s), qui permet de récupérer le nombre d'éléments présents dans une séquence s.
- (ii) rd(s), qui permet de consulter l'état d'une séquence s. L'état de la séquence est retournée sous la forme d'un Tableau, c.-à-d. une collection ordonnée de taille fixe d'éléments. Comme pour le type Ensemble, nous considérons que rd est utilisé de manière implicite après chaque modification dans nos exemples.

Cette spécification du type Séquence est une spécification séquentielle. Les modifications sont définies pour être effectuées l'une après l'autre. Si plusieurs noeuds répliquent une même séquence et la modifient en concurrence, l'intégration de leurs opérations respectives dans des ordres différents résulte en des états différents. Nous illustrons ce point avec la Figure 2.13.

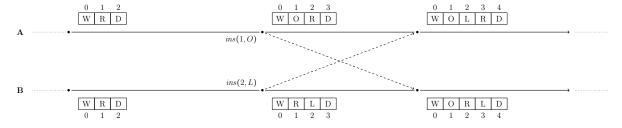


FIGURE 2.13 – Modifications concurrentes d'une séquence

Dans cet exemple, deux noeuds A et B partagent et éditent collaborativement une même séquence. Celle-ci correspond initialement à la chaîne de caractères "WRD". Le

noeud A insère le caractère "O" à l'index 1, obtenant ainsi la séquence "WORD". En concurrence, le noeud B insère lui le caractère "L" à l'index 2 pour obtenir "WRLD".

Les deux noeuds diffusent ensuite leur opération respective puis intègre celle de leur pair. Nous constatons alors une divergence. En effet, l'intégration de la modification ins(2,L) par le noeud A ne produit pas l'effet escompté, c.-à-d. produire la chaîne "WORLD", mais la chaîne "WORLD".

Cette divergence est dûe à la non-commutativité de la modification ins avec ellemême. En effet, celle-ci se base sur un index pour déterminer où placer le nouvel élément. Cependant, les index sont eux-mêmes modifiés par ins. Ainsi, l'intégration dans des ordres différents de modifications ins sur un même état initial résulte en des états différents. Plus généralement, nous observons que chaque paire possible de modifications du type Séquence, c.-à-d.  $\langle ins, ins \rangle$ ,  $\langle ins, del \rangle$  et  $\langle del, del \rangle$ , n'est pas commutative.

La non-commutativité des modifications du type Séquence fut l'objet de nombreux travaux de recherche dans le domaine de l'édition collaborative. Pour résoudre ce problème, l'approche Operational Transformation (OT) [57, 58] fut initialement proposée. Cette approche propose de transformer une modification par rapport aux modifications concurrentes intégrées pour tenir compte de leur effet. Elle se décompose en deux parties:

- (i) Un algorithme de contrôle [59, 60, 61], qui définit par rapport à quelles modifications une nouvelle modification distante doit être transformée avant d'être intégrée à la copie.
- (ii) Des fonctions de transformations [57, 59, 62, 63], qui définissent comment une modification doit être transformée par rapport à une autre modification pour tenir compte de son effet.

Cependant, bien que de nombreuses fonctions de transformations pour le type Séquence ont été proposées, seule la correction des Tombstone Transformation Functions (TTF) [63] a été éprouvée pour les systèmes P2P à notre connaissance. De plus, les algorithmes de contrôle compatibles reposent sur une livraison causale des modifications, et donc l'utilisation de vecteurs d'horloges. Cette approche est donc inadaptée aux systèmes P2P dynamiques.

Néanmoins, une contribution importante de l'approche OT fut la définition d'un modèle de cohérence que doivent respecter les systèmes d'édition collaboratif : le modèle Convergence, Causality preservation, Intention preservation (CCI) [64].

**Définition 22** (Modèle CCI). Le modèle de cohérence CCI définit qu'un système d'édition collaboratif doit respecter les critères suivants :

**Définition 22.1** (Convergence). Le critère de *Convergence* indique que des noeuds ayant intégrés le même ensemble de modifications convergent à un état équivalent.

**Définition 22.2** (Préservation de la causalité). Le critère de *Préservation de la causalité* indique que si une modification  $m_1$  précède une autre modification  $m_2$  d'après la relation happens-before, c.-à-d.  $m_1 \to m_2$ ,  $m_1$  doit être intégrée avant  $m_2$  par les noeuds du système.

**Définition 22.3** (Préservation de l'intention). Le critère de *Préservation de l'intention* indique que l'intégration d'une modification par un noeud distant doit reproduire l'effet de la modification sur la copie du noeud d'origine, indépendamment des modifications concurrentes intégrées.

De manière similaire à [65], nous ajoutons le critère de Passage à l'échelle à ces critères :

**Définition 23** (Passage à l'échelle). Le critère de *Passage à l'échelle* indique que le nombre de noeuds du système ne doit avoir qu'un impact sous-linéaire sur les complexités en temps, en espace et sur le nombre et la taille des messages.

Nous constatons cependant que les critères 22.2 et 23 peuvent être contraires. En effet, pour respecter le modèle de cohérence causale, un système peut nécessiter une livraison causale des modifications, e.g. un CRDT synchronisé par opérations dont seules les opérations concurrentes sont commutatives. La livraison causale implique un surcoût computationnel, en métadonnées et en taille des messages qui est fonction du nombre de participants du système [66]. Ainsi, dans le cadre de nos travaux, nous cherchons à nous affranchir du modèle de livraison causale des modifications, ce qui peut nécessiter de relaxer le modèle de cohérence causale.

C'est dans une optique similaire que fut proposé WOOT [67], un modèle de séquence répliquée qui pose les fondations des CRDTs. Depuis, plusieurs CRDTs pour Séquence furent définies [68, 69, 65]. Ces CRDTs peuvent être répartis en deux approches : l'approche à pierres tombales [67, 68] et l'approche à identifiants densément ordonnés [69, 65]. L'état d'une séquence pouvant croître de manière infinie, ces CRDTs sont synchronisés par opérations pour limiter la taille des messages diffusés. À notre connaissance, seul [24] propose un CRDT pour Séquence synchronisé par différence d'états.

Dans la suite de cette section, nous présentons les différents CRDTs pour Séquence de la littérature.

## 2.3.1 Approche à pierres tombales

#### WOOT

WOOT [67] fait suite aux travaux présentés dans [63]. Il est considéré a posteriori comme le premier CRDT synchronisé par opérations pour Séquence <sup>11</sup>. Conçu pour l'édition collaborative P2P, son but est de surpasser les limites de l'approche OT évoquées précédemment, c.-à-d. le coût du mécanisme de livraison causale.

L'intuition de WOOT est la suivante : WOOT modifie la sémantique de la modification ins pour qu'elle corresponde à l'insertion d'un nouvel élément entre deux autres, et non plus à l'insertion d'un nouvel élément à une position donnée. Par exemple, l'insertion de l'élément "B" dans la séquence "AC" pour obtenir l'état "ABC", c.-à-d. ins(1, B), devient ins(A < B < C).

Ce changement, qui est compatible avec l'intention des utilisateur-rices, n'est cependant pas anodin. En effet, il permet à WOOT de rendre *ins* commutative avec les modifications concurrentes, en exprimant la position du nouvel élément de manière relative à d'autres éléments et non plus via un index qui est spécifique à un état donné.

Afin de préciser quels éléments correspondent aux prédécesseur et successeur de l'élément inséré, WOOT repose sur un système d'identifiants. WOOT associe ainsi un identifiant unique à chaque élément de la séquence.

<sup>11. [18]</sup> n'ayant formalisé les CRDTs qu'en 2007.

**Définition 24** (Identifiant WOOT). Un identifiant WOOT est un couple  $\langle nodeId, nodeSeq \rangle$  avec

- (i) nodeId, l'identifiant du noeud qui génère cet identifiant WOOT. Est supposé unique.
- (ii) seq, un entier propre au noeud, servant d'horloge logique. Est incrémenté à chaque génération d'identifiant WOOT.

Dans le cadre de ce manuscrit, nous utiliserons pour former les identifiants WOOT le nom de du noeud (e.g. A) comme node Id et un entier naturel, en démarrant à 1, comme node Seq. Nous les représenterons de la manière suivante node Id node Seq, e.g. A1.

Avant de continuer, notons qu'un identifiant WOOT est bel et bien unique, deux noeuds ne pouvant utiliser le même nodeId et un noeud n'utilisant jamais deux fois le même nodeSeq. Finalement, précisons que cette structure d'identifiant et son usage possible pour le suivi de la causalité furent ensuite mis en évidence par [70] sous le nom de Dot.

Les modifications ins et rmv sont dès lors redéfinies pour devenir des opérations en tirant profit des identifiants. Par exemple, considérons une séquence WOOT représentant "AC" et qui associe respectivement les identifiants A1 et A2 aux éléments "A" et "C". L'insertion de l'élement de l'élement "B" dans cette séquence pour obtenir l'état "ABC", c.-à-d. ins(A < B < C), devient par exemple  $ins(A1 < \langle B1, B \rangle < A2)$ . De manière similaire, la suppression de l'élément "B" dans cette séquence pour obtenir l'état "AC", c.-à-d. rmv(1), devient rmv(B1).

WOOT utilise des pierres tombales pour rendre commutative *ins*, qui nécessite la présence des deux éléments entre lesquels nous insérons un nouvel élément, avec *rmv*. Ainsi, lorsqu'un élément est retiré, une pierre tombale est conservée dans la séquence pour indiquer sa présence passée. Les données de l'élément sont elles supprimées. Dans le cadre d'une Séquence WOOT, *rmv* a donc pour effet de masquer l'élément.

Finalement, WOOT définit  $<_{id}$ , un ordre strict total sur les identifiants associés aux éléments. En effet, la relation < n'est pas suffisante pour rendre les opérations ins commutatives, puisqu'elle ne spécifie qu'un ordre partiel entre les éléments. Plus précisément, < ne permet pas d'ordonner les éléments insérés en concurrence et possédant les mêmes prédecesseur et successeur, e.g. ins(a < 1 < b) et ins(a < 2 < b). Pour que tous les noeuds convergent, ils doivent choisir comment ordonner ces éléments de manière déterministe et indépendante de l'ordre de réception des modifications. Ils utilisent pour cela  $<_{id}$ .

**Définition 25** (Relation  $<_{id}$ ). La relation  $<_{id}$  définit que, étant donné deux identifiants  $id_1 = \langle nodeId_1, nodeSeq_1 \rangle$  et  $id_2 = \langle nodeId_2, nodeSeq_2 \rangle$ , nous avons :

$$id_1 <_{id} id_2$$
 iff  $(nodeId_1 < nodeId_2)$   $\lor$  
$$(nodeId_1 = nodeId_2 \land nodeSeq_1 < nodeSeq_2)$$

Notons que l'ordre définit par  $<_{id}$  correspond à l'ordre lexicographique sur les composants des identifiants.

De cette manière, WOOT offre une spécification de la Séquence dont les opérations sont commutatives, c.-à-d. ne génèrent pas de conflits. Nous récapitulons son fonctionnement à l'aide de la Figure 2.14.

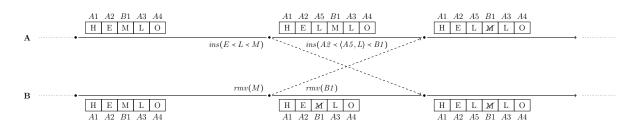


FIGURE 2.14 – Modifications concurrentes d'une séquence répliquée WOOT

Dans cet exemple, deux noeuds A et B partagent et éditent collaborativement une séquence répliquée WOOT. Initialement, ils possèdent le même état : la séquence contient les éléments "HEMLO", et à chaque élément est associé un identifiant, e.g. A1, B1, A2...

Le noeud A insère l'élément "L" entre les éléments "E" et "M", c.-à-d. ins(E < L < M). WOOT convertit cette modification en opération  $ins(A2 < \langle A5, L \rangle < B1)$ . L'opération est intégrée à la copie locale, ce qui produit l'état "HELMLO", puis diffusée sur le réseau.

En concurrence, le noeud B supprime l'élément "M" de la séquence, c.-à-d. rmv(M). De la même manière, WOOT génère l'opération correspondante rmv(B1). Comme expliqué précédemment, l'intégration de cette opération ne supprime pas l'élément "M" de l'état mais se contente de le masquer. L'état produit est donc "HEMLO". L'opération est ensuite diffusée.

A (resp. B) reçoit ensuite l'opération de B, rmv(B1) (resp. A,  $ins(A2 < \langle A5, L \rangle < B1)$ ), et l'intègre à sa copie. Les opérations de WOOT étant commutatives, les noeuds obtiennent le même état final : "HELMLO".

Grâce à la commutativité de ses opérations, WOOT s'affranchit du modèle de livraison causale nécessitant l'utilisation coûteuse de vecteurs d'horloges. WOOT met en place un modèle de livraison sur-mesure basé sur les pré-conditions des opérations :

Définition 26 (Modèle de livraison WOOT). Le modèle de livraison WOOT définit que :

- (i) Une opération doit être livrée exactement une fois à chaque noeud <sup>12</sup>.
- (ii) Une opération  $ins(predId < \langle id, elt \rangle < succId)$  ne peut être livrée à un noeud qu'après la livraison des opérations d'insertion des éléments associés à predId et succId.
- (iii) L'opération rmv(id) ne peut être livrée à un noeud qu'après la livraison de l'opération d'insertion de l'élément associé à id.

Ce modèle de livraison ne requiert qu'une quantité fixe de métadonnées associées à chaque opération pour être respecté. WOOT est donc adapté aux systèmes P2P dynamiques.

WOOT souffre néanmoins de plusieurs limites. La première d'entre elles correspond à l'utilisation de pierres tombales dans la séquence répliquée. En effet, comme indiqué précédemment, la modification rmv ne supprime que les données de l'élément concerné. L'identifiant qui lui a été associé reste lui présent dans la séquence à son emplacement.

<sup>12.</sup> Néanmoins, les algorithmes d'intégration des opérations, notamment celui pour l'opération *ins*, pourraient être aisément modifiés pour être idempotents. Ainsi, la livraison répétée d'une même opération deviendrait possible, ce qui permettrait de relaxer cette contrainte en *une livraison au moins une fois*.

Une séquence WOOT ne peut donc que croître, ce qui impacte négativement sa complexité en espace ainsi que ses complexités en temps.

OSTER et al. [67] font cependant le choix de ne pas proposer de mécanisme pour purger les pierres tombales. En effet, leur motivation est d'utiliser ces pierres tombales pour proposer un mécanisme d'undo, une fonctionnalité importante dans le domaine de l'édition collaborative. Cette piste de recherche est développée dans [71].

Une seconde limite de WOOT concerne la complexité en temps de l'algorithme d'intégration des opérations d'insertion. En effet, celle-ci est en  $\mathcal{O}(H^3)$  avec H le nombre de modifications ayant été effectuées sur le document [72]. Plusieurs évolutions de WOOT sont proposées pour mitiger cette limite : WOOTO [73] et WOOTH [72].

WEISS et al. [73] remanient la structure des identifiants associés aux éléments. Cette modification permet un algorithme d'intégration des opérations ins avec une meilleure complexité en temps,  $\mathcal{O}(H^2)$ . AHMED-NACER et al. [72] se basent sur WOOTO et proposent l'utilisation de structures de données améliorant la complexité des algorithmes d'intégration des opérations, au détriment des métadonnées stockées localement par chaque noeud. Cependant, cette évolution ne permet ici pas de réduire l'ordre de grandeur des opérations ins.

Néanmoins, l'évaluation expérimentale des différentes approches pour l'édition collaborative P2P en temps réel menée dans [72] a montré que les CRDTs de la famille WOOT n'étaient pas assez efficaces. Dans le cadre de cette expérience, des utilisateur-rices effectuaient des tâches d'édition collaborative données. Les traces de ces sessions d'édition collaboratives furent ensuite rejouées en utilisant divers mécanismes de résolution de conflits, dont WOOT, WOOTO et WOOTH. Le but était de mesurer les performances de ces mécanismes, notamment leurs temps d'intégration des modifications et opérations. Dans le cas de la famille WOOT, AHMED-NACER et al. ont constaté que ces temps dépassaient parfois 50ms. Il s'agit là de la limite des délais acceptables par les utilisateur-rices d'après [74, 75]. Ces performances disqualifient donc les CRDTs de la famille WOOT comme approches viables pour l'édition collaborative P2P temps réel.

#### Replicated Growable Array

Replicated Growable Array (RGA) [68] est le second CRDT pour Séquence appartenant à l'approche à pierres tombales. Il a été spécifié dans le cadre d'un effort pour établir les principes nécessaires à la conception de Replicated Abstract Data Types (RADTs).

Dans cet article, les auteurs définissent et se basent sur 2 principes pour concevoir RADTs. Le premier d'entre eux est l'Commutativité des Opérations (OC).

**Définition 27** (Commutativité des Opérations). La Commutativité des Opérations (OC) définit que toute paire possible d'opérations concurrentes du RADT doit être commutative.

Ce principe permet de garantir que l'intégration par différents noeuds d'une même séquence d'opérations concurrentes, mais dans des ordres différents, résultera en un état équivalent.

Le second principe sur lequel reposent les RADTs est la Transitivité de la Précédence (PT).

**Définition 28** (Transitivité de la Précédence). La Transitivité de la Précédence (PT) se base sur une relation de précédence, notée -->.

**Définition 28.1** (Relation de précédence). La relation de précédence définit qu'étant donné deux opérations,  $o_1$  et  $o_2$ , l'intention de  $o_2$  doit être préservée par rapport à celle de  $o_1$ , noté  $o_1 \rightarrow o_2$ , si et seulement si :

- (i)  $o_1 \rightarrow o_2$  ou
- (ii)  $o_1 \parallel o_2$  et  $o_2$  a une priorité supérieure à  $o_1$ .

PT définit qu'étant donné trois opérations,  $o_1$ ,  $o_2$  et  $o_3$ , si  $o_1 \rightarrow o_2$  et  $o_2 \rightarrow o_3$ , alors nous avons  $o_1 \rightarrow o_3$ .

Ce second principe offre une méthode pour concevoir un ensemble d'opérations commutatives. Il permet aussi d'exprimer la priorité des opérations par rapport aux opérations dont elles dépendent causalement.

À partir de ces principes, les auteurs proposent plusieurs RADTs : Replicated Fixed-Size Array (RFA), Replicated Hash Table (RFT) et Replicated Growable Array (RGA), qui nous intéresse ici.

Dans RGA, l'intention de l'insertion est définit comme l'insertion d'un nouvel élément directement après un élément existant. Ainsi, RGA se base sur le prédecesseur d'un élément pour déterminer où l'insérer. De fait, tout comme WOOT, RGA repose sur un système d'identifiants qu'il associe aux éléments pour pouvoir s'y référer par la suite.

Les auteurs proposent le modèle de données suivant comme identifiants :

**Définition 29** (Identifiants S4Vector). Les identifiants S4Vector sont de la forme  $\langle ssid, sum, ssn, seq \rangle$  avec :

- (i) ssid, l'identifiant de la session de collaboration.
- (ii) sum, la somme du vecteur d'horloges courant du noeud auteur de l'élément.
- (iii) ssn, l'identifiant du noeud auteur de l'élément.
- (iv) seq, le numéro de séquence de l'auteur de l'élément à son insertion.

Cependant, dans les présentations suivantes de RGA [19, 76], les auteurs utilisent des horloges de Lamport [35] en lieu et place des identifiants S4Vector. Nous procédons donc ici à la même simplification, et abstrayons la structure des identifiants utilisée avec le symbole t.

À l'aide des identifiants, RGA redéfinit les modifications de la séquence de la manière suivante :

- (i) ins devient  $ins(predId < \langle id, elt \rangle)$ .
- (ii) rmv devient rmv(id).

Puisque plusieurs éléments peuvent être insérés en concurrence à la même position, c.-à-d. avec le même prédecesseur, il est nécessaire de définir une relation d'ordre strict total pour ordonner les éléments de manière déterministe et indépendante de l'ordre de réception des modifications. Pour cela, RGA définit  $<_{id}$ :

**Définition 30** (Relation  $<_{id}$ ). La relation  $<_{id}$  définit un ordre strict total sur les identifiants en se basant sur l'ordre lexicographique leurs composants. Par exemple, étant donné deux identifiants  $t_1 = \langle ssid_1, sum_1, ssn_1, seq_1 \rangle$  et  $t_2 = \langle ssid_2, sum_2, ssn_2, seq_2 \rangle$ , nous avons :

$$t_1 <_{id} t_2$$
 iff  $(ssid_1 < ssid_2) \lor$   
 $(ssid_1 = ssid_2 \land sum_1 < sum_2) \lor$   
 $(ssid_1 = ssid_2 \land sum_1 = sum_2 \land ssn_1 < ssn_2) \lor$   
 $(ssid_1 = ssid_2 \land sum_1 = sum_2 \land ssn_1 = ssn_2 \land seq_1 = seq_2)$ 

L'utilisation de  $<_{id}$  comme stratégie de résolution de conflits permet de rendre commutative les modifications ins concurrentes.

Concernant les suppressions, RGA se comporte de manière similaire à WOOT : la séquence conserve une pierre tombale pour chaque élément supprimé, de façon à pouvoir insérer à la bonne position un élément dont le prédecesseur a été supprimé en concurrence. Cette stratégie rend commutative les modifications ins et rmv.

Nous récapitulons le fonctionnement de RGA à l'aide de la Figure 2.15.

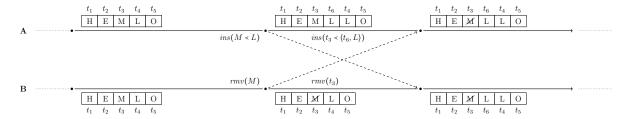


FIGURE 2.15 – Modifications concurrentes d'une séquence répliquée RGA

Dans cet exemple, deux noeuds A et B partagent et éditent collaborativement une séquence répliquée RGA. Initialement, ils possèdent le même état : la séquence contient les éléments "HEMLO", et à chaque élément est associé un identifiant, e.g.  $t_1$ ,  $t_2$ ,  $t_3$ ...

Le noeud A insère l'élément "L" après l'élément et "M", c.-à-d. ins(M < L). RGA convertit cette modification en opération  $ins(t_3 < \langle t_6, L \rangle)$ . L'opération est intégrée à la copie locale, ce qui produit l'état "HEMLLO", puis diffusée sur le réseau.

En concurrence, le noeud B supprime l'élément "M" de la séquence, c.-à-d. rmv(M). De la même manière, RGA génère l'opération correspondante  $rmv(t_3)$ . Comme expliqué précédemment, l'intégration de cette opération ne supprime pas l'élément "M" de l'état mais se contente de le masquer. L'état produit est donc "HEMLO". L'opération est ensuite diffusée.

A (resp. B) reçoit ensuite l'opération de B,  $rmv(t_3)$  (resp. A,  $ins(t_3 < \langle t_6, L \rangle)$ ), et l'intègre à sa copie. Les opérations de RGA étant commutatives, les noeuds obtiennent le même état final : "HEMLLO".

À la différence des auteurs de WOOT, ROH et al. [68] jugent le coût des pierres tombales trop élévé. Ils proposent alors un mécanisme de GC des pierres tombales. Ce mécanisme repose sur deux conditions :

(i) La stabilité causale de l'opération rmv, c.-à-d. l'ensemble des noeuds a intégré la suppression de l'élément et ne peut émettre d'opérations utilisant l'élément supprimé comme prédecesseur.

(ii) L'impossibilité pour l'ensemble des noeuds de générer un identifiant inférieur à celui de l'élément suivant la pierre tombale d'après  $<_{id}$ .

L'intuition de la condition (i) est de s'assurer qu'aucune opération *ins* concurrente à l'exécution du mécanisme ne peut utiliser la pierre tombale comme prédecesseur, les opérations *ins* ne pouvant reposer que sur les éléments. L'intuition de la condition (ii) est de s'assurer que l'intégration d'une opération *ins*, concurrente à l'exécution du mécanisme et devant résulter en l'insertion de l'élément avant la pierre tombale, ne sera altérée par la suppression de cette dernière.

Concernant le modèle de livraison adopté, RGA repose sur une livraison causale des opérations. Cependant, [68] indique que ce modèle de livraison pourrait être relaxé, de façon à ne plus dépendre de vecteurs d'horloges. Ce point est néanmoins laissé comme piste de recherche future. À notre connaissance, cette dernière n'a pas été explorée dans la littérature. Néanmoins ELVINGER [24] indique que RGA pourrait adopter un modèle de livraison similaire à celui de WOOT. Ce modèle consisterait :

#### **Définition 31** (Modèle livraison RGA). Le modèle de livraison RGA définit que :

- (i) Une opération doit être livrée exactement une fois à chaque noeud.
- (ii) Une opération  $ins(predId < \langle id, elt \rangle)$  ne peut être livrée à un noeud qu'après la livraison de l'opération d'insertion de l'élément associé à predId.
- (iii) Une opération rmv(id) ne peut être livrée à un noeud qu'après la livraison de l'opération d'insertion de l'élément associé à id.

Nous secondons cette observation.

Un des avantages de RGA est son efficacité. En effet, son algorithme d'intégration des insertions offre une meilleure complexité en temps que celui de WOOT :  $\mathcal{O}(H)$ , avec H le nombre de modifications ayant été effectuées sur le document [72]. De plus, [76, 77] montrent que le modèle de données de RGA est optimal d'un point de vue complexité en espace comme CRDT pour Séquence par élément sans mécanisme de GC. RGA est ainsi utilisé dans plusieurs implémentations [78].

Plusieurs extensions de RGA ont par la suite été proposées. BRIOT et al. [79] indiquent que les pauvres performances des modifications locales <sup>13</sup> des CRDTs pour Séquence constituent une de leurs limites. Il s'agit en effet des performances impactant le plus l'expérience utilisateur, celleux-ci s'attendant à un retour immédiat de la part de l'application. Les auteurs souhaitent donc réduire la complexité en temps des modifications locales à une complexité logarithmique.

Pour cela, ils proposent l'identifier structure, une structure de données auxiliaire utilisable par les CRDTs pour Séquence. Cette structure permet de retrouver plus efficacement l'identifiant d'un élément à partir de son index, au pris d'un surcoût en métadonnées. Les auteurs combinent cette structure de données à un mécanisme d'aggrégation des élements en blocs <sup>14</sup> tels que proposés par [80, 23], qui permet de réduire la quantité de métadonnées stockées par la séquence répliquée. Cette combinaison aboutit à la définition d'un nouveau

<sup>13.</sup> Relativement par rapport aux algorithmes de l'approche OT.

<sup>14.</sup> Nous détaillerons ce mécanisme par la suite.

CRDT pour Séquence, RGATreeSplit, qui offre une meilleure complexité en temps et en espace.

Dans [81], les auteurs mettent en lumière un problème récurrent des CRDTs pour Séquence : lorsque des séquences de modifications sont effectuées en concurrence par des noeuds, les CRDTs assurent la convergence des répliques mais pas la correction du résultat. Notamment, il est possible que les éléments insérés en concurrence se retrouvent entrelacés. La Figure 2.16 présente un tel cas de figure :

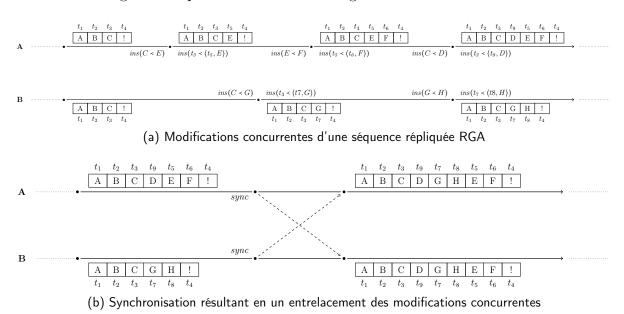


FIGURE 2.16 – Entrelacement d'éléments insérés de manière concurrente

Dans la Figure 2.16a, deux noeuds A et B partagent et éditent collaborativement une séquence répliquée RGA. Initialement, ils possèdent le même état : la séquence contient les éléments "ABC!", et à chaque élément est associé un identifiant, e.g.  $t_1$ ,  $t_2$ ,  $t_3$  et  $t_4$ .

Le noeud A insère après l'élément "C" les éléments "E" et F. RGA génère les opérations  $ins(t_3 < \langle t_5, E \rangle)$  et  $ins(t_5 < \langle t_6, F \rangle)$ . En concurrence, le noeud B insère les éléments "G" et "H" de manière similaire, produisant les opérations  $ins(t_3 < \langle t_7, G \rangle)$  et  $ins(t_7 < \langle t_8, H \rangle)$ . Finalement, toujours en concurrence, le noeud A insère un nouvel élément après l'élément "C", l'élément "D", ce qui résulte en l'opération  $ins(t_9 < \langle t_3, D \rangle)$ . Pour la suite de notre exemple, nous supposons que  $t_5 <_{id} t_6 <_{id} t_7 <_{id} t_8 <_{id} t_9$ .

Nous poursuivons notre exemple dans la Figure 2.16b. Dans cette figure, les noeuds A et B se synchronisent et échangent leurs opérations respectives. À la réception de l'opération de B  $ins(t_3 < \langle t_7, G \rangle)$ , le noeud A compare  $t_7$  avec les identifiants des éléments se trouvant après  $t_3$ . Il place l'élément "G" qu'après les éléments ayant des identifiants supérieurs à  $t_7$ . Ainsi, il insère "G" après "D"  $(t_9)$ , mais avant "E"  $(t_5)$ . L'élément "H"  $(t_7)$  est inséré de manière similaire avant "E"  $(t_5)$ .

Le noeud B procède de manière similaire. Les noeuds A et B convergent alors à un état équivalent : "ABCDGHEF!". Nous remarquons ainsi que les modifications de B, la chaîne "GH", s'est intercalée dans la chaîne insérée par A en concurrence, "DHEF".

Pour remédier à ce problème, les auteurs définissent une nouvelle spécification que

doivent respecter les approches pour la mise en place de séquences répliquées : la spécification forte sans entrelacement des séquences répliquées. Basée sur la spécification forte des séquences répliquées spécifiée dans [76, 77], cette nouvelle spécification précise que les éléments insérés en concurrence ne doivent pas s'entrelacer dans l'état final. KLEPPMANN et al. [81] proposent ensuite une évolution de RGA respectant cette spécification.

Pour cela, les auteurs ajoutent à l'opération *ins* un paramètre, *samePredIds*, un ensemble correspondant à l'ensemble des identifiants connus utilisant le même *predId* que l'élément inséré. En maintenant en plus un exemplaire de cet ensemble pour chaque élément de la séquence, il est possible de déterminer si deux opérations *ins* sont concurrentes ou causalement liées et ainsi déterminer comment ordonner leurs éléments. Cependant, les auteurs ne prouvent pas dans [81] que cette extension empêche tout entrelacement <sup>15</sup>.

## 2.3.2 Approche à identifiants densément ordonnés

#### Treedoc

[18, 69] proposent une nouvelle approche pour CRDTs pour Séquence. La particuliarité de cette approche est de se baser sur des identifiants de position, respectant un ensemble de propriétés :

**Définition 32** (Propriétés des identifiants de position). Les propriétés que les identifiants de position doivent respecter sont les suivantes :

- (i) Chaque identifiant est attribué à un élément de la séquence.
- (ii) Aucune paire d'éléments ne partage le même identifiant.
- (iii) L'identifiant d'un élément est immuable.
- (iv) Il existe un ordre total strict sur les identifiants,  $<_{id}$ , cohérent avec l'ordre des éléments dans la séquence.
- (v) Les identifiants sont tirés d'un ensemble dense, que nous notons I.

Intéressons-nous un instant à la propriété (v). Cette propriété signifie que :

$$\forall predId, succId \in \mathbb{I}, \exists id \in \mathbb{I} \mid predId <_{id} id <_{id} succId$$

Cette propriété garantit donc qu'il sera toujours possible de générer un nouvel identifiant de position entre deux autres, c.-à-d. qu'il sera toujours possible d'insérer un nouvel élément entre deux autres (d'après la propriété (iv)).

L'utilisation d'identifiants de position permet de redéfinir les modifications de la séquence :

- (i) ins(pred < elt < succ) devient alors ins(id, elt), avec  $predId <_{id} id <_{id} succId$ .
- (ii) rmv(elt) devient rmv(id).

<sup>15.</sup> Un travail en cours [82] indique en effet qu'une séquence répliquée empêchant tout entrelacement est impossible.

Ces redéfinitions permettent de proposer une spécification de la séquence avec des modifications commutatives.

À partir de cette spécification, PREGUICA et al. propose un CRDT pour Séquence : Treedoc Ce dernier tire son nom de l'approche utilisée pour émuler un ensemble dense pour générer les identifiants de position : Treedoc utilise pour cela les chemins d'un arbre binaire.

La Figure 2.17 illustre le fonctionnement de cette approche. La racine de l'arbre binaire,

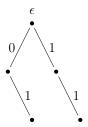


FIGURE 2.17 – Identifiants de positions

notée  $\epsilon$ , correspond à l'identifiant de position du premier élément inséré dans la séquence répliquée. Pour générer les identifiants des éléments suivants, Treedoc utilise l'identifiant de leur prédecesseur ou successeur : Treedoc concatène (noté  $\oplus$ ) à ce dernier le chiffre 0 (resp. 1) en fonction de si l'élément doit être placé à gauche (resp. à droite) de l'identifiant utilisé comme base. Par exemple, pour insérer un nouvel élément à la fin de la séquence dont les identifiants de position sont représentés par la Figure 2.17, Treedoc lui associerait l'identifiant  $id = \epsilon \oplus 1 \oplus 1 \oplus 1$ . Ainsi, Treedoc suit l'ordre du parcours infixe de l'arbre binaire pour ordonner les identifiants de position.

Ce mécanisme souffre néanmoins d'un écueil : en l'état, plusieurs noeuds du système peuvent associer un même identifiant à des éléments insérés en concurrence, contravenant alors à la propriété (ii). Pour corriger cela, Treedoc ajoute à chaque noeud de l'arbre un désambiguateur par élément : un Dot (cf. Définition 24). Nous représentons ces derniers avec la notation  $d_i$ .

Ainsi, un noeud de l'arbre des identifiants peut correspondre à plusieurs éléments, ayant tous le même identifiant à l'exception de leur désambiguateur. Ces éléments sont alors ordonnés les uns par rapport aux autres en respectant l'ordre défini sur leur désambiguateur.

Afin de réduire le surcoût des désambiguateurs, ces derniers ne sont ajoutés au chemin formant un identifiant qu'uniquement lorsqu'ils sont nécessaires, c.-à-d. :

- (i) Le noeud courant est le noeud final de l'identifiant.
- (ii) Le noeud courant nécessite désambiguation, c.-à-d. plusieurs éléments utilisent l'identifiant correspondant à ce noeud.

La Figure 2.18 présente un exemple de cette situation. Dans cet exemple, deux identifiants furent insérés en concurrence en fin de séquence :  $id_4 = \epsilon \oplus \langle 1, d_4 \rangle$  et  $id_5 = \epsilon \oplus \langle 1, d_5 \rangle$ . Pour développer cet exemple, Treedoc générerait les identifiants :

(i)  $id_6 = \epsilon \oplus 1 \oplus \langle 1, d_6 \rangle$  à l'insertion d'un nouvel élément en fin de liste.

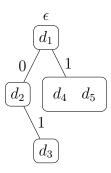


FIGURE 2.18 – Identifiants de position avec désambiguateurs

(ii)  $id_7 = \epsilon \oplus \langle 1, d_4 \rangle \oplus \langle 1, d_7 \rangle$  à l'insertion d'un nouvel élément entre les éléments ayant pour identifiants  $id_4$  et  $id_5$ .

Nous récapitulons le fonctionnement complet de Treedoc dans la Figure 2.19. Par souci de cohésion, nous utilisons ici à la fois l'arbre binaire pour représenter les identifiants de position des éléments et les éléments eux-mêmes. Nous omettons aussi le chemin vide  $\epsilon$  dans la représentation des identifiants lorsque non-nécessaire.

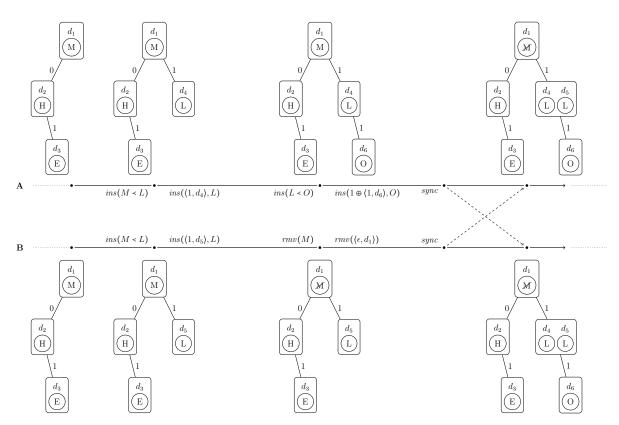


FIGURE 2.19 – Modifications concurrentes d'une séquence répliquée Treedoc

Dans cet exemple, deux noeuds A et B partagent et éditent collaborativement une séquence répliquée Treedoc. Initialement, ils possèdent le même état : la séquence contient les éléments "HEM".

Le noeud A insère l'élément "L" en fin de séquence, c.-à-d. ins(M < L). Treedoc génère l'opération correspondante,  $ins(\langle 1, d_4 \rangle, L)$ , et l'intègre à sa copie locale. Puis A insère l'élément "O", toujours en fin de séquence. La modification ins(L < O) est convertie en opération  $ins(1 \oplus \langle 1, d_6 \rangle, O)$  et intégrée.

En concurrence, le noeud B insère aussi un élément "L" en fin de séquence. Cette modification résulte en l'opération  $ins(\langle 1, d_5 \rangle, L)$ , qui est intégrée. Le noeud B supprime ensuite l'élément "M" de la séquence, ce qui produit l'opération  $rmv(\langle \epsilon, d_1 \rangle)$ . Cette dernière est intégrée à sa copie locale. Notons ici que le noeud de l'arbre des identifiants n'est pas supprimé suite à cette opération : l'élément associé est supprimé mais le noeud est conservé et devient une pierre tombale. Nous détaillons ci-après le fonctionnement des pierres tombales dans Treedoc.

Les deux noeuds procèdent ensuite à une synchronisation, échangeant leurs opérations respectives. Lorsque A (resp. B) intègre  $ins(\langle 1, d_5 \rangle, L)$  (resp.  $ins(\langle 1, d_4 \rangle, L)$ ), il ajoute cet élément avec son désambiguateur dans noeud de chemin 1, après (resp. avant) l'élément existant (on considère que  $d_4 < d_5$ ).

B intègre ensuite  $ins(1 \oplus \langle 1, d_6 \rangle, O)$ . Il existe cependant une ambiguité sur la position de "O" : cet élément doit-il être placé après l'élément "L" ayant pour identifiant  $\langle 1, d_4 \rangle$ , ou l'élément "L" ayant pour identifiant  $\langle 1, d_5 \rangle$ ? Treedoc résout de manière déterministe cette ambiguité en insérant l'élément en tant qu'enfant droit du noeud 1 et de ses éléments. Ainsi, les noeuds A et B convergent à l'état "HELLO".

Intéressons-nous dorénavant au modèle de livraison requis par Treedoc. Dans [69], les auteurs indiquent reposer sur le modèle de livraison causal. En pratique, nous pouvons néanmoins relaxer le modèle de livraison comme expliqué dans [24]:

Définition 33 (Modèle livraison Treedoc). Le modèle de livraison Treedoc définit que :

- (i) Une opération doit être livrée exactement une fois à chaque noeud.
- (ii) Les opérations *ins* peuvent être livrées dans un ordre quelconque.
- (iii) L'opération rmv(id) ne peut être livrée qu'après la livraison de l'opération d'insertion de l'élément associé à id.

Treedoc souffre néanmoins de plusieurs limites. Tout d'abord, le mécanisme d'identifiants de positions proposé est couplé à la structure d'arbre binaire. Cependant, les utilisateur-rices ont tendance à écrire de manière séquentielle, c.-à-d. dans le sens d'écriture de la langue utilisée. Les nouveaux identifiants forment donc généralement une liste chaînée, qui déséquilibre l'arbre.

Ensuite, comme illustré dans la Figure 2.19, Treedoc doit conserver un noeud de l'arbre des identifiants malgré sa suppression lorsque ce dernier possède des enfants. Ce noeud de l'arbre devient alors une pierre tombale. Comparé à l'approche à pierres tombales, Treedoc a pour avantage que son mécanisme de GC ne repose pas sur la stabilité causale d'opérations. En effet, Treedoc peut supprimer définitivement un noeud de l'arbre binaire des identifiants dès lors que celui-ci est une pierre tombale et une feuille de l'arbre. Ainsi, Treedoc ne nécessite pas de coordination asynchrone avec l'ensemble des noeuds du système pour purger les pierres tombales. Néanmoins, l'évaluation de [69] a montré que les pierres tombales pouvait représenter jusqu'à 95% des noeuds de l'arbre.

Finalement, Treedoc souffre du problème de l'entrelacement d'éléments insérés de manière concurrente, contrairement à ce qui est conjecturé dans [81]. En effet, nous présentons un contre-exemple correspondant dans l'Annexe A.

#### Logoot

En parallèle à Treedoc [69], WEISS et al. [65] proposent Logoot. Ce nouvel CRDT pour Séquence repose sur idée similaire à celle de Treedoc : il associe un identifiant de position, provenant d'un espace dense, à chaque élément de la séquence. Ainsi, ces identifiants ont les mêmes propriétés que celles décrites dans Définition 32.

Les identifiants de position utilisés par Logoot sont spécifiés de manière différente dans [65] et [83]. Dans ce manuscrit, nous nous basons sur la spécification de [83] :

**Définition 34** (Identifiant Logoot). Un identifiant Logoot est une liste de tuples Logoot. Les tuples Logoot sont définis de la manière suivante :

**Définition 34.1** (Tuple Logoot). Un tuple Logoot est un triplet  $\langle pos, nodeId, seq \rangle$  avec

- (i) pos, un entier représentant la position relative du tuple dans l'espace dense,
- (ii) nodeId, l'identifiant du noeud auteur de l'élément,
- (iii) seq, le numéro de séquence courant du noeud auteur de l'élément.

Dans le cadre de cette section, nous nous basons sur cette dernière spécification. Nous utiliserons la notation suivante  $pos^{nodeId}$  seq pour représenter un tuple Logoot. Sans perdre en généralité, nous utiliserons des lettres minuscules comme valeurs pour pos, des lettres majuscules pour nodeId et des entiers naturels pour seq. Par exemple, l'identifiant  $\langle \langle i, A, 1 \rangle \langle f, B, 1 \rangle \rangle$  est représenté par  $i^{A1}f^{B1}$ .

Logoot définit un ordre strict total  $<_{id}$  sur les identifiants de position. Cet ordre lui permet de les ordonner relativement les uns aux autres, et ainsi ordonner les éléments associés. Pour définir  $<_{id}$ , Logoot se base sur l'ordre lexicographique.

**Définition 35** (Relation  $<_{id}$ ). Étant donné deux identifiants  $id = t_1 \oplus t_2 \oplus ... \oplus t_n$  et  $id' = t'_1 \oplus t'_2 \oplus ... \oplus t'_m$ , nous avons :

$$id <_{id} id' \quad iff \quad (n < m \land \forall i \in [1, n] \cdot t_i = t'_i) \lor$$

$$(\exists j \le m \cdot \forall i < j \cdot t_i = t'_i \land t_j <_t t'_j)$$

avec  $<_t$  défini de la manière suivante :

**Définition 35.1** (Relation  $<_t$ ). Étant donné deux tuples  $t = \langle pos, nodeId, seq \rangle$  et  $t' = \langle pos', nodeId', seq' \rangle$ , nous avons :

$$t <_t t'$$
 iff  $(pos < pos') \lor$  
$$(pos = pos' \land nodeId < nodeId') \lor$$
 
$$(pos = pos' \land nodeId = nodeId' \land seq < seq')$$

Logoot spécifie une fonction generateId. Cette fonction permet de générer un nouvel identifiant de position, id, entre deux identifiants donnés, predId et succId, tel que predId < id < succId. Plusieurs algorithmes peuvent être utilisés pour cela. Notamment, [65] présente un algorithme permettant de générer N identifiants de manière aléatoire entre des identifiants predId et succId, mais reposant sur une représentation efficace des tuples en mémoire. Par souci de simplicité, nous présentons dans Algorithme 1 un algorithme naïf pour generateId.

## Algorithme 1 Algorithme de génération d'un nouvel identifiant

```
1: function GENERATEID(predId \in \mathbb{I}, succId \in \mathbb{I}, nodeId \in \mathbb{N}, seq \in \mathbb{N}^*)
                                                                                                              \triangleright precondition: predId <_{id} succId
           if \operatorname{succId} = \operatorname{predId} \oplus \langle \operatorname{pos}_i, \operatorname{nodeId}_i, \operatorname{seq}_i \rangle \oplus \dots then
 2:
                                                                                                                         > predId is a prefix of succId
 3:
                 pos \leftarrow random \in ] \perp_{\mathbb{N}}, pos_i[
                 id \leftarrow predId \oplus (pos, nodeId, seq)
 4:
           else if predId = common \oplus \langle pos_i, nodeId_i, seq_i \rangle \oplus ... \wedge
 5:
                        \operatorname{succId} = \operatorname{common} \oplus \langle \operatorname{pos}_i, \operatorname{nodeId}_i, \operatorname{seq}_i \rangle \oplus \dots \wedge
                        pos_i - pos_i \le 1
                                                                                           ▷ Not enough space between predId and succId
                                                                                                              > to insert new id with same length
                                                                                                                              > common may be empty
 6:
                 pos \leftarrow random \in [pos_{i+1}, T_{\mathbb{N}}]
 7:
                 id \leftarrow common \oplus (pos_i, nodeId_i, seq_i) \oplus (pos, nodeId, seq)
 8:
                                                                                            \triangleright predId = common \oplus \langle pos_i, nodeId_i, seq_i \rangle \oplus ... \land
                                                                                           \triangleright succId = common \oplus \langle pos_j, nodeId_j, seq_j \rangle \oplus ... \wedge
                                                                                                                                             \triangleright pos_i - pos_i > 1
                                                                                                                               9:
                 pos \leftarrow random \in ]pos_i, pos_i[
10:
                 id \leftarrow common \oplus (pos, nodeId, seq)
11:
            end if
12:
            return id
                                                                                                  \triangleright postcondition: predId <_{id} id <_{id} succId
13: end function
```

Pour illustrer cet algorithme, considérons son exécution avec :

- (i) predId = e<sup>A1</sup>, nextId = m<sup>B1</sup>, nodeId = C et seq = 1. generateId commence par déterminer où fini le préfixe commun entre les deux identifiants. Dans cet exemple, predId et succId n'ont aucun préfixe commun, c.-à-d. common = Ø. generateId compare donc les valeurs de pos de leur premier tuple respectifs, c.-à-d. e et m, pour déterminer si un nouvel identifiant de taille 1 peut être inséré dans cet intervalle. S'agissant du cas ici, generateId choisit une valeur aléatoire dans ]e, m[, e.g. l, et renvoie un identifiant composé de cette valeur pour pos et avec les valeurs de nodeId et seq, c.-à-d. id = l<sup>C1</sup> (lignes 8-10).
- (ii)  $predId = i^{A1}f^{A2}$ ,  $succId = i^{A1}g^{B1}$ , nodeId = C et seq = 1. De manière similaire à précédemment, generateId détermine le préfixe commun entre predId et succId. Ici,  $common = i^{A1}$ . generateId compare ensuite les valeurs de pos de leur second tuple respectifs, c.-à-d. f et g, pour déterminer si un nouvel identifiant de taille 2 peut être inséré dans cet intervalle. Ce n'est point le cas ici, generateId doit donc

recopier le second tuple de predId pour former id et y concaténer un nouveau tuple. Pour générer ce nouveau tuple, generateId choisit une valeur aléatoire entre la valeur de pos du troisième tuple de predId et la valeur maximale notée  $T_{\mathbb{N}}$ . predId n'ayant pas de troisième tuple, generateId utilise la valeur minimale pour pos,  $L_{\mathbb{N}}$ . generateId choisit donc une valeur aléatoire dans  $]L_{\mathbb{N}}, T_{\mathbb{N}}]^{16}$ , e.g. m, et renvoie un identifiant composé du préfixe commun, du tuple suivant de predId et d'un tuple formé à partir de cette valeur pour pos et avec les valeurs de nodeId et seq, c.-à-d.  $id = i^{A1} f^{A2} m^{C1}$  (lignes 5-7).

Comme pour Treedoc, l'utilisation d'identifiants de position permet de redéfinir les modifications :

- (i) ins(pred < elt < succ) devient alors ins(id, elt), avec  $predId <_{id} id <_{id} succId$ .
- (ii) rmv(elt) devient rmv(id).

Les auteurs proposent ainsi une séquence répliquée avec des opérations commutatives. Nous illustrons cela à l'aide de la Figure 2.20.

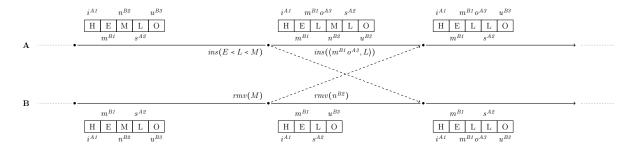


FIGURE 2.20 – Modifications concurrentes d'une séquence répliquée Logoot

Dans cet exemple, deux noeuds A et B partagent et éditent collaborativement une séquence répliquée Logoot. Les deux noeuds possèdent le même état initial : une séquence contenant les éléments "HEMLO", avec leur identifiants respectifs.

Le noeud A insère l'élément "L" entre les éléments "E" et "M", c.-à-d. ins(E < L < M). Logoot doit alors associer à cet élément un identifiant id tel que  $m^{B1} < id < n^{B2}$ . Dans cet exemple, Logoot choisit l'identifiant  $m^{B1} o^{A3}$ . L'opération correspondante à l'insertion,  $ins(m^{B1} o^{A3}, L)$ , est générée, intégrée à la copie locale et diffusée.

En concurrence, le noeud B supprime l'élément "M" de la séquence. Logoot retrouve l'identifiant de cet élément,  $n^{B2}$  et produit l'opération  $rmv(n^{B2})$ . Cette dernière est intégrée à sa copie locale et diffusée.

À la réception de l'opération  $rmv(n^{B2})$ , le noeud A parcourt sa copie locale. Il identifie l'élément possèdant cet identifiant, "M", et le supprime de sa séquence. De son côté, le noeud B reçoit l'opération  $ins(m^{B1} o^{A3}, L)$ . Il parcourt sa copie locale jusqu'à trouver un identifiant supérieur à celui de l'opération :  $s^{B2}$ . Il insère alors l'élément reçu avant ce dernier. Les noeuds convergent alors à l'état "HELLO".

<sup>16.</sup> Il est important d'exclure  $\perp_{\mathbb{N}}$  des valeurs possibles pour *pos* du dernier tuple d'un identifiant id afin de garantir que l'espace reste dense, notamment pour garantir qu'un noeud sera toujours en mesure de générer un nouvel identifiant id' tel que  $id' <_{id} id$ .

Concernant le modèle de livraison de Logoot, [65] indique se reposer sur le modèle de livraison causal. Nous constatons cependant que nous pouvons proposer un modèle de livraison moins contraint :

Définition 36 (Modèle livraison Logoot). Le modèle de livraison Logoot définit que :

- (i) Une opération doit être livrée exactement une fois à chaque noeud.
- (ii) Les opérations ins peuvent être livrées dans un ordre quelconque.
- (iii) L'opération rmv(id) ne peut être livrée qu'après la livraison de l'opération d'insertion de l'élément associé à id.

Ainsi, Logoot peut adopter le même modèle de livraison que Treedoc, comme indiqué dans [24].

En contrepartie, Logoot souffre d'un problème de croissance de la taille des identifiants. Comme mis en lumière dans la Figure 2.20, Logoot génère des identifiants composés de plus en plus de tuples au fur et à mesure que l'espace des identifiants pour une taille donnée se sature. La croissance des identifiants a cependant plusieurs impacts négatifs :

- (i) Les identifiants sont stockés au sein de la séquence répliquée. Leur croissance augmente donc le surcoût en métadonnées du CRDT.
- (ii) Les identifiants sont diffusés sur le réseau par le biais des opérations. Leur croissance augmente donc le surcoût en bande-passante du CRDT.
- (iii) Les identifiants sont comparés entre eux lors de l'intégration des opérations. Leur croissance augmente donc le surcoût en calculs du CRDT.

Un objectif de l'algorithme generateId est donc de limiter le plus possible la vitesse de croissance des identifiants.

Plusieurs extensions furent proposées pour Logoot. WEISS et al. [83] proposent une nouvelle stratégie d'allocation des identifiants pour generateId. Cette stratégie consiste à limiter la distance entre deux identifiants insérés au cours de la même modification ins, au lieu des les répartir de manière aléatoire entre predId et succId. Ceci permet de regrouper les identifiants des éléments insérés par une même modification et de laisser plus d'espace pour les insertions suivantes. Les expérimentations présentées montrent que cette stratégie permet de ralentir la croissance des identifiants en fonction du nombre d'insertions. Ce résultat est confirmé par la suite dans [72]. Ainsi, en réduisant la vitesse de croissance des identifiants, ce nouvel algorithme permet de réduire le surcoût en métadonnées, calculs et bande-passante du CRDT.

Toujours dans [83], les auteurs introduisent *Logoot-Undo*, une version de Logoot dotée d'un mécanisme d'undo. Ce mécanisme prend la forme d'une nouvelle modification, *undo*, qui permet d'annuler l'effet d'une ou plusieurs modifications passées. Cette modification, et l'opération en résultant, est spécifiée de manière à être commutative avec toutes autres opérations concurrentes, c.-à-d. *ins*, *rmv* et *undo* elle-même.

Pour définir *undo*, une notion de *degrée de visibilité* d'un élément est introduite. Elle permet à Logoot-Undo de déterminer si l'élément doit être affiché ou non. Pour cela, Logoot-Undo maintient une structure auxiliaire, le *Cimetière*, qui référence les identifiants

des éléments dont le degrée est inférieur à  $0^{17}$ . Ainsi, Logoot-Undo ne référence qu'un nombre réduit de pierres tombales. Qui plus est, ces pierres tombales sont stockées en dehors de la structure représentant la séquence et n'impactent donc pas les performances des modifications ultérieures.

De plus, il convient de noter que l'ajout du degrée de visibilité des éléments permet de rendre commutatives l'opération *ins* avec l'opération *rmv* d'un même élément. Ainsi, Logoot-Undo ne nécessite pour son modèle de livraison qu'une *livraison en exactement un exemplaire à chaque noeud*.

Finalement, André et al. [23] introduisent *LogootSplit*. Reprenant les idées introduites par [80], ce travail présente un mécanisme d'aggrégation dynamiques des élements en blocs. Ceci permet de réduire la granularité des éléments stockés dans la séquence, et ainsi de réduire le surcoût en métadonnées, calculs et bande-passante du CRDT. Nous utilisons ce CRDT pour séquence comme base pour les travaux présentés dans ce manuscrit. Nous dédions donc la section 2.4 à sa présentation en détails.

## 2.3.3 Synthèse

Depuis l'introduction des CRDTs, deux approches différentes pour la résolution de conflits ont été proposées pour le type Séquence : l'approche basée sur des pierres tombales et l'approche basée à identifiants densément ordonnés. Chacune de ces approches visent à permettre l'édition concurrente tout en minimisant le surcoût du type répliqué, que ce soit d'un point de vue métadonnées, calculs et bande-passante. Au fil des années, chacune de ces approches a été raffinée avec de nouveaux CRDTs de plus en plus en efficaces.

Cependant, une faiblesse de la littérature est à notre sens le couplage entre mécanismes de résolution de conflits et choix d'implémentations : plusieurs travaux [69, 65, 23, 79] ne séparent pas l'approche proposée pour rendre les modifications concurrentes commutatives des structures de données et algorithmes choisis pour représenter et manipuler la séquence et les identifiants, e.g. tableau dynamique, liste chaînée, liste chaînée + table de hachage + arbre binaire de recherche... Il en découle que les évaluations proposées par la communautée comparent au final des efforts d'implémentations plutôt que les approches elles-mêmes. En conséquence, la littérature ne permet pas d'établir la supériorité d'une approche sur l'autre.

Nous conjecturons que le surcoût des pierres tombales et le surcoût des identifiants densément ordonnés ne sont que les facettes d'une même pièce, c.-à-d. le surcoût inhérent à un mécanisme de résolution de conflits pour séquence répliquée. Ce surcoût s'exprime sous la forme de compromis différents selon l'approche choisie. Nous proposons donc une comparaison de ces approches se focalisant sur leurs différences pour indiquer plus clairement le compromis que chacune d'entre elle propose.

La principale différence entre les deux approches porte sur les identifiants. Chaque approche repose sur des identifiants attachés aux éléments, mais leurs rôles et utilisations diffèrent :

(i) Dans l'approche à pierres tombales, les identifiants servent à référencer de manière

<sup>17.</sup> Nous pouvons dès lors inférer le degrée des identifiants restants en fonction de s'ils se trouvent dans la séquence (1) ou s'ils sont absents à la fois de la séquence et du cimetière (0).

unique et immuable les éléments, c.-à-d. de manière indépendante de leur index courant. Ils sont aussi utilisés pour ordonner les éléments insérés de manière concurrente à une même position.

(ii) Dans l'approche à identifiants densément ordonnés, les identifiants incarnent les positions uniques et immuables des éléments dans un espace dense, avec l'ordre entre les positions des éléments dans cet espace qui correspond avec l'intention des insertions effectuées.

Ainsi, les contraintes qui pèsent sur les identifiants sont différentes. Nous les présentons ci-dessous.

**Définition 37** (Propriétés des identifiants dans approche à pierres tombales). Les propriétés que doivent respecter les identifiants dans l'approche à pierres tombales sont les suivantes :

- (i) Chaque identifiant est attribué à un élément de la séquence.
- (ii) Aucune paire d'éléments ne partage le même identifiant.
- (iii) L'identifiant d'un élément est immuable.
- (iv) Il existe un ordre total strict sur les identifiants,  $<_{id}$ , qui permet d'ordonner les éléments insérés en concurrence à une même position.

**Définition 38** (Propriétés des identifiants dans approche à identifiants densément ordonnés). Les propriétés que doivent respecter les identifiants dans l'approche à identifiants densément ordonnés sont les suivantes :

- (i) Chaque identifiant est attribué à un élément de la séquence.
- (ii) Aucune paire d'éléments ne partage le même identifiant.
- (iii) L'identifiant d'un élément est immuable.
- (iv) Il existe un ordre total strict sur les identifiants,  $<_{id}$ , qui permet d'ordonner les éléments insérés dans la séquence de manière cohérente avec l'ordre souhaité.
- (v) Les identifiants sont tirés d'un ensemble dense.

Les identifiants des deux approches partagent donc les propriétés (i), (ii) et (iii).

Pour respecter les propriétés (i) et (ii), les CRDTs reposent généralement sur des dots (cf. Définition 24, page 34). Ainsi, un couple de taille fixe,  $\langle nodeId, seq \rangle$ , permet de respecter la contrainte d'unicité des identifiants.

Le rôle des identifiants diffère entre les approches au niveau des propriétés (iv) et (v) : les identifiants dans l'approche à pierres tombales doivent permettre d'ordonner un élément par rapport aux éléments insérés en concurrence uniquement, tandis que ceux de la seconde approche doivent permettre d'ordonner un élément par rapport à l'ensemble des éléments insérés. Cette nuance se traduit dans la structure des identifiants, notamment leur taille.

Pour ordonner un identifiant par rapport à ceux générés en concurrence, l'approche à pierres tombales peut définir une relation d'ordre total strict sur leur dot respectif, e.g. en se basant sur l'ordre lexicographique. Un élément tiers peut y être ajouté si nécessaire,

e.g. RGA et son horloge de Lamport [35]. Ainsi, les identifiants de cette approche peuvent être définis tout en ayant une taille fixe, c.-à-d. un nombre de composants fixe.

D'après (iv), l'approche à identifiants densément ordonnés doit elle définir une relation d'ordre total strict sur l'ensemble de ses identifiants. Il en découle qu'elle doit aussi permettre de générer un nouvel identifiant de position entre deux autres, c.-à-d. la propriété (v). Ainsi, cette propriété requiert de l'ensemble des identifiants d'émuler l'ensemble des réels. La précision étant finie en informatique, la seule approche proposée à notre connaissance pour répondre à ce besoin consiste à permettre à la taille des identifiants de varier et de baser la relation d'ordre  $<_{id}$  sur l'ordre lexicographique.

L'augmentation non-bornée de la taille des identifiants se répercute sur plusieurs aspects du surcoût de l'approche à identifiants densément ordonnés :

- (i) Les métadonnées attachées par élément, c.-à-d. le surcoût mémoire.
- (ii) Les métadonnées transmises par message, les identifiants étant intégrés dans les opérations, c.-à-d. le surcoût en bande-passante.
- (iii) Le nombre de comparaisons effectuées lors d'une recherche ou manipulation de la séquence, les identifiants étant comparés pour déterminer où trouver ou placer un élément, c.-à-d. le surcoût en calculs.

En contrepartie, les identifiants densément ordonnés permettent l'intégration chaque élément de manière indépendante des autres. Les identifiants de l'approche à pierres tombales, eux, n'offrent pas cette possibilité puisque la relation d'ordre associée,  $<_{id}$ , ne correspond pas à l'ordre souhaité des éléments. Pour respecter cet ordre souhaité, l'approche à pierres tombales repose sur l'utilisation du prédecesseur et/ou successeur du nouvel élément inséré. Ce mécanisme implique la nécessité de conserver des pierres tombales dans la séquence, tant qu'elles peuvent être utilisées par une opération encore inconnue, c.-à-d. tant que l'opération de suppression correspondante n'est pas causalement stable.

La présence de pierres tombales dans la séquence impacte aussi plusieurs aspects du surcoût de l'approche à pierres tombales :

- (i) Les métadonnées de la séquence ne dépendent pas de son nombre courant d'éléments, mais du nombre d'insertions effectuées, c.-à-d. le surcoût mémoire.
- (ii) Le nombre de comparaisons effectuées lors d'une recherche ou manipulation de la séquence, les identifiants des pierres tombales étant aussi comparés lors de la recherche ou insertion d'un élément, c.-à-d. le surcoût en calculs.

Pour compléter notre étude de ces approches, intéressons nous au modèle de livraison requis par ces dernières. Contrairement à ce qui peut être conjecturé après une lecture de la littérature, nous notons qu'aucune de ces approches ne requiert de manière intrinsèque une livraison causale de ses opérations. Ces deux approches sont donc adaptées aux systèmes distribués P2P.

Finalement, nous notons que l'ensemble des CRDTs pour Séquence proposés souffrent du problème de l'entrelacement présenté dans [81]. Nous conjecturons cependant que les CRDTs pour Séquence à pierres tombales sont moins sujets à ce problème. En effet, dans cette approche, l'algorithme d'intégration des nouveaux éléments repose généralement sur l'élément précédent. Ainsi, une séquence d'insertions séquentielles produit une

sous-chaîne d'éléments. L'algorithme d'intégration permet ensuite d'intégrer sans entrelacement de telles sous-chaînes générées en concurrence, e.g. dans le cadre de sessions de travail asynchrones. Cependant, il s'agit d'une garantie offerte par l'approche à pierres tombales dont nous ne retrouvons pas d'équivalent dans l'approche à identifiants densément ordonnés. Pour confirmer notre conjecture et évaluer son impact sur l'expérience utilisateur, il conviendrait de mener un ensemble d'expériences utilisateurs dans la lignée de [72, 84, 85].

Nous récapitulons cette discussion dans le Tableau 2.2.

Table 2.2 – Récapitulatif comparatif des différents approches pour CRDTs pour Séquence

	Pierres tombales	Identifiants densément ordonnés
Performances en fct. de la taille de la séq.	Х	×
Identifiants de taille fixe	✓	×
Taille des messages fixe	✓	×
Eléments réellement supprimés de la séq.	X	✓
Livraison causale non-nécessaire	✓	✓
Sujet à l'entrelacement	✓	✓

Pour la suite de ce manuscrit, nous prenons LogootSplit comme base de travail. Nous détaillons donc son fonctionnement dans la section suivante.

# 2.4 LogootSplit

LogootSplit [23] est l'état de l'art des séquences répliquées à identifiants densément ordonnés. Son intuition est de proposer un mécanisme permettant d'aggréger de manière dynamique des éléments en blocs d'élements. Ce mécanisme permet de factoriser les métadonnées des éléments aggrégés et de réduire la granularité de la séquence, réduisant ainsi le surcoût en métadonnées, calculs et bande-passante.

#### 2.4.1 Identifiants

Pour ce faire, LogootSplit associe aux éléments des identifiants définis de la manière suivante :

**Définition 39** (Identifiant LogootSplit). Un identifiant LogootSplit est une liste de tuples LogootSplit. Les tuples LogootSplit sont définis de la manière suivante :

**Définition 39.1** (Tuple LogootSplit). Un tuple LogootSplit est un quadruplet  $\langle pos, nodeId, seq, offset \rangle$  avec :

- (i) pos, un entier représentant la position relative du tuple dans l'espace dense,
- (ii) nodeId, l'identifiant du noeud auteur de l'élément,
- (iii) seq, le numéro de séquence courant du noeud auteur de l'élément.
- (iv) offset, la position de l'élément au sein d'un bloc. Nous reviendrons plus en détails sur ce composant dans la sous-section 2.4.2.

Dans ce manuscrit, nous représentons les tuples LogootSplit par le biais de la notation suivante :  $position_{offset}^{nodeSeq}$ . Sans perdre en généralité, nous utiliserons des lettres minuscules comme valeurs pour pos, des lettres majuscules pour nodeId et des entiers naturels pour seq et offset. Par exemple, nous représentons l'identifiant  $\langle \langle i, A, 1, 1 \rangle \langle f, B, 1, 1 \rangle \rangle$  par  $i_t^{AI} f_t^{BI}$ .

LogootSplit utilise les identifiants de position pour ordonner relativement les éléments les uns par rapport aux autres. LogootSplit définit une relation d'ordre strict total sur les identifiants :  $<_{id}$ . Cette relation repose sur l'ordre lexicographique.

**Définition 40** (Relation  $<_{id}$ ). Étant donné deux identifiants  $id = t_1 \oplus t_2 \oplus ... \oplus t_n$  et  $id' = t'_1 \oplus t'_2 \oplus ... \oplus t'_m$ , nous avons :

$$id <_{id} id'$$
 iff  $(n < m \land \forall i \in [1, n] \cdot t_i = t'_i) \lor$   
 $(\exists j \le m \cdot \forall i < j \cdot t_i = t'_i \land t_j <_t t'_j)$ 

avec  $<_t$  défini de la manière suivante :

**Définition 40.1** (Relation  $<_t$ ). Étant donné deux tuples  $t = \langle pos, nodeId, seq, offset \rangle$  et  $t' = \langle pos', nodeId', seq', offset' \rangle$ , nous avons :

$$t <_t t'$$
 iff  $(pos < pos') \lor$   
 $(pos = pos' \land nodeId < nodeId') \lor$   
 $(pos = pos' \land nodeId = nodeId' \land seq < seq')$   
 $(pos = pos' \land nodeId = nodeId' \land seq = seq' \land offset = offset')$ 

Par exemple, nous avons:

- (i)  $i_1^{A1} <_{id} i_1^{B1}$  car le tuple composant le premier est inférieur au tuple composant le second, c.-à-d.  $i_0^{A1} <_t i_0^{B0}$ .
- (ii)  $i_{\theta}^{B\theta} <_{id} i_{\theta}^{B\theta} f_{\theta}^{A\theta}$  car le premier est un préfixe du second.

Il est intéressant de noter que le triplet  $\langle nodeId, seq, offset \rangle$  du dernier tuple d'un identifiant permet de l'identifier de manière unique.

# 2.4.2 Aggrégation dynamique d'élements en blocs

Afin de réduire le surcoût de la séquence, LogootSplit propose d'aggréger de façon dynamique les éléments et leur identifiants dans des blocs. Pour cela, LogootSplit introduit la notion d'intervalle d'identifiants :

**Définition 41** (Intervalle d'identifiants). Un intervalle d'identifiants est un couple  $\langle idBegin, offsetEnd \rangle$  avec :

- (i) *idBeqin*, l'identifiant du premier élément de l'interval.
- (ii) offsetEnd, l'offset du dernier identifiant de l'interval.

Les intervalles d'identifiants permettent à LogootSplit d'assigner logiquement un identifiant à un ensemble d'éléments, tout en ne stockant de manière effective que l'identifiant de son premier élément et le dernier offset de son dernier élément.

LogootSplit regroupe les éléments avec des identifiants contiqus dans un intervalle.

**Définition 42** (Identifiants contigus). Deux identifiants sont contigus si et seulement si les deux identifiants sont identiques à l'exception de leur dernier offset et que leur derniers offsets sont consécutifs.

De manière plus formelle, étant donné deux identifiants  $id = t_1 \oplus t_2 \oplus ... \oplus t_{n-1} \oplus \langle pos, nodeId, seq, offset \rangle$  et  $id' = t'_1 \oplus t'_2 \oplus ... \oplus t'_{n-1} \oplus \langle pos', nodeId', seq', offset' \rangle$ , nous avons :

$$contigus(id, id')$$
 iff  $(\forall i \in [1, n[\cdot t_i = t'_i) \land (pos = pos' \land nodeId = nodeId' \land seq = seq') \land (offset + 1 = offset' \lor offset - 1 = offset')$ 

Nous représentons un intervalle d'identifiants à l'aide du formalisme suivant :  $position_{begin..end}^{node Seq}$  où begin est l'offset du premier identifiant de l'intervalle et end du dernier.

dernier. LogootSplit utilise une structure de données pour associer un intervalle d'identifiants aux éléments correspondants : les blocs.

**Définition 43** (Bloc). Un bloc est un triplet (idInterval, elts, isAppendable) avec :

- (i) idInterval, l'intervalle d'identifiants associés au bloc.
- (ii) elts, les éléments contenus dans le bloc.
- (iii) isAppendable, un booléen indiquant si l'auteur du bloc peut ajouter de nouveaux éléments en fin de bloc  $^{18}$ .

Nous représentons un exemple de séquence LogootSplit dans la Figure 2.21. Dans la Figure 2.21a, les identifiants  $i_1^{B1}$ ,  $i_2^{B1}$  et  $i_3^{B1}$  forment une chaîne d'identifiants contigus. LogootSplit est donc capable de regrouper ces éléments en un bloc représentant l'intervalle d'identifiants  $i_{1...3}^{B1}$  pour minimiser les métadonnées stockées, comme illustré dans la Figure 2.21b.



(a) Éléments avec leur identifiant correspondant

(b) Éléments regroupés en un bloc

FIGURE 2.21 – Représentation d'une séquence LogootSplit contenant les éléments "HLO"

Cette fonctionnalité permet d'améliorer les performances de la structure de données sur plusieurs aspects :

- (i) Elle réduit le nombre d'identifiants stockés au sein de la structure de données. En effet, les identifiants sont désormais conservés à l'échelle des blocs plutôt qu'à l'échelle de chaque élément. Ceci permet de réduire le surcoût en métadonnées du CRDT.
- (ii) L'utilisation de blocs comme niveau de granularité, en lieu et place des éléments, permet de réduire la complexité en temps des manipulations de la structure de données.

<sup>18.</sup> De manière similaire, il est possible de permettre à l'auteur du bloc d'ajouter de nouveaux éléments en début de bloc à l'aide d'un booléen *isPrependable*. Cette fonctionnalité est cependant incompatible avec le mécanisme que nous proposons dans le ??. Nous faisons donc le choix de la retirer.

(iii) L'utilisation de blocs permet aussi d'effectuer des modifications à l'échelle de plusieurs éléments, et non plus un par un seulement. Ceci permet de réduire la taille des messages diffusés sur le réseau.

Il est intéressant de noter que la paire  $\langle nodeId, seq \rangle$  du dernier tuple d'un identifiant permet d'identifier de manière unique la partie commune des identifiants de l'intervalle d'identifiants auquel il appartient. Ainsi, nous pouvons identifier de manière unique un intervalle d'identifiants avec le quadruplet  $\langle nodeId, seq, offsetBegin, offsetEnd \rangle$ . Par exemple, l'intervalle d'identifiants  $i_2^{BI}f_{2...4}^{AI}$  peut être référencé à l'aide du quadruplet  $\langle A, 1, 2, 4 \rangle$ .

#### 2.4.3 Modèle de données

En nous basant sur André et al. [23], nous proposons une définition du modèle de données de LogootSplit dans la Figure 2.22 :

```
payload
S \in Seg(IdInterval, Arr(E), Bool)
constructor
                                                                                                                        \longrightarrow S
emp
                                                                  :
prepare
                                                                  : S \times \mathbb{N} \times Arr\langle E \rangle \times \mathbb{I} \times \mathbb{N}^* \longrightarrow Id \times Arr\langle E \rangle
ins
                                                                                                                       \longrightarrow Arr\langle IdInterval \rangle
                                                                  : S \times \mathbb{N} \times \mathbb{N}
rmv
effect
                                                                  : S \times Id \times Arr(E)
ins
                                                                  : S \times Arr\langle IdInterval \rangle
rmv
queries
len
                                                                                                                       \longrightarrow Arr\langle E \rangle
rd
```

FIGURE 2.22 – Spécification algébrique du type abstrait LogootSplit

Une séquence LogootSplit est une séquence de blocs. Concernant les modifications définies sur le type, nous nous inspirons de [43] et les séparons en deux étapes :

- (i) **prepare**, l'étape qui consiste à générer l'opération correspondant à la modification à partir de l'état courant et de ses éventuels paramètres. Cette étape ne modifie pas l'état.
- (ii) **effect**, l'étape qui consiste à intégrer l'effet d'une opération générée précédemment, par le noeud lui-même ou un autre. Cette étape met à jour l'état à partir des données fournies par l'opération.

La séquence LogootSplit autorise deux types de modifications :

- (i) ins(s, i, elts, nodeId, seq), qui génère l'opération permettant d'insérer les éléments elts dans la séquence s à l'index i. Cette fonction génère et associe un intervalle d'identifiants aux éléments à insérer en utilisant les valeurs pour nodeId et seq fournies. Elle retourne les données nécessaires pour l'opération ins, c.-à-d. le premier identifiant de l'intervalle d'identifiants alloué et les éléments. Par soucis de simplicité, nous noterons cette modification ins(pred < elts < succ) et utiliserons l'état courant de la séquence comme valeur pour s, l'identifiant du noeud auteur de la modification comme valeur pour nodeId et le nombre de blocs que le noeud a créé comme valeur pour seq dans nos exemples.
- (ii) rmv(s, i, nbElts), qui génère l'opération permettant de supprimer nbElts dans la séquence s à partir de l'index i. Elle retourne les données nécessaires pour l'opération rmv, c.-à-d. les intervalles d'identifiants supprimés. Par soucis de simplicité, nous noterons cette modifications rmv(elts) dans nos exemples.

Nous présentons dans la Figure 2.23 un exemple d'utilisation de cette séquence répliquée.

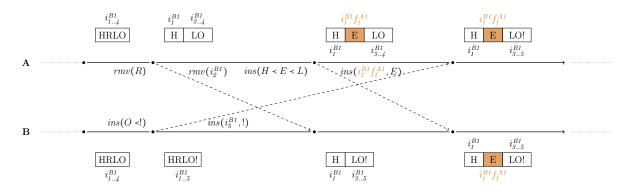


FIGURE 2.23 – Modifications concurrentes d'une séquence répliquée LogootSplit

Dans cet exemple, deux noeuds A et B répliquent et éditent collaborativement un document texte en utilisant LogootSplit. Ils partagent initialement le même état : une séquence composée d'un seul bloc associant les identifiants  $i_{1..4}^{B1}$  aux éléments "HRLO". Les noeuds se mettent ensuite à éditer le document.

Le noeud A commence par supprimer l'élément "R" de la séquence. LogootSplit génère l'opération rmv correspondante en utilisant l'identifiant de l'élément supprimé :  $i_2^{B1}$ . Cette opération est intégrée à sa copie locale et envoyée au noeud B pour qu'il intègre cette modification à son tour.

Le noeud A insère ensuite l'élément "E" dans la séquence entre les éléments "H" et "L". Le noeud A doit alors générer un identifiant id à associer à ce nouvel élément respectant la contrainte suivante :

$$i_1^{B1} <_{id} id <_{id} i_3^{B1}$$

L'espace des identifiants de taille 1 étant saturé entre ces deux identifiants, A génère id en reprenant le premier tuple de l'identifiant du prédecesseur et en y concaténant un nouveau tuple :  $id = i_I^{B1} \oplus f_I^{A1}$ . LogootSplit génère l'opération ins correspondante,

indiquant l'élément à insérer et sa position grâce à son identifiant. Il intègre cette opération et la diffuse sur le réseau.

En parallèle, le noeud B insère l'élément "!" en fin de la séquence. Comme le noeud B est l'auteur du bloc  $i_{1..4}^{B1}$ , il peut y ajouter de nouveaux éléments. B associe donc l'identifiant  $i_5^{B1}$  à l'élément "!" pour l'ajouter au bloc existant. Il génère l'opération ins correspondante, l'intègre puis la diffuse.

Les noeuds se synchronisent ensuite. Le noeud A reçoit l'opération  $ins(i_5^{B1}, L)$ . Le noeud A détermine que cet élément doit être inséré à la fin de la séquence, puisque  $i_4^{B1} <_{id} i_5^{B1}$ . Ces deux identifiants étant contigus, il ajoute cet élément au bloc existant.

De son côté, le noeud B reçoit tout d'abord l'opération  $rmv(i_2^{B1})$ . Le noeud B supprime donc l'élément correspondant de son état, "R".

Il reçoit ensuite l'opération  $ins(i_1^{B1}f_1^{A1}, E)$ . Le noeud B insère cet élément entre les éléments "H" et "L", puisqu'on a :

$$i_1^{B1} <_{id} i_1^{B1} f_1^{A1} <_{id} i_3^{B1}$$

L'intention de chaque noeud est donc préservée et les copies convergent.

#### 2.4.4 Modèle de livraison

Afin de garantir son bon fonctionnement, LogootSplit doit être associé à une couche de livraison de messages. Cette couche de livraison doit respecter un modèle de livraison adapté, c.-à-d. offrir des garanties sur l'ordre de livraison des opérations. Dans cette section, nous présentons des exemples d'exécutions en l'absence de modèle de livraison pour illustrer la nécessité de ces différentes garanties.

#### Livraison des opérations en exactement un exemplaire

Ce premier exemple, représenté par la Figure 2.24, a pour but d'illustrer la nécessité de la propriété de livraison en *exactement un exemplaire* des opérations.

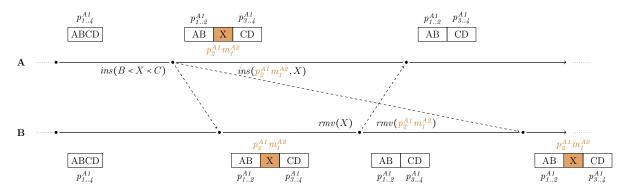


FIGURE 2.24 – Résurgence d'un élément supprimé suite à la relivraison de son opération ins

Dans cet exemple, deux noeuds A et B répliquent et éditent collaborativement une séquence. La séquence répliquée contient initialement les éléments "ABCD", qui sont associés à l'intervalle d'identifiants  $p_{I..d}^{AI}$ .

Le noeud A commence par insérer l'élément "X" dans la séquence entre les éléments "B" et "C". A intègre l'opération résultante,  $ins(p_2^{A1}m_1^{A2}, X)$  puis la diffuse au noeud B.

À la réception de l'opération *ins*, le noeud B l'intègre à son état. Puis il supprime dans la foulée l'élément "X" nouvellement inséré. B intègre l'opération  $rmv(p_2^{AI}m_I^{A2})$  puis l'envoie au noeud A.

Le noeud A intègre l'opération rmv, ce qui a pour effet de supprimer l'élément "X" associé à l'identifiant  $p_2^{AI}m_1^{A2}$ . Il obtient alors un état équivalent à celui du noeud B.

Cependant, l'opération ins insérant l'élément "X" à la position  $p_2^{A1}m_1^{A2}$  est de nouveau envoyée au noeud B. De multiples raisons peuvent être à l'origine de ce nouvel envoi : perte du message d'acknowledgment, utilisation d'un protocole de diffusion épidémique des messages, déclenchement du mécanisme d'anti-entropie en concurrence... Le noeud B ré-intègre alors l'opération ins, ce qui fait revenir l'élément "X" et l'identifiant associé. L'état du noeud B diverge désormais de celui-ci du noeud A.

Pour se prémunir de ce type de scénarios, LogootSplit requiert que la couche de livraison des messages assure une livraison en exactement un exemplaire des opérations. Cette contrainte permet d'éviter que d'anciens éléments et identifiants ressurgissent après leur suppression chez certains noeuds uniquement à cause d'une livraison multiple de l'opération *ins* correspondante.

### Livraison de l'opération rmv après les opérations ins correspondantes

La Figure 2.25 présente un second exemple illustrant la nécessité de la contrainte de livraison d'une opération rmv qu'après la livraison des opérations ins correspondantes.

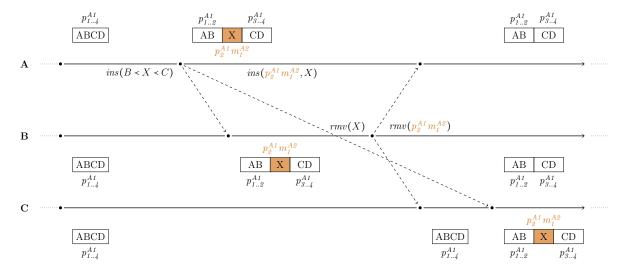


FIGURE 2.25 – Non-effet de l'opération rmv car reçue avant l'opération ins correspondante

Dans cet exemple, trois noeuds A, B et C répliquent et éditent collaborativement une séquence. La séquence répliquée contient initialement les éléments "ABCD", qui sont associés à l'intervalle d'identifiants  $p_{1..4}^{A1}$ .

Le noeud A commence par insérer l'élément "X" dans la séquence entre les éléments "B" et "C". A intègre l'opération résultante,  $ins(p_2^{A1}m_1^{A2}, X)$  puis la diffuse.

À la réception de l'opération ins, le noeud B l'intègre à son état. Puis il supprime dans la foulée l'élément "X" nouvellement inséré. B intègre l'opération  $rmv(p_2^{A1}m_1^{A2})$  puis la diffuse.

Toutefois, suite à un aléa du réseau, l'opération rmv supprimant l'élément "X" est reçue par le noeud C en première. Ainsi, le noeud C intègre cette opération : il parcourt son état à la recherche de l'élément "X" pour le supprimer. Celui-ci n'est pas présent dans son état courant, l'intégration de l'opération s'achève sans effectuer de modification.

Le noeud C reçoit ensuite l'opération *ins*. Le noeud C intègre ce nouvel élément dans la séquence en utilisant son identifiant.

Nous constatons alors que l'état à terme du noeud C diverge de celui des noeuds A et B, et cela malgré que les noeuds A, B et C aient intégré le même ensemble d'opérations. Ce résultat transgresse la propriété Cohérence forte à terme (SEC) que doivent assurer les CRDTs. Afin d'empêcher ce scénario de se produire, LogootSplit impose donc la livraison causale des opérations rmv par rapport aux opérations ins correspondantes.

#### Définition du modèle de livraison

Pour résumer, la couche de livraison des opérations associée à LogootSplit doit respecter le modèle de livraison suivant :

**Définition 44** (Modèle de livraison LogootSplit). Le modèle de livraison LogootSplit définit que :

- (i) Une opération doit être livrée exactement une fois à chaque noeud.
- (ii) Les opérations *ins* peuvent être livrées dans un ordre quelconque.
- (iii) L'opération rmv(idIntervals) ne peut être livrée qu'après la livraison des opération d'insertions des éléments formant les idIntervals.

Il est à noter que ELVINGER [24] a récemment proposé dans ses travaux de thèse Dotted LogootSplit, un nouveau CRDT pour Séquence dont la synchronisation est basée sur les différences d'états. Inspiré de Logoot et LogootSplit, ce nouveau CRDT associe une séquence à identifiants densément ordonnés à un contexte causal. Le contexte causal est une structure de données permettant à Dotted LogootSplit de représenter et de maintenir efficacement les informations des modifications déjà intégrées à l'état courant. Cette association permet à Dotted LogootSplit de fonctionner de manière autonome, sans imposer de contraintes particulières à la couche livraison autres que la livraison à terme.

#### 2.4.5 Limites

Intéressons-nous désormais aux limites de LogootSplit. Nous en identifions deux que nous détaillons ci-dessous : la croissance non-bornée de la taille des identifiants, et la fragmentation de la séquence en blocs courts.

#### Croissance non-bornée de la taille des identifiants

La première limite de ce CRDT, héritée de l'approche auquel il appartient, est la taille non-bornée de ses identifiants de position. Comme indiqué précédemment, LogootSplit

génère des identifiants composés de plus en plus de tuples au fur et à mesure que l'espace dense des identifiants se sature.

Cependant, LogootSplit introduit un mécanisme favorisant la croissance des identifiants : les intervalles d'identifiants. Considérons l'exemple présenté dans la Figure 2.26.

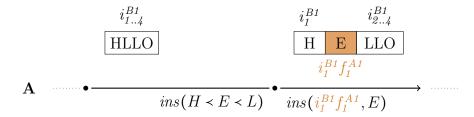


FIGURE 2.26 – Insertion menant à une augmentation de la taille des identifiants

Dans cet exemple, le noeud A insère un nouvel élément dans un intervalle d'identifiants existant, c.-à-d. entre deux identifiants contigus :  $i_1^{B1}$  et  $i_2^{B1}$ . Ces deux identifiants étant contigus, il n'est pas possible de générer id, un identifiant de même taille tel que  $i_1^{B1} <_{id}$   $id <_{id} i_2^{B1}$ . Pour respecter l'ordre souhaité, LogootSplit génère donc un identifiant à partir de l'identifiant du prédecesseur et en y ajoutant un nouveau tuple, e.g.  $i_1^{B1} f_1^{A1}$ .

Par conséquent, la taille des identifiants croît à chaque fois qu'un intervalle d'identifiants est scindé. Comme présenté précédemment (cf. sous-section 2.3.3, page 49), cette croissance augmente le surcoût en métadonnées, en calculs et en bande-passante du CRDT.

#### Fragmentation de la séquence en blocs courts

La seconde limite de LogootSplit est la fragmentation de l'état en une multitude de blocs courts. En effet, plusieurs contraintes sur la génération d'identifiants empêchent les noeuds d'ajouter des nouveaux éléments aux blocs existants :

**Définition 45** (Contraintes sur l'ajout d'éléments à un bloc existant). L'ajout d'éléments à un bloc existant doit respecter les règles suivantes :

- (i) Seul le noeud qui a généré l'intervalle d'identifiants du bloc, c.-à-d. qui est l'auteur du bloc, peut ajouter des éléments à ce dernier.
- (ii) L'ajout d'éléments à un bloc ne peut se faire qu'à la fin de ce dernier.
- (iii) La suppression du dernier élément d'un bloc interdit tout ajout futur à ce bloc.

La figure Figure 2.27 illustre ces règles.

Ainsi, ces limitations conduisent à la génération de nouveau blocs au fur et à mesure de la manipulation de la séquence. Nous conjecturons que, dans un cadre d'utilisation standard, la séquence est à terme fragmentée en de nombreux blocs de seulement quelques caractères chacun. Les blocs étant le niveau de granularité de la séquence, chaque nouveau bloc entraîne un surcoût en métadonnées et en calculs. Cependant, aucun mécanisme pour fusionner les blocs a posteriori n'est proposé. L'efficacité de la structure décroît donc au fur et à mesure que l'état se fragmente.

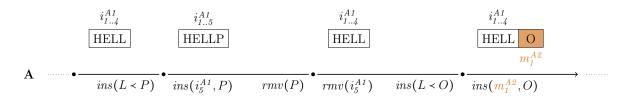


FIGURE 2.27 – Insertion menant à une augmentation de la taille des identifiants

#### Synthèse

Les performances d'une séquence LogootSplit diminuent au fur et à mesure que celle-ci est manipulée et que des modifications sont effectuées dessus. Cette perte d'efficacité est dûe à la taille des identifiants de position qui croît de manière non-bornée, ainsi qu'au nombre généralement croissant de blocs.

Initialement, nous nous sommes focalisés sur un aspect du problème : la croissance du surcoût en métadonnées de la structure. Afin de quantifier ce problème, nous avons évalué par le biais de simulations <sup>19</sup> l'évolution de la taille de la séquence. La Figure 2.28 présente le résultat obtenu.

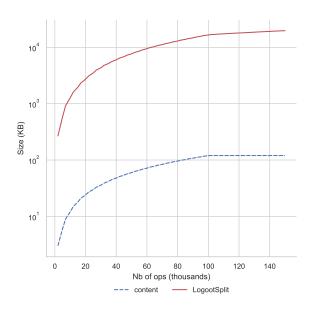


FIGURE 2.28 – Taille du contenu comparé à la taille de la séquence LogootSplit

Sur cette figure, nous représentons l'évolution au fur et à mesure que des modifications sont effectuées sur une séquence LogootSplit de la taille de son contenu, sous la forme d'une ligne pointillée bleu, et de la taille de la séquence LogootSplit complète, sous la forme d'une ligne continue rouge. Nous constatons que le contenu représente à terme moins de 1% de taille de la structure de données. Les 99% restants correspondent aux métadonnées utilisées par la séquence répliquée, c.-à-d. la taille des identifiants, les blocs

<sup>19.</sup> Nous détaillons le protocole expérimental que nous avons défini pour ces simulations dans le ??.

composant la séquence LogootSplit, mais aussi la structure de données utilisée en interne pour représenter la séquence de manière efficace.

Nous jugeons donc nécessaire de proposer des mécanismes et techniques afin de mitiger le surcoût des CRDTs pour Séquence et sa croissance.

# 2.5 Mitigation du surcoût des séquences répliquées sans conflits

L'augmentation du surcoût des CRDTs pour Séquence, qu'il soit dû à des pierres tombales ou à des identifiants de taille non-bornée, est un problème bien identifié dans la littérature [68, 69, 20, 21, 86, 87]. Plusieurs approches ont donc été proposées pour réduire sa croissance.

## 2.5.1 Mécanisme de GC des pierres tombales

Pour réduire l'impact des pierres tombales sur les performances de RGA, Roh et al. [68] proposent un mécanisme de GC des pierres tombales. Pour rappel, ce mécanisme nécessite qu'une pierre tombale ne puisse plus être utilisée comme prédecesseur par une opération *ins* reçue dans le futur pour pouvoir être supprimée définitivement. En d'autres termes, ce mécanisme repose sur la stabilité causale de l'opération de suppression pour supprimer la pierre tombale correspondante.

La stabilité causale est une contrainte forte, peu adaptée aux systèmes P2P dynamiques à large échelle. Notamment, la stabilité causale nécessite que chaque noeud du système fournisse régulièrement des informations sur son avancée, c.-à-d. quelles opérations il a intégré, pour progresser. Ainsi, il suffit qu'un noeud du système se déconnecte pour bloquer la stabilité causale, ce qui apparaît extrêmement fréquent dans le cadre d'un système P2P dynamique dans lequel nous n'avons pas de contrôle sur les noeuds.

À notre connaissance, il s'agit du seul mécanisme proposé pour l'approche à pierres tombales.

# 2.5.2 Ré-équilibrage de l'arbre des identifiants de position

Concernant l'approche à identifiants densément ordonnés, LETIA et al. [20] puis ZA-WIRSKI et al. [21] proposent un mécanisme de ré-équilibrage de l'arbre des identifiants de position pour Treedoc [69]. Pour rappel, Treedoc souffre des problèmes suivants :

- (i) Le déséquilibrage de son arbre des identifiants de position si les insertions sont effectuées de manière séquentielle à une position.
- (ii) La présence de pierres tombales dans son arbre des identifiants de position lorsque des identifiants correspondants à des noeuds intermédiaires de l'arbre sont supprimés.

Pour répondre à ces problèmes, les auteurs présentent un mécanisme de ré-équilibrage de l'arbre supprimant par la même occasion les pierres tombales existantes, c.-à-d. un

mécanisme réattribuant de nouveaux identifiants de position aux éléments encore présents. Ce mécanisme prend la forme d'une nouvelle opération, que nous notons bal.

Notons que l'opération bal contrevient à une des propriétés des identifiants de position densément ordonnés : leur immutabilité (cf. Définition 38, page 50). L'opération bal est donc intrinséquement non-commutative avec les opérations ins et rmv concurrentes. Pour assurer la convergence à terme des copies, les auteurs mettent en place un mécanisme de catch-up. Ce mécanisme consiste à transformer les opérations concurrentes aux opérations bal avant de les intégrer, de façon à prendre en compte les effets des ré-équilibrages.

Toutefois, l'opération bal n'est pas non plus commutative avec elle-même. Cette approche nécessite d'empêcher la génération d'opérations bal concurrentes. Pour cela, les auteurs proposent de reposer sur un protocole de consensus entre les noeuds pour la génération d'opérations bal.

De nouveau, l'utilisation d'un protocole de consensus est une contrainte forte, peu adaptée aux systèmes P2P dynamique à large échelle. Pour pallier à ce point, les auteurs proposent de répartir les noeuds dans deux groupes : le *core* et la *nebula*.

Le *core* est un ensemble, de taille réduite, de noeuds stables et hautement connectés tandis que la *nebula* est un ensemble, de taille non-bornée, de noeuds. Seuls les noeuds du *core* participent à l'exécution du protocole de consensus. Les noeuds de la *nebula* contribuent toujours au document par le biais des opérations *ins* et *rmv*.

Ainsi, cette solution permet d'adapter l'utilisation d'un protocole de consensus à un système P2P dynamique. Cependant, elle requiert de disposer de noeuds stables et bien connectés dans le système pour former le *core*. Cette condition est un obstacle pour le déploiement et la pérennité de cette solution.

#### 2.5.3 Réduction de la croissance des identifiants de position

L'approche LSEQ [86, 87] est une approche visant à réduire la croissance des identifiants dans les Séquences CRDTs à identifiants densément ordonnés. Au lieu de réduire périodiquement la taille des métadonnées liées aux identifiants à l'aide d'un mécanisme de renommage coûteux, les auteurs définissent de nouvelles stratégies d'allocation des identifiants pour réduire leur vitesse de croissance.

Dans ces travaux, les auteurs notent que les stratégies d'allocation des identifiants proposées pour Logoot dans [65] et [83] ne sont adaptées qu'à un seul comportement d'édition : l'édition séquentielle. Si les insertions sont effectuées en suivant d'autres comportements, les identifiants générés saturent rapidement l'espace des identifiants pour une taille donnée. Les insertions suivantes déclenchent alors une augmentation de la taille des identifiants. En conséquent, la taille des identifiants dans Logoot augmente de façon linéaire au nombre d'insertions, au lieu de suivre la progression logarithmique attendue.

LSEQ définit donc plusieurs stratégies d'allocation d'identifiants adaptées à différents comportements d'édition. Les noeuds choisissent de manière aléatoire mais déterministe une de ces stratégies pour chaque taille d'identifiants. De plus, LSEQ adopte une structure d'arbre exponentiel pour allouer les identifiants : l'espace des identifiants possibles double à chaque fois que la taille des identifiants augmente. Cela permet à LSEQ de choisir avec soin la taille des identifiants et la stratégie d'allocation en fonction des besoins. En combinant les différentes stratégies d'allocation avec la structure d'arbre exponentiel,

LSEQ offre une croissance polylogarithmique de la taille des identifiants en fonction du nombre d'insertions.

Cette solution ne repose sur aucune coordination synchrone entre les noeuds. Sa complexité ne dépend pas non plus du nombre de noeuds du système. Elle nous apparaît donc adaptée aux systèmes P2P dynamique à large échelle.

Nous conjecturons cependant que cette approche perd ses bienfaits lorsqu'elle est couplée avec un CRDT pour Séquence à granularité variable. En effet, comme évoqué précédemment, toute insertion au sein d'un bloc provoque une augmentation de la taille de l'identifiant résultant (cf. section 2.4.5, page 59).

#### 2.5.4 Synthèse

Ainsi, plusieurs approches ont été proposées dans la littérature pour réduire le surcoût des CRDTs pour Séquence. Cependant, aucune de ces approches ne nous apparaît adaptée pour les CRDTs pour Séquence à granularité variable dans le contexte de systèmes P2P dynamiques :

- (i) Les approches présentées dans [68, 20, 21] reposent chacune sur des contraintes fortes dans les systèmes P2P dynamiques, c.-à-d. respectivement la stabilité causale des opérations et l'utilisation d'un protocole de consensus. Dans un système dans lequel nous n'avons aucun contrôle sur les noeuds et notamment leur disponibilité, ces contraintes nous apparaissent rédhibitoires.
- (ii) L'approche présentée dans [86, 87] est conçue pour les CRDTs pour Séquence à identifiants densément ordonnés à granularité fixe. L'introduction de mécanismes d'aggrégation dynamique des éléments en blocs comme ceux présentés dans [23, 79], avec les contraintes qu'ils introduisent, nous semble contrarier les efforts effectués pour réduire la croissance des identifiants de position.

Nous considérons donc la problématique du surcoût des CRDTs pour Séquence à granularité variable toujours ouverte.

#### 2.6 Synthèse

Les systèmes distribués adoptent le modèle de la réplication optimiste [13] pour offrir de meilleures garanties à leurs utilisateur-rices, en termes de disponibilité, latence et capacité de tolérance aux pannes [88].

Dans ce modèle, chaque noeud du système possède une copie de la donnée et peut la modifier sans coordination avec les autres noeuds. Il en résulte des divergences temporaires entre les copies respectives des noeuds. Pour résoudre les potentiels conflits provoqués par des modifications concurrentes et assurer la convergence à terme des copies, les systèmes utilisent les CRDTs [19] en place et lieu des types de données séquentiels.

Plusieurs CRDTs pour Séquence ont été proposés, notamment pour permettre la conception d'éditeurs collaboratifs pair-à-pair. Ces CRDTs peuvent être regroupés en deux catégories en fonction de leur mécanisme de résolution de conflits : l'approche à

pierres tombales [67, 73, 72, 68, 79, 81] et l'approche à identifiants densément ordonnées [69, 65, 83, 23, 24].

Chacune de ces approches introduit néanmoins un surcoût croissant, au moins en termes de métadonnées et de calculs, pénalisant leurs performances à terme. Pour résoudre ce problème, plusieurs travaux ont été proposés, notamment [20, 21]. Cette approche présente un mécanisme de ré-équilibrage de l'arbre des identifiants de position pour les CRDTs pour Séquence à sur identifiants densément ordonnés.

Cette approche requiert cependant un protocole de consensus, des renommages concurrents provoquant un nouveau conflit. Cette contrainte empêche son utilisation dans les systèmes P2P ne disposant pas de noeuds suffisamment stables et bien connectés pour participer au protocole de consensus.

#### 2.7 Proposition

Dans le cadre de cette thèse, nous proposons et présentons un nouveau mécanisme de réduction du surcoût pour les CRDTs pour Séquence à identifiants densément ordonnés et à granularité variable.

Ce mécanisme se distingue des travaux existants, notamment de [20, 21], par les aspects suivants :

- (i) Il ne nécessite pas de coordination synchrone entre les noeuds.
- (ii) Il ré-aggrége les éléments de la séquence en de nouveaux blocs pour réduire leur nombre.

Nous concevons ce mécanisme pour le CRDT LogootSplit. Toutefois, le principe de notre approche est générique. Ainsi, ce mécanisme peut être adapté pour proposer un équivalent pour d'autres CRDTs pour Séquence, e.g. RGASplit.

Nous présentons et détaillons ce mécanisme dans le chapitre suivant.

Chapitre 2. État de l'art

### Chapitre 3

# Conclusions et perspectives

#### Sommaire

3.1 Résu	ımés des contributions	67
3.1.1	Réflexions sur l'état de l'art des CRDTs	67
3.1.2	Ré-identification sans coordination pour les CRDTs pour Séquence	69
3.1.3	Éditeur de texte collaboratif P2P chiffré de bout en bout $\dots$	71
3.2 Perspectives		73
3.2.1	Définition de relations de priorité pour minimiser les traitements	73
3.2.2	Détection et fusion manuelle de versions distantes	74
3.2.3	Étude comparative des différents modèles de synchronisation	
	pour CRDTs	78
3.2.4	Approfondissement du patron de conception de Pure Operation-	
	Based CRDTs	79

Dans ce chapitre, nous revenons sur les contributions présentés dans cette thèse. Nous rappelons le contexte dans lequel elles s'inscrivent, récapitulons leurs spécificités et apports, et finalement présentons leurs limites que nous identifions. Puis, nous concluons ce manuscrit en présentant plusieurs pistes de recherche qui nous restent à explorer à l'issue de cette thèse. Les premières s'inscrivent dans la continuité directe de nos travaux sur un mécanisme de ré-identification pour CRDTs pour Séquence dans un système P2P à large échelle sujet au churn. Les dernières traduisent quant à elles notre volonté de recentrer nos travaux sur le domaine plus général des CRDTs.

#### 3.1 Résumés des contributions

#### 3.1.1 Réflexions sur l'état de l'art des CRDTs

Les Conflict-free Replicated Data Types (CRDTs) [19] sont de nouvelles spécifications des types de données. Ils sont conçus pour permettre à un ensemble de noeuds d'un système de répliquer une même donnée et pour leur permettre de la consulter et de la modifier sans aucune coordination préalable. Les noeuds se synchronisent

L'absence de coordination entre les noeuds avant modifications implique que des noeuds peuvent modifier la donnée en concurrence. De telles modifications peuvent donner lieu à des conflits, e.g. l'ajout et la suppression en concurrence d'un même élément dans un ensemble. Pour pallier ce problème, les CRDTs incorporent un mécanisme de résolution de conflits automatiques directement au sein de leur spécification.

Il convient de noter qu'il existe plusieurs solutions possibles pour résoudre un conflit. Pour reprendre l'exemple de l'élément ajouté et supprimé en concurrence d'un ensemble, nous pouvons par exemple soit le conserver l'élément, soit le supprimer. Nous parlons alors de sémantique du mécanisme de résolution de conflits automatique.

De la même manière, il existe plusieurs approches possibles pour synchroniser les noeuds, e.g. diffuser chaque modification de manière atomique ou diffuser l'entièreté de l'état périodiquement. Ainsi, lors de la définition d'un CRDT, il convient de préciser les sémantiques de résolution de conflits qu'il adopte et le modèle de synchronisation qu'il utilise [37].

Depuis leur formalisation, les travaux sur les CRDTs ont abouti à la conception de nouveaux, soit en spécifiant de nouvelles sémantiques de résolution de conflits pour un type de données [40], soit en spécifiant de nouveaux modèles de synchronisation [45] ou en enrichissant les spécifications des modèles existants [43, 56].

Dans notre présentation des CRDTs (cf. section 2.2, page 13), nous présentons chacun de ces aspects. Cependant, nous nous ne limitons pas à retranscrire l'état de l'art de la littérature. Notamment au sujet du modèle de synchronisation par opérations, nous précisons que le modèle de livraison causal n'est pas nécessaire pour l'ensemble des CRDTs synchronisés par opérations, c.-à-d. que certains peuvent adopter des modèles de livraison moins contraints et donc moins coûteux. Cette précision nous permet de proposer une étude comparative des différents modèles de synchronisation qui est, à notre connaissance, l'une des plus précises de la littérature (cf. section 2.2.2, page 28).

Nous présentons ensuite les différents CRDTs pour le type Séquence de la littérature (cf. section 2.3, page 30). Nous mettons alors en exergue les deux approches proposées pour concevoir le mécanisme de résolution de conflits automatiques pour le type Séquence, c.-à-d. l'approche à pierres tombales et l'approche à identifiants densément ordonnés. De nouveau, cette rétrospective nous permet d'expliciter des angles morts des articles d'origine, notamment vis-à-vis des modèle de livraison des opérations des CRDTs proposés. Puis, nous mettons en lumière les limites des évaluations comparant les deux approches, c.-à-d. le couplage entretenu entre approche du mécanisme de résolution de conflits et choix d'implémentations. Cette limite empêche d'établir la supériorité d'une des approches par rapport à l'autre. Finalement, nous conjecturons que le surcoût de ces deux approches est le même, c.-à-d. le coût nécessaire à la représentation d'un espace dense. Nous précisons dès lors par le biais de notre propre étude comparative comment ce surcoût s'exprime dans chacune des approches , c.-à-d. le compromis entre surcoût en métadonnées, calculs et bande-passante proposé par les deux approches (cf. sous-section 2.3.3, page 49).

Ces réflexions que nous présentons sur l'état des CRDTs définissent plusieurs pistes de recherches. Une première d'entre elles concerne notre étude comparative des modèles de

synchronisation. D'après les critères que nous utilisons, une conclusion possible de cette comparaison est que le modèle de synchronisation par différences d'états rend obsolètes les modèles de synchronisation par états et par opérations. En effet, le modèle de synchronisation par différences d'états apparaît comme adapté à l'ensemble des contextes d'utilisation qui étaient jusqu'alors exclusifs à ces derniers, de par les multiples stratégies qu'il permet, e.g. synchronisation par états complets, synchronisation par états irréductibles...

Cette conclusion nous paraît cependant hâtive. Il convient d'étendre notre étude comparative pour prendre en compte des critères de comparaison additionnels pour confirmer cette conjecture, ou l'invalider et définir plus précisément les spécificités de chacun des modèles de synchronisation. Nous détaillons cette piste de recherche dans la sous-section 3.2.3.

Une seconde piste de recherche possible concerne les deux approches utilisées pour concevoir le mécanisme de résolution de conflits des CRDTs pour le type Séquence. Comme dit précédemment, nous conjecturons que ces deux approches ne sont finalement que deux manières différentes de représenter une même information : la position d'un élément dans un espace dense. La différence entre ces approches résiderait uniquement dans la manière que chaque représentation influe sur les performances du CRDT. Une piste de travail serait donc de confirmer cette conjecture, en proposant une formalisation unique des CRDTs pour le type Séquence.

# 3.1.2 Ré-identification sans coordination pour les CRDTs pour Séquence

Pour privilégier leur disponibilité, latence et tolérance aux pannes, les systèmes distribués peuvent adopter le paradigme de la réplication optimiste [13]. Ce paradigme consiste à relaxer la cohérence de données entre les noeuds du système pour leur permettre de consulter et modifier leur copie locale sans se coordonner. Leur copies peuvent alors temporairement diverger avant de converger de nouveau une fois les modifications de chacun propagées. Cependant, cette approche nécessite l'emploi d'un mécanisme de résolution de conflits pour assurer la convergence même en cas de modifications concurrentes. Pour cela, l'approche des CRDTs [18, 19] propose d'utiliser des types de données dont les modifications sont nativement commutatives.

Depuis la spécification des CRDTs, la littérature a proposé plusieurs de ces mécanismes résolution de conflits automatiques pour le type de données Séquence [67, 68, 69, 65]. Cependant, ces approches souffrent toutes d'un surcoût croissant de manière monotone. Ce problème a été identifié par la communauté, et celle-ci a proposé pour y répondre des mécanismes permettant soit de réduire la croissance du surcoût [86, 87], soit d'effectuer une GC du surcoût [68, 20, 21]. Nous avons cependant déterminé que ces mécanismes ne sont pas adaptés aux systèmes P2P à large échelle souffrant de churn et utilisant des CRDTs pour Séquence à granularité variable.

Dans le cadre de cette thèse, nous avons donc souhaité proposer un nouveau mécanisme adapté à ce type de systèmes. Pour cela, nous avons suivi l'approche proposée par [20, 21] : l'utilisation d'un mécanisme pour ré-assigner de nouveaux identifiants aux élements stockées dans la séquence. Nous avons donc proposé un nouveau mécanisme appartenant

à cette approche pour le CRDT LogootSplit [23].

Notre proposition prend la forme d'un nouvel CRDT pour Séquence à granularité variable : RenamableLogootSplit. Ce nouveau CRDT associe à LogootSplit un nouveau type de modification, ren, permettant de produire une nouvelle séquence équivalente à son état précédent. Cette nouvelle modification tire profit de la granularité variable de la séquence pour produire un état de taille minimale : elle assigne à tous les éléments des identifiants de position issus d'un même intervalle. Ceci nous permet de minimiser les métadonnées que la séquence doit stocker de manière effective.

Afin de gérer les opérations concurrentes aux opérations ren, nous définissons pour ces dernières un algorithme de transformation. Pour cela, nous définissons un mécanisme d'époques nous permettant d'identifier la concurrence entre opérations. De plus, nous introduisons une relation d'ordre strict total, priority, pour résoudre de manière déterministe le conflit provoqué par deux opérations ren, c.-à-d. pour déterminer quelle opération ren privilégier. Finalement, nous définissons deux algorithmes, renameId et revertRenameId, qui permettent de transformer les opérations concurrentes à une opération ren pour prendre en compte l'effet de cette dernière. Ainsi, notre algorithme permet de détecter et de transformer les opérations concurrentes aux opérations ren, sans nécessiter une coordination synchrone entre les noeuds.

Pour valider notre approche, nous proposons une évaluation expérimentale de cette dernière. Cette évaluation se base sur des traces de sessions d'édition collaborative que nous avons généré par simulations. Chacune de ces simulations représente la rédaction collaborative d'un document texte par 10 noeuds.

Notre évaluation nous permet de valider de manière empirique les résultats attendus. Le premier d'entre eux concerne la convergence des noeuds. En effet, nos simulations nous ont permis de valider que l'ensemble des noeuds obtenaient des états finaux équivalents, même en cas d'opérations *ren* concurrentes.

Notre évaluation nous a aussi permis de valider que le mécanisme de renommage réduit à une taille minimale le surcoût du mécanisme de résolution de conflits incorporé dans le CRDT pour Séquence.

L'évaluation expérimentale nous a aussi permis de prendre conscience d'effets additionnels du mécanisme de renommage que nous n'avions pas anticipé. Notamment, elle montre que le surcoût éventuel du mécanisme de renommage, notamment en termes de calculs, est toutefois contrebalancé par l'amélioration précisée précédemment, c.-à-d. la réduction de la taille de la séquence.

Finalement, notons que le mécanisme que nous proposons est partiellement générique : il peut être adapté à d'autres CRDTs pour Séquence à granularité variable, e.g. un CRDT pour Séquence appartenant à l'approche à pierres tombales. Dans le cadre d'une telle démarche, nous pourrions réutiliser le système d'époques, la relation *priority* et l'algorithme de contrôle qui identifie les transformations à effectuer. Pour compléter une telle adaptation, nous devrions cependant concevoir de nouveaux algorithmes renameId et revertRenameId spécifiques et adaptés au CRDT choisi.

Le mécanisme de renommage que nous présentons souffre néanmoins de plusieurs limites. La première d'entre elles concerne ses performances. En effet, notre évaluation expérimentale a mis en lumière le coût important en l'état de la modification ren par rapport aux autres modifications en termes de calculs (cf. ??, page ??). De plus, chaque opération ren comporte une représentation de l'ancien état qui doit être maintenue par les noeuds jusqu'à leur stabilité causale. Le surcoût en métadonnées introduit par un ensemble d'opérations ren concurrentes peut donc s'avérer important, voire pénalisant (cf. ??, page ??). Pour répondre à ces problèmes, nous identifions trois axes d'amélioration :

- (i) La définition de stratégies de déclenchement du renommage efficaces. Le but de ces stratégies serait de déclencher le mécanisme de renommage de manière fréquente, de façon à garder son temps d'exécution acceptable, mais tout visant à minimiser la probabilité que les noeuds produisent des opérations *ren* concurrentes, de façon à minimiser le surcoût en métadonnées.
- (ii) La définition de relations *priority* efficaces. Nous développons ce point dans la soussection 3.2.1.
- (iii) La proposition d'algorithmes de renommage efficaces. Cette amélioration peut prendre la forme de nouveaux algorithmes pour renameId et revertRenameId offrant une meilleure complexité en temps. Il peut aussi s'agir de la conception d'une nouvelle approche pour renommer l'état et gérer les modifications concurrentes, e.g. un mécanisme de renommage basé sur le journal des opérations (cf. ??, page ??).

Une seconde limite de RenamableLogootSplit que nous identifions concerne son mécanisme de GC des métadonnées introduites par le mécanisme de renommage. En effet, pour fonctionner, ce dernier repose sur la stabilité causale des opérations ren. Pour rappel, la stabilité causale représente le contexte causal commun à l'ensemble des noeuds du système. Pour le déterminer, chaque noeud doit récupérer le contexte causal de l'ensemble des noeuds du système. Ainsi, l'utilisation de la stabilité causale comme pré-requis pour la GC de métadonnées constitue une contrainte forte, voire prohibitive, dans les systèmes P2P à large échelle sujet au churn. En effet, un noeud du système déconnecté de manière définitive suffit pour empêcher la stabilité causale de progresser, son contexte causal étant alors indéterminé du point de vue des autres noeuds. Il s'agit toutefois d'une limite récurrente des mécanismes de GC distribués et asynchrones [68, 43, 89]. Nous présentons une piste de travail possible pour pallier ce problème dans la sous-section 3.2.2.

#### 3.1.3 Éditeur de texte collaboratif P2P chiffré de bout en bout

Les applications collaboratives permettent à des utilisateur-rices de réaliser collaborativement une tâche. Elles permettent à plusieurs utilisateur-rices de consulter la version actuelle du document, de la modifier et de partager leurs modifications avec les autres. Ceci permet de mettre en place une réflexion de groupe, ce qui améliore la qualité du résultat produit [90, 91].

Cependant, les applications collaboratives sont historiquement des applications centralisées, e.g. Google Docs [92]. Ce type d'architecture induit des défauts d'un point de vue technique, e.g. faible capacité de passage à l'échelle et faible tolérance aux pannes,

mais aussi d'un point de vue utilisateur, e.g. perte de la souveraineté des données et absence de garantie de pérennité.

Les travaux de l'équipe Coast s'inscrivent dans une mouvance souhaitant résoudre ces problèmes et qui a conduit à la définition d'un nouveau paradigme d'applications : les LFS [12]. Le but de ce paradigme est la conception d'applications collaboratives, P2P, pérennes et rendant la souveraineté de leurs données aux utilisateur-rices.

Dans le cadre de cette démarche, l'équipe Coast développe depuis plusieurs années l'application Multi User Text Editor (MUTE), un éditeur de texte web collaboratif P2P temps réel chiffré de bout en bout. Cette application sert à la fois de plateforme de démonstration et de recherche pour les travaux de l'équipe, mais aussi de PoC pour les LFS.

Dans le cadre de cette thèse, nous avons implémenté dans MUTE nos travaux de recherche portant sur le nouvel CRDT pour le type Séquence : RenamableLogootSplit. MUTE a aussi servi à l'équipe pour présenter ses travaux concernant l'authentification des utilisateur-rices dans un système P2P [27]. Finalement, MUTE nous a permis de nous d'étudier et/ou de présenter les travaux de recherche existants concernant :

- (i) Les protocoles distribués d'appartenance au groupe [28].
- (ii) Les mécanismes d'anti-entropie [50].
- (iii) Les protocoles d'établissement de clés de chiffrement de groupe [31].
- (iv) Les protocoles d'établissement de topologies réseaux efficientes [30].
- (v) Les mécanismes de conscience de groupe.

MUTE offre donc, à notre connaissance, le tour d'horizon le plus complet des travaux de recherche permettant la conception d'applications LFS. Cependant, cela ne dispense pas MUTE de souffrir de plusieurs limites.

Tout d'abord, l'environnement web implique un certain nombre de contraintes, notamment au niveau des technologies et protocoles disponibles. Notamment, le protocole WebRTC repose sur l'utilisation de serveurs de signalisation, c.-à-d. de points de rendezvous des pairs, et de serveurs de relai, c.-à-d. d'intermédiaires pour communiquer entre pairs lorsque les configurations de leur réseaux respectifs interdisent l'établissement d'une connexion directe. Ainsi, les applications P2P web doivent soit déployer et maintenir leur propre infrastructure de serveurs, soit reposer sur une infrastructure existante, e.g. celle proposée par OpenRelay [93]. Afin de minimiser l'effort requis aux applications P2P et la confiance exigée à leurs utilisateur-rices, nous devons supporter la mise en place d'une telle infrastructure transparente et pérenne.

Une autre limite de ce système que nous identifions concerne l'utilisabilité des systèmes P2P de manière générale. L'expérience vécue suivante constitue à notre avis un exemple éloquent des limites actuelles de l'application MUTE dans ce domaine. Après avoir rédigé une version initiale d'un document, nous avons envoyé le lien du document à notre collaborateur pour relecture et validation. Lorsque notre collaborateur a souhaité accéder au document, celui-ci s'est retrouvé devant une page blanche : comme nous nous étions déconnecté du système entretemps, c.-à-d. plus aucun pair n'était disponible pour

effectuer une synchronisation. Notre collaborateur était donc dans l'incapacité de récupérer l'état et d'effectuer sa tâche. Afin de pallier ce problème, une solution possible est de faire reposer MUTE sur un réseau P2P global, e.g. le réseau de InterPlanetary File System (IPFS) [94], et d'utiliser les pairs de ce dernier, potentiellement des pairs étrangers à l'application, comme pairs de stockage pour permettre une synchronisation future. Cette solution limite ainsi le risque qu'un pair ne puisse récupérer l'état du document faute de pairs disponibles. Cependant, elle nécessite de mettre en place un mécanisme de réplication de données additionnel. Ce mécanisme de réplication sur des pairs additionnels doit cependant garantir qu'il n'introduit pas de vulnérabilités, e.g. la possibilité pour les pairs de stockage selectionnés de reconstruire et consulter le document.

#### 3.2 Perspectives

# 3.2.1 Définition de relations de priorité pour minimiser les traitements

Dans la ??, nous avons spécifié la relation *priority* (cf. ??, page ??). Pour rappel, cette relation doit établir un ordre strict total sur les époques de notre mécanisme de renommage.

Cette relation nous permet ainsi de résoudre le conflit provoqué par la génération de modifications ren concurrentes en les ordonnant. Grâce à cette relation relation d'ordre, les noeuds peuvent déterminer vers quelle époque de l'ensemble des époques connues progresser. Cette relation permet ainsi aux noeuds de converger à une époque commune à terme.

La convergence à terme à une époque commune présente plusieurs avantages :

- (i) Réduire la distance entre les époques courantes des noeuds, et ainsi minimiser le surcoût en calculs par opération du mécanisme de renommage. En effet, il n'est pas nécessaire de transformer une opérations livrée avant de l'intégrer si celle-ci provient de la même époque que le noeud courant.
- (ii) Définir un nouveau Plus Petit Ancêtre Commun (PPAC) entre les époques courantes des noeuds. Cela permet aux noeuds d'appliquer le mécanisme de GC pour supprimer les époques devenues obsolètes et leur anciens états associés, pour ainsi minimiser le surcoût en métadonnées du mécanisme de renommage.

Il existe plusieurs manières pour définir la relation *priority* tout en satisfaisant les propriétés indiquées. Dans le cadre de ce manuscrit, nous avons utilisé l'ordre lexicographique sur les chemins des époques dans l'arbre des époques pour définir *priority*. Cette approche se démarque par :

- (i) Sa simplicité.
- (ii) Son surcoût limité, c.-à-d. cette approche n'introduit pas de métadonnées supplémentaires à stocker et diffuser, et l'algorithme de comparaison utilisé est simple.

(iii) Sa propriété arrangeante sur les déplacements des noeuds dans l'arbre des époques. De manière plus précise, cette définition de *priority* impose aux noeuds de se déplacer que vers l'enfant le plus à droite de l'arbre des époques. Ceci empêche les noeuds de faire un aller-retour entre deux époques données. Cette propriété permet de passer outre une contrainte concernant le couple de fonctions renameId et revertRenameId: leur reciprocité.

Cette définition présente cependant plusieurs limites. La limite que nous identifions est sa décorrélation avec le coût et le bénéfice de progresser vers l'époque cible désignée. En effet, l'époque cible est désignée de manière arbitraire par rapport à sa position dans l'arbre des époques. Il est ainsi possible que progresser vers cette époque détériore l'état de la séquence, c.-à-d. augmente la taille des identifiants et augmente le nombre de blocs. De plus, la transition de l'ensemble des noeuds depuis leur époque courante respective vers cette nouvelle époque cible induit un coût en calculs, potentiellement important (cf. ??, page ??).

Pour pallier ce problème, il est nécessaire de proposer une définition de *priority* prenant l'aspect efficacité en compte. L'approche considérée consisterait à inclure dans les opérations *ren* une ou plusieurs métriques qui représente le travail accumulé sur la branche courante de l'arbre des époques, e.g. le nombre d'opérations intégrées, les noeuds actuellement sur cette branche... L'ordre strict total entre les époques serait ainsi construit à partir de la comparaison entre les valeurs de ces métriques de leur opération *ren* respective.

Il conviendra d'adjoindre à cette nouvelle définition de *priority* un nouveau couple de fonctions renameId et revertRenameId respectant la contrainte de réciprocité de ces fonctions, ou de mettre en place une autre implémentation du mécanisme de renommage ne nécessitant pas cette contrainte, telle qu'une implémentation basée sur le journal des opérations (cf. ??, page ??).

Il conviendra aussi d'étudier la possibilité de combiner l'utilisation de plusieurs relations *priority* pour minimiser le surcoût global du mécanisme de renommage, e.g. en fonction de la distance entre deux époques.

Finalement, il sera nécessaire de valider l'approche proposée par une évaluation comparative par rapport à l'approche actuelle. Cette évaluation pourrait consister à monitorer le coût du système pour observer si l'approche proposée permet de réduire les calculs de manière globale. Plusieurs configurations de paramètres pourraient aussi être utilisées pour déterminer l'impact respectif de chaque paramètre sur les résultats.

#### 3.2.2 Détection et fusion manuelle de versions distantes

À l'issue de cette thèse, nous identifions deux limites des mécanismes de résolution de conflits automatiques dans les systèmes P2P à large échelle sujets au churn :

- (i) La croissance continue de leur surcoût dûe à l'utilisation du contexte causal.
- (ii) Leur compréhension limitée des intentions des utilisateur-rices, ce qui peut conduire à la génération d'anomalies lors de l'intégration de modifications.

Nous conjecturons que la probabilité que l'intégration de modifications résulte en des anomalies et que le travail nécessaire par les utilisateur-rices pour corriger ces anomalies augmentent avec la distance entre la version de génération des modifications et la version d'intégration de ces dernières. Si cette conjecture se vérifie, nous proposons d'identifier la distance seuil entre versions à partir de laquelle l'utilisation d'un mécanisme de résolution de conflit automatique donné s'avère inefficace. Dès lors, nous proposons de recourir à un mécanisme d'intégration manuelle des modifications lorsque des modifications reçues sont originaires d'une version du document se trouvant au-delà de ce seuil.

Le recours à un mécanisme d'intégration manuelle des modifications permettrait alors :

- (i) Prévenir la génération d'anomalies entravant la collaboration.
- (ii) Supprimer les métadonnées nécessaires pour intégrer automatiquement des modifications originaires d'une version au-delà de la distance seuil, celles-ci n'étant dès lors plus requises puisque ces modifications seront intégrées manuellement. Par exemple, dans le cadre de RenamableLogootSplit, ce mécanisme nous permettrait de supprimer les époques se trouvant au-delà de cette distance, et ainsi leurs métadonnées associées.

Ainsi, cette approche nous permettrait de répondre aux deux problèmes identifiés précédemment.

Pour expliciter cette approche, revenons sur l'utilisation du contexte causal par les mécanismes de résolution de conflits automatiques. Le contexte causal est utilisé par les mécanismes de résolution de conflits automatiques pour :

- (i) Satisfaire le modèle de cohérence causale, c.-à-d. assurer que si nous avons deux modifications  $m_1$  et  $m_2$  telles que  $m1 \rightarrow m_2$ , alors l'effet de  $m_2$  supplantera celui de  $m_1$ . Ceci permet d'éviter des anomalies de comportement de la part de la structure de données du point de vue des utilisateur-rices, par exemple la résurgence d'un élément supprimé au préalable.
- (ii) Permettre de préserver l'intention d'une modification malgré l'intégration préalable de modifications concurrentes.

Les mécanismes de résolution de conflits automatiques maintiennent donc le contexte causal de l'état de la donnée. Le contexte causal peut être représenté de différentes manières. Par exemple, le contexte causal peut prendre la forme du journal des opérations auquel on associe soit le vecteur de version correspondant à l'état de la donnée [47, 48], soit l'ensemble des extremités du Directed Acyclic Graph (DAG) formé par les opérations [49]. Cependant, de manière intrinsèque, le contexte causal ne fait que de croître au fur et à mesure que des modifications sont effectuées ou que des noeuds rejoignent le système, incrémentant son surcoût en métadonnées, calculs et bande-passante.

La stabilité causale permet cependant de réduire le surcoût lié au contexte causal. En effet, la stabilité causale permet d'établir le contexte commun à l'ensemble des noeuds, c.-à-d. l'ensemble des modifications que l'ensemble des noeuds ont intégré. Ces modifications font alors partie de l'histoire commune et n'ont plus besoin d'être considérées par les mécanismes de résolution de conflits automatiques. La stabilité causale permet donc de déterminer et de tronquer la partie commune du contexte causal pour éviter que ce dernier ne pénalise les performances du système à terme.

La stabilité causale est cependant une contrainte forte dans les systèmes P2P dynamiques à large échelle sujet au churn. Il ne suffit en effet que d'un noeud déconnecté pour empêcher la stabilité causale de progresser. Pour répondre à ce problème, nous avons dès lors tout un spectre d'approches possibles, proposant chacune un compromis entre le surcoût du contexte causal et la probabilité de rejeter des modifications. Les extremités de ce spectre d'approches sont les suivantes :

- (i) Considérer tout noeud déconnecté comme déconnecté de manière définitive, et donc les ignorer dans le calcul de la stabilité causale. Cette première approche permet à la stabilité causale de progresser, et ainsi aux noeuds connectés de travailler dans des conditions optimales. Mais elle implique cependant que les modifications potentielles des noeuds déconnectés soient perdues, c.-à-d. de ne plus pouvoir les intégrer en l'absence d'un lien entre leur contexte causal de génération et le contexte causal actuel de chaque autre noeud. Il s'agit là de la stratégie la plus aggressive en terme de GC du contexte causal.
- (ii) Assurer en toutes circonstances la capacité d'intégration des modifications des noeuds, même ceux déconnectés. Cette seconde approche permet de garantir que les modifications potentielles des noeuds déconnectés pourront être intégrées automatiquement, dans l'éventualité où ces derniers se reconnectent à terme. Mais elle implique de bloquer potentiellement de manière définitive la stabilité causale et donc le mécanisme de GC du contexte causal. Il s'agit là de la stratégie la plus timide en terme de GC du contexte causal.

La seconde limite que nous constatons est la limite des mécanismes actuels de résolution de conflits automatiques pour préserver l'intention des utilisateur-rices. Par exemple, les mécanismes de résolution de conflits automatiques pour le type Séquence présentés dans ce manuscrit (cf. section 2.3, page 30) définissent l'intention de la manière suivante : l'intégration de la modification par les noeuds distants doit reproduire l'effet de la modification sur la copie d'origine. Cette définition assure que chaque modification est porteuse d'une intention, mais limite voire ignore toute la dimension sémantique de la dite intention. Nous conjecturons que l'absence de dimension sémantique réduit les cas d'utilisation de ces mécanismes.

Considérons par exemple une édition collaborative d'un même texte par un ensemble de noeuds. Lors de la présence d'une faute de frappe dans le texte, e.g. le mot "HLLO", plusieurs utilisateur-rices peuvent la corriger en concurrence, c.-à-d. insérer l'élément "E" entre "H" et "L". Les mécanismes de résolution de conflits automatiques permettent aux noeuds d'obtenir des résultats qui convergent mais à notre sens insatisfaisant, e.g. "HEEEEELLO". Nous considérons ce type de résultats comme des anomalies, au même titre que l'entrelacement [81]. Dans le cadre de collaborations temps réel à échelle limitée, nous conjecturons cependant qu'une granularité fine des modifications permet de pallier ce problème. En effet, les utilisateur-rices peuvent observer une anomalie produite par le mécanisme de résolution de conflits automatique, déduire l'intention initiale des modifications concernées et la restaurer par le biais d'actions supplémentaires de compensation.

Cependant, dans le cadre de collaborations asynchrones ou à large échelle, nous conjecturons que ces anomalies de résolution de conflits s'accumulent. Cette accumulation peut atteindre un seuil rendant laborieuse la déduction et le rétablissement de l'intention ini-

tiale des modifications. Le travail imposé aux utilisateur-rices pour résoudre ces anomalies par le biais d'actions de compensation peut alors entraver la collaboration. Pour reprendre l'exemple de l'édition collaborative de texte, nous pouvons constater de tels cas suite à de la duplication de contenu et/ou l'entrelacement de mots, phrases voire paragraphes nuisant à la clarté et correction du texte. Il convient alors de s'interroger sur le bien-fondé de l'utilisation de mécanismes de résolutions de conflits automatiques pour intégrer un ensemble de modifications dans l'ensemble des situations.

Ainsi, pour répondre aux limites des mécanismes de résolution conflits automatiques dans les systèmes P2P à large échelle, c.-à-d. l'augmentation de leur surcoût et la pertinence de leur résultat, nous souhaitons proposer une approche combinant un ou des mécanismes de résolution de conflits automatiques avec un ou des mécanismes de résolution de conflits manuels. L'idée derrière cette approche est de faire varier le mécanisme de résolution de conflits utilisé pour intégrer des modifications. Le choix du mécanisme de résolution de conflits utilisé peut se faire à partir de la valeur d'une distance calculée entre la version courante de la donnée répliquée et celle de la génération de la modification à intégrer, ou d'une évaluation de la qualité du résultat de l'intégration de la modification. Par exemple :

- (i) Si la distance calculée se trouve dans un intervalle de valeurs pour lequel nous disposons d'un mécanisme de résolution de conflits automatique satisfaisant, utiliser ce dernier. Ainsi, nous pouvons envisager de reposer sur plusieurs mécanismes de résolution de conflits automatiques, de plus en plus complexes et pertinents mais coûteux, sans dégrader les performances du système dans le cas de base.
- (ii) Si la distance calculée dépasse la distance seuil, c.-à-d. que nous ne disposons plus à ce stade de mécanismes de résolution de conflits automatiques satisfaisants, faire intervenir les utilisateur-rices par le biais d'un mécanisme de résolution de conflits manuel. L'utilisation d'un mécanisme manuel n'exclut cependant pas tout pré-travail de notre part pour réduire la charge de travail des utilisateur-rices dans le processus de fusion.

Dans un premier temps, cette approche pourrait se focaliser sur un type d'application spécifique, e.g. l'édition collaborative de texte.

Cette approche nous permettrait de répondre aux limites soulevées précédemment. En effet, elle permettrait de limiter la génération d'anomalies par le mécanisme de résolution de conflits automatique en faisant intervenir les utilisateur-rices. Puis, puisque nous déléguons aux utilisateur-rices l'intégration des modifications à partir d'une distance seuil, nous pouvons dès lors reconsidérer les métadonnées conservées par les noeuds pour les mécanismes de résolution de conflits automatiques. Notamment, nous pouvons identifier les noeuds se trouvant au-delà de cette distance seuil d'après leur dernier contexte causal connu et ne plus les prendre en compte pour le calcul de la stabilité causale. Cette approche permettrait donc de réduire le surcoût lié au contexte causal et limiter la perte de modifications, tout en prenant en considération l'ajout de travail aux utilisateur-rices.

Pour mener à bien ce travail, il conviendra tout d'abord de définir la notion de distance entre versions de la donnée répliquée. Nous envisageons de baser cette dernière sur les deux aspects temporel et spatial, c.-à-d. en utilisant la distance entre contextes causaux et la distance entre contenus. Dans le cadre de l'édition collaborative, nous pourrons pour cela nous baser sur les travaux existants pour évaluer la distance entre deux textes.

Il conviendra ensuite de déterminer comment établir la valeur seuil à partir de laquelle la distance entre versions est jugée trop importante. Les approches d'évaluation de la qualité du résultat [95] pourront être utilisées pour déterminer un couple ( méthode de calcul de la distance, valeur de distance ) spécifiant les cas pour lesquels les méthodes de résolution de conflits automatiques ne produisent plus un résultat satisfaisant. Le couple obtenu pourra ensuite être confirmé par le biais d'expériences utilisateurs inspirées de [84, 85].

Finalement, il conviendra de proposer un mécanisme de résolution de conflits adapté pour gérer les éventuelles fusions d'une même modification de façon concurrente par un mécanisme automatique et par un mécanisme manuel, ou à défaut un mécanisme de conscience de groupe invitant les utilisateur-rices à effectuer des actions de compensation.

#### 3.2.3 Étude comparative des différents modèles de synchronisation pour CRDTs

Comme évoqué dans l'état de l'art (cf. section 2.2.2, page 26), un nouveau modèle de synchronisation pour CRDT fut proposé récemment [44]. Ce dernier propose une synchronisation des noeuds par le biais de différences d'états. Dans notre étude comparative des différents modèles de synchronisation (cf. section 2.2.2, page 28), nous avons justifié que ce modèle de synchronisation est adapté à l'ensemble des contextes d'utilisation qui étaient jusqu'alors exclusifs soit au modèle de synchronisation par états, soit par opérations. Dans cette piste de recherche, nous souhaitons approfondir notre étude comparative pour déterminer si le modèle de synchronisation par différences d'états rend obsolètes les modèles de synchronisation précédents.

Pour rappel, ce nouveau modèle de synchronisation se base sur le modèle de synchronisation par états. Il partage les mêmes pré-requis, à savoir la nécessité d'une fonction merge associative, commutative et idempotente. Cette dernière doit permettre de la fusion toute paire d'états possible en calculant leur borne supérieure, c.-à-d. leur LUB [36].

La spécificité de ce nouveau modèle de synchronisation est de calculer pour chaque modification la différence d'état correspondante. Cette différence correspond à un élément irréductible du sup-demi-treillis du CRDT [56], c.-à-d. un état particulier de ce dernier. Cet élément irréductible peut donc être diffusé et intégré par les autres noeuds, toujours à l'aide de la fonction merge.

Ce modèle de synchronisation permet alors d'adopter une variété de stratégies de synchronisation, e.g. diffusion des différences de manière atomique, fusion de plusieurs différences puis diffusion du résultat..., et donc de répondre à une grande variété de cas d'utilisation.

Ainsi, un CRDT synchronisé par différences d'états correspond à un CRDT synchronisé par états dont nous avons identifié les éléments irréductibles. La différence entre ces

deux modèles de synchronisation semble reposer seulement sur la possibilité d'utiliser ces éléments irréductibles pour propager les modifications, en place et lieu des états complets. Nous conjecturons donc que le modèle de synchronisation par états est rendu obsolète par celui par différences d'états. Il serait intéressant de confirmer cette supposition.

En revanche, l'utilisation du modèle de synchronisation par opérations conduit généralement à une spécification différente du CRDT, les opérations permettant d'encoder plus librement les modifications. Notamment, l'utilisation d'opérations peut mener à des algorithmes d'intégration des modifications différents que ceux de la fonction merge. Il convient de comparer ces algorithmes pour déterminer si le modèle de synchronisation par opérations peut présenter un intérêt en termes de surcoût.

Au-delà de ce premier aspect, il convient d'explorer d'autres pistes pouvant induire des avantages et inconvénients pour chacun de ces modèles de synchronisation. À l'issue de cette thèse, nous identifions les pistes suivantes :

- (i) La composition de CRDTs, c.-à-d. la capacité de combiner et de mettre en relation plusieurs CRDTs au sein d'un même système, afin d'offrir des fonctionnalités plus complexes. Par exemple, une composition de CRDTs peut se traduire par l'ajout de dépendances entre les modifications des différents CRDTs composés. Le modèle de synchronisation par opérations nous apparaît plus adapté pour cette utilisation, de par le découplage qu'il induit entre les CRDTs et la couche de livraison de messages.
- (ii) L'utilisation de CRDTs au sein de systèmes non-sûrs, c.-à-d. pouvant compter un ou plusieurs adversaires byzantins [96]. Dans de tels systèmes, les adversaires byzantins peuvent générer des modifications différentes mais qui sont perçues comme identiques par les mécanismes de résolution de conflits. Cette attaque, nommée équivoque, peut provoquer la divergence définitive des copies. [89] propose une solution adaptée aux systèmes P2P à large échelle. Celle-ci se base notamment sur l'utilisation de journaux infalsifiables. Il convient alors d'étudier si l'utilisation de journaux infalsifiables ne limite pas le potentiel du modèle de synchronisation par différences d'états, e.g. en interdisant la diffusion des modifications par états complets.

Un premier objectif de notre travail serait de proposer des directives sur le modèle de synchronisation à privilégier en fonction du contexte d'utilisation du CRDT.

Ce travail permettrait aussi d'étudier la combinaison des modèles de synchronisation par opérations et par différences d'états au sein d'un même CRDT. Le but serait notamment d'identifier les paramètres conduisant à privilégier un modèle de synchronisation par rapport à l'autre, de façon à permettre aux noeuds de basculer dynamiquement entre les deux.

#### 3.2.4 Approfondissement du patron de conception de Pure Operation-Based CRDTs

Plusieurs approches ont été proposées dans la littérature pour guider la conception de CRDTs :

(i) L'utilisation de la théorie des treillis pour la conception de CRDTs synchronisés par états et par différences d'états [19, 56].

(ii) L'utilisation d'un journal partiellement ordonné des opérations, nommé PO-Log, pour la conception de CRDTs synchronisés par opérations [43].

Cependant, ce framework proposé par [43] souffre de plusieurs limitations. Nous souhaitons donc proposer un nouveau framework pour la conception de CRDTs synchronisés par opérations, en nous basant sur ce dernier.

Le framework proposé dans [43] possède plusieurs objectifs :

- (i) Proposer une approche partiellement générique pour définir un CRDT synchronisé par opérations.
- (ii) Factoriser les métadonnées utilisées par le CRDT pour le mécanisme de résolution de conflits, notamment pour identifier les éléments, et celles utilisées par la couche livraison, notamment pour identifier les opérations.
- (iii) Inclure des mécanismes de GC de ces métadonnées pour réduire la taille de l'état.

Pour cela, les auteurs se limitent aux CRDTs purs synchronisés par opérations, c.-à-d. les CRDTs dont les modifications enrichies de leurs arguments et d'une estampille fournie par la couche de livraison des messages sont commutatives. Pour ces CRDTs, les auteurs proposent un framework générique permettant leur spécification sous la forme d'un PO-Log. Les auteurs associent le PO-Log à une couche de livraison Reliable Causal Broadcast (RCB) des opérations.

Les auteurs définissent ensuite le concept de stabilité causale. Ce concept leur permet de retirer les métadonnées de causalité des opérations du PO-Log lorsque celles-ci sont déterminées comme étant causalement stables.

Finalement, les auteurs définissent un ensemble de relations, spécifiques à chaque CRDT, qui permettent d'exprimer la *redondance causale*. La redondance causale permet de spécifier quand retirer une opération du PO-Log, car rendue obsolète par une autre opération.

Comme évoqué précédemment, cette approche souffre toutefois de plusieurs limites. Tout d'abord, elle repose sur l'utilisation d'une couche de livraison RCB. Cette couche satisfait le modèle de livraison causale. Mais pour rappel, ce modèle induit l'ajout de données de causalité précises à chaque opération, sous la forme d'un vecteur de version ou d'une barrière causale. Nous jugeons ce modèle trop coûteux pour les systèmes P2P dynamiques à large échelle sujets au churn.

En plus du coût induit en termes de métadonnées et de bande-passante, le modèle de livraison causale peut aussi introduire un délai superflu dans la livraison des opérations. En effet, ce modèle impose que tous les messages précédant un nouveau message d'après la relation happens-before soient eux-mêmes livrés avant de livrer ce dernier. Il en résulte que des opérations peuvent être mises en attente par la couche livraison, e.g. suite à la perte d'une de leurs dépendances d'après la relation happens-before, alors que leurs dépendances réelles ont déjà été livrées et que les opérations sont de fait intégrables en l'état. Plusieurs travaux [97, 54] ont noté ce problème. Pour y répondre et ainsi améliorer la réactivité du framework Pure Operation-Based, ils proposent d'exposer les opérations mises en attente par la couche livraison au CRDT. Bien que fonctionnelle, cette approche induit toujours

le coût d'une couche de livraison respectant le modèle de livraison causale et nous fait considérer la raison de ce coût, le modèle de livraison n'étant dès lors plus respecté.

Ensuite, ce framework impose que la modification **prepare** ne puisse pas inspecter l'état courant du noeud. Cette contrainte est compatible avec les CRDTs pour les types de données simples qui sont considérés dans [43], e.g. le Compteur ou l'Ensemble. Elle empêche cependant l'expression de CRDTs pour des types de données plus complexes, e.g. la Séquence ou le Graphe. Nous jugeons dommageable qu'un framework pour la conception de CRDTs limite de la sorte son champ d'application.

Finalement, les auteurs ne considèrent que des types de données avec des modifications à granularité fixe. Ainsi, ils définissent la notion de redondance causale en se limitant à ce type de modifications. Par exemple, ils définissent que la suppression d'un élément d'un ensemble rend obsolète les ajouts précédents de cet élément. Cependant, dans le cadre d'autres types de données, e.g. la Séquence, une modification peut concerner un ensemble d'éléments de taille variable. Une opération peut donc être rendue obsolète non pas par une opération, mais par un ensemble d'opérations. Par exemple, les suppressions d'éléments formant une sous-chaîne rendent obsolète l'insertion de cette sous-chaîne. Ainsi, la notion de redondance causale est incomplète et souffre de l'absence d'une notion d'obsolescence partielle d'une opération.

Pour répondre aux différents problèmes soulevés, nous souhaitons proposer un nouveau framework en nous basant sur [43]. Nos objectifs sont les suivants :

- (i) Proposer un framework mettant en lumière la présence et le rôle de deux modèles de livraison :
  - (i) Le modèle de livraison minimal requis par le CRDT pour assurer la convergence forte à terme [19].
  - (ii) Le modèle de livraison employé par le système qui utilise le CRDT. Ce second modèle de livraison est une stratégie permettant au système de respecter un modèle de cohérence donné et régissant les règles de compaction de l'état. Il doit être égal ou plus contraint que modèle de livraison minimal du CRDT et peut être amené à évoluer en fonction de l'état du système et de ses besoins. Par exemple, un système pourrait par défaut utiliser le modèle de livraison causale pour assurer le modèle de cohérence causal. Puis, lorsque le nombre de noeuds atteint un seuil donné et que le coût de la livraison causale devient trop élevé, le système pourrait passer au modèle de livraison FIFO pour assurer le modèle de cohérence PRAM afin de réduire les coûts en bande-passante.
- (ii) Étendre la notion de redondance causale pour prendre en compte la redondance partielle des opérations. De plus, nous souhaitons rendre cette notion accessible à la couche de livraison, pour détecter au plus tôt les opérations désormais obsolètes et prévenir leur diffusion.
- (iii) Identifier et classifier les mécanismes de résolution de conflits, pour déterminer lesquels sont indépendants de l'état courant pour la génération des opérations et lesquels nécessitent d'inspecter l'état courant dans **prepare**.

main: version du mercredi 19 octobre 2022 à 11 h 06

Chapitre 3. Conclusions et perspectives

# Annexe A

# Entrelacement d'insertions concurrentes dans Treedoc

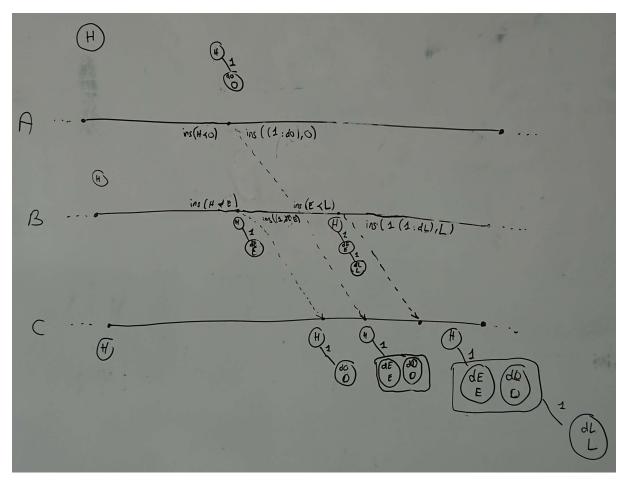


FIGURE A.1 – Modifications concurrentes d'une séquence Treedoc résultant en un entre-lacement

main: version du mercredi 19 octobre 2022 à 11 h 06

Annexe A. Entrelacement d'insertions concurrentes dans Treedoc

#### Annexe B

# Algorithmes RENAMEID

#### Algorithme 2 Remaining functions to rename an identifier

```
function RENIDLESSTHANFIRSTID(id, newFirstId)
    \textbf{if} \ \mathrm{id} < \mathrm{newFirstId} \ \textbf{then}
        {\bf return} \,\, {\rm id}
    else
        pos \leftarrow position(newFirstId)
        nId \leftarrow nodeId(newFirstId)
        nSeq \leftarrow nodeSeq(newFirstId)
        predNewFirstId \leftarrow new Id(pos, nId, nSeq, -1)
        \mathbf{return}\ \mathrm{concat}(\mathrm{predNewFirstId},\ \mathrm{id})
end function
function RENIDGREATERTHANLASTID(id, newLastId)
    {f if} \ {
m id} < {
m newLastId} \ {f then}
        return concat(newLastId, id)
    else
        {f return} id
    end if
end function
```

main: version du mercredi 19 octobre 2022 à 11 h 06

Annexe B. Algorithmes RENAMEID

# Annexe C Algorithmes REVERTRENAMEID

#### Algorithme 3 Remaining functions to revert an identifier renaming

```
function REVRENIDLESSTHANNEWFIRSTID(id, firstId, newFirstId)
    predNewFirstId \leftarrow createIdFromBase(newFirstId, -1)
    if isPrefix(predNewFirstId, id) then
       tail \leftarrow getTail(id, 1)
       if \ {\rm tail} < {\rm firstId} \ then
           return tail
       else
                                                        \triangleright id has been inserted causally after the rename op
           offset \leftarrow getLastOffset(firstId)
           predFirstId \leftarrow createIdFromBase(firstId, offset)
           return concat(predFirstId, MAX TUPLE, tail)
       end if
    else
       \mathbf{return} id
    end if
end function
function REVRENIDGREATERTHANNEWLASTID(id, lastId)
   \textbf{if} \ \mathrm{id} < \mathrm{lastId} \ \textbf{then}
                                                        \triangleright id has been inserted causally after the rename op
       return concat(lastId, MIN TUPLE, id)
    else if isPrefix(newLastId, id) then
       tail \leftarrow getTail(id, 1)
       if tail < lastId then
                                                        \triangleright id has been inserted causally after the rename op
           return concat(lastId, MIN_TUPLE, tail)
       else if tail < newLastId then
           return tail
        else
                                                        \triangleright id has been inserted causally after the rename op
           \mathbf{return} id
       end if
    else
        return id
    end if
end function
```

# Bibliographie

- [1] Ina FRIED. Scoop: Google's G Suite cracks 2 billion users. Last Accessed: 2022-10-19. URL: https://www.axios.com/2020/03/12/google-g-suite-total-users.
- [2] WIKIMEDIA. Wikimedia Statistics English Wikipedia. Last Accessed: 2022-10-06. URL: https://stats.wikimedia.org/#/en.wikipedia.org.
- [3] STATISTA. Biggest social media platforms 2022. Last Accessed: 2022-10-06. URL: https://www.statista.com/statistics/272014/global-social-networks-ranked-by-number-of-users/.
- [4] GITHUB. Search · type :user. Last Accessed : 2022-10-19. URL : https://github.com/search?q=type:user&type=Users.
- [5] Taylor LORENZ. Internet communities are battling over pixels. Last Accessed: 2022-10-18. URL: https://www.washingtonpost.com/technology/2022/04/04/reddit-place-internet-communities/.
- [6] Matthew O'MARA. Twitch Plays Pokémon a wild experiment in crowd sourced gameplay. Last Accessed: 2022-10-18. URL: https://financialpost.com/technology/gaming/twitch-plays-pokemon-a-wild-experiment-in-crowd-sourced-gameplay.
- [7] Paul BARAN. « On distributed communications networks ». In: *IEEE transactions on Communications Systems* 12.1 (1964), p. 1–9.
- [8] WIKIPEDIA. Censorship of Wikipedia. Last Accessed: 2022-10-18. URL: https://en.wikipedia.org/wiki/Censorship\_of\_Wikipedia.
- [9] Cody Odgen. Google Graveyard. Last Accessed: 2022-10-11. URL: https://killedbygoogle.com/.
- [10] Glen GREENWALD et Ewen MACASKILL. NSA Prism program taps in to user data of Apple, Google and others. Last Accessed: 2022-10-07. URL: https://www.theguardian.com/world/2013/jun/06/us-tech-giants-nsa-data.
- [11] Barton GELLMAN et Laura POITRAS. U.S., British intelligence mining data from nine U.S. Internet companies in broad secret program. Last Accessed: 2022-10-07. URL: https://www.washingtonpost.com/investigations/us-intelligence-mining-data-from-nine-us-internet-companies-in-broad-secret-program/2013/06/06/3a0c0da8-cebf-11e2-8845-d970ccb04497\_story.html.

- [12] Martin Kleppmann, Adam Wiggins, Peter van Hardenberg et Mark McGranaghan. « Local-First Software: You Own Your Data, in Spite of the Cloud ». In: Proceedings of the 2019 ACM SIGPLAN International Symposium on New Ideas, New Paradigms, and Reflections on Programming and Software. Onward! 2019. Athens, Greece: Association for Computing Machinery, 2019, p. 154–178. ISBN: 9781450369954. DOI: 10.1145/3359591.3359737. URL: https://doi.org/10.1145/3359591.3359737.
- [13] Yasushi Saito et Marc Shapiro. « Optimistic Replication ». In: *ACM Comput. Surv.* 37.1 (mar. 2005), p. 42–81. ISSN: 0360-0300. DOI: 10.1145/1057977. 1057980. URL: https://doi.org/10.1145/1057977.1057980.
- [14] Douglas B TERRY, Marvin M THEIMER, Karin PETERSEN, Alan J DEMERS, Mike J SPREITZER et Carl H HAUSER. « Managing Update Conflicts in Bayou, a Weakly Connected Replicated Storage System ». In: SIGOPS Oper. Syst. Rev. 29.5 (déc. 1995), p. 172–182. ISSN: 0163-5980. DOI: 10.1145/224057.224070. URL: https://doi.org/10.1145/224057.224070.
- [15] Daniel STUTZBACH et Reza REJAIE. « Understanding Churn in Peer-to-Peer Networks ». In: Proceedings of the 6th ACM SIGCOMM Conference on Internet Measurement. IMC '06. Rio de Janeriro, Brazil: Association for Computing Machinery, 2006, p. 189–202. ISBN: 1595935614. DOI: 10.1145/1177080.1177105. URL: https://doi.org/10.1145/1177080.1177105.
- [16] Leslie Lamport. « The part-time parliament ». In: Concurrency: the Works of Leslie Lamport. 2019, p. 277–317.
- [17] Diego Ongaro et John Ousterhout. « In search of an understandable consensus algorithm ». In: 2014 USENIX Annual Technical Conference (Usenix ATC 14). 2014, p. 305–319.
- [18] Marc Shapiro et Nuno Preguiça. Designing a commutative replicated data type. Research Report RR-6320. INRIA, 2007. url: https://hal.inria.fr/inria-00177693.
- [19] Marc Shapiro, Nuno M. Preguiça, Carlos Baquero et Marek Zawirski. « Conflict-Free Replicated Data Types ». In: *Proceedings of the 13th International Symposium on Stabilization, Safety, and Security of Distributed Systems.* SSS 2011. 2011, p. 386–400. Doi: 10.1007/978-3-642-24550-3\_29.
- [20] Mihai Letia, Nuno Preguiça et Marc Shapiro. « Consistency without concurrency control in large, dynamic systems ». In: LADIS 2009 3rd ACM SIGOPS International Workshop on Large Scale Distributed Systems and Middleware. T. 44. Operating Systems Review 2. Big Sky, MT, United States: Assoc. for Computing Machinery, oct. 2009, p. 29–34. DOI: 10.1145/1773912.1773921. URL: https://hal.inria.fr/hal-01248270.
- [21] Marek ZAWIRSKI, Marc SHAPIRO et Nuno PREGUIÇA. « Asynchronous rebalancing of a replicated tree ». In: Conférence Française en Systèmes d'Exploitation (CFSE). Saint-Malo, France, mai 2011, p. 12. URL: https://hal.inria.fr/hal-01248197.

- [22] Matthieu NICOLAS, Victorien ELVINGER, Gérald OSTER, Claudia-Lavinia IGNAT et François CHAROY. « MUTE: A Peer-to-Peer Web-based Real-time Collaborative Editor ». In: ECSCW 2017 15th European Conference on Computer-Supported Cooperative Work. T. 1. Proceedings of 15th European Conference on Computer-Supported Cooperative Work Panels, Posters and Demos 3. Sheffield, United Kingdom: EUSSET, août 2017, p. 1–4. DOI: 10.18420/ecscw2017\\_p5. URL: https://hal.inria.fr/hal-01655438.
- [23] Luc André, Stéphane Martin, Gérald Oster et Claudia-Lavinia Ignat. « Supporting Adaptable Granularity of Changes for Massive-Scale Collaborative Editing ». In: International Conference on Collaborative Computing: Networking, Applications and Worksharing CollaborateCom 2013. Austin, TX, USA: IEEE Computer Society, oct. 2013, p. 50–59. DOI: 10.4108/icst.collaboratecom. 2013.254123.
- [24] Victorien ELVINGER. « Réplication sécurisée dans les infrastructures pair-à-pair de collaboration ». Theses. Université de Lorraine, juin 2021. URL: https://hal.univ-lorraine.fr/tel-03284806.
- [25] Matthieu NICOLAS, Gerald OSTER et Olivier PERRIN. « Efficient Renaming in Sequence CRDTs ». In: *IEEE Transactions on Parallel and Distributed Systems* 33.12 (déc. 2022), p. 3870–3885. DOI: 10.1109/TPDS.2022.3172570. URL: https://hal.inria.fr/hal-03772633.
- [26] Hoang-Long NGUYEN, Claudia-Lavinia IGNAT et Olivier PERRIN. « Trusternity: Auditing Transparent Log Server with Blockchain ». In: Companion of the The Web Conference 2018. Lyon, France, avr. 2018. DOI: 10.1145/3184558.3186938. URL: https://hal.inria.fr/hal-01883589.
- [27] Hoang-Long NGUYEN, Jean-Philippe EISENBARTH, Claudia-Lavinia IGNAT et Olivier PERRIN. « Blockchain-Based Auditing of Transparent Log Servers ». In: 32th IFIP Annual Conference on Data and Applications Security and Privacy (DBSec). Sous la dir. de Florian KERSCHBAUM et Stefano PARABOSCHI. T. LNCS-10980. Data and Applications Security and Privacy XXXII. Part 1: Administration. Bergamo, Italy: Springer International Publishing, juil. 2018, p. 21–37. DOI: 10.1007/978-3-319-95729-6\\_2. URL: https://hal.archives-ouvertes.fr/hal-01917636.
- [28] Abhinandan DAS, Indranil GUPTA et Ashish MOTIVALA. « SWIM : scalable weakly-consistent infection-style process group membership protocol ». In : *Proceedings International Conference on Dependable Systems and Networks*. 2002, p. 303–312. DOI: 10.1109/DSN.2002.1028914.
- [29] Armon Dadgar, James Phillips et Jon Currey. « Lifeguard : Local health awareness for more accurate failure detection ». In : 2018 48th Annual IEEE/IFIP International Conference on Dependable Systems and Networks Workshops (DSN-W). IEEE. 2018, p. 22–25.

- [30] Brice Nédelec, Julian Tanke, Davide Frey, Pascal Molli et Achour Mosté-Faoul. « An adaptive peer-sampling protocol for building networks of browsers ». In: World Wide Web 21.3 (2018), p. 629–661.
- [31] Mike Burmester et Yvo Desmedt. « A secure and efficient conference key distribution system ». In: Advances in Cryptology EUROCRYPT'94. Sous la dir. d'Alfredo De Santis. Berlin, Heidelberg: Springer Berlin Heidelberg, 1995, p. 275—286. ISBN: 978-3-540-44717-7.
- [32] Matthieu NICOLAS. « Efficient renaming in CRDTs ». In: Middleware 2018 19th ACM/IFIP International Middleware Conference (Doctoral Symposium). Rennes, France, déc. 2018. URL: https://hal.inria.fr/hal-01932552.
- [33] Matthieu NICOLAS, Gérald OSTER et Olivier PERRIN. « Efficient Renaming in Sequence CRDTs ». In: 7th Workshop on Principles and Practice of Consistency for Distributed Data (PaPoC'20). Heraklion, Greece, avr. 2020. URL: https://hal.inria.fr/hal-02526724.
- [34] Rachid Guerraoui, Matej Pavlovic et Dragos-Adrian Seredinschi. « Trade-offs in replicated systems ». In: *IEEE Data Engineering Bulletin* 39.ARTICLE (2016), p. 14–26.
- [35] Leslie LAMPORT. « Time, Clocks, and the Ordering of Events in a Distributed System ». In: Commun. ACM 21.7 (juil. 1978), p. 558–565. ISSN: 0001-0782. DOI: 10.1145/359545.359563. URL: https://doi.org/10.1145/359545.359563.
- [36] Nuno M. Preguiça, Carlos Baquero et Marc Shapiro. « Conflict-free Replicated Data Types (CRDTs) ». In: CoRR abs/1805.06358 (2018). arXiv: 1805.06358. URL: http://arxiv.org/abs/1805.06358.
- [37] Nuno M. Preguiça. « Conflict-free Replicated Data Types: An Overview ». In: CoRR abs/1806.10254 (2018). arXiv: 1806.10254. URL: http://arxiv.org/abs/1806.10254.
- [38] B. A. DAVEY et H. A. PRIESTLEY. *Introduction to Lattices and Order*. 2<sup>e</sup> éd. Cambridge University Press, 2002. DOI: 10.1017/CB09780511809088.
- [39] Paul R JOHNSON et Robert THOMAS. RFC0677: Maintenance of duplicate databases. RFC Editor, 1975.
- [40] Weihai Yu et Sigbjørn ROSTAD. « A Low-Cost Set CRDT Based on Causal Lengths ». In: Proceedings of the 7th Workshop on Principles and Practice of Consistency for Distributed Data. New York, NY, USA: Association for Computing Machinery, 2020. ISBN: 9781450375245. URL: https://doi.org/10.1145/3380787.3393678.
- [41] Marc Shapiro, Nuno Preguiça, Carlos Baquero et Marek Zawirski. *A comprehensive study of Convergent and Commutative Replicated Data Types.* Research Report RR-7506. Inria Centre Paris-Rocquencourt; INRIA, jan. 2011, p. 50. URL: https://hal.inria.fr/inria-00555588.

- [42] Carlos Baquero, Paulo Sérgio Almeida et Ali Shoker. « Making Operation-Based CRDTs Operation-Based ». In: Proceedings of the First Workshop on Principles and Practice of Eventual Consistency. PaPEC '14. Amsterdam, The Netherlands: Association for Computing Machinery, 2014. ISBN: 9781450327169. DOI: 10.1145/2596631.2596632. URL: https://doi.org/10.1145/2596631.2596632.
- [43] Carlos Baquero, Paulo Sergio Almeida et Ali Shoker. *Pure Operation-Based Replicated Data Types*. 2017. arXiv: 1710.04469 [cs.DC].
- [44] Paulo Sérgio Almeida, Ali Shoker et Carlos Baquero. « Efficient State-Based CRDTs by Delta-Mutation ». In: *Networked Systems*. Sous la dir. d'Ahmed Boua-Jiani et Hugues Fauconnier. Cham: Springer International Publishing, 2015, p. 62–76. ISBN: 978-3-319-26850-7.
- [45] Paulo Sérgio Almeida, Ali Shoker et Carlos Baquero. « Delta state replicated data types ». In: Journal of Parallel and Distributed Computing 111 (jan. 2018), p. 162–173. ISSN: 0743-7315. DOI: 10.1016/j.jpdc.2017.08.003. URL: http://dx.doi.org/10.1016/j.jpdc.2017.08.003.
- [46] Prince Mahajan, Lorenzo Alvisi, Mike Dahlin et al. « Consistency, availability, and convergence ». In: *University of Texas at Austin Tech Report* 11 (2011), p. 158.
- [47] Friedemann MATTERN et al. Virtual time and global states of distributed systems. Univ., Department of Computer Science, 1988.
- [48] Colin FIDGE. « Logical Time in Distributed Computing Systems ». In: Computer 24.8 (août 1991), p. 28-33. ISSN: 0018-9162. DOI: 10.1109/2.84874. URL: https://doi.org/10.1109/2.84874.
- [49] Ravi Prakash, Michel Raynal et Mukesh Singhal. « An Adaptive Causal Ordering Algorithm Suited to Mobile Computing Environments ». In: Journal of Parallel and Distributed Computing 41.2 (1997), p. 190–204. ISSN: 0743-7315. DOI: https://doi.org/10.1006/jpdc.1996.1300. URL: https://www.sciencedirect.com/science/article/pii/S0743731596913003.
- [50] D. S. PARKER, G. J. POPEK, G. RUDISIN, A. STOUGHTON, B. J. WALKER, E. WALTON, J. M. CHOW, D. EDWARDS, S. KISER et C. KLINE. « Detection of Mutual Inconsistency in Distributed Systems ». In: IEEE Trans. Softw. Eng. 9.3 (mai 1983), p. 240–247. ISSN: 0098-5589. DOI: 10.1109/TSE.1983.236733. URL: https://doi.org/10.1109/TSE.1983.236733.
- [51] Giuseppe DECANDIA, Deniz HASTORUN, Madan JAMPANI, Gunavardhan KAKU-LAPATI, Avinash LAKSHMAN, Alex PILCHIN, Swaminathan SIVASUBRAMANIAN, Peter VOSSHALL et Werner VOGELS. « Dynamo : Amazon's highly available key-value store ». In : ACM SIGOPS operating systems review 41.6 (2007), p. 205–220.
- [52] Nico Kruber, Maik Lange et Florian Schintke. « Approximate Hash-Based Set Reconciliation for Distributed Replica Repair ». In: 2015 IEEE 34th Symposium on Reliable Distributed Systems (SRDS). 2015, p. 166–175. DOI: 10.1109/SRDS. 2015.30.

- [53] Ricardo Jorge Tomé Gonçalves, Paulo Sérgio Almeida, Carlos Baquero et Vitor Fonte. « DottedDB: Anti-Entropy without Merkle Trees, Deletes without Tombstones ». In: 2017 IEEE 36th Symposium on Reliable Distributed Systems (SRDS). 2017, p. 194–203. DOI: 10.1109/SRDS.2017.28.
- [54] Jim Bauwens et Elisa Gonzalez Boix. « Improving the Reactivity of Pure Operation-Based CRDTs ». In: Proceedings of the 8th Workshop on Principles and Practice of Consistency for Distributed Data. PaPoC '21. Online, United Kingdom: Association for Computing Machinery, 2021. ISBN: 9781450383387. DOI: 10.1145/3447865. 3457968. URL: https://doi.org/10.1145/3447865.3457968.
- [55] Carlos Baquero, Paulo Sérgio Almeida et Ali Shoker. « Making Operation-Based CRDTs Operation-Based ». In: *Distributed Applications and Interoperable Systems*. Sous la dir. de Kostas Magoutis et Peter Pietzuch. Berlin, Heidelberg: Springer Berlin Heidelberg, 2014, p. 126–140.
- [56] Vitor Enes, Paulo Sérgio Almeida, Carlos Baquero et João Leitão. « Efficient Synchronization of State-Based CRDTs ». In: 2019 IEEE 35th International Conference on Data Engineering (ICDE). 2019, p. 148–159. DOI: 10.1109/ICDE.2019.00022.
- [57] Clarence A. Ellis et Simon J. Gibbs. « Concurrency Control in Groupware Systems ». In: Proceedings of the 1989 ACM SIGMOD International Conference on Management of Data. SIGMOD '89. Portland, Oregon, USA: Association for Computing Machinery, 1989, p. 399–407. ISBN: 0897913175. DOI: 10.1145/67544. 66963. URL: https://doi.org/10.1145/67544.66963.
- [58] Chengzheng Sun et Clarence Ellis. « Operational transformation in real-time group editors: issues, algorithms, and achievements ». In: *Proceedings of the 1998 ACM conference on Computer supported cooperative work.* 1998, p. 59–68.
- [59] Matthias Ressel, Doris Nitsche-Ruhland et Rul Gunzenhäuser. « An integrating, transformation-oriented approach to concurrency control and undo in group editors ». In: *Proceedings of the 1996 ACM conference on Computer supported cooperative work.* 1996, p. 288–297.
- [60] Chengzheng Sun, Yun Yang, Yanchun Zhang et David Chen. « A consistency model and supporting schemes for real-time cooperative editing systems ». In: Australian Computer Science Communications 18 (1996), p. 582–591.
- [61] David Sun et Chengzheng Sun. « Context-Based Operational Transformation in Distributed Collaborative Editing Systems ». In: Parallel and Distributed Systems, IEEE Transactions on 20 (nov. 2009), p. 1454–1470. DOI: 10.1109/TPDS.2008.240.
- [62] Chengzheng Sun, Xiaohua Jia, Yanchun Zhang, Yun Yang et David Chen. «Achieving convergence, causality preservation, and intention preservation in real-time cooperative editing systems». In: ACM Transactions on Computer-Human Interaction (TOCHI) 5.1 (1998), p. 63–108.

- [63] Gérald Oster, Pascal Molli, Pascal Urso et Abdessamad Imine. « Tombstone Transformation Functions for Ensuring Consistency in Collaborative Editing Systems ». In: 2006 International Conference on Collaborative Computing: Networking, Applications and Worksharing. 2006, p. 1–10. DOI: 10.1109/COLCOM.2006. 361867.
- [64] Chengzheng Sun, Xiaohua Jia, Yanchun Zhang, Yun Yang et David Chen. « Achieving Convergence, Causality Preservation, and Intention Preservation in Real-Time Cooperative Editing Systems ». In: ACM Trans. Comput.-Hum. Interact. 5.1 (mar. 1998), p. 63–108. ISSN: 1073-0516. DOI: 10.1145/274444.274447. URL: https://doi.org/10.1145/274444.274447.
- [65] Stéphane WEISS, Pascal URSO et Pascal MOLLI. « Logoot : A Scalable Optimistic Replication Algorithm for Collaborative Editing on P2P Networks ». In: Proceedings of the 29th International Conference on Distributed Computing Systems ICDCS 2009. Montreal, QC, Canada: IEEE Computer Society, juin 2009, p. 404–412. DOI: 10.1109/ICDCS.2009.75. URL: http://doi.ieeecomputersociety.org/10.1109/ICDCS.2009.75.
- [66] Bernadette Charron-Bost. « Concerning the size of logical clocks in distributed systems ». In: *Information Processing Letters* 39.1 (1991), p. 11–16.
- [67] Gérald Oster, Pascal Urso, Pascal Molli et Abdessamad Imine. « Data Consistency for P2P Collaborative Editing ». In: ACM Conference on Computer-Supported Cooperative Work CSCW 2006. Proceedings of the 2006 20th anniversary conference on Computer supported cooperative work. Banff, Alberta, Canada: ACM Press, nov. 2006, p. 259–268. URL: https://hal.inria.fr/inria-00108523.
- [68] Hyun-Gul ROH, Myeongjae JEON, Jin-Soo KIM et Joonwon LEE. « Replicated abstract data types: Building blocks for collaborative applications ». In: Journal of Parallel and Distributed Computing 71.3 (2011), p. 354-368. ISSN: 0743-7315.

  DOI: https://doi.org/10.1016/j.jpdc.2010.12.006. URL: http://www.sciencedirect.com/science/article/pii/S0743731510002716.
- [69] Nuno Preguica, Joan Manuel Marques, Marc Shapiro et Mihai Letia. « A Commutative Replicated Data Type for Cooperative Editing ». In: 2009 29th IEEE International Conference on Distributed Computing Systems. Juin 2009, p. 395–403. DOI: 10.1109/ICDCS.2009.20.
- [70] Paulo Sérgio Almeida, Carlos Baquero, Ricardo Gonçalves, Nuno Preguiça et Victor Fonte. « Scalable and Accurate Causality Tracking for Eventually Consistent Stores ». In: Distributed Applications and Interoperable Systems. Sous la dir. de Kostas Magoutis et Peter Pietzuch. Berlin, Heidelberg: Springer Berlin Heidelberg, 2014, p. 67–81. ISBN: 978-3-662-43352-2.
- [71] Charbel RAHHAL, Stéphane WEISS, Hala SKAF-MOLLI, Pascal URSO et Pascal MOLLI. *Undo in Peer-to-peer Semantic Wikis*. Research Report RR-6870. INRIA, 2009, p. 18. URL: https://hal.inria.fr/inria-00366317.

- [72] Mehdi Ahmed-Nacer, Claudia-Lavinia Ignat, Gérald Oster, Hyun-Gul Roh et Pascal Urso. « Evaluating CRDTs for Real-time Document Editing ». In: 11th ACM Symposium on Document Engineering. Sous la dir. d'ACM. Mountain View, California, United States, sept. 2011, p. 103–112. DOI: 10.1145/2034691.2034717. URL: https://hal.inria.fr/inria-00629503.
- [73] Stéphane Weiss, Pascal Urso et Pascal Molli. « Wooki : a P2P Wiki-based Collaborative Writing Tool ». In : t. 4831. Déc. 2007. ISBN : 978-3-540-76992-7. DOI : 10.1007/978-3-540-76993-4\_42.
- [74] Ben Shneiderman. « Response Time and Display Rate in Human Performance with Computers ». In: *ACM Comput. Surv.* 16.3 (sept. 1984), p. 265–285. ISSN: 0360-0300. DOI: 10.1145/2514.2517. URL: https://doi.org/10.1145/2514.2517.
- [75] Caroline JAY, Mashhuda GLENCROSS et Roger HUBBOLD. « Modeling the Effects of Delayed Haptic and Visual Feedback in a Collaborative Virtual Environment ». In: ACM Trans. Comput.-Hum. Interact. 14.2 (août 2007), 8—es. ISSN: 1073-0516. DOI: 10.1145/1275511.1275514. URL: https://doi.org/10.1145/1275511.1275514.
- [76] Hagit Attiya, Sebastian Burckhardt, Alexey Gotsman, Adam Morrison, Hongseok Yang et Marek Zawirski. « Specification and Complexity of Collaborative Text Editing ». In: *Proceedings of the 2016 ACM Symposium on Principles of Distributed Computing.* PODC '16. Chicago, Illinois, USA: Association for Computing Machinery, 2016, p. 259–268. ISBN: 9781450339643. DOI: 10.1145/2933057. 2933090. URL: https://doi.org/10.1145/2933057.2933090.
- [77] Hagit Attiya, Sebastian Burckhardt, Alexey Gotsman, Adam Morrison, Hongseok Yang et Marek Zawirski. «Specification and space complexity of collaborative text editing ». In: Theoretical Computer Science 855 (2021), p. 141–160. ISSN: 0304-3975. DOI: https://doi.org/10.1016/j.tcs.2020.11.046. URL: http://www.sciencedirect.com/science/article/pii/S0304397520306952.
- [78] AUTOMERGE. Automerge: data structures for building collaborative applications in Javascript. Last Accessed: 2022-10-07. URL: https://github.com/automerge/automerge.
- [79] Loïck Briot, Pascal Urso et Marc Shapiro. « High Responsiveness for Group Editing CRDTs ». In: ACM International Conference on Supporting Group Work. Sanibel Island, FL, United States, nov. 2016. DOI: 10.1145/2957276.2957300. URL: https://hal.inria.fr/hal-01343941.
- [80] Weihai Yu. « A String-Wise CRDT for Group Editing ». In: Proceedings of the 17th ACM International Conference on Supporting Group Work. GROUP '12. Sanibel Island, Florida, USA: Association for Computing Machinery, 2012, p. 141–144. ISBN: 9781450314862. DOI: 10.1145/2389176.2389198. URL: https://doi.org/10.1145/2389176.2389198.

- [81] Martin Kleppmann, Victor B. F. Gomes, Dominic P. Mulligan et Alastair R. Beresford. « Interleaving Anomalies in Collaborative Text Editors ». In: *Proceedings of the 6th Workshop on Principles and Practice of Consistency for Distributed Data.* PaPoC '19. Dresden, Germany: Association for Computing Machinery, 2019. ISBN: 9781450362764. DOI: 10.1145/3301419.3323972. URL: https://doi.org/10.1145/3301419.3323972.
- [82] Matthew WEIDNER. There Are No Doubly Non-Interleaving List CRDTs. Last Accessed: 2022-10-07. URL: https://mattweidner.com/assets/pdf/List\_CRDT\_Non\_Interleaving.pdf.
- [83] Stéphane WEISS, Pascal URSO et Pascal MOLLI. « Logoot-Undo : Distributed Collaborative Editing System on P2P Networks ». In : *IEEE Transactions on Parallel and Distributed Systems* 21.8 (août 2010), p. 1162–1174. DOI : 10.1109/TPDS.2009.173. URL: https://hal.archives-ouvertes.fr/hal-00450416.
- [84] Claudia-Lavinia IGNAT, Gérald OSTER, Meagan NEWMAN, Valerie SHALIN et François CHAROY. « Studying the Effect of Delay on Group Performance in Collaborative Editing ». In: Proceedings of 11th International Conference on Cooperative Design, Visualization, and Engineering, CDVE 2014, Springer 2014 Lecture Notes in Computer Science. Proceedings of 11th International Conference on Cooperative Design, Visualization, and Engineering, CDVE 2014. Seattle, WA, United States, sept. 2014, p. 191–198. DOI: 10.1007/978-3-319-10831-5\_29. URL: https://hal.archives-ouvertes.fr/hal-01088815.
- [85] Claudia-Lavinia IGNAT, Gérald OSTER, Olivia FOX, François CHAROY et Valerie SHALIN. « How Do User Groups Cope with Delay in Real-Time Collaborative Note Taking ». In: European Conference on Computer Supported Cooperative Work 2015. Sous la dir. de Nina BOULUS-RODJE, Gunnar Ellingsen, Tone Bratteteig, Margunn Aanestad et Pernille Bjorn. Proceedings of the 14th European Conference on Computer Supported Cooperative Work. Oslo, Norway: Springer International Publishing, sept. 2015, p. 223–242. Doi: 10.1007/978-3-319-20499-4\_12. URL: https://hal.inria.fr/hal-01238831.
- [86] Brice Nédelec, Pascal Molli, Achour Mostéfaoui et Emmanuel Desmontils. « LSEQ : an adaptive structure for sequences in distributed collaborative editing ». In : Proceedings of the 2013 ACM Symposium on Document Engineering. DocEng 2013. Sept. 2013, p. 37–46. Doi: 10.1145/2494266.2494278.
- [87] Brice Nédelec, Pascal Molli et Achour Mostéfaoui. « A scalable sequence encoding for collaborative editing ». In: Concurrency and Computation: Practice and Experience (), e4108. DOI: 10.1002/cpe.4108. eprint: https://onlinelibrary.wiley.com/doi/pdf/10.1002/cpe.4108. URL: https://onlinelibrary.wiley.com/doi/abs/10.1002/cpe.4108.
- [88] Daniel Abadi. « Consistency Tradeoffs in Modern Distributed Database System Design: CAP is Only Part of the Story». In: Computer 45.2 (2012), p. 37–42. DOI: 10.1109/MC.2012.33.

#### **BIBLIOGRAPHIE**

- [89] Victorien Elvinger, Gérald Oster et Francois Charoy. « Prunable Authenticated Log and Authenticable Snapshot in Distributed Collaborative Systems ». In: 2018 IEEE 4th International Conference on Collaboration and Internet Computing (CIC). 2018, p. 156–165. DOI: 10.1109/CIC.2018.00031.
- [90] Sylvie NOËL et Jean-Marc ROBERT. « Empirical study on collaborative writing: What do co-authors do, use, and like? » In: Computer Supported Cooperative Work (CSCW) 13.1 (2004), p. 63–89.
- [91] Jim GILES. « Special Report Internet encyclopaedias go head to head ». In: *nature* 438.15 (2005), p. 900–901.
- [92] GOOGLE. Google Docs. Last Accessed: 2022-10-07. URL: https://docs.google.com/.
- [93] OPENRELAY. OpenRelay. Last Accessed: 2022-10-07. URL: https://openrelay.xyz/.
- [94] Protocol Labs. IPFS. Last Accessed: 2022-10-07. URL: https://ipfs.io/.
- [95] Quang Vinh DANG et Claudia-Lavinia IGNAT. « Quality Assessment of Wikipedia Articles: A Deep Learning Approach by Quang Vinh Dang and Claudia-Lavinia Ignat with Martin Vesely as Coordinator ». In: SIGWEB Newsl. Autumn (nov. 2016). ISSN: 1931-1745. DOI: 10.1145/2996442.2996447. URL: https://doi.org/10.1145/2996442.2996447.
- [96] Leslie Lamport, Robert Shostak et Marshall Pease. « The Byzantine Generals Problem ». In: Concurrency: The Works of Leslie Lamport. New York, NY, USA: Association for Computing Machinery, 2019, p. 203–226. ISBN: 9781450372701. URL: https://doi.org/10.1145/3335772.3335936.
- [97] Jim Bauwens et Elisa Gonzalez Boix. « Flec: A Versatile Programming Framework for Eventually Consistent Systems ». In: Proceedings of the 7th Workshop on Principles and Practice of Consistency for Distributed Data. PaPoC '20. Heraklion, Greece: Association for Computing Machinery, 2020. ISBN: 9781450375245. DOI: 10.1145/3380787.3393685. URL: https://doi.org/10.1145/3380787.3393685.

#### Résumé

Afin d'assurer leur haute disponibilité, les systèmes distribués à large échelle se doivent de répliquer leurs données tout en minimisant les coordinations nécessaires entre noeuds. Pour concevoir de tels systèmes, la littérature et l'industrie adoptent de plus en plus l'utilisation de types de données répliquées sans conflits (CRDTs). Les CRDTs sont des types de données qui offrent des comportements similaires aux types existants, tel l'Ensemble ou la Séquence. Ils se distinguent cependant des types traditionnels par leur spécification, qui supporte nativement les modifications concurrentes. À cette fin, les CRDTs incorporent un mécanisme de résolution de conflits au sein de leur spécification.

Afin de résoudre les conflits de manière déterministe, les CRDTs associent généralement des identifiants aux éléments stockés au sein de la structure de données. Les identifiants doivent respecter un ensemble de contraintes en fonction du CRDT, telles que l'unicité ou l'appartenance à un ordre dense. Ces contraintes empêchent de borner la taille des identifiants. La taille des identifiants utilisés croît alors continuellement avec le nombre de modifications effectuées, aggravant le surcoût lié à l'utilisation des CRDTs par rapport aux structures de données traditionnelles. Le but de cette thèse est de proposer des solutions pour pallier ce problème.

Nous présentons dans cette thèse deux contributions visant à répondre à ce problème : (i) Un nouveau CRDT pour Séquence, RenamableLogootSplit, qui intègre un mécanisme de renommage à sa spécification. Ce mécanisme de renommage permet aux noeuds du système de réattribuer des identifiants de taille minimale aux éléments de la séquence. Cependant, cette première version requiert une coordination entre les noeuds pour effectuer un renommage. L'évaluation expérimentale montre que le mécanisme de renommage permet de réinitialiser à chaque renommage le surcoût lié à l'utilisation du CRDT. (ii) Une seconde version de RenamableLogootSplit conçue pour une utilisation dans un système distribué. Cette nouvelle version permet aux noeuds de déclencher un renommage sans coordination préalable. L'évaluation expérimentale montre que cette nouvelle version présente un surcoût temporaire en cas de renommages concurrents, mais que ce surcoût est à terme.

Mots-clés: CRDTs, édition collaborative en temps réel, cohérence à terme, optimisation mémoire, performance

#### Abstract

**Keywords:** CRDTs, real-time collaborative editing, eventual consistency, memory-wise optimisation, performance

main: version du mercredi 19 octobre 2022 à 11 h 06

main: version du mercredi 19 octobre 2022 à 11 h 06