Perzeptron, linearer klassifier

Das Perzeptron ist eine Form von künstlichen neuronalen Netzen. Dabei wird zwischen einlagigen und mehrlagigen Perzeptrons unterschieden. Die Aufgabe besteht darin, einen Eingabevektor zu einem Ausgabevektor umzuwandeln. Bei einem einlagigen Perzeptron ist der Eingabevektor gleich der Ausgabevektor. Es lassen sich damit nur linear separable Mengen trennen. Nur die AND-Funktion ist linear separabeld, die XOR-Funktion ist dagegen nicht linear separabel. Da nur bei der AND-Funktion die zwei Mengen mit einer Geraden getrennt werden können. Nur durch eine Urspungsgerade bzw. durch eine Hyperebene im Ursprung können die Mengen getrennt werden. Zuerst muss das Perzeptron mit Trainingsdaten trainiert werden, damit sich neue Eingabevektoren klassifizieren lassen. Dabei wird im ersten Schritt ein zufälliger Gewischtverktor initialisiert. Im nächsten Schritt werden alle Mengen geprüft ob sie richtig eingeordnet wurden, ist dies nicht der Fall werden Gewichte addiert oder subtrahiert bis die gerade konvergiert und alles Mengen richtig klassifiziert sind, ist dies nicht der Fall ist die Menge nicht linear separabel. Das mehrlagige Perzeptron ist auch in der Lage nicht linear separable Mengen zu trennen. Die Konvergenz Zeit der Geraden hängt stark vom initial Gewichtsvektor ab. Im besten Fall Konvergiert die Gerade direkt beim ersten Durchlauf.

Supervised learning da es erst trainiert werden muss.

Bisschen mehr über das mehrlagige netz

Zwei dimensionale Mengen lassen sich durch eine Gerade Trennen, jedoch nur wenn die Mengen linear separabel sind. Im mehr dimensionalen raum werden Hyperebenen benötigt um die Mengen zu unterteilen. Nur die AND-Funktion ist linear separabel, bei der XOR-Funktion entsteht keine Gerade, wodurch die Mengen nicht linear separabel sind. Das Perzeptron muss erst mit Trainingsdaten trainiert werden, damit durch eine Gerade die neuen Punkte klassifiziert werden können. Zuerst wird der Gewichtsverktor zufällig initialisiert, sind hierbei nicht alle Punkte richtig klassifiziert, muss zum Gewichtsverktor das berechnete Gewicht dazu addiert werden, dies wird so lange wiederholt bis der Gewichtsverktor konvergiert, ist das nie der Fall sind die Mengen nicht linear separabel.

teilt durch eine gerade in 2 klassen ein, wenn es eine Gerade zwischen den 2 klassen gibt ist die menge linear separabel. Die punkte können dann ganz einfach in die gerade eingesetzt werden, je nach dem ob eine positiver oder negativer wert raus kommt wird der punkt klassifizeiert.

Nearest neighbour

Im Gegensatz zum Perzeptron gehen beim Nearest neighbour algorythmus keine Informationen über die Daten verloren. Da beim Perzeptron das vorhandene Wissen der Trainignsdaten in den Gewichtsvektor umgewandelt wird. Das ist aber unerwünscht, da die Trtainigsdaten generalisiert werden sollen um eine Funktion zu finden die die Daten möglichst genau klassifiziert. Beim nearest Neighbour wird der Abstand zum nächsten Punkt gemessen und der jeweiligen Klasse zugeordnet. Hat ein Punkt mehrere Merkmale ist es sinnvoll den jeweiligen Merkmalen Gewichte zuzuordnen um eine bessere Klassifizierung zu ermöglichen. Im Gegensatz zum Perzetron müssen die Mengen nicht linear separabel sein. Wird jedoch ein Punkt falsch klassifiziert, kann es sein, dass darauffolgende Punkte auch falsch klassieret werden da sie den geringsten abstand vorweisen. Um dies zu verhindern kann die K-nearest Neighbour Methode angewendet werden, hier wird nicht der nächste Nachbar ermittelt, sondern die k-nächsten Nachbarn ermitteln. Dadurch ist die Gefahr einer falsch Klassierung geringer und Overfitting wird verhindert. Ein weiterer Vorteil der nearest neighbour Methode im Gegensatz zum Perzeptron ist, dass es auch mehr als zwei Klassen geben kann. Bei wachsendem K gibt es viele Nachbarn die einen großen Abstand zum klassifizierendem Punkt aufweisen. Daher müssen die Nachbarn gewichtet werden, damit näher liegende Nachbarn einen größeren Einfluss auf die Klassifizierung nehmen. Dazu können verschiedene Formeln verwendet werden um den Abstand der Nachbarn zu berechnen. Der Rechenaufwand der nächsten Nachbarn wächst linear mit der Anzahl der Daten. Dies kann bei einer sehr großen Anzahl an Daten zu einem Problem werden.

Bei Perzeptron (Eager Learning (eifriges Lernen), ) ist das lernen aufwändigt, jedoch können neue Punkt ganz einfach klassifieziert werden, indem sie in den gewichstverktor eingesetzt werden. Beim Nearest Neighbour (Lazy Learning (faules Lernen)) ist kein lernen erforderlich, jedoch dauert die Klassifizierung neuer Punkte deutlich länger, da zu jedem Punkt der Abstand berechnet werden muss.

Es wird der nächste nachbar vom punkt bestimmt und somit der klasse zugeordnet die am nächsten ist. Es gibt noch die K-nearest neighbor, hierzu werden die k nächsten nachbarn bestimmt, das k sollte immer ungerade geählt werden, da es sosnt zu einem gleichstand kommen kannn und es nicht zugeordnet werden knn, bzw kann dann auch die gesamtentfernung geschaut werden

Clustering

Beim Clustering werden Daten mit Ähnlichkeiten zu Gruppen zusammengefasst, diese werden als Cluster bezeichnet. Der Unterschied zu den anderen Algorithmen ist, dass es sich hierbei um ein Lernen ohne Lehrer handelt. Denn die Trainingsdaten müssen nicht klassifiziert sein. Hier sollen Häufigkeiten der Daten erkannt werden und zu Clustern zusammengefasst werden. Die Abstände der Daten sind in einem Cluster geringer als der Abstand zu den nächsten Clustern, da die Daten eine Ähnlichkeit aufweisen.

Partitionierende Clusterverfahren

Bei sogenannten partitionierenden Clusterverfahren muss die Anzahl der Cluster k bekannt sein. Dann werden k Clusterzentren initialisiert und so lange verschoben bis sich keine Änderungen der Cluster ergeben.

Zb der K-Means-Algorithmus

Dazu müssen am Anfang die Anzahl der Cluster k bekannt gegeben werden. Anschließend die k-Clustercentren zufällig initialisiert und der Abstand zu den nächsten Daten berechnet und dementsprechend den Clustern zugeordnet. Nun wird das neue Mittelwert des Clusters berechnet und der vorherige Schritt widerholt bis es keine Änderungen der Clusterzentren mehr gibt. Das Problem dabei ist, dass die Anzahl der Cluster bereits zu Beginn bekannt sein müssen. Häufig ist dies jedoch nicht der Fall.

EM-Algorithmus

Der Expectation-Maximization-Algorithmus ist in zwei Schritte aufgeteilt, in Expectation und Maximization. Dabei wird beim Expectation Schritt für jeden Datenpunkt die Wahrscheinlichkeit berechnet zu welchem Cluster er gehört. Anschließend wird im Maximization Schritt die Parameterverteilung neu berechnet unter Verwendung der errechneten Wahscheinlichkeitsverteilung vom vorherigen Schritt. Dadurch ist meinst eine bessere Einteilung der Cluster möglich.

Hierrachisches clustering

Der Vorteil hierbei ist, dass die Anzahl der Cluster zu Beginn nicht bekannt sein müssen. Im ersten Schritt werden mit n Clustern gestartet. Dabei stellt jeder Datenpunkt ein Cluster dar. Anschließend werden jeweils die nächsten Nachbarcluster vereinigt, bis ein Abbruchkriterium erreicht wird oder alle Datenpunkte zu einem Cluster zusammengefasst sind. Ein Grund für einen Abbruch kann ein maximaler Abstand zum nächsten Cluster oder aber auch die Anzahl der berechneten Cluster sein.

Die punkte jeweilst kurz erklären, dann noch wie sie funktionieren usw