

Camarón Norte

- 1.- Parametrización de F
- 2.- Cambios de capturabilidad entre 2004 y 2007
- 3.- Bondad de ajuste
- 4.- Revisar algoritmo proyección

Contexto por que suceden?

Arreglos

Parametros de escala (Phase 1)

```
init_number log_Ro(1)
init_bounded_vector dev_log_Nom(1,nedades,-10, 10, opt_devNo)
init_bounded_vector dev_log_Noh(1,nedades,-10, 10, opt_devNo)
```

Parámetros de reclutamiento anual (Phase 2)

```
init_bounded_dev_vector dev_log_Ro(1,ntime,-10,10,opt_devRt)
```

Parámetros de mortalidad (Phase 3)

```
init_bounded_vector log_Fm(1,ntime,-20,10,opt_F)
init_bounded_vector log_Fh(1,ntime,-20,10,opt_F)
```

Parámetros de selectividad machos y hembras (Phase 3)

Parametros de eficiencia (Phase 4)

```
init_vector log_qflo(1,nqbloques,opt_qf)
init_vector log_qcru(1,nqbloques2,opt_qc)
```

Parametros de disponibilidad (Phase 5)

```
init_number log_Lom(opt_Lo)
init_number log_cv_edadm(opt_cva)
init_number log_Loh(opt_Lo)
init_number log_cv_edadh(opt_cva)
```

Modelo baseline

P1: Parametrización

Compararia para machos y hembras

```
log_Fm(1,ntime,-20,x,opt_F) versus log_Fm(1,ntime,-20,xx,opt_F)
```

Indicadores:

- Tabla de verosimilitud (full phase, por phases)
- Minimo cuadrado
- Tamaño absoluto o relativo de biomasa
- Variaciones en las capturabilidades
- Variaciones en Ro o Bo

P2: Capturabilidad

Compararia para q_crucero

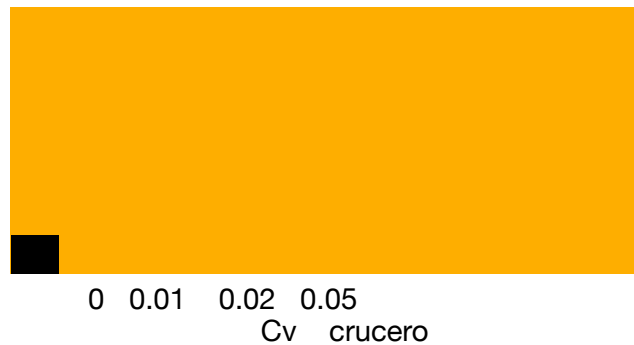
```
init_vector log_qcru(1,nqbloques2,opt_qc) Modificando el año 2007 al 2004
```

Indicadores:

Tabla de verosimilitud
Mínimo cuadrado
Tamaño absoluto o relativo de biomasa
Variaciones en las capturabilidades
Variaciones en R_0 o B_0

P3: Bondad de ajuste

Baseline: Malla de resultados de verosimilitudes cambiando los cv de crucero (eje x) y cpue (eje y)



P4: Proyecciones

Baseline: Revisar el código y crear un código de dos pociones, uno para datos incompletos (no se requiere supuesto de captura) y otro para año completo (se requiere supuesto de captura)