

Readme_admb

Descripción del archivo de datos y controles (.dat)

DATOS DE ENTRADA

nanos =número de años

nedades=número de edades a modelar

edad_min=edad mínima

ntallas=número de clases/grupos de tallas

Ind=matriz de datos , desembarques, cv_desem, CPUE, cv_cpue, nm(tamaño de muestra)

Tallas=vector de tallas (clases/grupos de tallas)

Frec_Tallas=matriz de frecuencia de tallas para los años de estudio

Madurez=vector de madurez a la talla

Wmed=vector de pesos medios a la talla

PARÁMETROS HISTORIA DE VIDA

sigmaR =Coeficiente de variación de los reclutamientos

dts=dt desove NOVIEMBRE (Arias et al 1995 y Bay y Schmith (1981) y dt CPUE (Concentracion de la captura durante el año MES DE JULIO)

Loo_k Lo_cv_M=PARAMETROS DE CRECIMIENTO Y MORTALIDAD NATURAL Loo k Lo(mm)
cv(edad) M

h=h (pendiente de la relación S-R)

PARAMETROS DE SELECTIVIDAD Y CAPTURABILIDAD

hiper_estabilidad_q = coeficiente de hiper estabilidad de la CPUE (1=proporcional)

Sel_A50_rango = A50 y rango (A50= edad primera captura)

nbloquesSel = Número de bloques de selectividad

ybloquesSel = años de inicio de cada bloque de selectividad

nbloquesq = Número de bloques de capturabilidad

ybloquesq = años de inicio de cada bloque de capturabilidad

FASES DE ESTIMACION DE PARAMETROS (valores negativos = no se estiman)

Fase_q = Estimacion del coeficiente de capturabilidad q ($CPUE=q \cdot B^b$)

Fase_hiperestabilidad = Estimacion parámetro de hiper estabilidad (b) de la CPUE

Fase_selectividad = Estimacion de la selectividad

Opt_seldomo = opción selectividad tipo domo

Fase_Lo = Estimacion de Lo

Fase_cvLo = Estimación cv(talla-edad)

Fase_F = Estimación de la mortalidad por pesca

Fase_desvRt = Estimacion variación anual de reclutamientos

Fase_No = Estimacion condición inicial (si es <0 esta en equilibrio)

PROYECCION DE LA POBLACION

nmF = número de multiplicadores de F

mF = multiplicadores de F

nproy = número de años a proyectar

opt_FRMS = opción para utilizar Frms estimado por fuera (>0 activado, <0 desactivado)

FRMS = Frms estimado por fuera del modelo admb

Descripción del archivo de report (.rep)

REPORT_SECTION

“years” = yrs = vector de años

“CPUE_obs” = CPUE = vector de CPUE observado (dato de entrada)

“CPUE_pred” = pred_CPUE = vector de CPUE estimado por el modelo de evalStock MAET

“Desemb_obs” = Desemb = vector de Desembarque observado (dato de entrada)

“Desemb_pred” = pred_Desemb = vector de Desembarques estimado por el modelo de evalStock MAET

“Lmed_obs” = Lmed_obs = vector de tallas medias de la proporción de tallas observadas (datos de entrada)

“Lmed_pred” = Lmed_pred = vector de tallas medias de la proporción de tallas estimadas por el modelo de evalStock MAET

“BD” = BD = vector de Biomasa desovante estimada por el modelo de evalStock MAET (variable)

“BT” = BT = vector de Biomasa total estimada por el modelo de evalStock MAET (variable)

“BV” = BMflo = vector de Biomasa vulnerable a la flota estimada por el modelo de evalStock MAET (variable)

“R_pred” = Rpred = vector de Reclutamiento predicho por la relación stock recluta???

“R_Est” = column(N,1) = vector de Reclutamiento estimado ???

“F” = exp(log_F) = vector de la mortalidad por pesca estimada por el modelo de evalStock MAET (parámetros)

“Edades” = edades = vector de edades (indicador)

“N” = N = matriz de abundancia a la edad

“Sel_f” = Sel = matriz de selectividad de la flota a la edad

“pobs” = pobs = matriz de proporción de tallas observadas (dato entrada)

“ppred” = ppred = matriz de proporción de tallas estimadas por el modelo de evalStock MAET

“Tallas” = Tallas = vector de tallas (indicador)

“Prob_talla” = Prob_talla (matriz de probabilidad edad_talla) estimada por el modelo de evalStock MAET

“BDo” = SSBo = biomasa desovante virginal (número) estimada de la relación stock-recluta???

“Lmed” = mu_edad = vector de talla media a la edad utilizada para el cálculo de probabilidad edad_talla

“likeval” = likeval = vector de verosimilitud