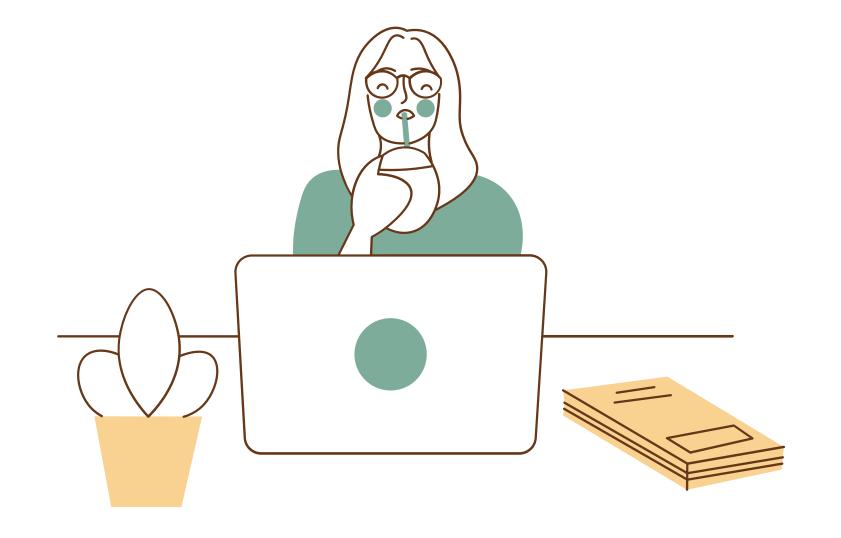
# Guía de Estudio para Procesos Celulares Bioinformática

Estudiar para una materia, a veces resulta complicado...





Estudiar de forma más sencilla y práctica una materia.



Creando una guía de estudio para esa materia.

Crea una base de datos con preguntas sobre la materia

Base de datos

Son el (los) tipos de enlace de	Euentes de Hidrogeno	B Fuerzas de Van der Waals	C Atracciones electrostaticas	<b>D</b> Todas	E Ninguna	
Las proteinas que estan incluidas en la membrana citoplasmatica se mueven de forma autonoma	VERDADERO	FALSO				
Las balsas lipidicas, son regiones ricas en fosfogliceridos y colesterol, que limitan el movimiento de lipidos y por lo tanto, mantienen estaticas en ellas a las proteinas que estan incluidas en ella	VERDADERO	FALSO				
El transporte de proteinas entre el nucleo y el citosol se realiza por:	Difusion facilitada	Reconocimiento peptido senal	Cambios estructurales	Todas	Ninguna	
¿La ubiquitinacion es una modificacion postraduccional que tiene como unico objetivo enviar a degradacion proteosomal un proteina mal plegada?	VERDADERO	FALSO				
Todas las vesiculas que transita por la via de secrecion terminan	VERDADERO	FALSO				

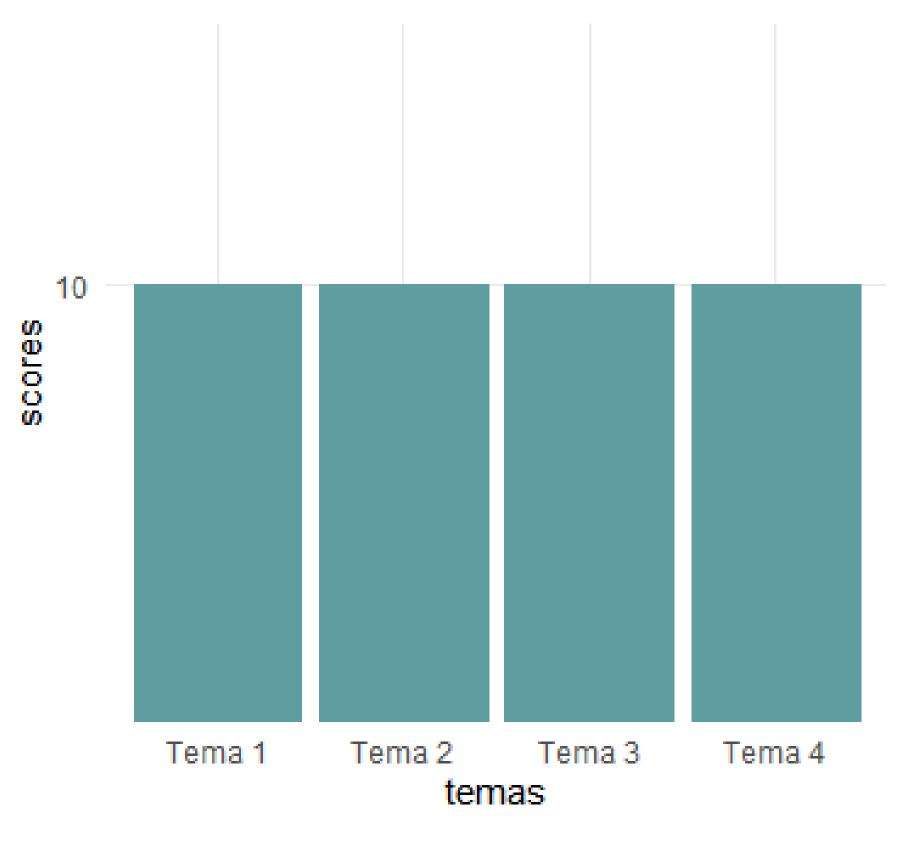
### Función

#### ღ Visualización de toda la función de la guía

```
# Asignar un numero para elegir cuantas preguntas quieres seleccionar por cada tema
cantidad <- readline(prompt = "Elige cuántas preguntas quieres por tema, nota: pones 2, hará 2 de cada tema: ")
cantidad <- as.numeric(cantidad)</pre>
# A cada tema se le asignaran puntos en scores diferentes, de acuerdo a tu respuesta
score1 <- 0
score2 <- 0
score3 <- 0
score4 <- 0
for (pregunta in 1:cantidad) {
 tema uno <- preguntas[sample(1:24, 1), 1:6]
 print(tema uno)
 respuesta <- readline(prompt = "Respuesta, anota el inciso en MAYÚSCULA: ")
 if(tema uno[1] == preguntas[1,1] & respuesta == "D") {score1 <- score1+1</pre>
  }else if (tema uno[1] == preguntas[2,1] & respuesta == "B") {score1 <- score1+1
  }else if (tema uno[1] == preguntas[3,1] & respuesta == "A"){score1 <- score1+1
  }else if (tema_uno[1] == preguntas[4,1] & respuesta == "B") {score1 <- score1+1
  }else if (tema uno[1] == preguntas[5,1] & respuesta == "B") {score1 <- score1+1
  }else if (tema uno[1] == preguntas[6,1] & respuesta == "B"){score1 <- score1+1</pre>
  }else if (tema uno[1] == preguntas[7,1] & respuesta == "D") {score1 <- score1+1
  }else if (tema uno[1] == preguntas[8,1] & respuesta == "A") {score1 <- score1+1
  }else if (tema uno[1] == preguntas[9,1] & respuesta == "C"){score1 <- score1+1
  else if (tema_uno[1] == preguntas[10,1] & respuesta == "E"){score1 <- score1+1
   >lse if (tema_uno[1] == preguntas[11,1] & respuesta == "B"){score1 <- score1+1</pre>
   lse if (tema uno[1] == preguntas[12,1] & respuesta == "A"){score1 <- score1+1
     3e if (tema uno[1] == preguntas[13,1] & respuesta == "B"){score1 <- score1+1</pre>
      e if (tema uno[1] == preguntas[14,1] & respuesta == "A"){score1 <- score1+1
        if (tema uno[1] == preguntas[15,1] & respuesta == "A") {score1 <- score1+1</pre>
        if (tema uno[1] == preguntas[16,1] & respuesta == "B") {score1 <- score1+1
        if (tema uno[1] == preguntas[17,1] & respuesta == "B"){score1 <- score1+1
```

Resultados

#### Calificaciones





# Guía de Estudio para Procesos Celulares Bioinformática