

Herr. Meet Bhatt



meet.bhatt@etu.unice.fr



+4915781207116



Dresden, DE



www.linkedin.com/meetbhatt



https://github.com/Meet2197

ARBEITSERFAHRUNG

Data Steward

PoL EXC , TU Dresden

03/2025 - 12/2025

Dresden, Deutschland

- Bereitstellung von Schulungen und Unterstützung für das elektronische Laborjournal(eLabFTW).
- Erstellung von Richtlinien zur Datenverwaltung für Gruppen.
- Bereitstellung von Datenmanagement-Tools Einführung in die Dienste für Gruppenleiter und Laborleiter.
- Unterstützung des LIMS-Systems für den Exzellenzcluster.
- Erfahrung in der Zusammenarbeit mit dem IT-Ausschuss und dem Fakultätsausschuss

Bioinformatiker

RWTH Aachen Universität

02/2023 - 02/2025,

Aachen, Deutschland

- Durchführung von Score-Matching-Analysen für zeitabhängige Expositionen in Überlebensdaten unter Verwendung großer Kohorten aus der UK Biobank und RWTH-Klinikdatensätzen
- Entwicklung n-Gram-basierter Algorithmen zur Fettquantifizierung in MRT-Bildern
- Implementierung von maschinellen Lerntechniken (SVM, CNN) für MRT-Datenanalyse und -klassifikation
- Anwendung des Word2vec-Algorithmus auf ungezielte Metabolomik-Daten für Omics-Analyse und Phänotyp-Beobachtung
- Einsatz von SVM und PCA zur Verarbeitung von Metabolomik-Daten und Phänotyp-Klassifikation
- Betreuung von Masterstudenten bei Datenanalysetechniken und Forschungsprojektmanagement
- Organisation und Koordination von Aufgaben für ein vielschichtiges Forschungsprojekt mit Schwerpunkt auf Big-Data-Analyse, maschinellem Lernen und medizinischer Bildung
- Technik-Stapel: Python, NumPy, Pandas, PyTorch, Scikit-Learn, OpenCV, Git, R (NLOpt) , Docker , MySQL, Notion

Dateningenieur

Universitätsklinikum Mannheim

12/2021-12/2022,

Mannheim, Deutschland

- Entwicklung und Implementierung statistischer Methoden zur Analyse von Überlebensdaten von Krebspatienten unter Verwendung großer Kohortendatensätze
- Konzeption und Aufbau einer skalierbaren Datentransferplattform und Data Lakes mittels Apache Spark und Apache Kafka zur Integration von Standortnetzwerken
- Administration und Optimierung von Windows- und Linux-Serversystemen
- Implementierung von FAIR-Datenprinzipien für Metadaten aus HL7-standardbasierten elektronischen Patientenakten und Laborinformationssystemen
- Anbindung einer kundenspezifischen Datentransfer-ETL-Pipeline mit Data Lake an die Forschungsinfrastruktur mit SAS Viya.
- Technik-Stapel: Python, Tensorflow, PyTorch, Scikit-Learn, OpenCV, Git, Docker , PostgreSQL, Confluence, Jira , Figma , Java , Spring.

Masterarbeit

Helmholtz Zentrum München

01/2021 - 07/2021,

München, Deutschland

- Bewertung der DZIF-Datenqualität für die Visualisierung auf der Grundlage von Tidy Data.
- Sortierung der Daten und Verwendung der Kaplan-Kurve mit ROC-AUC-Kurve.
- Erfahrung in der Arbeit mit SDTM von CDISC für klinische Daten, die in einer Datenbank erfasst werden.
- Erfahrung im Umgang mit Nukleotid- und Proteinsequenzabgleich mit PDB, NCBI, BLAST, Zinc DB, PyMOL (Python)
- Technik-Stapel : Star LIMS(SQL), R , R shiny

Institut für Pathologie, Regensburg

02/2020-08/2020,

Regensburg, Deutschland

- Arbeitsablauf zur Bewertung der Probenqualität verwaltet
- Akkreditierungsprozess der Biobank mit Einführung neuer SOPs und Anwendung von Trennmethode für Proben
- Nutzung von NGS-Sequenzierungsdaten für ein genetisches Forschungsprojekt für Sklerosepatienten
- Bildsegmentierung mit U-Netz und CNN-Modell Python (OpenCV, Tensorflow)

AUSBILDUNG

M.Sc. Biobanken und komplexes Datenmanagement

CHU NICE -Université Cote D'Azur 10/2019 - 09/2021,

Nizza, Frankreich

Bachelor-Abschluss in Biotechnologie

Universität Rai

07/2014 - 06/2018,

Ahmedabad, Indie

PROJEKTE

- Biobanking von Bioproben von Coronavirus-Patienten
 - Rentabilitätsanalyse (04/2020 - 06/2020) <https://doi.org/10.1089/bio.2020.0168>
- Qualitätsanalyse von Biobankproben auf der Grundlage des Reinigungsprozesses zur Analyse der Temperaturabhängigkeit (04/2020 - 08/2020)
 - Semantische Segmentierung mit U-Netz von mikroskopischen Mitochondrienbildern
- RNA-Seq-Analyse für die Entwicklung von Arbeitsabläufen (Praktikum) (06/2021 - 08/2021)
 - NGS-Analyse (zusätzliche Projekte mit Arbeit)(07/2018 - 09/2019)
 - DNA- und RNA-Trennung, Sanger-Sequenzierung, NGS- Sequenzierung für BCR-ABL und NCPT-Test für genetische Krankheiten.
- Mathematische Modellierung der Leistung von Stoffwechselprodukten in der Leber (02/2023 - Bis jetzt)
 - Python- und R-Skript mit statischen Daten
- Genexpressionsanalyse von Leberpatientendaten(02/2023 - Bis jetzt)
- GCP & AWS zur Nutzung paralleler Programmierung im HPC (02/2023 - Bis jetzt)

ARTIKEL

- Zwischenlagerung von Bioproben in Satellitensammelstellen June 2022
[Biopreservation and Biobanking DOI:10.1089/bio.2022.0002](#)
- Biobanking von Proben von COVID-19-Patienten: Eine wirtschaftliche Perspektive aus einer klinischen Biobank
May 2021 [Biopreservation and Biobanking](#) 19(5) DOI: [10.1089/bio.2020.0168](#)

SPRACHEN

Deutsch
Zwischenstufe

Englisch
Muttersprache/Zweisprachigkeit

Französisch
Zwischenbericht

BESONDERE KURSE

- EU Proposal workshop by RWTH Aachen University. June 2024
- Next generation sequencing Workshop September 2024
- Bioinformatics (Theory - Practical) Udemy July 2024