



HOCHSCHULE TRIER

Trier University of Applied Sciences

Informatik - Computer Science

Funktionsprinzip und Anwendungsbeispiele des Dijkstra-Algorithmus

Bearbeiter 1: Thomas Jürgensen

Bearbeiter 2: Annika Kremer

Bearbeiter 3: Tobias Meier

Gruppe: 13

Ausarbeitung zur Vorlesung Wissenschaftliches Arbeiten

Ort, Abgabedatum

Kurzfassung

kurzfassung Gr 13

Inhaltsverzeichnis

1	Einleitung und Problemstellung	1
2	Graphen	2
2.1	Definition Graph	2
3	Graphen	3
3.1	Definition Graph	3
3.2	Datenstrukturen zur Repräsentation von Graphen	3
4	Dijkstra - Algorithmus	5
4.1	Erklärung	5
4.2	Komplexität	6
4.3	Implementierung	6
4.4	Anwendungsbereiche	6
5	Zusammenfassung	8
	Glossar	9

Einleitung und Problemstellung

EINLEITUNG

Graphen

2.1 Definition Graph

Graphen

3.1 Definition Graph

-Für Dijkstra auf gerichtete Graphen ausgelegt.

Satz 3.1. *Ein **Graph** G besteht aus einer Menge X [deren Elemente Knotenpunkte genannt werden] und einer Menge U , wobei jedem Element $u \in U$ in eindeutiger Weise ein geordnetes oder ungeordnetes Paar von [nicht notwendig verschiedenen] Knotenpunkten, $x, y \in X$ zugeordnet ist. Ist jedem $u \in U$ ein geordnetes Paar von Knoten zugeordnet, so heißt der Graf **gerichtet**, und wir schreiben $G = (X, U)$. Die Elemente von U werden in diesem Fall als **Bögen** bezeichnet.*

*Ist jedem $u \in U$ ein ungeordnetes Paar von Knotenpunkten zugeordnet, so heißt der Graph **ungerichtet** und wir schreiben $G = [X, U]$. Die Elemente von U bezeichnen wir dann als **Kanten**.*

¹

Ein gerichteter Graph besteht somit aus einer Menge aus geordneten Knotenpunkten. Dadurch, dass diese Punkte geordnet sind, ist eine Verlaufsrichtung festgelegt, in welcher der Graph zeigt. Somit kann sich eine geometrische Figur ergeben.

[Grafik hier einfügen]

Wenn man diese Punkte als Richtungen nun als Straßennetz sähe, würde sich durch die Punkte ein Straßenverlauf abbilden mit unterschiedlichen Verlaufsrichtungen. Somit verbünde nicht jede Strecke direkt jeden Punkt. Um jenen kürzesten Weg zu finden, der zwei bestimmte Punkte miteinander verbindet, kann man den Dijkstra-Algorithmus anwenden, welcher im Folgenden erklärt wird.

3.2 Datenstrukturen zur Repräsentation von Graphen

-*Speicherung in Adjazenzmatrix* -Graph $G=(V,E)$ wird in einer booleschen $m \times m$ Matrix gespeichert ($m = \#V$) mit 1 falls (i,j) element E (Kantenmenge) und 0 falls nicht [formale Def einfügen] -Nachteil: erfordert unverhältnismäßig viel Speicher, wenn der Graph nur wenig Kanten hat -Abhilfe: Zusatzmatrix, die nur bedeutsame

¹ Bieß, Graphentheorie, S.9

Einträge speichert -insgesamt aber trotzdem ineffizient bei Graphen mit wenig Kanten

[Grafik]

-*Speicherung in Adjazenzlisten* -für jeden Knoten wird eine lineare, verkettete Liste seiner ausgehenden Kanten gespeichert -Die Knoten werden als lineares Feld gespeichert (d.h. jeder Knoten im Feld zeigt auf eine Liste) -effizienter als Adjazenzmatrix, weil kein Speicherplatz verschwendet wird

[Grafik]

-*Speicherung in doppelt verketteten Listen* -jedes Element enthält Zeiger auf die beiden Nachbarelemente sowie auf eine Kantenliste (wie bei Adjazenzliste, s.o.) -diese Darstellung besitzt die den Adjazenzlisten fehlende Dynamik, ist aber natürlich komplizierter

[Grafik]

Quelle: Algorithmen und Datenstrukturen, T.Ottmann/P.Widmayer, Kap. 8
Graphenalgorithmen, S.539-544

GRAPHEN

Dijkstra - Algorithmus

4.1 Erklärung

-löst das Shortest-Path Problem (oder Single-Source Shortest Path Problem) [Def Problem einfügen] -Problemstellung: Wie finde ich den kürzesten Pfad von meinem Startknoten s zu einem Zielknoten u ? Mit kurz ist nicht die Länge gemeint, sondern die Minimierung der Pfadkosten! -Eingabe sind Digraphen (ungerichtete Graphen lassen sich leicht in Digraphen umwandeln, indem man zu jeder Kante (u,v) eine Kante (v,u) mit gleichen Kosten hinzufügt) -Annahme: für jeden Knoten existiert auch ein Pfad -funktioniert nach dem Entwurfsprinzip Greedy

kurze Erklärung zu Greedy-Algorithmen: -greedy = engl. gierig - zu Beginn ist Teillösung $T = \emptyset$ -im nächsten Schritt werden alle möglichen Erweiterungen in Betracht gezogen und nach ihrem Nutzen bewertet. Zur Bewertung wird ein Greedy-Kriterium formuliert. -Die Erweiterung, die den maximalen Nutzen bringt, wird ausgewählt und die Lösung damit erweitert. - Eine einmal durchgeführte Erweiterung wird nicht mehr rückgängig gemacht! Deshalb sind Greedy-Algorithmen sehr effizient. -Die durch sukzessive Erweiterung erzielte Lösung ist optimal.

Dijkstra -Grundidee: Pfadkosten $d(u)$ für jeden Knoten u schätzen aus einer Menge Q (alle restlichen Knoten). Nach jeder Erweiterung werden die Schätzungen aktualisiert

-genaueres Vorgehen: 1. Initialisierung: Man beginnt mit $Q = V$, d.h. alle Knoten sind enthalten, $d(s) = 0$ (Kosten des Startknoten auf 0 setzen). Alle anderen $d(u)$ werden auf undefiniert gesetzt, weil deren Schätzwerte noch nicht bekannt sind. 2. Erweiterung: Jetzt wird die Greedy-Auswahlregel verwendet, d.h. man sucht in Q nach dem Knoten mit dem kleinsten Schätzwert und entfernt diesen aus Q . (Streng genommen wird die Lösung nicht erweitert, da die Lösungsmenge nicht explizit konstruiert wird. T entspricht V/Q) 3. Aktualisierung: Nachfolger von v durchgehen und deren Schätzwerte $d(u)$ ggf. aktualisieren, falls diese nun schneller erreichbar sind.

-wenn man zu jedem Knoten u den Vorgänger $p(u) = v$ in einer Liste speichert, lässt sich so zu jedem Knoten der kürzeste Pfad finden ($s, \dots, p(p(u)), p(u), u$)

4.2 Komplexität

- $O(m^2)$ bei schlechter Implementierung -bei Implementierung mit Priority-Queue in geeigneter Datenstruktur (z.B. heapq in Python) lässt sich eine deutlich bessere Laufzeit von $O(k \cdot \log m)$ erreichen [k = Kantenzahl des Graphen]

4.3 Implementierung

```

1  from heapq import heappush, heappop
2
3  def dijkstra_pq(G,s):
4      m = len(G)                                #O(1)
5      pq = []                                    #O(1)
6      d = [None]*m                               #kosten #O(m)
7      p = [None]*m                               #vorgaenger #O(m)
8      d[s] = 0                                    #O(1)
9      heappush(pq, (0,s))                        #O(m)
10     while pq:                                   #O(m)
11         (_,v) = heappop(pq)                     #O(log m)
12         for u in G[v]:                          #O(deg(v)) → O(k)
13             alt = d[v] + G[v][u]                #O(1)
14             if d[u]== None or alt < d[u]:        #O(1)
15                 d[u] = alt                      #O(1)
16                 p[u] = v                        #O(1)
17                 heappush(pq, (alt,u))           #O(log m)
18     return d,p
19
20 def shortest_path(s,v,p):
21     if v == None:
22         return []
23     else:
24         return shortest_path(s,p[v],p) + [v]
25
26 #Graph:
27
28 def define_G():
29     G = [ {1:1, 4:4, 2:2}, # Nachfolger von s
30           {3:3, 4:1},      # von u
31           {4:2, 5:3},      # von x
32           {},              # von y
33           {3:1, 5:2},      # von v
34           {}               # von z
35         ]
36     return G
37
38
39 G = define_G()
40 d,p = dijkstra_pq(G,0)
41 print( shortest_path(0,5,p))
42 print( shortest_path(0,3,p))

```

4.4 Anwendungsbereiche

-Verkehrsnetzwerke (Routenplanung für Warentransport, Luftfahrt, Zug, Kosten sind hierbei z.B. Reisezeiten, Entfernung und Maut)

-Kommunikationsnetzwerke (Routing Rechnernetze, Kosten = Kapazitäten, Übertragungszeiten)

-Informationsnetzwerke (Anzahl Links Domain Suchmaschine)
DIJKTRA - ALGORITHMUS

Zusammenfassung

ZUSAMMENFASSUNG + AUSBLICK

A

Glossar

DisASter	DisASter (Distributed Algorithms Simulation Terrain), A platform for the Implementation of Distributed Algorithms
DSM	Distributed Shared Memory
AC	Linearisierbarkeit (atomic consistency)
SC	Sequentielle Konsistenz (sequential consistency)
WC	Schwache Konsistenz (weak consistency)
RC	Freigabekonsistenz (release consistency)