# ▼ Chapter 3 분류

## **MNIST**

머신러닝의 hello world 데이터 셋..10만개의 이미지로 구성되어있음! openml에서 다운로드 받아야 한다. 픽셀 데이터이며 정수 값이 들어가 있다.

# mnist dataset openml에서 내려받기 from sklearn.datasets import fetch\_openml mnist = fetch\_openml('mnist\_784', version=1)

# as\_frame = True (데이터 프레임으로 받겠다~ 지금은 아니니 fra #mnist\_784라는 아이디를 부여하며 버전1에 해당하는 것을 받겠다

# keys 조회 (딕셔너리 스타일로 값을 가진 bunch 스타일 객체) mnist.keys()

- dict\_keys(['data', 'target', 'frame', 'feature\_names', 'target\_names', 'DESCR', 'details', 'categories', 'url'])

사이킷 런에서 읽어들인 데이터 셋들은 비슷한 딕셔너리 구조를 가지고 있다.

- 데이터셋을 설명하는 DESCR키
- 샘플이 하나의 행, 특성이 하나의 열로 구성된 배열을 가진 DATA 키
- 레이블배열을 담은 TARGET 키

mnist["url"] # 얘 데려온 url

'https://www.openml.org/d/554'

# 배열 살피기 (2차원) # X와 y에 data와 target값을 받고 X먼저 조회하기

X, y = mnist["data"], mnist["target"] X.shape

# 행이 70000개고 열이 784개이다~ # 70000개 샘플이 있고 784개 특성이 있구나~(픽셀이 28\*28이라..)

**Г**→ (70000, 784)

y.shape

# 이미지가 70000개 있고 이미지의 특성이 784개 있다는 뜻이다. # 이미지의 픽셀이 28\*28픽셀이기 때문이다.

[→ (70000,)

import matplotlib as mpl import matplotlib.pyplot as plt

some\_digit = X[0] # 이미지 한 놈을 some\_digit에다 넣어주고...(얘가 numpy인데 바꿔줘야지) some\_digit\_image = some\_digit.reshape(28, 28) # 샘플의 특성 벡터를 추출해 28\*28 배열로 크기 바꾸기

plt.imshow(some\_digit\_image, cmap = "binary") # imshow로 조회하기 # binary(보기 편하게 흑백값 반전) plt avis("off")

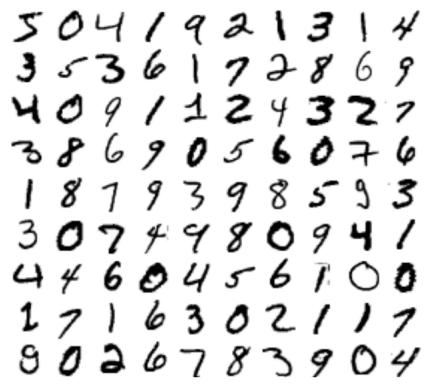
```
plt.show()
```

₽



```
y[0]
# y이 첫번째 레이블(클래스 확인~)
# 실제 데이터 특성도 5 (레이블)
 [→ '5'
import numpy as np
y = y.astype(np.uint8) # 정수 배열로 바꿔서 확인할 것이다
def plot_digit(data):
  image = data.reshape(28, 28)
  plt. imshow(image, cmap=mpl.cm.binary,
         interpolation="nearest")
  plt. axis("off")
# 숫자 그림을 위한 추가 함수
def plot_digits(instances, images_per_row=10, **options):
  size=28
  images_per_row = min(len(instances), images_per_row)
  images = [instance.reshape(size, size) for instance in instances]
  n_rows = (len(instances) - 1) // images_per_row + 1
  row_images = []
  n_empty = n_rows * images_per_row - len(instances)
  images.append(np.zeros((size, size*n_empty)))
  for row in range(n_rows):
    rimages = images[row * images_per_row : (row + 1) * images_per_row]
    row_images.append(np.concatenate(rimages, axis=1))
  image = np.concatenate(row_images, axis=0)
  plt.imshow(image, cmap=mpl.cm.binary, **options)
  plt.axis("off")
plt.figure(figsize=(9,9))
example_images = X[:100]
plot_digits(example_images, images_per_row=10)
plt.show()
```

С→



y[0] # integer로 잘 바뀌었군~

**□**→ 5

# 훈련셋 확인해서 스플릿~

 $X_{\text{train}}, X_{\text{test}}, y_{\text{train}}, y_{\text{test}} = X[:60000], X[60000:], y[:60000], y[60000:]$ 

- # 훈련 세트는 이미 섞여 있기 때문에 모든 교차 검증 폴드가 비슷해진다.
- # 어떤 학습 알고리즘은 훈련 샘플 순서에 민감해서 많은 비슷한 샘플이 있을 경우 성능이 나빠진다.
- # 데이터셋을 섞으면 이런 문제를 방지할 수 있다.
- # 그러나 주식 가격 같은 시계열 데이터는 오히려 섞지 않는 것이 나을 수 있다.

#SGDClassifier, SGDRegressor는 기본적으로 에포크(max\_iter)마다 데이터를 다시 섞는다.

# ▼ 3.2 이진 분류기 훈련

숫자 '5' 가 있다면 '5-감지기'와 '5 아님' 두 개의 클래스를 구분할 수 있는 것이 이진 분류기의 예이다.

y\_train\_5 = (y\_train == 5) # 5만 true이고 나머지는 false (이진분류기 만들기~) y test 5 = (y test == 5)

## ▼ SGDClassifier

SGD: 확률적 경사 하강법 (Stochastic Gradient Descent)

- 매우 큰 데이터셋도 효율적으로 처리한다.
- 한번에 하나씩 훈련 샘플을 독립적으로 처리한다.
- 온라인 학습에 잘 들어맞는다.

# SGDClassifier 만들고 적용시켜보기 # 이거 쓰면서 여러가기 보르 모덴 마든 스 이따 from sklearn. linear\_model import SGDClassifier

sgd\_clf = SGDClassifier(random\_state = 42) # sgd\_clf는 SGDClassifier로 만들고 sgd\_clf.fit(X\_train, y\_train\_5) # .fit 적용해서 X\_train, y\_train\_5를 사용하는 함수로 만들어줘

# 아까 만든 분류기 집어넣었다

# SGDClassifier는 훈련하는데에 무작위성을 사용한다. 동일한 결과를 재현하고 싶다면 random\_state매개변수를 지정한

SGDClassifier(alpha=0.0001, average=False, class\_weight=None, early\_stopping=False, epsilon=0.1, eta0=0.0, fit\_intercept=True, l1\_ratio=0.15, learning\_rate='optimal', loss='hinge', max\_iter=1000, n\_iter\_no\_change=5, n\_jobs=None, penalty='l2', power\_t=0.5, random\_state=42, shuffle=True, tol=0.001, validation fraction=0.1, verbose=0, warm start=False)

sgd\_clf.predict([some\_digit])

# 아까 some\_digit는 1차원 배열인데 기본적으로 함수가 2차원 배열로 돌아가므로 [리스트] 로 감싸준다. # 아까 샘플 넣고 돌리면 true라고 잘 예측 함 # true 값이 나오므로 분류기는 이 값이 5를 나타낸다고 추측한 것!

□ array([ True])

### 퍼셉트론



퍼셉트론(perceptron)은 가장 오래되고 단순한 형태의 판별함수기반 분류모형 중 하나이다. 퍼셉트론은 입력  $x=(1,x1,\cdots,xm)$  에 대해 1 또는 -1의 값을 가지는 y를 출력하는 비선형 함수이다. 1을 포함하는 입력 요소 xi 에 대해 가중치 wi를 곱한 값 a=wTx을 활성화값(activations)이라고 하며 이 값이 판별함수의 역할을 한다.

a=wTx

판별 함수 값이 활성화함수(activation function) h(a)를 지나면 분류 결과를 나타내는 출력 y^가 생성된다.

 $y^=h(wTx)$ 

퍼셉트론의 활성화 함수는 부호함수(sign function) 또는 단위계단함수(Heaviside step function)라고 부르는 함수이다. h(a)={(-1,1),(a<0,a≥0)

# 퍼셉트론 손실함수

x, y = 독립변수, 종속변수 w = 가중치(예측 오차 최소화하는) L = 전체 예측 오차 (가중치값에 따라 달라지는) 다음과 같이 N 개의 학습용 데이터가 있다고 하자.

(x1,y1),(x2,y2),...,(xi,yi),...,(xN,yN)

퍼셉트론은 독립변수 x 로부터 종속변수 y 를 예측하는 예측 모형이므로 모든 학습 데이터에 대해 예측 오차를 최소화하는 가중치 w 를 계산해야 한다. 가중치 w 에 따라 달라지는 전체 예측 오차 L 는 i 번째 개별 데이터에 대한 손실함수  $Li(y^{A}i,yi)$  의 합으로 표현할 수 있다.



손실 Li(yi,y^i) 는 실제값 y 와 예측값 y^ 의 차이를 나타내는 함수이다. 회귀 분석에서는 L(y^,y)=−(y−y^)2 과 같은 손실함수를 많이 사용하였지만 퍼셉트론의 경우에는 다음과 같은 손실 함수를 사용한다. 이를 제로-원 손실함수(zero-one loss

function)이라고 한다.

zero one loss fun

제로-원 손실함수 Li 은 y^ 과 y 가 같으면 0이고 다르면 1이다. 다음처럼 서술할 수도 있다.

zero one loss fun2

그런데 제로-원 손실함수를 쓰면  $y^*(x)$  가 x 에 대한 계단형 함수이므로 대부분의 영역에서 기울기가 0이 되어 미분값으로부터 최소점의 위치를 구할 수 없다. 따라서 퍼셉트론에서는  $y^*$  대신 활성화값 wTx 를 손실함수로 사용한다.

zero\_one\_loss\_fun3

이를 퍼셉트론 손실함수(perceptron loss function) 또는 0-힌지 손실함수(zero-hinge loss function)라고 한다. 여기에서 손실값은 오분류된 표본에 대해서만 계산한다는 점에 주의하라. 이 때는 y 와 sgn(y^) 값이 다르면 오분류된 것이다.

zero\_one\_loss\_fun4.png

https://datascienceschool.net/view-notebook/342b8e2ecf7a4911a727e6fe97f4ab6b/

퍼셉트론 손실함수는 다음처럼 표기할 수도 있다.

perloss.png

### **SGD**

SGD(Stochastic Gradient Descent) 방법은 손실함수 자체가 아니라 손실함수의 기댓값을 최소하는 방법이다.

# ▼ 3.3 성능 측정

분류기 평가는 회귀모델보다 어렵다. 사용할 수 있는 성능 지표가 많으니 여유롭게 둘러보자

# 3.3.1 교차 검증을 사용한 정확도 측정

## 교차 검증 구현

사이킷런이 제공하는 기능보다 교차 검증 과정을 더 많이 제어해야 할 필요가 있다. 이때는 교차 검증 기능을 직접 구현하면 된다. 다음 코드는 사이킷 런의 cross\_val\_score() 함수와 비슷한 작업을 수행하고 동일한 결과를 출력한다. 잘 보자

from sklearn.model\_selection import StratifiedKFold # 이친구는 클래스별 비율이 유지되도록 폴드를 만들기 위해 계 from sklearn.base import clone

skfolds = StratifiedKFold(n\_splits = 3, random\_state = 42) # 훈련 세트를 3개의 폴드로 나누자 # cross\_val\_score(gd\_clf, X\_train, y\_train\_5, cv=skfolds) # 이렇게 하면 skf사용해서 3겹 교차검증 사용 가능

for train\_index, test\_index in skfolds.split(X\_train, y\_train\_5):

clone\_clf = clone(sgd\_clf)

X\_train\_folds = X\_train[train\_index]

y\_train\_folds = y\_train\_5[train\_index]

X\_test\_fold = X\_train[test\_index]

y\_test\_fold = y\_train\_5[test\_index]

clone\_clf.fit(X\_train\_folds, y\_train\_folds)

y\_pred = clone\_clf.predict(X\_test\_fold)

n\_correct = sum(y\_pred == y\_test\_fold)

print(n\_correct / len(y\_pred))

```
□ /usr/local/lib/python3.6/dist-packages/sklearn/model_selection/_split.py:296: FutureWarning: Setting a random_state has a
      FutureWarning
     0.95035
     0.96035
     0.9604
# cross_val_score() 함수로 폴드 3개인 k겹 교차 검증 사용해 SGDClassifier 모델 평가하기
from sklearn.model selection import cross val score
cross val score(sgd clf, X train, y train 5, cv=3, scoring="accuracy") #accuracy 정확도를 보겠다고 한건데 디폴트:
# 다 95%가 넘는 점수 ㄷㄷ 정확도가 95%라는 소리다
# 근데 전체 샘플 중 5가 아닌게 90%이므로 해당 점수는 딱히 좋은게 아니다
r→ array([0.95035, 0.96035, 0.9604])
from sklearn.base import BaseEstimator
class Never5Classifier(BaseEstimator):
  def fit(self, X, y=None):
    return self
  def predict(self, X):
    return np.zeros((len(X), 1), dtype=bool)
never 5 clf = Never5Classifier()
cross_val_score(never_5_clf, X_train, y_train_5, cv=3, scoring="accuracy")
#정확도만으로 모델의 좋고 나쁨을 파악하기는 어렵다(불균형한 데이터셋)
#5가 너무 적으니깐..
# 무조건 5 아님' 으로 예측하면 90% 이상의 정확도가 나온다는 이유
 □→ array([0.91125, 0.90855, 0.90915])
```

# ▼ 3.3.2 오차행렬

클래스A의 샘플이 클래스 B로 잘못 분류된 횟수를 세는 방법이다. 숫자 5가 3으로 잘못 분류된 횟수를 알고 싶다면 오차 행렬의 5행 3열을 조회하는 방식 오차 행렬을 만들려면..

- 실제 타깃과 비교할 수 있도록 예측값을 먼저 만든다
- 테스트 세트로 예측 만들 수 있어도 여기서 사용하지 않는다
- cross\_val\_predict() 함수는 사용 가능하다

from sklearn.model\_selection import cross\_val\_predict
y\_train\_pred = cross\_val\_predict(sgd\_clf, X\_train, y\_train\_5, cv=3)

### ▼ cross\_val\_predict

이 함수는 cross\_val\_score함수처럼 k겹 교차검증을 진행하나 평가 점수를 반환하지는 않고 각 테스트 폴드의 예측을 반환한다. 훈련 세트의 모든 샘플에 대해 깨끗한 예측을 얻게 되는 것.(훈련 동안 보지 못한 데이터에 대해 예측)

# confusion matrix() 함수를 이용해 오차 행렬을 만들자 타깃클래스(y train 5)와 예측 클래스(y train pred) 넣기

from sklearn.metrics import confusion\_matrix confusion\_matrix(y\_train\_5, y\_train\_pred)

□ array([[53892, 687], [1891, 3530]])

오차 행렬의 행은 실제 클래스를 나타내고, 열은 예측한 클래스를 나타낸다. 이 행렬의 첫 행은 '5가 아닌 숫자를 53892개를 5가 아닌 것으로 정확히 분류했고, 687개는 5가 아닌데 5라고 잘못 분류했다.

두 번째 행은 5인데 5아님으로 1891개로 잘못 분류했고, 나머지 3530개를 5인데 정확히 5라고 분류했다.

(찐음, 짭양) (짭음, 찐양)

y\_train\_perfect\_predictions = y\_train\_5 #완벽한 분류기일 경우 confusion\_matrix(y\_train\_5, y\_train\_perfect\_predictions)

### 정밀도란?

TP(찐양)/(TP+FP), 즉 양성이라고 '예측한' 놈들 중에 진짜 양성이었던 친구들의 비율 가지고 정밀도라~하는 것이다..

### 재현율이란?

TP/(TP+FN), 즉 진짜양성이랑 거짓음성(그니까 실제로 양성인) 친구들 = '실제로'값이 양성인 애들 중에서 찐으로 판명 난 비율을 가지고 재현율이라~한다.

# ▼ 3.3.3 정밀도와 재현율

위의 친구들을 토대로 나가보자~ 이말이야~

#### # 정밀도

from sklearn.metrics import precision\_score, recall\_score

precision\_score(y\_train\_5, y\_train\_pred) #3530/(3530+687) 정밀도!

□→ 0.8370879772350012

### # 재현율

recall\_score(y\_train\_5, y\_train\_pred) #3530/(3530+1892)

# 아까 90퍼라 그러더니 이거 뭐냐 # 여튼 정밀도와 재현율 2개의 지표가 있는데 F1이라는 다른 것도 있다.

□→ 0.6511713705958311

### ▼ F1 점수~

TP / [TP+{(FN+FP)/2}] 라고 계산해도 되고, 2(정밀도 \* 재현율) / (정밀도+재현율) 해도 된다 # F1점수

from sklearn.metrics import f1\_score
f1\_score(y\_train\_5, y\_train\_pred)

□→ 0.7325171197343846

안타깝게도 정밀도와 재현율을 모두 높일 수는 없다..이런걸 정밀도/재현율 트레이트 오프라고 한다.

## ▼ 3.3.4 정밀도/재현율 트레이드 오프

SGDClassifier, 이 분류기는 결정함수를 사용해서 각 샘플의 점수를 계산한다. 이 점수가 임곗값보다 크다면, 샘플은 양성 클래스에 할당하고. 임곗값보다 크지 않다면 음성 클래스에 할당한다.

사이킷 런에서 임곗값을 직접 지정할 수는 없지만, 예측에 사용한 점수는 또 확인할 수 있다!

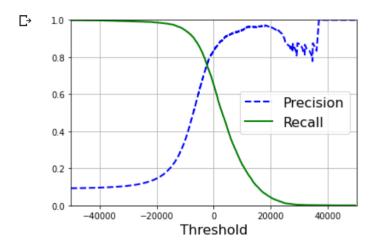
분휴기의 predict() 대신 decision\_function()메서드를 호출해서 각 샘플의 점수를 얻어보자. 그리고 이 점수를 기반으로 원하는 임곗값을 정해 예측을 만들 수 있따.

```
y_scores = sgd_clf.decision_function([some_digit])
y_scores
 r→ array([2164.22030239])
threshold = 0
y_some_digit_pred = (y_scores > threshold)
y_some_digit_pred
# 아까 수가 2000이 넘는데 양수지? 0보다 크니까 true값이 나왔다
#8000으로 높이면 false 나오지 뭐
 □→ array([ True])
threshold = 8000
y_some_digit_pred = (y_scores > threshold)
y_some_digit_pred
# 당연히 8000이면 false 나오지..^^;;
# 임곗값을 높이면 재현율이 줄어드는거 보이니
# 적당한 임곗값은 어떻게 설정할까-> cross val predict로 모든 샘플 점수 구하기
 □→ array([False])
# cross val predict 로 모든 샘플 점수 구하기
# 이번엔, 예측결과가 아니라 결정 점수를 반환하도록!!
y_scores = cross_val_predict(sgd_clf, X_train, y_train_5, cv=3,
              method="decision function")
# 이 점수로 precision recall curve()
# 함수를 사용해 가능한 모든 임곗값에 대해 정밀도와 재현율을 계산할 수 있다규!
```

from sklearn.metrics import precision\_recall\_curve

```
def plot_precision_recall_vs_threshold(precisions, recalls, thresholds):
    plt.plot(thresholds, precisions[:-1], "b--", label="Precision", linewidth=2)
    plt.plot(thresholds, recalls[:-1], "g-", label="Recall", linewidth=2)
    # 임곗값을 표시하고 범례, 축 이름, 그리드를 추가합니다
    plt.legend(loc="center right", fontsize=16)
    plt.xlabel("Threshold", fontsize=16)
    plt.grid(True)
    plt.axis([-50000,50000,0,1])
```

plot\_precision\_recall\_vs\_threshold(precisions, recalls, thresholds)
plt.show()



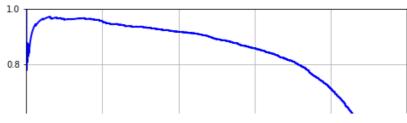
#### # 정밀도 재현율만 뽑는 곡선

```
def plot_precision_vs_recall(precisions, recalls):
    plt.plot(recalls, precisions, "b-", linewidth=2)
    plt.xlabel("Recall", fontsize=16)
    plt.ylabel("Precision", fontsize=16)
    plt.axis([0,1,0,1])
    plt.grid(True)

plt.figure(figsize=(8, 6))
plot_precision_vs_recall(precisions, recalls)
plt.show()

# from sklearn.metrics import average_precision_score
# average_precision_score(y_train_5, y_scores)
```

С→



#argmax() 최댓값의 첫 번째 인덱스 반환 # 90보다 큰 정밀도일 때, 인덱스값을 얻고, thredshold에서의 임곘값을 찾자능

 $threshold\_90\_precision = thresholds[np.argmax(precisions >= 0.90)] \\ threshold\_90\_precision$ 

# 이 점수면 90퍼 이상이구나아..재현율은 떨어지겠지만..^^

□→ 3370.0194991439557

\_\_ |

# 훈련 세트에 대한 예측

y\_train\_pred\_90 = (y\_scores >= threshold\_90\_precision)

precision\_score(y\_train\_5, y\_train\_pred\_90)

€ 0.9000345901072293

recall\_score(y\_train\_5, y\_train\_pred\_90)

C→ 0.4799852425751706

## ▼ 3.3.5 ROC 곡선

ROC receiver operating chracteristic 곡선도 이진 분류에서 널리 사용하는 도구다. 정밀도/재현율 곡선과 매우 비슷하나, ROC곡선은 정밀도에 대한 재현율 곡선이 아니고!!

거짓양성비율(FPR 짭양비) 에 대한 진짜양성비율(TPR찐양비) 의 곡선이다. (재현율)

TNR = 특이도

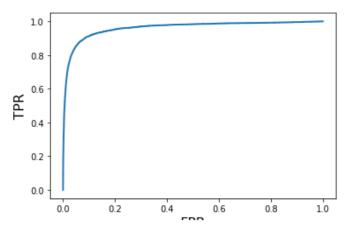
ROC = 민감도(재현율) 에 대한 1-특이도 그래프

# roc\_curve 함수 사용해 임곗값에서 TPR, FPR 값 계산

from sklearn.metrics import roc\_curve

fpr, tpr, thresholds = roc curve(y train 5, y scores)

def plot\_roc\_curve(fpr, tpr, label = None):
 plt.plot(fpr, tpr, linewidth=2, label=label)
 plt.plt=([0,1], [0,1], 'k--')
 plt.xlabel("FPR", fontsize=16)
 plt.ylabel("TPR", fontsize=16)
plot\_roc\_curve(fpr, tpr)
plt.show()



좋은 곡선은 우측상향 대각선에서 최대한 멀리 떨어져 있는 친구이다. 찐양율이 올라감에 따라 짭양율도 같이 증가를 해야 말이 맞는 것..

위 그래프의 곡선 아래 면적(AUC)을 측정하면 분류기들을 비교할 수 있다.

완벽한 분류기는 ROC의 AUC가 1이고, 완전한 랜덤분류기는 0.5이다.

사이킷런은 이 함수도 제공한다.

from sklearn.metrics import roc\_auc\_score
roc\_auc\_score(y\_train\_5, y\_scores)

C→ 0.9604938554008616

#### ▼ 잠깐만~

roc 곡선이 정밀도/재현율 곡선과 비슷하니까 뭘 사용해야 할지 모르겠다. 일반적으로는..

- 양성클래스가 드물거나 거짓음성(짭음)보다 거짓양성(짭양) 이 더 중요하면 PR
- 아니면 ROC 쓴다.

from sklearn, ensemble import Random Forest Classifier

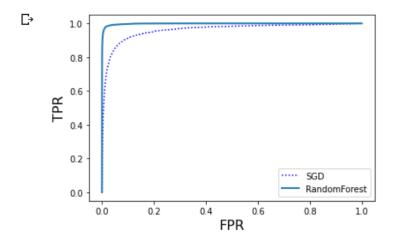
# predict\_proba 메소드는 샘플이 행, 클래스가 열, 예측에 대한 확률값 제공 # 샘플이 주어진 클래스에 속활 확률을 담을 배열 반환 # roc\_curve() 함수는 레이블과 점수를 기대...근데 점수 대신 클래스 확률 전달 가능

# 양성 클래스 확률을 점수로 사용해보자~

y\_scores\_forest = y\_probas\_forest[:, 1] # 양성 클래스에 대한 확률 점수로 써라!, # (행=샘플 개수) 1번째 열은 음성 클래스 확률, 2 번째 열은 양성클래스 확률 # 양성클래스 확률만 있으면 되니까 인덱스 1 fpr\_forest, tpr\_forest, thresholds\_forest = roc\_curve(y\_train\_5, y\_scores\_forest)

plt.plot(fpr, tpr, "b:", label="SGD")
plot\_roc\_curve(fpr\_forest, tpr\_forest, "RandomForest")
plt.legend(loc="lower right") # 우측 하단에 뭐가 뭔지 표시
plt.show()

ㅠ 렌리스네ㅡㅡ 군규기가 되 것ㅜ한 # 헷헷



roc\_auc\_score(y\_train\_5, y\_scores\_forest)

# 점수도 좋구만!

C→ 0.9983436731328145

y\_train\_pred\_forest = cross\_val\_predict(forest\_clf, X\_train, y\_train\_5, cv=3) precision\_score(y\_train\_5, y\_train\_pred\_forest) # 정밀도

recall\_score(y\_train\_5, y\_train\_pred\_forest) # 재현율

# ▼ 3.4 다중 분류

이진 분류가 두 개의 클래스를 구분한다구? 다중 분류기는 둘 이상의 클래스를 구별한다!

일부 알고리즘은 여러 개의 클래스를 직접 처리할 수 있다. 다른 것은 이진 분류만 가능하지만..

하지만 이진 분류기를 여러개 사용해 다중 클래스를 분류하는 기법도 많다.

- OvR(OvA): n개의 모델 훈련, liblinear를 사용하는 LinearSVC/LogisticRegression(solver='liblinear') 클래스, 이렇게 이진 분류 여러개를 만들어서 활용할 때, 각 분류기의 결정 점수 중에서 가장 높은 것을 클래스로 선정하면 된다. 이를 OvR전략이라고 한다. (One versus the Rest) (OvA)
- OvO: n(n-1)/2개 푼련, libsvm을 사용하는 SVC 클래스. 또 다른 전략은 0과1 구별, 0과2 구별, 1과 2 구별 같이 각 숫자 조합마다 이진 분류기를 훈련시킬 수 도 있다. 이를 OvO라고 한다. 클래스가 n개 있다고 치면 n(n+1)/2 개가 필요하다.
- Multinomial: SGDClassifier, LogisticRegression(solver!='liblinear'), RandomForestClassifier 다중 클래스 분류 작업에 이진 분류 알고리즘 선택하면, 사이킷런이 알고리즘 따라 자동으로 OvR, OvO 실행한다.

from sklearn.svm import SVC svm\_clf = SVC(gamma="auto", random\_state=42) svm\_clf.fit(X\_train[:1000], y\_train[:1000]) # y\_train svm\_clf.predict([some\_digit])

 $\Gamma$  array([5], dtype=uint8)

```
# 가장 높은 점수가 클래스 5에 해당하는 것
# 클래스마다 결정함수값이 출력, 인덱스 5가 가장 높은 점수이므로 5구나..하는 것
some digit scores = svm clf.decision function([some digit])
some_digit_scores
 ray([[ 2.81585438, 7.09167958, 3.82972099, 0.79365551, 5.8885703 .
         9.29718395, 1.79862509, 8.10392157, -0.228207 , 4.83753243]])
np.argmax(some_digit_scores)
 Γ⇒ 5
svm clf.classes
 r array([0, 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9], dtype=uint8)
svm_clf.classes_[5] # 인덱스랑 값이 같고, 인덱스만 뽑아서 쓸 수 있는. 인덱스 5의 값은 5다 라는게 결과임
□→ 5
분류기가 훈련될 때 classes_속성에 타깃 클래스의 리스트를 값으로 정렬해 저장한다. 위 예제에서는 classes_배열에 있
는 각 클래스의 인덱스가 클래스 값 자체와 같다. 근데 이런 경우는 드물다.
from sklearn.multiclass import OneVsRestClassifier
ovr_clf = OneVsRestClassifier(SVC(gamma="auto", random_state=42))
ovr_clf.fit(X_train[:1000], y_train[:1000])
ovr_clf.predict([some_digit])
# 강제로 OvR 방식을 쓰게끔 하는 클래스, OneVsRestClassifier
# OneVsOneClassifier는 OvO 쓰게 하는 클래스
□→ array([5], dtype=uint8)
len(ovr clf.estimators ) # 이 속성에는 만든 분류기 모델 수를 보여준다. 레이블이 10개라서 가각 1개씩 훈련
 Гэ
    10
sgd_clf.fit(X_train, y_train)
sgd_clf.predict([some_digit])
array([3], dtype=uint8)
# decision function() 은 클래스(레이블)마다 열 개의 결정 함수 값을 반환한다. (10개의 값이 출력 되겠지...)
# 인덱스 3이 높다고 나오는데 원래 5 간 높아야 한다...뭐징..
sgd_clf.decision_function([some_digit])
    array([[-31893.03095419, -34419.69069632, -9530.63950739,
          1823.73154031, -22320.14822878, -1385.80478895,
         -26188.91070951, -16147.51323997, -4604.35491274,
         -12050.767298 ]])
# 3개의 폴드로 나눠라. 하나=검증, 둘=훈련 검증세트 계산! 이렇게 총 3번 해라
```

# cross\_validate() 메소드가 추가! : 훈련 시간이 단축, 필드 검증에서 스코어 테스트하는 시간이 리턴!

```
# cross_val_score(sgd_clf, X_train, y_train, cv=3, scoring="accuracy") # 원래 있던 친구는 얘
from sklearn, model selection import cross validate
cross validate(sgd clf, X train, y train, cv=3, scoring="accuracy")
 ([117.40838313, 96.84333062, 95.83895564]),
      'score time': array([0.08325243, 0.05331612, 0.05944586]),
      'test_score': array([0.87365, 0.85835, 0.8689 ])}
# 2장에서 쓴 친구, StandardScaler, 점수가 더 좋게 나오는 친구
# 왜냐, SGDClassifier는 경사 하강법을 쓰며, 특성 간의 거리, Scale에 민감하게 반응한다. (이런 모델이 다 그래)
# 특성 간의 값을 가지고 거리를 계산하므로 특성의 Scale을 서로 맞춰야 한다
# 안그러면 특성에 편중되어 알고리즘이 수행되겠지..
# 랜덤포레스트는 거리에 전혀 반응하지 않으므로 스케일링 안하고 해도 무방하다.
from sklearn, preprocessing import StandardScaler
scaler = StandardScaler()
X train scaled = scaler, fit transform(X train, astype(np.float64))
cross val score(sgd clf, X train scaled, y train, cv=3, scoring="accuracy")
 Г⇒
     KeyboardInterrupt
                                    Traceback (most recent call last)
     <ipython-input-69-442544d102f8> in <module>()
     ----> 1 cross val score(sgd clf, X train scaled, y train, cv=3, scoring="accuracy")
                                          21 frames
     /usr/local/lib/python3.6/dist-packages/sklearn/linear_model/_stochastic_gradient.py_in_fit_binary(est, i, X, y, alpha, C,
     learning_rate, max_iter, pos_weight, neg_weight, sample_weight, validation_mask, random_state)
       407
                           pos_weight, neg_weight,
       408
                           learning_rate_type, est.eta0,
     --> 409
                            est.power_t, est.t_, intercept_decay)
       410
       411
             else:
     KeyboardInterrupt:
      SEARCH STACK OVERFLOW
```

# ▼ 3.5 에러 분석

1. 오차 행렬 살펴보기 cross\_val\_predict() 함수를 사용해 예측을 만들고, confusion\_matrix() 함수를 호출한다.

```
# 다중분류의 경우의 오차 행렬
# 타깃값(y_train)과 예측 값(y_train_pred) 두개를 넣어 conf_mx를 리턴받으면 된다.
y_train_pred = cross_val_predict(sgd_clf, X_train_scaled, y_train, cv=3)
```

```
# 오른쪽(옆으로 갈 수록 값이 밑으로 많아짐)이 가짜일 경우이다.

conf_mx = confusion_matrix(y_train, y_train_pred)
```

# 매트릭스로 보면 좀 더 편리하게 볼 때가 있다. # 이미지가 우측 하향 대각선이므로(주대각선) 대부분의 이미지가 올바르게 분류된 것이다.

def plot\_confusion\_matrix(matrix):
 """If you prefer color and a colorbar"""
 fig = plt.figure(figsize=(8,8))
 ax = fig.add\_subplot(111)
 cax = ax.matshow(matrix)
 fig.colorbar(cax)

plt.matshow(conf\_mx, cmap=plt.cm.gray)
save\_fig("confusion\_matrix\_plot", tight\_layout=False)
plt.show()

# gray로 설정: 배열에서 가장 큰 값은 흰 색, 작은 값은 검은색으로 그려진다. # 5가 좀 어두워보이는데, 데이터셋에 5의 이미지가 적거나, 분류기가 숫자 5를 다른 수처럼 잘 분류 못한다는 뜻 # 두개 다 확인해 봐야하는 부분...

Ľ→

```
NameError
```

Traceback (most recent call last)

row\_sums = conf\_mx.sum(axis=1, keepdims=True) # 각 행의 값을 더해줘, 그걸 norm\_conf\_mx에다가 나누셈 norm\_conf\_mx = conf\_mx/row\_sums # 비율

o pit.snow()

#8로 잘못 생각한게 되게 많은...

# 진짜 3인 수를 5로 착각

# 진짜 5를 3으로 착각

# 3과 5는 자주 혼돈이 되는 이미지라는 것을 확인가능

np.fill\_diagonal(norm\_conf\_mx, 0)
plt.matshow(norm\_conf\_mx, cmap=plt.cm.gray)
save\_fig("confusion\_matrix\_errors\_plot", tight\_layout=False)
plt.show()

#### С→

NameError Traceback (most recent call last)

<ipython-input-81-40f6d3d7dcfd> in <module>()

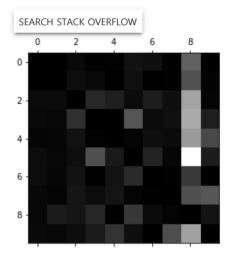
3 np.fill\_diagonal(norm\_conf\_mx, 0)

4 plt.matshow(norm\_conf\_mx, cmap=plt.cm.gray)

----> 5 save\_fig("confusion\_matrix\_errors\_plot", tight\_layout=False)

6 plt.show()

NameError: name 'save fig' is not defined



```
cl_a, cl_b = 3,5
```

X\_aa = X\_train[(y\_train == cl\_a) & (y\_train\_pred == cl\_a)]

X\_ab = X\_train[(y\_train == cl\_a) & (y\_train\_pred == cl\_b)]

X\_ba = X\_train[(y\_train == cl\_b) & (y\_train\_pred == cl\_a)]

X\_bb = X\_train[(y\_train == cl\_b) & (y\_train\_pred == cl\_b)]

### plt.figure(figsize=(8, 8))

plt.subplot(221); plot\_digits(X\_aa[:25], images\_per\_row=5) plt.subplot(222); plot\_digits(X\_ab[:25], images\_per\_row=5) plt.subplot(223); plot\_digits(X\_ba[:25], images\_per\_row=5) plt.subplot(224); plot\_digits(X\_bb[:25], images\_per\_row=5)

#### plt.show()

# 좌측 상단 3을 잘 분류

# 우측 상단 3을 5로 잘못 분류

# 좌측 하단 5를 3으로 잘못 분류

# 우측 하단 5를 잘 분류

₽ 33*3333* **3** 3 3333 33**3**33 *33*3 3*3*3 33**3**3 3333 1555 55555 55555 55555 55555 55555 *5*5*5*55 55**5**55 55555 55555

# ▼ 3.6 다중 레이블 분류

출력하는 레이블이 하나가 아니라 여러개일 경우를 다중 레이블 분류라고 한다.

지금까지는 각 샘플이 하나의 클래스에만 할당되었으나, 분류기가 샘플마다 여러 개의 클래스를 출력해야 할 때도 있음. ex) 얼굴 인식 분류기..같은 사진에 여러 사람이 나온다.

K 최근접, 결정트리 기반 모델이 다중 분류를 지원한다.

from sklearn.neighbors import KNeighborsClassifier

y\_train\_large = (y\_train >= 7) # 타깃 값이 7보다 큰 것인지?
y\_train\_odd = (y\_train % 2 == 1) # 타깃 값이 홀수인지..? 이 두개를 npc메소드로 열방향 합침 -> y\_multilabel
y\_multilabel = np.c\_[y\_train\_large, y\_train\_odd]

knn\_clf = KNeighborsClassifier()
knn\_clf.fit(X\_train, y\_multilabel)

KNeighborsClassifier(algorithm='auto', leaf\_size=30, metric='minkowski', metric\_params=None, n\_jobs=None, n\_neighbors=5, p=2, weights='uniform')

knn\_clf.predict([some\_digit]) # 두 개의 레이블이 나오는 (5니까 잘 예측을 한 것이고)

□→ array([[False, True]])

y\_train\_knn\_pred = cross\_val\_predict(knn\_clf, X\_train, y\_multilabel, cv=3)
f1\_score(y\_multilabel, y\_train\_knn\_pred, average="macro")

# 시간 많이 걸림 몇시간씩... # 두 레이블별로 따로 f1을 계산하기 위해..평균을 내면 이게 macro

# ▼ 3.7 다중 출력 분류

다중 레이블 분류에서 한 레이블이 다중 클래스가 될 수 있도록 일반화한 것으로, 값을 2개 이상 가질 수 있다. 이미지에서 잡음을 제거하는 시스템을 만들어보자.

noise = np.random.randint(0, 100, (len(X\_train), 784)) # 784개의 레이블이 나오는 것이고, 0부터 255까지의 픽셀 값이 나온다. X\_train\_mod = X\_train + noise # X\_train에 noise 를 섞었다 noise = np.random.randint(0, 100, (len(X\_test), 784)) X\_test\_mod = X\_test + noise # X\_test에 noise 를 섞었다

y\_train\_mod = X\_train # 자기 자신을 타깃으로 두고 훈련 시작 y test mod = X test

some\_index = 0
plt.subplot(121); plot\_digit(X\_test\_mod[some\_index])
plt.subplot(122); plot\_digit(y\_test\_mod[some\_index])

plt.show()

# 왼쪽이 만든 타깃 # 오른쪽이 원본

₽





# 분류기를 훈련 시켜 이미지를 깨끗하게 만들어보자

knn\_clf.fit(X\_train\_mod, y\_train\_mod)
clean\_digit = knn\_clf.predict([X\_test\_mod[some\_index]])
plot\_digit(clean\_digit)

# 가까운 이웃의 타깃값의 픽셀 평균을 내서 훈련 하는 것.

С→

# ▼ 추가 내용

## 더미 분류기

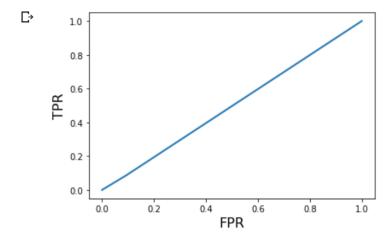
다른 모델과 비교하거나 베이스 모델로 비교하기 좋으므로 써보자!



from sklearn.dummy import DummyClassifier

dmy\_clf = DummyClassifier(strategy = 'stratified') # prior로 하게 되면 음성클래스의 확률 출력 y\_probas\_dmy = cross\_val\_predict(dmy\_clf, X\_train, y\_train\_5, cv=3, method="predict\_proba") y\_scores\_dmy = y\_probas\_dmy[:, 1]

fprr, tprr, thresholdsr = roc\_curve(y\_train\_5, y\_scores\_dmy)
plot\_roc\_curve(fprr, tprr)



# ▼ KNN 분류기

from sklearn.neighbors import KNeighborsClassifier

knn\_clf = KNeighborsClassifier(weights='distance', n\_neighbors=4) # 가까이 있는 값에 가중치 두는 weight='distance', n\_neighbors=4) # 가까이 있는 값에 가중치 두는 weight='distance', n\_neighbors=4)

KNeighborsClassifier(algorithm='auto', leaf\_size=30, metric='minkowski', metric\_params=None, n\_jobs=None, n\_neighbors=4, p=2, weights='distance')

y\_knn\_pred = knn\_clf.predict(X\_test)

from sklearn.metrics import accuracy\_score accuracy\_score(y\_test, y\_knn\_pred)

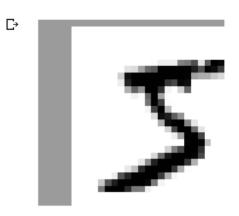
□ 0.9714

from scipy.ndimage.interpolation import shift

def shift\_digit(digit\_array, dx, dy, new=0):
return shift(digit\_array,reshane(28, 28), [dy, dx], cyal=new) reshane(784).

plot digit(shift digit(some digit, 5, 1, new=100))

# 이미지를 조금씩 이동하는 메소드 # 오차율, 위치에 덜 민감한 모델을 만들 수 있대



X\_train\_expanded = [X\_train]

y\_train\_expanded = [y\_train] # 훈련 세트 전체에다가 원본 세트 넣고 for dx, dy in ((1, 0), (-1, 0), (0, 1), (0, -1)): # 원본 세트를 4번 이동하기

shifted\_images = np.apply\_along\_axis(shift\_digit, axis=1, arr=X\_train, dx=dx, dy=dy)

X\_train\_expanded.append(shifted\_images)

y\_train\_expanded.append(y\_train) # 60000개였는데 30만개로 늘어남

X\_train\_expanded = np.concatenate(X\_train\_expanded)

y\_train\_expanded = np.concatenate(y\_train\_expanded)

X\_train\_expanded.shape, y\_train\_expanded.shape

knn\_clf.fit(X\_train\_expanded, y\_train\_expanded)

KNeighborsClassifier(algorithm='auto', leaf\_size=30, metric='minkowski', metric\_params=None, n\_jobs=None, n\_neighbors=4, p=2, weights='distance')

y knn expanded pred = knn clf.predict(X test)

accuracy\_score(y\_test, Y\_knn\_expanded\_pred)

# 점수도 뽑아보고

+ 코드 — + 텍스트

ambiguous\_digit = X\_test[2589]

knn\_clf.predict\_proba([ambiguous\_digit]) # 애매한 숫자에 대한 확률값도 출력해보고

plot\_digit(ambiguous\_digit)