

HENRY

Data Science

M4L7 | Aprendizaje no supervisado I



→ soyhenry.com

Objetivos

- Aplicar técnicas de clustering como K-Means y DBSCAN para segmentar datos y descubrir patrones dentro de conjuntos de datos no etiquetados.
- Evaluar la calidad de los clusters mediante el método del codo y el índice de silueta, determinando la estructura óptima de agrupación.
- Explorar métodos de reducción de dimensionalidad como PCA y t-SNE, analizando la varianza explicada y su impacto en la simplificación de datos





#TEMAS

Agend a

COMENCEMOS →

- .01 Definición de clustering
- .02 Familias de clustering particional (e.g. k-means)
- .03 Familias de clustering por densidad (e.g. DBSCAN)
- .04 Evaluación de algoritmos no supervisados
- .05 Reducción de la dimensionalidad
- .06 Homework



→ soyhenry.com



<->

¿Qué vimos en la lecture?





<01>

Definición de clustering





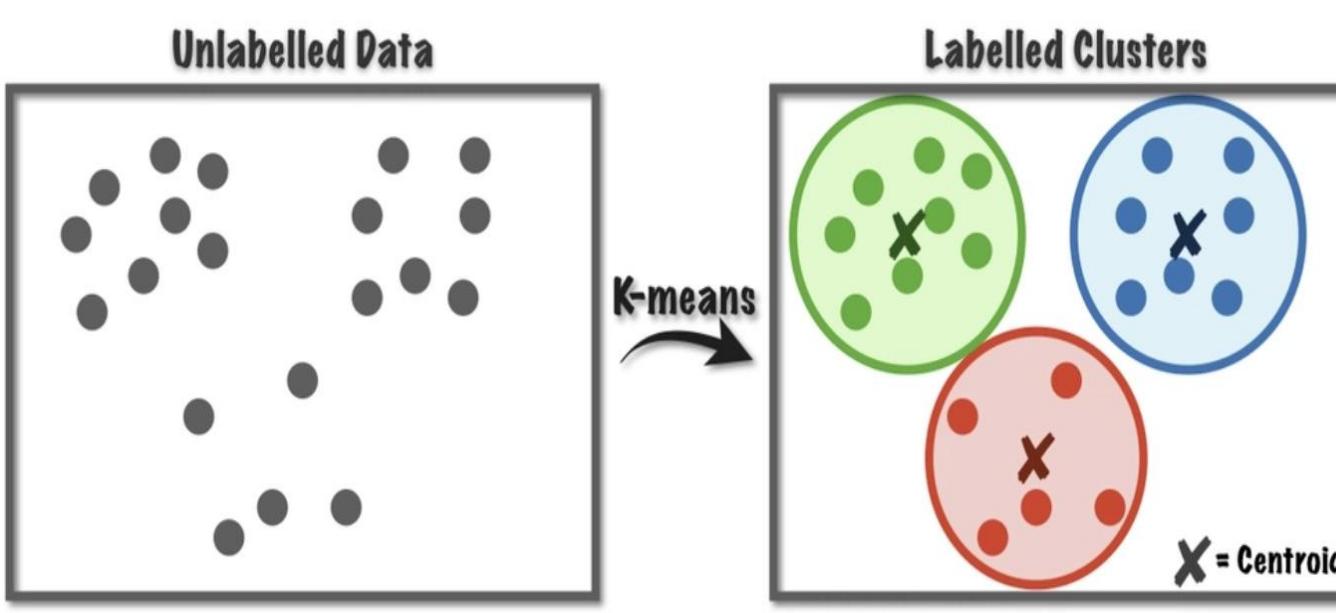
¿Qué es clustering?

- Aprendizaje **no supervisado**: no hay variable objetivo ni etiquetas previas.
- Agrupa observaciones por **similitud** (distancias/similitudes).
- Produce **clusters**: internos homogéneos, entre sí heterogéneos.
- **Reduce complejidad**: sintetiza miles de registros en pocos grupos.
- Descubre **estructura latente** para análisis y decisiones.





¿Cómo se ve el clustering?





Similitud y distancias



- Distancias típicas: **Euclíadiana** y **Manhattan**.
- Similitud: **coseno** (convertible a distancia).
- La métrica elegida condiciona las **fronteras** entre grupos.
- Requiere **estandarización** cuando hay escalas distintas.
- Objetivo: aproximar “cercanía” **significativa** al problema.





<02>

Familias de clustering particional (e.g. k-means)





Clustering particional: familia

- Divide el dataset en **k** particiones excluyentes.
- Minimiza **variabilidad interna** y maximiza **separación**.
- Representantes: **K-Means**, **K-Medoids**, **CLARA**, **MiniBatch K-Means**.
- Supone clusters relativamente **compactos**.
- Útil para **segmentación operativa**.





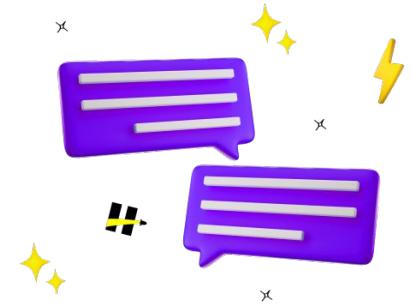
K-Means: idea central

- Cada cluster se representa por su **centroide** (media).
- Minimiza la **SSE/inercia**: suma de distancias cuadráticas al centroide.
- Alterna **asignación** (al centroide más cercano) y **actualización** (recalcular centroides).
- Converge cuando las asignaciones **se estabilizan**.
- Fronteras son **hiperplanos** (lineales).



K-Means: hiperparámetros y k

- **k** (número de clusters) define la granularidad.
- **k-means++** mejora la **inicialización** y evita mínimos locales.
- Más **iteraciones** no garantizan mejor estructura.
- Elegir **k**: método del codo + **silueta** + criterio de negocio.
- Reportar **estabilidad** entre corridas.





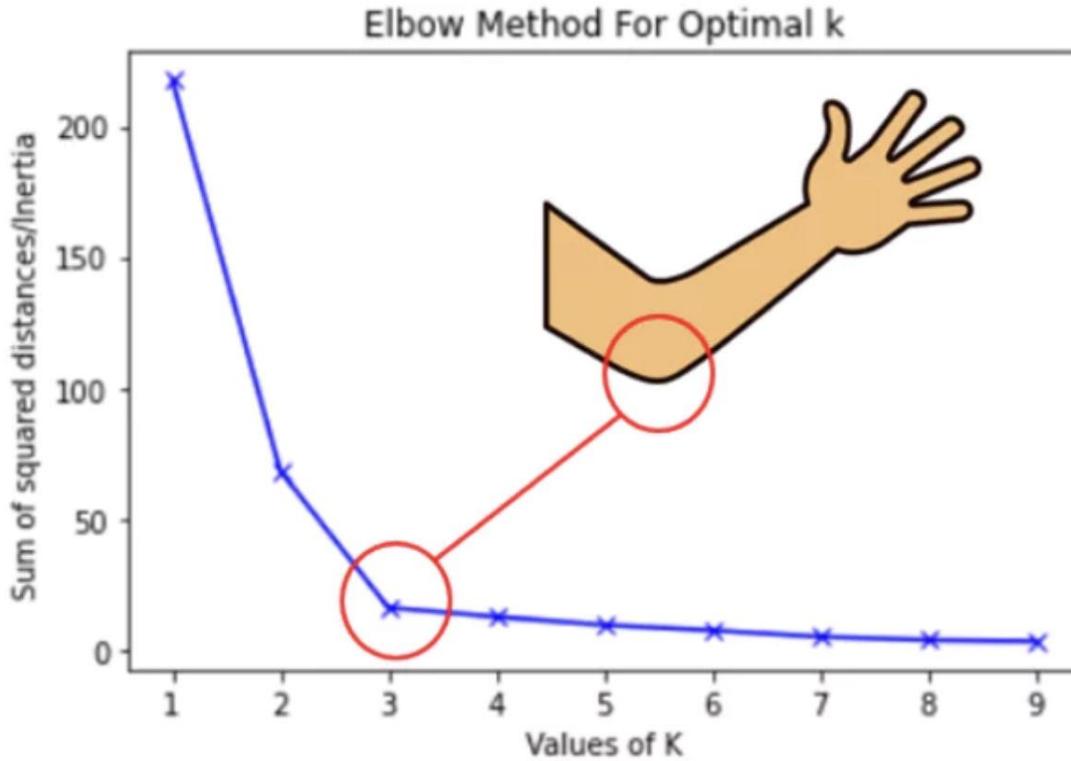
K-Means: método del codo

- Inercia decrece de **k=2: 27.133** a **k=10: 14.590**.
- **Sin codo marcado** → estructura **continua** (no divisiones naturales claras).
- Elegir **k=3–5** sirve operativamente.
- El “codo difuso” **es información**, no un fallo.
- Triangular con **silueta** y lectura de **negocio**.





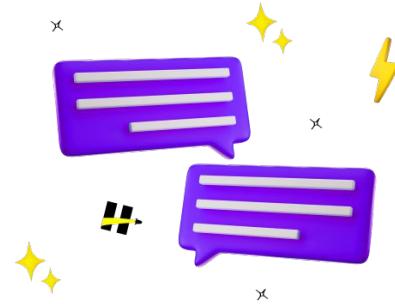
Método del codo





K-Means: limitaciones y variantes

- Asume clusters **esféricos** y tamaños **similares**.
- **Sensibilidad** a outliers y a la **escala**.
- K-Medoids: usa **representante real** (robusto a outliers).
- **CLARA** y **MiniBatch**: eficiencia en **grandes volúmenes**.
- Preprocesar: **estandarizar** y revisar **outliers**.





<03>

Familias de clustering por densidad (e.g. DBSCAN)





Clustering por densidad: familia

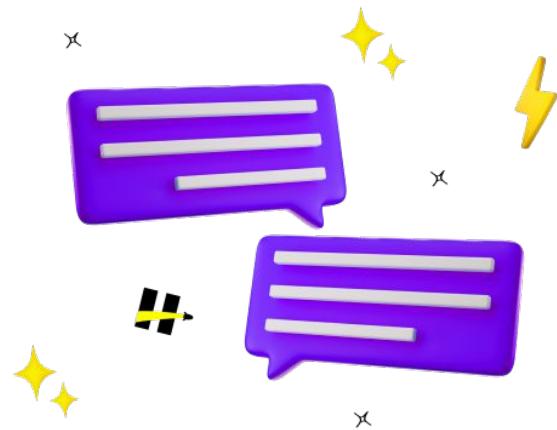
- Define clusters como **regiones densas** separadas por baja densidad.
- No requiere **k** a priori.
- Maneja **formas arbitrarias** y **ruido**.
- Representantes: **DBSCAN** (y **HDBSCAN**).
- Útil cuando la estructura **no es esférica**.





DBSCAN: conceptos clave

- Parámetros: **ϵ (radio)** y **min_samples** (mínimos vecinos).
- Puntos: **centrales, borde, ruido.**
- Expansión desde puntos **centrales** por conectividad densa.
- Etiqueta **-1** para ruido/outliers.
- Detecta **anomalías** sin borrarlas.





DBSCAN: selección de parámetros

- ϵ pequeño → muchos clusters minúsculos y mucho **ruido**.
- ϵ grande → **fusiones** y pérdida de detalle.
- Usar **k-distance plot** como guía (codo puede ser **difuso**).
- Densidades muy distintas → considerar **HDBSCAN**.
- La “dificultad” para encontrar varios clusters puede **ser el resultado**.





DBSCAN: ventajas y límites

- Captura **formas no lineales** y **ruido** naturalmente.
- No exige **k** ni centros **esféricos**.
- Sensible a **$\epsilon/min_samples$** y a densidades **heterogéneas**.
- Coste computacional en **datasets muy grandes** (variantes optimizadas).
- Complementa a K-Means para **auditar** estructura real.





<04>

Evaluación de algoritmos no supervisados





Evaluación: inercia (SSE) y “codo”

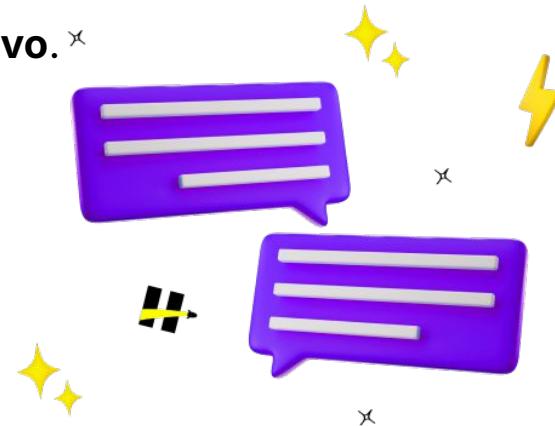
- Inercia ↓ al aumentar k ; mirar **descenso marginal**.
- Codo = **equilibrio** compacidad vs simplicidad.
- Sin codo claro → **homogeneidad** o densidades mixtas.
- Es **específico** de K-Means (no aplica a DBSCAN).





Evaluación: silueta (-1 a 1)

- $s(i) = (b(i) - a(i)) / \max\{a(i), b(i)\}$.
- 0.5: fuerte; 0.25–0.5: razonable; <0.25: **débil/solapada**.
- ShopSense: **máx en k=4 = 0.240** → solapamiento **significativo**. ✕
- DBSCAN con un solo cluster: **no** se calcula silueta.
- Lectura conjunta = **historia coherente** de homogeneidad.





Interpretación honesta de métricas

- Silhouette baja ≠ inútil: **segmentos operativos** válidos.
- DBSCAN confirma **continuo** con outliers valiosos.
- Decisiones: **personalización continua** > cortes rígidos.
- Métricas + negocio → **expectativas realistas**.
- Usar ambos enfoques para **validar** la narrativa de datos.





<05>

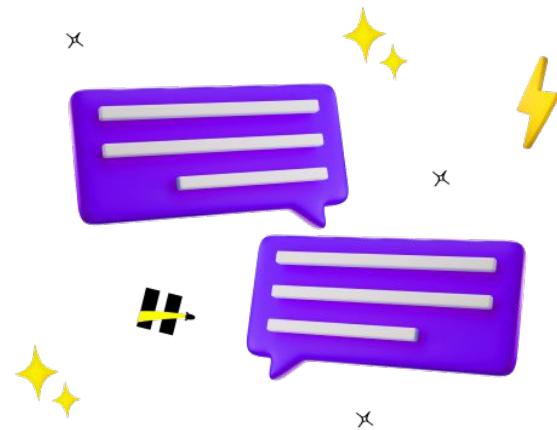
Reducción de la dimensionalidad





Reducción de dimensionalidad: propósito

- Resolver **alta dimensionalidad** y **redundancia**.
- **Visualizar** estructura, **explorar** relaciones, **mejorar** modelos.
- Proyecciones **2D/3D** para validar clusters y outliers.
- Prepara features **compactas** para pipelines.



PCA (ShopSense): qué revela

- Encuentra **componentes** que maximizan **varianza** (SVD/covarianzas).
- **PC1** \approx actividad/valor (frecuencia + gasto).
- **PC2** \approx preferencia de **canal** (digital vs físico).
- **45–50%** de varianza explicada (estructura **distribuida**).
- Visualización: **superposición** entre clusters de K-Means, acorde a **0.240**.



t-SNE y uso práctico



- t-SNE preserva **vecindad local**; puede **exagerar** separaciones.
- Útil para **explorar** variaciones sutiles; no para fronteras globales.
- Con DBSCAN: confirma **grupo denso** + **outliers** periféricos.
- PCA/t-SNE como **mapas narrativos** para negocio.
- Las componentes sirven como **features** en recomendadores.





<DATA SCIENCE/>

Vayamos a la práctica



Homework



→ soyhenry.com



Consigna

En esta actividad pondrás en práctica los conceptos vistos sobre **clustering** y **reducción de la dimensionalidad**, utilizando un dataset real de clientes minoristas.

El objetivo es reproducir un flujo analítico completo que permita segmentar a los clientes según sus características de compra, visualizar los grupos en un espacio reducido y reflexionar cómo esta segmentación puede servir como **proxy o paso previo a un sistema de recomendación**.

Tu tarea consiste en realizar un análisis no supervisado que incluya:

1. Exploración del dataset y tratamiento de variables numéricas relevantes.
2. Aplicación de **K-Means** para generar clusters representativos de clientes.
3. Evaluación del modelo mediante el **método del codo** y la **silueta**.
4. Representación visual de los clusters usando **PCA** y/o **t-SNE**.
5. Breve reflexión sobre cómo los clusters obtenidos podrían alimentar un sistema de recomendación (por similitud entre clientes o perfiles de compra).





Tareas a realizar

1. Cargar el dataset y realizar limpieza básica (eliminar nulos, normalizar si es necesario).
2. Implementar K-Means con al menos tres valores distintos de k .
3. Evaluar con **método del codo (inercia/SSE)** y **silueta (-1 a 1)** para seleccionar el k óptimo.
4. Generar una visualización 2D con **PCA** mostrando los clusters.
5. Incluir un breve párrafo de interpretación (1–2 líneas por cluster) describiendo patrones observados.





Extra credits optativo

- Agregar una visualización con t-SNE para comparar la estructura local de los clusters.
- Aplicar un algoritmo alternativo (DBSCAN o Agglomerative Clustering) y comparar resultados.
- Generar una columna adicional con una etiqueta interpretativa de cada grupo (por ejemplo: *High Value, Occasional Buyer, Digital User*).
- Escribir una reflexión corta sobre cómo los clusters podrían servir de base para un sistema de recomendación tipo “usuarios similares”.



HENRY



#OpenQuestion



¿Preguntas?



→ soyhenry.com

~~HENRY~~

¡Muchas gracias!



→ soyhenry.com