CNN IMAGE CLASSIFIER

TECHNIKI KLASYFIKACJI DANYCH

JAKUB BINIEK, MICHAŁ STRUS

Temat projektu

Tematyką naszego projektu jest budowa Klasyfikatora Obrazów za pomocą konwolucyjnej sieci neuronowej. Zamysłem projektu jest analizowanie obrazów w celu odpowiedniej klasyfikacji zdjęć na przykładzie zdjęć zwierząt z zadanego zbioru danych jako kot lub pies.

Wstępny setup i ładowanie danych

W pierwszym etapie naszego projektu importujemy potrzebne nam biblioteki do budowy klasyfikatora obrazów. W naszym projekcie korzystamy z biblioteki tensorflow, seaborn, keras, numpy, matplotlib, openCV oraz imghdr. Import wygląda następująco:

```
[ ] import numpy as np

[ ] import tensorflow as tf
  import os

[ ] import cv2
  import imghdr
  from matplotlib import pyplot as plt
  import seaborn as sns
  sns.set()
```

Ponadto w tym etapie projektu, z zadanego zbioru danych usunęliśmy dane w innym rozszerzeniu niż .jpg .png .jpeg oraz .bmp. Kod wygląda następująco:

```
[ ] for image_class in os.listdir(data_dir):
    for image in os.listdir(os.path.join(data_dir, image_class)):
        image_path = os.path.join(data_dir, image_class, image)
        try:
        img = cv2.imread(image_path)
        tip = imghdr.what(image_path)
        if tip not in image_extens:
            print("Wrong format of file {}".format(image_path))
            os.remove(image_path)
        except Exception as e:
        print("Issue with image {}".format(image_path))
```

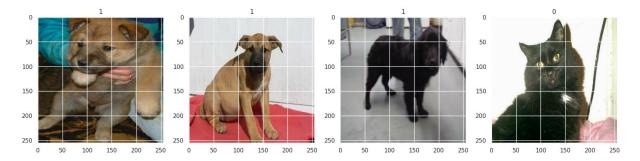
W następnym kroku dokonaliśmy załadowania danych z zbioru danych pochodzącego z kaggle.com zawierającego zdjęcia zwierząt. Wczytujemy dane przez API z biblioteki keras. W argumentach funkcji podajemy ścieżkę do folderu, w którym znajdują się dwa pod-foldery zawierające klasy "cats" oraz "dogs". Klasą 1 są psy, a klasą 0 są koty. W tym etapie stworzyliśmy iterator w pythonie w celu przechodzenia po obiektach.

Images size as numpy arrays

```
[ ] batch[0].shape
(32, 256, 256, 3)
```

Class 1 = dog, Class 0 = cat

Wyświetlenie czterech przykładowych obiektów wygląda następująco:



Preprocessing danych

Po załadowaniu danych, w naszym projekcie przeszliśmy do etapu przygotowania danych do modelu. Najpierw skalujemy zmienne do przedziału [0,1] w celu dodania ich do konwolucyjnej sieci neuronowej.

```
[ ] data = data.map(lambda x,y: (x/255, y))
```

Następnie podzieliliśmy dane na zbiór uczący, walidacyjny oraz testowy w proporcjach odpowiednio 0.7 , 0.2 oraz 0.1

```
[ ] len(data)
[ ] train_size = int(len(data)*0.7)
    val_size = int(len(data)*0.2)+1
    test_size = int(len(data)*0.1)+1
```

Z naszego zbioru danych wyciągamy rozmiar, który został określony powyżej. W kodzie wygląda to następująco:

```
[ ] train = data.take(train_size)
  val = data.skip(train_size).take(val_size)
  test = data.skip(train_size+val_size).take(test_size)
```

Budowanie modelu

W kolejnym etapie projektu tworzymy model sekwencyjny z wbudowanych funkcji z biblioteki keras. Do modelu dodajemy warstwę konwolucyjną z 16 kernelami rozmiaru 3 x 3. Jako funkcję aktywacji wybieramy funkcję "relu". Jako input_shape w pierwszej konwoluncji podajemy rozmiar obrazów.

Następnie używamy Max Poolingu, aby wyodrębnić poszukiwane cechy ze zdjęć. Tą procedurę wykonujemy trzy-krotnie by zmniejszyć rozmiar zbioru danych załadowanych do modelu. Ponadto trzy-krotnie używamy BatchNormalization w celu normalizacji danych.

```
model = Sequential()
model.add(Conv2D(16, (3,3), 1, activation = 'relu', input_shape = (256,256,3)))
model.add(BatchNormalization())
model.add(MaxPooling2D())

model.add(Conv2D(32, (3,3), 1, activation = 'relu'))
model.add(BatchNormalization())
model.add(MaxPooling2D())

model.add(Conv2D(16, (3,3), 1, activation = 'relu'))
model.add(BatchNormalization())
model.add(MaxPooling2D())
```

Następnie korzystamy z funkcji Flatten w celu wypłaszczenia danych, co tworzy macierz jednowymiarową rozmiaru 1 x 14400. Następnie dodajemy warstwę neuronową z 64 neuronami z funkcją aktywacji "relu". Następnie dodajemy kolejną warstwę z 32 neuronami. W ostatniej warstwie sieci dodajemy warstwę neuronową z 1 neuronem ponieważ mamy wyłącznie dwie klasy. Funkcją aktywacji ostatniej warstwy jest funkcja "sigmoid". Wybraliśmy ją aby pokazać prawdopodobieństwo przynależności danego obrazu do danej klasy. Pomiędzy warstwami dense dodajemy warstwę dropout aby zerowała nam 0.2 obserwacji, w celu zmniejszenia overfittingu.

```
model.add(Flatten())
model.add(Dense(64, activation = 'relu'))

model.add(Dense(32, activation = 'relu'))

model.add(Dropout(0.2))
model.add(Dense(1, activation = 'sigmoid'))
model.summary()
```

Wywołanie funkcji summary na bazie modelu zwraca podsumowanie modelu postaci:

| Model: "sequential_17" | | |
|---|----------------------|---------|
| Layer (type) | Output Shape | Param # |
| | (None, 254, 254, 16) | 448 |
| <pre>batch_normalization_44 (Bat chNormalization)</pre> | (None, 254, 254, 16) | 64 |
| <pre>max_pooling2d_51 (MaxPoolin g2D)</pre> | (None, 127, 127, 16) | 0 |
| conv2d_52 (Conv2D) | (None, 125, 125, 32) | 4640 |
| <pre>batch_normalization_45 (Bat chNormalization)</pre> | (None, 125, 125, 32) | 128 |
| <pre>max_pooling2d_52 (MaxPoolin g2D)</pre> | (None, 62, 62, 32) | 0 |
| conv2d_53 (Conv2D) | (None, 60, 60, 16) | 4624 |
| <pre>batch_normalization_46 (Bat chNormalization)</pre> | (None, 60, 60, 16) | 64 |
| <pre>max_pooling2d_53 (MaxPoolin g2D)</pre> | (None, 30, 30, 16) | 0 |
| flatten_17 (Flatten) | (None, 14400) | 0 |
| dense_40 (Dense) | (None, 64) | 921664 |
| dense_41 (Dense) | (None, 32) | 2080 |
| dropout_18 (Dropout) | (None, 32) | 0 |
| dense_42 (Dense) | (None, 1) | 33 |
| Total params: 933,745 Trainable params: 933,617 Non-trainable params: 128 | | |

Następnie kompilujemy nasz model wstawiając jako optimizer funkcję optymalizacji "Adam". Jako funkcję straty wstawiamy funkcję "binary_crossentropy". Wybraliśmy tą funkcję ze względu na dobre dopasowanie do funkcji "sigmoid". Jako metrykę ustawiliśmy "accuracy", w celu zbadania jakości modelu.

Dopasowujemy naszą sieć do danych uczących w czasie 10 epok. Dodajemy early stopping czyli właściwość kontrolująca jakość modelu. Jako parametry funkcji ustawiamy 5 jako wartość parametru patience. Ustawiamy monitor jako "val_loss" aby na tej podstawie wybrać najlepsze wagi. Parametr min_delta ustawiamy na wartość 0.001. Dodajemy checkpoint, który przywraca nam najlepsze wagi oraz zapisuje model do ścieżki podanej w argumencie funkcji.

Historia dopasowywania modelu wygląda następująco:

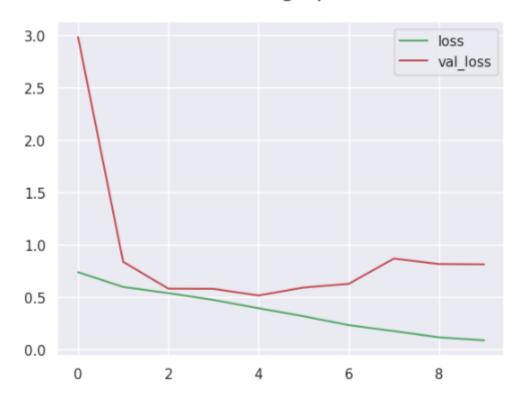
```
Epoch 1/20
12/21/21 (and loss improved from inf to 2.09844, saving model to /content/driv/my/prive/data-science-bootcamp
MANNINGshalt/norms such as jife_compiled_convolution_op_dit_compiled_convolution_op_with_
MANNINGshalt/norms such as jife_compiled_convolution_op_dit_compiled_convolution_op_with_
MANNINGshalt/norms such as jife_compiled_convolution_op_dit_compiled_convolution_op_with_
MANNINGshalt/norms such as jife_compiled_convolution_op_dit_compiled_convolution_op_with_
MANNINGshalt/norms such as jife_convolution_op_dit_compiled_convolution_op_with_
MANNINGshalt/norms such as jife_convolution_op_dit_compiled_convolution_op_dit_compiled_convolution_op_with_
MANNINGshalt/norms such as jife_convolution_op_dit_compiled_convolution_op_dit_compiled_convolution_op_dit_compiled_convolution_op_with_
MANNINGshalt/norms such as jife_convolution_op_dit_compiled_convolution_op_dit_compiled_convolution_op_dit_compiled_convolution_op_dit_compiled_convolution_op_dit_compiled_convolution_op_with_
MANNINGshalt/norms such as jife_convolution_op_dit_compiled_convolution_op_dit_compiled_convolution_op_dit_compiled_convolution_op_dit_compiled_convolution_op_dit_compiled_convolution_op_dit_compiled_convolution_op_dit_compiled_convolution_op_dit_compiled_convolution_op_dit_compiled_convolution_op_dit_compiled_convolution_op_dit_compiled_convolution_op_dit_compiled_convolution_op_dit_compiled_convolution_op_dit_compiled_convolution_op_dit_compiled_convolution_op_dit_compiled_convolution_op_dit_compiled_convolution_op_dit_compiled_convolution_op_dit_comp
```

Ocena modelu

Na bazie zmiennej history stworzyliśmy wykresy obrazujące funkcje straty w czasie 20 epok na zbiorze uczącym i zbiorze walidacyjnym.

```
[ ] fig = plt.figure()
   plt.plot(history.history['loss'], color = 'g', label = 'loss')
   plt.plot(history.history['val_loss'], color = 'r', label = 'val_loss')
   fig.suptitle('Loss during epochs', fontsize = 18)
   plt.legend(loc = 'upper right')
   plt.show()
```

Loss during epochs

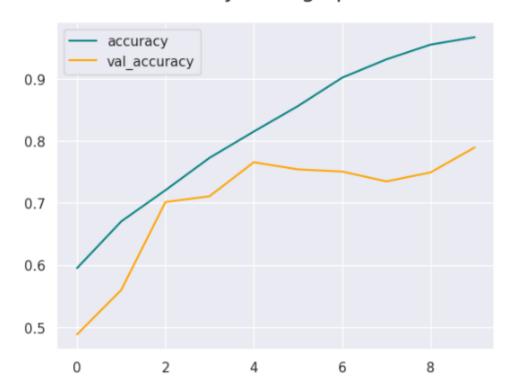


Jak widać na powyższym wykresie funkcja straty malała do 4 epoki osiągając wartość ok. 0.52. Jest to zjawisko nietypowe, ponieważ wraz z epokami val_accuracy rośnie i val_loss również. Sprawdzaliśmy czy było to spowodowane learning rate, jednak nie był to powód tego zjawiska.

Ponadto na bazie zmiennej history wykonaliśmy wykres przedstawiający jakość modelu na zbiorze uczącym i zbiorze walidacyjnym.

```
[ ] fig = plt.figure()
   plt.plot(history.history['accuracy'], color = 'teal', label = 'accuracy')
   plt.plot(history.history['val_accuracy'], color = 'orange', label = 'val_accuracy')
   fig.suptitle('Accuracy during epochs', fontsize = 18)
   plt.legend(loc = 'upper left')
   plt.show()
```

Accuracy during epochs



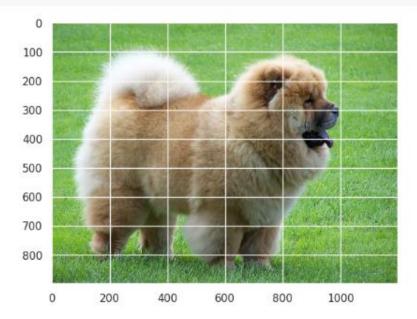
Wnioskując po powyższym wykresie możemy stwierdzić że metryka dokładności zwiększała się wraz z epokami. Podobnie jak w przypadku val_loss, mogłoby to świadczyć o overfittingu modelu, aczkolwiek użyliśmy paru technik regularyzacji oraz normalizacji w celu poprawy jakości modelu co częściowo udało nam się osiągnąć.

Na zbiorze testowym testowaliśmy naszą sieć konwolucyjną trzema różnymi metrykami Precision, Recall oraz BinaryAccuracy. Wszystkie metryki dają wynik powyżej 0.7 co świadczy o dobrym dopasowaniu modelu do danych.

```
[ ] from tensorflow.keras.metrics import Precision, Recall, BinaryAccuracy
[ ] pre = Precision()
   re = Recall()
   acc = BinaryAccuracy()
Testing our neural network
[ ] for batch in test.as_numpy_iterator():
    X,y = batch
    yhat = model.predict(X)
    pre.update_state(y, yhat)
    re.update_state(y, yhat)
    acc.update_state(y, yhat)
   1/1 [======] - 0s 228ms/step
   1/1 [======] - 0s 39ms/step
   1/1 [======] - 0s 41ms/step
   1/1 [======] - 0s 41ms/step
   1/1 [======] - 0s 30ms/step
   1/1 [======= ] - Os 33ms/step
   1/1 [======] - 0s 60ms/step
   1/1 [======= ] - 0s 44ms/step
   1/1 [======] - 0s 55ms/step
   1/1 [======] - 0s 36ms/step
   1/1 [======] - 0s 39ms/step
   1/1 [======] - 0s 41ms/step
   1/1 [======= ] - 0s 41ms/step
   1/1 [======] - 0s 30ms/step
   1/1 [======] - 0s 41ms/step
   1/1 [======] - 0s 31ms/step
   1/1 [======= ] - 0s 31ms/step
   1/1 [======] - 0s 30ms/step
   1/1 [=======] - 0s 40ms/step
   1/1 [======= ] - 0s 31ms/step
   1/1 [======] - 0s 40ms/step
   1/1 [======= ] - 0s 32ms/step
   1/1 [======] - 0s 35ms/step
   1/1 [======] - 0s 35ms/step
   1/1 [======] - 0s 32ms/step
   1/1 [======] - 0s 31ms/step
   1/1 [======] - 0s 30ms/step
   1/1 [=======] - 0s 29ms/step
   1/1 [======= ] - 0s 31ms/step
   1/1 [======= ] - 0s 30ms/step
   1/1 [======= ] - 0s 30ms/step
   1/1 [======] - 0s 120ms/step
[ ] print(f'Precision: {pre.result()}, Recall: {re.result()}, Accuracy: {acc.result()}')
   Precision: 0.7316103577613831, Recall: 0.7682672142982483, Accuracy: 0.7547357678413391
```

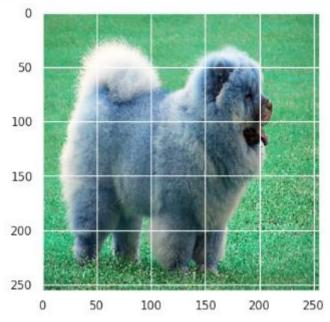
W ostatnim etapie projektu dokonaliśmy testowania naszego modelu poprzez analizę wyniku z obrazu z poza zbioru danych. Ładowanie testu oraz sam obraz prezentuję się następująco:

```
[ ] img = cv2.imread('/content/drive/MyDrive/data-science-bootcamp/1200px-ChowChow2Szczecin.jpg')
   plt.imshow(cv2.cvtColor(img, cv2.COLOR_BGR2RGB))
   plt.show()
```



Ustawiamy rozmiar zdjęcia do rozmiaru zadanego w naszej sieci konwolucyjnej.

```
[ ] resize = tf.image.resize(img, (256,256))
    plt.imshow(resize.numpy().astype(int))
    plt.show()
```



Przed analizowaniem zdjęcia ponadto trzeba zmienić mu wymiar w celu dopasowania do innych tensorów wykorzystanych w sieci.

Jeżeli prawdopodobieństwo jest większe niż 0.5 to zwierzę klasyfikowane jest jako pies a poniżej poziomu 0.5 jako kot.