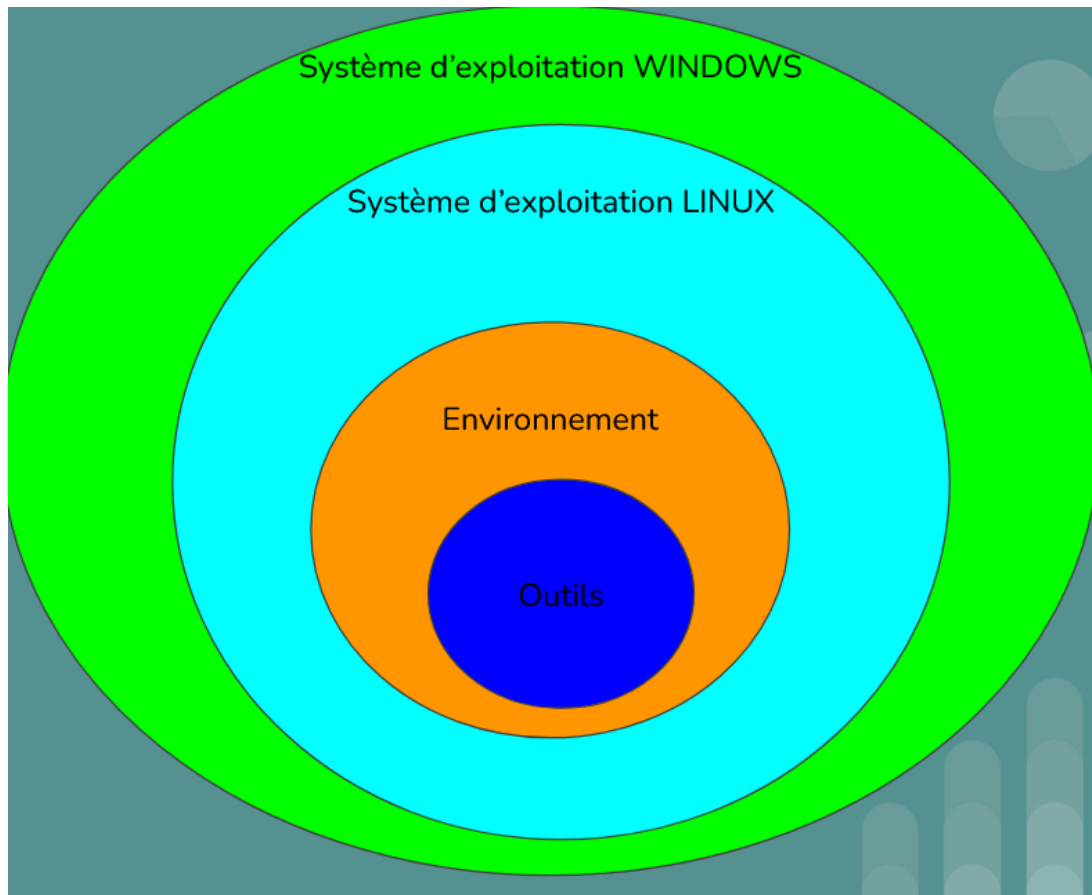


Installation de WSL2 et conda

WSL 2 = Système d'exploitation LINUX simulé sous windows

Conda = Environnement dans LINUX pour pouvoir installer des outils de bio-informatique



Manuel d'installation de WSL 2

1) Vérifier la version de Windows

WSL2 nécessite Windows 10 version 1903 ou plus récent (build 18362 minimum).

Pour vérifier ta version :

```
winver
```

2) Ouvrir PowerShell en mode administrateur

Toutes les commandes suivantes doivent être lancées dans PowerShell (admin).

3) Vérifier si WSL est installé

```
wsl -l -v
```

Si tu vois une erreur, WSL n'est pas installé. Passe à l'étape 4.

Si tu vois des distributions avec WSL 1 dans la colonne VERSION, passe à l'étape 6 pour les convertir en WSL2.

4) Installer WSL (et WSL2 par défaut)

Commande unique pour tout installer :

```
wsl --install
```

Cela installe le WSL, télécharge automatiquement la dernière version d'Ubuntu, et active WSL2 par défaut.

5) Mettre à jour WSL (fortement recommandé)

Si WSL était déjà installé, mets à jour vers la dernière version :

```
wsl --update
```

6) Définir WSL2 comme version par défaut

```
wsl --set-default-version 2
```

7) Installer une distribution (si ce n'est pas encore fait)

Exemple pour Ubuntu :

```
wsl --install -d Ubuntu
```

Tu peux aussi voir les distributions disponibles :

Michel Boissac

```
wsl --list --online
```

8) Convertir une distribution existante en WSL2 (si besoin)

Si tu as déjà une distribution en WSL1, tu peux la convertir :

```
wsl --set-version <NomDistro> 2
```

Exemple :

```
wsl --set-version Ubuntu 2
```

9) Vérifier l'installation

```
wsl -l -v
```

Tu dois voir ta distribution en WSL 2.

10) Lancer WSL

```
wsl
```

ou

```
wsl -d Ubuntu
```

Manuel d'installation de Conda

1) Ouvrir Ubuntu pour la première fois

Lance Ubuntu via le menu démarrer de Windows. À la première ouverture, il te sera demandé de :

Créer un nom d'utilisateur Linux

Définir un mot de passe Linux

2) Installer Miniconda dans Ubuntu

Dans le terminal Ubuntu, exécute ligne par ligne les commandes suivantes pour installer Miniconda :

```
mkdir -p ~/miniconda3
wget https://repo.anaconda.com/miniconda/Miniconda3-latest-Linux-x86_64.sh -O
~/miniconda3/miniconda.sh
bash ~/miniconda3/miniconda.sh -b -u -p ~/miniconda3
rm ~/miniconda3/miniconda.sh
source ~/miniconda3/bin/activate
conda init --all
```

Ensuite, ferme et rouvre le terminal Ubuntu pour activer automatiquement conda.

Tu devrais maintenant voir un prompt de ce type :

```
(base) ton_utilisateur@machine:~$
```

3) Créer l'environnement hole2_env et installer hole2

```
conda create --yes -n hole2_env
conda activate hole2_env
conda install conda-forge::hole2
```

Cela crée un environnement isolé hole2_env avec hole2 installé depuis conda-forge.

4) Gérer les environnements Conda

Désactiver l'environnement

```
conda deactivate
```

Supprimer un environnement s'il est corrompu ou inutile

```
conda remove --name hole2_env --all
```

Michel Boissac

Tous les outils disponible sont présent sur le site :

<https://anaconda.org/>

exemple pour l'outil pymol :

The screenshot shows the Conda Forge package page for 'pymol-open-source' version 3.1.0. The page has a green header with the package name and version. Below the header, there is a description: 'A user-sponsored molecular visualization system. PyMOL is a trademark of Schrodinger, LLC.' and a note 'copied from cf-post-staging / pymol-open-source'. A navigation bar includes 'Conda', 'Files', 'Labels', and 'Badges'. The main content area displays metadata: License (LicenseRef-PyMOL), Home (https://pymol.org/), Development (https://github.com/schrodinger/pymol-open-source/), Documentation (https://pymolwiki.org/), 572425 total downloads, and last upload (2 months and 5 days ago). Below this is the 'Installers' section, which lists various platform-specific installers for Linux (x86_64, ppc64le, aarch64), OS X (x86_64, arm64), and Windows (x86_64). At the bottom, there is a 'conda install' command with a help icon and a note to run one of the following commands: 'conda install conda-forge::pymol-open-source'.

conda-forge / packages / pymol-open-source 3.1.0

A user-sponsored molecular visualization system. PyMOL is a trademark of Schrodinger, LLC.

copied from cf-post-staging / pymol-open-source

Conda Files Labels Badges

License: LicenseRef-PyMOL
Home: <https://pymol.org/>
Development: <https://github.com/schrodinger/pymol-open-source/>
Documentation: <https://pymolwiki.org/>
572425 total downloads
Last upload: 2 months and 5 days ago

Installers

- linux-64 v3.1.0
- osx-64 v3.1.0
- osx-arm64 v3.1.0
- win-64 v3.1.0
- linux-ppc64le v3.1.0
- linux-aarch64 v3.1.0

conda install ?

To install this package run one of the following:

```
conda install conda-forge::pymol-open-source
```

ligne de commande pour installer pymol (à effectuer dans un environnement conda) :

```
conda install conda-forge::pymol-open-source
```