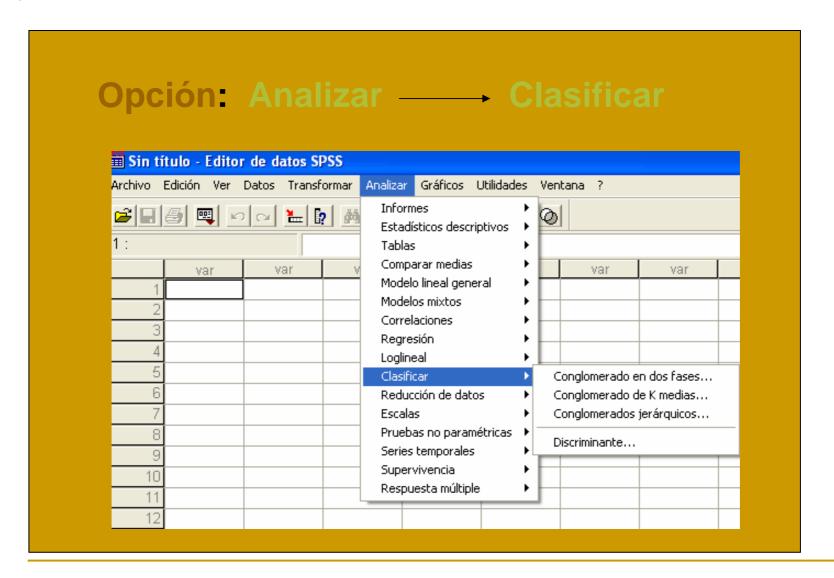
ANALISIS DE CLUSTER CON SPSS (PASW)



Tres posibles OPCIONES

1.- Cluster en dos etapas

2.- K-means

3.- Jerárquicos

1.- Cluster en dos etapas.- está pensado para minería de datos, es decir para estudios con un número de individuos grande que pueden tener problemas de clasificación con los otros procedimientos.

Otra peculiaridad es que permite trabajar conjuntamente con variables de tipo mixto (cuali y cuantitativas). Puede realizarse cuando el número de cluster es conocido a priori y también cuando no se conoce.

2.- Cluster no jerárquicos .- sólo puede ser aplicado a variables cuantitativas y requiere conocer el número de cluster a priori.

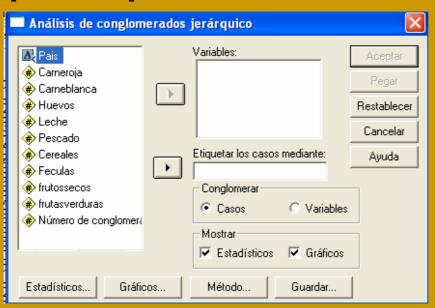
Puede realizarse para un número de objetos relativamente grande pues no requiere el cálculo de todas las posibles distancias.

3.- <u>Jerárquicos.-</u>

Para variables cuantitativas o bien para variables cualitativas

Si no se conoce el número de cluster a priori y cuando el número de objetos no es muy grande.

El primer paso es la selección de variables:



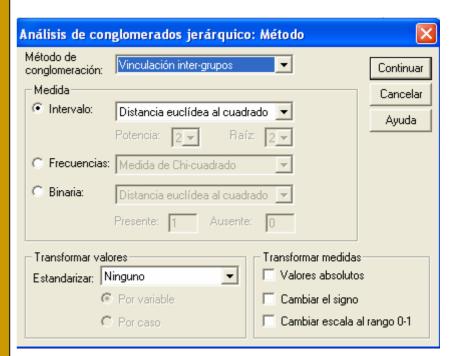
Como se observa pueden etiquetarse los grupos con una de las variables del fichero.

También es posibles realizar conglomerados no para objetos sino para variables, (agrupar variables por el parecido que presentan en las respuestas de los individuos)

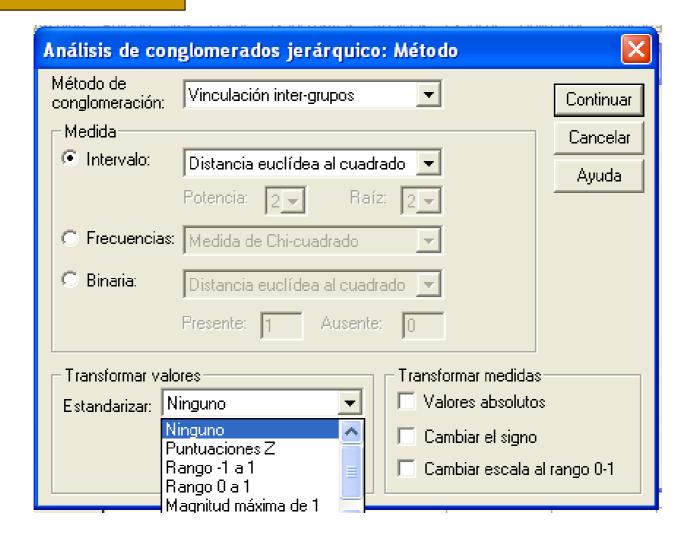
OPCIÓN METODO:

- -Podremos estandarizar las variables utilizadas en el análisis antes de utilizarlas el cálculo de las similaridades si fuese necesario. Los métodos disponibles son varios.
- -Permite seleccionar la medida usada para ver el parecido entre individuos con distintas distancias dependiendo si la variable es binaria, frecuencias o de intervalo.
- -Es posible también elegir el método para obtener los conglomerados Todos los vistos.

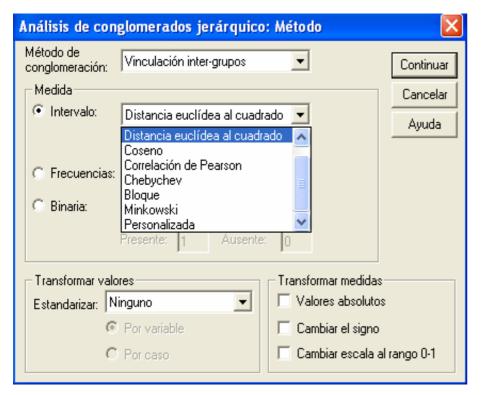
Los dos primeros vinculación Interagrupos y dentro de grupos se corresponde a la opción denominada UPGMA (método del promedio) y una variante de este donde se consideran para el cálculo de la distancia media la correspondiente a todos los posibles pares del grupo resultante y no sólo a los formados con un elemento de cada grupo como en el anterior.



ESTANDARIZAR

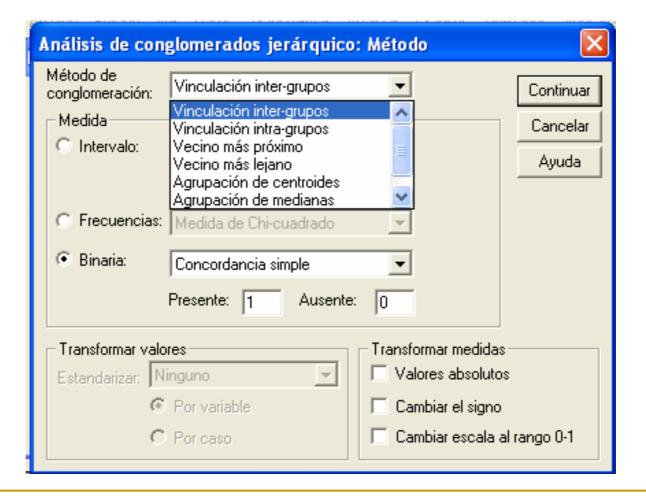


MEDIDA





METODO



J OPCIÓN ESTADISTICOS:

Historial muestra los casos o conglomerados combinados en cada etapa, las distancias entre los casos combinados y el último nivel del proceso de aglomeración en el que cada caso se unió al conglomerado correspondiente

Análisis de conglomerados jerárquico: Es	tadísticos 🛭 🕨	K
Historial de conglomeración	Continuar	
Matriz de distancias	Cancelar	
Conglomerado de pertenencia		
Ninguno ■ Ninguno	Ayuda	
C Solución única		
Número de conglomerados:		
Rango de soluciones		
Número mínimo de conglomerados:		
Número máximo de conglomerados:		

Historial de conglomeración

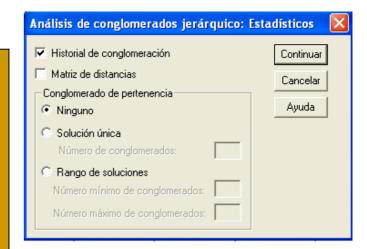
	Conglomerado que se combina			conglor aparece p	or primera ez	
Etapa	Conglom erado 1	Conglom erado 2	Cheficientes	Conglom erado 1	Conglom erado 2	Próxima etapa
1	6	20	23,000	0	0	4
2	4	25	23,770	0	0	8
3	12	21	25,980	0	0	10
4	8	15	37,810	1	0	17
5	3	9	40,090	0	0	7
6	14	24	42,580	0	0	10
7	3	22	49,735	5	0	15
8	4	18	58,615	2	0	22
9	10	13	63,630	0	0	14
10	12	14	68,300	3	6	12
11	5	16	72,150	0	0	16
12	2	12	76,675	0	10	15
13	17	19	77,240	0	0	20
1		l	l			I

<u> OPCIÓN ESTADISTICOS:</u>

Matriz distancias

Conglomerado de pertenencia

nos da el conglomerado al que se asigna cada caso pudiendo elegir entre una única solución o un rango de soluciones En el ejemplo hemos seleccionado entre 2 y 3 cluster.

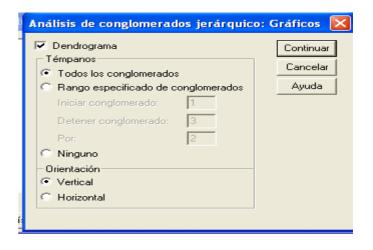


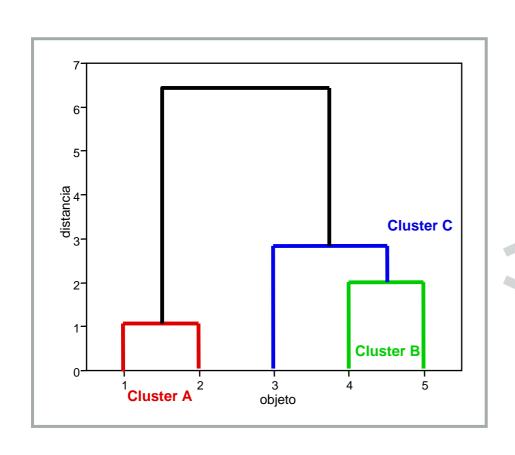
congression de percenencia				
Caso	3 conglome rados	2 conglome rados		
1:ALBANIA	1	1		
2:AUSTRIA	2	2		
3:BELGICA	2	2		
4:BULGARI	1	1		
5:CHECOS	1	1		
6:DINAMAR	2	2		
7:ALE, Or	3	2		
8:FINLAND	2	2		
9:FRANCIA	2	2		
10:GRECIA	1	1		
11:HUNGRIA	1	1		
12:IRLANDA	2	2		
13:ITALIA	1	1		

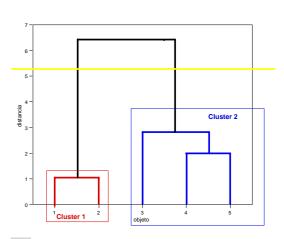
Conglomerado de pertenencia

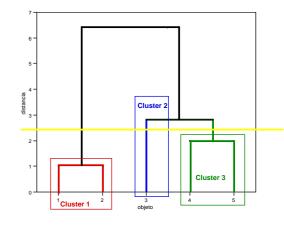
OPCIÓN GRÁFICOS

Permite obtener el dendrograma y los vertical u horizontal icicle plots, o diagramas de témpanos.





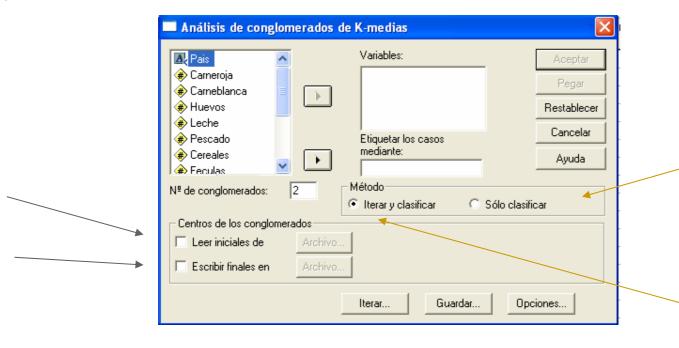




OPCIÓN GUARDAR

Permite guardar los conglomerados de pertenencia para una solución única o para un rango de soluciones. Las variables guardadas pueden emplearse en análisis posteriores para explorar otras diferencias entre grupos.





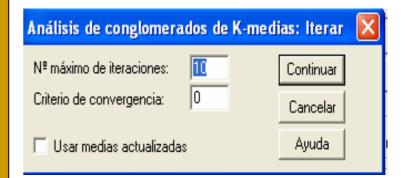
Una vez seleccionadas las variables y determinado el número de conglomerados que deseamos obtener podemos elegir entre iterar y clasificar o sólo clasificar. Para obtener máxima eficacia, podemos tomar una muestra de casos utilizar el método <u>iterar y clasificar</u> para determinar los centros de los conglomerados. Seleccionamos <u>escribir finales en archivo.</u>

Después repetimos el análisis con <u>sólo clasificar</u> <u>leyendo los iniciales del archivo</u> <u>anterior</u>

OPCIÓN ITERAR

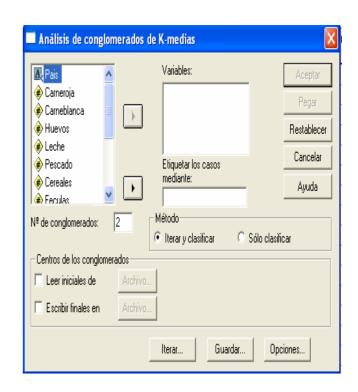
Para la opción iterar se puede determinar el número máximo de iteraciones, o bien fijar un criterio de convergencia mayor de cero y menor de uno.

La opción usar medias actualizadas recalcula centroides con cada individuo asignado al grupo, sino deselecciona esta opción no se recalculan hasta que todos los individuos están asignados.



Opción guardar

permite crear una nueva variable que indica para cada caso el conglomerado al que pertenece y si se quiere otra variable con la distancia entre cada caso y su centro de clasificación.



BOTÓN OPCIONES

Centros iniciales de los conglomerados

	Conglomera	ado	
	1	2	3
Cereales	40,10	56,70	18,60
Feculas	4,00	1,10	5,20
frutossecos	5,40	3,70	1,50
frutasverduras	4,20	4,20	3,80



Distancias entre los centros de los conglomerados finales

Conglomerado	1	2	3
1		14,925	14,864
2	14,925		29,698
3	14,864	29,698	



ANOVA

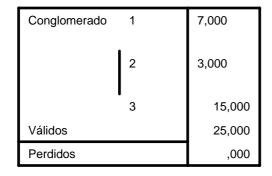


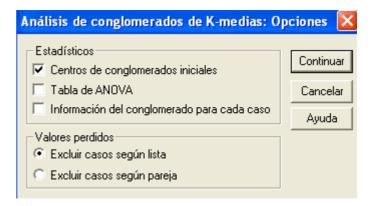
Conglomerado		Error				
	Media cuadrática	gl	Media cuadrática	gl	F	Sig.
Cereales	1324,656	2	10,972	22	120,727	,000
Feculas	9,194	2	2,077	22	4,426	,024
frutossecos	15,636	2	2,880	22	5,429	,012
frutasverduras	1,832	2	3,383	22	,542	,589

Las pruebas F sólo se deben utilizar con una finalidad descriptiva puesto que los conglomerados han sido elegidos para maximizar las diferencias entre los casos en diferentes conglomerados. Los niveles críticos no son corregidos, por lo que no pueden interpretarse como pruebas de la hipótesis de que los centros de los conglomerados son iguales.



Número de casos en cada conglomerado



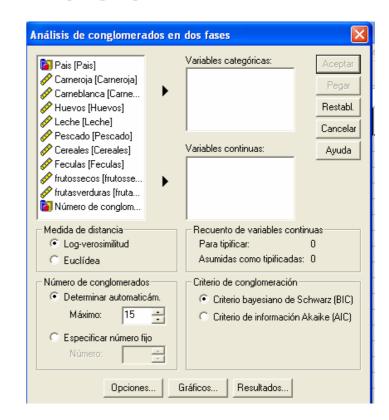


- Está basado en un algoritmo que produce resultados óptimos si todas las variables son independientes, las continuas normalmente distribuidas y las categóricas multinomiales, pero funciona razonablemente bien en ausencia de estos supuestos.
- La solución final depende del orden de entrada de los datos.
 Para minimizar el efecto habríamos de ordenar el fichero de forma aleatoria.

Pasos:

primer paso: formación de precluster de los casos originales, Estos son clusters de los datos originales que se utilizarán en lugar de las filas del fichero original para realizar los c<u>luster jerárquicos en el segundo paso.</u> Todos los casos pertenecientes a un mismo precluster se tratan como un entidad sencilla.

- -Seleccionaremos las variables categóricas y continuas que formaran parte del análisis
- -Elegiremos las distancias:
- -Cuando se tengan datos mixtos la distancia que debemos de utilizar es el <u>log-verosimilitud</u>. La distancia entre dos clusters dependerá del decremento en el log-verosimilitud cuando ambas se combinan en un único cluster. Si se trata de datos continuos se puede usar la distancia <u>euclídea</u> entre los centros de los clusters.



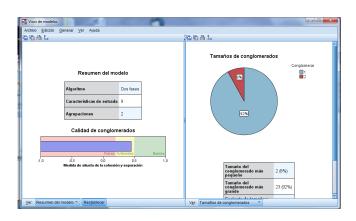
La opción número de clusters permite especificar el número deseado de conglomerados o dejar que el algoritmo seleccione el número de clusters basado en dos criterios BIC (criterio Bayesiano) o AIC (criterio de información de Akaike).

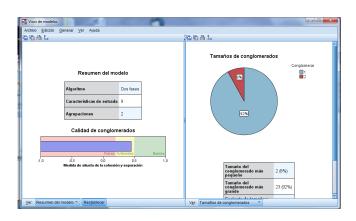
El método requiere estandarización de todas las variables por lo que por defecto la efectúa y nos informa del número de variables a estandarizar.



🖧 Pals	Variables categóricas: Opciones. (Resultados
	Variables continuas: © Came Roja (CameRoja) © Came Blanca (CameBlanca) P Huevos
Medida de distancia Log-verosimilitud Euclidea	Recuento de variables continuas Para tipificar: Asumidas como tipificadas: 0
Número de conglomerados © Determinar automaticám. Mágmo: 15 \$ © Especificar número fijo Número: 2	

 Gráficos y tablas (er Las variables espe 	n Model Viewer) edicadas como campos de evaluación pueden mostrars	e opcionalmente
	como descriptores de conglomerado.	
Variables:	Campos de evaluación:	
Archivo de datos de tral Crear variable del ci	08)0 onglomerado de pertenencia	
Archivos XML		
	al	
Exportar modelo fina		Examinar
Exportar modelo fina Nombre:		





OPCIÓN GRÁFICOS

Gráfico de importancia de variables :

- :Muestra varios gráficos que indican la importancia de cada variable en cada conglomerado.
- Los resultados se pueden ordenar según el nivel de importancia de cada variable por conglomerado o por variable. En el primer caso para cada conglomerado se crearan gráficos por orden de importancia de variables. En el segundo caso para cada variable por conglomerados.

Agrupaciones

Importancia de la característica

Conglomerar	1	2
Etiqueta		
Descripción		
Tamaño		8,0%
	92.0%	8,0%
Funciones	(==)	
ranciones		Frutos y vegetales 7.60
		7.60
	Pescado	Pescado
	3,70	10,60
	Leche	Leche
	18,00	6,80
	Carne Blanca 8,30	Carne Blanca 3,60
	Frutos secos 2.90	Frutos secos 5.30
	2,50	3,50
	Carne Roja 10,10	Carne Roja 6,70
	10,10	0,70
	Féculas 4,10	Féculas
	4.10	5,80
	Huevsos	Huevsos
	3,00	2,10
	Cereales	Cereales
	32,60	28,10

Agrupaciones

Importancia de la característica



Agrupaciones

Importancia de la característica

Conglomerar	1	2
Etiqueta		
Descripción		
Tamaño		8,0%
	92.0%	8,0%
Funciones	(==)	
ranciones		Frutos y vegetales 7.60
		7.60
	Pescado	Pescado
	3,70	10,60
	Leche	Leche
	18,00	6,80
	Carne Blanca 8,30	Carne Blanca 3,60
	Frutos secos 2.90	Frutos secos 5.30
	2,50	3,50
	Carne Roja 10,10	Carne Roja 6,70
	10,10	0,70
	Féculas 4,10	Féculas
	4.10	5,80
	Huevsos	Huevsos
	3,00	2,10
	Cereales	Cereales
	32,60	28,10

Agrupaciones

Importancia de la característica



Comparación de conglomerados 2 Frutos y vegetales Pescado Leche Carne Blanca Fruton necon Carne Roia Féculos Huevans

Cereales

