

Visão por computador

Uma abordagem Deep Learning Aulas práticas

IMAGEM MÉDICA

AMBIENTE DE TRABALHO

Para executarem os exercicios que irão ser propostos devem preparar o ambiente de trabalho com o seguinte sw:

python 3.x (versão 64bits) +numpy + scipy + scikit-learn + scikit-image + h5py + matplotlib

se tiverem o anaconda instalado basta executar: conda install....

opcional: instalar o opencv

instalar o keras: pip install keras

instalar o theano: pip install theano

instalar o tensorflow: pip install tensorflow

Para os alunos que prefiram ter uma maquina virtual com tudo já instalado coloquei uma maquina virtual (Ubuntu 16.10+opencv+keras + ...) num servidor da DI em: https://reposlink.di.uminho.pt/uploads/d98e0b93a1b61d7dc996fe03052468fe.file.ubuntu16.10DL alunos.zip

Essa maquina tem o anaconda instalado e está configurada com ambientes.

Para trabalharem no ambiente correcto devem executar: source activate keras-test

Devem fazer o upgrade para o keras2:

pip install git+git://github.com/fchollet/keras.git --upgrade

podem fazer as instalações e upgrades tanto utilizando o conda como o pip mas sempre dentro do ambiente keras-test

Primeira rede utilizando keras

Vamos desenvolver uma rede **MLP – MultiLayer Perceptron** para fazer classificação utilizando o dataset pima-indians:

http://archive.ics.uci.edu/ml/datasets/Pima+Indians+Diabetes

- 1. Number of times pregnant
- 2. Plasma glucose concentration a 2 hours in an oral glucose tolerance test
- 3. Diastolic blood pressure (mm Hg)
- 4. Triceps skin fold thickness (mm)
- 5. 2-Hour serum insulin (mu U/ml)
- 6. Body mass index (weight in kg/(height in m) 2)
- 7. Diabetes pedigree function
- 8. Age (years)
- 9. Class variable (0 or 1)

Bibliotecas necessárias para a execução desta aula.

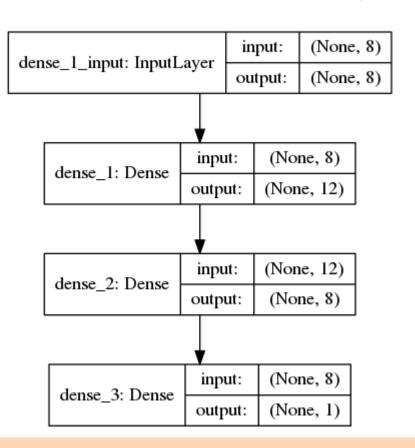
```
import numpy as np
from keras.models import Sequential
from keras.layers import Dense
from keras.models import model from json
from keras.models import model from yaml
import matplotlib.pyplot as plt

# fixar random seed para se puder reproduzir os resultados
seed = 9
np.random.seed(seed)
```

```
# Etapa 1 - preparar o dataset
fazer o download do prima indian dataset sobre diabetes em população indigena (label
0.1 tem diabetes):
dataset: http://archive.ics.uci.edu/ml/datasets/Pima+Indians+Diabetes
download: http://archive.ics.uci.edu/ml/machine-learning-databases/pima-indians-
diabetes/pima-indians-diabetes.data
fazer o rename para pima-indians-diabetes.csv
. . .
def read cvs dataset(ficheiro, col label):
    # ler ficheiro csv para matriz numpy, e separar o label que está em col label (deve
ser a ultima coluna)
    dataset = np.loadtxt(ficheiro, delimiter=",")
    print('Formato do dataset: ',dataset.shape)
    input attributes = dataset[:,0:col label]
    output attributes = dataset[:,col label]
    print('Formato das variáveis de entrada (input variables):
'.input attributes.shape)
    print('Formato da classe de saída (output variables): ',output attributes.shape)
    #print(X[0])
    #print(Y[0])
    return (input attributes,output attributes)
```

```
# Etapa 2 - Definir a topologia da rede (arquitectura do modelo)
cria-se um modelo sequencial e vai-se acrescentando camadas (layers)
vamos criar 3 camadas no nosso modelo
Dense class significa que teremos um modelo fully connected
    o primeiro parametro estabelece o número de neuronios na camada (12 na primeira)
    input dim=8 indica o número de entradas do nosso dataset (8 atributos neste caso)
    kernel initializer indica o metodo de inicialização dos pesos das ligações
    'uniforme' sigifica small random number generator com default entre 0 e 0.05
    outra hipotese seria 'normal' com small number generator from Gaussion
distribution
    "activation" indica a activation fuction
    'relu' rectifier linear unit activation function com range entre 0 e infinito
    'sigmoid' foi utilizada para garantir um resultado entre 0 e 1
. . .
def create_model():
    model = Sequential()
    model.add(Dense(12, input_dim=8, activation="relu", kernel initializer="uniform"))
    model.add(Dense(8, activation="relu", kernel_initializer="uniform"))
    model.add(Dense(1, activation="sigmoid", kernel initializer="uniform"))
    return model
```

```
#util para visualizar a topologia da rede num ficheiro em pdf ou png
def print_model(model,fich):
    from keras.utils import plot model
    plot_model(model, to_file=fich, show_shapes=True, show layer names=True)
```



```
# Etapa 3 - Compilar o modelo (especificar o modelo de aprendizagem a ser utilizado
pela rede)
'''
loss - funcão a ser utilizada no calculo da diferença entre o pretendido e o obtido
vamos utilizar logaritmic loss para classificação binária: 'binary crossentropy'
o algoritmo de gradient descent será o "adam" pois é eficiente
a métrica a ser utilizada no report durante o treino será 'accuracy' pois trata-se de
um problema de classificacao
'''
def compile_model(model):
    model.compile(loss='binary_crossentropy', optimizer='adam', metrics=['accuracy'])
    return model
```

```
# Etapa 4 - treinar a rede (Fit the model) neste caso foi feito com os dados todos
'''
'batch_size'núermo da casos processados de cada vez
model.fit(X, Y, nb_epoch=150, batch_size=10, verbose=2)
verbose: 0 para print do log de treino stdout, 1 para barra de progresso, 2 para uma
Linha por epoch.
validation_split: float (0. < x < 1). Fração de dados a serem utilizados como dados de
validação.
''''
def fit_model(model,input_attributes,output_attributes):
    history = model.fit(input_attributes, output_attributes, validation_split=0.33,
epochs=150, batch_size=10, verbose=2)
    return history</pre>
```

```
#utils para visulaização do historial de aprendizagem
def print history accuracy(history):
    print(history.history.keys())
    plt.plot(history.history['acc'])
    plt.plot(history.history['val acc'])
    plt.title('model accuracy')
    plt.ylabel('accuracy')
    plt.xlabel('epoch')
    plt.legend(['train', 'test'], loc='upper left')
    plt.show()
def print history loss(history):
    print(history.history.keys())
    plt.plot(history.history['loss'])
    plt.plot(history.history['val loss'])
    plt.title('model loss')
    plt.ylabel('loss')
    plt.xlabel('epoch')
    plt.legend(['train', 'test'], loc='upper left')
    plt.show()
```

<u>Etapa 5 - Calcular o desempenho do modelo treinado (neste caso utilizando os dados usados no treino)</u>

```
def model_evaluate(model,input_attributes,output_attributes):
    print("###########inicio do evaluate#############################")
    scores = model.evaluate(input_attributes, output_attributes)
    print("\n metrica: %s: %.2f%%\n" % (model.metrics names[1], scores[1]*100))
```

```
# Etapa 6 - Utilizar o modelo treinado e escrever as previsões para novos casos

def model_print_predictions(model,input_attributes,output_attributes):
    previsoes = model.predict(input_attributes)
    # arredondar para 0 ou 1 pois pretende-se um output binário
    LP=[]
    for prev in previsoes:
        LP.append(round(prev[0]))
#LP = [round(prev[0]) for prev in previsoes]
    for i in range(len(output_attributes)):
        print(" Class:",output_attributes[i]," previsão:",LP[i])
        if i>10: break
```

```
# Ciclo completo executando as Etapas 1,2,3,4,5 e 6

def ciclo_completo():
    (input_attributes,output_attributes) = read_cvs_dataset("pima-indians-diabetes.csv", 8)
    model = create_model()
    print_model(model, "model_MLP.png")
    compile_model(model)
    history=fit_model(model,input_attributes,output_attributes)
    print_history_accuracy(history)
    print_history_loss(history)
    model_evaluate(model,input_attributes,output_attributes)
    model_print_predictions(model,input_attributes,output_attributes)
```

```
# Utils para gravar modelos e pesos utilizá-los posteriormente
Gravar um modelo num ficheiro utilizando o formato json. O nome do ficheiro deve ter a
extensão .ison
def save model json(model,fich):
    model json = model.to json()
    with open(fich, "w") as json file:
        json file.write(model json)
. . .
Gravar um modelo num ficheiro utilizando o formato yaml. O nome do ficheiro deve ter a
extensão .yaml
def save model yaml(model,fich):
    model yaml = model.to yaml()
    with open(fich, "w") as yaml file:
        yaml file.write(model yaml)
. . .
Gravar os pesos de um modelo treinado num ficheiro utilizando o formato HDF5. O nome do
ficheiro deve ter a extensão .h5
def save weights hdf5(model,fich):
    model.save weights(fich)
    print("Saved model to disk")
```

```
. . .
Ler um modelo de um ficheiro no formato json e criar o respetivo modelo em memória.
def load model json(fich):
    json file = open(fich, r')
    loaded model json = json file.read()
    json file.close()
    loaded model = model from json(loaded model json)
    return loaded model
. . .
<u>Ler um modelo de um ficheiro no formato yaml e criar o respetivo modelo em memória.</u>
def load model yaml(fich):
   yaml file = open(fich, 'r')
    loaded model yaml = yaml file.read()
   yaml file.close()
    return model from_yaml(loaded_model_yaml)
. . .
Ler os pesos um modelo treinado de um ficheiro no formato hdf5 para o respectivo
modelo.
def load weights hdf5(model,fich):
    model.load weights(fich)
    print("Loaded model from disk")
```

```
# exemplos de utilização destes utilitários
def ciclo ler dataset treinar gravar():
    (input attributes, output attributes) = read cvs dataset("pima-indians-
diabetes.csv",8)
   model = create model()
   print model(model, "model2.png")
   compile model(model)
   history=fit model(model,input attributes,output attributes)
   print history_accuracy(history)
   print_history_loss(history)
   model evaluate(model,input attributes,output attributes)
    save model json(model, "model.json")
    save weights hdf5(model, "model.h5")
    return (input attributes, output attributes)
def ciclo_ler_modelo_evaluate_usar(input_attributes,output_attributes):
    model= load_model_json("model.json")
     load weights hdf5(model, "model.h5")
     compile model(model)
    model evaluate(model,input attributes,output attributes)
    model print predictions(model,input attributes,output attributes)
```

```
if __name__ == '__main__':
    #opção 1 - ciclo completo
#ciclo_completo()
#opção 2 - ler,treinar o dataset e gravar. Depois ler o modelo e pesos e usar
    (input_attributes,output_attributes)=ciclo_ler_dataset_treinar_gravar()
    ciclo_ler_modelo_evaluate_usar(input_attributes,output_attributes)
```