МИНОБРНАУКИ РОССИИ САНКТ-ПЕТЕРБУРГСКИЙ ГОСУДАРСТВЕННЫЙ ЭЛЕКТРОТЕХНИЧЕСКИЙ УНИВЕРСИТЕТ «ЛЭТИ» ИМ. В.И. УЛЬЯНОВА (ЛЕНИНА) Кафедра МО ЭВМ

ОТЧЕТ

по лабораторной работе №2 по дисциплине «Алгоритмы и структуры данных»

Тема: Рекурсивная обработка списков

Студент гр. 9382	 Кодуков А.В.
Преподаватель	 Фирсов М.А.

Санкт-Петербург

2020

Цель работы:

Познакомиться с одной из часто используемых на практике нелинейных конструкций, способами её организации и рекурсивной обработки, получить навыки решения задач обработки иерархических списков, как с использованием базовых функций их рекурсивной обработки, так и без использования рекурсии.

Основные теоритические положения:

Иерархический список:

```
< S_expr (El) > ::= < Atomic (El) > | < L_list (S_expr (El)) >,
< Atomic (E) > ::= < El >.
< L_list(El) > ::= < Null_list > | < Non_null_list(El) >
< Null_lis t> ::= Nil
< Non_null_list(El) > ::= < Pair(El) >
< Pair(El) > ::= ( < Head_l(El) > . < Tail_l(El) > )
< Head_l(El) > ::= < El >
< Tail_l(El) > ::= < L_list(El) >
```

Задание:

10) подсчитать число различных атомов в иерархическом списке; сформировать из них линейный список;

Выполнение работы:

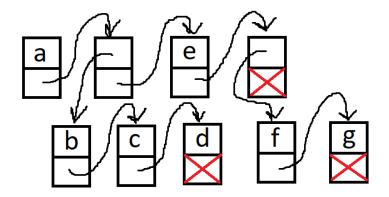
Иерархический список:

```
struct s_expr {
  bool tag; // true: atom, false: pair
  union {
    base atom;
    two_ptr pair;
  } node; // end union node
}; // end s_expr
```

- tag является ли элемент атомом
- pair (head, tail) указатели на голову и хвост списка

Пример:

(a (b c d) e (f g))



Реализованные функции:

Выравнивание списка

Сигнатура:

hlist flatten2(hlist s, hlist t)

Аргументы:

- s иерархический список
- t накопитель

Возвращаемое значение:

hlist – результат выравнивания

Алгоритм:

- s пуст => вернуть t
- s явл. атомом => вернуть иерархический список с головой s и хвостом t
- s не явл. атомом => рекурсивный вызов выравнивания от головы s и результата выравнивания хвоста s и t

Подсчет числа различных атомов

Сигнатура:

std::vector<base> unique(hlist s)

Аргументы:

• s – иерархический список

Возвращаемое значение:

std::vector
base> - вектор уникальных элементов

Алгоритм:

- выравнивание списка
- запись списка в массив
- сортировка массива

- удаление подряд идущих повторяющихся элементов
- в массиве осталось по одной копии каждого атома

Тестирование:

№	Входные данные	Результат
1	(a(bcd)e(fg))	7 unique elements:
		a b c d e f g
2	(aabb)	2 unique elements:
		a b
3	(a(a(a(a))))	1 unique elements:
		a
4	(abcdefa)	6 unique elements:
		a b c d e f
5	(aa(bb)cc(dd(ee)))	5 unique elements:
		a b c d e
6	(a(roza(upala(na(lapu(azora))))))	8 unique elements:
		alnopruz
7	a	1 unique elements:
		a
8	0	0 unique elements:
9)	Wrong input

Вывод:

В результате выполнения работы были изучены принципы рекурсивной обработки списков а также структура иерархических списков. Были реализованы функции выравнивания иерархического списка и поиска различных атомов.

ПРИЛОЖЕНИЕ А ИСХОДНЫЙ КОД ПРОГРАММЫ

hlist.h

```
#ifndef HLIST H
#define HLIST H
#include <vector>
#include <iostream>
// интерфейс АТД "Иерархический Список"
namespace h list {
typedef char base; // базовый тип элементов (атомов)
struct s expr;
struct two ptr {
 s expr* hd;
 s expr* tl;
}; // end two ptr;
struct s expr {
 bool tag; // true: atom, false: pair
  union {
   base atom;
   two_ptr pair;
  } node; // end union node
          // end s_expr
typedef s_expr* hlist;
// базовые функции:
hlist head(hlist s);
hlist tail(hlist s);
hlist cons(hlist h, hlist t);
hlist make atom(const base &x);
bool isAtom(hlist s);
bool isNull(hlist s);
void destroy(hlist s);
hlist flatten2(hlist s, hlist t);
std::vector<base> unique(hlist s);
base getAtom(hlist s);
// функции ввода:
void read hlist(hlist &y, bool m); // основная
void read_s_expr(base prev, hlist &y, std::istream &str);
void read seq(hlist &y, std::istream &str);
// функции вывода:
void write_hlist(hlist x); // основная
void write_seq(hlist x);
hlist copy_hlist(hlist x);
} // end of namespace h list
#endif
```

hlist.cpp

```
// continue of namespace h list
#include "hlist.h"
#include <cstdlib>
#include <fstream>
#include <algorithm>
using namespace std;
namespace h list {
//......
hlist head(hlist s) { // PreCondition: not null (s)
 if (s != NULL)
   if (!isAtom(s))
     return s->node.pair.hd;
     cerr << "Error: Head(atom) \n";</pre>
     exit(1);
 else {
   cerr << "Error: Head(nil) \n";</pre>
   exit(1);
  }
}
//.....
bool isAtom(hlist s) {
 if (s == NULL)
   return false;
 else
   return (s->tag);
//.....
bool isNull(hlist s) { return s == NULL; }
//.....
hlist tail(hlist s) { // PreCondition: not null (s)
 if (s != NULL)
   if (!isAtom(s))
    return s->node.pair.tl;
   else {
     cerr << "Error: Tail(atom) \n";</pre>
     exit(1);
  else {
   cerr << "Error: Tail(nil) \n";</pre>
   exit(1);
}
//....
hlist cons(hlist h, hlist t)
// PreCondition: not isAtom (t)
{
 hlist p;
 if (isAtom(t)) {
   cerr << "Error: Tail(nil) \n";</pre>
   exit(1);
  } else {
   p = new s expr;
   if (p == \overline{NULL}) {
     cerr << "Memory not enough\n";</pre>
     exit(1);
   } else {
```

```
p->tag = false;
     p->node.pair.hd = h;
     p->node.pair.tl = t;
     return p;
  }
}
//......
hlist make atom(const base &x) {
 hlist s;
 s = new s_expr;
 s->tag = true;
 s->node.atom = x;
 return s;
//........
void destroy(hlist s) {
  if (s != NULL) {
   if (!isAtom(s)) {
     destroy(head(s));
     destroy(tail(s));
   delete s;
   // s = NULL;
  };
//.....
base getAtom(hlist s) {
 if (!isAtom(s)) {
   cerr << "Error: getAtom(s) for !isAtom(s) \n";</pre>
   exit(1);
  } else
   return (s->node.atom);
//.....
// ввод списка с консоли
void read hlist(hlist &y, bool m) {
 base x = ' ';
  if (m) {
    std::ifstream fs("input.txt");
    if (fs.is open()) {
     do {
       fs >> x;
     } while (x == ' ');
     read s expr(x, y, fs);
     fs.close();
    } else
    std::cout << "\nImpossible to open file\n";</pre>
  } else {
   cout << "введите список:\n";
   do {
    cin >> x;
    } while (x == ' ');
   read s expr(x, y, cin);
 }
} // end read hlist
//......
void read_s_expr(base prev, hlist &y, std::istream &str) { // prev - ранее
прочитанный символ}
  if (prev == ')') {
   cerr << " ! List.Error 1 " << endl;</pre>
```

```
exit(1);
  } else if (prev != '(')
    y = make atom(prev);
  else
   read seq(y, str);
 // end read_s_expr
//........
void read_seq(hlist &y, std::istream &str) {
  base x;
 hlist p1, p2;
  if (!(str >> x)) {
   cerr << " Wrong input " << endl;</pre>
   exit(1);
  } else {
   while (x == ' ') str >> x;
    if (x == ')')
     y = NULL;
   else {
     read s expr(x, p1, str);
     read seq(p2, str);
     y = cons(p1, p2);
  }
} // end read_seq
//.......
// Процедура вывода списка с обрамляющими его скобками - write hlist,
// a без обрамляющих скобок - write seq
void write hlist(hlist x) { //пустой список выводится как ()
  if (isNull(x))
   cout << " ()";
  else if (isAtom(x))
   cout << ' ' << x->node.atom;
  else { //непустой список}
   cout << " (";
   write_seq(x);
   cout << " )";
  // end write hlist
//.......
void write_seq(hlist x) { //выводит последовательность элементов списка
                               //без обрамляющих его скобок
  if (!isNull(x)) {
   write hlist(head(x));
   write seq(tail(x));
  }
//......
hlist copy_hlist(hlist x) {
  if (isNull(x))
   return NULL;
  else if (isAtom(x))
   return make atom(x->node.atom);
   return cons(copy hlist(head(x)), copy hlist(tail(x)));
} // end copy-hlist
// Optimal list straightening function (t - result)
hlist flatten2(hlist s, hlist t) {
 // Quit recursion
  if (isNull(s)) return t;
  // Atom -> head and tail are linear
```

```
if (isAtom(s)) return cons(s, t);
  // Not atom -> split head and tail
  return flatten2(head(s), flatten2(tail(s), t));
} // end flatten2
// Finiding unique atoms
std::vector<base> unique(hlist s) {
 hlist st = nullptr, lin;
  std::vector<base> v;
  if (!isNull(s)) {
    \//\ straightening list and conversion to vector
    lin = flatten2(s, st);
    while (!isNull(lin)) {
      v.push back(getAtom(head(lin)));
      lin = tail(lin);
    // sort vector
    qsort(v.data(), v.size(), sizeof(base),
      [](const void *a, const void *b) {
       return (*(base *)a > *(base *)b) - (*(base *)a < *(base *)b);
      });
    std::cout << "Результат сортировки:\n ";
    for (auto &a: v)
      std::cout << a << " ";
    std::cout << "\n";</pre>
    // erasing repeating elements
    for (int i = 1; i < v.size(); i++)
      if (v[i] == v[i - 1]) {
        v.erase(v.cbegin() + i);
        i--;
        }
    }
  return v;
} // end of namespace h list
main.cpp
/* Kodukov A. 9382 v.10
 * подсчитать число различных атомов в иерархическом списке;
 * сформировать из них линейный список;
#include <windows.h>
#include <cstdlib>
#include <iostream>
#include <conio.h>
#include "hlist.h"
using namespace std;
using namespace h list;
int main() {
 bool m;
  SetConsoleCP(1251);
                        // для вывода кирилицы
  SetConsoleOutputCP(1251); // для вывода кирилицы
 while (1) {
```

```
char mode;
  system("cls");
  std::cout << "Choose mode:\n1 - console input\n2 - file input\n";</pre>
  mode = _getch();
  if (mode == '1') {
   m = false;
    break;
  } else if (mode == '2') {
   m = true;
   break;
  } else {
   std::cout << "Wrong option";</pre>
    _getch();
}
while (1) {
  system("cls");
  hlist s1, s2, s3 = nullptr;
  cout << boolalpha;</pre>
  read hlist(s1, m);
  cout << "введен список: \n";
  write hlist(s1);
  cout << endl;
  cout << "flatten2 списка =\n";
  s2 = flatten2(s1, s3);
  write hlist(s2);
  cout << endl;</pre>
  std::vector<base> v = unique(s1);
  cout << v.size() << " unique elements:\n ";</pre>
  for (auto &a : v)
   cout << a << " ";
  cout << "\n";
  destroy(s2);
  destroy(s3);
  cout << "Press any key...";</pre>
  char key = _getch();
  if (\text{key} == 27)
   break;
}
return 0;
```