

Модель эпидемии SIR.

Лабораторная работа №5.

Рогожина Н.А.

08 марта 2025

Российский университет дружбы народов, Москва, Россия

Информация

- Рогожина Надежда Александровна
- студентка 3 курса НФИбд-02-22
- Российский университет дружбы народов
- <https://mikogreen.github.io/>

Задание

В дополнение к предположениям, которые были сделаны для модели SIR, предположим, что учитываются демографические процессы, в частности, что смертность в популяции полностью уравнивает рождаемость, а все рожденные индивидуумы появляются на свет абсолютно здоровыми. Тогда получим следующую систему уравнений:

1. $\dot{s} = -\beta s(t)i(t) + \mu (N - s(t));$
2. $\dot{i} = \beta s(t)i(t) - \nu i(t) - \mu i(t);$
3. $\dot{r} = \nu i(t) - \mu r(t),$

где μ — константа, которая равна коэффициенту смертности и рождаемости.

Требуется: - реализовать модель SIR с учётом процесса рождения / гибели особей в xcos (в том числе и с использованием блока Modelica), а также в OpenModelica;

- построить графики эпидемического порога при различных значениях параметров модели (в частности изменяя параметр μ);
- сделать анализ полученных графиков в зависимости от выбранных значений параметров модели.

Теоретическое введение

Предполагается, что особи популяции размера N могут находиться в трёх различных состояниях:

- S (susceptible, уязвимые) — здоровые особи, которые находятся в группе риска и могут подхватить инфекцию;
- I (infective, заражённые, распространяющие заболевание) — заразившиеся переносчики болезни;
- R (recovered/removed, вылечившиеся) — те, кто выздоровел и перестал распространять болезнь (в эту категорию относят, например, приобретших иммунитет или умерших).

Внутри каждой из выделенных групп особи считаются неразличимыми по свойствам. Типичная эволюция особи популяции описывается следующей диаграммой:

$$S \rightarrow I \rightarrow R.$$

Считаем, что система замкнута, т.е.

$$N = S + I + R.$$

Выполнение лабораторной работы

Открыв окно визуального моделирования, первое что было установлено - контекст.

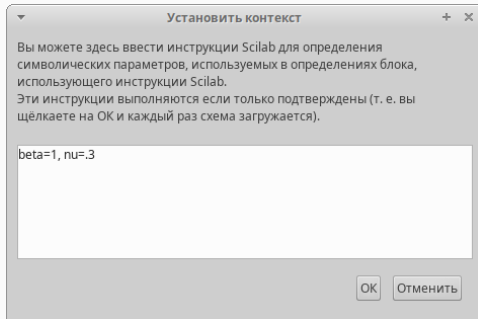


Рис. 1: Обозначение постоянных

Для первого интеграла было выставлено Initial Condition = .999.

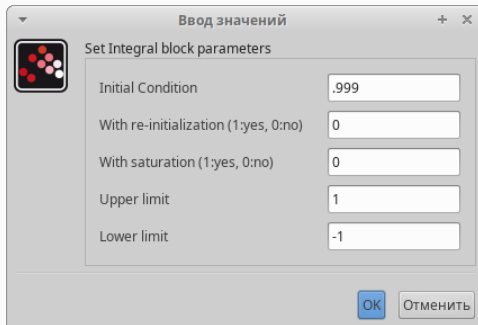


Рис. 2: Настройка интеграла для $s(t)$

Для второго интеграла было выставлено Initial Condition = .001.

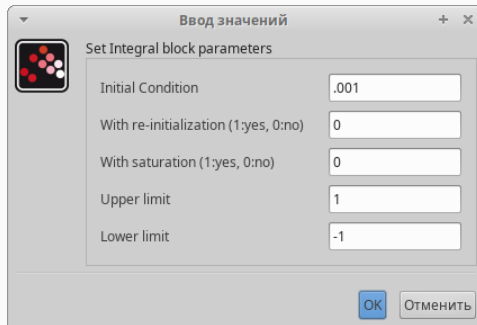


Рис. 3: Настройка интеграла для $i(t)$

Также, необходимо было установить максимальное время моделирования как 30 единиц модельного времени.

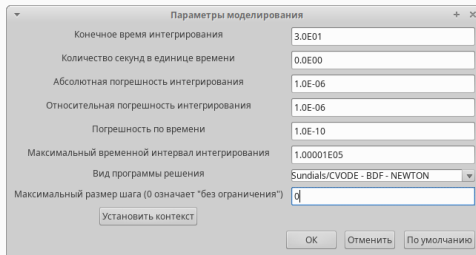


Рис. 4: Установка $\max(t)$

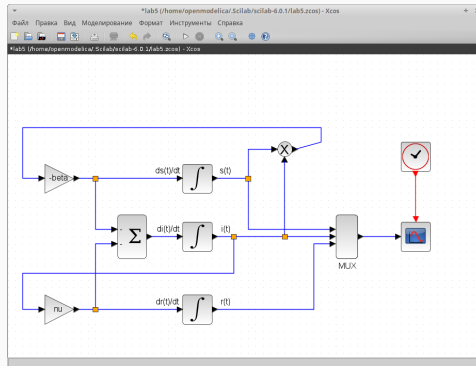


Рис. 5: Модель эпидемии SIR

Смоделировав ситуацию, мы видим планомерное уменьшение здоровых граждан, планомерное увеличение вылечившихся, а также пик количества зараженных граждан, что одновременно является точкой пересечения всех 3 линий.

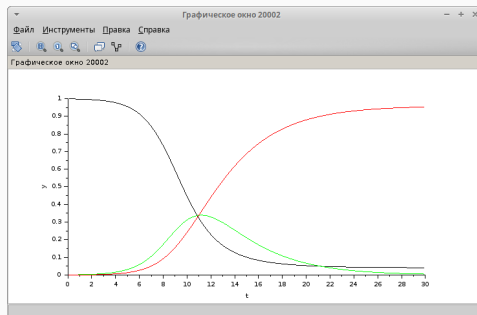


Рис. 6: Модель эпидемии SIR

Далее, мы повторили ту же модель, но через блок OpenModelica.

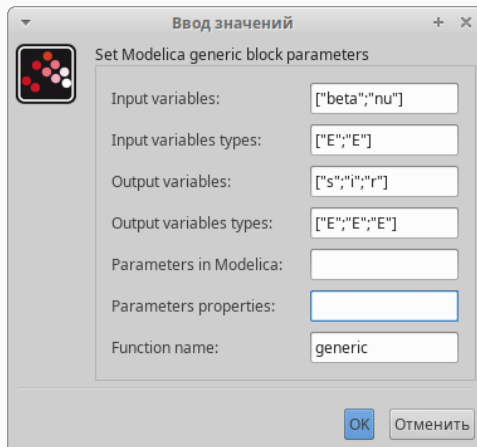


Рис. 7: Установка значений блока

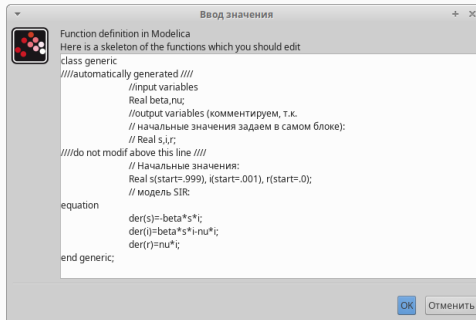


Рис. 8: Код OpenModelica

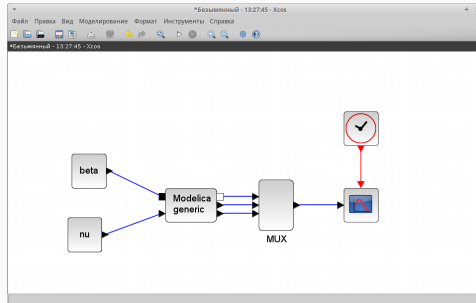


Рис. 9: Модель эпидемии SIR

Видно, что результаты совпадают с аналитическим подсчетом.

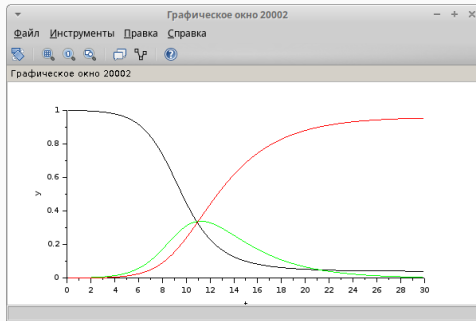


Рис. 10: Модель эпидемии SIR

Далее, было необходимо реализовать модель эпидемии, учитывающую смертность и рождаемость (коэффициент μ).

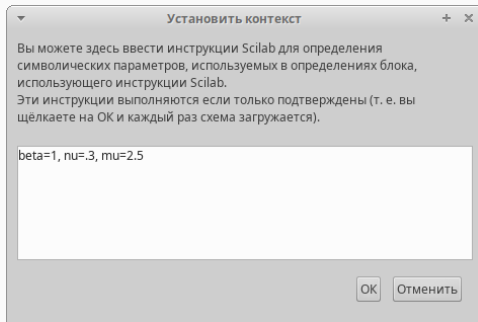


Рис. 11: Конфигурация контекста

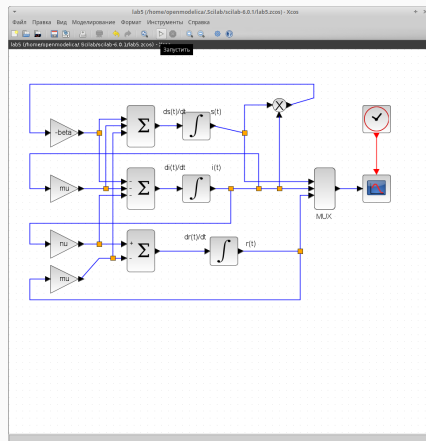


Рис. 12: Реализованная модель

При запуске, с $\mu = 0.01; 0.1; 1$ получились следующие результаты:

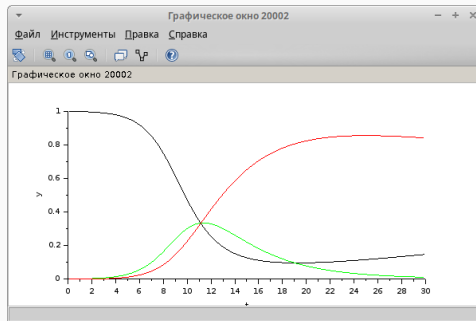


Рис. 13: $\mu = 0.01$

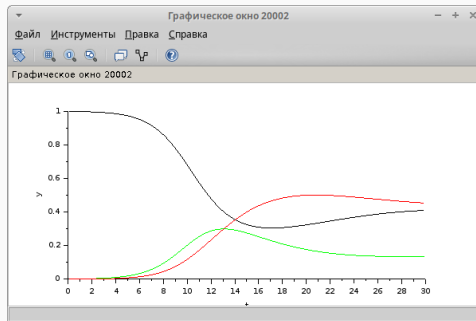


Рис. 14: $\mu = 0.1$

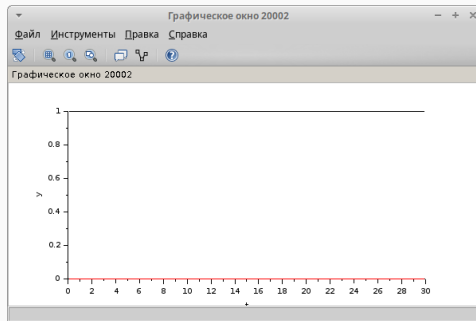


Рис. 15: $\mu = 1$

Аналогично, необходимо было доработать код OpenModelica.

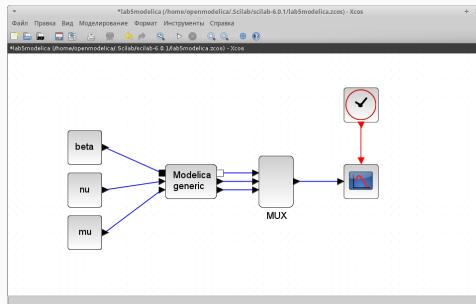


Рис. 16: Диаграмма OpenModelica

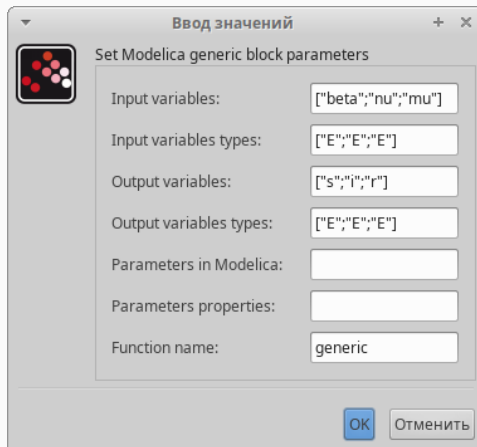


Рис. 17: Вводимые значения

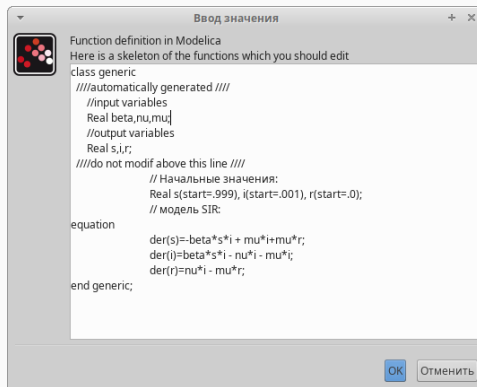


Рис. 18: Код OpenModelica

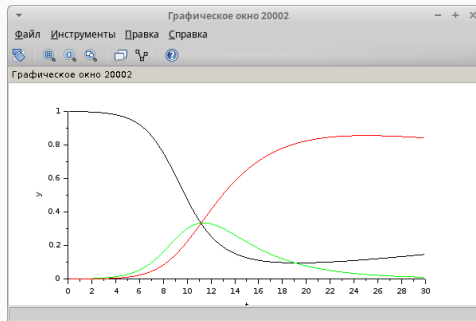


Рис. 19: $\mu = 0.01$

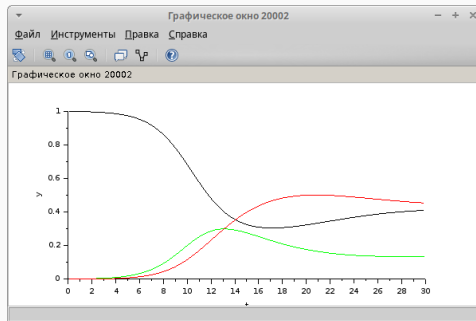


Рис. 20: $\mu = 0.1$

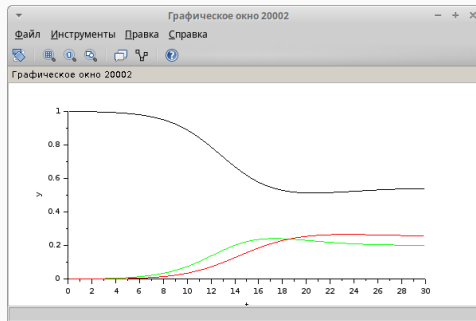


Рис. 21: $\mu = 2.4$

Выводы

В ходе лабораторной работы мы получили базовые навыки программирования модели эпидемии с помощью `xcos` и `OpenModelica`.