CLASSIFICAÇÃO DE DESENHOS ANIMADOS

Camila Vanessa de Matos Sousa Pedro Rafael Pereira de Oliveira

Contextualização

- Para que serve?
- É importante?
- Não perca o tempo que você não tem.



——(Vocês aí tudo triste porque não sabem o nome do desenho)

Objetivo Principal

- Objetivo
- Aplicação Prática
- Desafios



Base de Dados (Construção)

- 1ª Tentativa: Salvar da Internet
- 2ª Tentativa: Banco de Dados pronto
- 3º Tentativa: Salvar frames do episódio (com intervalo)

Base de Dados (Construção)

Salvar os frames com intervalo x

```
import cv2
import os
# Abra o vídeo
video_path = 'Bob Esponja _ O Estrangulador contra o Bob Esponja! _ Bob Esponja em Português.mp4'
cap = cv2.VideoCapture(video path)
# Verifique se o vídeo foi aberto com sucesso
if not cap.isOpened():
   print("Erro ao abrir o vídeo.")
   exit()
# Crie uma pasta para armazenar os frames
output folder = 'Bob'
os.makedirs(output folder, exist ok=True)
# Inicialize um contador para os frames
frame count = 1
# Intervalo de frames a serem salvos
frame interval = 300
# Loop para capturar e salvar frames a cada intervalo
   ret, frame = cap.read()
   if not ret:
       break # Sai do loop quando todos os frames foram lidos
   # Verifique se o frame atual deve ser salvo com base no intervalo
   if frame count % frame interval == 0:
       # Salve o frame como uma imagem na pasta de saída
       frame filename = os.path.join(output folder, f'Bob {frame count:04d}.jpg')
       cv2.imwrite(frame_filename, frame)
   frame count += 1
# Libere o objeto de captura e finalize
cap.release()
cv2.destroyAllWindows()
print(f"{frame_count} frames salvos em '{output_folder}' com intervalo de {frame_interval} frames.")
```

Vê se há imagens semelhantes

```
pip install imagehash
from PIL import Image
import imagehash
import os
pasta imagens = 'Bob'
# Lista para armazenar os hashes das imagens
hashes = []
Dicionário para armazenar imagens semelhantes
imagens_semelhantes = {}
‡ Função para calcular o hash de uma imagem
def calcular hash(imagem):
   return str(imagehash.dhash(imagem))
‡ Iterar sobre as imagens na pasta
For arquivo in os.listdir(pasta_imagens):
   if arquivo.endswith('.jpg'): # Verifique se o arquivo é uma imagem
       caminho imagem = os.path.join(pasta imagens, arquivo)
       imagem = Image.open(caminho_imagem)
       hash_imagem = calcular_hash(imagem)
       # Verifique se o hash da imagem já existe na lista
       if hash imagem in hashes:
           # Adicione o arquivo ao dicionário de imagens semelhantes
           if hash_imagem not in imagens_semelhantes:
               imagens_semelhantes[hash_imagem] = []
           imagens_semelhantes[hash_imagem].append(caminho_imagem)
           # Adicione o hash à lista de hashes
           hashes.append(hash imagem)
# Agora, imagens semelhantes contém grupos de imagens semelhantes
# Mantenha apenas uma imagem de cada grupo e exclua as outras
For hash, imagens in imagens semelhantes.items():
   if len(imagens) > 1:
       # Mantenha apenas a primeira imagem no grupo (ou escolha uma específica)
       imagem_a_manter = imagens[0]
       for imagem_a_excluir in imagens[1:]:
           os.remove(imagem_a_excluir)
orint("Imagens semelhantes foram removidas, deixando apenas uma de cada grupo.")
```

Metodologia

- Algoritmo escolhido: CNN (Convolutional Neural Network)
- Pré-processamento
- Divisão dos dados: k-fold

Arquitetura do modelo

- Convolutional Neural Network (CNN)
- Camadas usadas
 - Padrão
 - Aprimorado/modificado

Treinamento do Modelo

- Treinamento do modelo
 - Tempo: Padrão X Aprimorado
- Métricas

Treinamento do Modelo

- Camadas utilizadas

(Algoritmo padrão)

Camadas usadas no algoritmo padrão

- Camada convolucional e de pooling model.add(tf.keras.layers.Conv2D(32, (3, 3), activation='relu', input_shape=(224, 224, 3))) model.add(tf.keras.layers.MaxPooling2D((2, 2))) model.add(tf.keras.layers.Conv2D(64, (3, 3), activation='relu')) model.add(tf.keras.layersMaxPooling2D((2, 2))) model.add(tf.keras.layers.Conv2D(64, (3, 3), activation='relu'))
- Flatten para camadas densas model.add(tf.keras.layers.Flatten())
- Camada densa model.add(tf.keras.layers.Dense(64, activation='relu'))
- Camada de saída model.add(tf.keras.layers.Dense(num_classes, activation='softmax'))

(Algoritmo aprimorado)

Camadas usadas no algoritmo aprimorado

- Camadas convolucionais e de pooling model.add(tf.keras.layers.Conv2D(64, (3, 3), activation='relu', input_shape=(224, 224, 3))) model.add(tf.keras.layers.MaxPooling2D((2, 2))) model.add(tf.keras.layers.Conv2D(128, (3, 3), activation='relu')) model.add(tf.keras.layers.MaxPooling2D((2, 2))) model.add(tf.keras.layers.Conv2D(256, (3, 3), activation='relu')) model.add(tf.keras.layers.MaxPooling2D((2, 2)))
- Flatten para camadas densas model.add(tf.keras.layers.Flatten())
- Camadas densas
 model.add(tf.keras.layers.Dense(512, activation='relu'))
 model.add(tf.keras.layers.Dropout(0.5)) # Dropout para reduzir o overfitting
 model.add(tf.keras.layers.Dense(512, activation='relu'))
 model.add(tf.keras.layers.Dropout(0.5)) # Dropout para reduzir o overfitting
- Camada de saída model.add(tf.keras.layers.Dense(num_classes, activation='softmax'))

Resultados

- Estatísticas e métricas obtidas
 - Acurácia
 - Matriz de confusão
 - Precisão por classe
 - Tempo

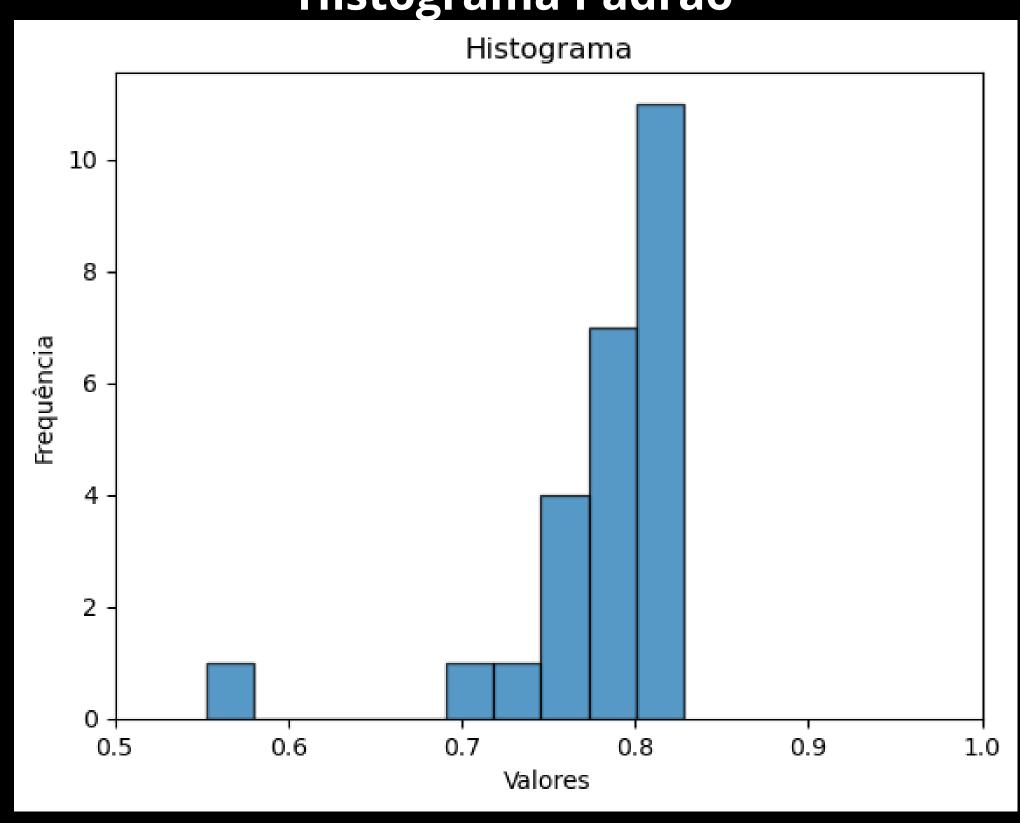
Tempo

- Padrão: 110,6 minutos
- Aprimorado: 325,4 minutos



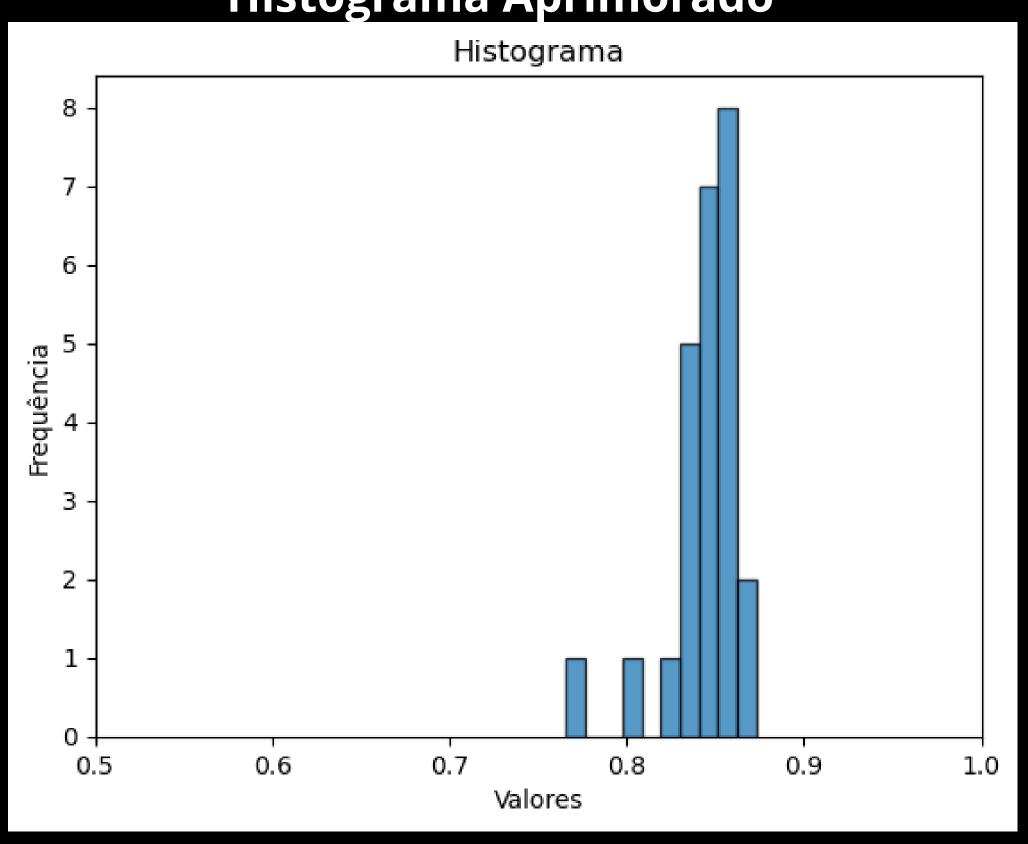
Acurácia de Validação

Histograma Padrão



Acurácia de Validação

Histograma Aprimorado



Teste Estatístico

- Teste de normalidade:
 - Hipótese Nula (H0): Os dados seguem uma distribuição normal
 - Hipótese Alternativa (H1): Os dados não seguem uma distribuição normal

```
def teste_normalidade(sample):
    # Aplicando o teste de Shapiro-Wilk
    statistic, p_value = stats.shapiro(sample)
    # Verificando o resultado
    if p value > 0.05:
        print("A amostra parece ser normal.")
    else:
        print("A amostra não parece ser normal.")
    plot histogram(sample, xlim=(0.5, 1.0))
```

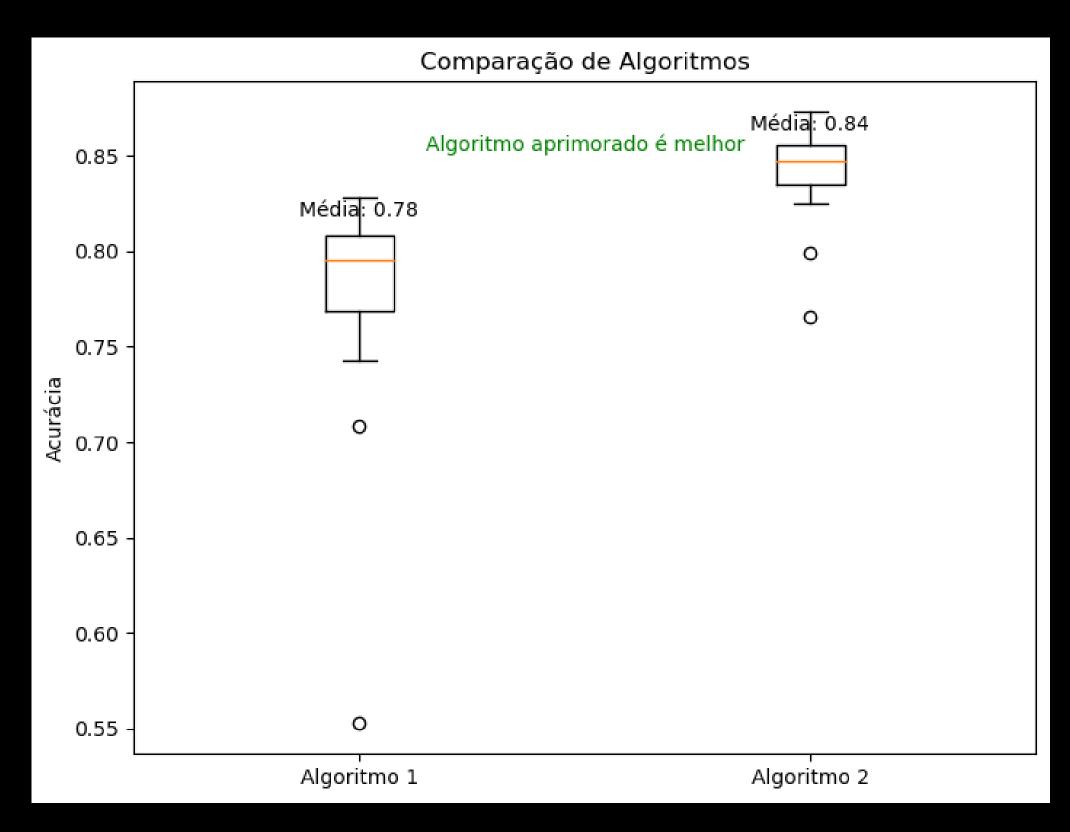
Teste Estatistico

- Qual o melhor?
- Hipótese Nula (H0): Não há diferença significativa entre as amostras
- Hipótese Alternativa (H1): Há diferença significativa

```
def comparar algoritmos(amostra1, amostra2, alpha=0.05):
    # Realize o teste de Mann-Whitney U
    stat, p = stats.mannwhitneyu(amostra1, amostra2, alternative='two-sided')
    # Plote um gráfico de caixa para cada amostra
    plt.figure(figsize=(8, 6))
    plt.boxplot([amostra1, amostra2], labels=['Algoritmo 1', 'Algoritmo 2'])
    plt.title('Comparação de Algoritmos')
    plt.ylabel('Acurácia')
    # Calcule medidas resumo
    media_amostra1 = round(sum(amostra1) / len(amostra1), 2)
    media amostra2 = round(sum(amostra2) / len(amostra2), 2)
    # Adicione informações sobre a média no gráfico
    plt.text(1, max(amostra1) - 0.01, f'Média: {media_amostra1}', ha='center')
    plt.text(2, max(amostra2) - 0.01, f'Média: {media amostra2}', ha='center')
    # Adicione resultado do teste ao gráfico
    if p < alpha:
       if media amostra1 > media amostra2:
            plt.text(1.5, max(max(amostra1), max(amostra2)) - 0.02, 'Algoritmo 1 é melhor', ha='center', color='green')
        else:
            plt.text(1.5, max(max(amostra1), max(amostra2)) - 0.02, 'Algoritmo 2 é melhor', ha='center', color='green')
    else:
        plt.text(1.5, max(max(amostra1), max(amostra2)) - 0.02, 'Não há diferença significativa', ha='center', color='red')
    plt.show()
    # Retorne o resultado do teste e qual algoritmo é considerado melhor ou se não há diferenca significativa
    if p < alpha:
       if media amostra1 > media amostra2:
            return "Algoritmo padrão é melhor"
        else:
            return "Algoritmo aprimorado é melhor"
    else:
        return "Não há diferença significativa"
```

Teste Estatistico

- Qual o melhor?



TESTANDO AO VIVO

ACABOU, ESTAMOS ABERTOS A PERGUNTAS, SÓ NÃO QUEREMOS RESPONDER.