

الگوریتم های تست اتوماتیک نرم افزار

نام و نام خانوادگی: مینا بیرامی استاد راهنما: دكتر الهام محمودزاده

مهندسی کامپیوتر_فناوری اطلاعات مهرماه ۱۳۹۷

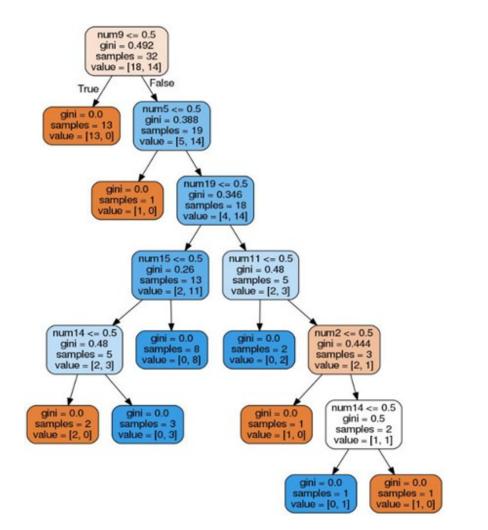
- · تابع cross-over: مسیر های با امتیاز بیشتر از نقطه ۱۳ که مرکز ثقل برنامه است ، با هم جابجا می شوند.
- ، تابع mutation: جهش های خود کار با استفاده از مطالعه ساختار برنامه در نود های اساسی از جمله ۱و ۵ و ۹

• الگوریتم های یادگیری: SVM و Decision Tree

- تعریف ساختار مسیر: ساختار دو دویی: تمامی مسیر ها دارای ۲۰ ژن ۰ و ۱ هستند. ۱ به معنای حضور در مسیر و ۰ به معنای عدم حضور آن است.
 - . ماتریس سردرگمی و تعریف معیار های سنجش آن از جمله Precision و
 - . تهیه دیتا ست در یک فایل: دارای ۵۰ رکورد شامل ۲۰ مسیر صحیح و ۳۰ مسیر اشتباه
 - · تقسیم داده های تمرین و تست: به نسبت ۳۰-۷۰
 - . اجراى الگوريتم SVM با هسته گوسى (RBF Kernel)
 - . اجرای الگوریتم decision tree و استخراج نود های مهم

٤.مشاهده نتایج

- •الگوريتم ژنتيك: پس از تكرار مراحل توليد مسير هاى صحيح به مدت ۵۰ بار
- الگوریتم SVM: این الگوریتم بر روی دیتا ست با random state های مختلف در ۲۰ ایتریشن امتحان
- •الگوریتم Decision Treee: این الگوریتم بر روی دیتا ست با random state های مختلف در ۲۰ ايتريشن امتحان شد.



یک نمونه درخت ایجاد شده: کاهش ۲۰ ویژگی به ۶ ویژگی مهم ریشه درخت گره شماره ۹

سایر ویژگی های الویت دار به ترتیب عبارت

گره شماره ۱۹،۵، ۱۹،۱، ۱۴،۲،۱۱

						1:[0, 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 20]
						2:[0, 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 15, 16, 17, 20]
	nro	cicion	rocall	fl ccore	cupport	3:[0, 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 15, 16, 18, 19, 20]
	pre	cision	recatt	f1-score	support	4:[0, 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 15, 16, 18, 20]
	0	0.89	0.89	0.89	9	5:[0, 1, 2, 3, 4, 5, 9, 13, 14, 20]
	1	0.83	0.83	0.83	6	6: [0, 1, 2, 3, 4, 5, 9, 13, 15, 16, 17, 20]
	•	0.05	0.05	0.03	v	7:[0,1,2,3,4,5,9,13,15,16,17,26]
/ tota	al	0.87	0.87	0.87	15	
,		0.07	0.07	0.07	-	8: [0, 1, 2, 3, 4, 5, 9, 13, 15, 16, 18, 20]
	pre	cision	recall	f1-score	support	9: [0, 1, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 20]
						10:[0, 1, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 15, 16, 17, 20]
	0	1.00	1.00	1.00	9	11 : [0, 1, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 15, 16, 18, 19, 20]
	1	1.00	1.00	1.00	6	12:[0, 1, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 15, 16, 18, 20]
						13:[0, 1, 5, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 20]
/ tota	al	1.00	1.00	1.00	15	14:[0, 1, 5, 9, 10, 11, 12, 13, 15, 16, 17, 20]
						15:[0, 1, 5, 9, 10, 11, 12, 13, 15, 16, 18, 19, 20]
	pre	cision	recall	f1-score	support	16: [0, 1, 5, 9, 10, 11, 12, 13, 15, 16, 18, 20]
					_	17:[0, 1, 5, 9, 13, 14, 20]
	0	0.88	1.00	0.93	7	18:[0, 1, 5, 9, 13, 15, 16, 17, 20]
	1	1.00	0.88	0.93	8	19:[0, 1, 5, 9, 13, 15, 16, 18, 19, 20]
/ +0+-	.1	0.04	0.03	0.03	15	20:[0, 1, 5, 9, 13, 15, 16, 18, 20]
/ tota	11	0.94	0.93	0.93	15	20 . [0] . [0] . [0] . [0] . [0] . [0]

چند نمونه از گزارش های به کار گیری

الگوریتم SVM: در هر کدام از انها مقدار

precision و precision

f1-score تغییر میکند ولی تغییرات آن

چنان مشهود نیست و در راج نسبتا بالایی

(نزدیک به ۹۰ درصد) قرار دارد. بنابراین

ميتوان اذعان داشت الگوريتم تا حد بسيار

خوبی درست و به جا استفاده شده است.

الگوريتم ژنتيك : توليد ۲۰ مسير صحیح که پس از ۵۰ بار تکرار به طور میانگین در طول ۱۸ بار تولید جمعیت جدید به مجموعه جواب می رسید.

١.مقدمه

تست اتو ماتیک نرم افزار و روش های سریع رسیدن به جواب در این تست ها ، همواره مورد توجه محققان

در طول سال های متمادی بوده است

در این پژو هش ، قصد ما بررسی برخی از الگوریتم های حل مساله مورد نظرمان از جمله الگوریتم ژنتیک ،

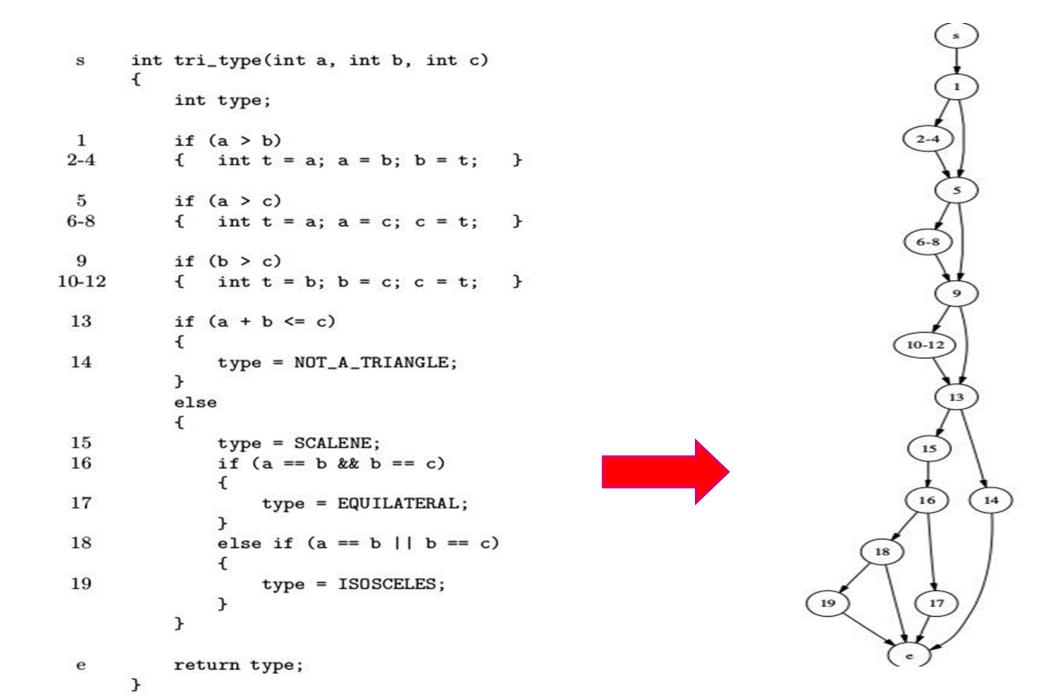
اگوریتم ژنتیک ، ماشین بردار پشتیبان و درخت تصمیم گیری است.

در حوزه white-boxیا همان تست ساختاری ، با بررسی ما ساختار برنامه ، قواعدی که از آن استناد میکنیـم

و به صورت اتوماتبک به تولید مسیر های که به تولید داده های تست منجر می شوند را تولید کنیم.

۲. بررسی مساله و گراف کنترل جریان

گراف کنترل جریان ، گرافی است که هر خط برنامه را یک گره در نظر میگیرد و هر گره را به گرههایی که در اجرای برنامه ملاقات می کند ،متصل می کند. برنامه به صورت زیر است:



در ادامه به تناقضات موجود در برنامه می پردازیم .شرط های خطوط ۱ و ۵ و ۹ را در جدول زیر با روابط ریاضی نوشتیم.با نو شتن روابط ریاضی موجود در ستون آخر کنار هم از ۸ حالت موجود ، ۳ حالت به تناقض خواهد رسید .بنابراین تعداد مسیر های برنامه کاهش خواهد یافت

رابطه رياضي وضعيت شرط شرط درست بوده a>b ^ a'=b ^ b'=a شرط نقض شده a<=b ^ a'=a ^ b'=b شرط درست بوده a>c ^ a''=c ^ c'=a' شرط نقض شده a'<=c ^ a''=a' ^ c'=c شرط درست بوده b'>c' ^ b''=c' ^ c''=b' شرط نقض شده b'<=c' ^ b''=b' ^ c''=c'

۳. تولید مسیر های باقی مانده با استفاده از الگوریتم ها

قصد تولید مسیر های صحیح با قی مانده را داریم. ۲ متود مطرح را برای این امر برگزیده ایم:

• الگوريتم تكاملي : لگوريتم ژنتيك:

با نوشتن روابط ریاضی آنها

وضعیت های S1S4S6 و

رخ نخواهد داد .بنابراین تعداد

مسیر ها از ۳۲ به ۲۰ کاهش می

S1S3S6 و S2S3S6 هيچ گاه

- . تعریف ساختار مسیر مسیر ها با طول های متفاوت: شماره نود های پیموده شده در مسیر ذخیره میشود
 - . جمعیت اولیه: تولید به صورت تصادفی
 - . شرط خاتمه: رسیدن به ۲۰ مسیر صحیح
 - . تابع fitness function: به ازای هر اتصال صحیح گره به گره بعدیش داریم:

• Fitness value+/1 = string's length

٥.نتيجه گيري

الگوريتم ژنتيک با وجود سابقه طولاني اش ، همچنان يکي از مهم ترين الگوريتم هاي حال حاضر شناخته مي شود. تولید اتوماتیک مسیر های برنامه ما با الگوریتم ژنتیک با تعداد محدودی تکرار در مدت زمان قابل قبولی ارائه شده در عین سادگی ، معیار قابل قبولی برای تست $Fitness\ function$ ، با موفقیت رو به رو شد این برنامه به شمار آمد.

الگوریتم های SVM و Decision Tree از الگوریتم های معروف طبقه بندی ، نتایج با دقــت بــالایــی بــه ارمغان آوردند . نكته قابل ملاحظه ، زمان بسيار كوتاه در كشف الگو هاى ديتاست است. الگو هــا و قــوانــيــن بدست آمده در نتایج مطابقت نزدیک به ۱۰۰ درصد به الگوهای واقعی داشتند. اما کمبود داده ها به علت کو تاه بودن قطعه كد، ممكن است در نتايج بسيار خوب اين الگوريتم ها بي تاثير نباشد.