

林继申

(+86) 15143305542 | minmuslin@outlook.com | 中共党员

个人主页: <https://www.minmuslin.cn> | 求职意向: 后端开发



教育经历

同济大学 985 本科 - 软件工程专业

2022/08 - 2026/06

GPA: 4.73 / 5.00 (百分制成绩 **92.27**)

排名: 14 / 199 (**7%**)

英语水平: CET-6

以**项目负责人**身份主持两项机器学习领域项目: 三维图像传感器信号增强网络的轻量化方法 (**国家级**)、门禁检测口罩佩戴系统 (**省级**)

奖项与荣誉: 国际基因工程机器大赛 (iGEM) **国际金奖**、中国国际大学生创新大赛 (2024) **上海市金奖 (省级)** 和**全国铜奖**、唐仲英德育奖学金 (1%)、校级学业奖学金一等奖 (5%)、社会活动奖学金 (5%)、优秀班级干部称号 (1%)、优秀学生称号 (5%)

实习经历

北京字节跳动科技有限公司

抖音电商部门后端开发实习生

2025/05 至今

- 描述:
- 工作内容:
- 成果:

太平洋保险集团长江养老保险股份有限公司

信息技术部门实习生

2024/07 - 2024/08

- 描述: 参与公司尽调助手开发与搭建, 旨在通过自动化工作流程提高尽职调查效率, 解决传统尽调过程中耗时长、成本高的问题。
- 工作内容: 在服务器本地部署 Dify, 设计并实现尽调助手 Workflow, 涵盖问题分类、会议纪要生成、观点一致性分析及常规问题处理; 集成数据库并调用 LLM 接口高效处理, 设计分类与处理逻辑, 测试并优化 Workflow, 确保功能准确高效。
- 成果: 成功部署并上线尽调助手, 问题分类准确率超 95%, 会议纪要生成与观点分析功能显著提升效率, 获得尽调团队积极反馈。

项目经历

智幕云: 智慧幕墙数据管理平台

项目负责人

2024/10 - 2025/03

- 描述: 本项目为同济大学智慧幕墙科研团队提供高效、安全的数据存储、处理和分析服务, 推动土木工程科学与计算机科学的深度融合与创新应用。平台支持多维度数据集管理、权限控制及自动化运维, 为智慧幕墙的仿真分析与实验研究提供核心数据支撑。
- 技术栈: Spring Boot, MyBatis, OSS SDK, MySQL, GitHub Actions, Docker Compose, Nginx, Vue, TS, Element-Plus
- 工作内容: 1. 负责数据集管理平台全栈开发, 为十个外部子系统提供用户权限认证、资源访问控制与数据交互服务, 保障安全性; 2. 基于阿里云 OSS SDK 实现数据集的上传、下载、存储等操作, 采用冷归档策略完成删除业务, 实现数据自动备份; 3. 搭建基于 GitHub Actions 的 CI/CD 流水线, 集成自动化测试、镜像构建与容器部署, 实现日志记录功能; 4. 使用 Docker Compose 编排多容器服务, 通过 Nginx 反向代理解决矩池云 GPU 算力平台的跨域问题。
- 成果: 成功交付平台并稳定运行, 日均处理超 10,000 次数据请求, 支撑金属幕墙锈蚀污渍检测、玻璃幕墙爆裂检测、石材幕墙裂缝检测等十项核心研究。智慧幕墙平台被纳入同济大学重点科研基础设施, 目前正在申请软件著作权。

Atlas.Y: 用于优化酵母菌亚细胞定位的分子标签设计软件

软件开发组负责人

2024/03 - 2024/10

- 描述: 本软件为 iGEM 竞赛软件与人工智能赛道参赛项目, 旨在结合人工智能技术解决合成生物学中的蛋白质定位问题。软件基于 Spring Boot 和 Vue 框架开发, 实现了融合蛋白生成、蛋白质 3D 结构可视化、功能性和稳定性评估、定向进化、光遗传学定位等功能。项目经历了完整的软件过程管理, 从设计到交付总计用时八个月。项目链接: <https://2024.igem.wiki/tongji-software>
- 技术栈: Spring Boot, MyBatis-Plus, MySQL, GitLab CI/CD, Docker, Vue, TS, Vuetify, NGL, Flask, AlphaFold, Rosetta
- 工作内容: 1. 负责软件全栈开发, 构建支持分子标签设计与优化的系统, 确保高效的数据处理与模型集成; 2. 设计 MySQL 数据库, 支持信号肽、连接子、用户查询记录等多维数据存储, 通过索引优化减少查询记录时间; 3. 集成 AlphaFold 和 Rosetta 计算引擎实现融合蛋白生成和稳定性评估, 集成图神经网络模型实现蛋白质定向进化; 4. 在融合蛋白生成与定向进化过程中, 使用布隆过滤器判断某分子标签组合是否已被计算过, 显著减少算力资源消耗; 5. 通过 SSH 隧道建立加密通道, 解决 AutoDL 算力平台端口限制, 保障 GPU 计算服务稳定调用; 6. 由于官方文档落后, 基于 NGL 库渲染蛋白质 3D 结构时遇到问题, 通过阅读并分析源码解决问题。
- 成果: 本项目获得 iGEM 竞赛国际金奖 (**全球前 10%**), 得到近百位国际合成生物学工作者的高度认可, 软件被麻省理工学院、清华大学、华东理工大学等数个科研团队使用, 同时我作为负责人之一带领同济团队前往法国巴黎线下展示项目。

专业技能

计算机基础: 掌握数据结构与算法、操作系统、计算机网络等计算机核心知识, 了解常用的设计模式

编程语言: 掌握 Java 基本语法、面向对象特性、异常处理与集合框架, 了解 C/C++ 常用语言细节

开发工具: 熟练使用 Git, Docker, Docker Compose, Maven, IDEA 等开发工具, 熟悉 Linux 环境及基本操作

数据库: 具备数据库设计能力, 熟悉 MySQL 和 Redis

后端开发: 掌握 Spring Boot 和 MyBatis 等框架, 了解 Spring IoC 和 AOP 原理

前端开发: 掌握 Web 基本开发技能, 熟悉 Vue.js 生态, 具备全栈开发经验

DevOps: 有 GitHub Actions 和 GitLab CI/CD 使用经验, 有持续集成持续部署环境搭建经验

软技能: 具备良好的问题解决、沟通协作及学习能力, 能高效定位问题、协同团队开发, 并持续学习新技术提升技能