**林继申**

(+86) 15143305542 | [minmuslin@outlook.com](mailto:minmuslin@outlook.com) | 中共党员

个人主页：<https://www.minmuslin.cn> | 求职意向：后端开发



**教育经历**

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **同济大学 985** 本科 – 软件工程专业 | | | 2022/08 – 2026/06 |
| GPA：4.73 / 5.00 (百分制成绩 **92.27**) | 排名：14 / 199 (**7%**) | 英语水平：CET-6 | |
| 以**项目负责人**身份主持两项机器学习领域项目：三维图像传感器信号增强网络的轻量化方法 **(国家级)**、门禁检测口罩佩戴系统 **(省级)** | | | |
| 奖项与荣誉：国际基因工程机器大赛 (iGEM) **国际金奖**、中国国际大学生创新大赛 (2024) **上海市金奖 (省级)** 和**全国铜奖**、唐仲英德育奖学金 (1%)、校级学业奖学金一等奖 (5%)、社会活动奖学金 (5%)、优秀班级干部称号 (1%)、优秀学生称号 (5%) | | | |



**实习经历**

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| **北京字节跳动科技有限公司** | 抖音电商部门后端开发实习生 | 2025/05 至今 |
| * **描述：** * **工作内容：** * **成果：** | | |
| **太平洋保险集团长江养老保险股份有限公司** | 信息技术部门实习生 | 2024/07 – 2024/08 |
| * **描述：**参与公司尽调助手开发与搭建，旨在通过自动化工作流程提高尽职调查效率，解决传统尽调过程中耗时长、成本高的问题。 * **工作内容：**在服务器本地部署 Dify，设计并实现尽调助手 Workflow，涵盖问题分类、会议纪要生成、观点一致性分析及常规问题处理；集成数据库并调用 LLM 接口高效处理，设计分类与处理逻辑，测试并优化 Workflow，确保功能准确高效。 * **成果：**成功部署并上线尽调助手，问题分类准确率超 95%，会议纪要生成与观点分析功能显著提升效率，获得尽调团队积极反馈。 | | |



**项目经历**

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| **智幕云：智慧幕墙数据集管理平台** | 项目负责人 | 2024/10 – 2025/03 |
| * **描述：**本项目为同济大学智慧幕墙科研团队提供高效、安全的数据存储、处理和分析服务，推动土木工程科学与计算机科学的深度融合与创新应用。平台支持多维度数据集管理、权限控制及自动化运维，为智慧幕墙的仿真分析与实验研究提供核心数据支撑。 * **技术栈：**Spring Boot, MyBatis, OSS SDK, MySQL, GitHub Actions, Docker Compose, Nginx, Vue, TS, Element-Plus * **工作内容：**1. 负责数据集管理平台全栈开发，为十个外部子系统提供用户权限认证、资源访问控制与数据交互服务，保障安全性；   2. 基于阿里云 OSS SDK 实现数据集的上传、下载、存储等操作，采用冷归档策略完成删除业务，实现数据自动备份；  3. 搭建基于 GitHub Actions 的 CI/CD 流水线，集成自动化测试、镜像构建与容器部署，实现日志记录功能；  4. 使用 Docker Compose 编排多容器服务，通过 Nginx 反向代理解决矩池云 GPU 算力平台的跨域问题。   * **成果：**成功交付平台并稳定运行，日均处理超 10,000 次数据请求，支撑金属幕墙锈蚀污损检测、玻璃幕墙爆裂检测、石材幕墙裂缝检测等十项核心研究。智慧幕墙平台被纳入同济大学重点科研基础设施，目前正在申请软件著作权。 | | |
| **Atlas.Y：用于优化酵母菌亚细胞定位的分子标签设计软件** | 软件开发组负责人 | 2024/03 – 2024/10 |
| * **描述：**本软件为 iGEM 竞赛软件与人工智能赛道参赛项目，旨在结合人工智能技术解决合成生物学中的蛋白质定位问题。软件基于 Spring Boot 和 Vue 框架开发，实现了融合蛋白生成、蛋白质 3D 结构可视化、功能性和稳定性评估、定向进化、光遗传学定位等功能。项目经历了完整的软件过程管理，从设计到交付总计用时八个月。项目链接：<https://2024.igem.wiki/tongji-software> * **技术栈：**Spring Boot, MyBatis-Plus, MySQL, GitLab CI/CD, Docker, Vue, TS, Vuetify, NGL, Flask, AlphaFold, Rosetta * **工作内容：**1. 负责软件全栈开发，构建支持分子标签设计与优化的系统，确保高效的数据处理与模型集成；   2. 设计 MySQL 数据库，支持信号肽、连接子、用户查询记录等多维数据存储，通过索引优化减少查询记录时间；  3. 集成 AlphaFold 和 Rosetta 计算引擎实现融合蛋白生成和稳定性评估，集成图神经网络模型实现蛋白质定向进化；  4. 在融合蛋白生成与定向进化过程中，使用布隆过滤器判断某分子标签组合是否已被计算过，显著减少算力资源消耗；  5. 通过 SSH 隧道建立加密通道，解决 AutoDL 算力平台端口限制，保障 GPU 计算服务稳定调用；  6. 由于官方文档落后，基于 NGL 库渲染蛋白质 3D 结构时遇到问题，通过阅读并分析源码解决问题。   * **成果：**本项目获得 iGEM 竞赛国际金奖 (**全球前 10%**)，得到近百位国际合成生物学工作者的高度认可，软件被麻省理工学院、清华大学、华东理工大学等数个科研团队使用，同时我作为负责人之一带领同济团队前往法国巴黎线下展示项目。 | | |



**专业技能**

|  |  |
| --- | --- |
| **计算机基础：** | 掌握数据结构与算法、操作系统、计算机网络等计算机核心知识，了解常用的设计模式 |
| **编程语言：** | 掌握 Java 基本语法、面向对象特性、异常处理与集合框架，了解 C/C++ 常用语言细节 |
| **开发工具：** | 熟练使用 Git, Docker, Docker Compose, Maven, IDEA 等开发工具，熟悉 Linux 环境及基本操作 |
| **数据库：** | 具备数据库设计能力，熟悉 MySQL 和 Redis |
| **后端开发：** | 掌握 Spring Boot 和 MyBatis 等框架，了解 Spring IoC 和 AOP 原理 |
| **前端开发：** | 掌握 Web 基本开发技能，熟悉 Vue.js 生态，具备全栈开发经验 |
| **DevOps：** | 有 GitHub Actions 和 GitLab CI/CD 使用经验，有持续集成持续部署环境搭建经验 |
| **软技能：** | 具备良好的问题解决、沟通协作及学习能力，能高效定位问题、协同团队开发，并持续学习新技术提升技能 |