@kochi0603

2017.07.08

KNIMEのBATCH MODEを使ってみた

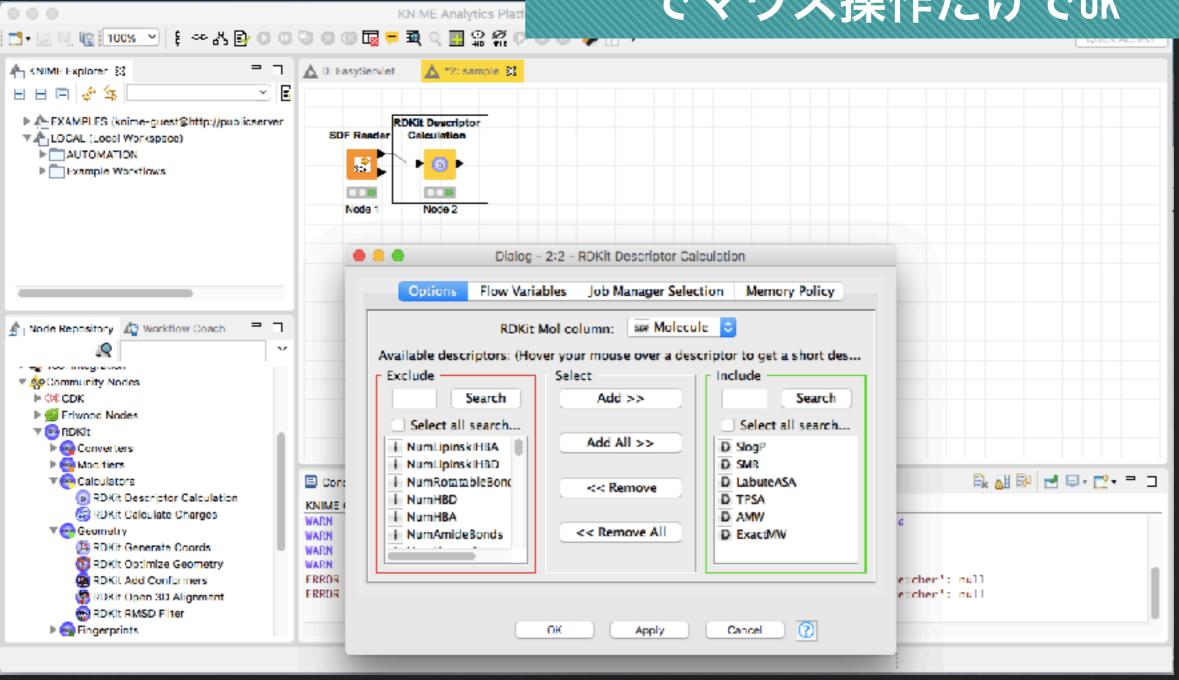
最近KNIMEをよく使ってます。

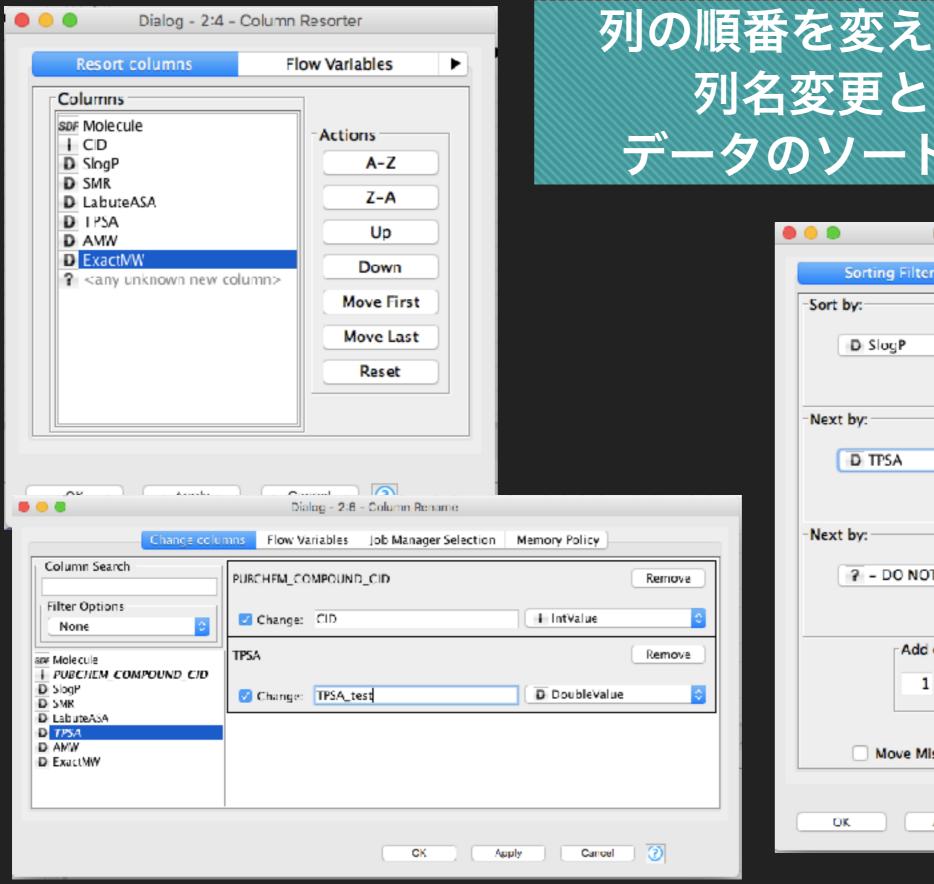
- 起動は遅いけど、PPよりもワークフロー(=プロトコル)を 作りやすい。
 - ▶ 例) PPって列名を手書きすることが多いけど、KNIMEは ほとんどない。
- ▶ 今日は、いい点、悪い点の紹介と、batch mode(コマンドライン)でどこまで使えるかを紹介します。

いい点



直前のノードが保持するテーブルの列がリストアップされるのでマウス操作だけでOK





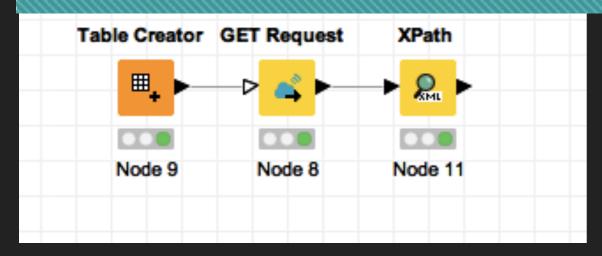
列の順番を変えるとか、 列名変更とか、 データのソートとか。

Sorting Filter	Flow Variables
Sort by:	
(Ascending
D SlogP	
	 Descending
Next by:	
D TPSA	Ascending
	 Descending
Next by:	
? - DO NOT SORT -	Ascending
	O Descending
Add columns	
1 0 n	ew columns
Sort I	n memory
Move Missing Cel	Is to end of sorted list

XMLを扱う機会は減ったけど、 XPATHの指定もマウスで選ぶだけでいい

HTTP://TOGOWS.ORG/ENTRY/PUBMED/20472643.XML

からXML→ABSTRACT抽出



	Add XPath Edit XPath Remove XPath	
KML-Cell Preview		
33	<title>Nucleic acids research</title>	
34	<isoabbreviation>Nucleic Acids Res.</isoabbreviation>	
35		
36	<articletitle>TogoWS: integrated SOAP and RES</articletitle>	
37□	<pagination></pagination>	
38	<pre><medlinepgn>W/06-11</medlinepgn></pre>	
39		
40	<pre><elocationid eidtype="doi" validyn="Y">10.109</elocationid></pre>	
41 Fl	<abstract></abstract>	
42	AbstractText >Web services have become wid	
43		
44 🗆	<pre><authorlist completeyn-"y"=""></authorlist></pre>	
45 □	<author valicyn="Y"></author>	
46	<pre><lastname>Katayana</lastname></pre>	
47	<forename>Toshiaki</forename>	

Dialog - 2:11 - XPath

Flow Variables

Job Manager Selection

Type

dArticleSet/PubmedA... String(SingleCell)

スクリプト言語

Java

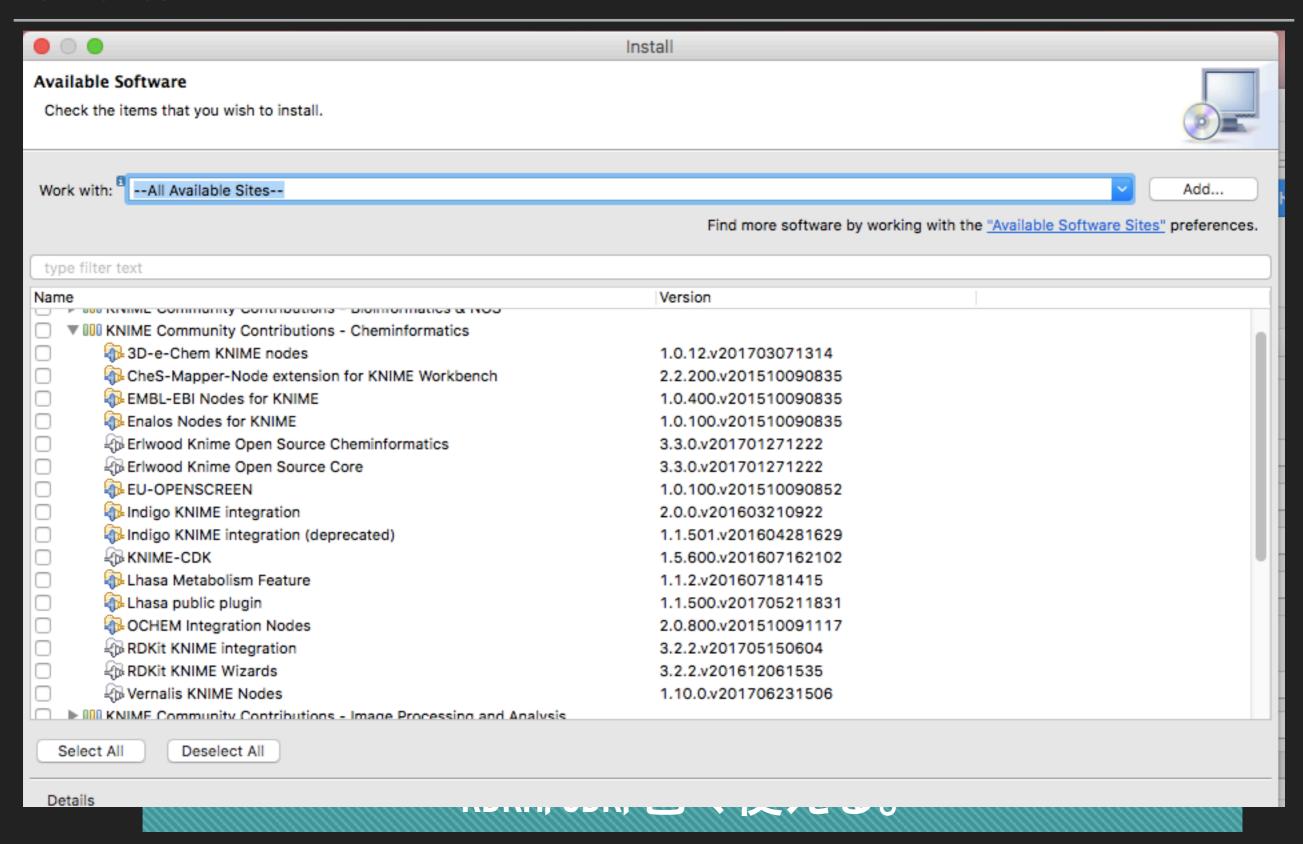
KNIMEはJavaなの 入力画面が使いにくい。 で動作は早い 型変換とか面倒。

Python (2.7)

pandasが大好きな 1行ずつ処理されず、全件人には良い 一括処理しかできない

Perl 比較的書きやすい 絶賛するほどでもない

PPのパイロットスクリプトのような存在がないから、なんとか標準ノードだけを組み合わせて処理させようとする。(いい意味で)



悪い点

- ▶起動が遅い。
 - extensionを入れれば入れるほど遅くなるので、all free extensions は避け、まっさらでインストールして、必要なものだけ選ぶ。
- ▶ freeなAnalytics版には<mark>PP</mark>のWebPort機能がない(有償のKNIME Server版にはある)
- ▶ 複数人でシェアするにはxmlでimport,exportするしかない
- 国内にコミュニティーがない。教えてくれる人がいない

KNIMEは誰向けのソフトか?

- ITじゃない人でちょっとしたデータ処理を自力でやりたい 人?
 - ▶ 初心者にKNIMEの基本機能を2h教えると、XLSやSDF をマージ等できるようになった
 - ▶ **PP**やWebPort化するほどでない処理は結構ある
- ▶ ITな人は遅さやスクリプトの不自由さに満足できない??

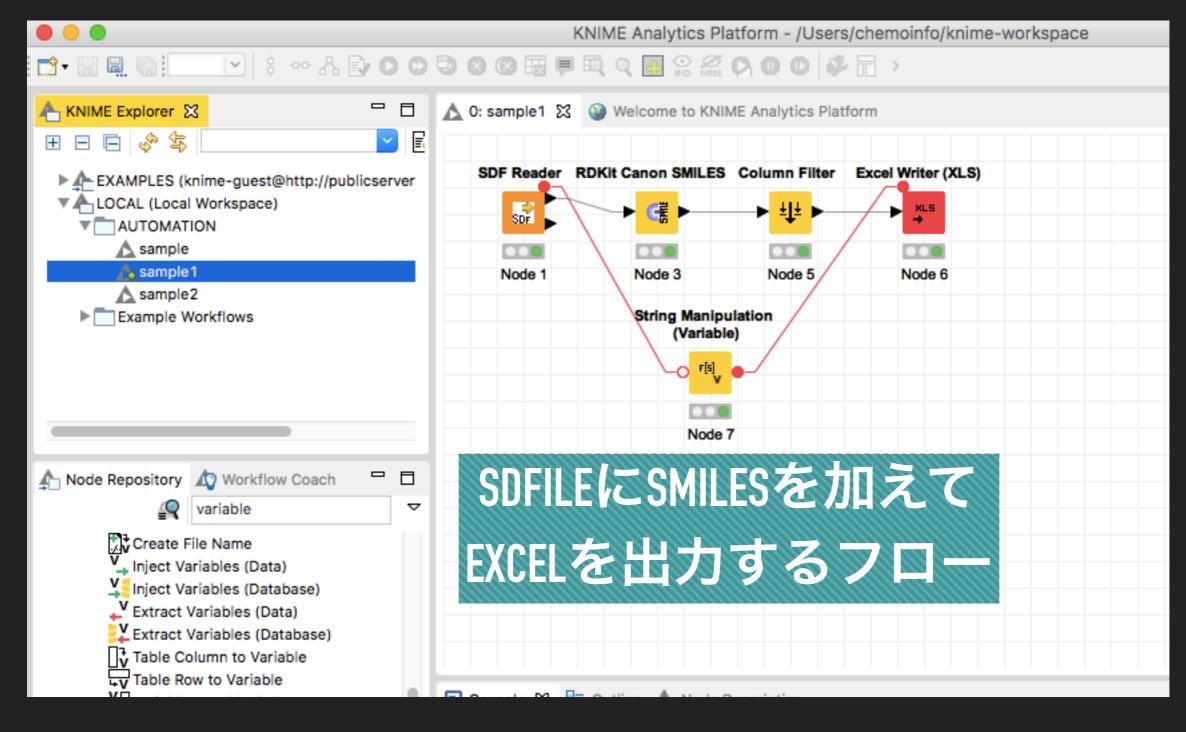
BATCH MODE &

使ってみる

BATCH MODE(コマンドライン)で実行できるよ

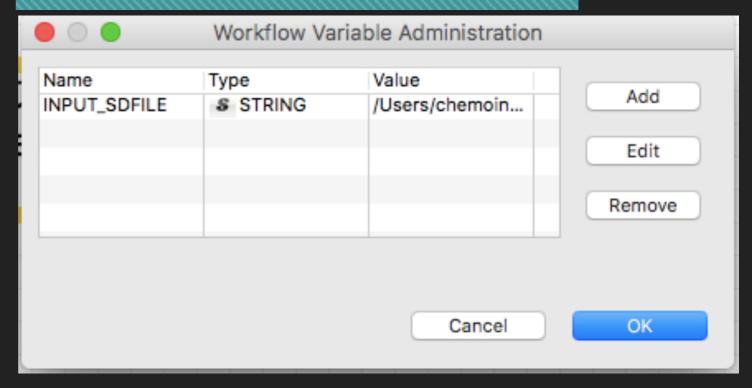
- コンソールで、↓のように実行
 - Knime -consoleLog -nosplash -reset -noexit -application org.knime.product.KNIME_BATCH_APPLICATION workflowDir="/Users/chemoinfo/knime-workspace/ AUTOMATION/sample1"
 - 対話型ではないので、指定したワークフローを実行して終了
 - ▶ 処理内容を都度変更したい時には、FlowVariableを使う

こんな感じで作ります。

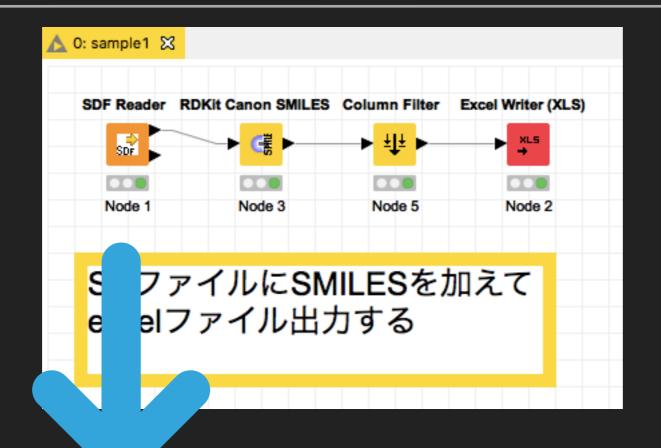


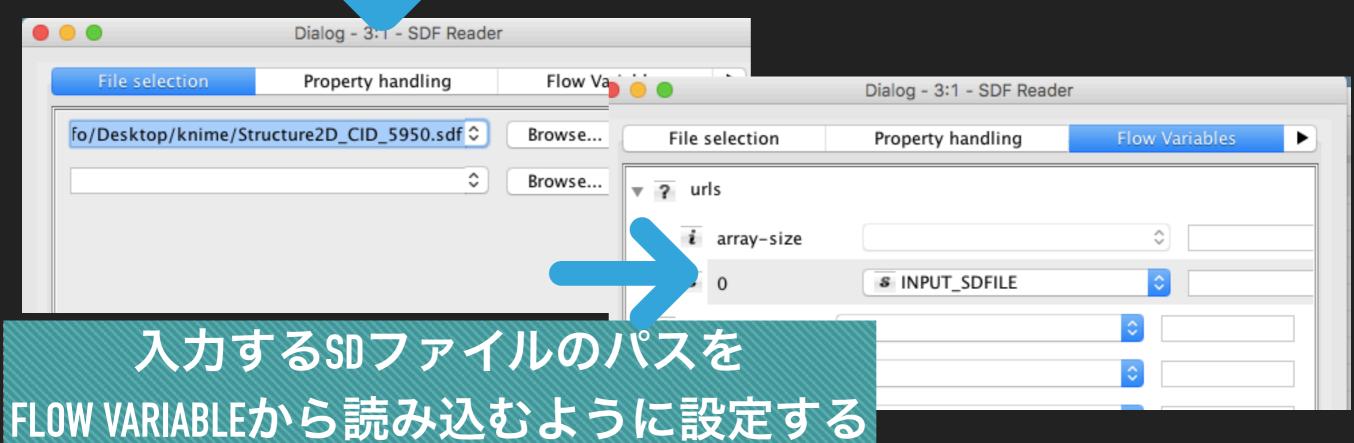
作成したWORKFLOWに A KNIME Explorer 🔀 ▲ 3: sar ≣ ⊞ ⊟ ⊟ 🕏 SDF EXAMPLES (knime-guest@http://publicserver LOCAL (Local Workspace) ▼ AUTOMATION 🛕 sample 🄥 sample 1 New KNIME Workflow... A samp Example New Workflow Group... Import KNIME Workflow... Export KNIME Workflow... Delete... A Rename... A Node Repositor Configure... **▶**ı#.10 Execute... ▶ ▲ Manipulation Cancel execution ▶ Q Views Reset ▶ Malytics Database QuickForm Execution... ▶ 🛱 Other Data Structured [Workflow Credentials... ► (···) Scripting Workflow Variables... Tool Integra Community Edit Meta Information... ▶ ▲ KNIME Labs V. Workflow Co Refresh ▶ x Chemistry

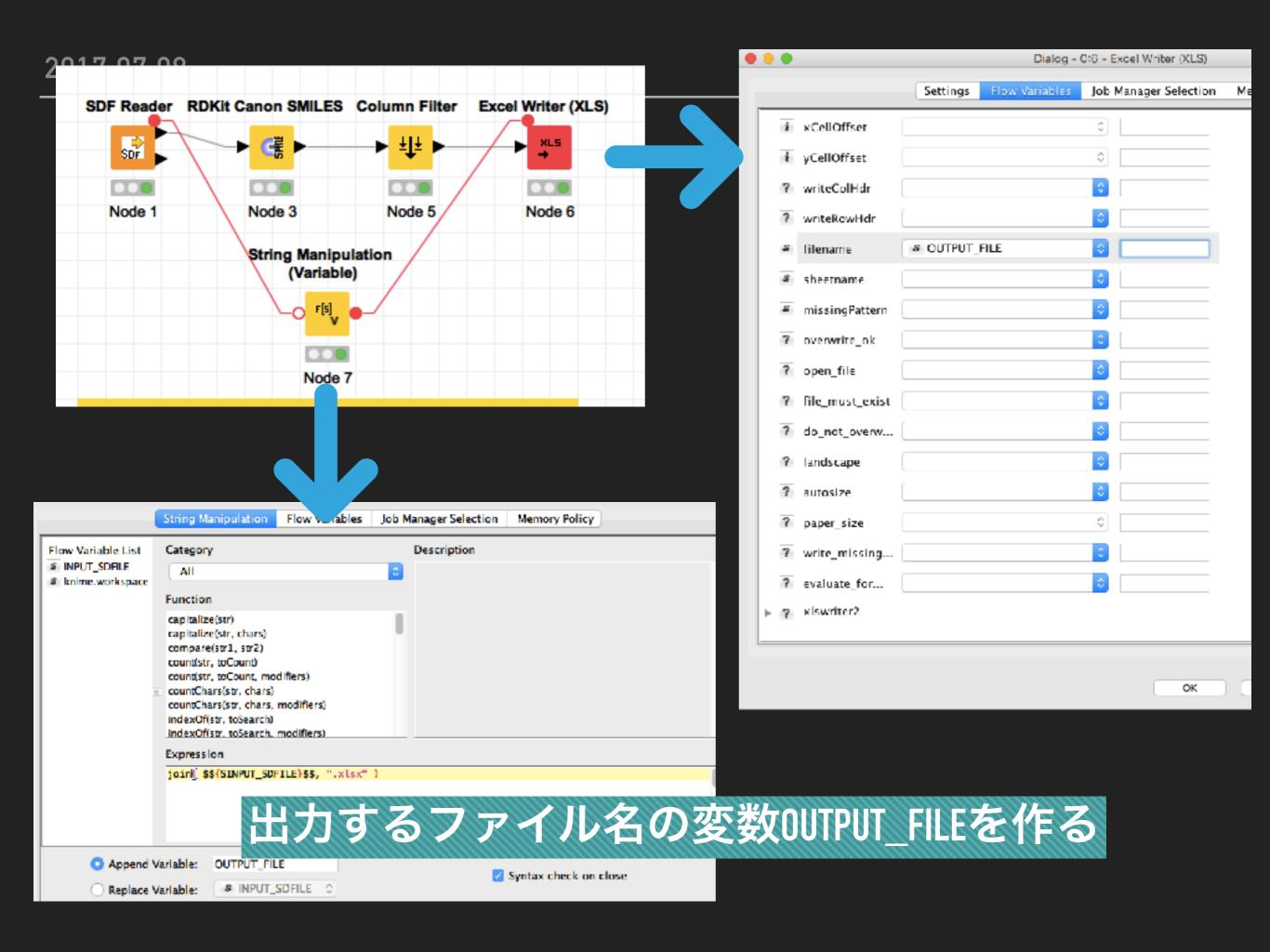
変数INPUT_SDFILEを追加する

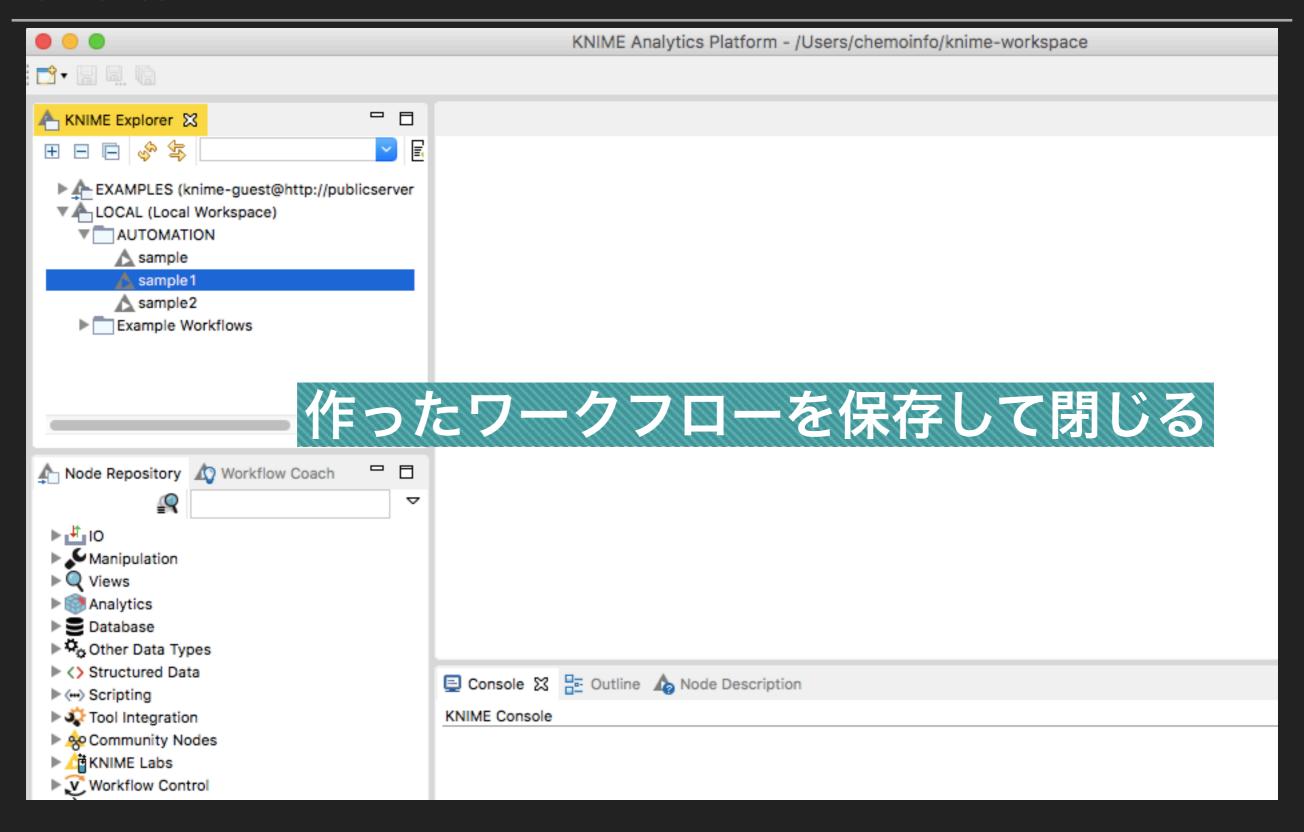


Add/Edit Workflow Variable		
Variable name:	INPUT_SDFILE	
Variable Type:	STRING	
Default value:	/Users/chemoinfo/Desktop/knim	
	Cancel	









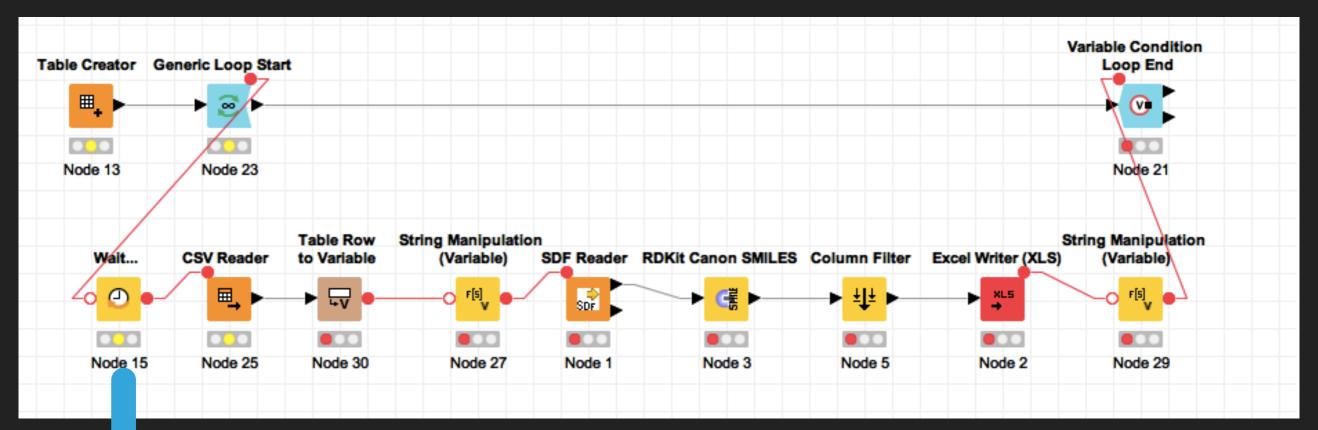
BATCH MODEを使ってみた

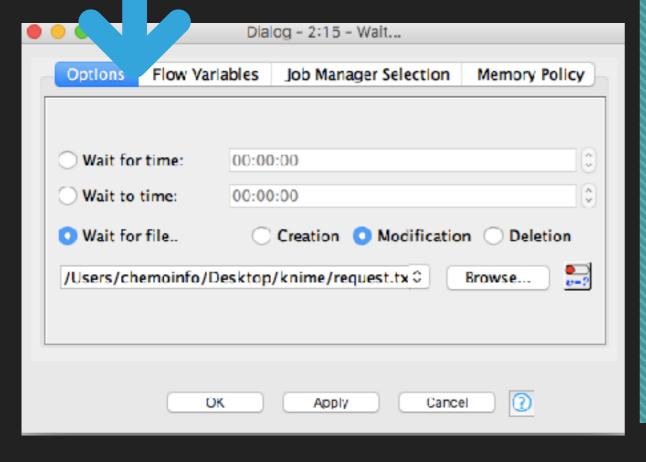
```
/Applications/KNIME\ 3.3.1.app/Contents/
MacOS/Knime -consoleLog -nosplash -reset -
noexit -application
org.knime.product.KNIME_BATCH_APPLICATION -
workflowDir="/Users/chemoinfo/knime-
workspace/AUTOMATION/sample1"
```

-workflow.variable="INPUT_SDFILE,/
Users/chemoinfo/Desktop/knime/
sample.sdf,String"

BATCH MODEの使い道

- ▶ GUIよりも起動時間は半分くらい。でも早くはない。
 - メモリも半分くらい。
- 別途WEBサーバーを立てて、batch modeからMOEとか SchrodingerのExtenstionを呼び出すこともできる。が、 あまり早くはない。でも。KNIME Serverも結構高い。





おまけ:起動時間を省略する方法 無限LOOPを作って、 WAITでファイルを監視する。 ファイル内に処理したいファイル名を書いておく