

国際塩基配列データベース見聞録 2018

大学共同利用機関法人 情報・システム研究機構
データサイエンス共同利用基盤施設
ライフサイエンス統合データベースセンター

坊農 秀雅

bono@dbcls.rois.ac.jp

国際塩基配列データベース見聞録

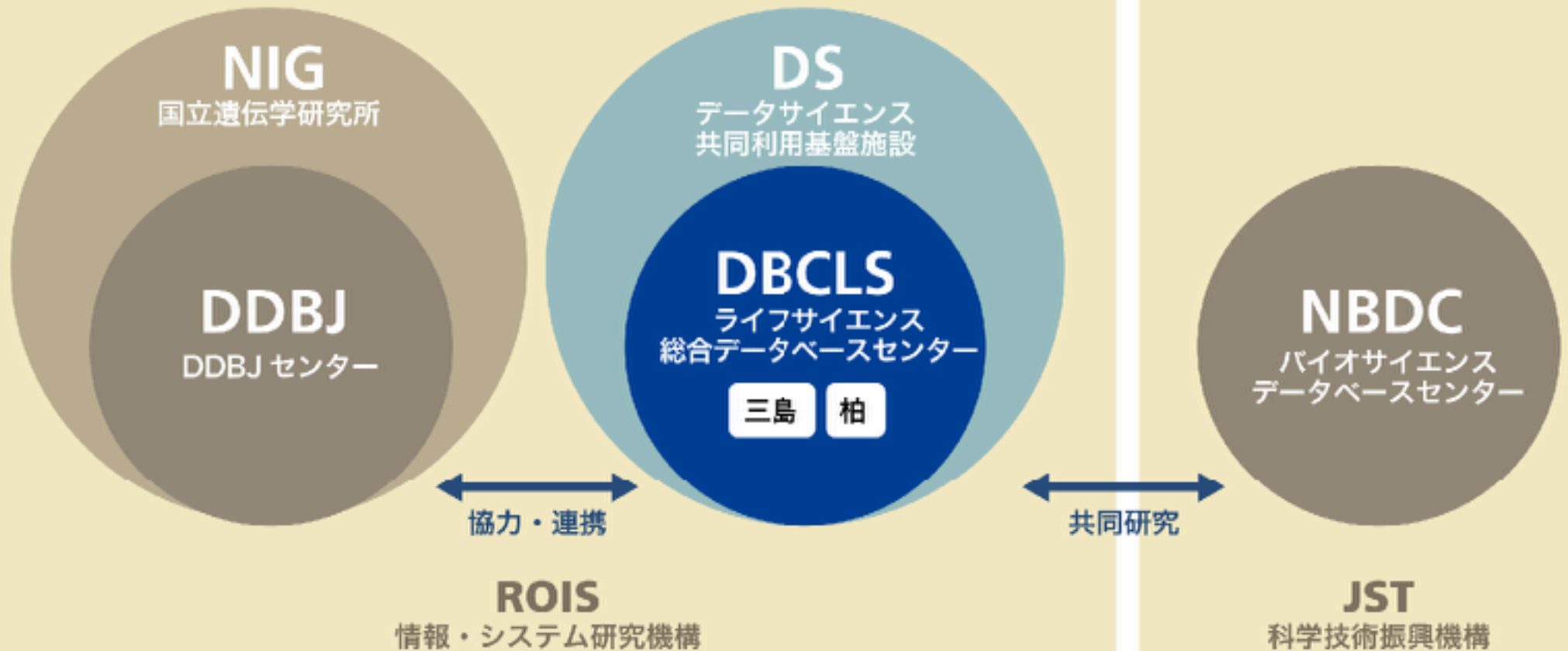
大学共同利用機関法人 情報・システム研究機構
データサイエンス共同利用基盤施設
ライフサイエンス統合データベースセンター

坊農 秀雅

bono@dbcls.rois.ac.jp



DBCLS?



トーゴーしてます

データベース利用者

アプリケーション開発者

大規模データ解析者

データ所有者



アプリケーション開発
データベース
統合利用環境の構築



ミドルウェア開発
データベースの
効率的な運用と拡張



データベース統合
データベース統合化のための
基盤技術開発



データベース統合化支援
データベース統合化のための
国際標準整備



広報



教育活動



国内・国際連携

最近のトーゴー



[Home](#) [Datasets](#) [Terms](#) [Contact](#) [About](#) [Help](#)

[Variant Information](#) [Frequency](#) [Genomic context](#) [Transcripts](#) [Publications](#)

Variant report

ID: **tgV47264307**

Variant

Chromosome 12
Position 112241766
Ref allele G
Alt allele A

Variant type

S SNV

ClinVar

P Pathogenic

JGA-NGS

52 / 250

0.208

JGA-SNP

90026 / 365930

0.246

3.5KJPN

1257 / 6584

0.191

HGVD

451 / 1890

0.239

ExAC

1878 / 88224

0.021

rs671

Frequency

Dataset	Population	Allele count		Alt allele freq	Genotype count			Filter status
		Alt	Total		Alt / Alt	Alt / Ref	Ref / Ref	
JGA-NGS	Japanese	52	250	0.208				PASS
JGA-SNP	Japanese	90,026	365,930	0.246	11,778	66,470	104,717	N/A
3.5 KJPN	Japanese	1,257	6,584	0.191				PASS
HGVD	Japanese	451	1,890	0.239				PASS
ExAC	Total	1,878	88,224	0.021				PASS
	African	1	7,614	1.313e-4				-
	East Asian	1,860	6,992	0.266				-
	European (Finnish)	0	4,554	0.0				-
	European (Non-Finnish)	3	48,388	6.200e-5				-
	Latino	8	7,302	0.001				-
	Other	3	668	0.004				-
	South Asian	3	12,706	2.361e-4				-

International Nucleotide Sequence Database Collaboration (INSDC)

<http://www.insdc.org/>

	DDBJ	EMBL-EBI	NCBI
Next Generation reads	Sequence Read Archive		Sequence Read Archive
Capillary reads	Trace Archive		Trace Archive
Annotated sequences	DDBJ	European Nucleotide Archive (ENA)	GenBank
Samples	BioSample		BioSample
Studies	BioProject		BioProject

アーカイブされているが、
検索や再利用し辛い



DBCLS SRA

Yellow pages for SRA

☒ <http://SRA.dbcls.jp/>



AOE

All of gene expression

☒ <http://AOE.dbcls.jp/>

Reminder to deposit DNA sequences

nature.com : Publications A-Z index : Browse by subject

 Cart : [Login](#) : [Register](#)

nature

International weekly journal of science

Search

Go

[► Advanced search](#)

[Home](#) | [News & Comment](#) | [Research](#) | [Careers & Jobs](#) | [Current Issue](#) | [Archive](#) | [Audio & Video](#) | [For Authors](#)

[Archive](#) > [Volume 533](#) > [Issue 7602](#) > [Correspondence](#) > [Article](#)

ARTICLE PREVIEW

[view full access options](#) ►

NATURE | CORRESPONDENCE



Databases: Reminder to deposit DNA sequences

Steven L. Salzberg

Nature **533**, 179 (12 May 2016) | doi:10.1038/533179a

Published online 11 May 2016

 [Citation](#)  [Reprints](#)  [Rights & permissions](#)  [Article metrics](#)

As members of the Advisory Committee to the International Nucleotide Sequence Database Collaboration (INSDC), which includes the DNA Data Bank of Japan (DDBJ), European Nucleotide Archive (ENA) and GenBank databases, we wish to remind the research community of the importance of depositing complete DNA-sequence data in these databases on publication...

Editors' pick



The truth about reproducibility: A survey of over 1,500 researchers shows that 70% have failed to reproduce another's experiment ►

Science jobs

Science events

naturejobs.com

Research Engineer / Research Scientist in Renewable Energy

King Fahd University of Petroleum & Minerals

Faculty Positions at IDG / McGovern Institute for Brain Research at Peking University

Reminder to deposit DNA sequences

Science

Home News Journals Topics Careers

Search



Log in • My account • Contact Us

Subscribe Renew my subscription • Sign up for alerts • Librarians



19



0

LETTERS

Reminder to deposit DNA sequences

Mark Blaxter¹, Antoine Danchin², Babis Savakis³, Kaoru Fukami-Kobayashi⁴, Ken Kurokawa⁵, Sumio Sugano⁶, Richard J. Roberts⁷, Steven L. Salzberg^{8,*}, Chung-I Wu^{9,10}

+ Author Affiliations

*Corresponding author. Email: salzberg@jhu.edu

Science 13 May 2016:
Vol. 352, Issue 6287, pp. 780
DOI: 10.1126/science.aaf7672

Article

Figures & Data

Info & Metrics

eLetters



PDF

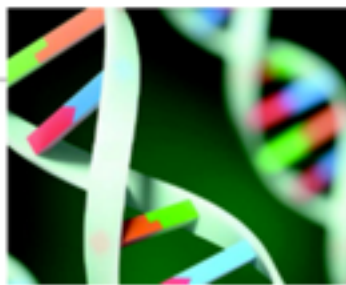
You do not have access to the full text of this article. the first page of the [PDF](#) of this article appears below.

INSIGHTS | LETTERS

LETTERS

Edited by Jennifer Sills

Reminder to deposit



for the article's inappropriate placement and to henceforth refrain from publishing articles that suggest Crimea to be under Russian jurisdiction.

The News story invokes a picture that is very different from the reality in Crimea: Occupation authorities prosecute everyone who dares express an opinion opposing the



Science

Vol 352, Issue 6287
13 May 2016

[Table of Contents](#)

[Print Table of Contents](#)

[Advertising \(PDF\)](#)

[Classified \(PDF\)](#)

[Masthead \(PDF\)](#)

ARTICLE TOOLS

Email

Print

Alerts

Citation tools

Download Powerpoint

Save to my folders

Request Permissions

Share

SIMILAR ARTICLES IN:

- [PubMed](#)
- [Google Scholar](#)

Shizuoka.ngs#1

エンジニアのための生命科学データ解析の勉強会@静岡

拙著『[Dr.Bonoの生命科学データ解析](#)』を題材に、生命科学データ解析の初学者や学び直したい方向けに歴史と現在の状況を理解する読書会が2017年12月に静岡で開かれた。静岡で開かれたにもかかわらずわりと盛況だったが、生命科学バックグラウンドの人が多く、そのエリアのシステムエンジニアさんの参加はほとんどなかった。

Photo by @oec014



そこで今回、生命科学ガチ初心でもできる!エンジニアのための生命科学データ解析の勉強会 [Shizuoka.ngs#1](#) が企画された。[2018年6月30日\(土\)、場所は前回の読書会と同じ静岡駅前。](#) RNAの発現量を配列カウント数から推定するRNA-seqデータ解析は、生命科学初心者にも取っ付きやすいのではないかとということと、[次世代シーケンサーDRY解析教本](#)にもそのやり方が載っているが、より新しい方法が使われるようになってきていることなどから今回題材にあげることとなった。

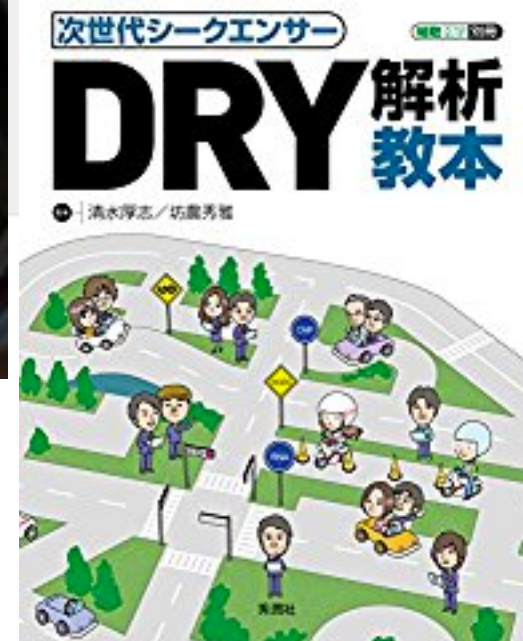
Links


- [bonohu blog](#)
- [Dr.Bono's website](#)
- [Europe PMC](#)
- [GitHub](#)
- [ORCID](#)
- [PubMed](#)
- [ResearchMap](#)

Tags

Social

- [Figshare](#)





求む！

静岡エリアで

Next

Generation

System Engineer

Shizuoka.ngs