



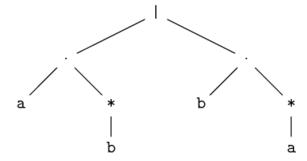
Théorie des Graphes Arbres et Forêts

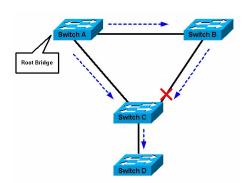
Fabrice Theoleyre

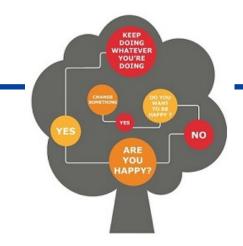
theoleyre@unistra.fr http://www.theoleyre.eu

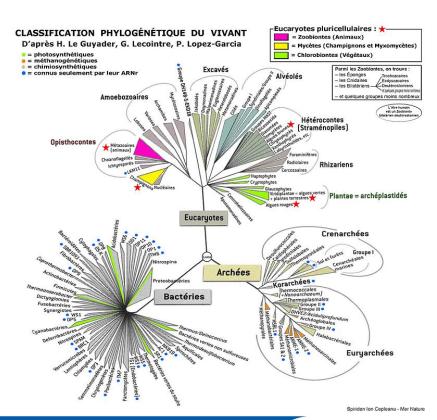
De l'utilité des arbres

- Arbres de décision
- Expressions régulières
- Les pannes dans Ethernet
- Phylogénie









Arbres & Forêts

- Soit G=(S,A) un graphe (non orienté simple). On dit que :
 - G est une forêt si G est sans cycle
 - Cycle = Une suite d'arêtes telle que je reviens à mon point de départ sur au moins un sommet
 - G est un arbre si c'est une forêt connexe
 - Dans les 2 cas, il s'agit d'une relation irréflexive (graphe sans boucle)

- Soit G=(S,A) un graphe tel que |A| >= 1
 - (i) si G est connexe alors |A| >= |S|-1
 - (ii) si G est sans cycle alors |A| <= |S|-1
 - (iii) si G est un arbre alors |A| = |S|-1
 - ❖ preuves en exercices!





Propriétés (en terme de connexité)

- Soit G=(S,A) un graphe avec au moins un sommet. Les assertions suivantes sont équivalentes :
 - (i) G est connexe et sans cycle (i.e. G est un arbre)
 - (ii) G est connexe et |A|=|S|-1
 - (iii) G est sans cycle et |A|=|S|-1
 - (iv) G est sans boucle et pour toute paire de sommets distincts de S, il existe une unique chaine entre eux.



- Preuves en exercices
 - en particulier (iii) => G est connexe



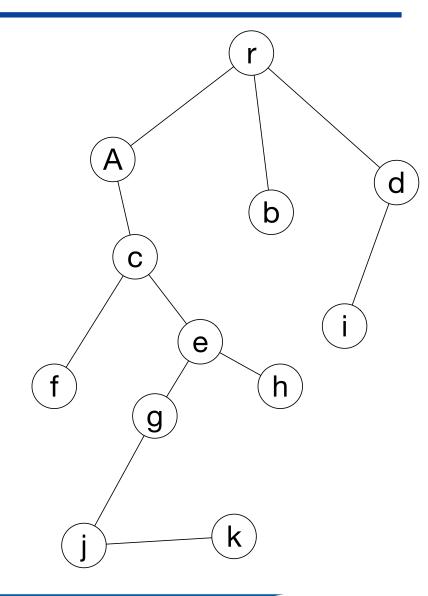
Arbres enracinés

- Soit G=(S,A) un arbre et r ∈ S
 - Le triplet T=(S,A,r) représente l'arbre enraciné en r
 - On dit que r est la racine (root) de T
 - la terminologie des graphes reste identique (sommets, arêtes, etc)
- T un arbre enraciné en r
 - x ∈ S
 - → il existe une unique chaine (élémentaire) entre r et x
 - Le chemin entre deux sommets quelconques du graphe est unique



Terminologie des arbres enracinés

- Père / fils (parent / child)
 - Soit 2 sommets x et y voisins dans T=(V,E,r).
 - ❖ si x appartient à la chaine de r à y, alors x est le père de y.
 - ❖ sinon x est le fils de y (y appartient à la chaine de r à x).
 - on peut généraliser à ancêtres/ascendant vs. Descendants
- Nœud / feuille (Node / Leaf)
 - x est un noeud (interne) ssi d(x)>=2 (ou x=r et d(r)=1)
 - ❖ interne → au moins un fils
 - x est une feuille ssi d(x)=1 (ou x=r et d(r)=0)
 - ❖ feuille → pas de fils





Terminologie des arbres enracinés (2)

Sous-arbre

- Soit T=(V,E,r) un arbre enraciné
- Un sous arbre (enraciné) de T est un arbre enraciné (V',E',r') tel que
 - ❖ r' est un fils de r et (V',E') est une composante connexe du sous graphe engendré par V\{r}.
 - ❖ r' étant le seul voisin de r (dans T) appartenant à cette composante connexe
- Par abus de langage, on appelle sous arbre tout arbre (enraciné) obtenu en répétant ce procédé.
- Exemple en dessin!

Hauteur

- soit x un noeud appartenant à un arbre enraciné T=(V,E,r)
 - ❖ La hauteur de x dans T est la longueur de la plus petite chaine reliant r à x
 - ❖ la hauteur d'un arbre est la valeur maximale des hauteur des sommets.
- Peut être appelée quelquefois « profondeur »



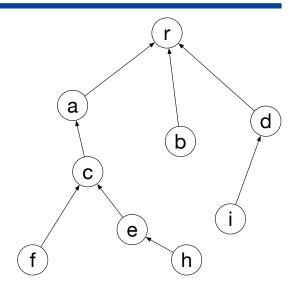
Arborescence

Arborescence

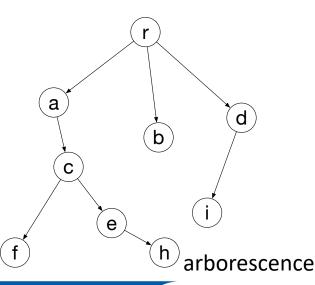
- Un graphe connexe, sans cycle, dont tous les sommets V sont descendants de r
 - Anti-arborescence : ascendants
- Soit T=(V,E,r) un arbre enraciné -- (V,E) est non orienté
 - ❖ Une arborescence : T'=(V,E',r) telle que (V,E') est le graphe partiel obtenu en retirant de E les arêtes de la forme (x,y) où x est un fils de v dans T.
 - Le graphe (V,E) est la fermeture symétrique de (V,E')
 - Relation binaire R sur X \rightarrow S = R \cup { $(x, y) | (y, x) \in R$ }
 - Union de R et de son inverse R^-1

Remarques:

- on utilise souvent le mot arbre pour désigner une arborescence
 - (ou juste un arbre enraciné)
- on peut descendre mais pas remonter
- les notions précédentes sont tis valables : fils = successeur, etc.
- Propriété : Soit T=(V,E,r) une arborescence
 - On a $d^{-}(r)=0$ et $d^{-}(x)=1$ pour tout $x \neq r$



anti-arborescence

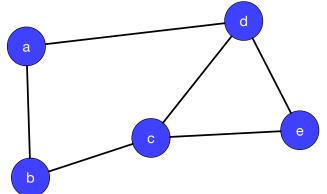


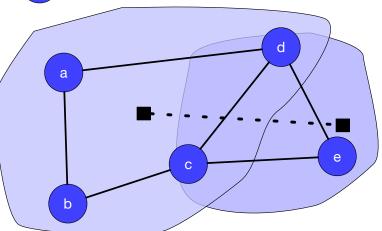


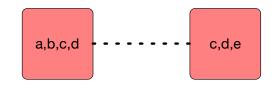
Largeur arborescente (*Tree-Width*)

Décomposition arborescente

- Décomposition de G en sous-ensembles (= étiquette $\lambda(t)$)
 - $\begin{tabular}{ll} $ & \mbox{Associe à chaque étiquette t un sous-ensemble de sommets} \\ $ & \lambda(t) \end{tabular}$
 - $\Leftrightarrow \bigcup_{t \in T} \lambda(t) = V$
 - ❖ Attention, $\bigcap_{t \in T} \lambda(t) = \emptyset$ est **faux** dans le cas général
- T un arbre
- Pour chaque arête (u,v), il existe une étiquette qui contient u et v
- Pour tout sommet v, le sous-ensemble des étiquettes auxquelles il appartient forme une composante connexe
 - \Leftrightarrow $\{t \in T \mid v \in \lambda(t)\}\ connexe$
- Largeur arborescente
 - Plus petite largeur de toutes les décompositions possibles
 - ❖ Cardinal de la plus grande étiquette 1
 - $Arr Max_{t \in T} |\lambda(t)| 1$
 - Calcul NP-difficile
- Métrique qui mesure la proximité par rapport à un arbre
 - Beaucoup de problèmes « faciles » sur les arbres

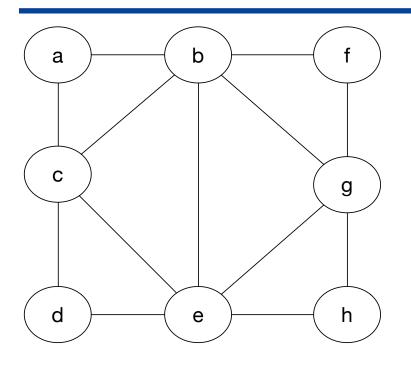




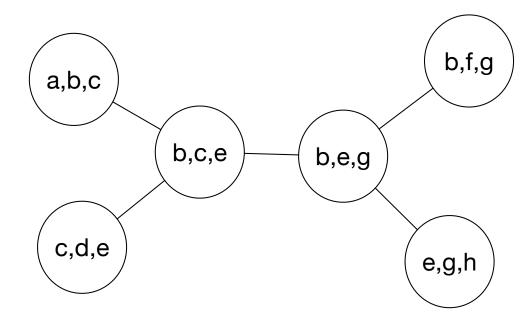




Décomposition arborescente



Largeur arborescente = 2



ARBRES K-AIRES

B-tree, etc.

Arbres k-aires

Arborescence k-aire

- Arbre enraciné dont chaque sommet a au plus k fils
- k=2 → arbre binaire

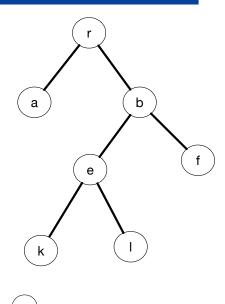


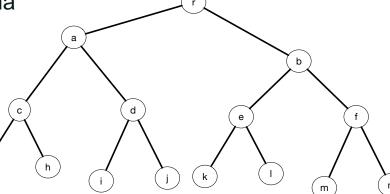
Niveau

Ensemble des sommets équidistants de la racine

❖ À même hauteur (iso-ligne)

- Arbre k-aire localement complet
 - Un sommet possède soit k fils, soit 0
- Arbre k-aire complet
 - Les feuilles sont toutes à la même hauteur





Utilité des arbres binaires

- Arbres binaires de recherche (b-tree)
 - Algorithmes naturellement récursifs
 - Utiles en bases de données
- Stockage mémoire
 - Liste chainée

```
typedef struct{
    elem* gauche;  // si gauche & droit NULL → feuille
    elem* droit;
    void * val;
}elem;
elem *graphe; //élement racine
```

- Création de liste triée
 - Si élément plus petit → insertion à gauche
 - Si élément plus grand → insertion à droite
 - Ajoute au premier pointeur NULL trouvé
- Complexité
 - Ajout en O(log n) en cas moyen, au pire O(n)
 - Recherche en O(log n) en cas moyen, au pire O(n)



Pseudo-Code

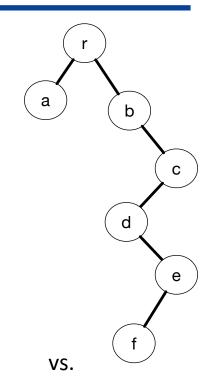
```
void addVal(elem**tree, void *val) {
 //on ajoute l'élément, c'est une feuille
 if (*tree == NULL)
    elem *e
    e->val=val:
   e->left = NULL:
   e->right = NULL;
    *tree = e:
    return();
 //on insère à gauche ou à droite
 if (pval < elem->val)
     addVal(&(elem->gauche), val);
 else
     addVal(&(*elem->droite), val);
```

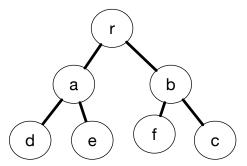
```
void rechSommet(elem *tree, void *val) {
 if (tree == NULL)
   return(NULL);
if (cmp(val, tree->val) == 0)
   return(tree);
 if (cmp(val, tree->val) <0)
   return(rechSommet(tree->gauche,val));
if (cmp(val, tree->val) >0)
   return(rechSommet(tree->droite,val));
```

De la « bonne forme » d'un arbre binaire

Arbre équilibré

- Différence de hauteur entre gauche et droite d'au
- Arbre parfaitement équilibré
 - Différence de cardinalité des sous-arbres de gauche et droite d'au + 1
- Arbre dégénéré
 - Tous les nœuds ont 0 ou 1 fils
 - Arbre filiforme
- Maintenir une faible hauteur
 - Pourquoi?
 - ❖ Parcours de l'arbre jusqu'à une feuille
 - Objectif : Maintenir la hauteur à $\lfloor \log_2(n) \rfloor$
 - ❖ à une constante près

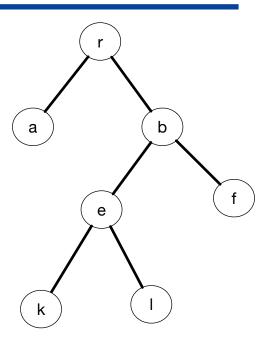






Parcours des arbres binaires

- 3 méthodes spécifiques aux arbres binaires
 - 1. Préfixe
 - *Racine, fils gauche, fils droit
 - Postfixe (ou suffixe)
 - ❖ Fils gauche, fils droit, Racine
 - 3. Infixe
 - ❖ Fils gauche, racine, fils droit
 - **❖** Ex : ((0, a, 0), r, (((0,k,0), e, (0,l,0)), b, (0, f, 0))
 - ❖ Exercice : prouver que le parcours infixe d'un b-tree donne une liste ordonnée de valeurs sous forme croissante
- ... et toujours les parcours en largeur et en profondeur
 - Comment implémenter un parcours en largeur ?
 - ❖ Files d'attente (FIFO)



ARBRES COUVRANTS

De poids min / max

Arbres couvrants

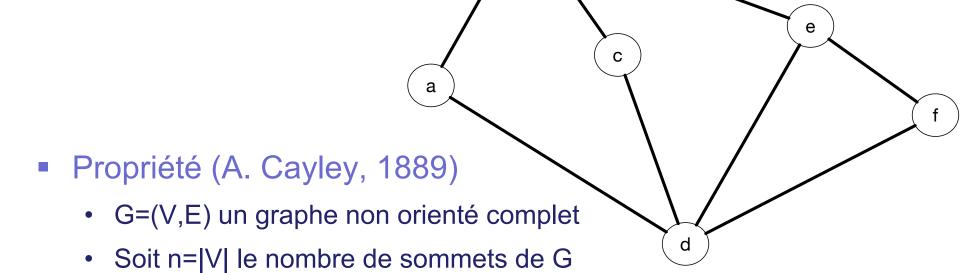
Arbre qui comporte tous les sommets

Il existe nⁿ⁻² arbres couvrants de G.

G=(V,E) un graphe non orienté connexe

Un arbre couvrant de G est un graphe partiel T=(V,E') tel que T soit

un arbre



Arbres couvrants de poids extremum

Graphe pondéré

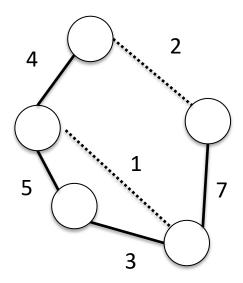
- Poids (réel) associé à chaque arête
- Poids d'un graphe G=(V,E) :
 - $P(G) = \sum_{(x,y) \in E} P(x,y)$
 - P(x,y) dénotant le poids de l'arête (x,y)

- Arbre couvrant de poids minimum
 - Minimum Spanning Tree (MST)
 - graphe partiel T_{min}(V, E') de G=(V,E,P), tel que :
 - $\star T_{min}$ est un arbre couvrant de (V,E)
 - pour toute arbre couvrant $T' \in ST$
 - $\forall T' \in ST, P(T_{min}) \leq P(T')$
 - Arbre couvrant de poids maximum
 - $T' \in ST, P(T_{max}) \ge P(T')$



Propriétés

- Un arbre couvrant de poids minimum pour le graphe G=(S,A,P) = un graphe de poids maximum pour G'=(S,A,-P)
- Soit G=(S,A,P) un graphe pondéré (non orienté, connexe et irréflexif) et soit T=(S,A') un arbre couvrant de G
 - Soit a = (x,y) ∈ A \ A' une arête de G
 - On note C_a ⊆ A l'ensemble des arêtes de G constituant l'unique chaine de x à y dans T.
 - $\forall a \in A \setminus A', P(a) \le \min_{c \in C_a} P(c)$ ssi T est un arbre couvrant de poids **maximum**
 - Soit b ∈ A' une arête de T
 - On note Ω_b ⊆ A / A' l'ensemble des arêtes de A / A' ayant leurs extrémités dans les deux composantes connexes de (S, A'\{b}).
 - ❖ $\forall b \in A', P(b) \ge \max_{c \in \Omega_b} P(c)$ ssi T est un arbre couvrant de poids maximum
 - Ces deux assertions sont donc équivalentes.
 - preuves en exercice



Algorithmes de calculs de MST

- Trouver une méthode efficace de calcul d'arbre de poids extremum
 - Ces calculs sont "équivalents" qu'il s'agisse du poids max ou min
- Recherche exhaustive
 - Calcule le poids de chaque arbre
 - Coût ?
 - ❖ Calcul du poids d'un arbre : somme de ses arêtes, en O(E)
 - Combien d'arbres ?
 - Pire cas du graphe complet de k sommets
 - k^(k-2) arbres
 - ★ K= 50 \rightarrow 50^48 = 3,5 *10^81
 - ❖ Irréaliste...



Kruskal v1: version additive

- Soit G=(S,A,P) un graphe pondéré (non orienté, connexe et sans boucle)
 - n=|S| et m=|A|
 - Soit $A = \{a_i\}_{i=1..m}$ tel que les arêtes ai soient ordonnées par poids décroissant

❖
$$\forall i \in [1., m], P(a_i) \ge P(a_{i+1})$$

- Soit $(A_i)_{i=0..m}$ la suite définie par
 - ♣ A₀=∅

$$\forall i \in [0, m-1], \ A_{i+1} = \begin{cases} A_i \cup \{a_{i+1}\} & si\left(S, A_i \cup \{a_{i+1}\}\right) \ est \ sans \ cycle \\ & A_i \ sinon \end{cases}$$

- Alors (S,Am) est un arbre couvrant de poids maximum
- L'algorithme en découle directement, il se décompose en deux étapes
 - 1. tri des arêtes par ordre décroissant
 - 2. la construction de l'ensemble d'arêtes Am, par ajouts successifs des éléments de la liste triée en vérifiant que cela ne crée pas de cycles dans le graphe partiel
 - ❖ On s'arrête dès que |A_i|=n-1
 - Nombre max d'arêtes dans un arbre (nb sommets -1)



Kruskal v2: version soustractive

- On agit de façon symétrique
 - On supprimer cette fois les arêtes du plus petit poids au plus grand

Formellement

- G=(S,A,P) un graphe pondéré (non orienté, connexe et sans boucle)
- Soit n=|S| et m=|A|
- Soit $A = \{a_i\}_{i=1..m}$ tel que les arêtes a_i soient ordonnés par poids décroissant

$$\forall i \in [1., m], P(a_i) \ge P(a_{i+1})$$

- Soit $(A_i)_{i=0..m}$ la suite définie par
 - ♣ A₀=A

$$\forall i \in [0, m-1], \ A_{i+1} = \begin{cases} A_i \setminus \{a_{i+1}\} \ si \ \left(S, A_i \setminus \{a_{i+1}\}\right) \ est \ connexe \\ A_i \ sinon \end{cases}$$

- L'algorithme version 2 est naturel
 - On supprime tant que le graphe reste connexe



Prim

Arêtes frontières

- Soit G=(S,A) un graphe non orienté
- soit S'⊆S un sous ensemble de sommets de S engendrant le graphe G'=(S',A') sous-graphe de G
- a=(x,y) est une arête frontière de G' ssi $x \in S'$ et $y \notin S'$ (où le contraire)
 - L'ensemble des arêtes frontières est noté δ(G')



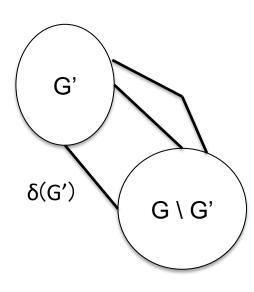
- Soit n=|S| et m=|A|
- Soit x un sommet de G
- Soit la suite $G_i = (S_i, A_i)_{i \in [1..m]}$ par

$$G_1 = (S_1, A_1) = (\{x\}, \emptyset)$$

$$G_{i+1} = (S_{i+1}, A_{i+1}) = (S_i \cup \{z\}, A_{i+1} \cup \{(y, z)\} \text{ tel que}$$

$$- P((y, z)) = \max\{P(a) | a \in \delta(G_i)\} \text{ et } y \in S_i, z \notin S_i$$

Alors G_n=(S,A_n) est un arbre couvrant de poids maximum





Quel algorithme choisir?

- Complexités temporelles des algorithmes
 - Naïvement : O(m^2)
 - Kruskal
 - ❖ tri : O(m log(m)) , quicksort
 - ❖ test pour l'union ou la suppression (version efficace) : O(n log(n))
 - ❖ O(mlog(n)) au pire pour la version additive
 - $O(m \log(n) (\log \log(n^3)))$ en version soustractive
 - Prim
 - ❖ O(m + n log(n)) avec les structures les plus efficaces
- Il existante des variantes plus compliquées pour le calcul d'une arborescence de poids min / max
 - Mais toujours polynomial



Variante de l'arbre de Steiner

Définition

- Soit un graphe G(S,A)
- Soit un sous-ensemble de sommets $S' \subseteq S$
- T(S", A') un sous-graphe de G

$$S'' = S' \cup \{u\}_{u \in S \mid (u,v) \in A'}$$

❖ T est connexe

Problème NP-Complet

