

中山大学计算机学院 人工智能

本科生实验报告

(2025 学年春季学期)

课程名称: Artificial Intelligence

教学班级	专业 (方向)	
学号	姓名	

一、 实验题目

(1) 启发式搜索解决 15-Puzzle 问题

利用 A*算法和 IDA*算法解决 15-Puzzle 问题,可自定义启发式函数. Puzzle 问题的输入数据类型为二维嵌套 list,空位置用 0表示.输出移动数字方块的次序.

(2) 遗传算法解决 TSP 问题

编写类 GeneticAlgTSP 来使用遗传算法来解决 TSP 问题,并分析算法性能.类至少需包含以下方法:

- 构造函数 __init__(),输入为 TSP 数据集文件名 filename,数据类型 str. 在构造函数中读取该文件中的数据,存储到类成员 self.cities 中.同时初始化种群,存储到类成员 self.population 中.
- 求解方法 iterate(),输入为算法迭代的轮数 num_iterations.基于当前种群 self.population 进行迭代,返回迭代后种群中的一个较优解,格式为城市编号的排列.
- 在类中编写其他方法以方便编写并分析遗传算法的性能.为了更好地分析遗传算法的性能,应该以不同的初始随机种子或用不同的参数(例如种群数量,变异概率等)多次运行算法,这些需要在实验报告中呈现.

二、 实验内容

1. 算法原理

(1) 启发式搜索

评价函数的定义如下:

$$f(n) = h(n) + g(n)$$

其中g(n)表示从初始节点到达n节点的路劲成本,h(n)从n节点到目标节点的启发式估计值值得注意的是启发式函数h(n)可**采纳性意味着最优性,**在设计h(n)时往往需要考虑

- ullet A^* 算法: 在深度优先搜索(BFS)的基础上,每次扩展探索评价函数f(n)最大的节点
- IDA^* 算法: 在迭代加深搜索算法的基础上,每次深度优先搜索的界限为上次迭代的评价函数f(n)

(2)GA 遗传算法:借鉴生物界自然选择和遗传机制的一种随机搜索算法,通过模拟自然界生物进化的原理:遗传和变异、物竞天择、适者生存,来设计和实现 GA 算法的主要步骤编码、初代种群、解码、选择、交叉、变异几个步骤,随着迭代的次数增加,选择出最优个体



2. 伪代码

(1)*A**算法

```
Algorithm 1: A_star
Input: s_0
Return: search_path
Initialize: frontier ← [s_0] // open 表,存储待探索节点
          close ← None
                           // close 表,储存已探索节点
while frontier not empty do
   // 从开放表选取 f 值最小的节点
   s \leftarrow frontier.pop() with the lowest f(s)
   // 将 s 加入 close 表
   close ← s
   // 遍历 s 的所有下一个状态
   for s' in next_states do
      // 如果 s'不在 close 表里,把 s'加入到 frontier 表中
      if s' not in close then
          frontier ← s'
      end if
      // 如果 s'是目标,那么返回搜索路径
      if s' == target then
          return search_path
      end if
   end for
end while
return None
```

(2) IDA*算法

return None
// 辅助函数 dfs

Algorithm 2: IDA_star

```
Input: s_0
Return: search_path
Initialize: bound \leftarrow Heurisic(s_0) + g(s_0) // 初始 bound 值
while True do
    initialize: close \leftarrow None
    // 调用 dfs 获得最小花费
    min_cost \leftarrow dfs(s_0)
    // 如果最小花费为-1 表示已经找到目标,返回搜索路径
    if min_cost == -1 then
        return search_path
    // 更新 bound 值为上一次迭代的最小花费
    bound \leftarrow min_cost
end while
```



```
function dfs
Input: s,bound
Return: min_cost
// 递归结束条件: 如果当前状态 f 值大于上限 bound 返回 f
if f(s) > bound then
   return f(s)
end if
// 递归结束条件: 如果找到目标, 返回-1 表示结束
if s == target then
   return -1
end if
// 遍历 s 的所有下一个状态
for s' in next states do
   if s' not in close then
      close ← s'
       // 递归调用 dfs
       cost \leftarrow dfs(s')
       if cost == -1 then
          return -1
       end if
       // 返回 cost 和 min_cost 的最小值
       if cost < min_cost then</pre>
          min_cost ← cost
       end if
   end if
end for
return min_cost
```

(3)GA 遗传算法

Algorithm 3: TSP of GeneticAlgorithm



3. 关键代码展示

启发式搜索:

对于启发式搜索,首先我们需要设计我们的启发值函数,对于我们的 15-puzzle 问题本次实验有四种启发值函数,这四种启发值函数将会在后面的内容进行比较,这里效果最好的是第 4 个线性冲突优化的曼哈顿距离启发值函数,具体代码如下:

①启发值函数 1: 错位方块数

②启发值函数 2: 曼哈顿距离

③启发值函数 3: 记忆性曼哈顿距离

```
def optimized_manhattan(next_puzzle,move_block,pre_value):
    '''启发式函数3: 记忆性曼哈顿距离'''
    cur_value=0
    pre_index=next_puzzle.index(0)
    cur_index=next_puzzle.index(move_block)
    # 只需要计算移动的两个位置的曼哈顿距离的变化值即可
    target_x,target_y=target_coord[move_block]
    pre_x,pre_y=oneD2twoD(pre_index)
    cur_x,cur_y=oneD2twoD(cur_index)
    pre_h=abs(pre_x-target_x)+abs(pre_y-target_y)
    cur_h=abs(cur_x-target_x)+abs(cur_y-target_y)
    # 借用上一个状态的h值加上交换两个数字的h值得变化量得到新的h值
    cur_value=pre_value-pre_h+cur_h
    return cur_value
```



④启发值函数 4: 线性冲突优化的曼哈顿距离

```
def linear_conflict_manhattan(puzzle):
    '''启发式函数4: 线性冲突优化的曼哈顿距离'''
   value=0
   for index,num in enumerate(puzzle):
       if num == 0:
       target_x,target_y=target_coord[num]
       current_x,current_y=oneD2twoD(index)
       对于同一行或者同一列的两个数字,如果他们分别出现在了对方的移动路径中,
       发生线性冲突,也就是至少需要多移动两次才能复原,故给h值加上惩罚项2
       if target_x == current_x:
           for k in range(current_y+1,4):
              other_x,other_y=target_coord[puzzle[current_x*4+k]]
              if other_y < target_y and other_x == current_x :</pre>
                 value+=2
       if target_y == current_y:
           for k in range(current_x+1,4):
              other_x,other_y=target_coord[puzzle[k*4+current_y]]
              if other_x < target_x and other_y == current_y :</pre>
                  value+=2
       value+=abs(target_x-current_x)+abs(target_y-current_y)
   return value
```

在设计好了启发值函数之后, 我们需要设计两个辅助函数

①get_next_states 函数:实现获得当前状态的所有下一个状态,具体就是当前 0 分别向上下左右数字交换得到所有的 4 个邻接状态,具体代码如下:

②generate_path 函数:实现从目标值回溯到我们的初始状态已得到搜索路径,具体实现就是通过记录当前节点的父亲节点 parents 字典,通过 parents 不断回溯,具体代码如下:

```
def generate_path(puzzle,parents):

'''实现从目标回溯路径的函数'''

path=[]

while parents[puzzle] != (None,None):

    pre_puzzle,move_block=parents[puzzle]
    path.append(move_block)
    puzzle=pre_puzzle

return path[::-1]
```



(1) A*算法

启发式宽度优先搜索算法,有一个 frontier 表储存带探索的节点和一个 close 表储存已探索的节点,每次根据评价函数值f(n) = h(n) + g(n)最小的节点进行扩展,遍历该节点的所有邻接节点,如果邻接节点没在 close 表或者在 close 表出现但是实际代价g(n)值比已出现在 close 节点的值更小,那么就将其加入到 frontier 表,具体实现如下:

```
A_star(puzzle,target):
init_g=0
init h=linear conflict manhattan(puzzle)
frontier=[]
# close₹
visited={puzzle:0}
parents=dict()
parents[puzzle]=(None,None)
heapq.heappush(frontier,(init_g+init_h,puzzle,init_g,init_h))
# A_star算法核心循环
while frontier:
    __,cur_puzzle,g,h=heapq.heappop(frontier)
    if cur_puzzle == target:
        return generate_path(target,parents)
    for next_puzzle,move_block in get_next_states(cur_puzzle):
        if next_puzzle not in visited or visited[next_puzzle]>g+1:
            parents[next_puzzle]=(cur_puzzle,move_block)
            visited[next_puzzle]=g+1
            #next h=optimized manhattan(next puzzle,move block,h)
            next_h=linear_conflict_manhattan(next_puzzle)
            heapq.heappush(frontier,(g+1+next_h,next_puzzle,g+1,next_h))
```

(2) **IDA***算法

启发式的迭代加深搜索算法,在迭代加深搜索算法的基础上,将每次迭代将上一次迭代搜索中大于上限 bound 的最小f(n)值作为本次迭代的上限(bound)值进行 dfs,代码如下:

```
def dfs(puzzle,target,g,visited,parents,bound):

# 计算当前状态的f值,这里选用线性冲突优化的曼哈顿距离
f=linear_conflict_manhattan(puzzle)+g
# 如果f值超过了当前的界限,返回f值
if f>bound:
    return f
# 如果当前状态等于目标状态,返回-1表示找到目标
if puzzle == target:
    return -1
min_cost=float('inf')
# 通历当前状态的所有可能的下一个状态
for next_puzzle,move_block in get_next_states(puzzle):

# 如果不在close表,或者出现在close但是g值更优,加入frontier表
if next_puzzle not in visited or visited[next_puzzle] > g+1:
    visited[next_puzzle]=g+1
    parents[next_puzzle]=(puzzle,move_block)
# 递归调用dfs,优先扩展出现的节点
    cost=dfs(next_puzzle,target,g+1,visited,parents,bound)
    if cost == -1:
        return -1
# 如果当前的代价小于最小代价,更新最小代价
if cost < min_cost:
        min_cost=cost
return min_cost
```



```
# IDA star核心函数
def IDA_star(puzzle,target):
   bound=linear conflict manhattan(target)
   # IDA_star核心循环
   while 1:
       #每次循环从初始点开始搜索,初始化close表
       visited={target:0}
       parents=dict()
       parents[target]=(None, None)
       min_cost=dfs(target,target,0,visited,parents,bound)
       # 找到目标,返回搜索路径
       if min_cost == -1:
           return generate_path(target,parents)
       # 若未找到更新上限bound迭代加深上限f值
       bound=min_cost
   return []
```

GA 遗传算法

代码框架以及核心函数的实现: GA 算法的核心步骤 iterate 函数:根据预先设定的迭代次数来设定循环次数,对于每一次迭代:

- 根据适应度 fitness 从当前种群中选择两个个体
- 选出的两个个体进行杂交 crossover 产生两个新的后代个体
- 两个后代个体以一定的概率发生变异 mutation
- 根据适应度 fitness 从当前种群和产生的新个体中选 population_size 个组成新一代的种群,用于下一次迭代

具体代码如下:

```
def iterate(self,num_iterations):
    self.num_interations=num_iterations
    for i in trange(0,num_iterations):#trange
        childs=[]
        for _ in range(self.population_size//2):
            selection=self.selection()
            child1,child2=self.crossover(selection)
            child1,child2=self.mutation(child1),self.mutation(child2)
            childs.extend([child1,child2])
        new_population=np.concatenate((np.array(childs),self.population))
        fitness_values = np.array([self.fitness(individual) for individual in new_population])
        top_indices = np.argpartition(-fitness_values, self.population_size)[:self.population_size]
        new_population = new_population[top_indices]
        best_individual = new_population[np.argmax(fitness_values[top_indices])]
        self.generation_best_choice.append(best_individual)
        self.generation_best_fitness.append(1/self.fitness(best_individual))
        self.population=new_population
    return self.generation_best_choice[-1]
```



各个模块的具体实现方式:

①selection 函数:实现依据适应度 fitness 选择个体的,选择方法有很多种,这里只实现了两种,一种是随机竞争的方式,另一种是使用轮盘赌的方式。

- 随机竞争方式指的是从种群中随机选择若干个体,从他们之中选择适应度最高的就 是我们的优胜者被我们选中,循环的次数就是我们选择的个数
- 轮盘赌的方式指的是以适应度占总适应度的比例作为选择该个体的概率进行选择, 实际上就是一个转轮盘的模型,轮盘上的面积表示选择概率即个体的适应度

具体代码如下:

```
# 选择个体的方式
def tournament selection(self):
    '''随机竞争锦标赛选择法'''
   # 锦标赛规模,即每次从种群中选取的个体数量,可以根据需要调整
   tournament_size = 9
   fitnesses = np.array([self.fitness(individual) for individual in self.population])
   selected indices = []
   for _ in range(2):
       # 从种群中随机选取个体组成锦标赛
       tournament indices = np.random.choice(len(fitnesses),tournament size)
       tournament_fitnesses = fitnesses[tournament_indices]
       winner index = tournament indices[np.argmax(tournament fitnesses)]
       selected indices.append(winner index)
   return self.population[selected indices[0]], self.population[selected indices[1]]
def roulette_selection(self):
   fitnesses=np.array([self.fitness(individual) for individual in self.population])
   total fitness=sum(fitnesses)
   index1,index2=np.random.choice(len(fitnesses),size=2,p=fitnesses/total_fitness)
   return self.population[index1],self.population[index2]
```

②crossover 函数:实现两个亲代个体的交叉互换产生新的后代个体,交叉互换的方式也有很多种,在本次实验中我主要实现了三种,分别是 PMX、OX、PBX 三种交叉互换方式:

● 部分匹配交叉 PMX: 挑选一个交叉区域,交换两个亲本该区间的基因,对于区间之外的发生冲突的基因,通过交叉区间的映射关系来进行修正,示例:

```
亲本 1 [1,2,3,4,5,6,7,8,9]子代 1 [3,5,6,9,2,1,7,8,4]亲本 2 [5,4,6,9,2,1,7,8,3]子代 2 [2,9,3,4,,5,6,7,8,1]
```

● 顺序交叉 OX:选择一个交叉区间,将一个亲本的基因直接复制到子代的相应区间,按照另一个亲本的基因顺序,依次把子代未出现的基因按顺序放到子代的相应位置。示例:

```
亲本 1 [1,2,3,4,5,6,7,8,9]子代 1 [3,4,6,9,2,1,5,7,8]亲本 2 [5,4,6,9,2,1,7,8,3]子代 2 [7,9,3,4,5,6,1,2,8]
```

● 基于位置的交叉 PBX: 随机选取一系列的位置,把一个亲本的对应位置的基因复制 到子代的相应位置,按照另一个亲本的基因顺序,依次把子代未出现的基因按顺序 放到子代的相应位置,示例:

```
亲本 1 [1,2,3,4,5,6,7,8,9] 子代 1 [4,2,3,1,5,6,7,8,9] 
亲本 2 [5,4,6,9,2,1,7,8,3] 子代 2 [5,4,6,7,2,1,8,9,3]
```



具体代码如下:

```
def PMX_cross(self,parents):
    parent1, parent2=parents
    child1,child2=np.copy(parent1),np.copy(parent2)
    # 随机选择两个位置作为交叉区域的起始和结束位置
    start,end=sorted(np.random.randint(0,len(child1),2))
    child1[start:end+1],child2[start:end+1]=parent1[start:end+1],parent2[start:end+1]
    for index in range(len(child1)):
        if index < start or index > end:
            while child1[index] in child1[start:end+1]:
                match_index=np.where(child1[start:end+1] == child1[index])[0]
                if match index.size > 0:
                    child1[index]=child2[match index[0]+start]
            while child2[index] in child2[start:end+1]:
                match_index=np.where(child2[start:end+1] == child2[index])[0]
                if match index.size > 0:
                    child2[index]=child1[match index[0]+start]
    return child1,child2
def OX_Cross(self,parents): ...
def PBX_Cross(self,parents): ...
```

③muatation 函数:实现子代个体的变异,变异的当时同样的也有很多种实现方式,本次实验所实现的变异方式有 4 种,分别是倒置变异、插入变异、位移变异、交换变异

- 倒置变异:选择个体种的一段基因,将其倒置 reserve
- 插入变异:选择一个位置的基因将其插入到另一个位置
- 位移变异:选择一段基因将其移动到另一个位置
- 交换变异:选择两个基因,交换两个基因

实现代码如下:

```
# 变异的方式
def inversion_mutation(self,individual):
    '''倒置变异'''
   point1,point2=sorted(np.random.randint(0,len(individual),2))
   offspring=np.copy(individual)
   offspring[point1:point2+1]=offspring[point1:point2+1][::-1]
   return offspring
def insertion mutation(self,individual):
    '''插入变异'''
   # 选一个数字移动到另一个位置
   src,pos=np.random.randint(0,len(individual),2)
   tem=np.concatenate((individual[:src],individual[src+1:]))
   offspring=np.concatenate((tem[:pos],[individual[src]],tem[pos:]))
   return offspring
def displacement_mutation(self,individual):
   '''位移变异'''
   # 选择一段移动到另一个位置
   point1,point2,pos=sorted(np.random.randint(0,len(individual),3))
   tem=np.concatenate((individual[:point1],individual[point2+1:]))
   offspring=np.concatenate((tem[:pos],individual[point1:point2+1],tem[pos:]))
   return offspring
```



```
def swap_mutation(self,individual):
    '''交换变异'''
    # 选择两个基因交换位置
    point1,point2=np.random.randint(0,len(individual),2)
    offspring=np.copy(individual)
    offspring[point1],offspring[point2]=offspring[point2],offspring[point1]
    return offspring
```

④辅助函数,由于我们是通过实现一个 GeneticAlgTSP 类来实现我们的遗传算法,所以需要一系列的函数实现初始化、计算适应度、将结果可视化

初始化类函数:实现种群大小,城市坐标、距离矩阵、变异率的初始化

```
def __init__(self,filename,population_size=100,muta_rate=0.5):

# 类成员变异率的初始化
self.muta_rate=muta_rate
# 类成员种群大小的初始化
self.population_size=population_size
# 类成员城市坐标的初始化
self.cities=self.read_tsp(filename)
# 初代种群的初始化
self.population=self.init_population(population_size)
# 城市图的距离矩阵
self.distance_matrix=self.calculate_distance(self.cities)
# 每一次迭代的较优解和较短距离
self.generation_best_choice=[]
self.generation_best_fitness=[]
```

read tsp 函数: 实现文件城市坐标的读取

init_population 函数: 实现初代种群的编码

```
def init_population(self,population_size):
    '''初始化初代种群使用随机组合的方式'''
    population=[]
    cities_size=len(self.cities)
    for _ in range(population_size):
        population.append(np.random.permutation(cities_size))
    return np.array(population)
```



calculate_distance 函数和 fitness 函数: 采用 np 数据结构的特点,采用广播机制和向量化操作一次性的**计算所有城市间的距离,以及计算个体适应度**,提高算法迭代效率

```
def calculate_distance(self, cities):
    '''计算城市间距离的距离矩阵'''
    # 使用np中广播机制一次性计算距离矩阵
    diff=cities[:,np.newaxis]-cities[np.newaxis,:]
    distance_matrix=np.linalg.norm(diff,axis=2)
    return distance_matrix

def fitness(self, individual):
    '''计算个体的适应度'''
    # 使用向量化操作计算适应度
    distances=self.distance_matrix[individual[:-1],individual[1:]]
    value=np.sum(distances)+self.distance_matrix[individual[-1],individual[0]]
    return 1/value
```

4. 创新点&优化

启发式搜索:使用了记忆性的线性冲突优化的曼哈顿距离作为我们的启发值函数,该 启发式函数在曼哈顿距离的基础上对于线性冲突的情况,即自身位置、目标位置都在同一行 或者同一列的的两个方块的分别在对方的移动路径上,这时双方两个数字并不能直接穿过 对方导致普通的曼哈顿距离不够准确,为了解决这个线性冲突,我们给再给启发值增加2 的惩罚项,也就是线性冲突的情况至少需要多移动2步才能够将双方移动到正确的位置,

比如[2,1,3,4]中的 1 和 2 发生的线性冲突,使用曼哈顿距离的话这里认为只需要移动 2 步实际上是不准确的,这个时候必须要从下面移动绕过对方才能够回到正确的位置,也就是最少需要移动 4 步才能够回到正确位置.

而记忆性,指的是可以发现我们每次转移状态,只是和上一个状态变化了 2 个方块而已,对于线性冲突的情况下也就是改变了两行或者两列的启发值情况,这里我想到了动态规划 dp 的思路,如果我们能够记住上一个状态的启发值,那么我们只需要计算这两行或者两列所带来的值的变化即可,无需从头遍历节点计算启发值,可以设想到随着规模越来越大25、36、...-puzzle,这种算法提高的效率就会越大.

三、 实验结果及分析

1. 实验结果展示示例

启发式搜索解决 15-Puzzle 问题

测试数据结果如下表:

00 - 0000 - 0000 - 0000						
	A_star			IDA_star		
测试例子序号	运行时间/s	占用内存/MB	步数	运行时间/s	占用内存/MB	步数
1	0.00128	0.0117	22	0.00133	0.0077	22
2	1.648	74. 19	49	3.938	71.37	49
3	0.00032	0.0032	15	0.0003	0.0048	15
4	8.6252	360.077	48	22.82	541.32	48
5	38. 082	1445.94	56	116. 227	1359.39	56
6	88.814	3063.92	62	1622 . 544	9448.88	62



下面为程序的输出:

(1) A*算法

```
[15, 6, 9, 15, 11, 10, 3, 11, 10, 3, 8, 4, 3, 7, 6, 9, 14, 13, 9, 10, 11, 12]
Runing time:0.00128780s
Peak memory:0.0117MB
[6, 10, 9, 4, 14, 9, 4, 1, 10, 4, 1, 3, 2, 14, 9, 1, 3, 2, 5, 11, 8, 6, 4, 3, 2, 5, 13, 12, 14, 13, 12, 7, 11, 12, 7, 14, 13, 9, 5, 10, 6, 8, 12, 7, 10, 6, 7, 11, 15]
步数:49
Runing time:1.64888900s
Peak memory:74.1915MB
[13, 10, 14, 15, 12, 8, 7, 2, 5, 1, 2, 6, 10, 14, 15]
步数:15
Runing time:0.00032400s
Peak memory: 0.0032MB
[9, 12, 13, 5, 1, 9, 7, 11, 2, 4, 12, 13, 9, 7, 11, 2, 15, 3, 2, 15, 4, 11, 15, 8, 14, 1, 5, 9, 13, 15, 7, 14, 10, 6, 1, 5, 9, 13, 14, 10, 6, 2, 3, 4, 8, 7, 11, 12]
步数:48
Runing time: 8.62521960s
Peak memory:360.0772MB
[5, 12, 9, 10, 13, 5, 12, 13, 8, 2, 5, 8, 10, 6, 3, 1, 2, 3, 4, 11, 1, 2, 3, 4, 2, 3, 4, 5, 7, 4, 3, 2, 5, 10, 6, 1 5, 11, 5, 10, 6, 15, 11, 14, 9, 13, 15, 11, 14, 9, 13, 14, 10, 6, 7, 8, 12]
步数:56
Runing time:38.08260570s
Peak memory:1445.9461MB
[7, 9, 2, 1, 9, 2, 5, 7, 2, 5, 1, 11, 8, 9, 5, 1, 6, 12, 10, 3, 4, 8, 11, 10, 12, 13, 3, 4, 8, 12, 13, 15, 14, 3, 4, 8, 12, 13, 15, 14, 7, 2, 1, 5, 10, 11, 13, 15, 14, 7, 3, 4, 8, 12, 15, 14, 11, 10, 9, 13, 14, 15]
步数:62
Runing time:88.81417310s
Peak memory:3063.9194MB
(2)IDA*算法
```

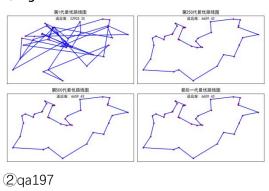
```
[3, 10, 11, 3, 15, 6, 9, 15, 10, 11, 8, 4, 3, 7, 6, 9, 14, 13, 9, 10, 11, 12]
步数:22
Runing time:0.00133770s
Peak memory:0.0077MB
[6, 10, 9, 4, 14, 9, 4, 1, 10, 4, 1, 3, 2, 14, 9, 1, 3, 2, 5, 11, 8, 6, 4, 3, 2, 5, 13, 12, 14,
13, 12, 7, 11, 12, 7, 14, 13, 9, 5, 10, 6, 8, 12, 7, 10, 6, 7, 11, 15]
步数:49
Runing time: 3.93879780s
Peak memory:71.3707MB
[13, 10, 14, 15, 12, 8, 7, 2, 5, 1, 2, 6, 10, 14, 15]
步数:15
Runing time:0.00030880s
Peak memory:0.0048MB
[9, 12, 13, 5, 1, 9, 7, 11, 2, 4, 12, 13, 9, 7, 11, 2, 15, 3, 2, 15, 4, 11, 15, 8, 14, 1, 5, 9,
13, 15, 7, 14, 10, 6, 1, 5, 9, 13, 14, 10, 6, 2, 3, 4, 8, 7, 11, 12]
步数:48
Runing time:22.81951680s
Peak memory:541.3238MB
[5, 12, 9, 10, 13, 5, 12, 13, 5, 2, 8, 6, 3, 1, 6, 3, 4, 11, 1, 4, 10, 5, 2, 8, 3, 10, 5, 15, 11
, 5, 10, 2, 15, 11, 14, 9, 13, 15, 11, 14, 9, 13, 14, 10, 2, 6, 4, 2, 6, 3, 7, 4, 3, 7, 8, 12]
步数:56
Runing time:116.22733300s
Peak memory:1359.3919MB
[7, 9, 2, 1, 9, 2, 5, 7, 2, 5, 1, 11, 8, 9, 5, 1, 6, 12, 10, 3, 4, 8, 11, 10, 12, 13, 3, 4, 8, 1 2, 13, 15, 14, 3, 4, 8, 12, 13, 15, 14, 7, 2, 1, 5, 10, 11, 13, 15, 14, 7, 3, 4, 8, 12, 15, 14,
11, 10, 9, 13, 14, 15]
步数:62
Runing time:1622.54429550s
Peak memory:9448.8815MB
```

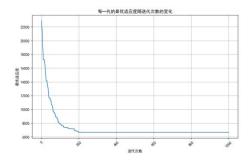


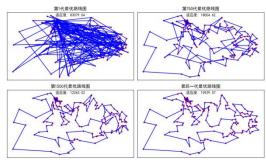
溃化	算法	解决	TSP	问题
723 13	ィチャコム	ᇑ	1 31	

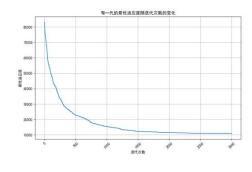
数据集	种群数	变异率	运行时间	迭代次数	所得的最短路程	实际最短路程
dj38	100	0.5	34s	1000	6659	6656
qa197	100	0.5	3min22s	3000	10929	9352
uy734	100	0.5	34min45s	10000	127778	79114

①dj38:

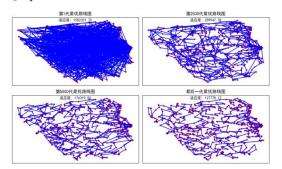


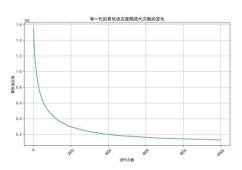






③uy734







2. 评测指标展示及分析

启发式搜索解决 15-Puzzle 问题

不同启发式函数的比较:

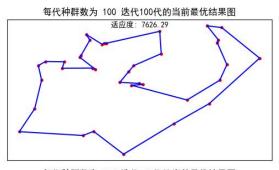
测试的例子为第二个测试用例即[[11, 3, 1, 7], [4, 6, 8, 2], [15, 9, 10, 13], [14, 12, 5, 0]]

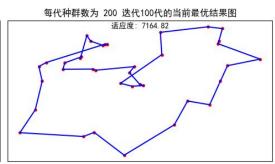
	A_s	star	IDA_star		
	运行时间/s 占用内存/MB		运行时间/s	占用内存/MB	
错位方格数	8	无	∞	无	
曼哈顿距离	113	2398	117	2103	
记忆曼哈顿距离	74	1877	128	1547	
曼哈顿距离+线性冲突	38	1445	116	1359	

遗传算法解决 TSP 问题

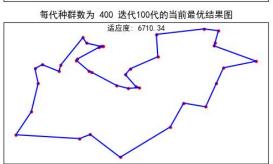
下面的测试数据如果无特殊说明均使用 dj38,种群数量 100,变异率 0.5,PMX 交叉函数

不同种群数量的比较:





每代种群数为 300 迭代100代的当前最优结果图 适应度: 6835.59

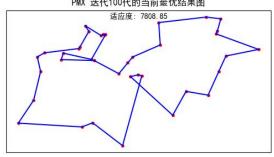


可以看到随着种群数量的增加,相同情况下,得出的结果更加的准确,但是种群数量的增加会带来效率问题,时间的增长是线性的,所以种群的数量不宜过大,也不能太小,太小的话会导致种群并没有发生太多的繁衍.

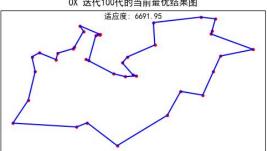


不同交叉函数的比较:

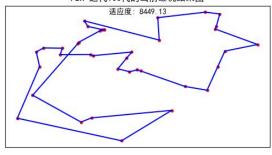




0X 迭代100代的当前最优结果图

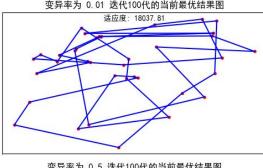


PBX 迭代100代的当前最优结果图

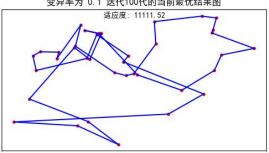


不同变异率的比较:

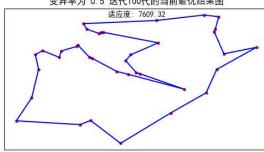
变异率为 0.01 迭代100代的当前最优结果图



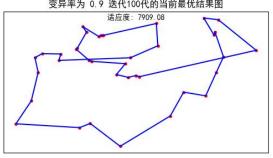
变异率为 0.1 迭代100代的当前最优结果图



变异率为 0.5 迭代100代的当前最优结果图



变异率为 0.9 迭代100代的当前最优结果图



可以看到变异率太小的话会导致我们迭代的时候跳不出局部最优解, 导致性能不好, 但是当 变异率过高的时候, 可能会导致优良形状保存不下来, 性能也会下降, 所以应该保持一个较 为适中的变异率.