

دانشگاه صنعتی امیرکبیر دانشکده مهندسی کامپیوتر

گزارش پروژه نهایی بیوانفورماتیک

> استاد درس: آقای دکتر زینلی

مولف: محمدرضا صادقيان 9731121

فهرست

لقدمه	2
ئىرح پروژە	3
بخش اول: كاهش طول	3
بخش دوم: جداسازی لیبلها	4
بخش سوم: معماری مدل MLP	5
بخش چهارم: معماری مدل CNN	6
بخش پنجم: مقایسه نتایج	6
بخش ششم: خروجيها	7

مقدمه

در این پروژه ما قصد داریم با استفاده از انواع مختلف شبکه عصبی (MLP، CNN) به دسته بندی 6 نوع ویروس مختلف بپردازیم. ژنوم هر کدام از این ویروس ها توسط دنباله از نوکلئوتیدها نشان داده شده است که طول هر کدام متفاوت است. در کل ما 6 دسته مختلف نوکلئوتیدها نشان داده شده است که طول هر کدام متفاوت است. در کل ما 6 دسته مختلف ویروس با نامهای Class 1 تا Class 5 داریم که شامل سه دسته ، سته عصبی ای که میباشد که در فایلهای CSV ذخیره شده اند. در کل هر دو نوع شبکه عصبی ای که من در این پروژه استفاده کرده ام Feedforward هستند که آنها را با استفاده از کتابخانه Google است، پیاده سازی کردم. در شبکههای عصبی استفاده از میشود و در نهایت با Feedforward خروجی هر لایه به عنوان ورودی به لایه بعدی داده میشود و در نهایت با استفاده از Rackpropagation وزن و بایاس لایهها آپدیت میشود. (البته تمام این کارها Tensorflow در پس زمینه انجام میشود.)

مقدمه : بهترین نتیجه من با مدل MLP بدست آمده است.

شرح پروژه:

بخش اول: كاهش طول

همان طور که در دستورکار پروژه شرح داده شده بود و لینک آموزشی قرار داده شده بود برای اینکه بتوانیم طول ورودیهای شبکه عصبی را یکسان کنیم باید از تکنیک K_mers برای اینکه بتوانیم که در این روش در ابتدا تمامی دنبالههای لمتایی که میتوان با حروف dna استفاده کنیم که در این روش در ابتدا تمامی دنبالههای المتا چک میکنیم و یک بردار ایجاد ساخت را ایجاد میکنیم و در نهایت هر رشته را لمتا لمتا چک میکنیم و یک بردار اوباد میکنیم به طول تعداد زیررشته ها و در هر ایندکس تعداد تکرار اون زیررشته متناظر را وارد میکنیم. من برای راحتی کار تمام زیررشته ها را در یک دیکشنری قرار داده ام و بعد با استفاده از آنها به سادگی به ایندکس بردار آنها دسترسی خواهم داشت.

```
# K_Mers
k = 7
dnaLetters = ['A', 'T', 'G', 'C']
allSubString = []

def generateString(dnaLetters, prefix, k):

    n = len(dnaLetters)
    if (k == 0):
        allSubString.append(prefix)
        return

    for 1 in dnaLetters:
        newPrefix = prefix + 1
        generateString(dnaLetters, newPrefix, k-1)

generateString(dnaLetters, "", k)
subDict = {allSubString[i] : i for i in range(0, len(allSubString))}
```

همانطور که مشاهده میکنید با استفاده از یک تابع بازگشتی تمامی زیررشتههای موجود را ایجاد میکنیم. ایجاد میکنیم.

```
def generate_X(data_set):
    X_input = np.zeros((len(data_set), len(allSubString)))
    for i in range(len(data_set)):
        seq = data_set[i]
        for j in range(0, len(seq) - k + 1):
            X_input[i][subDict[seq[j:j+k]]] += 1

        X_input = X_input.astype('float32')
        return X_input
```

بعد از ایجاد دیکشنری در تابع generate_X در ابتدا یک آرایه دو بعدی به تعداد زیررشتههای موجود و تعداد رشتههای دیتابیس ایجاد میکنیم و سپس با طی کردن هر رشته بردار موردنظر آن رشته را ایجاد میکنیم و در نهایت تایپ آن را برای شبکه عصبی تصحیح میکنیم و سپس ما به بردار ورودی مورد نیاز برای شبکه عصبی امان میرسیم.

بخش دوم: جداسازی لیبلها

در این بخش ما با استفاده از یک تابع لامبدا لیبلها را به مقدار عددی اشان تبدیل میکنیم و با استفاده از To_categotical ابعاد لیبل را فیکس میکنیم تا بعد نامپای آن خالی نباشد.

```
[ ] def generate_Y(data_set):
    Y_input = data_set.apply(lambda x : int(x[5]) - 1).to_numpy()
    Y_input = to_categorical(Y_input)
    return Y_input
```

بخش سوم: معماری مدل MLP

```
[8] MLP_model = Sequential()
    MLP_model.add(Dense(80, input_dim=len(allSubString), activation='relu'))
    # model.add(Dropout(0.05))
    MLP_model.add(Dense(50, activation = 'relu'))
    MLP_model.add(Dense(6, activation='softmax'))
MLP_model.compile(loss='categorical_crossentropy', optimizer="adam", metrics=['accuracy'])
    history = MLP model.fit(X train, Y train, epochs=20, batch_size=50, verbose=1, validation_split=0.2)
MLP_model.summary()
    result = list(MLP_model.predict(X_test).argmax(axis=-1) + 1)
    print("\n---
Layer (type)
                                Output Shape
                                                          Param #
     dense (Dense)
                                (None, 80)
                                                          1310800
     dense 1 (Dense)
                                (None, 50)
                                                          4050
     dense_2 (Dense)
                                (None, 6)
                                                          306
    Total params: 1,315,156
    Trainable params: 1,315,156
    Non-trainable params: 0
```

در این بخش در ابتدا با استفاده از تابع Sequential از کتابخانه keras یک مدل ایجاد میکنیم و سه لایه که دو لایه آن پنهان هستند با تعداد 80، 50 نورون به ترتیب به آن پاس میدهیم. لایه آخر نیز 6 نورون دارد که هر کدام نماینده هر یک از 6 کلاس هستند و تابع فعال سازی آن Softmax است تا در نهایت ما یک توضیح احتمال به عنوان خروجی داشته باشیم و دو لایه پنهان تابع فعالسازشان Relu است که با توجه به تست ها بهترین عملکرد را داشت.

این تعداد نورون ها کاملا به صورت دستی و با تست کردن های متعدد به دست آمده و این تقریبا حداقل مقداری بود که میتوان برای آن اندازه گرفت. برای اینکه از overfit فرار کنیم من دو تا Dropout قرار داده ام که به احتمال 0.05 در هر مرحله نورون ها را غیرفعال

می کند تا از overfit جلوگیری کند ولی برای تست کوئرا بهترین حالت زمانی بود که آنها کامنت شده بودند ولی قطعا در تجربه محیطی و تست های بزرگتر عملکرد مدل با آنها بهتر است. برای دیگر تنظیمات مدل هم من کاملا از سعی کردم از معروف ترین توابع استفاده کنم و مقدار batch-size و epoch نیز با تستهای زیاد بدست آمدند.

بخش چهارم: معماری مدل CNN

```
CNN_model = Sequential([]

Conv2D(32, (3, 3), padding='same', kernel_initializer='he_uniform', activation='relu', input_shape=(32, 32, 1)), Conv2D(32, (3, 3), padding='same', kernel_initializer='he_uniform', activation='relu'), MaxPool2D((2, 2)), Dropout(0.15),

Conv2D(64, (3, 3), padding='same', kernel_initializer='he_uniform', activation='relu'), Conv2D(64, (3, 3), padding='same', kernel_initializer='he_uniform', activation='relu'), MaxPool2D((2, 2)), Dropout(0.15),

Conv2D(128, (3, 3), padding='same', kernel_initializer='he_uniform', activation='relu'), Conv2D(128, (3, 3), padding='same', kernel_initializer='he_uniform', activation='relu'), MaxPool2D((2, 2)), Dropout(0.15),

Flatten(), Dense(128, kernel_initializer='he_uniform', activation='relu'), Dropout(0.15),

Dense(6, kernel_initializer='he_uniform', activation='softmax')
```

در این بخش مدل CNN را پیاده سازی کرده ام و تمامی این اعداد به صورت دستی و تقریبا مشابه با یکی از پروژههای قبلی خودم در پردازش تصویر ست کردم که به نتایج خوبی نیز رسیدم.

بخش پنجم: مقایسه نتایج

در جفت روشها بعد از چند epoch جفت مدلها به دقت یک میرسند که با توجه به آنکه مدل MLP من تعداد پارامترهای کمتری داشت. (به طور کلی CNN معمولا تعداد پارامترهای کمتری دارد ولی اینجا من خیلی نرسیدم با توجه به وقت پروژه هایپر

پارامترهای CNN را دستکاری کنم و احتمال خیلی زیاد در CNN با پارامترهای کمتری به نتایج یکسان میرسیم.)

بخش ششم: خروجيها

در نهایت آرایه Result را در فایل دیگر سیو کرده و در کوئرا آن را آپلود می کنم

و نتایج به صورت زیر میباشد.

```
Model: "sequential 4"
Layer (type)
                          Output Shape
                                                  Param #
dense 9 (Dense)
                          (None, 80)
                                                 1310800
dense 10 (Dense)
                          (None, 50)
dense_11 (Dense)
                          (None, 6)
Total params: 1,315,156
Trainable params: 1,315,156
Non-trainable params: 0
[[5.4295820e-06 1.0355825e-09 1.1050500e-12 1.2913298e-06 9.9999166e-01
  1.6818009e-06]
 [6.4401995e-09 1.0000000e+00 1.3589282e-18 7.4523461e-24 8.4879861e-17
 9.8136676e-21]
 [5.1949609e-09 1.0000000e+00 1.1868981e-18 6.1522008e-24 5.9223154e-17
 8.6107886e-211
 [1.00000000e+00 9.1576551e-26 1.5201584e-32 8.2676806e-38 1.7346751e-21
 [1.0000000e+00 5.9208424e-26 1.7546645e-32 6.7132745e-38 1.2920846e-21
 5.0830112e-38]
 [1.00000000e+00 6.9120338e-26 1.8066243e-32 7.1987763e-38 1.3606172e-21
 5.6288276e-38]]
```

با تشكر از زحمات شما در طول ترم - محمدرضا صادقیان 9731121