1차원 데이터

데이터 중심의 지표

- o 수치계산과 통계분석에 필요한 라이브러리 임포트
- o 출력을 소수점 이하 3자리로 설정

```
[] import numpy as np import pandas as pd # Jupyter Notebook의 출력을 소수점 이하 3자리로 제한 %precision 3 # Dataframe의 출력을 소수점 이하 3자리로 제한 pd.set_option('precision', 3)
```

데이터 중심의 지표

o 데이터(50명 학생의 영어, 수학 점수) 입력

```
[] df = pd.read_csv('scores_em.csv',
                      index_col='student number')
    # df의 처음 5행을 표시
    df.head()
                   english mathematics
     student number
                        42
                                    65
                        69
                                    80
                        56
                                    63
                        41
                                    63
                        57
                                    76
```

데이터 중심의 지표

o 학번 순서대로 10명의 영어 점수를 array 데이터 구조 scores에 저장

```
[ ] scores = np.array(df['english'])[:10] scores
array([42, 69, 56, 41, 57, 48, 65, 49, 65, 58], dtype=int64)
```

데이터 중심의 지표

o 데이터프레임 scores_df 작성

	score
student	
Α	42
В	69
C	56
D	41
Е	57
F	48
G	65
Н	49
1	65
J	58

평균값

o 평균값은 데이터를 모두 더한 뒤, 데이터의 개수로 나누어 구함

$$\frac{42 + 69 + 56 + 41 + 57 + 48 + 65 + 49 + 65 + 58}{10} = 55$$

$$\overline{x} = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} x_i = \frac{1}{n} (x_1 + x_2 + \dots + x_n)$$

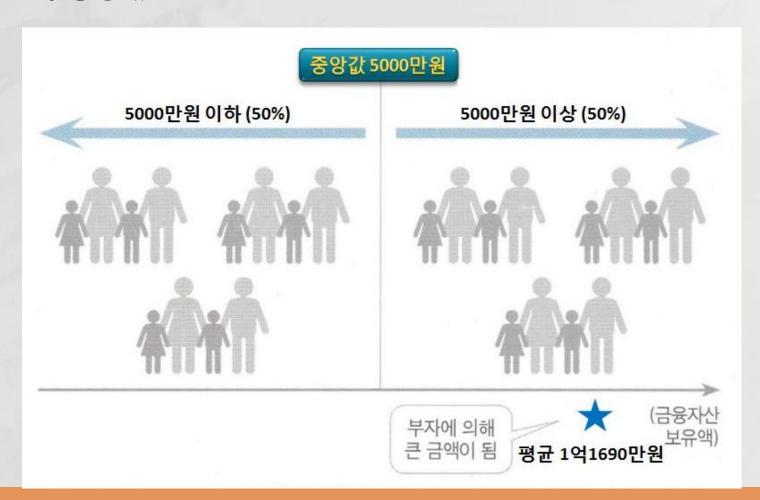
평균값

o sum(scores)이 $\sum_{i=1}^{n} x_i$, len(scores)이 n에 대응

```
[] sum(scores) / len(scores)
    55.0
[] np.mean(scores)
    55.0
[] scores_df.mean()
    score 55.0
    dtype: float64
```

평균과 중앙값

o 평균과 중앙값



중앙값

- o 중앙값은 데이터를 크기 순서대로 나열할 때 정확히 중앙에 위치한 값
- o 이상값에 영향을 덜 받음

- 데이터의 개수 n이 홀수라면, $\frac{(n+1)}{2}$ 번째 데이터가 중앙값
- 데이터의 개수 n이 짝수라면, $\frac{n}{2}$ 번째 데이터와 $\frac{n}{2}+1$ 번째 데이터의 평균이 중앙값

중앙값

o 정렬 후 코드 작성 및 실행

```
[] sorted_scores = np.sort(scores)
sorted_scores
array([41, 42, 48, 49, 56, 57, 58, 65, 65, 69], dtype=int64)
```

```
[] n = len(sorted_scores)
    if n % 2 == 0:
        m0 = sorted_scores[n//2 - 1]
        m1 = sorted_scores[n//2]
        median = (m0 + m1) / 2
    else:
        median = sorted_scores[(n+1)//2 - 1]
    median
```

```
[] np.median(scores)
56.5
[] scores_df.median()
score 56.5
dtype: float64
```

절사평균

- o 절사평균(Trimmed Mean)
- o 양쪽 좀 자르고 나머지들의 평균
- o 이상값(outlier)에 영향을 별로 받지 않음
- o 정보의 손실이 적음

절사평균

- o 10% 절사평균
 - 예> 20개의 자료 중 양쪽에서 하나씩 모두 2개를 제거한 뒤 18개의 평균
- o 20% 절사평균
 - 예> 20개의 자료 중 양쪽에서 두개씩 모두 4개를 제거한 뒤 16개의 평균
- o 다이빙 점수
 - 7명의 심판 중 최고점과 최저점을 제외하고 5명의 평균에 난이도를 고려 해서 계산

최빈값

- o 최빈값은 데이터에서 가장 많이 나타나는 값
- o [1, 1, 1, 2, 2, 3]에서 최빈값은 1
- o DataFrame, Series의 mode 메서드

```
[] pd.Series([1, 1, 1, 2, 2, 3]).mode()

0    1
dtype: int64

[] pd.Series([1, 2, 3, 4, 5]).mode()

0    1
1    2
2    3
3    4
4    5
dtype: int64
```

- o 편차
- o 각 데이터가 평균으로부터 떨어져 있는 정도
- o 각 학생의 성적 편차

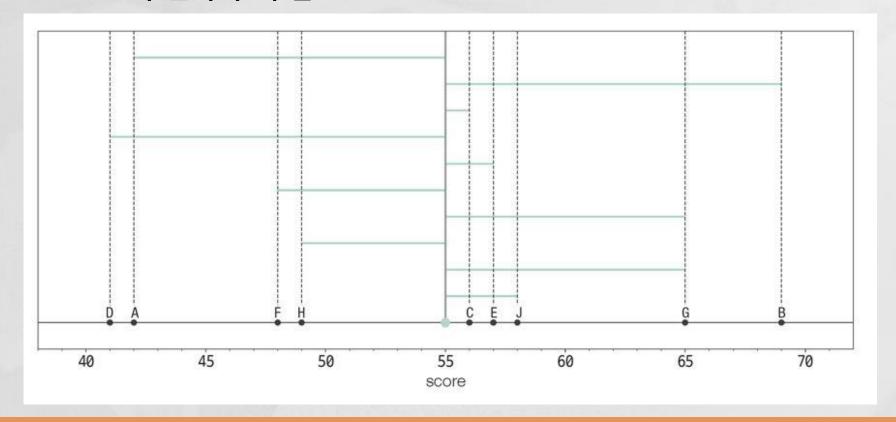
```
[ ] mean = np.mean(scores)
  deviation = scores - mean
  deviation

array([-13., 14., 1., -14., 2., -7., 10., -6., 10., 3.])
```

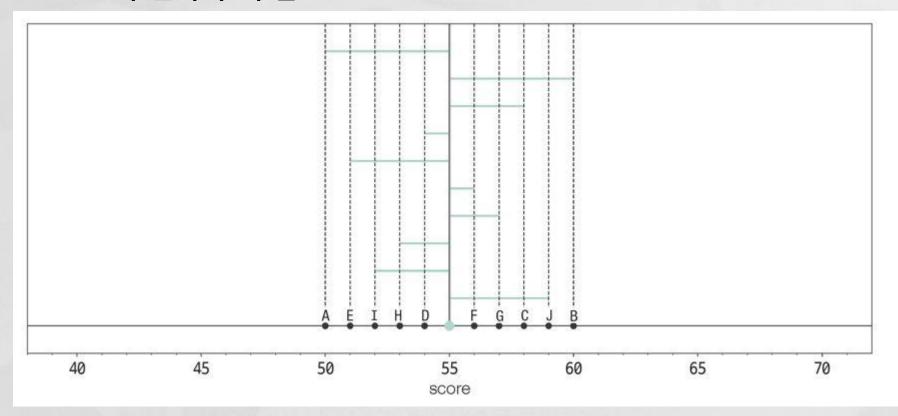
```
[] another_scores = [50, 60, 58, 54, 51, 56, 57, 53, 52, 59] another_mean = np.mean(another_scores) another_deviation = another_scores - another_mean another_deviation

array([-5., 5., 3., -1., -4., 1., 2., -2., -3., 4.])
```

- o 편차비교
- o Scores의 편차가 더 큼



- o 편차비교
- o Scores의 편차가 더 큼



- o 편차비교
- o 10명의 편찻값으로 비교가 어려우므로, 하나의 값인 편차 평균 비교
- o 편차 평균은 0

$$\frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} (x_i - \overline{x}) = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} x_i - \frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} \overline{x}$$
$$= \overline{x} - \overline{x}$$
$$= 0$$

```
[] np.mean(deviation)
     0.0

[] np.mean(another_deviation)
     0.0
```

분산과 표준편차

o 편차비교

```
[ ] summary_df = scores_df.copy()
    summary_df['deviation'] = deviation
    summary_df
```

```
[] summary_df.mean()
score 55.0
deviation 0.0
dtype: float64
```

	score	deviation
student		
А	42	-13.0
В	69	14.0
С	56	1.0
D	41	-14.0
Е	57	2.0
F	48	-7.0
G	65	10.0
Н	49	-6.0
I	65	10.0
J	58	3.0

- o 분산
- o 산포도의 지표인 편차의 평균은 항상 0
- o 앞의 B 학생과 D 학생은 모두 평균에서 14점 떨어져 동일 정도의 산포도 를 가짐
- o 단순히 더하면 서로 상쇄되어 0이 되므로 편차의 제곱을 이용
- o 편차 제곱의 평균이 분산(모분산)

$$S^2 = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^n (x_i - \overline{x})^2 = \frac{1}{n} \left\{ (x_1 - \overline{x})^2 + (x_2 - \overline{x})^2 + \dots + (x_n - \overline{x})^2 \right\}$$

분산과 표준편차

o 분산

```
[] np.mean(deviation ** 2)
    86.0
[] np.var(scores)
    86.0
[] scores_df.var()
    score 95.556
    dtype: float64
```

- o 분산
- o summary_df에 편차의 제곱 열 추가

```
[] summary_df['square of deviation'] = np.square(deviation) summary_df
```

	score	deviation	square of deviation
student			
А	42	-13.0	169.0
В	69	14.0	196.0
С	56	1.0	1.0
D	41	-14.0	196.0
Е	57	2.0	4.0
F	48	-7.0	49.0
G	65	10.0	100.0
H	49	-6.0	36.0
1	65	10.0	100.0
J	58	3.0	9.0

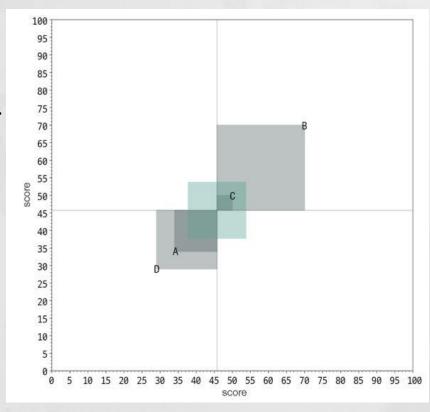
[]		summary_df.mean()			
		score deviation	55.0 0.0		
		square of deviation dtype: float64	86.0		

분산과 표준편차

- o 분산
- o 편차 제곱은 한 변의 길이가 편차인 정사각형의 면적으로 간주하면, 분산

은면적의 평균

- 중앙의 가로선과 세로선은 4명의 평균점수
- A, B, C, D 각각은 시험 점수
- 각 회색의 정사각형이 편차 제곱
- 정사각형의 평균이 중앙의 정사각형
- 중앙 정사각형의 면적이 분산



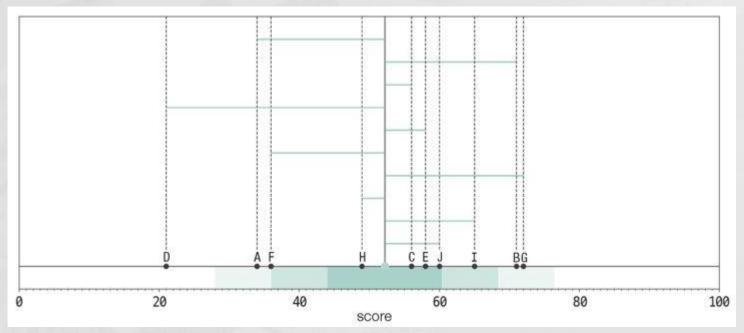
- o 표준편차
- o 분산은 점수의 제곱
- o 영어 점수의 분산은 86점 제곱
- o 원래의 데이터와 동일한 단위를 쓰는 산포도 지표가 필요
- o 분산에 제곱근을 취한 것이 표준편차

$$S = \sqrt{S^{\,2}} = \sqrt{\frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} (x_i - \overline{x})^2}$$

- o 표준편차
- o 분산은 점수의 제곱
- o 영어 점수의 분산은 86점 제곱
- o 원래의 데이터와 동일한 단위를 쓰는 산포도 지표가 필요
- o 분산에 제곱근을 취한 것이 표준편차

```
[ ] np.sqrt(np.var(scores, ddof=0))
    9.273618495495704
[ ] np.std(scores, ddof=0)
    9.273618495495704
```

- o 표준편차
- o 원래 데이터와 동일한 단위이므로 동일 차원으로 그릴 수 있음



- 평균±표준편차, 평균±2표준편차, 평균±3표준편차
- 1시그마 구간, 2시그마 구간, 3시그마 구간

범위와 사분위 범위

- 범위
- o 데이터 전체가 아니라 최댓값과 최솟값만으로 산포도 표현

$$Rg = x_{\text{max}} - x_{\text{min}}$$

```
[] np.max(scores) - np.min(scores)
28
```

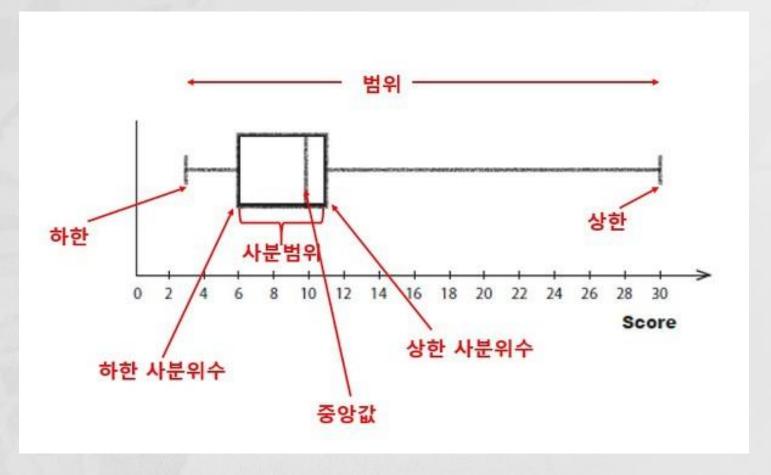
범위와 사분위 범위

- 사분위 범위
- o 상위수%와 하위수%에 위치하는 값의 차이
- 데이터의 하위 25%, 50%, 75%에 위치하는 값은 각각 제1사분위수(Q1),제2사분위수(Q2), 제3사분위수(Q3)
- $oldsymbol{\circ}$ 사분위 범위 IQR=Q3-Q1

```
[] scores_Q1 = np.percentile(scores, 25)
    scores_Q3 = np.percentile(scores, 75)
    scores_IQR = scores_Q3 - scores_Q1
    scores_IQR
15.0
```

상자수염 그림

o 상자수염 그림



데이터의 지표 정리

• 데이터의 지표 정리

```
[ ] pd.Series(scores).describe()
   count 10.000
   mean 55.000
   std 9.775
   min 41.000
   25% 48.250
   50%
      56.500
   75% 63.250
   max 69,000
   dtype: float64
```

참고: 표준 점수

o 표준점수

2012학년도 대학수학능력시험 성적통지표

수험변	<u>i</u> <u>ō</u>	성 명	주민등록번호		출신고교 (반 또는 졸업년도)		
12 *****		0 **	920827 - 1		** 고등학교 (2011)		
구 분	언어	수리영역 외국어 고 (영어)		과학탐구	과학탐구		
1 4	영역	'가'형	영역	물리!	생물I	화학॥	141
표준점수	135	130	130	67	73	67	(4)
백분위	99	96	99	96	100	96	623
등 급	1	1	1	1	1	1	NES

2011.11.30

한국교육과정평가원장



표준화

- o 표준화
- o 상대적 결과가 다르므로 통일된 지표로 변환하는 정규화
- o 데이터에서 평균을 빼고 표준편차로 나누는 작업
- o 표준화된 데이터는 표준화 변량 혹은 Z 점수

$$z_i = \frac{x_i - \overline{x}}{S}$$

```
[] z = (scores - np.mean(scores)) / np.std(scores)
z
array([-1.402, 1.51 , 0.108, -1.51 , 0.216, -0.755, 1.078, -0.647, 1.078, 0.323])
```

표준화

- o 표준화
- o 표준화된 데이터는 평균이 0, 표준편차가 1

```
[] np.mean(z), np.std(z, ddof=0)
(-1.6653345369377347e-17, 0.99999999999999)
```

편차값

- o 편차값
- o 평균이 50, 표준편차가 10이 되도록 정규화한 값

$$z_i = 50 + 10 \times \frac{x_i - \overline{x}}{S}$$

```
[ ] z = 50 + 10 * (scores - np.mean(scores)) / np.std(scores)
z
array([35.982, 65.097, 51.078, 34.903, 52.157, 42.452, 60.783, 43.53, 60.783, 53.235])
```

편차값

o 점수와 편차값의 관계

```
[] scores_df['deviation value'] = z
scores_df
```

o 어떤 학생이 평균 성적을 얻었고, 어떤 학생이 우수한 성적을 얻었는지 알

수 있음

	score	deviation value
student		
A	42	35.982
В	69	65.097
С	56	51.078
D	41	34.903
E	57	52.157
F	48	42.452
G	65	60.783
Н	49	43.530
1	65	60.783
J	58	53.235

데이터의 시각화

데이터의 주요 지표

• 데이터의 주요 지표

```
[] # 50명의 영어 점수 array
   english_scores = np.array(df['english'])
   # Series로 변환하여 describe를 표시
   pd.Series(english_scores).describe()
   count 50.00
   mean 58.38
   std 9.80
   min 37.00
   25% 54.00
   50% 57.50
   75% 65.00
   max 79.00
   dtype: float64
```

데이터의 시각화

도수분포표

- o 데이터의 분포 상태를 세부적으로 알고 싶을 때,
- o 데이터가 취하는 값을 몇 개의 구간으로 나누고,
- o 각 구간에 몇 개의 데이터가 들어가는가를 세는 방법
- o 분할된 구간과 데이터의 개수를 정리한 표가 도수분포표
 - 계급: 시험 점수를 10점 간격으로 나눌 때 0~10점 구간 등
 - 도수: 각 계급에 속한 학생 수
 - 계급폭: 각 구간의 폭, 10점
 - 계급수: 계급의 수, 10

도수분포표

o 도수분포표 작성

```
[ ] freq, _ = np.histogram(english_scores, bins=10, range=(0, 100))
freq
array([ 0, 0, 0, 2, 8, 16, 18, 6, 0, 0], dtype=int64)
```

도수분포표

o 도수분포표 작성

```
[] # 0~10, 10~20, ... 이라는 문자열의 리스트를 작성 freq_class = [f'{i}~{i+10}' for i in range(0, 100, 10)] # freq_class를 인덱스로 DataFrame을 작성 freq_dist_df = pd.DataFrame({'frequency':freq}, index=pd.Index(freq_class, name='class')) freq_dist_df
```

	frequency
class	
0~10	0
10~20	0
20~30	0
30~40	2
40~50	8
50~60	16
60~70	18
70~80	6
80~90	0
90~100	0

참고: for문과 range() 함수

```
In [1]: for a in range(7):
            print(a)
In [2]: for a in range(10, 5, -1):
            print(a)
        10
In [3]: for a in range(20, 31, 2):
            print(a)
        20
        24
        26
        28
        30
```

```
In [1]: total = 0
    for i in range(1, 10):
        total = total + i
    print(total)

45
In [2]: total = 0
    for i in range(1, 10, 2):
        total = total + i
    print(total)

25
```

계급값

o 각 계급을 대표하는 값으로, 계급의 중앙값을 이용

```
[] class_value = [(i+(i+10))//2 for i in range(0, 100, 10)] class_value
[5, 15, 25, 35, 45, 55, 65, 75, 85, 95]
```

도수분포표

- o 상대도수
- o 전체 데이터에 대해서 해당 계급의 데이터가 차지하는 비율

```
[ ] rel_freq = freq / freq.sum()
rel_freq
array([0. , 0. , 0. 0.04, 0.16, 0.32, 0.36, 0.12, 0. , 0. ])
```

도수분포표

- o 누적상대도수
- o 해당 계급까지의 상대도수의 합

```
[ ] cum_rel_freq = np.cumsum(rel_freq)
    cum_rel_freq
array([0. , 0. , 0. , 0.04, 0.2 , 0.52, 0.88, 1. , 1. , 1. ])
```

도수분포표

o 계급값, 상대도수, 누적상대도수를 도수분포표에 추가

도수분포표

o 계급값, 상대도수, 누적상대도수를 도수분포표에 추가

	class value	frequency	relative frequency	cumulative relative	frequency
class					
0~10	5	0	0.00		0.00
10~20	15	0	0.00		0.00
20~30	25	0	0.00		0.00
30~40	35	2	0.04		0.04
40~50	45	8	0.16		0.20
50~60	55	16	0.32		0.52
60~70	65	18	0.36		0.88
70~80	75	6	0.12		1.00
80~90	85	0	0.00		1.00
90~100	95	0	0.00		1.00

도수분포표

- o 최빈값
- o 최대가 되는 계급의 계급값

```
[ ] freq_dist_df.loc[freq_dist_df['frequency'].idxmax(), 'class value']
65
```

o 도수분포표를 만드는 방법에 좌우되므로, 계급폭을 4점으로 하면 최빈값 은 66점

히스토그램

- 도수분포표를 막대그래프로 나타내어 데이터의 분포상태를 더 시각적으로 파악 가능
- o 그래프 그리는 데 필요한 Matplotlib 라이브러리 임포트

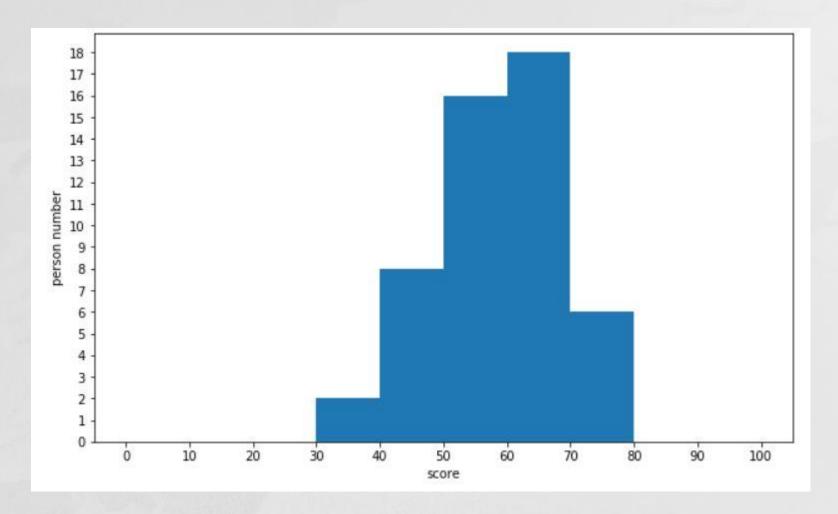
```
[] # Matplotlib의 pyplot 모듈을 plt라는 이름으로 임포트 import matplotlib.pyplot as plt
# 그래프가 notebook 위에 표시
%matplotlib inline
```

o 히스토그램은 hist 메서드(NumPy의 histogram 함수와 동일)

히스토그램

```
[] # 캔버스를 생성
   # figsize로 가로·세로 크기를 지정
   fig = plt.figure(figsize=(10, 6))
   # 켄버스 위에 그래프를 그리기 위한 영역을 지정
   # 인수는 영역을 1×1개 지정、하나의 영역에 그린다는 것을 의미
   ax = fig.add_subplot(111)
   # 계급수를 10으로 하여 히스토그램을 그림
   freq, _, _ = ax.hist(english_scores, bins=10, range=(0, 100))
   # X축에 레이블 부여
   ax.set xlabel('score')
   # Y축에 레이블 부여
   ax.set vlabel('person number')
   # X축을 0, 10, 20, ..., 100 눈금으로 구분
   ax.set_xticks(np.linspace(0, 100, 10+1))
   # Y축을 0, 1, 2, ...의 눈금으로 구분
   ax.set_yticks(np.arange(0, freq.max()+1))
   # 그래프 표시
   plt.show()
```

히스토그램



히스토그램

계급수를 25, 즉 계급폭을 4점으로 하는 히스토그램을 누적 상대도수의 꺾은선 그래프와 함께 그림

```
fig = plt.figure(figsize=(10, 6))
   ax1 = fig.add subplot(111)
   # Y축의 스케일이 다른 그래프를 ax1과 동일한 영역에 생성
   a \times 2 = a \times 1.twin \times ()
   # 상대도수의 히스토그램으로 하기 위해서는, 도수를 데이터의 수로 나눌 필요가 있음
   # 이것은 hist의 인수 weight를 지정하면 실현 가능
    weights = np.ones_like(english_scores) / len(english_scores)
    rel_freq, _, _ = ax1.hist(english_scores, bins=25,
                            range=(0, 100), weights=weights)
    cum rel frea = np.cumsum(rel frea)
    class_value = [(i+(i+4))//2 \text{ for } i \text{ in } range(0, 100, 4)]
```

히스토그램

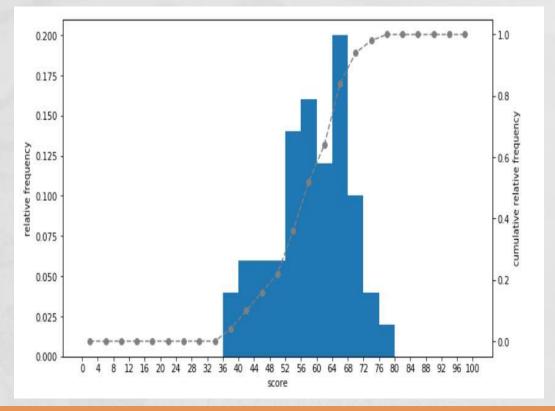
o 계급수를 25, 즉 계급폭을 4점으로 하는 히스토그램을 누적 상대도수의

꺾은선 그래프와 함께 그림

```
# 꺾은선 그래프를 그림
# 인수 Is를 '--'로 하면 점선이 그려짐
# 인수 marker를 'o'으로 하면 데이터 점을 그람
# 인수 color를 'gray'로 하면 회색으로 지정
ax2.plot(class value, cum rel freq.
        Is='--', marker='o', color='gray')
# 꺾은선 그래프의 눈금선을 제거
ax2.grid(visible=False)
ax1.set xlabel('score')
ax1.set vlabel('relative frequency')
ax2.set ylabel('cumulative relative frequency')
ax1.set xticks(np.linspace(0, 100, 25+1))
plt.show()
```

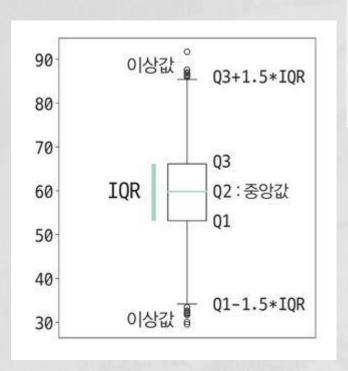
히스토그램

계급수를 25, 즉 계급폭을 4점으로 하는 히스토그램을 누적 상대도수의 꺾은선 그래프와 함께 그림

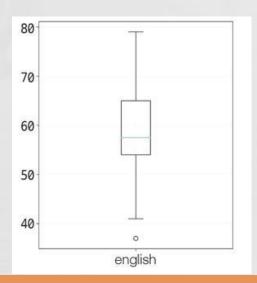


상자 그림

o 데이터의 분포와 이상값을 시각적으로 파악 가능



```
[] fig = plt.figure(figsize=(5, 6))
ax = fig.add_subplot(111)
ax.boxplot(english_scores, labels=['english'])
plt.show()
```



정리

정리

- o 데이터 중심의 지표
- 데이터의 산포도 지표
- o 데이터의 정규화
- o 1차원 데이터의 시각화