

CENTRO DE INFORMÁTICA - UFPB

PROJETO: TutoGen

DOCUMENTO DE REQUISITOS

VERSÃO 1.07

Caio César Moraes de Oliveira - 11502563 Janyelson Victor L. de Oliveira - 11409556 Tiago Henrique Nascimento - 11211406

Histórico de Revisões

Data	Versão	Descrição	Autor(es)
04/09/2017	1.00	Documentação de requisitos inicial do sistema TutoGen	Caio Cesar, Janyelson Victor e Tiago Henrique
15/11/2017	1.01	Reformulação das seções de Introdução e Descrição geral	Janyelson Victor
15/11/2017	1.02	Adicionado novos requisitos funcionais e não funcionais	Janyelson Victor
15/11/2017	1.03	Reformulação do diagrama de casos de uso	Janyelson Victor
16/11/2017	1.03	Refeito as Especificações de requisitos	Janyelson Victor
16/11/2017	1.04	Refeito o Glossário de acordo com as especificações de requisitos	Janyelson Victor
16/11/2017	1.05	Refeito os Diagramas arquiteturais de baixo-nível e alto- nível	Janyelson Victor
16/11/2017	1.06	Refeito o Diagrama de classes de Análise de acordo com as novas RF e RFN	Janyelson Victor
27/11/2017	1.07	Refeito o Diagrama de classes de Análise de acordo com os padrões de projeto	Caio Cesar, Janyelson Victor e Tiago Henrique

Sumário

1. Introdução	4
1.1. Propósito do documento	4
1.2. Visão geral do documento	4
1.3 Documentos relacionados	4
2. Descrição geral	5
2.1. Motivação	5
2.3. Visão geral do sistema	5
2.4. Usuários do sistema	6
2.5. Suposições e restrições gerais	7
3. Glossário	8
4. Elicitação de Requisitos	9
4.1. Questionário	9
4.2. Entrevista	9
5. Análise de Requisitos	10
5.1. Requisitos funcionais (RF)	10
5.1.1. [RF001] Criar árvore.	10
5.1.2. [RF002] Adicionar membro.	10
5.1.3. [RF003] Adicionar união.	11
5.1.4. [RF004] Adicionar característica.	11
5.1.5. [RF005] Adicionar Filho.	11
5.1.6. [RF006] Calcular características.	11
5.1.7. [RF007] Tutorial didático.	12
5.1.8. [RF008] Compartilhar árvore	12
5.1.9. [RF009] Excluir membro.	12
5.1.10. [RF010] Excluir característica.	12
5.1.11. [RF011] Desfazer união.	13
5.1.12. [RF012] Configurar característica.	13
5.1.13. [RF013] Gerar relatório	13
5.1.14. [RF014] Autenticação de usuários	13
5.1.15. [RF015] Compartilhar acesso à árvore	14
5.1.16. [RF016] Notificação para usuários cadastrados	14
5.1.17. [RF017] Criação de usuário administrador.	14
5.2.1. [NF001] Sistema responsivo.	15
5.2.2. [NF002] Sistema multiplataforma.	15
5.2.3. [NF003] Redes sociais para compartilhamento.	15

5.2.4. [NF004] Envio de notificações	15
5.2.5. [NF005] Tipos de relatório.	16
5.2.6. [NF006] Mecanismo de persistência	16
5.2.7. [NF007] Tempo de resposta.	16
5.2.8. [NF008] Especificação do servidor de aplicativos.	17
5.2.9. [NF009] Limite de membros.	17
5.2.10. [NF010] Restaurar o estado anterior do sistema.	17
5.2.11. [RNF011] Especificação da implementação.	18
5.2.12. [RNF012] Autenticação externa	18
5.2.13. [RNF013] Padrão para autenticação	18
6. Especificação de Requisitos	19
6.1. Principais casos de uso do sistema	19
6.1.1. [UC001] Compartilhar acesso à árvore.	19
6.1.2. [UC002]Adicionar união.	20
6.1.3. [UC003] Adicionar característica.	21
6.2. Diagrama Casos de Uso	22
7. Análise de casos de uso (diagrama de classes de análise)	23
8. Padrões de Projeto	24
8.1. Adapter	24
8.2. Bridge	24
8.3. Command	24
8.4. DAO	24
8.5. Facade	24
8.6. Factory Method	24
8.7. Filter	24
8.8. Memento	25
8.9. Observer	25
8.10. Singleton	25
8.11. Strategy	25
8.12. Template Method	25
9. Descrição da interface com o usuário	26
9.1. Modo interativo e hover do mouse	27
9.2. Modo tutorial e click direito	28
10. Diagramas de Arquitetura	29
10.1. Arquitetura Lógica	29
10.2. Arquitetura Física	30

1. Introdução

1.1. Propósito do documento

Este documento tem por objetivo apresentar sobre o sistema TutoGen (Tutorial sobre Genética) e os requisitos necessários, descrevendo os motivos para o desenvolvimento desse sistema, quais requisitos deve atender - funcionalidades e restrições -, os casos de uso, o protótipo da aplicação, o diagrama de classes e as arquiteturas de baixo e alto nível.

1.2. Visão geral do documento

Esta introdução fornece as informações necessárias para fazer um bom uso deste documento, explicitando seus objetivos e as convenções que foram adotadas no texto, além de conter uma lista de referências para outros documentos relacionados. As demais seções apresentam a especificação do sistema TutoGen e estão organizadas como descrito abaixo:

- Descrição geral do sistema apresenta uma visão geral do sistema, caracterizando qual é o seu escopo e descrevendo seus usuários.
- Análise de Requisitos apresenta os Requisitos Funcionais que especificam os requisitos funcionais do sistema, a sua descrição, os casos de usos relacionados e sua prioridade, e os Requisitos não funcionais: especifica todos os requisitos não funcionais do sistema, divididos em requisitos de usabilidade, confiabilidade, desempenho, segurança, distribuição, adequação a padrões e requisitos de hardware e software.
- Especificação de Requisitos especifica todos os requisitos funcionais (casos de uso) do sistema, descrevendo os fluxos de eventos, prioridades, atores, entradas e saídas de cada caso de uso a ser implementado.
- Diagrama geral de casos de uso Descrição da interface com o usuário: apresenta figuras de telas das principais interfaces do sistema.
- Diagrama de classes de análise Apresenta o diagrama de classes de análise do sistema.
- Diagrama arquitetural Apresenta o diagrama da arquitetura física e lógica do sistema.

1.3 Documentos relacionados

Não existe nenhum documento relacionado a este documento de requisitos, ou seja, o sistema TutoGen não possui qualquer outro documento relacionado para que possa ser mencionado.

2. Descrição geral

2.1. Motivação

O sistema TutoGen tem como objetivo auxiliar na aprendizagem ou tutoria dos seus usuários com assuntos relacionado à genético (estudo dos genes), isto é, ajudar os usuários em aprender sobre genética, desde de conceitos básicos (genes, cromossomos, DNA, ...) até na criação de árvores genealógicas, e para aqueles que desejam ensinar outras pessoas sobre genética.

2.2. Problemas identificados

O TutoGen visa resolver o problema do conhecimento sobre genética para as pessoas do ensino médio e baixa escolaridade, além de fornecer aos professores uma ferramenta para auxiliar no ensino sobre genética.

2.3. Visão geral do sistema

O TutoGen é uma aplicação interativa para criação de árvores genealógicas e cálculo básico de probabilidades genéticas acerca de fatores os quais podem acometer membros da árvore criada. Além disso, o TutoGen também oferece aos seus usuários conteúdo didático sobre os conhecimentos básicos da genética, tutoriais para a criação de uma árvore genealógica e como é calculado as probabilidades de transmissão de características hereditárias ao longo das gerações.

O usuário pode criar sua árvore genealógica com facilidade e então saber a probabilidade de algum membro de sua família ter ou desenvolver alguma característica genética específica. Além de aprender didaticamente como ele pode fazer esses cálculos probabilísticos, se referindo aos assuntos de genética do ensino médio.

O sistema fornece ao usuário uma árvore inicial (padrão), exemplos de árvores, e também opções de adicionar membros e uniões na árvore inicial. Para os membro da árvore, o usuário poderá adicionar características genéticas em qualquer membro, e adicionar relações de união entre membros. Da relação de união é possível originar filhos (outros membros) os quais poderão herdar ou não algumas das características genéticas dos pais especificadas anteriormente.

É importante salientar que filhos adotivos podem ser adicionados como fruto de uma união, mas devem ser especificados como adotivos, pois não podem herdar características genéticas dos pais. O sistema também fornece a opção de fazer o login ou autenticação utilizando um sistema externo (Facebook, Twitter ou Google) e compartilhar a árvore desenvolvida ou

exemplos de árvores, através das redes sociais (Facebook, Twitter e Google+) apenas para os usuários autenticados nos respectivos sistemas externos.

2.4. Usuários do sistema

2.4.1 Aluno do ensino médio

São usuários que poderão utilizar o sistema com o objetivo de sanar dúvidas referentes às suas disciplinas - biologia e outras ciências que envolvem genética - como também para curiosidades em geral. Através dos tutoriais sobre conceitos básicos sobre genética e do cálculo de probabilidades, esses usuários poderão ter um melhor entendimento sobre genética, desde dos assuntos mais simples (p.ex. árvore genealógica) até os mais avançados (p.ex. DNA).

2.4.2 Professores do ensino médio

São usuários os quais podem utilizar o sistema como material auxiliar durante suas aulas com os alunos do ensino médio, como também para sanar eventuais dúvidas que possam aparecer. O sistema vai ajudar na tutoria dos professores que ensinam assuntos que envolvem genética, mostrando aos seus alunos como é feito o cálculo de probabilidade para transmissão hereditária de traços genéticos, sobre cromossomos, genes, DNA e na criação e demonstração de uma árvore genética.

2.4.3 Curiosos em geral

Usuários que não sejam, necessariamente, professores ou alunos do ensino médio, mas possuem curiosidades sobre genética. Que esteja a fim de aprender sobre genética e a criar e, depois, compartilhar uma árvore genealógica.

2.4.4 Administrador

Usuários que tem a função de administrar os recursos do sistema TutoGen. Tem a opção de gerar um relatório referente aos acessos de usuários ao sistema, os tipos de usuários que utilizam as ferramentas do sistema, árvores geradas e compartilhamentos.

2.5. Suposições e restrições gerais

A seguinte listagem indicam as suposições e as restrições gerais que podem limitar as possibilidades do desenvolvedor:

- As árvores da plataforma não poderão ser utilizadas como ferramenta legal.
- O sistema terá um controle de *timeout* com suporte para envio de informações à equipe de desenvolvimento em casos de erro.

3. Glossário

Membro – entidade que representa o indivíduo pertencente a árvore genealógica do usuário. Cada membro possui um conjunto de características, além de outras informações, que são:

- Atributos:
 - Nome do membro: 20 posições alfanumérico.
 - o Gênero: Masculino ("M") ou Feminino ("F").

Conjunto de Características - entidade que representa o conjunto de característica de um membro, ou seja, cada membro terá um conjunto de características relacionado a sua genética. O conjunto de características tem os seguintes atributos:

- Atributos:
 - Quantidade máxima: 5 características

Conta do Usuário - entidade que representa as informações sobre o email e senha do usuário no sistema "Rede Social" utilizados para autenticação.

Sistema "Rede Social" - entidade que representa os sistemas externos para autenticação e compartilhamento de árvores genealógica. São 3 sistemas utilizados: Facebook, Twitter e Google+.

Sistema "Notificação" - entidade que representa os sistemas externos para envio de notificações ao usuários cadastrados. A notificação é enviada para o email escolhido no cadastro de usuário.

4. Elicitação de Requisitos

4.1. Questionário

- 1. Descrição: O questionário foi utilizado para levantar dados mais quantitativos. Buscou responder as questões das dificuldades dos alunos do ensino médio em relação a genética (cromossomos, genes, cálculo de probabilidade, ...), onde o aluno responde o grau de dificuldade a cada assunto, de fácil até não conheço sobre o assunto.
- 2. Data: 11 de Novembro de 2016
- 3. Local: Através da disponibilização do questionário, em forma de formulário online, em alguns grupos de escolas na rede social Facebook
- 4. Participantes: Alunos do ensino médio.
- 5. Formulário: https://goo.gl/gmxwgi

4.2. Entrevista

- Descrição: As entrevistas foram realizadas com o objetivo de levantar dados mais qualitativos. Buscou responder as questões das dificuldades de ensino sobre assuntos relacionados a genética, como atuam para sanar essa dificuldade e se o sistema TutoGen poderia resolver esses problemas.
- 2. Data: 11 de Novembro de 2016
- 3. Local: Através da rede social Facebook.
- 4. Participantes: Professores
- 5. Entrevistas: https://goo.gl/RwC0qy

5. Análise de Requisitos

Para estabelecer a prioridade dos requisitos, foram adotadas as denominações "essencial", "importante" e "desejável".

- **Essencial:** é o requisito sem o qual o sistema não entra em funcionamento. Requisitos essenciais são requisitos imprescindíveis, que têm que ser implementados impreterivelmente.
- **Importante:** é o requisito sem o qual o sistema entra em funcionamento, mas de forma não satisfatória. Requisitos importantes devem ser implementados, mas, se não forem, o sistema poderá ser implantado e usado mesmo assim.
- **Desejável:** é o requisito que não compromete as funcionalidades básicas do sistema, isto é, o sistema pode funcionar de forma satisfatória sem ele. Requisitos desejáveis podem ser deixados para versões posteriores do sistema, caso não haja tempo hábil para implementá-los na versão que está sendo especificada.

5.1. Requisitos funcionais (RF)

5.1.1. [RF001] Criar árvore.

Essencial

Descrição: O usuário logado pode criar uma nova árvore genealógica a partir da árvore inicial (padrão).

Desejável

Caso de uso relacionado:

Prioridade:

Essencial Importante Desejável

5.1.2. [RF002] Adicionar membro.

Descrição: Após a criação da árvore, o usuário pode adicionar até 30 membros

Caso de uso relacionado:

Prioridade:

Importante

5.1.3. [RF003] Adicionar união.
Descrição: O sistema deve ser disponibilizada a criação de relacionamentos de união entre dois membros.
Caso de uso relacionado: [UC002]
Prioridade:
■ Essencial □ Importante □ Desejável
5.1.4. [RF004] Adicionar característica.
Descrição: Devem ser disponibilizadas opções para especificar características genéticas a um membro da família. Uma lista de características pré-definidas deve ser disponibilizada.
Caso de uso relacionado: [UC003]
Prioridade:
□ Essencial ■ Importante □ Desejável
5.1.5. [RF005] Adicionar Filho.
Descrição: O sistema deve permitir a criação de um filho a partir de uma união, deve ser dada as opções para especificar se o filho é adotivo ou não.
Caso de uso relacionado:
Prioridade:
□ Essencial ■ Importante □ Desejável
5.1.6. [RF006] Calcular características.
Descrição: O sistema precisa executar cálculos de probabilidade genética a partir das características especificadas nos pais e aplicá-los aos filhos.
Caso de uso relacionado:
Prioridade:
□ Essencial ■ Importante □ Desejável

5.1.7.	[RF007]	Tutorial	didático.

Descrição: Deve ser exibido tutorial detalhado para cada passo dos cálculos que foram feitos de forma didática, com o intuito de ensinar o usuário a fazer os mesmos cálculos.

Caso de uso relacionado	:		
Prioridade:			
□ Essencial	■ Importante	□ Desejável	
	de compartilhar a árvor	re genealógica criada nas redes sociais.	
Caso de uso relacionado	i.		
Prioridade:			
Essencial	□ Importante	Desejável	
5.1.9. [RF009] Excluir	membro.		
Descrição: O sistema de	ve permitir a exclusão d	de um membro da árvore.	
Caso de uso relacionado	:		
Prioridade:			
Essencial	□ Importante	□ Desejável	
5.1.10. [RF010] Excluir	característica.		
Descrição: O sistema membro.	deve permitir a exclus	isão de características especificadas para	algum
Caso de uso relacionado	v:		
Prioridade:			
□ Essencial	■ Importante	□ Deseiável	

5.1.11. [R	.F011] Desfazer u	nião).		
Descrição	: Deve ser dada a	opç	ao de desfazer uma u	ınião	entre dois pais.
Caso de u	so relacionado:				
Prioridade	e:				
•	Essencial		Importante		Desejável
5.1.12. [R	F012] Configura	car	acterística.		
Descrição	: O usuário deve	ser (capaz de escolher o go	enót	ipo/fenótipo de um membro.
Caso de u	so relacionado:				
Prioridade	2 :				
	Essencial	•	Importante		Desejável
5.1.13. [R	F013] Gerar relat	ório	,		
Descrição	o: O usuário admi os, tipos de usuár	nist	rador deve ser capaz		gerar relatórios estatísticos sobre: acessos ção de árvores, e assuntos sobre genética
Caso de u	so relacionado:				
Prioridade	2 :				
•	Essencial		Importante		Desejável
5.1.14. [R	.F014] Autenticaç	ão c	le usuários		
-	-			_	n utilizando sistemas externos (Facebook, ilhamento e notificações.
Caso de u	so relacionado: [U	JC0	01]		
Prioridade	2 :				
	Essencial	•	Importante		Desejável

5.1.15. [RF015] Compartilhar acesso à árvore

Descrição: O usuário cadastrado pode compartilhar com outros usuários (cadastrados ou não) o acesso para utilizar ferramentas de criação de árvores genealógicas de forma colaborativa por meio de um "link" ou por email de usuários cadastrados. O usuário que compartilhou será o administrador daquela árvore.

administ	rador daquela árvore.			
Caso de	uso relacionado:			
Prioridad	de:			
	Essencial	Importante		Desejável
5.1.16. [RF016] Notificação p	ara usuários cadastrad	los	
•		do pode ativar notifica compartilhado são alte	-	s para receber avisos relacionados a as.
Caso de	uso relacionado:			
Prioridad	de:			
	Essencial	Importante		Desejável
5.1.17. [RF017] Criação de us	uário administrador.		
•	o: O sistema deve po acesso a mais funcior		um	usuário com privilégios de administrador
Caso de	uso relacionado:			
Prioridad	de:			
-	Essencial	Importante		Desejável

5.2. Requisitos não funcionais

Usabilidade

7 0 1		a. ,	•
5.2.1.	NF001	Sistema	responsivo

Descrição:	As	janelas	do	sistema	precisam	se	adequar	às	mudanças	de	tela	ou
redimension	namer	ntos de te	la do	usuário (16:9 horizoi	ntal (ou vertical).				

2.2.1. [111 001] SISTORIA	respensive.		
Descrição: As janelas redimensionamentos de t	=	am se adequar às mudanças de rizontal ou vertical).	tela ou
Prioridade:			
Essencial	■ Importante	□ Desejável	
Portabilidade			
5.2.2. [NF002] Sistema	multiplataforma.		
Descrição: A interface do	o sistema precisa ser co	mpatível com Firefox 52-54.	
Prioridade:			
Essencial	Importante	□ Desejável	
Interoperabilidade			
5.2.3. [NF003] Redes so	ociais para compartilha	mento.	
Descrição: Ser compatíve	el com o sistema de coi	npartilhamento do Facebook, Twitter e	Google+.
Prioridade:			
□ Essencial	■ Importante	□ Desejável	
5.2.4. [NF004] Envio de	e notificações		
Descrição: O sistema de principais registrados no		para o e-mail cadastrado pelo usuário Twitter.), e-mails
Prioridade:			
□ Essencial	■ Importante	□ Desejável	

5.2.5. [NF005] Tipos de relatório.
Descrição: O sistema deve gerar pelo menos dois tipos de relatório, um no formato PDF e outro em XML. A geração dos arquivos será por meio da Biblioteca JasperReports, que possui uma boa documentação e uma comunidade de usuários numerosa.
Prioridade:
□ Essencial □ Importante ■ Desejável
5.2.6. [NF006] Mecanismo de persistência
Descrição: O sistema deve utilizar o mecanismo de persistência JDBC para se conectar com o banco de dados relacional.
Prioridade:
□ Essencial ■ Importante □ Desejável
Desempenho
5.2.7. [NF007] Tempo de resposta.
Descrição: Operações na plataforma, quando o servidor não apresenta problemas, não devem
ultrapassar 20 segundos no tempo de resposta. Os clientes deverão abrir as páginas sem
ultrapassar os limites de espera estabelecidos abaixo:
1. A página principal tem que ser carregada no máximo em até 10 segundos com uma conexão mínima de 256kbps.
2. As páginas que recuperam informações de transações no banco de dados da própria aplicação, deve responder em 15 segundos a cada 5.000 registros, retornados em uma conexão de 256 kbps.
Prioridade:

□ Desejável

■ Importante

 \Box Essencial

5.2.8. [NF008] Especificação do servidor de aplicativos.

Descrição: O servidor deve suportar 100.000 conexões simultâneas sem perda de desempenho. Sendo capaz de atender uma demanda de 2000 requisições a cada 5 min, como limitante superior. O sistema deverá rodar considerando a seguinte especificação do servidor de aplicativos:

 2 processadores, com 4 núcleos cada. 12 Gb de memória RAM. 500 Gb de espaço em disco. 				
Prioridade:				
■ Essencial □ Importante □ Desejável				
Padrão				
5.2.9. [NF009] Limite de membros.				
Descrição: Uma árvore genealógica só poderá conter no máximo 30 membros.				
Prioridade:				
■ Essencial □ Importante □ Desejável				
Confiabilidade				
5.2.10. [NF010] Restaurar o estado anterior do sistema.				
Descrição: Caso ocorra um erro ao manipular a árvore, seja na adição ou exclusão, o sistema deve restaurar o estado anterior da árvore.				
Prioridade:				
□ Essencial ■ Importante □ Desejável				

Implementação

5.2.11. [RNF011] Especificação da implementação.	
Descrição: O sistema deve ser implementado utilizando a linguagem de progra ou superior.	mação Java EE 7
Prioridade:	
□ Essencial ■ Importante □ Desejável	
Segurança	
5.2.12. [RNF012] Autenticação externa	
Descrição: O sistema deve utilizar sistemas externos para autenticação do us Twitter e Google+).	suário (Facebook,
Prioridade:	
□ Essencial ■ Importante □ Desejável	
5.2.13. [RNF013] Padrão para autenticação	
Descrição: O sistema deve utilizar o protocolo OAuth para autenticação externos (Facebook, Google e Twitter).	com os sistemas
Prioridade:	
□ Essencial ■ Importante □ Desejável	

6. Especificação de Requisitos

- 6.1. Principais casos de uso do sistema
- 6.1.1. [UC001] Compartilhar acesso à árvore.

Prioridade:

	Essencial	Importante		Desejável
--	-----------	------------	--	-----------

Descrição	O usuário cadastrado compartilha o acesso à árvore criada para que outros usuários tenham acesso e possam alterar essa árvore.		
Ator(es)	Usuário, Sistema "Rede Social" e Sistema "Notificação"		
Pré-Condições			
Pós-Condições	Acesso garantido à outros usuários que possuem o "link" de acesso ou foram notificados por email		
Fluxo Principal[FP]	 O usuário seleciona a opção "Compartilhamento de acesso à árvore". O sistema gera o "link" de acesso e dispõe para o usuário. O usuário informa ao sistema emails para compartilhar o acesso 		
Fluxo Secundário [FS001]	 Caso o usuário não esteja autenticado, é exigido à autenticação. O usuário realiza o login com o sistema externo escolhido, informando sua <i>Conta do Usuário</i>. O sistema externo valida os dados. 		
Fluxo Secundário [FS002]	Caso o usuário selecionou algum email, então o sistema "Notificação" vai notificar os outros usuários.		

6.1.2. [UC002]Adicionar união.

Prioridade:

■ Essencial □ Importante □ Desejável

Descrição	O usuário adiciona um relacionamento de união entre dois membros		
Ator	Usuário		
Pré-Condições	Existência, na árvore, de pelo menos dois membros, um masculino e outro feminino.		
Pós-Condições			
Fluxo Principal[FP]	 O usuário seleciona a opção "Criar união". O usuário seleciona dois membros os quais um deve ser masculino e o outro feminino. O sistema cria o relacionamento de união. 		
Fluxo Secundário [FS003]	 Depois da criação da união, o usuário pode adicionar um filho resultante da união O usuário informa os dados do <i>Membro</i> (filho) ao sistema 		
Fluxo Secundário [FS004]	 Caso adicionado um filho, o sistema faz cálculos genéticos sobre as características que foram definidas para os pais. O usuário pode consultar o resultado dos cálculos ao selecionar o filho resultante dessa união. 		
Fluxo Secundário [FS005]	Antes dos cálculos genéticos, caso o filho seja definido como adotivo, os cálculos não são feitos, pois as características genéticas não podem passar para filhos adotivos.		

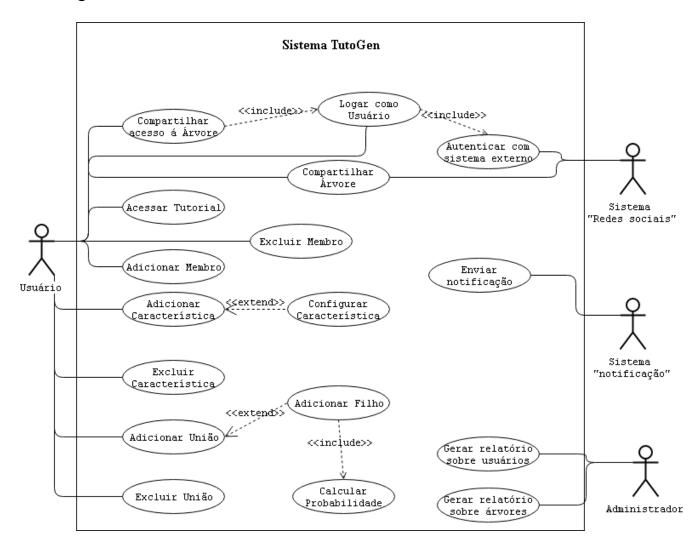
6.1.3. [UC003] Adicionar característica.

Prioridade:

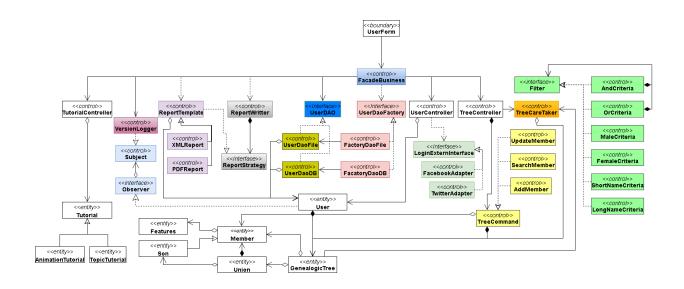
□ Essencial ■ Importante □ Desejável

Descrição	O usuário define as características genéticas supostas ou conhecidas para um membro selecionado.		
Ator	Usuário		
Pré-Condições	Existência de pelo menos um membro na árvore genealógica		
Pós-Condições			
Fluxo Principal[FP]	 O usuário seleciona em "Adicionar características" O usuário informa o <i>Conjunto de Características</i> ao sistema. Em seguida, seleciona algum membro. O sistema fornece ao usuário a possibilidade de consultar as características definidas em cada membro ao selecioná-lo. 		
Fluxo Secundário[FS006]	 Depois de selecionar o membro para adicionar a característica, o usuário tem a opção de "Configurar característica" Usuário seleciona a característica que deseja configurar O sistema disponibiliza os possíveis fenótipos\genótipos para tal característica. O usuário colocas os fenótipos\genótipos desejados. 		

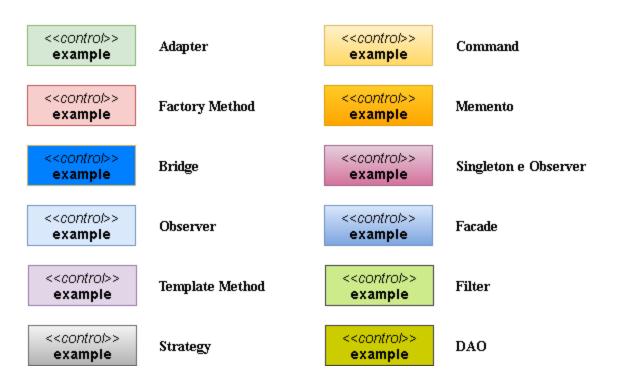
6.2. Diagrama Casos de Uso



7. Análise de casos de uso (diagrama de classes de análise)



Legenda:



8. Padrões de Projeto

8.1. Adapter

O padrão *Adapter* será utilizado na criação de classes que adequarão a autenticação do usuário com sistemas externos de modo que alterações futuras no uso desses sistemas demandem poucas alterações nas demais classes do código.

8.2. Bridge

O padrão *Bridge* será utilizado para desacoplar a abstração de objetos de acesso a dados (DAO), da implementação, isto é, variar entre as implementações possíveis. O uso do Bridge será através da composição de uma abstração (*Interface*) UserDAO na classe *FacadeBusiness*.

8.3. Command

O padrão *Command* será utilizado para encapsular requisições de alterações a árvore genealógica como um objeto. Os comandos são, no momento, alterar membro da árvore, adicionar membro e procurar membro na árvore.

8.4. DAO

O padrão *DAO* será utilizado para abstrair algoritmos de um nível mais baixo (manipulação de elementos unitários dos objetos) para um nível mais alto (fornecendo abstrações que sumarizam várias operações dos anteriores).

8.5. Facade

O padrão *Facade* será utilizado para criar uma fachada (interface única) entre o módulo de interface de usuário (*view*) do módulo de controle (*business*), delegando requisições para os objetos apropriados e tornando o módulo de controle mais fácil de utilizar.

8.6. Factory Method

O padrão *Factory Method* será utilizado para a criação de objetos de acesso a dados, responsabilidade das fábricas, que implementam a interface *Factory*, para criação de objetos para Persistência em Arquivos e de objetos para Persistência em Banco de dados Relacional.

8.7 Filter

O padrão *Filter* será utilizado para a filtragem dos membros da árvore genealógica a partir dos diferentes critérios e as possíveis combinações entre os critérios.

8.8. Memento

O padrão *Memento* será utilizado para a operação de desfazer (*undo*) pelo usuário com sua árvore genealógica. O *Memento* guardará o estado da árvore genealógica e, caso a operação de desfazer é chamado, é feito uma cópia da árvore salva para a árvore atual do usuário.

8.9. Observer

O padrão *Observer* será utilizado no sistemas de notificações para usuários. As notificações podem envolver alterações na árvore compartilhada e atualizações do sistema. Oferecendo a possibilidade de desativar as notificações de um tipo específico.

8.10. Singleton

O padrão *Singleton* será utilizado para garantir apenas uma instanciação da classe *VersionLogger* (uma das classes sobre a qual o sistema de notificação atua).

8.11. Strategy

O padrão *Strategy* será utilizado, em conjunto com o padrão *Factory Method*, para escolher entre as estratégias (implementações) do tipo de relatório gerador (XML ou PDF).

8.12. Template Method

O padrão *Template Method* será utilizado para escolher entre tipos de relatórios (PDF ou XML) que podem ser gerados pelo usuário. O relatório contém informações sobre o próprio usuário (suas informações) e sobre a árvore genealógica, e para os usuário administradores, relatórios sobre os usuários e as árvores criadas.

9. Descrição da interface com o usuário

A interface da plataforma web conta com dois modos de uso: o tutorial e o interativo. Além de três regiões principais: lateral esquerda, contendo a estrutura de tópicos do tutorial, lateral direita, contendo as ferramentas do usuário, e a central, onde se encontra a árvore, botões de zoom e de compartilhamento em redes sociais. As duas regiões laterais podem ser expandidas ou reduzidas com o uso de botões centrais.

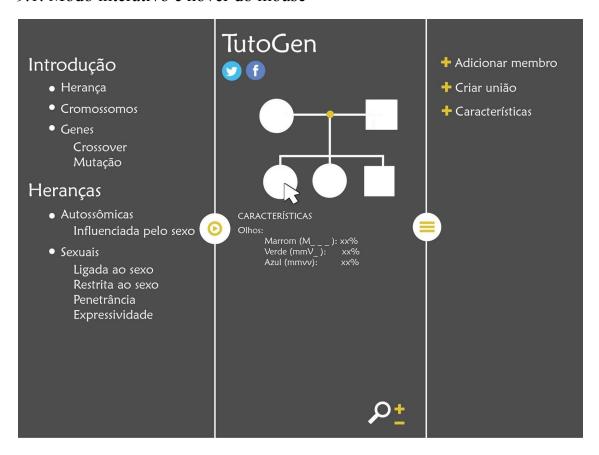
Ao clicar em um dos tópicos do tutorial, na região esquerda expandida, o tutorial inicia a partir daquele ponto. O tutorial exibe uma janela com três botões: o de fechar, o de avançar e o de voltar um quadro. Nessa janela, há um título e um texto específico da etapa atual do tutorial. Em cada etapa pode ocorrer uma animação simulando interações específicas e didáticas que auxiliam a compreensão do que está sendo abordado.

A região da direita contém as opções de "adicionar membro" sem parentescos (pode ser modificado após criação), "criar união" para definir os casamentos na árvore e "características" para considerar, ou não, características pré-definidas durante os cálculos de hereditariedade.

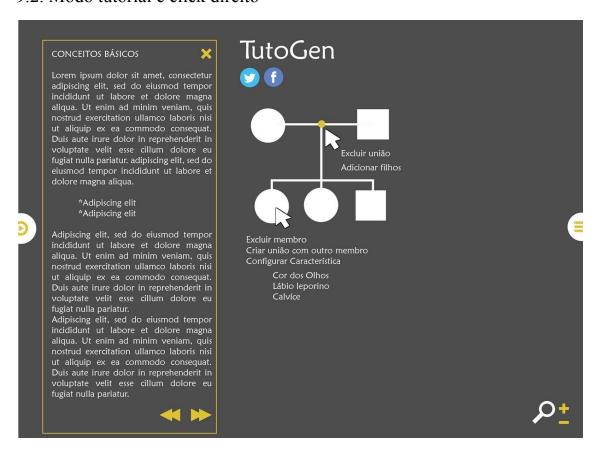
Na parte central, há dois botões de zoom para facilitar a visualização. Caso o zoom, esteja muito grande, o usuário pode movimentar a imagem clicando e arrastando com o mouse (no mobile, o equivalente será pinça e movimento de deslizar o dedo).

Ao passar o mouse sobre um membro (no mobile, 'tap and hold') , uma caixa de texto aparece informando os seus fenótipos e genótipos. Caso não tenham sido definidos, mostrará a probabilidade de cada fenótipo/genótipo. Clicando com o botão direito em algum membro, um submenu aparece com as opções de "criar união com outro membro" e "configurar características: <características ativas>" (onde é possível associar um fenótipo/genótipo do membro).

9.1. Modo interativo e hover do mouse

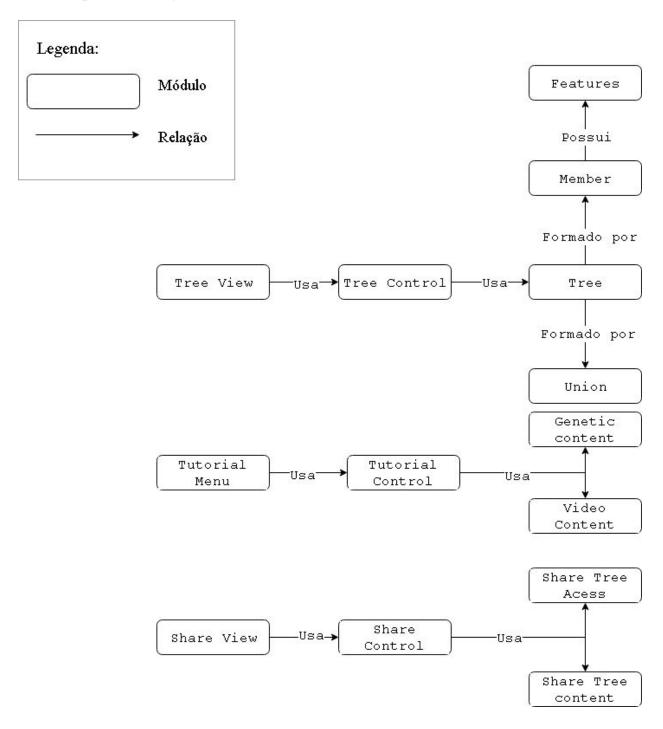


9.2. Modo tutorial e click direito



10. Diagramas de Arquitetura

10.1. Arquitetura Lógica



10.2. Arquitetura Física

