Optimisation de la tournée d'un livreur grâce à un algorithme génétique

2022 - 2023

1 Introduction

Ce TIPE s'intéresse à une méthode de résolution approchée du problème du voyageur de commerce à l'aide d'un algorithme génétique. On étudiera tout d'abord le problème en général, ainsi que des algorithmes de résolution servant de témoins, avant d'implémenter une solution par algorithme de colonie de fourmis.

1.1 Définitions et notations

On commence par définir les notions de cycles hamiltoniens et de plus court cycle afin de pouvoir décrire le problème du voyageur de commerce

Définition 1.1. Un graphe pondéré non orienté est noté G = (S, A, w), où :

- S = [0, n-1] est l'ensemble de ses sommets.
- $-A \subset \mathcal{P}_2(S)$ l'ensemble des arêtes, où $\mathcal{P}_2(S)$ désigne les parties à 2 éléments de S.
- $-w \in \mathbb{R}^A$ est la fonction qui à toute arête du graphe associe son poids

Dans tout ce problème, on considérera des graphes complets, c'est à dire les graphes vérifiant $A = \mathcal{P}_2(S)$. Les sommets seront des points du plan

Définition 1.2. Un cycle hamiltonien d'un graphe G, noté $C = (s_0, \ldots s_{n-1}, s_n)$ est une liste de n+1 sommets de $S = \{s_0, \ldots, s_{n-1}\}$ tel que $s_0 = s_n$. La longueur de ce cycle étend le domaine de définition de w à A^n , avec :

$$w(C) = \sum_{k=0}^{n-1} w(\{s_k, s_{k+1}\})$$

Un cycle hamiltonien est donc un cycle du graphe passant une et une seule fois par chaque sommet, avant de revenir à son point d'origine. Sa longueur est la somme des poids des arêtes empruntées. On peut alors définir le problème du voyageur de commerce [1] :

Définition 1.3. Le problème du voyageur de commerce (PVC) est un problème d'optimisation défini par :

- Instance : Un graphe G = (S, A, w) pondéré non orienté
- **Solution**: Un cycle hamiltonien $C = (s_0, \ldots, s_{n-1}, s_n)$
- Optimisation : Minimiser w(C)

Notation. Étant donné un algorithme A et un graphe G, on note A(G) le cycle renvoyé par l'application de l'algorithme A au graphe G

Notation. On appliquera une étoile (*) à toute grandeur optimale dans son ensemble. Ainsi, C^* désignera un cycle minimisant w(C) pour un graphe G

1.2 Problématique et enjeux

Dans toute cette étude, on considérera que $P \neq NP$.

Théorème 1.4. Le problème de décision associé au problème du voyageur de commerce est NP-complet [2].

En raison de ce résultat, on ne peut espérer trouver d'algorithme efficace permettant la résolution du problème du voyageur de commerce. On se tourne donc vers les résolutions approchées.

Définition 1.5. Étant donné $\alpha > 1$, on dit que \mathcal{A} est un algorithme d' α -approximation du problème du voyageur de commerce si pour tout graphe G, $w(\mathcal{A}) \leq \alpha w(C^*)$

On recherche donc des algorithmes efficaces d'optimisation, minimisant à la fois leur complexité temporelle d'exécution et la longueur du cycle renvoyé.

Théorème 1.6. Dans le cas où w ne vérifie pas l'inégalité triangulaire, il n'existe pas d'algorithme d' α -approximation de PVC.

Démonstration.

Supposons disposer d'un tel algorithme d' α -approximation. Pour un graphe G = (S, A, w) à n sommets, on construit le graphe complet à n sommets $K_G = (S, \mathcal{P}_2(S), f)$ avec :

- $Si \ a \in A, \ f(a) = 1$
- Sinon, $f(A) = n\alpha$

Alors, vu les poids des arêtes, G possède un cycle hamiltonien si et seulement si et seulement si K_G possède un cycle hamiltonien de poids inférieur ou égal à $n\alpha$.

Ainsi, à partir de G, on construit K_G en temps polynomial, et on détermine par hypothèse en temps polynomial si K_G a un cycle hamiltonien de poids inférieur ou égal à $n\alpha$, i.e si G possède un cycle hamiltonien. Par conséquent, le problème "cycle hamiltonien" est dans P, ce qui est absurde.

Ce théorème nous incite donc à ajouter l'hypothèse que w vérifie l'inégalité triangulaire, afin de pouvoir construire des algorithmes raisonnables. En pratique, la fonction w sera généralement la norme euclidienne.

2 Premiers algorithmes et témoins

Afin de pouvoir mesurer l'efficacité des algorithmes que l'on va construire, on se base sur différents algorithmes classiques permettant de résoudre - de manière exacte ou approchée - le problème du voyageur de commerce.

2.1 Algorithmes exacts

L'algorithme na \ddot{i} de résolution du problème du voyageur de commerce consiste à énumérer l'ensemble des cycles du graphe G, et de calculer leur longueur, pour conserver un cycle de longueur minimale.

La complexité de cet algorithme est exponentielle : il faut étudier les n! permutations et le calcul de leur longueur est en temps $\mathcal{O}(n)$. La complexité de cet algorithme est donc en $\mathcal{O}((n+1)!)$, et est donc inutilisable au delà d'une dizaine de sommets.

On décide d'améliorer cet algorithme grâce à une méthode de retour sur trace qui permet d'améliorer en pratique la durée d'exécution mais ne modifie pas la complexité asymptotique dans le pire cas, et ne permet pas non plus de dépasser la dizaine de sommets.

2.2 Une 2-approximation: l'algorithme par arbre couvrant minimal

L'algorithme par arbre couvrant minimal utilise un arbre couvrant minimal du graphe afin d'en extraire un cycle hamiltonien.

Définition 2.1. Un arbre couvrant minimal (ACM) d'un graphe G est un arbre dont l'ensemble des sommets coïncide avec S, et minimisant la somme des poids de ses arêtes.

L'algorithme de Prim est un algorithme glouton permettant d'obtenir un arbre couvrant minimal de G. En raison de nos choix de structure de données (matrice d'adjacence), sa complexité temporelle est $\mathcal{O}(n^2)$. On choisit une racine à l'arbre, et on parcourt cet arbre en notant la suite des sommets rencontrés dans l'ordre préfixe.

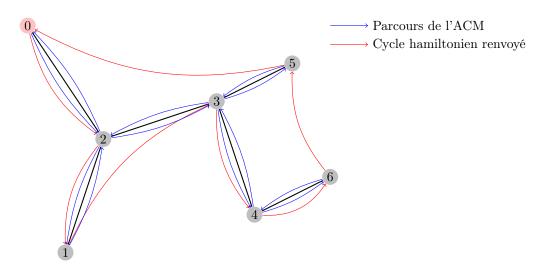
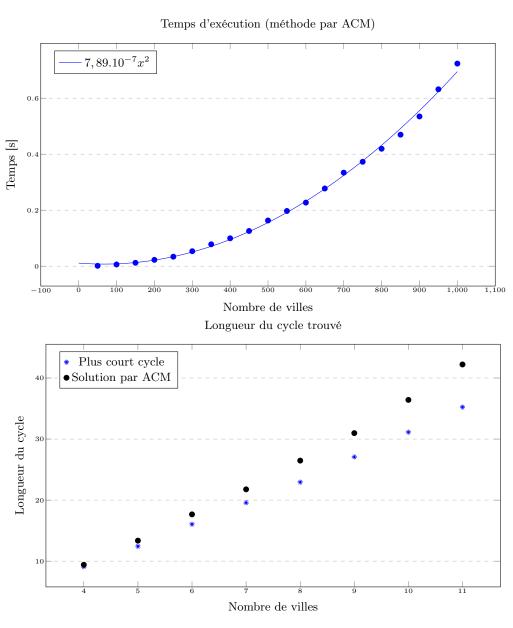


Figure 1 – Algorithme par arbre couvrant minimal

Cet algorithme est relativement efficace : sa complexité temporelle permet aisément de considérer des graphes jusqu'à 1000 sommets. En revanche, la longueur des cycles proposés n'est qu'une 2-approximation des résultats [3] ce qui, en pratique, n'est pas toujours satisfaisant.



3 Algorithme par colonie de fourmis

3.1 Motivation et objectifs

On recherche un algorithme permettant d'obtenir des cycles plus courts que ceux donnés par la méthode d'arbre couvrant minimal. Son temps d'exécution pourra être plus grand, mais il devra rester raisonnable jusqu'à une cinquantaine de sommets afin d'être avantageux face aux méthode exhaustives.

On s'intéresse donc aux algorithmes génétiques et en particulier aux algorithmes de colonies de fourmis. Ces derniers s'inspirent des comportements naturels de fourmis pour en tirer des algorithmes d'approximation efficaces. Dans la nature, les fourmis optimisent leurs déplacements, notamment vers les sources de nourriture, à l'aide de phéromones qu'elles déposent derrière elles sur leur passage. Une fourmi isolée n'est pas efficace dans ses déplacements, mais un grand nombre de fourmis permet, grâce aux phéromones, de réaliser une forme de cartographie naturelle des routes intéressantes menant de la fourmilière à de la nourriture.

On cherche donc à reproduire algorithmiquement ces comportements de coopération : on se donne donc une population de fourmis, qui vont parcourir le graphe, en choisissant chacune leur prochaine arête de manière aléatoire, pondérée à la fois par la longueur de l'arête ainsi que par la quantité de phéromones qu'elle contient. Une fois le cycle terminé, chaque fourmi ajoute des phéromones sur les arêtes qu'elle a empruntées, proportionnellement à la rapidité de son cycle, et on recommence alors un nouveau tour [4].

3.2 Implémentation

Définition 3.1. On définit l'attractivité a d'une arête v à partir de sa longueur d(v) et de la quantité de phéromones p(v) qu'elle contient par :

$$a(v) = p(v)^{\alpha} \times d(v)^{-\beta}$$

Ici, α et β sont des paramètres réels positifs correspondant à des constantes de pondération. Ainsi, plus une arête est courte et chargée en phéromones, plus elle est attractive [5].

Définition 3.2. Soit une fourmi se situant sur le noeud s, dont les voisins non visités par cette fourmi pour le moment forment l'ensemble V(s). On définit la probabilité que la fourmi utilise l'arête $v_0 \in V(S)$ comme prochaine arête par :

$$\mathbb{P}(v_0) = \frac{a(v_0)}{\sum_{v \in V(s)} a(v)}$$

Il nous reste finalement à définir la quantité de phéromones sur chaque arête. Elle sera initialement fixée à une constante DEFAULT PHEROMONES, et sera mise à jour à la fin de chaque tour.

On définit alors ε le facteur d'évaporation des phéromones et on note, pour une arête v, $\mathcal{C}(v)$ l'ensemble des cycles des fourmis passant par cette arête (éventuellement avec répétition). On veut alors, pour chaque cycle passant cette arête, l'incrémenter d'une valeur inversement proportionnelle à la longueur du cycle. La constante Q permet d'ajuster cette incrémentation.

Définition 3.3. La quantité de phéromones sur l'arête v à la fin de l'itération k est définie par :

$$p_{k+1}(v) = (1 - \varepsilon)p_k(v) + \sum_{C \in \mathcal{C}(v)} \frac{Q}{w(C)}$$

Une fois ces différentes grandeurs définies, on peut désormais implémenter notre algorithme de colonies de fourmis, à l'aide de Python, et étudier ses performances. Sa complexité est en $\mathcal{O}(n^2 \times m \times T)$ où m désigne le nombre de fourmis, et T le nombre de tours effectués. Pour l'implémentation, on fixe m=200 et T=5, rapport qui donne expérimentalement les meilleurs résultats.

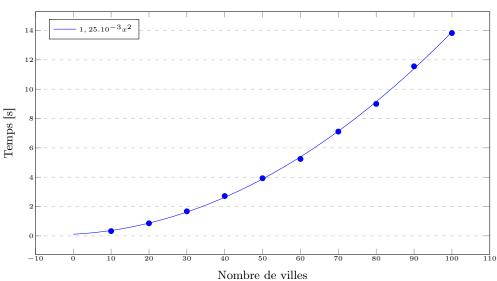
En résumé, l'algorithme se présente de la manière suivante :

- 1 pour chaque tour faire
- 2 | pour chaque fourmi faire
- 3 Construire un cycle aléatoire
- 4 Mettre à jour les phéromones
- 5 Renvoyer le meilleur cycle trouvé

Algorithme de colonie de fourmis

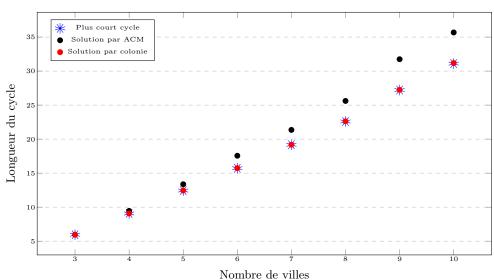
3.3 Étude des résultats

Afin d'étudier les performances de notre algorithme, on dispose depuis la section 2 d'algorithmes témoins. D'une part, les algorithmes exacts, en particulier celui de retour sur trace nous permettent d'obtenir le cycle de longueur optimale pour moins de 10 sommets. D'autre part, l'algorithme par arbre couvrant minimal nous fournit rapidement une 2-approximation du meilleur cycle, nous permettant d'évaluer la proximité de notre solution à la solution optimale.



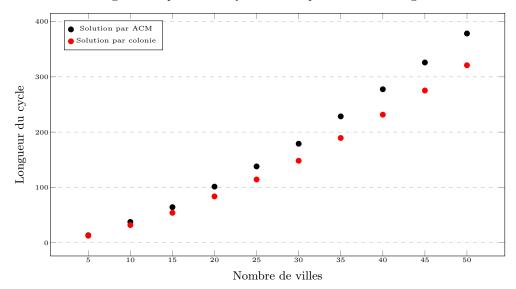
Temps d'exécution de la méthode par colonie de fourmis

En étudiant le graphique présentant l'évolution du temps d'exécution en fonction du nombre de sommets, on vérifie que la complexité de notre algorithme est, pour m et T fixés, en $\mathcal{O}(n^2)$. Néanmoins, il reste nettement plus lent que notre algorithme par arbre couvrant minimal en raison de la grande valeur du produit $m \times T$ notamment. En pratique, il reste aisément utilisable jusqu'à 50 sommets, ce qui est largement convenable dans le cadre de notre étude.



Longueur des plus courts cycles trouvés par les différents algorithmes

Longueur des plus courts cycles trouvés par les différents algorithmes



Concernant les résultats en terme de longueur des cycles : pour les petites valeurs de n jusqu'à 10 pour lesquelles on peut calculer le plus court cycle, on remarque que notre algorithme par colonie de fourmis trouve quasiment systématiquement le plus court cycle. Pour de plus grandes valeurs de n, on ne peut plus comparer avec le cycle optimal, mais en comparant avec l'algorithme par arbre couvrant minimal, on remarque que les cycles proposés par notre algorithme sont en moyenne plus courts que ceux de l'algorithme par arbre couvrant minimal. L'algorithme est donc parfaitement satisfaisant sur cet aspect.

4 Conclusion

L'algorithme d'approximation du problème du voyageur de commerce par colonie de fourmis a donné des résultats satisfaisants : la vitesse d'exécution est acceptable dans le cadre de notre étude pour moins de 50 sommets, et les cycles obtenus semblent être optimaux pour un petit nombre de sommets, et sont de très bonnes approximations pour de plus grandes valeurs de n. Il faudrait donc probablement continuer dans cette approche du problème par des algorithmes génétiques, d'abord en ajustant mieux les différents paramètres, et en optimisant les différentes implémentations. On pourrait également par la suite améliorer différents points de l'algorithme, en particulier l'heuristique qui pourrait prendre en compte davantage de paramètres : combien de fourmis sont déjà passées par cette arête? A-t-elle été sélectionnée par l'algorithme de l'arbre couvrant minimal?

L'ensemble des ces améliorations pourraient nous approcher de plus en plus d'un algorithme fournissant quasiment systématiquement la solution optimale, tout en réduisant le nombre de fourmis et de tours nécessaires, et donc le temps d'exécution.

5 Bibliographie

Références

- [1] David L. Applegate, Robert E.Bixby, Vašek Chvátal et William J. Cook: *The Traveling Salesman Problem: A Computational Study*, pages 1–5. 2006.
- [2] Thomas H. CORMEN, Charles E. LEISERSON, Ronald L. RIVEST et Clifford STEIN: Introduction to Algorithms, chapitre 35.2. The MIT Press, 2022.
- [3] Jean-Claude Fournier: Théorie des graphes et applications, chapitre 11.4, pages 257–261. Hermes, 2011.
- [4] Andrea Costanzo, Thé Van Luong et Guillaume Marill: Optimisation par colonies de fourmis. 2006.
- [5] Alberto Colorni, Marco Dorigo et Vittorio Maniezzo: Distributed optimization by ant colonies. Proceedings of ECAL91 European Conference on Artificial Life, Paris, 1991.

6 Annexes

Table des matières

5 tant que $|\mathcal{A}| < |G|$ faire

Ajouter v à \mathcal{A}

8

9

11 retourner ${\cal A}$

Extraire v le sommet du minimum de \mathcal{T}

 $\mathbf{pour}\ \mathbf{chaque}\ voisin\ u\ de\ v\ \mathbf{faire}$

 $\mathbf{si}\ d(u,v) < \mathcal{T}[u]\ \mathbf{alors}$

 $\mathcal{T}[u] \leftarrow d(u,v)$

1	Intr 1.1 1.2	roduction Définitions et notations	1 1 1
2	Pre 2.1 2.2	emiers algorithmes et témoins Algorithmes exacts	2 2 2
3	Alg 3.1 3.2 3.3	Motivation et objectifs	4 4 5
4	Cor	nclusion	6
5	Bib	oliographie	6
6	Ani 6.1 6.2	6.2.6 backtracking.py	7 8 8 8 9 10 11 12 13
6. en	L'al, matr	Algorithme de Prim germet de calculer un arbre couvrant minimal d'un graphe. Dans une implémentation d'adjacence, sa complexité est en $\mathcal{O}(S ^2)$ Entrée: Graphe G Sortie: Un arbre couvrant minimal de G Initialiser $\mathcal{A} = \{0\}$	on —
		Initialiser $\mathcal{A} = \{0\}$ Créer le tableau \mathcal{T} des distances à \mathcal{A}	

Algorithme de Prim

6.2 Listings

6.2.1 constants.py

Contient les constantes nécessaires à l'exécution des différents programmes.

```
# Constantes pour la création du graphe
DEFAULT_EVAPORATION = 20 # En pourcents
DEFAULT_PHEROMONES = 1
PREFERRED_PHEROMONES = 5 # Phéromones d'un chemin privilégié initialement

COLOR_LIST = ["blue", "red", "green", "orange"]

# Constantes pour l'algorithme colonie de fourmis
ALPHA = 2 # Importance phéromones
BETA = 2 # Importance visibilité ville (visibilité = inverse distance)
Q = PREFERRED_PHEROMONES * 100 # Quantité max de phéromones déposées
```

6.2.2 utils.py

Propose des fonctions utilitaires pour nos algorithmes de résolution du problème du voyageur de commerce.

```
import networkx as nx
2
3
   def cycle_length(graph: nx.Graph, cycle):
       assert cycle[0] == cycle[-1]
5
       assert len(cycle) == len(graph) + 1
6
       length = 0
       for i in range(len(cycle) - 1):
            length += graph.edges[cycle[i], cycle[i + 1]]["length"]
9
       return length
10
11
   def path_length(graph: nx.Graph, path):
13
       assert len(path) == len(graph)
14
       length = graph.edges[path[-1], path[0]]["length"] # Ce décalage est responsable de
15

→ compléter le cycle

       for i in range(len(path) - 1):
16
            length += graph.edges[path[i], path[i + 1]]["length"]
17
       return length
18
```

6.2.3 generate graph.py

Contient la fonction chargée de générer un graphe aléatoire avec les distances et phéromones initialisés.

```
from random import randint
   from constants import *
2
   from math import sqrt
   import networkx as nx
5
6
   def generate_graph(n, evaporation=DEFAULT_EVAPORATION):
       graph = nx.Graph(evaporation=evaporation)
9
       positions = [0]*n
10
       for i in range(n):
11
            pos_i = randint(0, n)
12
            positions[i] = pos_i
13
            graph.add_node(i, position=(i, pos_i))
14
            for j in range(i+1):
                pos_j = positions[j]
16
                length = round(sqrt((i - j) ** 2 + (pos_i - pos_j) ** 2) / n, 3)
                                                                                       # On divise
17
                → la longueur par n pour
```

```
# adimensionner.

graph.add_edge(i, j, length=length, pheromones=DEFAULT_PHEROMONES)

graph.add_edge(j, i, length=length, pheromones=DEFAULT_PHEROMONES)

# add_edges(graph)

return graph

6.2.4 graphics.py
```

Contient les différentes fonctions permettant de représenter graphiquement les résultats

```
from constants import *
    import networkx as nx
    import matplotlib.pyplot as plt
5
6
    def draw_graph(graph: nx.Graph, paths, labels):
        plt.figure(figsize=(18,18))
8
        plt.box(False)
9
        pos = nx.get_node_attributes(graph, 'position')
10
11
        nx.draw_networkx(graph,
12
             pos,
13
             with_labels=True,
             edgelist=[],
             node_size=1000,
16
             font_size=25)
17
        for i_path in range(len(paths)):
19
            nx.draw_networkx_edges(graph,
20
               pos,
21
               edgelist=[(paths[i_path][i], paths[i_path][i+1]) for i in

¬ range(len(paths[i_path])-1)],
               width=3*(1+i_path)/len(paths),
23
               alpha=1 - i_path/len(paths),
24
               edge_color=COLOR_LIST[i_path % len(COLOR_LIST)])
25
26
        plt.legend()
27
        plt.show()
28
30
    def print_pheromones(graph: nx.Graph):
31
        for i in range(len(graph)):
32
            for j in range(len(graph)):
                print(round(graph.edges[i, j]["pheromones"], 2), end=" ")
34
            print()
35
36
37
    def draw_graph_with_pheromones(graph: nx.Graph):
38
        plt.figure(figsize=(18, 18))
39
        plt.box(False)
40
        pos = nx.get_node_attributes(graph, 'position')
41
42
        nx.draw_networkx(graph,
43
             pos,
             with_labels=True,
45
             edgelist=[],
46
             node_color="grey",
47
             node_size=1000,
             font_size=25)
49
```

```
50
        max_pheromones = 0.01
51
        for (u, v, pheromone) in graph.edges.data("pheromones"):
52
            if pheromone > max_pheromones:
53
                 max_pheromones = pheromone
54
55
        for (u, v, pheromone) in graph.edges.data("pheromones"):
56
            nx.draw_networkx_edges(graph,
               pos,
58
               edgelist=[(u, v)],
59
                edge_color = [pheromone / max_pheromones],
60
               alpha = pheromone / max_pheromones,
61
               width=6)
62
        plt.legend()
63
        plt.show()
64
    6.2.5 naif.py
       Implémentation de la solution naïve au problème du voyageur de commerce.
    from utils import path_length
```

```
import networkx as nx
   def permutation_suivante(permutation: list[int]):
        Calcule la permutation suivante de [/0,n-1/] dans l'ordre lexicographique
7
        :param permutation: Permutation de [0,n-1]
        :return: La permutation suivante, ou False si on a atteint la dernière permutation
9
10
        n = len(permutation)
11
        j = n-2
12
        while j >= 0 and permutation[j] > permutation[j+1]:
13
            j -= 1
14
        if j == -1:
15
            return False # On est arrivés à la dernière permutation
16
        k = n-1
17
        while permutation[j] > permutation[k]:
18
            k = 1
19
        tmp = permutation[j]
20
        permutation[j] = permutation[k]
21
        permutation[k] = tmp
22
        for i in range((n-j-1)//2):
23
            tmp = permutation[i+j+1]
24
            permutation[i+j+1] = permutation[n-i-1]
25
            permutation[n-i-1] = tmp
26
        return permutation
27
28
29
   def naive_solution(graph: nx.Graph):
30
31
        Calcule la longueur de chaque cycle possible
32
        Complexité : O(n!)
33
        :param graph: Le graphe étudié
34
        :return: La longueur et le chemin le plus court
35
        11 11 11
36
        n = len(graph)
37
        path = list(range(n))
38
        min_path = list(range(n))
39
        min_length = path_length(graph, path)
40
        while True:
41
```

```
path = permutation_suivante(path)
                           # Si on a atteint la dernière permutation
            if not path:
43
                break
44
            length = path_length(graph, path)
            if length < min_length:</pre>
46
                for i in range(n):
47
                     min_path[i] = path[i]
48
                min_length = length
49
        min_path.append(min_path[0])
                                        # On finit le cycle
50
        return min_length, min_path
51
```

6.2.6 backtracking.py

Implémentation de la solution par retour sur trace au problème du voyageur de commerce.

```
import networkx as nx
2
3
   def backtracking(graph: nx.Graph):
5
        Recherche par retour sur trace du plus court chemin du graphe.
6
        Complexité dans le pire cas : O(n!)
7
9
        n = len(graph)
10
        best_l = float("inf")
        best_path = list(range(n+1))
13
        def recherche_recursive(visited, nb_visites, path, longueur):
14
            nonlocal best_1, best_path
15
16
            if longueur > best_l: # Si le chemin est déjà plus long que notre meilleure
17
                solution, on coupe la branche
                return
19
            if nb_visites == n:
                                  # Si le chemin est fini, on examine sa longueur
20
                path[n] = path[0]
21
                longueur += graph.edges[path[n - 1], path[n]]["length"]
22
                if longueur < best_1:</pre>
23
                    best_1 = longueur
24
                    for i in range(n+1):
25
                         best_path[i] = path[i]
27
            else: # On explore toutes les branches à partir de ce chemin
28
                for sommet in range(n):
29
                    if not visited[sommet]:
                         visited[sommet] = True
31
                         nb_visites += 1
32
                         path[nb_visites - 1] = sommet
33
                         longueur += graph.edges[path[nb_visites - 2], sommet]["length"]
34
                         recherche_recursive(visited, nb_visites, path, longueur)
35
                         longueur -= graph.edges[path[nb_visites - 2], sommet]["length"]
36
                         path[nb_visites - 1] = None
37
                         nb_visites -= 1
38
                         visited[sommet] = False
39
                return
40
        visites = [False] * n
42
        chemin = [-1] * (n+1)
43
        for sommet_debut in range(n):
44
            visites[sommet_debut] = True
45
            chemin[0] = sommet_debut
46
```

```
recherche_recursive(visites, 1, chemin, 0)
chemin[0] = -1
visites[sommet_debut] = False
return best_l, best_path
```

6.2.7 prim.py

Implémentation de la solution par arbre couvrant minimal au problème du voyageur de commerce.

```
import networkx as nx
    import sys
3
    def primMST(graph: nx.Graph):
5
6
        Recherche l'ACM du graphe
7
        Complexité : O(n^2)
8
        11 11 11
9
        n = len(graph)
10
        T = [sys.maxsize] * n
11
        parent = [-1] * n
12
        T[0] = 0
13
        mstSet = [False] * n
14
        parent[0] = -1
15
16
        for cout in range(n):
            mini = sys.maxsize
18
            mini_idx = None
19
20
            for v in range(n):
21
                 if T[v] < mini and not mstSet[v]:</pre>
22
                     mini = T[v]
23
                     mini_idx = v
24
            u = mini_idx
25
            mstSet[u] = True
26
27
            for v in range(n):
28
                 if 0 < graph.edges[u, v]["length"] < T[v] and not mstSet[v]:</pre>
29
                     T[v] = graph.edges[u, v]["length"]
30
                     parent[v] = u
31
32
        mst_tree = [[] for _ in range(n)]
33
        for u in range(n):
34
            mst_tree[parent[u]].append(u)
35
36
        return mst_tree
37
38
    def prim(graph: nx.Graph):
39
40
        Calcule le cycle donné par l'arbre couvrant minimal du graphe
41
        Complexité : O(n^2)
42
        HHHH
43
        n = len(graph)
        B = primMST(graph) \# O(n^2)
45
        cycle = []
46
        length = 0
47
        visited = [False] * n
        to_visit = [0]
49
        while to_visit: # O(n^2)
50
            current = to_visit.pop()
51
            if len(cycle) > 0:
52
```

```
length += graph.edges[cycle[-1], current]["length"] # Rajoute 0 si on est au

→ début

            cycle.append(current)
            visited[current] = True
            for neighbor in B[current]:
56
                if not visited[neighbor]:
57
                     to_visit.append(neighbor)
58
        length += graph.edges[cycle[-1], 0]["length"]
        cycle.append(0)
60
        return length, cycle
61
   6.2.8
          colonie.py
       Implémentation de notre algorithme de colonie de fourmis (colonie2.py dans le code).
   from constants import *
   from prim import prim
2
    import networkx as nx
    import random
5
    import numpy as np
6
    class Ant:
9
        def __init__(self, graph: nx.Graph, starting_city):
10
            self.graph = graph
            self.current_position = starting_city
            self.visited_cities = []
13
            self.cycle_length = 0
14
            self.add_visited_city(self.current_position)
15
16
        def add_visited_city(self, new_city):
17
            self.visited_cities.append(new_city)
            if len(self.visited_cities) > 1:
                self.cycle_length += self.graph.edges[self.visited_cities[-2],
20
                    self.visited_cities[-1]]["length"]
            self.current_position = new_city
21
22
        def reset(self):
23
            self.visited_cities = [self.visited_cities[0]]
24
            self.cycle_length = 0
25
27
    def attractiveness(graph: nx.Graph, i, j):
28
        return (graph.edges[i, j]["pheromones"] ** ALPHA) * (graph.edges[i, j]["length"]) **
29
        \hookrightarrow (-BETA)
30
31
    def new_round(graph: nx.Graph, ants):
32
        n = len(graph)
33
        delta_pheromones_tab = [[0] * n for _ in range(n)]
34
35
        for nb_cities_visited in range(n - 1): # O(n)
36
            for ant in ants: # 0(n * m)
37
                is_visited = [False]*n
38
                for city in ant.visited_cities: # O(n^2 * m)
39
                     is_visited[city] = True
                sum_probabilities = 0
41
                i = ant.current_position
42
                for j in range(n): # O(n^2 * m)
43
44
                     if not is_visited[j]:
                         sum_probabilities += attractiveness(graph, i, j)
45
```

```
if sum_probabilities > 10**20:
46
                             raise ValueError
47
                probabilities_tab = []
48
                 for j in range(n): # O(n^2 * m)
                     if is_visited[j]:
50
                         probabilities_tab.append(0)
51
                     else:
52
                         probabilities_tab.append(attractiveness(graph, i, j) /
                         try:
54
                     new_city = np.random.choice(list(range(n)), p=probabilities_tab)
                 except ValueError:
56
                     raise ValueError
57
                 ant.add_visited_city(new_city)
58
59
        for ant in ants: # Retour au départ
            new_city = ant.visited_cities[0]
61
            ant.add_visited_city(new_city)
62
63
            for i in range(n):
                delta_pheromones_tab[ant.visited_cities[i]][ant.visited_cities[i+1]] += Q /
65

    ant.cycle_length

66
        return delta_pheromones_tab
67
68
69
    def run_colonie(graph: nx.Graph, nb_of_ants=-1, nb_of_rounds=100, start_path=None,
        start_length=float("inf")):
71
        O(n^2 * nb\_of\_ants * nb\_of\_rounds)
72
        nb_of_rounds: Nombre de cycles complets (n itérations)
74
        ants = []
75
        n = len(graph)
76
        if nb_of_ants == -1:
            nb_of_ants = n # Par défaut : autant de fourmis que de villes
78
        for ant in range(nb_of_ants):
79
            if nb_of_ants % n == 0 or ant < nb_of_ants - n:
80
                 # Si le nombre de fourmis est un multiple du nombre de villes, ou qu'on peut
                 → faire un tour complet
                 # On distribue uniformément les fourmis
82
                 starting_city = ant % n
            else:
                 starting_city = random.randint(0, n-1)
85
            ants.append(Ant(graph, starting_city))
86
        for (u, v) in graph.edges:
88
            graph.edges[u, v]["pheromones"] = DEFAULT_PHEROMONES
89
90
        if start_path:
            for i in range(len(start_path) - 1):
92
                graph.edges[start_path[i], start_path[i + 1]]["pheromones"] =
93
                 → PREFERRED PHEROMONES
94
        best_cycle = start_path
95
        best_length = start_length
96
97
        for id_round in range(nb_of_rounds):
            delta_pheromones_tab = new_round(graph, ants)
99
100
            for (u, v, pheromone) in graph.edges.data("pheromones"):
101
```

```
graph.edges[u, v]["pheromones"] = (1 - (graph.graph["evaporation"] / 100)) \
102
                     * graph.edges[u, v]["pheromones"] + delta_pheromones_tab[u][v]
103
104
            for ant in ants:
                 if ant.cycle_length < best_length:</pre>
106
                     best_cycle = ant.visited_cities
107
                     best_length = ant.cycle_length
108
                 # On réinitialise la fourmi à sa ville de départ
110
                 ant.reset()
111
         # print_pheromones(graph)
112
        return best_length, best_cycle
113
114
115
    def run_colonie_with_prim(graph: nx.Graph, nb_of_ants=-1, nb_of_rounds=100):
116
        distance, path_prim = prim(graph)
117
        return run_colonie(graph, nb_of_ants, nb_of_rounds, path_prim, distance)
118
119
120
121
    def run_colonie_partial(graph):
        return run_colonie(graph, nb_of_ants=40, nb_of_rounds=20)
122
123
124
    def run_colonie_with_prim_partial(graph):
125
        return run_colonie_with_prim(graph, nb_of_ants=40, nb_of_rounds=20)
126
    6.2.9
           compare.py
       Fonctions chargées de comparer les performances des différents algorithmes.
    from generate_graph import generate_graph
    from constants import *
    from utils import cycle_length
 3
    import time
 5
    import matplotlib.pyplot as plt
 6
    import matplotlib.gridspec as gridspec
    from colonie2 import *
 9
10
11
    def time_strategy(graph, strategy):
12
        start = time.time()
13
        longueur, solution = strategy(graph)
14
        if round(longueur, 0) != round(cycle_length(graph, solution), 0):
15
            print("Erreur sur la stratégie", strategy, ":", longueur, "!=", cycle_length(graph,
             raise ValueError
17
        end = time.time()
        return end - start, longueur, solution
19
20
21
    def multiple_graph_time_path_length(n_list, repetitions, strategies, strategies_names):
22
        nb_strategies = len(strategies)
23
        fig = plt.figure(constrained_layout=True)
24
        gs = gridspec.GridSpec(1, nb_strategies, figure=fig)
25
        data_list = [{"time": [], "length": [], "n": []} for _ in range(len(strategies))]
27
28
        for k in range(len(n_list)):
29
             starting_time = time.time()
             for i in range (repetitions):
31
```

```
graph = generate_graph(n_list[k])
32
                for i_strat in range(len(strategies)):
33
                     duree, length, solution = time_strategy(graph, strategies[i_strat])
                     data_list[i_strat]["time"].append(duree)
                     data_list[i_strat]["length"].append(length * n_list[k]) # On remet à
36

→ l'échelle

                     data_list[i_strat]["n"].append(n_list[k])
37
            ending_time = time.time()
            print(k + 1, "/", len(n_list), "(", n_list[k], ") in", round(ending_time -
39

    starting_time, 2), "s")

40
        # Le tracé du 1er graphe est fait à part
41
        gsi = gridspec.GridSpecFromSubplotSpec(2, 1, subplot_spec=gs[0])
42
        ax1 = fig.add_subplot(gsi[0])
43
        ax2 = fig.add_subplot(gsi[1])
44
        ax1.set_ylabel("temps (s)")
46
        ax2.set_ylabel("distance")
47
        ax1.scatter(data_list[0]["n"],
49
                     data_list[0]["time"],
50
                     c=COLOR_LIST[0],
51
                     s=10)
52
        ax1.set_title(strategies_names[0])
53
54
        ax2.scatter(data_list[0]["n"],
55
                     data_list[0]["length"],
                     c=COLOR_LIST[0 % len(COLOR_LIST)],
57
                     s=10)
58
        ax2.set_xlabel("n")
59
        for i_strat in range(1, len(strategies)):
61
            ax1 = fig.add_subplot(gsi[0], sharey=ax1)
62
            ax2 = fig.add_subplot(gsi[1], sharey=ax2)
63
            ax1.scatter(data_list[i_strat]["n"],
65
                         data_list[i_strat]["time"],
66
                         c=COLOR_LIST[i_strat % len(COLOR_LIST)],
67
                         s=10)
            ax1.set_title(strategies_names[i_strat])
69
70
            ax2.scatter(data_list[i_strat]["n"],
71
                         data_list[i_strat]["length"],
                         c=COLOR_LIST[i_strat % len(COLOR_LIST)],
73
                         s=10)
74
            ax2.set_xlabel("n")
75
76
        plt.show()
77
78
   def strategy_to_list(n_list, repetitions, strategies):
80
81
        Renvoie une liste des résultats de la forme suivante :
82
        Γ
83
        strat1 : {
84
            n_1: [[tps1, dst1], [tps2, dst2] ...]
85
            n_2: [ [tps1, dst1], [tps2, dst2] ... ]
86
88
89
            }
90
```

```
strat2 : {
91
92
93
95
         ]
96
         11 11 11
97
        nb_strategies = len(strategies)
        data_list = [{} for _ in range(nb_strategies)]
99
100
        for k in range(len(n_list)):
101
             starting_time = time.time()
             for i_strat in range(nb_strategies):
103
                 data_list[i_strat][n_list[k]] = []
104
105
             for i in range (repetitions):
                 graph = generate_graph(n_list[k])
107
                 for i_strat in range(len(strategies)):
108
                     duration, length, solution = time_strategy(graph, strategies[i_strat])
109
                     data_list[i_strat][n_list[k]].append([duration, length * n_list[k]])
110
                      → remet à l'échelle
                 if repetitions > 1:
111
                     print(".", end="")
112
             ending_time = time.time()
113
             print("\t", end="")
114
             print(k + 1, "/", len(n_list), "(", n_list[k], ") in", round(ending_time -
115

    starting_time, 2), "s")

116
        return data_list
117
118
    def strategy_to_csv(n_list, repetitions, strategies, strategies_names, data_list,
120
        file_name=None):
        if not file_name:
121
             file_name = time.strftime("donnees/csv/%d %b %Y %Hh%M", time.localtime()) + ".csv"
        with open(file_name, 'w') as fichier:
123
             fichier.write("n")
124
125
             for i_strat in range(len(strategies)):
                 fichier.write(", " + strategies_names[i\_strat] + " temps (s), " +\\

    strategies_names[i_strat] + " distance")

             fichier.write("\n")
127
             for n in n_list:
                 fichier.write(str(n))
                 for i_strat in range(len(strategies)):
130
                     avg_tps = 0
131
                     avg_dst = 0
132
                     for i_rep in range(repetitions):
133
                          avg_tps += data_list[i_strat][n][i_rep][0]
134
                          avg_dst += data_list[i_strat][n][i_rep][1]
135
                     avg_tps = avg_tps / repetitions
                     avg_dst = avg_dst / repetitions
137
                     fichier.write(", " + str(avg_tps) + ", " + str(avg_dst))
138
                 fichier.write("\n")
139
140
141
    def strategy_to_tex(n_list, repetitions, strategies, strategies_names, data_list):
142
143
        for i_strat in range(len(strategies)):
             file_name = time.strftime("donnees/tex/%d %b %Y %Hh%M", time.localtime()) +
                strategies_names[
                 i_strat] + "tps.txt"
145
             with open(file_name, 'w') as fichier:
146
```

```
for i_n in range(len(n_list)):
                     avg_tps = 0
148
                     for i_rep in range(repetitions):
149
                         avg_tps += data_list[i_strat][n_list[i_n]][i_rep][0]
                     avg_tps = avg_tps / repetitions
151
                     fichier.write("(" + str(n_list[i_n]) + "," + str(avg_tps) + ")\n")
152
153
            file_name = time.strftime("donnees/tex/%d %b %Y %Hh%M", time.localtime()) +
154

    strategies_names[i_strat] + "dst.txt"

            with open(file_name, 'w') as fichier:
155
                 for i_n in range(len(n_list)):
                     avg_dst = 0
157
                     for i_rep in range(repetitions):
158
                         avg_dst += data_list[i_strat][n_list[i_n]][i_rep][1]
159
                     avg_dst = avg_dst / repetitions
160
                     fichier.write("(" + str(n_list[i_n]) + "," + str(avg_dst) + ")\n")
161
162
163
    def recherche_nombre_fourmis(n_list, n_rep):
164
        nb_of_ants_list = [100, 125, 150, 175, 200, 225, 250, 275, 300, 325, 350, 375, 400]
165
        result = [0] * len(nb_of_ants_list)
166
        for i_n in range(len(n_list)):
167
            print(i_n+1, "/", len(n_list), "(", n_list[i_n], ") ...")
168
            for i_rep in range(n_rep):
169
                 graph = generate_graph(n_list[i_n])
170
                 for i_nb_of_ants in range(len(nb_of_ants_list)):
171
                     dist, path = run_colonie(graph, nb_of_ants_list[i_nb_of_ants],
                     → 1000//nb_of_ants_list[i_nb_of_ants])
                     result[i_nb_of_ants] += dist
173
        plt.scatter(nb_of_ants_list, result)
174
        plt.show()
```