## 编程练习第一周(2019.01.21-2019.01.26)

## 任务:

计算人类1号染色体的GC含量

输入:人类hg38版本基因组中1号染色体的序列(fasta格式)

输出:GC含量

**GC含量**是在所研究的对象(例如<u>放线菌</u>)的<u>全基因组</u>中,(<u>鸟嘌呤</u>)(Guanine)和<u>胞嘧啶</u>(Cytosine)所占的比例。

## 输入文件:

1 cd week2
2 chr1.fa.gz