

Luca Visentin

+39 340 978 6674 | luca.visentin@unito.it | linktr.ee/MrHedmad | github.com/MrHedmad

EDUCAZIONE

Corso Universitario di Aggiornamento Professionale per Data Steward <i>Amministrazione responsabile dei dati della ricerca, dati FAIR, aspetti legali e di privacy dei dati, archiviazione e preservazione dei dati, ontologie e semantica.</i>	Università di Torino Ott. 2023 - Ott. 2024
Laurea Magistrale in Biologia Cellulare e Molecolare <i>Curriculum Neurobiologico: biologia cellulare del cervello, genetica avanzata.</i> <i>Tesi: Modelling the evolution of somatic mutations in cancer.</i>	Università di Torino Sett. 2018 - Luglio 2021
Laurea Triennale in Scienze Biologiche <i>Biologia cellulare, fisiologia umana, immunologia, genetica.</i> <i>Tesi: L'immunoterapia - una nuova frontiera per il trattamento del cancro.</i>	Università di Torino Sett. 2015 - Luglio 2018
Diploma in Biotechnologie Sanitarie <i>Igiene alimentare, chimica, microbiologia applicata.</i>	IIS A. Gobetti Marchesini Sett. 2010 - Luglio 2015

ESPERIENZA

Dottorando in Complex systems for Quantitative Biomedicine <i>Università di Torino</i>	Nov. 2022 - Presente <i>Torino, Italia</i>
<ul style="list-style-type: none">• Sviluppato un database auto-rigenerante basato su dati recuperati da remoto sui trasportatori di membrana• Sviluppato varie pipeline di analisi per dati di espressione genica per ottenere insight biologico• Amministrazione di attività di gruppo come lab meeting, onboarding e offboarding di nuovi collaboratori, piattaforme di comunicazione di gruppo, etc• Implementazione di metodologie pratiche per produzione di dati FAIR e di Open Science nel gruppo di ricerca	
Collaboratore alla Ricerca <i>Università di Torino, DBIOS, Laboratorio di Fisiologia</i>	Ago. 2021 - Ott. 2022 <i>Torino, Italia</i>
<ul style="list-style-type: none">• Sviluppo di software per l'analisi di dati• Analisi di dati genomici complessi con molteplici variabili sperimentali• Collaborazione in progetti di gruppo e sviluppo di piattaforme di collaborazione	

ULTIME PUBBLICAZIONI

- **Articolo in Rivista:** "Structuring data analysis projects in the Open Science era with Kerblam!", F1000 Research, 2025, DOI:10.12688/f1000research.157325.1
- **Review:** "The Emerging Concept of the Transportome: State of the Art", Physiology, 2023, DOI:10.1152/physiol.00010.2023
- **Preprint:** "Profiling the Expression of Transportome Genes in cancer: A systematic approach", bioRxiv, 2023, DOI:10.1101/2023.07.18.549498
- **Data Report:** "Transcriptomic data of bevacizumab-adapted colorectal adenocarcinoma cells HCT-116", Data in Brief, 2023, DOI:10.1016/j.dib.2023.109069
- **Articolo in Rivista:** "BioTEA: containerized methods of analysis for microarray-based transcriptomics data", Biology, 2022, DOI:10.3390/biology11091346

Lista di pubblicazioni, educazione e esperienza completa: <https://orcid.org/0000-0003-2568-5694>

SKILL

Linguaggi di Programmazione: Python, R, Rust, SQL (SQLite)
Librerie: Dplyr, Pandas, Numpy, ggplot2, DeSeq2, Pytest, Venv
Tool di Sviluppo: Git, Github, Github Actions, Docker, pip, Podman, Cargo, Vim, Neovim
Data Management: RDF, OWL, Dataverse, Zenodo, Data Stewardship Wizard, Nanopublications