| Wyższa Szkoła Informaty | ki Stosowane | j i Zarządzania | w Warszawie |
|-------------------------|--------------|-----------------|-------------|
|-------------------------|--------------|-----------------|-------------|

Sprawozdanie do projektu z Metaheurystyk

Optymalizacja Funkcja Schaffera F7 Metoda Wyważania Mutacja o rozkładzie normalnym Kodownie osobnika

Wstęp.

Celem projektu było przeanalizowania i dostrojenie parametrów algorytmu symulowanego wyważania w zadaniu minimalizacji funkcji Schaffera F7.

W tym celu został napisany program w języku Java implementujący algorytm symulacji wyważania. Program poza samym algorytmem posiada funkcjonalość zapisywania wyników pośrednich i summarycznych w plikach ".csv". Ponad to program umożliwia konfiguracje parametrów algorytmu.

Opis programu.

Program został napisany w języku *Java*, do kompilacji wymagane jest narzędie *maven*. Aby skompilować program należy go rospakować do katalogu poczym z tego katalogu uruchomić komęde z po przez polecenie:

mvn clean install

Uruchomić programu można za pomocą polecenia:

java -jar target/meh-jar-with-dependencies.jar src/main/resources/p1.properties

target/meh-jar-with-dependencies.jar – scieżka do programu wykonywalnego src/main/resources/p1.properties – scieżka do pliku konfiguracyjnego

Program posiada plik konfiguracyjny w którym znajdują się parametry dla algorytmu wyważania oraz parametry programu.

```
# Iilość powtórzeń całego algorytmu.
simulation.count=10

# ilość mutacji w stałej temperaturze.
max.iteration.per.temperature=50

# maksymalna ilość zmian temperatury
# ( warunek stopu z jak parametr "temperature.end")
max.iteration=2000

# ilość wymiarów w jakiej optymalizowana jest funkcja
dimensions=1

# jeśli ten parametr jest większy niż parametr dimensions to program wykona symulacje
# tyle razy ile wynosi róznica.
# przykład: dimensions=1;dimensions.end=5;
# program wykona symulacje dla zadania jedno wymiarowego,
```

```
# dwu wymiarowego, trzy wymiarowego, cztero i pięcio wymiarowego,
dimensions.end=1
# Zasięg mutacji. Losowana jest liczba -1,1 z rozkładu normalnego i
# monożana przez ten parametr.
mutations.range=10
# Schemat chłodzenia: geometryczny, liniowy, logarytminczny, other1
# parametr cooling.alpha brany pod uwagę tylko przy schemacie
# geometrycznym,liniowym
cooling=geometryczny
# Prarametr alpha używany w schematach chłodzenia geometrycznym i
# linowym
cooling.alpha=0.8
# jeśli ten parametr jest ustawiony na "true" to program wykona symuacje dla
# wszczystkich dostępnych schematów chłodzenia. Jeśli "false" tylko dla tego
# schematu który jest wpisan w parametrze "cooling".
cooling.all=false
# temperatura z której zaczyna alogrytm.
temperature.start=1000
# temperatura przy której osiągnięciu algorytm się zatrzymuje.
# ( warunek stopu z jak parametr "max.iteration")
temperature.end=0.5
# prefix z jakim będą generowane pliki z wynikami
result.file=result
# parametr K oznaczjący stałą Boltzmanna.
K = 0.1
```

Kodowanie rozwiązania (osobnika).

Głównymi elementami programu są 3 klasy: Solution – kodowanie rozwiązania (osobnika) Algoryt

Założenia doświadczeń.

Doświadczenia były przeprowadzane w seriach po 10 przebiegów pełnego algorytmu wyważania dla jednego zestawu parametrów.

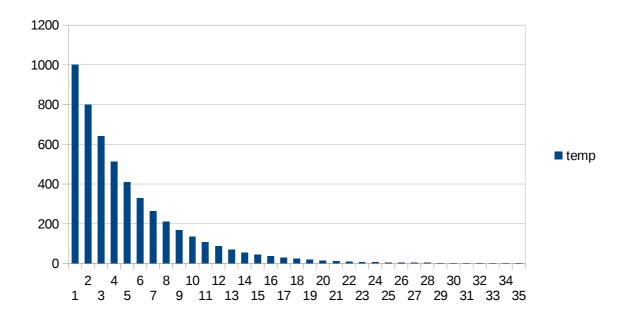
Doświadczalnie wybrano temperaturę starową na 1000 jednostek a warunek stopu na bliskiej zeru tzn. 0.5. Okazło się jednak że przy schemacie chłodzenia Logarytmicznym warunek stop *temperatura* < 0.5 wymagał bardzo dułgiego czasu do zakończenia działania dla tego dodano drugi warunek stop ograniczający iloiść zmian temperatur do 2000.

Przy tak dobranych parametrach startowych przystąpiono do analizy 3 parametrów algorytmu. Wszystkie 3 parametry były strojone dla zadania 2 wymiarowego.

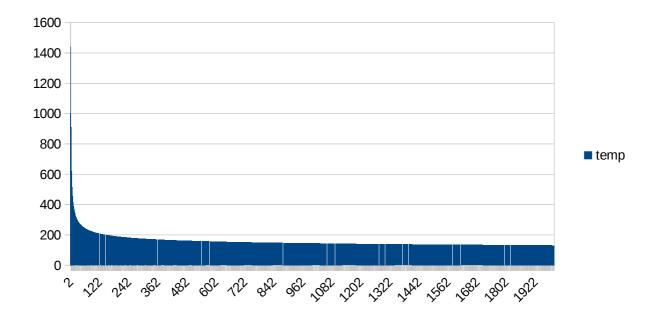
K – stała boltzmana od której zależy prawdopodobieństwo z jaką może zostać przyjęty gorszy wyniki niż obecny

cooling - scheamt schładzania zostały wybrane 4:

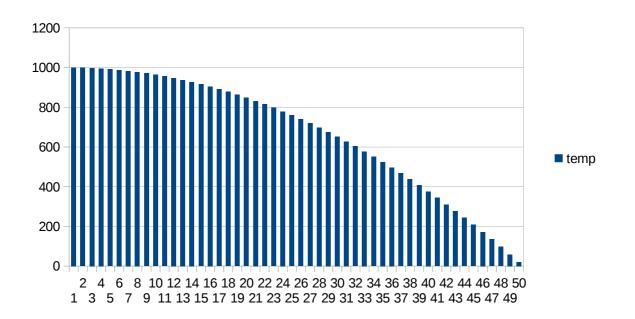
geometryczny



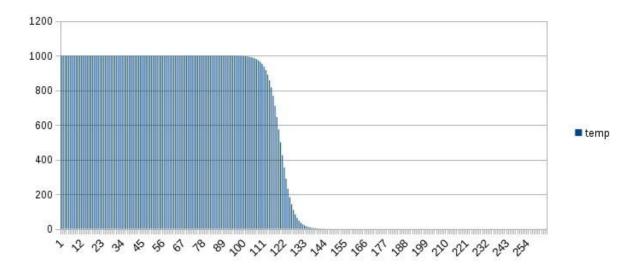
lograrytmiczny



liniowy



 o rozkładzie: oś pionowa – temepratura, oś pozioma – ilość zmian temperatur



mutations.range - zasięg mutacji o rozkładzie normalnym.

Dodatkowo został przeprowadzony eksperyment sprawdzający jak poszczególne z wybranych schematów chłodzenia zachowują się przy zwiększaniu wymiarów zadania.

- Wyniki

 1. Strojenie parametru K (stała boltzmana)

 1. K = 1 dla każdego z schematów schładzania:

| id | best-x1 | best-x2 | best-value | worst-x1 | worst-x2 | worst-value |
|----|---------|---------|------------|----------|----------|-------------|
| 0 | 2,468 | 7,318 | 2,837 | 100 | 91,888 | 23,307 |
| 1 | -1,883 | 5,898 | 2,651 | -92,238 | 99,731 | 23,309 |
| 2 | -4,215 | 2,623 | 2,341 | -100 | -92,043 | 23,309 |
| 3 | 4,318 | -4,957 | 3,409 | 100 | -91,997 | 23,309 |
| 4 | 9,897 | -6,29 | 3,48 | -100 | 92,006 | 23,309 |
| 5 | -0,251 | 4,017 | 2,02 | 100 | -92,172 | 23,303 |
| 6 | 1,688 | 0,908 | 1,595 | -100 | 92,063 | 23,308 |
| 7 | 1,12 | 0,041 | 1,695 | -92,053 | -100 | 23,308 |
| 8 | -0,846 | -2,263 | 1,557 | 100 | 92,032 | 23,309 |
| 9 | 0,463 | -0,727 | 1,833 | -97,418 | -94,941 | 23,299 |

| | | | | Liniowy | | |
|----|----------|---------|------------|----------|----------|-------------|
| id | best-x1 | best-x2 | best-value | worst-x1 | worst-x2 | worst-value |
| (| 5,007 | -0,153 | 2,262 | 92,763 | 100 | 23,187 |
| | 1,452 | 0,193 | 1,549 | 100 | -91,509 | 23,261 |
| 2 | 1,323 | 2,654 | 2,422 | 100 | 92,109 | 23,306 |
| 3 | 0,823 | 4,038 | 2,332 | -67,725 | -100 | 21,952 |
| 4 | -1,613 | -1,04 | 1,607 | 100 | 91,26 | 23,199 |
| į | 5 2,909 | 2,716 | 2,003 | 91,839 | -100 | 23,304 |
| (| -1,079 | -2,129 | 1,598 | 100 | -93,696 | 22,72 |
| - | 7 -1,149 | 3,911 | 2,143 | -100 | -93,22 | 23,001 |
| { | -0,342 | -1,792 | 1,384 | 100 | 91,89 | 23,307 |
| Ç | 1,858 | -2,534 | 1,775 | -100 | 69,868 | 21,051 |