

Màster Universitari en Enginyeria de Dades Massives (Big Data)

Estadística



# Visión general

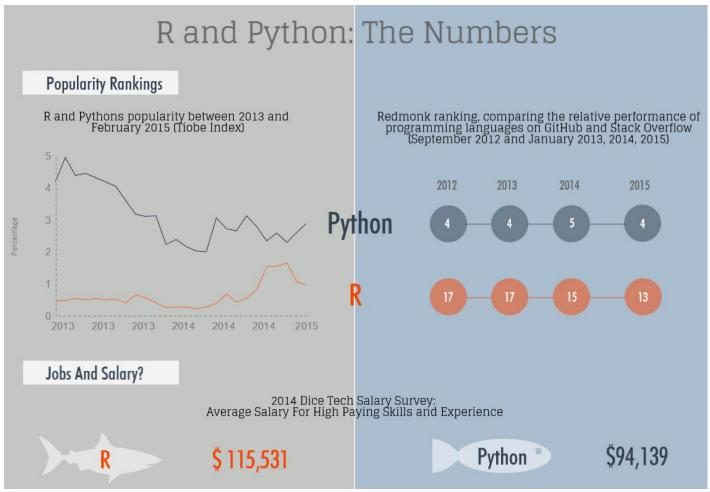
#### R

- Página web: <a href="https://www.r-project.org/">https://www.r-project.org/</a>
- Repositorio principal: <a href="http://cran.r-project.org/">http://cran.r-project.org/</a> (Existen otros como <a href="Bioconductor">Bioconductor</a> y cada vez más se usa GitHub)
- Funcionalidades
  - Paquete estadístico para la gestión y análisis de datos
  - Lenguaje de programación
  - Herramienta de cálculo
- Ventajas:
  - Software gratuito y de código abierto
  - Gráficos adaptables y de gran calidad con poco esfuerzo.
  - Multitud de librerías con técnicas estadísticas avanzadas



# Why R?

## R versus Python

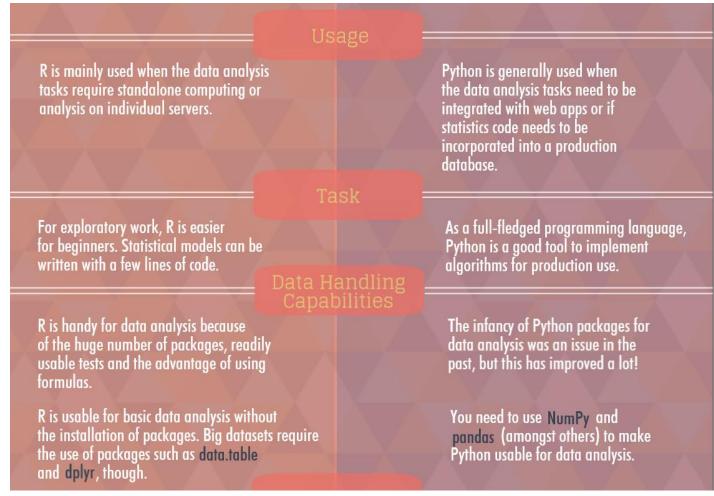


Source: https://www.datacamp.com/community/tutorials/r-or-python-for-data-analysis



# Why R?

### R versus Python



Source: https://www.datacamp.com/community/tutorials/r-or-python-for-data-analysis



## Instalación

#### R

- 1. Ir a página web del repositorio 'CRAN': <a href="http://cran.r-project.org/">http://cran.r-project.org/</a>
- 2. Clicar en Download R for [SO] ([SO] es Windows, Linux o Mac)
- 3. Windows
  - Clicar en base (instala paquetes básicos)
  - Clicar en Download R...
  - Descargar fichero y ejecutarlo
- 3. Mac
  - Escoger última versión
  - Descargar fichero y ejecutarlo
- 3. Linux
  - Escoger sistema operativo
  - Seguir instrucciones



# Visión general

#### **RStudio**

- Página web: <a href="https://www.rstudio.com/">https://www.rstudio.com/</a>
- Funcionalidades:
  - Interfaz más amigable para trabajar con R
  - Incorpora menús para funciones habituales
- Ventajas:
  - Creación de proyectos
  - Templates para Rmarkdown, Shiny....
  - Facilidades en escribir el código (ofrece alternativas mientras se escribe)
  - Código más legible (usa colores)
  - Visualización de los datos más directa y con filtros
  - Algunas funcionalidades son más inmediatas y no requieren de código (visualizar datos, instalar/cargar paquetes)



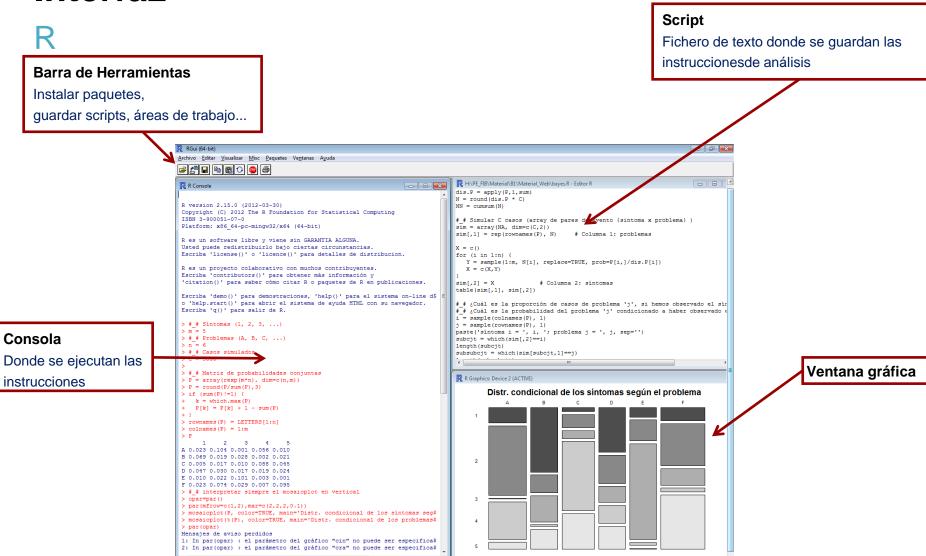
Pág. 6

## Instalación

#### **RStudio**

- 1. Ir a página web de RStudio: <a href="https://www.rstudio.com/">https://www.rstudio.com/</a>
- Clicar en Download RStudio
- 3. Clicar en *Rstudio Desktop* (opción *FREE*)
- Descargar la primera opción que nos ofrezca que será la más reciente para las características de nuestro ordenador
- 5. Ejecutar el archivo descargado y seguir las instrucciones

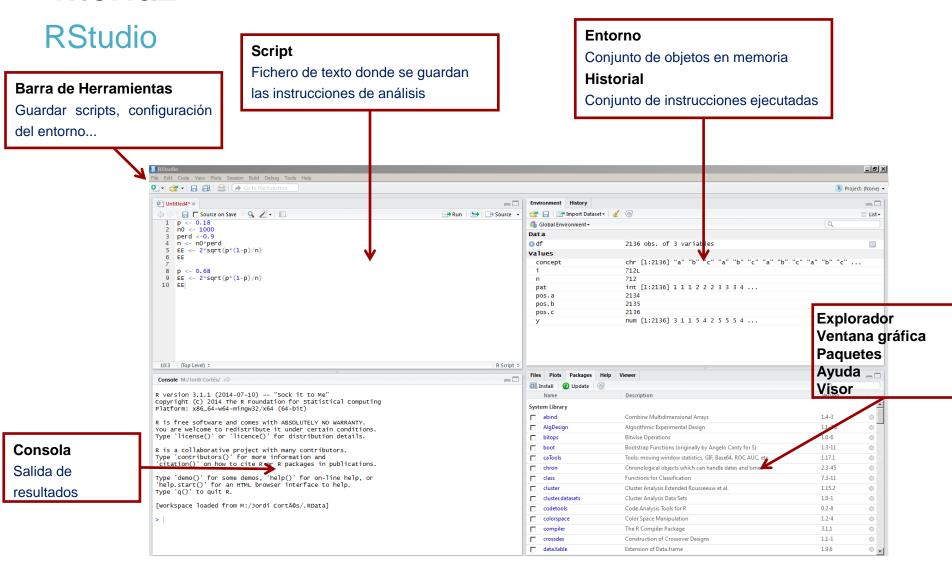
### Interfaz





**MUBD** 

#### Interfaz





#### **Funciones**

- Realizan operaciones, análisis, gráficos, etc...
- Sintaxis: nombre de la función (parámetros)
- **Ejemplo**: sum(2,3)
- El orden de los parámetros puede ser:
  - Por defecto: plot(5,5,"h")
  - Indicando el nombre del parámetro: plot (type="h", x=5, y=5)

## Asignaciones

- Los resultados de funciones o operaciones se pueden asignar a objetos con los símbolos "=" o "<-"</p>
- Sintaxis: nombre\_objeto <- valor\_a\_asignar
- **Ejemplo**: nota <- sum(2,3)
- Para ver el contenido de un objeto (p.ej, nota), bastará con escribir su nombre en la consola

## Ayuda y comentarios

- Se puede pedir ayuda de una función concreta (?) o de un tema general (??)
- Sintaxis: ?función o ??"tema" o escribir en el menú de ayuda
- **Ejemplo**: ?mean

- En un código de análisis se pueden escribir comentarios para ayudar a su comprensión. Los comentarios no se ejecutan
- Sintaxis: # Comentario
- Ejemplo: # La siguiente línea ajusta un modelo logístico

### Instalar paquetes

- R viene con unos paquetes/librerías base que permiten realizar unos análisis básicos. Existen multitud de paquetes que permiten análisis más sofisticados
- Los paquetes se deben instalar (una única vez en cada dispositivo) y cargar en memoria (en cada sesión)
- Sintaxis:
  - Instalar: install.packages("nombre\_del\_paquete")
  - Cargar: library(nombre\_del\_paquete)
- Ejemplo:
  - install.packages("Hmisc")
  - library(Hmisc)



# Organización de la información

## Tipos de objetos

- Los objetos simples pueden ser tipo *numeric* (real), *integer* (entero), *character* (cadena de caracteres), *factor* (categorías ordenadas o no), *logical* (TRUE, FALSE) ...
- Se pueden organizar en distintas estructuras:
  - Vectores: conjunto ordenado del mismo tipo. Sintaxis: c. Ejemplo: v <- c (1, 2)</p>
  - Matrices: conjunto de filas y columnas de tipo numérico. Sintaxis: matrix. Ejemplo:
    m <- matrix(c(1,2,3,4),ncol=2)</p>
  - <u>Data.frames</u>: conjunto de filas y columnas de cualquier tipo respetando que una misma columna sea del mismo tipo. Sintaxis: data.frame. Ejemplo: df <-data.frame (v1=c(1,2), v2=c("a", "b"))
    </p>
  - Listas: conjunto formado por combinaciones de las anteriores estructuras. Sintaxis:
    list. Ejemplo: 1 <- list(v,m,df)</p>



# Organización de la información

## Acceso y modificación de datos

#### Vectores

- Acceso: v [2] [consultar 2º elemento]
- Modificación: v [2] <- 3 [modificar 2º elemento]</p>

#### Matrices

- Acceso: m[1,2] [consultar 1ª fila, 2ª columna]
- Modificación: m[1,2] <- 5 [modificar 1ª fila, 2ª columna]</p>

#### Data.frames

- Acceso: m[2,1] [consultar 2ª fila, 1ª columna]
- Modificación: m[2,1] <- "a" [modificar 2ª fila, 1ª columna]

#### Listas

- Acceso: 1 [ [ 1 ] ] [consultar 1r elemento]
- Modificación: l[[1]] <- c(2,3) [modificar 1r elemento]



# **Ejemplos**

```
# Ayuda de una función o de un tema general
help(mean)
?median
help.search("histogram")
# Creación de un vector numérico y calcular su media
edad \leftarrow c(20,21,20,22,23,20,25,26,20,21)
edat.mean <- mean(edat)</pre>
# Creación de un vector de caracteres y hacer la tabla de frecuencias
genero <- c("h","h","h","h","h","h","h","d","d","d")</pre>
table (genero)
# Otros
                  # Ver los objetos en memoria
ls()
                  # Ver el contenido del objeto genero
genero
length (edad)
                  # Longitud del vector edad
class(genero)
                  # Clase del vector genero
```



# Importación y exportación de datos

#### Lectura

- La lectura de un fichero, generalmente, retorna un data.frame
- Lectura de un fichero de texto (.txt)
  - Sintaxis: read.table
  - **Ejemplo**: datos <- read.table("fichero.txt")
- Lectura de un fichero de texto separado por comas (.csv)
  - Sintaxis: read.csv (comas) o read.csv2 (punto y coma)
  - **Ejemplo**: datos <- read.csv("fichero.csv")
- Lectura de un fichero SPSS (.sav)
  - Sintaxis: read.spss (librería *foreig*n) o read spss (*haven*)
  - Ejemplo: datos <- read.spss("fichero.sav", to.data.frame=TRUE)</pre>
- En la mayoría de casos, se requerirán más parámetros para realizar la lectura.
- Se pueden leer archivos en casi cualquier formato. Ver enlace.



# Importación y exportación de datos

#### Escritura

- Generalmente guardaremos un data.frame
- Escritura de un objeto a un fichero de texo
  - Sintaxis: write.table(objeto\_a\_guardar, nombre\_fichero)
  - Ejemplo: write.table(df,"misdatos.txt")
  - Parámetros opcionales:
    - append (¿se añade a un fichero existente?)
    - quote (¿se ponen comillas en los valores del fichero?)
    - sep (separardor entre columnas)
    - dec (separador decimal)
    - row.names, col.names (incluir nombres de filas y columnas)
    - ...
- Para otros formatos, ver enlace.



## R

#### Miscelánea

- R distingue mayúsculas y minúsculas. No es lo mismo el objeto Datos que datos
- Los valores ausentes (missings) los codifica como NA (*Not Available*) o NaN (*Not a Number*)
- La función summary es una función genérica que se pueda aplicar a un gran abanico de clases de objetos y nos proporciona un resumen de la información contenida en el mismo.
- Se pueden crear funciones propias con la instrucción function (ver ?function)
- Los valores de tipo character o factor se deben poner entre comillas
- Las comillas simples (') y dobles (") pueden usarse indistintamente.
- Se puede fijar el directorio de trabajo con setwd ("directorio")
- Evitar el uso de acentos y símbolos como "ñ" o "ç".



## R

### **Tutoriales**

- DataCamp
- Quick-R
- TutorialsPoint
- Edureka





Màster Universitari en Enginyeria de Dades Massives (Big Data)

Estadística

