

Algoritmos Genéticos

Computação Bioinspirada

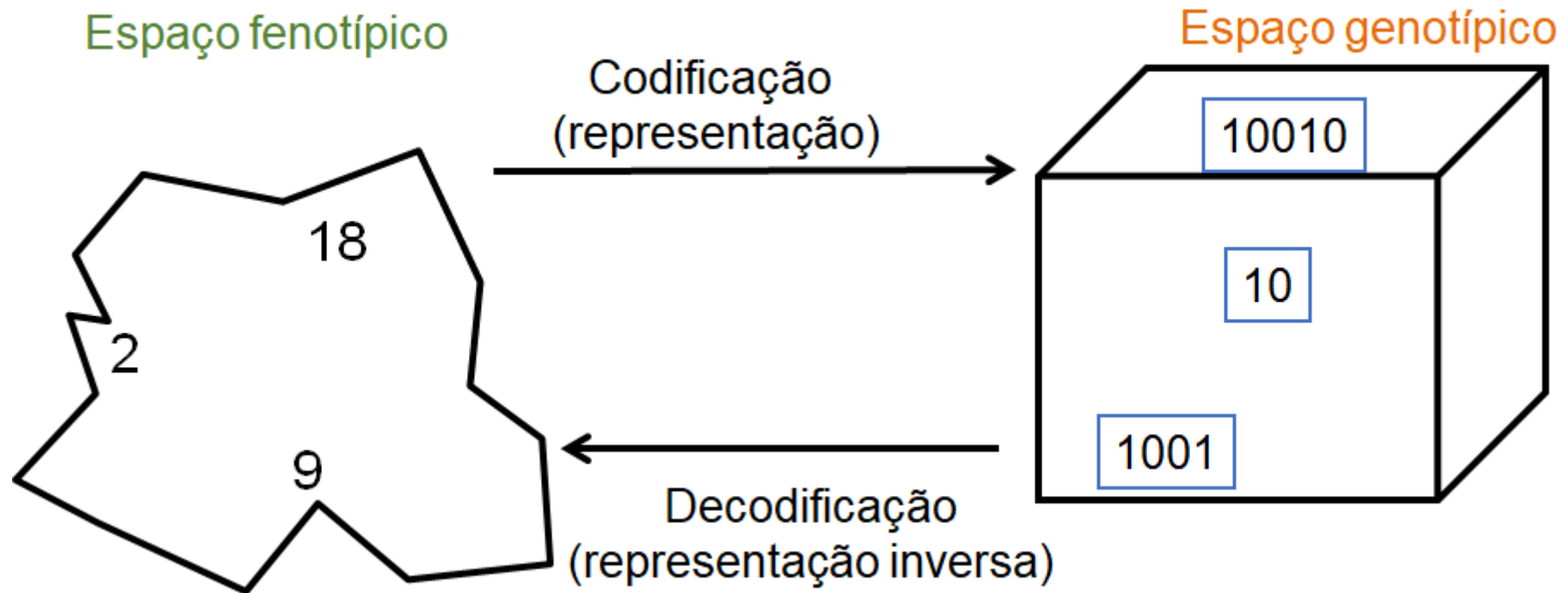
Visão geral

- Desenvolvido: EUA na década de 1970
- Pioneiros: J. Holland, K. De Jong, D. Goldberg
- Normalmente aplicado a:
 - otimização discreta
- Recursos atribuídos:
 - não muito rápido
 - boa heurística para problemas combinatórios
- Características especiais:
 - tradicionalmente enfatiza a combinação de informações de bons pais (cruzamento)
 - muitas variantes, por exemplo, modelos de reprodução, operadores

Algoritmos genéticos

- O GA original de Holland é agora conhecido como algoritmo genético simples (SGA)
- Outros GAs usam diferentes:
 - Representações
 - Mutações
 - Recombinações
 - Mecanismos de seleção

Representação

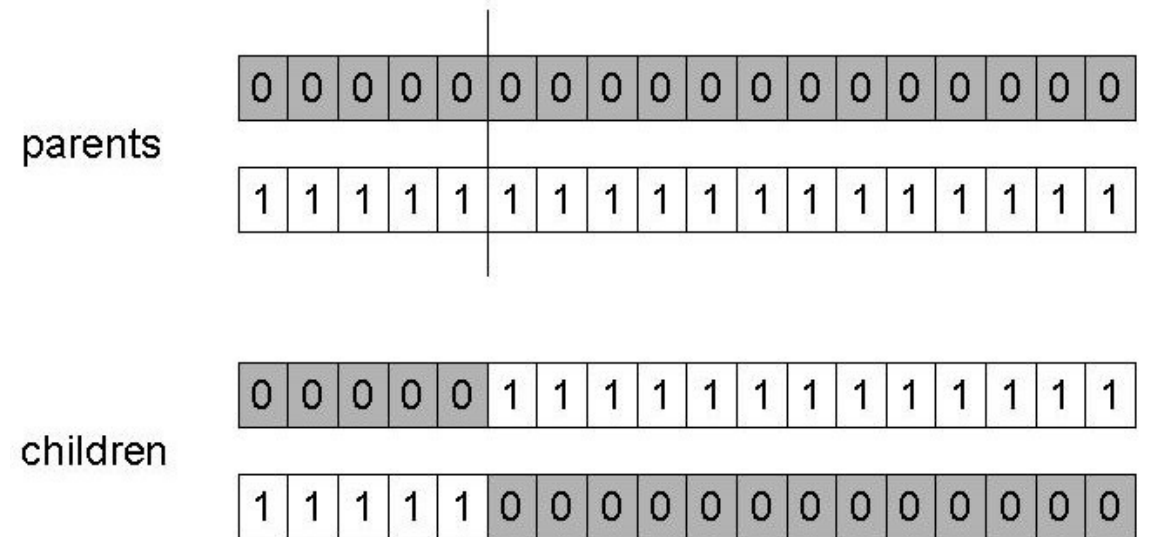


Estrutura básica

1. Selecione os pais para um conjunto (*pool*) de acasalamento
 - (tamanho do conjunto = tamanho da população)
2. Misture os elementos do conjunto
3. Para cada par consecutivo, aplique o cruzamento com a probabilidade p_c , caso contrário, copie os pais
4. Para cada filho, aplique a mutação (*bit-flip* com probabilidade pm independentemente para cada bit)
5. Substitua toda a população com a prole resultante

Operadores do SGA: crossover de 1 ponto

- Escolha um ponto aleatório nos dois pais
- Divida os pais neste ponto de cruzamento
- Crie filhos trocando caudas



- p_c : tipicamente entre 0.6 e 0.9

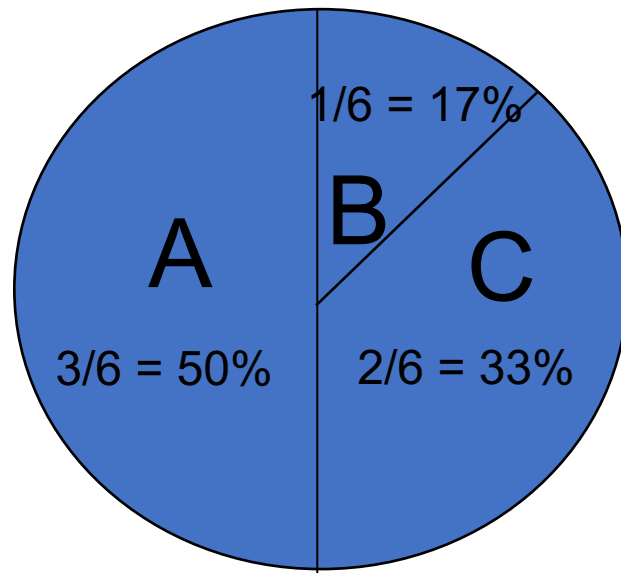
Operadores do SGA: mutação

- Altere cada gene independentemente com uma probabilidade p_m
 - p_m é chamada de taxa de mutação
- Tipicamente entre $1/\text{pop_size}$ e $1/\text{chromosome_length}$

parent	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	
child	0	1	0	0	1	0	1	1	0	0	0	1	0	1	1	0	0	1

Operadores do SGA: Seleção

- Ideia principal: melhores indivíduos têm maior chance
 - Chances proporcionais ao *fitness*
- Implementação: técnica da roda de roleta
 - Atribua a cada indivíduo uma parte da roda da roleta
 - Gire a roda n vezes para selecionar n indivíduos



$\text{fitness}(\text{A}) = 3$

$\text{fitness}(\text{B}) = 1$

$\text{fitness}(\text{C}) = 2$

Exemplo: Goldberg, 1989 (1)

- Problema: $\max x^2$ em $\{0,1,\dots,31\}$
- Abordagem do GA:
 - Representação: Código binário, por exemplo: $01101 \leftrightarrow 13$
 - Tamanho da população: 4
 - Crossover de 1 ponto (*1-point xover*)
 - Mutação por inversão de bit (*bitwise*)
 - Seleção por Roleta
 - Inicialização aleatória

Exemplo: Goldberg, 1989 (2)

String no.	Initial population	x Value	Fitness $f(x) = x^2$	$Prob_i$	Expected count	Actual count
1	0 1 1 0 1	13	169	0.14	0.58	1
2	1 1 0 0 0	24	576	0.49	1.97	2
3	0 1 0 0 0	8	64	0.06	0.22	0
4	1 0 0 1 1	19	361	0.31	1.23	1
Sum			1170	1.00	4.00	4
Average			293	0.25	1.00	1
Max			576	0.49	1.97	2

Exemplo: Goldberg, 1989 (3)

String no.	Mating pool	Crossover point	Offspring after xover	x Value	Fitness $f(x) = x^2$
1	0 1 1 0 1	4	0 1 1 0 0	12	144
2	1 1 0 0 0	4	1 1 0 0 1	25	625
2	1 1 0 0 0	2	1 1 0 1 1	27	729
4	1 0 0 1 1	2	1 0 0 0 0	16	256
Sum					1754
Average					439
Max					729

Exemplo: Goldberg, 1989 (4)

String no.	Offspring after xover	Offspring after mutation	x Value	Fitness $f(x) = x^2$
1	0 1 1 0 0	1 1 1 0 0	26	676
2	1 1 0 0 1	1 1 0 0 1	25	625
2	1 1 0 1 1	1 1 0 1 1	27	729
4	1 0 0 0 0	1 0 1 0 0	18	324
Sum				2354
Average				588.5
Max				729

O GA típico

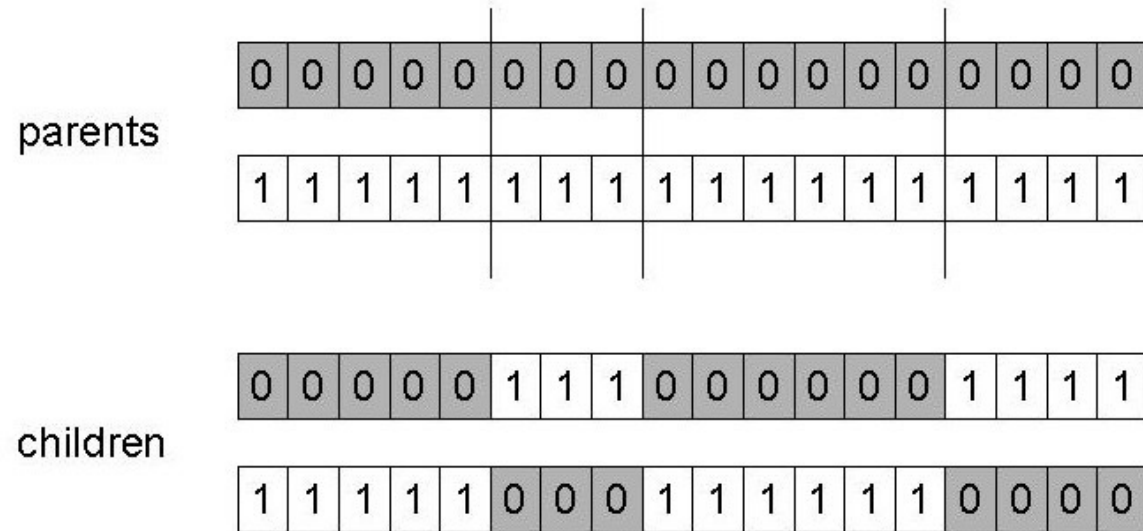
- Tem sido objeto de muitos estudos
 - ainda frequentemente usado como referência para novos GAs
- Mostra muitas deficiências, por exemplo
 - A representação é muito restritiva
 - Mutação e cruzamentos aplicáveis apenas para representações de cadeia de bits e inteiros
 - Mecanismo de seleção sensível para populações convergentes com valores de aptidão próximos
 - O modelo de população geracional (etapa 5) pode ser melhorado com a seleção explícita de sobreviventes

Operadores de Recombinação Alternativos

- O desempenho com cruzamento de 1 ponto depende da ordem em que as variáveis ocorrem na representação
 - mais propensos a manter juntos genes que estão próximos uns dos outros
- Nunca consegue manter juntos genes de extremidades opostas da cadeia
- Isso é conhecido como viés posicional
- Pode ser explorado se conhecermos a estrutura do nosso problema, mas geralmente não é o caso

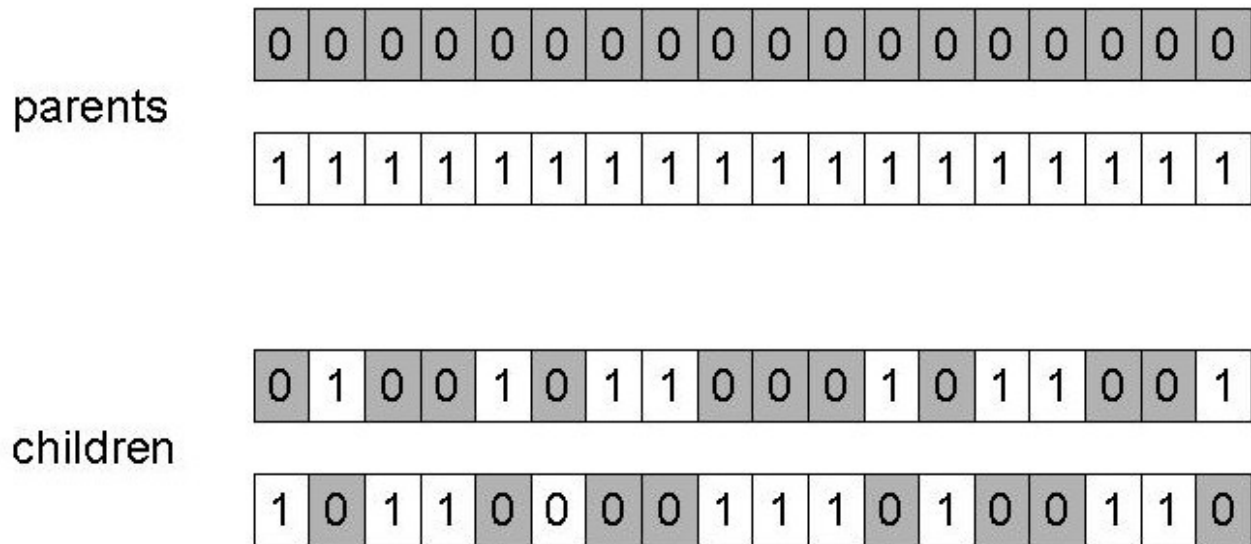
Recombinação de n pontos

- Escolha n pontos de cruzamento aleatórios
- Divida ao longo desses pontos
- Construa o filho alternando entre os pais
- Generalização de 1 ponto (ainda com algum viés posicional)



Recombinação Uniforme

- Atribua “cara” a um dos pais e “coroa” ao outro
- Jogue uma moeda para cada gene do primeiro filho
- Faça uma cópia inversa do gene para o segundo filho
- A herança é independente da posição



Recombinação ou Mutação?

- Um longo debate: qual é o melhor / necessário / principal?
- Resposta (pelo menos, concordância bastante ampla):
 - depende do problema, mas
 - em geral, é bom ter ambos
 - ambos têm outra função
- EA somente mutação é possível, EA somente com recombinação não funcionaria

Recombinação ou Mutação? (cont.)

- **Exploração:** descobrir áreas promissoras no espaço de pesquisa, ou seja, obter informações sobre o problema (*exploration*)
- **Intensificação:** otimizando em uma área promissora, ou seja, usando informações (*exploitation*)
- Há cooperação e competição entre eles
 - O cruzamento é exploratório, ele dá um grande salto para uma área em algum lugar “entre” duas áreas (pai)
 - A mutação é exploradora, ela cria pequenos desvios aleatórios, permanecendo assim perto (na área) dos pais

Recombinação ou Mutação? (cont.)

- Apenas o crossover pode combinar informações de dois pais
- Apenas a mutação pode introduzir novas informações (alelos)
- O cruzamento não muda as frequências de alelos da população
 - Pense: somente 0 no primeiro bit na população
- Para atingir o ponto ideal, você geralmente precisa de uma mutação de “sorte”

Outras Representações

- Hoje em dia, é geralmente aceito que é melhor codificar variáveis numéricas diretamente como
 - Inteiros
 - Ponto flutuante

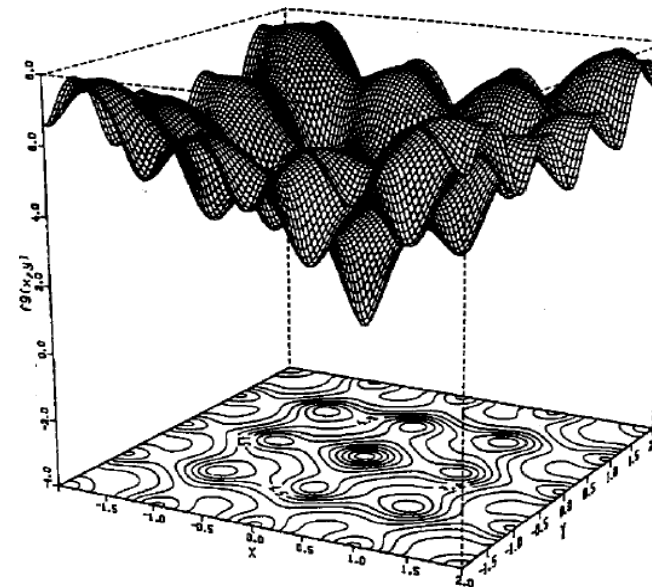
Representação Inteira

- Alguns problemas naturalmente têm variáveis inteiras, por exemplo parâmetros de processamento de imagem
- Outros assumem valores categóricos de um conjunto fixo, por exemplo, {azul, verde, amarelo, rosa}
- Operadores de recombinação permanecem iguais
- É necessário estender a mutação para trazer:
 - “Fluência”, ou seja, mais probabilidade de se mover para um valor semelhante
 - Escolha aleatória (especialmente variáveis categóricas)
 - Para problemas ordinais, é difícil saber o intervalo correto para fluência, então muitas vezes use dois operadores de mutação em conjunto

Representação Real

- Também conhecida como representação em ponto-flutuante
- Muitos problemas têm como entrada valores reais
 - Por exemplo otimização de parâmetro contínuos $f: \mathcal{R}^n \rightarrow \mathcal{R}$

$$f(\bar{x}) = -c_1 \cdot \exp \left(-c_2 \cdot \sqrt{\frac{1}{n} \sum_{i=1}^n x_i^2} \right) - \exp \left(\frac{1}{n} \cdot \sum_{i=1}^n \cos(c_3 \cdot x_i) \right) + c_1 + 1$$
$$c_1 = 20, c_2 = 0.2, c_3 = 2\pi$$



Representação Real (cont.)

- Podemos usar strings de bits e decodifica-las em valores reais
- Riscos:
 - Perda de precisão
 - Cromossomos muito grandes
- Alternativa: usar diretamente cromossomos de valores reais!
 - Seu cromossomo não representa mais um único valor, mas um conjunto de possíveis parâmetros

Mutações em ponto flutuante (1)

- Esquema geral de mutações de ponto flutuante

$$\bar{x} = \langle x_1, \dots, x_l \rangle \rightarrow \bar{x}' = \langle x'_1, \dots, x'_l \rangle$$

$$x_i, x'_i \in [LB_i, UB_i]$$

- Mutação uniforme:

$$x'_i \text{ gerado uniformemente em } [LB_i, UB_i]$$

- Análogo à inversão de bits (binário) ou redefinição aleatória (inteiros)

Mutações em ponto flutuante (2)

- Mutações não uniformes:
 - Muitos métodos propostos, como intervalo de mudança variável com o tempo, etc.
 - A maioria dos esquemas são probabilísticos, mas geralmente fazem apenas uma pequena alteração no valor
- O método mais comum é adicionar o desvio aleatório a cada variável separadamente, por meio de uma distribuição Gaussiana $N(0, \sigma)$
 - Desvio padrão σ controla o total de mudanças
 - 2/3 de desvios estarão na faixa $(-\sigma, +\sigma)$

Operadores de recombinação para GAs reais

- Discretos:
 - Cada gene no filho z vem de um dos pais (x,y) com igual probabilidade: $z_i = x_i$ ou y_i
 - Pode ser n-pontos ou uniforme

Operadores de recombinação para GAs reais

- Intermediários:
 - explora a ideia de criar filhos “entre” pais (daí o nome ***recombinação aritmética***)
 - $z_i = \alpha x_i + (1 - \alpha) y_i$, com $\alpha : 0 \leq \alpha \leq 1$.
 - O parâmetro α pode ser:
 - constante: cruzamento aritmético uniforme
 - variável (por exemplo, depende da idade da população)
 - escolhido aleatoriamente todas as vezes

Recombinação aritmética simples (1 ponto)

- Pais: $\langle x_1, \dots, x_n \rangle$ e $\langle y_1, \dots, y_n \rangle$
- Pegue um único gene (k) aleatoriamente,
- filho₁ is:

$$\langle x_1, \dots, x_{k-1}, \alpha \cdot y_k + (1 - \alpha) \cdot x_k, \dots, x_n \rangle$$

- Exemplo: $\alpha = 0.5$

0.1	0.2	0.3	0.4	0.5	0.6	0.7	0.8	0.9
-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----

0.1	0.2	0.3	0.4	0.5	0.6	0.7	0.5	0.9
-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----

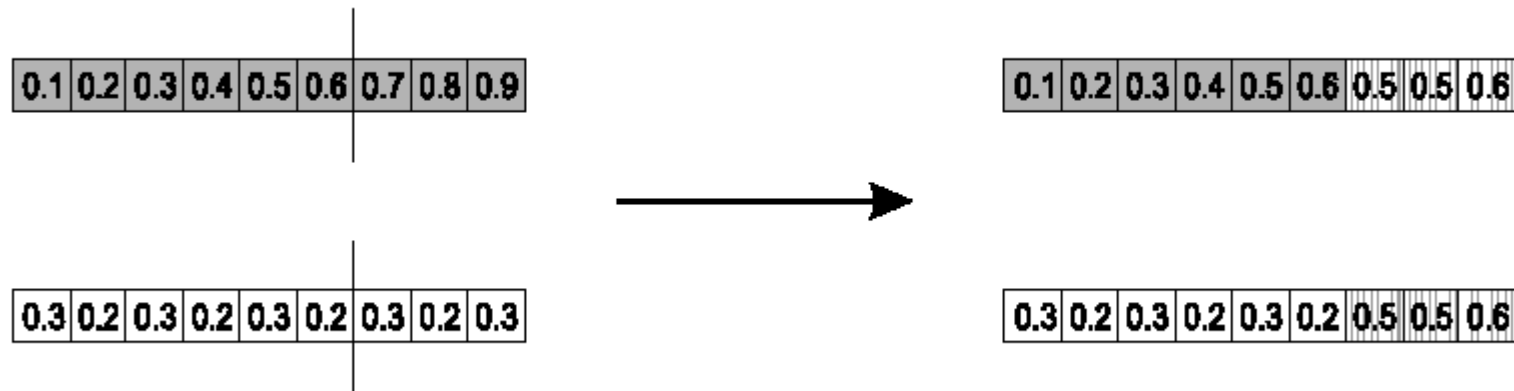


0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3
-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----

0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.5	0.3
-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----

Recombinação aritmética simples (n pontos)

- Pais: $\langle x_1, \dots, x_n \rangle$ e $\langle y_1, \dots, y_n \rangle$
- Pegue um único gene (k) aleatoriamente,
- filho₁ is:
$$\langle x_1, \dots, x_k, \alpha \cdot y_{k+1} + (1 - \alpha) \cdot x_{k+1}, \dots, \alpha \cdot y_n + (1 - \alpha) \cdot x_n \rangle$$
- Exemplo: $\alpha = 0.5$



Recombinação aritmética completa (*whole*)

- Mais comumente utilizada
- Pais: $\langle x_1, \dots, x_n \rangle$ e $\langle y_1, \dots, y_n \rangle$
- filho₁ é:

$$a \cdot \bar{x} + (1 - a) \cdot \bar{y}$$

- Exemplo: $\alpha = 0.5$

0.1	0.2	0.3	0.4	0.5	0.6	0.7	0.8	0.9
-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----

0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3
-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----



0.2	0.2	0.3	0.3	0.4	0.4	0.5	0.5	0.6
-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----

0.2	0.2	0.3	0.3	0.4	0.4	0.5	0.5	0.6
-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----

Modelos Populacionais

- SGA usa um modelo geracional (GGA):
 - cada indivíduo sobrevive por exatamente uma geração
 - todo o conjunto de pais é substituído pela prole
- Em oposição a esses, estão os modelos de estacionário (*Steady-State GA*):
 - uma prole é gerada por geração,
 - um membro da população substituído,
- Diferença entre gerações
 - a proporção da população substituída 1.0 para GGA, $1/\text{pop_size}$ para SSGA

Métodos de Seleção

- A seleção pode ocorrer em dois momentos:
 - Seleção da geração atual para participar do acasalamento (seleção dos pais)
 - Seleção de pais + filhos para ir para a próxima geração (seleção de sobreviventes)
- Operadores de seleção trabalham individualmente
 - ou seja, eles são independentes de representação
- Distinção entre seleção
 - operadores: definir probabilidades de seleção
 - algoritmos: definem como as probabilidades são implementadas

Exemplo de Implementação: SGA

- Número esperado de cópias de um indivíduo i

$$E(n_i) = \mu \cdot f(i) / \langle f \rangle$$

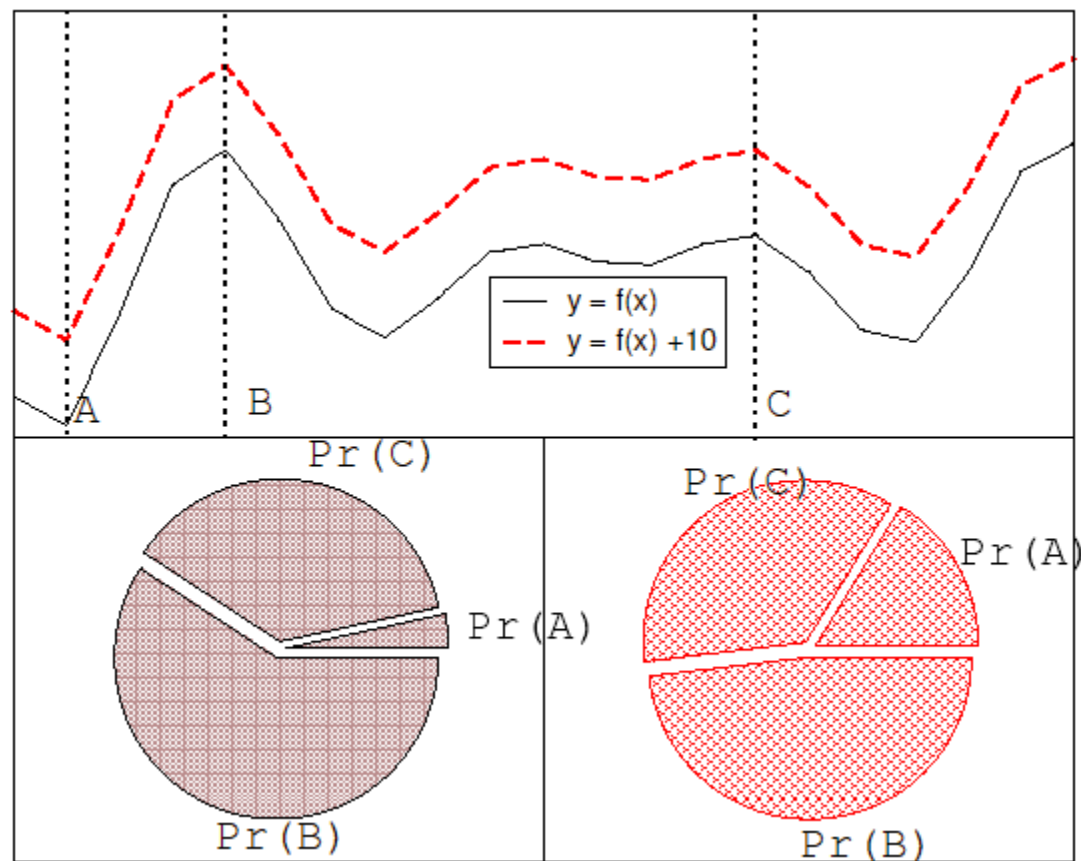
(μ = tamanho da pop, $f(i)$ = fitness de i , $\langle f \rangle$ fitness médio na pop.)

- Algoritmo da roda de roleta:
 - Dada uma distribuição de probabilidade, gire uma roda n vezes para fazer n seleções
 - Sem garantias sobre o valor real de n_i

Seleção Baseada no Fitness (FPS)

- Os problemas incluem
 - Um membro altamente apto pode assumir rapidamente se o resto da população for muito menos apto: *Convergência prematura*
 - No final das rodadas, quando os condicionamentos são semelhantes, perde a pressão de seleção
- Altamente suscetível à transposição de função

Transposição de Função



Seleção baseada em classificação (*rank*)

- Tenta resolver problemas de FPS baseando as probabilidades de seleção na aptidão relativa, em vez de absoluta
- Classifique a população de acordo com a aptidão e, em seguida, baseie as probabilidades de seleção na classificação em que o mais apto possui a classificação μ e a pior classificação 1
- Isso impõe uma sobrecarga no algoritmo (ordenação), mas geralmente é insignificante em comparação com o tempo de avaliação de aptidão

Seleção por Torneio

- Seleção por classificação ainda depende de estatísticas populacionais globais
 - Pode ser um gargalo, especialmente em máquinas paralelas
 - Depende da presença de função de aptidão externa que pode não existir
- Torneio:
 - Escolha k membros aleatoriamente e, em seguida, selecione o melhor deles
 - Repita para selecionar mais indivíduos

Seleção por Torneio (cont.)

- A probabilidade de selecionar i dependerá:
 - Da classificação i
 - Do tamanho da amostra k
 - k mais alto aumenta a pressão de seleção
 - Se os concorrentes são escolhidos com substituição
 - A escolha sem substituição aumenta a pressão de seleção
 - Se o competidor mais apto sempre vence (determinístico) ou isso acontece com a probabilidade p

Seleção dos Sobrevivente

- A maioria dos métodos acima são usados para a seleção dos pais
- Precisamos, também, selecionar os sobrevivente
- A seleção de sobreviventes pode ser dividida em duas abordagens:
 - Seleção baseada na idade
 - Exemplo: SGA
 - No SSGA, pode-se implementar uma “delete-random” (menos recomendada) ou uma first-in-first-out
 - Seleção baseada em fitness
 - Usando algum dos métodos anteriores

Dois casos especiais

- Elitismo:
 - Amplamente utilizado em ambos os modelos de população (GGA, SSGA)
 - Sempre mantenha pelo menos uma cópia da solução mais adequada até o momento
- Genitor (“delete-worst”):
 - Do algoritmo de estado estacionário original de Whitley
 - Usado com grandes populações