实验四: 朴素贝叶斯分类器

学号: 2013750 姓名: 管昀玫

• 专业: 计算机科学与技术

基本要求

- 1. 采用分层采样的方式将数据集划分为训练集和测试集。
- 2. 给定编写一个朴素贝叶斯分类器,对测试集进行预测,计算分类准确率。

```
In [1]:

import math
import numpy as np
import pandas as pd
import matplotlib.pyplot as plt

In [2]:

f = conf('mine data', 's')
```

```
In [2]:
         f = open('wine.data', 'r')
         types = [[], [], []]
                                                  # 按类分的所有数据
         test_data = [[], [], []]
         train_data = [[], [], []]
         data num = 0
                                                # 数据总数
         test_len = []
                                                # 测试集里每一类的个数
         means = [[], [], []]
                                                 # 每一类的均值
         std = [[], [], []]
                                                  # 每一类的标准差
         myline = '1'
         while myline:
             myline = f. readline(). split(',')
             if len(myline) != 14:
                 break
             for t in range (len (myline)):
                 if t == 0:
                     myline[t] = int(myline[t])
                     myline[t] = float(myline[t])
             temp = myline. pop(0)
             types[temp - 1]. append(myline)
         test_len = [round(len(types[i]) / 10) for i in range(3)]
         data num = sum([len(types[i]) for i in range(3)])
```

我的混淆矩阵是相对于每一个类别而言的,每一个类有2*2的混淆矩阵,有三个类

```
In [35]:
TP = [0, 0, 0]
FN = [0, 0, 0]
FP = [0, 0, 0]
TN = [0, 0, 0]
precision = [0, 0, 0]
recall = [0, 0, 0]
fp_rate = [[0.0], [0.0], [0.0]]
tp_rate = [[0.0], [0.0], [0.0]]
F_measure = [0, 0, 0]
accuracy = [0, 0, 0]
threshold = 1e-18
p_value = [[], [], []]
label = [[], [], []]
prediction = [[], [], []]
```

In [5]:

```
def Bayes(data, p, avg, var):
    result = p
    for i in range(len(data)):
        result *= 1 / (np. sqrt(2 * math. pi)* var[i]) * np. exp(-((data[i] - avg[i]))
        return result
```

P(c|x): 后验概率 (在给定样本x的条件下,属于类别c的概率)。

P(x|c): 假设在c类下,观察到样本x的概率。模式特征x的似然函数(特征x来自于类别c的可能性)。

P(c): 样本为类别c的先验概率。在实际应用中,先验概率都是未知的,只能通过背景知识、训练数据等来估计这些概率。这也是贝叶斯方法的难处之一。本题将其视为正态分布,其概率密度公式为 $f(x)=rac{1}{\sqrt{2\pi}\sigma}e^{-rac{(\theta-u)^2}{2\sigma\cdot 2}}$

特征条件假设: 假设每个特征之间没有联系,给定训练数据集,其中每个样本x都包括n维特征,即 $x=(x_1,x_2,\cdots,x_n)$,类标记集合含有k种类别,即 $y=(y_1,y_2,\cdots,y_k)$ 。

对于给定的新样本x,判断其属于哪个标记的类别,根据贝叶斯定理,可以得到x属于 y_k 类别的概率 $P(y_k|x)$:

$$P(y_k|x) = \frac{P(x|y_k) \times P(y_k)}{\sum\limits_k P(x|y_k) \times P(y_k)}$$

 $rg \max P(y_k|x)$ 后验概率最大的类别记为预测类别,即: y_k

朴素贝叶斯算法对条件概率分布作出了独立性的假设,通俗地讲就是说假设各个维度的特征 x_1,x_2,\cdots,x_n 互相独立,在这个假设的前提上,条件概率可以转化为:

$$P(x|y_k) = P(x_1, x_2, \dots, x_n|y_k) = \prod_{i=1}^n P(x_i|y_k)$$

代入上面贝叶斯公式中,得到:

$$P(y_k|x) = \frac{P(y_k) \times \prod_{i=1}^{n} P(x_i|y_k)}{\sum_{k} P(y_k) \times \prod_{i=1}^{n} P(x_i|y_k)}$$

于是, 朴素贝叶斯分类器可表示为:

$$f(x) = \arg \max_{y_k} P(y_k|x) = \arg \max_{y_k} \frac{P(y_k) \times \prod_{i=1}^{n} P(x_i|y_k)}{\sum_{k} P(y_k) \times \prod_{i=1}^{n} P(x_i|y_k)}$$

因为对所有的Ук, 上式中的分母的值都是一样的, 所以可以忽略分母部分, 朴素贝叶斯分类器最终表示为:

$$f(x) = \operatorname*{arg\,max}_{y_k} P(y_k) \times \prod_{i=1}^n P(x_i|y_k)$$

- 朴素贝叶斯只适用于特征之间是条件独立的情况下,否则分类效果不好,这里的朴素指的就是条件独立。
- 朴素贝叶斯主要被广泛地使用在文档分类中。 这里为了方便计算(np.mat()出了点问题),将所有的式子都取对数。因此,连乘变成连加,其余变成log,之后再使用exp还原

```
In [37]:

def bayes_classificate():
    # 首先, 分别计算训练集上三个类的均值和标准差
    # mean = ...
    # std = ...
    total = 0
    for i in range(3):
```

```
means[i] = np. mean(train_data[i], axis=0) # 分别计算三个类别的均值
   std[i] = np. std(train_data[i], axis=0) # 标准差
   total += train data[i].shape[0]
wrong_num = 0
for i in range(3):
   for t in test_data[i]: #两层循环:从每一类取每一个测试样本
       my type = []
       for j in range (3):
          # 由于数据集中所有的属性都是连续值,连续值的似然估计可以按照高斯分布来
          # 这里为了方便计算,将整个式子都取对数处理,连乘变成+,常数项变成1og
           temp = np. log((2*math.pi) ** 0.5 * std[j]) + np. power(t - means[j],
           temp = np. sum(temp)
           temp = -1*temp+math. log(len(types[j])/data num)
          my type. append (temp)
                                # 这里将所有score保存
       pre_type = my_type.index(max(my_type)) # 取分值最大的为预测类别
       p_value[i]. append(max(my_type))
       label[i].append(i)
       prediction[i]. append(pre_type)
       if math. exp(max(my type)) > threshold:
          if pre_type == i:
              # tp rate[i].append(tp rate[i][-1] + 1)
              # fp rate[i].append(fp rate[i][-1])
              TP[i] += 1
          else:
              # tp_rate[i].append(tp_rate[i][-1])
              # fp_rate[i].append(fp_rate[i][-1] + 1)
              FP[i] += 1
       else:
          if pre_type == i:
              FN[i] += 1
          else:
              TN[i] +=1
       if pre_type != i: # 统计错误数
          wrong num += 1
return wrong_num
```

分层抽样,并按照9:1划分训练集和测试集,输出分类准确率

```
In [38]:

wrong_cnt = [0, 0, 0]

for i in range(10): # 数据集划分9:1, 分层抽样

for j in range(3):
    if (i+1) * test_len[j] > len(types[j]):
        test_data[j] = np. mat(types[j][i * test_len[j]:])
        train_data[j] = np. mat(types[j][i * test_len[j]])
    else:
        test_data[j] = np. mat(types[j][i * test_len[j]:(i+1) * test_len[j]])
        train_data[j] = np. mat(types[j][i * test_len[j]]+types[j][(i+1) * test_len[j
```

分类准确率: 0.9775280898876404

中级要求

使用测试集评估模型,得到混淆矩阵,精度,召回率,F值。

- True Positive (TP) : 真正类。样本的真实类别是正类,并且模型识别的结果也是正类。
- False Negative (FN): 假负类。样本的真实类别是正类,但是模型将其识别为负类。
- False Positive (FP): 假正类。样本的真实类别是负类,但是模型将其识别为正类。

- True Negative (TN): 真负类。样本的真实类别是负类,并且模型将其识别为负类。
- 精确率(Accuracy: Accuracy = (TP + TN)/(TP + FN + FP + TN)
- 准确率(Precision): Precision = TP/(TP + FP)
- 召回率(Recall): Recall = TP/(TP + FN)
- F1-score: $F_1 = 2 rac{precision*recall}{precision+recall}$

此处的混淆矩阵是相对于每一个类别而言。例如,TP[i]就是第i类的TP值,FN[i]就是第i类的FN值。对于每一个类,分别输出进度、召回率、准确率、F值。

```
for i in range(3):
     \# FP[i] = FP[i] - TP[i]
     precision[i] = TP[i] / (TP[i] + FP[i])
     recall[i] = TP[i] / (TP[i] + FN[i])
     accuracy[i] = (TP[i] + TN[i]) / (TP[i] + FN[i] + FP[i] + TN[i])
     # F_measure[i] = 2 / (1 / precision[i] + 1 / recall[i])
     F_measure[i] = 2 * precision[i] * recall[i] / (precision[i] + recall[i])
 print("TP: ", TP)
print("FN: ", FN)
print("FP: ", FP)
print("TN: ", TN)
 for i in range (3):
     print("Class: ", i+1)
     # print("fp_rate: ", fp_rate[i], "tp_rate: ", tp_rate[i])
print("precision: ", precision[i], "recall: ", recall[i])
print("accuracy: ", accuracy[i], "F_measure: ", F_measure
                                                         ', F_measure[i])
TP: [57, 67, 47]
FN: [0, 1, 1]
FP: [2, 2, 0]
TN: [0, 0, 0]
Class: 1
precision: 0.9661016949152542 recall: 1.0
accuracy: 0.9661016949152542 F_measure: 0.9827586206896551
Class: 2
precision: 0.9710144927536232 recall: 0.9852941176470589
accuracy: 0.9571428571428572 F_measure: 0.9781021897810219
Class: 3
precision: 1.0 recall: 0.979166666666666
accuracy: 0.9791666666666666 F measure: 0.9894736842105264
```

高级要求

在中级要求的基础上画出三类数据的ROC曲线,并求出AUC值。

将每一类测试样本按照p值排序。类似于爬楼梯的思路:排序后,从第一个到最后一个样本,如果预测值与真实值相同,则往上走一格;否则向右走一格。

```
fp_rate[i].append(1.0)
    tp_rate[i].append(1.0)

#temp = 0

#temp = AUC(label[i], p_value[i], i)

#print("类别为:", i+1, "auc值为: ", temp)

plt.plot(fp_rate[0], tp_rate[0], 'b')

plt.plot(fp_rate[1], tp_rate[1], 'b')

plt.plot(fp_rate[2], tp_rate[2], 'b')

plt.plot([0, 1], [0, 1], 'r--')

plt.xlim([-0.1, 1.1])

plt.ylim([-0.1, 1.1])

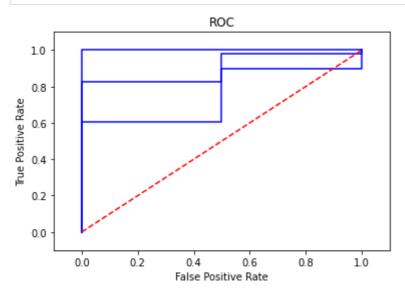
plt.xlabel('False Positive Rate')

plt.title('ROC')

plt.show()
```

In [41]





计算AUC值: AUC (Area Under Curve) 被定义为ROC曲线下的面积,显然这个面积的数值不会大于1。又由于ROC曲线一般都处于y=x这条直线的上方,所以AUC的取值范围一般在0.5和1之间。使用AUC值作为评价标准是因为很多时候ROC曲线并不能清晰的说明哪个分类器的效果更好,而作为一个数值,对应AUC更大的分类器效果更好。

类别为: 0 auc值为: 0.9035087719298245

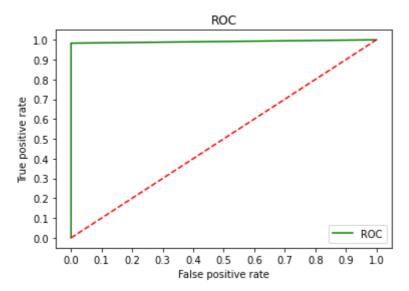
类别为: 1 auc值为: 0.75 类别为: 2 auc值为: 1.0

提供另一种画ROC曲线的思路: 首先,根据每个测试样本属于正样本的概率值从大到小排序。接下来,我们从高到低,依次将"Score"值作为阈值threshold,当测试样本属于正样本的概率大于或等于这个threshold时,我们认为它为正样本,否则为负样本。举例来说,假设第4个样本,其"Score"值为0.6,那么样本"Score"值大于它的第1,2,3,4都被认为是正样本,因为它们的"Score"值都大于等于0.6,而其他样本则都认为是负样本。每次选取一个不同的threshold,我们就可以得到一组FPR和TPR,即ROC曲线上的一点。这样一来,我们一共得到了若干组(本次实验为178组)FPR和TPR的值,将它们画在ROC曲线。同时计算AUC值,即算曲线下方面积大小。

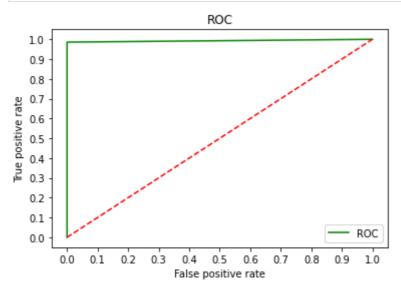
```
def draw roc(pred score, test label, idx):
    fpr = []
    tpr = []
    # 计算fpr和tpr, 阈值从大到小
    for i in np. argsort (pred_score) [::-1]:
        threshold = pred_score[i]
        if threshold == np. max(pred_score):
            fpr. append (0)
            tpr. append (0)
            continue
        elif threshold == np. min(pred score):
            fpr. append (1)
            tpr. append (1)
            continue
        tp = 0
        fp = 0
        fn = 0
        tn = 0
        m = np. argsort (pred_score) [::-1]
        for j in np. argsort (pred_score) [::-1]:
            if pred_score[j] >= threshold:
                if test_label[j] == idx:
                    tp += 1
                else:
                    fp += 1
            else:
                if test_label[j] == idx:
                    fn += 1
                else:
                    tn += 1
        fpr\_temp = fp + tn
        tpr\_temp = tp + fn
        if fpr_temp == 0: # 注意为0的情况
            fpr. append (0)
        else:
            fpr. append(fp / (fp + tn))
        if tpr temp == 0:
            tpr. append (0)
        else:
            tpr. append (tp / (tp + fn))
    auc = 0
    for i in range(1, len(fpr)):
        auc += 0.5 * (fpr[i] - fpr[i - 1]) * (tpr[i] + tpr[i - 1])
    # print(fpr)
    # print(tpr)
    plt. title('ROC')
    plt.plot(fpr, tpr, color='green', label='ROC')
    plt. plot([0, 1], [0, 1], 'r--')
    plt.xticks([0, 0.1, 0.2, 0.3, 0.4, 0.5, 0.6, 0.7, 0.8, 0.9, 1.0])
    plt. yticks([0, 0.1, 0.2, 0.3, 0.4, 0.5, 0.6, 0.7, 0.8, 0.9, 1.0])
    plt. legend()
    plt. xlabel ('False positive rate')
    plt. ylabel ('True positive rate')
    plt. show()
    return auc
```

画出ROC曲线并打印每一个分类的AUC值

```
In [58]: res0 = draw_roc(p_value[0], label[0], 0) print(res0)
```

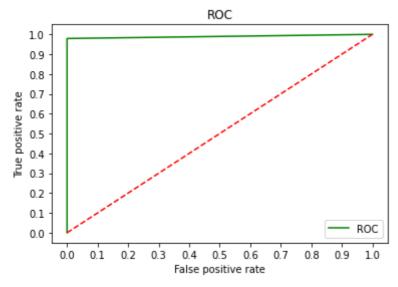


0.9915254237288136



 $0.\,9928571428571429$

In [60]: res2 = draw_roc(p_value[2], label[2], 2)
 print(res2)



0.98958333333333333