실험계획과 분석

심송용(한림대학교 데이터과학스쿨)

http://jupiter.hallym.ac.kr

Bonferroni 검정(수정)

LSD의 계산에서 유의수준이 α 이면 $LSD(i,j) = t_{df(MSE);\alpha/2} \sqrt{MSE(\frac{1}{n_i} + \frac{1}{n_j})}$ 로 $\alpha/2$ 를 사용하

였다(양측). 그러나 여러개의 가설을 동시에 검정하면서 각각의 유의수준을 모두 α 로 하는 것은 전체오류율(집단오류율; familywise error rate)가 α 보다 커지는 상황이 발생한다. 예를 들어 α 개의 수준을 가진 처리에서 모든 가능한 비교는 m=a(a-1)/2일 때

$$H_{01}: \mu_1 = \mu_2$$

$$H_{02}: \mu_1 = \mu_3$$

:

$$H_{0m}: \mu_{a-1} = \mu_a$$

이며 각각의 비교가 유의수준 α 에서 행해지면 E_i 를 H_{0i} 에 대한 제1종오류(귀무가설이 참일 때 귀무가설을 기각하는 오류. 이 오류의 최대허용치가 유의수준)라 하면 전체오류율은

전체오류율 =
$$\Pr(제1종 오류) = \Pr(\bigcup_{i=1}^m E_i) \le \sum_{i=1}^m \Pr(E_i) = m\alpha$$

로 전체 유의수준은 α 가 아닌 값이며 최대 $m\alpha$ 까지 가능하다.

따라서 전체 유의수준이 α 인 경우 비교하는 회수 만큼 적절한 보정이 필요하며 전체 유의수준이 α 이면 개별 비교의 유의수준을 $\frac{\alpha}{m}=\frac{\alpha}{a(a-1)/2}$ 을 사용하는 것을 Bonferroni 수정이라고 한다. 즉, $|\bar{y}_{i\cdot}-\bar{y}_{j\cdot}|$ 이

$$Bonf(i,j) = t_{df(MSE);(\alpha/2)/m} \sqrt{MSE(\frac{1}{n_i} + \frac{1}{n_j})}$$

보다 크면 차이 있는 그룹으로, 그렇지 않으면 차이 없는 그룹으로 판단한다.

앞에서 사용한 4가지 기름에 대한 다중비교에서 본페로니 수정을 적용하면 a=4이므로 $m=4\times3/2=6$ 이므로 개별 유의수준은 $\alpha/6$ 을 사용하여야 하고 유의수준이 5%라면 개별비교에서의 유의수준은 0.00833이 된다. 따라서

$$Bonf(i,j) = t_{df(\mathit{MSE});(\alpha/2)/6} \sqrt{\mathit{MSE}(\frac{1}{n_i} + \frac{1}{n_j})} = 2.927 \sqrt{100.9(\frac{1}{6} + \frac{1}{6})} = 16.975$$

가 된다. 여기서 $t_{20;0.004167}=2.927$ 을 사용한 것이다. 따라서 본페로니 수정의 결과는

$$|\overline{y}_{1.} - \overline{y}_{2.}| = 13.0 < 16.975$$
 $|\overline{y}_{1.} - \overline{y}_{3.}| = 4.0 < 16.975$

$$|\overline{y}_{1.} - \overline{y}_{3.}| = 4.0 < 16.975$$

$$|\overline{y}_{1.} - \overline{y}_{4}| = 10.0 < 16.975$$
 $|\overline{y}_{2.} - \overline{y}_{3.}| = 9.0 < 16.975$

$$|\overline{y}_{2.} - \overline{y}_{3.}| = 9.0 < 16.975$$

$$|\overline{y}_{2} - \overline{y}_{4}| = 23.0 > 16.975$$

$$|\overline{y}_{2.} - \overline{y}_{4.}| = 23.0 > 16.975$$
 $|\overline{y}_{3.} - \overline{y}_{4.}| = 14.0 < 16.975$

이며 이 결과를 선으로 도시하면 다음과 같다.

 $y_{4.}$

 $\overline{y}_{1.}$ $\overline{y}_{3.}$

 $y_{2.}$

162

172 176

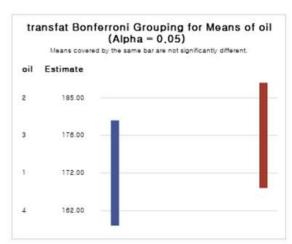
185

SAS를 이용한 Bonferroni 검정. (m.comparisons2.sas, data step 생략)

```
proc glm data = fatdata;
class oil;
model transfat = oil;
means oil/ bon cldiff; /* 또는 means oil/ bon lines; */
run;
```

means 문에서 bon을 사용하여 결과를 얻을 수 있음. cldiff 또는 lines(기본값) 따른 출력이다른 형태임도 lsd와 같음.

Alpha	0,05
Error Degrees of Freedom	20
Error Mean Square	100,9
Critical Value of t	2,92712
Minimum Significant Difference	16,976



oil Comparison 2 - 3	Difference Between Means	Simultaneous 95%	Confidence Limits	
	9,000	-7.976	25,976	
2 - 1	13,000	-3,976	29,976	
2 - 4	23,000	6.024	39,976	***
3 - 2	-9,000	-25,976	7,976	
3 - 1	4,000	-12,976	20,976	
3 - 4	14,000	-2,976	30,976	
1 - 2	-13,000	-29.976	3,976	
1 - 3	-4,000	-20,976	12,976	
1 - 4	10,000	-6,976	26,976	
4 - 2	-23,000	-39,976	-6.024	***
4 - 3	-14,000	-30,976	2,976	
4 - 1	-10,000	-26,976	6,976	

Dunnette 검정

a개의 수준을 비교하는 실험에서 종종 한 개의 대조군과 k = (a-1)개의 처리군을 비교하는 경우가 있다.

- 옥수수를 재배할 때 무비료, 화학비료(관행농), 유기농에 따른 수확량 비교
- 두통에 대해: 약을 사용하지 않음, 이부프로펜(ibuprofen) 계열의 약, 아세타아미노펜 (acetaminophen) 계열의 약, 아세틸살리실산(acetylsalicylic acid) 계열의 효과를 비교에서 무비료 및 약을 사용하지 않는 경우와 비료사용, 약을 사용하는 경우를 비교할 때 무비료 및 약을 사용하지 않는 경우는 대조군이 된다.

이와 같이 대조군과 처리군을 비교할 때의 다중비교에서는 Dunnette 검정이 사용될 수 있다. Dunnette 검정은 i번째 처리와 대조군의 모평균을 각각 μ_i 와 μ_c 라고 할 때 $\mu_i - \mu_c$ 에 대한 $100(1-\alpha)\%$ 신뢰구간이

$$\mu_i - \mu_c = (\overline{y}_{i.} - \overline{y}_c) \pm d_{k,\mathit{df}(\mathit{MSE});\,\alpha} \sqrt{\mathit{MSE}(\frac{1}{n_i} + \frac{1}{n_c})}$$

임을 사용하고 이를 바탕으로

$$\frac{|\overline{y}_{i.} - \overline{y}_{c}|}{\sqrt{\mathit{MSE}(\frac{1}{n_{i}} + \frac{1}{n_{c}})}} > d_{k,df(\mathit{MSE});\alpha}$$

이면 차이가 있는 그룹으로, 그렇지 않으면 차이가 없는 그룹으로 판별하는 것이다. 여기서 $d_{k,df(MSE);\alpha}$ 는 교재의 표(Appendix 2)에 주어진 값이고 n_c 는 대조군의 자료수이다.

앞에서 사용한 네 가지 기름을 비교함에 있어서 두 번째 기름은 기존에 사용하던 것이고 나머지 기름은 기존 것을 교체할 후보들이라하고 Dunnette 검정을 해보자. 이 경우 대조군이 2번 기름이므로 1과 2. 3과 2, 4와 2의 비교만 필요하며 k=a-1=3이므로 $d_{k,df(MSE);\alpha}=d_{3,20;0.05}=2.54$ 를 표에서 얻을 수 있으며

$$\frac{|\overline{y}_{1.} - \overline{y}_{2}|}{\sqrt{MSE(\frac{1}{n_{1}} + \frac{1}{n_{2}})}} = \frac{13.0}{\sqrt{100.9(\frac{1}{6} + \frac{1}{6})}} = 2.241 < 2.54$$

$$\frac{|\overline{y}_{3.} - \overline{y}_{2}|}{\sqrt{MSE(\frac{1}{n_{1}} + \frac{1}{n_{2}})}} = \frac{9.0}{\sqrt{100.9(\frac{1}{6} + \frac{1}{6})}} = 1.551 < 2.54$$

$$|\overline{y}_{4.} - \overline{y}_{2}| = 23.0$$

$$\frac{|\overline{y}_4 - \overline{y}_2|}{\sqrt{MSE(\frac{1}{n_1} + \frac{1}{n_2})}} = \frac{23.0}{\sqrt{100.9(\frac{1}{6} + \frac{1}{6})}} = 3.966 > 2.54$$

으로 4번째 기름만 대조군(2번 기름)에 비해 유의미한 차이가 있다.

SAS를 사용한 Dunnette 검정 (m.comparisons2.sas, data step 생략)

proc glm data = fatdata;
 class oil;
 model transfat = oil;
 means oil/ dunnett('2');
run;

means 문에서 dunnett을 사용하여 결과를 얻을 수 있음.

- lsd나 bon과 달리 cldiff가 기본값이며 특성상 lines는 적용이 안됨. lines를 설정하면 출력이 안 나옴에 주의
- 기준범주를 괄호 안에 설정. 설정하지 않으면 첫 번째 범주(이 경우 1)이 대조군으로 간주하고 계산함.

Alpha	0.05
Error Degrees of Freedom	20
Error Mean Square	100,9
Critical Value of Dunnett's t	2,54035
Minimum Significant Difference	14,733

Compariso	ons significa	nt at the 0,05 level are	indicated by ***	
Oil Difference Between Comparison Means Simultaneous 95% Confidence Lim	Between			
3 - 2	-9,000	-23,733	5,733	
1 - 2	-13,000	-27,733	1,733	
4 - 2	-23,000	-37,733	-8,267	***