Desiree_transcriptomics

Desiree-transcriptomics												
-0.84			1.48	-0.65	-0.75	0.93	2.82	4.89	7.68	RD29		6
0.20	0.10	2.29	3.89	0.10	0.97	0.83	3.02	0.14	0.34	SnRK2		4
-1.14	-0.78	1.55	3.78	-0.04	0.96	0.64	2.15	-0.75	-0.33	MES		2
-0.74	-1.25	1.17	1.61	-1.09	-0.95	-0.04	1.63	1.88	-0.02	ACO2		0 –2
0.04	-1.06	-0.38	2.07	-2.84	-0.84	-0.20	1.48	0.39	-1.76	ERF1		<u>-</u> 4
-0.18	0.03	1.93	3.63	-0.18	0.72	0.51	3.08	0.09	0.72	HSP70		-6
0.02	-0.34	0.48	3.74	-0.41	0.81	0.54	2.14	0.67	0.97	13–LOX		
-0.73	-0.35	1.50	3.48	0.48	1.22	0.77	2.70	-0.94	2.34	P5CS		
0.20	-0.58	1.17	2.97	-0.38	-0.30	0.85	2.43	0.19	-0.01	CAT1		
-1.02	-1.11	1.03	0.10	-1.30	-0.18	0.39	-0.27	0.88	1.11	RbohA		
-0.52	-1.24	0.20	1.53	-0.65	-1.46	0.03	2.18	0.55	1.50	PR1b		
-0.57	-0.44	1.50	3.79	-0.14	0.88	0.19	2.17	-1.18	-0.91	со		
-0.52	-3.81	-3.08	0.84	-3.69	-3.01	-0.33	0.95	2.21	-3.83	SP6A		
0.16	-0.84	1.46	3.00	0.14	0.07	0.46	2.26	0.12	-0.10	SWEET		
H_01-C_01	H_07-C_07	H_08-C_08	H_14-C_14	HD_08-C_08	HD_14-C_14	D_08-C_08	D_14-C_14	W_01-C_01	W_07-C_07			