



wwPDB NMR Structure Validation Summary Report ⓘ

Feb 25, 2020 – 04:40 PM CST

PDB ID : 2K07
Title : Solution NMR structure of human E2-like ubiquitin-fold modifier conjugating enzyme 1 (UFC1). Northeast Structural Genomics Consortium target HR41
Authors : Liu, G.; Eletsy, A.; Atreya, H.S.; Aramini, J.M.; Xiao, R.; Acton, T.; Montelione, G.T.; Szyperski, T.; Northeast Structural Genomics Consortium (NESG)
Deposited on : 2008-01-25

This is a wwPDB NMR Structure Validation Summary Report for a publicly released PDB entry.

We welcome your comments at validation@mail.wwpdb.org

A user guide is available at

<https://www.wwpdb.org/validation/2017/NMRValidationReportHelp>

with specific help available everywhere you see the ⓘ symbol.

The following versions of software and data (see [references ⓘ](#)) were used in the production of this report:

Cyrange	:	Kirchner and Güntert (2011)
NmrClust	:	Kelley et al. (1996)
MolProbity	:	4.02b-467
Percentile statistics	:	20171227.v01 (using entries in the PDB archive December 27th 2017)
RCI	:	v_1n_11_5_13_A (Berjanski et al., 2005)
PANAV	:	Wang et al. (2010)
ShiftChecker	:	2.6.dev1
BMRB Restraints Analysis	:	v1.2
Ideal geometry (proteins)	:	Engh & Huber (2001)
Ideal geometry (DNA, RNA)	:	Parkinson et al. (1996)
Validation Pipeline (wwPDB-VP)	:	2.6.dev1

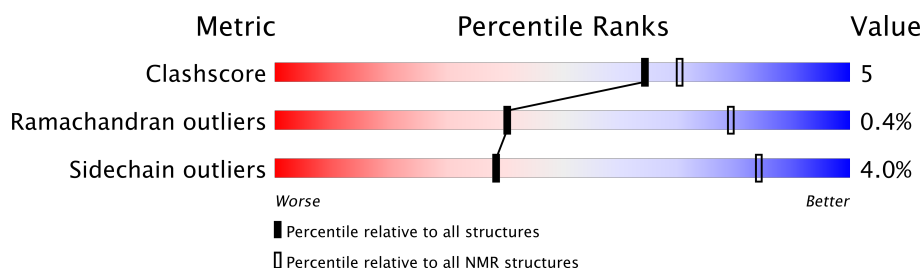
1 Overall quality at a glance

The following experimental techniques were used to determine the structure:

SOLUTION NMR

The overall completeness of chemical shifts assignment is 55%.

Percentile scores (ranging between 0-100) for global validation metrics of the entry are shown in the following graphic. The table shows the number of entries on which the scores are based.



Metric	Whole archive (#Entries)	NMR archive (#Entries)
Clashscore	136327	12091
Ramachandran outliers	132723	10835
Sidechain outliers	132532	10811

The table below summarises the geometric issues observed across the polymeric chains and their fit to the experimental data. The red, orange, yellow and green segments indicate the fraction of residues that contain outliers for ≥ 3 , 2, 1 and 0 types of geometric quality criteria. A cyan segment indicates the fraction of residues that are not part of the well-defined cores, and a grey segment represents the fraction of residues that are not modelled. The numeric value for each fraction is indicated below the corresponding segment, with a dot representing fractions $\leq 5\%$

Mol	Chain	Length	Quality of chain
1	A	175	

2 Ensemble composition and analysis

This entry contains 20 models. Model 15 is the overall representative, medoid model (most similar to other models). The authors have identified model 1 as representative, based on the following criterion: *lowest energy*.

The following residues are included in the computation of the global validation metrics.

Well-defined (core) protein residues			
Well-defined core	Residue range (total)	Backbone RMSD (Å)	Medoid model
1	A:5-A:106, A:113-A:159 (149)	0.65	15

Ill-defined regions of proteins are excluded from the global statistics.

Ligands and non-protein polymers are included in the analysis.

The models can be grouped into 4 clusters and 4 single-model clusters were found.

Cluster number	Models
1	4, 5, 7, 8, 15, 16, 19
2	11, 12, 14, 18
3	1, 6, 13
4	10, 17
Single-model clusters	2; 3; 9; 20

3 Entry composition

There is only 1 type of molecule in this entry. The entry contains 2888 atoms, of which 1437 are hydrogens and 0 are deuteriums.

- Molecule 1 is a protein called Ufm1-conjugating enzyme 1.

Mol	Chain	Residues	Atoms						Trace
1	A	175	Total	C	H	N	O	S	0
			2888	931	1437	258	256	6	

There are 8 discrepancies between the modelled and reference sequences:


Chain	Residue	Modelled	Actual	Comment	Reference
A	168	LEU	-	EXPRESSION TAG	UNP Q9Y3C8
A	169	GLU	-	EXPRESSION TAG	UNP Q9Y3C8
A	170	HIS	-	EXPRESSION TAG	UNP Q9Y3C8
A	171	HIS	-	EXPRESSION TAG	UNP Q9Y3C8
A	172	HIS	-	EXPRESSION TAG	UNP Q9Y3C8
A	173	HIS	-	EXPRESSION TAG	UNP Q9Y3C8
A	174	HIS	-	EXPRESSION TAG	UNP Q9Y3C8
A	175	HIS	-	EXPRESSION TAG	UNP Q9Y3C8

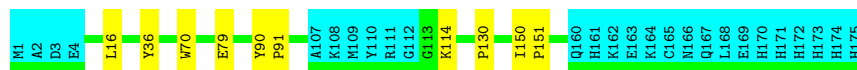
4 Residue-property plots [i](#)

4.1 Average score per residue in the NMR ensemble

These plots are provided for all protein, RNA and DNA chains in the entry. The first graphic is the same as shown in the summary in section 1 of this report. The second graphic shows the sequence where residues are colour-coded according to the number of geometric quality criteria for which they contain at least one outlier: green = 0, yellow = 1, orange = 2 and red = 3 or more. Stretches of 2 or more consecutive residues without any outliers are shown as green connectors. Residues which are classified as ill-defined in the NMR ensemble, are shown in cyan with an underline colour-coded according to the previous scheme. Residues which were present in the experimental sample, but not modelled in the final structure are shown in grey.

- Molecule 1: Ufm1-conjugating enzyme 1


Chain A: 

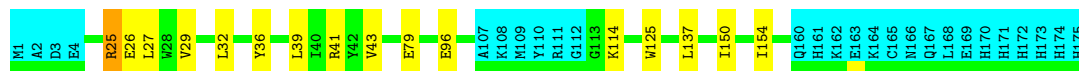


4.2 Residue scores for the representative (medoid) model from the NMR ensemble

The representative model is number 15. Colouring as in section 4.1 above.

- Molecule 1: Ufm1-conjugating enzyme 1

Chain A: 



5 Refinement protocol and experimental data overview

The models were refined using the following method: *molecular dynamics, simulated annealing, distance geometry, torsion angle dynamics*.

Of the 100 calculated structures, 20 were deposited, based on the following criterion: *target function*.

The following table shows the software used for structure solution, optimisation and refinement.

Software name	Classification	Version
CNS	refinement	1.1
CYANA	refinement	2.1
CYANA	structure solution	2.1

The following table shows chemical shift validation statistics as aggregates over all chemical shift files. Detailed validation can be found in section 7 of this report.

Chemical shift file(s)	2ko7_nmr.cif
Number of chemical shift lists	1
Total number of shifts	1969
Number of shifts mapped to atoms	1180
Number of unparsed shifts	260
Number of shifts with mapping errors	0
Number of shifts with mapping warnings	529
Assignment completeness (well-defined parts)	55%

No validations of the models with respect to experimental NMR restraints is performed at this time.

6 Model quality [i](#)

6.1 Standard geometry [i](#)

There are no covalent bond-length or bond-angle outliers.

There are no bond-length outliers.

There are no bond-angle outliers.

There are no chirality outliers.

There are no planarity outliers.

6.2 Too-close contacts [i](#)

In the following table, the Non-H and H(model) columns list the number of non-hydrogen atoms and hydrogen atoms in each chain respectively. The H(added) column lists the number of hydrogen atoms added and optimized by MolProbity. The Clashes column lists the number of clashes averaged over the ensemble.

Mol	Chain	Non-H	H(model)	H(added)	Clashes
1	A	1225	1227	1224	11±4
All	All	24500	24540	24480	226

The all-atom clashscore is defined as the number of clashes found per 1000 atoms (including hydrogen atoms). The all-atom clashscore for this structure is 5.

5 of 133 unique clashes are listed below, sorted by their clash magnitude.

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:96:GLU:HB2	1:A:114:LYS:HD3	0.81	1.51	15	2
1:A:65:TRP:HB2	1:A:84:PHE:HB2	0.80	1.53	3	2
1:A:16:LEU:HD21	1:A:35:GLU:HB3	0.78	1.54	14	5
1:A:102:LEU:HA	1:A:105:LYS:HD3	0.66	1.67	4	1
1:A:16:LEU:O	1:A:131:LYS:HA	0.64	1.92	5	2

6.3 Torsion angles [i](#)

6.3.1 Protein backbone [i](#)

In the following table, the Percentiles column shows the percent Ramachandran outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR entries. The Analysed column shows the number of residues for which the backbone conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Favoured	Allowed	Outliers	Percentiles
1	A	149/175 (85%)	142±2 (95±1%)	6±2 (4±1%)	1±1 (0±1%)	40 79
All	All	2980/3500 (85%)	2841 (95%)	127 (4%)	12 (0%)	40 79

All 5 unique Ramachandran outliers are listed below. They are sorted by the frequency of occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	130	PRO	5
1	A	74	ASP	4
1	A	103	ASP	1
1	A	19	ASN	1
1	A	97	ILE	1

6.3.2 Protein sidechains ⓘ

In the following table, the Percentiles column shows the percent sidechain outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR entries. The Analysed column shows the number of residues for which the sidechain conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Rotameric	Outliers	Percentiles
1	A	131/154 (85%)	126±2 (96±2%)	5±2 (4±2%)	38 84
All	All	2620/3080 (85%)	2515 (96%)	105 (4%)	38 84

5 of 43 unique residues with a non-rotameric sidechain are listed below. They are sorted by the frequency of occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	36	TYR	8
1	A	79	GLU	7
1	A	41	ARG	6
1	A	32	LEU	6
1	A	53	TRP	5

6.3.3 RNA ⓘ

There are no RNA molecules in this entry.

6.4 Non-standard residues in protein, DNA, RNA chains [i](#)

There are no non-standard protein/DNA/RNA residues in this entry.

6.5 Carbohydrates [i](#)

There are no carbohydrates in this entry.

6.6 Ligand geometry [i](#)

There are no ligands in this entry.

6.7 Other polymers [i](#)

There are no such molecules in this entry.

6.8 Polymer linkage issues [i](#)

There are no chain breaks in this entry.

7 Chemical shift validation

The completeness of assignment taking into account all chemical shift lists is 55% for the well-defined parts and 51% for the entire structure.

7.1 Chemical shift list 1

File name: 2ko7_nmr.cif

Chemical shift list name: *nef_chemical_shift_list_tbl*

7.1.1 Bookkeeping

The following table shows the results of parsing the chemical shift list and reports the number of nuclei with statistically unusual chemical shifts.

Total number of shifts	1969
Number of shifts mapped to atoms	1180
Number of unparsed shifts	260
Number of shifts with mapping errors	0
Number of shifts with mapping warnings	529
Number of shift outliers (ShiftChecker)	1

The following errors were found when reading this chemical shift list.

- Chemical shift has been reported more than once. First 5 (of 260) occurrences are reported below.

Shift ID	Chain	Res	Type	Atom	Shift Data		
					Value	Uncertainty	Ambiguity
3	A	3	ASP	HB%	2.760	0.020	1
9	A	4	GLU	HB%	2.030	0.020	1
11	A	4	GLU	HG%	2.320	0.020	1
19	A	5	ALA	HB%	1.470	0.020	1
20	A	5	ALA	HB%	1.470	0.020	1

The following assigned chemical shifts were not mapped to the molecules present in the coordinate file.

- No matching atoms found in structure. First 5 (of 529) occurrences are reported below.

Chain	Res	Type	Atom	Shift Data		
				Value	Uncertainty	Ambiguity
A	161	HIS	HBy	2.88	0.02	2
A	167	GLN	HE2x	7.5	0.02	2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Chain	Res	Type	Atom	Shift Data		
				Value	Uncertainty	Ambiguity
A	111	ARG	HGx	1.58	0.02	2
A	121	PHE	HBx	3.1	0.02	2
A	122	LYS	HE%	2.99	0.02	1

7.1.2 Chemical shift referencing [i](#)

The following table shows the suggested chemical shift referencing corrections.

Nucleus	# values	Correction \pm precision, ppm	Suggested action
$^{13}\text{C}_\alpha$	164	-0.09 ± 0.14	None needed (< 0.5 ppm)
$^{13}\text{C}_\beta$	154	0.25 ± 0.18	None needed (< 0.5 ppm)
$^{13}\text{C}'$	0	—	None (insufficient data)
^{15}N	152	0.66 ± 0.27	Should be applied

7.1.3 Completeness of resonance assignments [i](#)

The following table shows the completeness of the chemical shift assignments for the well-defined regions of the structure. The overall completeness is 55%, i.e. 1073 atoms were assigned a chemical shift out of a possible 1939. 23 out of 25 assigned methyl groups (LEU and VAL) were assigned stereospecifically.

	Total	^1H	^{13}C	^{15}N
Backbone	567/725 (78%)	279/288 (97%)	149/298 (50%)	139/139 (100%)
Sidechain	376/1024 (37%)	45/601 (7%)	321/375 (86%)	10/48 (21%)
Aromatic	130/190 (68%)	65/98 (66%)	59/80 (74%)	6/12 (50%)
Overall	1073/1939 (55%)	389/987 (39%)	529/753 (70%)	155/199 (78%)

7.1.4 Statistically unusual chemical shifts [i](#)

The following table lists the statistically unusual chemical shifts. These are statistical measures, and large deviations from the mean do not necessarily imply incorrect assignments. Molecules containing paramagnetic centres or hemes are expected to give rise to anomalous chemical shifts.

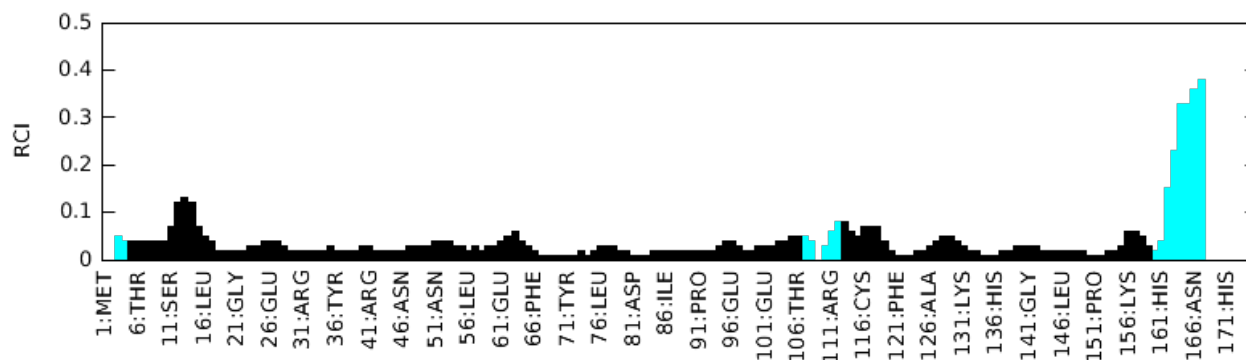
Mol	Chain	Res	Type	Atom	Shift, ppm	Expected range, ppm	Z-score
1	A	22	PRO	HA	2.52	6.05 – 2.75	-5.7

7.1.5 Random Coil Index (RCI) plots [i](#)

The image below reports *random coil index* values for the protein chains in the structure. The height of each bar gives a probability of a given residue to be disordered, as predicted from

the available chemical shifts and the amino acid sequence. A value above 0.2 is an indication of significant predicted disorder. The colour of the bar shows whether the residue is in the well-defined core (black) or in the ill-defined residue ranges (cyan), as described in section 2 on ensemble composition.

Random coil index (RCI) for chain A:



8 Distance restraints analysis

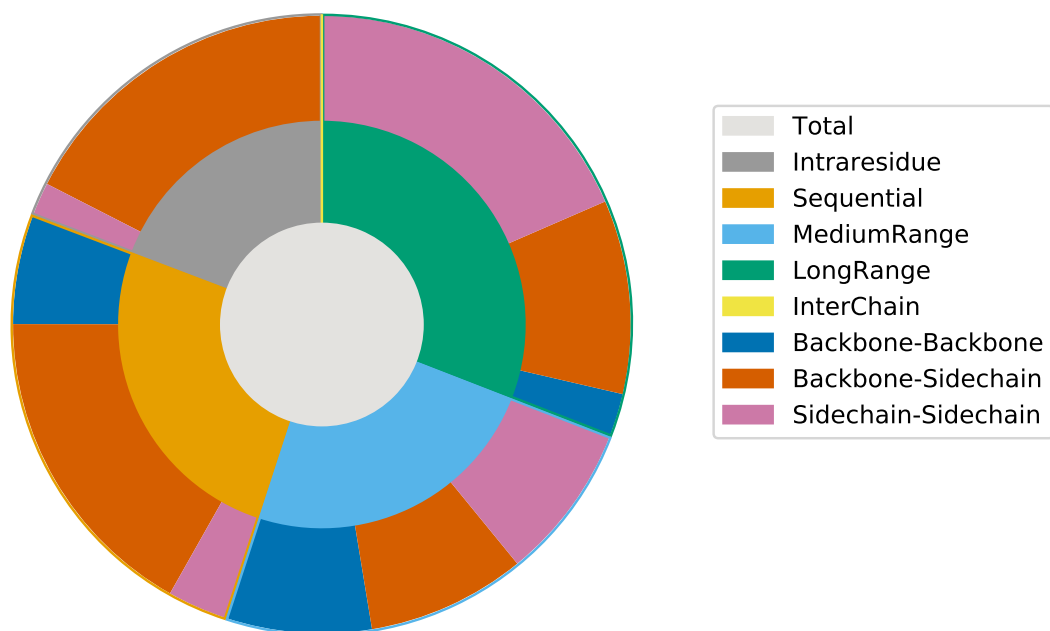
8.1 Distance restraints summary

Restraints are counted in different categories based on the atoms involved in each restraint.

Restraints type	B-B ¹ (H ⁴)	B-S ² (H ⁴)	S-S ³ (H ⁴)	Total		
				Total(H ⁴)	RR ⁵	% ⁶
Intraresidue ($ i-j =0$)	3(0)	626(0)	63(0)	692(0)	4.1	19.2
Sequential ($ i-j =1$)	207(0)	606(0)	114(0)	927(0)	5.6	25.8
Medium range ($ i-j >1$ and $ i-j <5$)	274(60)	299(0)	295(0)	868(60)	5.2	24.1
Long range ($ i-j \geq 5$)	82(16)	365(0)	665(0)	1112(16)	6.7	30.9
Inter chain	0(0)	0(0)	0(0)	0(0)	0.0	0.0
Total	566(76)	1896(0)	1137(0)	3599(76)	21.6	100.0

¹number of backbone to backbone restraints, ²number of backbone to sidechain restraints, ³number of sidechain to sidechain restraints, ⁴number of hydrogen bonds in that category, ⁵number of restraints per residue, ⁶percentage of restraints in that category. There are 0 unmapped restraints

8.1.1 Pie chart : Distance restraints summary



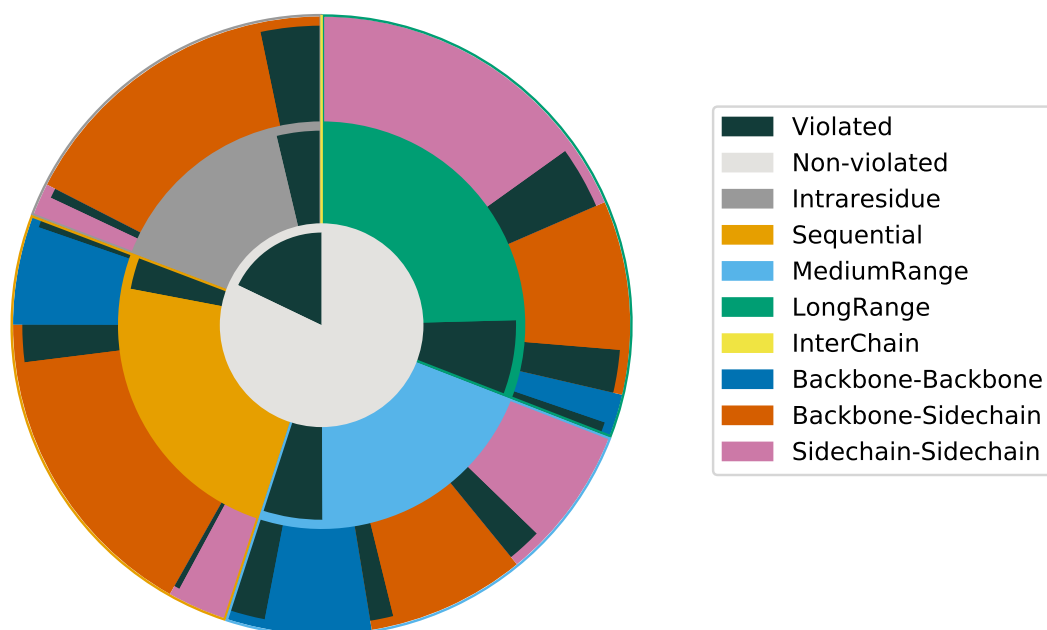
8.2 Distance violations summary

The following table provides the summary of violated restraints. Restraints that are violated at least in one model are counted as violated.

Restrains type	B-B ¹ (% ⁴)	B-S ² (% ⁴)	S-S ³ (% ⁴)	Total		
				Total(% ⁴)	RR ⁵	% ⁶
Intraresidue ($ i-j =0$)	0(0.0)	115(18.4)	19(30.2)	134(19.4)	0.8	20.8
Sequential ($ i-j =1$)	17(8.2)	72(11.9)	11(9.6)	100(10.8)	0.6	15.5
Medium range ($ i-j >1$ and $ i-j <5$)	71(25.9)	45(15.1)	67(22.7)	183(21.1)	1.1	28.4
Long range ($ i-j \geq 5$)	23(28.0)	83(22.7)	121(18.2)	227(20.4)	1.4	35.2
Inter chain	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0.0	0.0
Total	111(19.6)	315(16.6)	218(19.2)	644(17.9)	3.9	100.0

¹number of backbone to backbone restraints, ²number of backbone to sidechain restraints, ³number of sidechain to sidechain restraints, ⁴percentage of violations with respect to total restrains in that category, ⁵number of restraints per residue, ⁶percentage of violation with respect to total violations.

8.2.1 Pie-chart : Distance violations summary



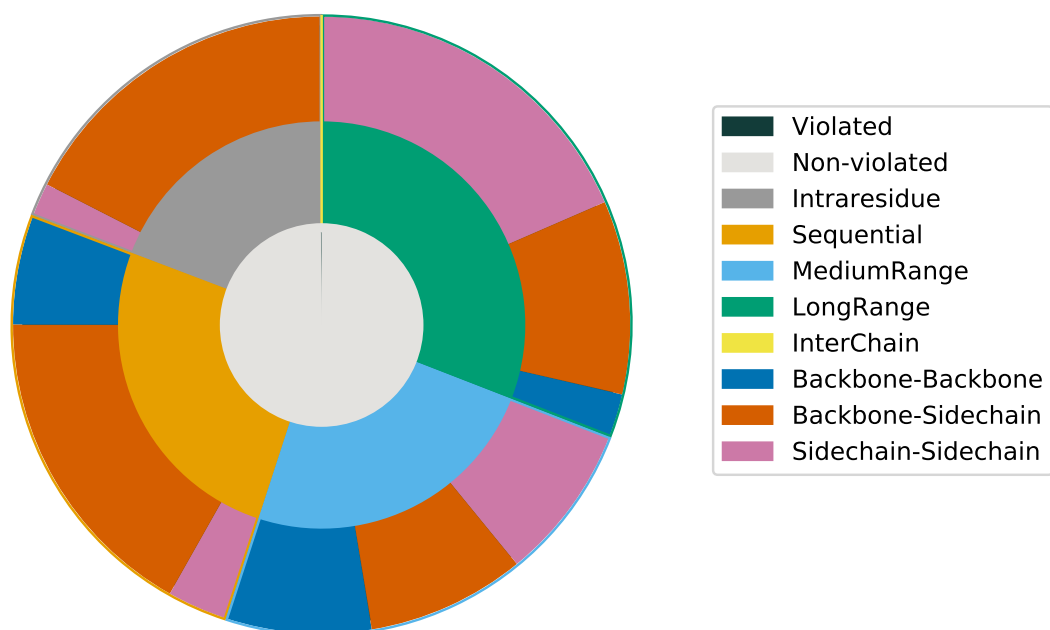
8.3 Consistent distance violations summary

The following table provides the summary of consistently violated restraints. Restraints that are violated all models are counted as violated.

Restrains type	B-B ¹ (% ⁴)	B-S ² (% ⁴)	S-S ³ (% ⁴)	Total		
				Total(% ⁴)	RR ⁵	% ⁶
Intraresidue ($ i-j =0$)	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	1(0.1)	0.0	20.0
Sequential ($ i-j =1$)	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	1(0.1)	0.0	20.0
Medium range ($ i-j >1$ and $ i-j <5$)	1(0.4)	1(0.3)	0(0.0)	2(0.2)	0.0	40.0
Long range ($ i-j \geq 5$)	0(0.0)	1(0.3)	0(0.0)	1(0.1)	0.0	20.0
Inter chain	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0.0	0.0
Total	1(0.2)	4(0.2)	0(0.0)	5(0.1)	0.0	100.0

¹number of backbone to backbone restraints, ²number of backbone to sidechain restraints, ³number of sidechain to sidechain restraints, ⁴percentage of violations with respect to total restrains in that category, ⁵number of restraints per residue, ⁶percentage of violation with respect to total violations

8.3.1 Pie-chart : Consistent distance violations



8.4 Residual distance violations

Violations are counted in different bin sizes and listed below

Range (Å)	No. of violated restraints per model	Max violation (Å)
0-0.2	80.9	0.2
0.2-0.5	13.1	0.5
0.5-1.0	8.9	1.0
1.0-2.0	4.6	2.0
2.0-5.0	1.8	3.92
5.0<	None	None

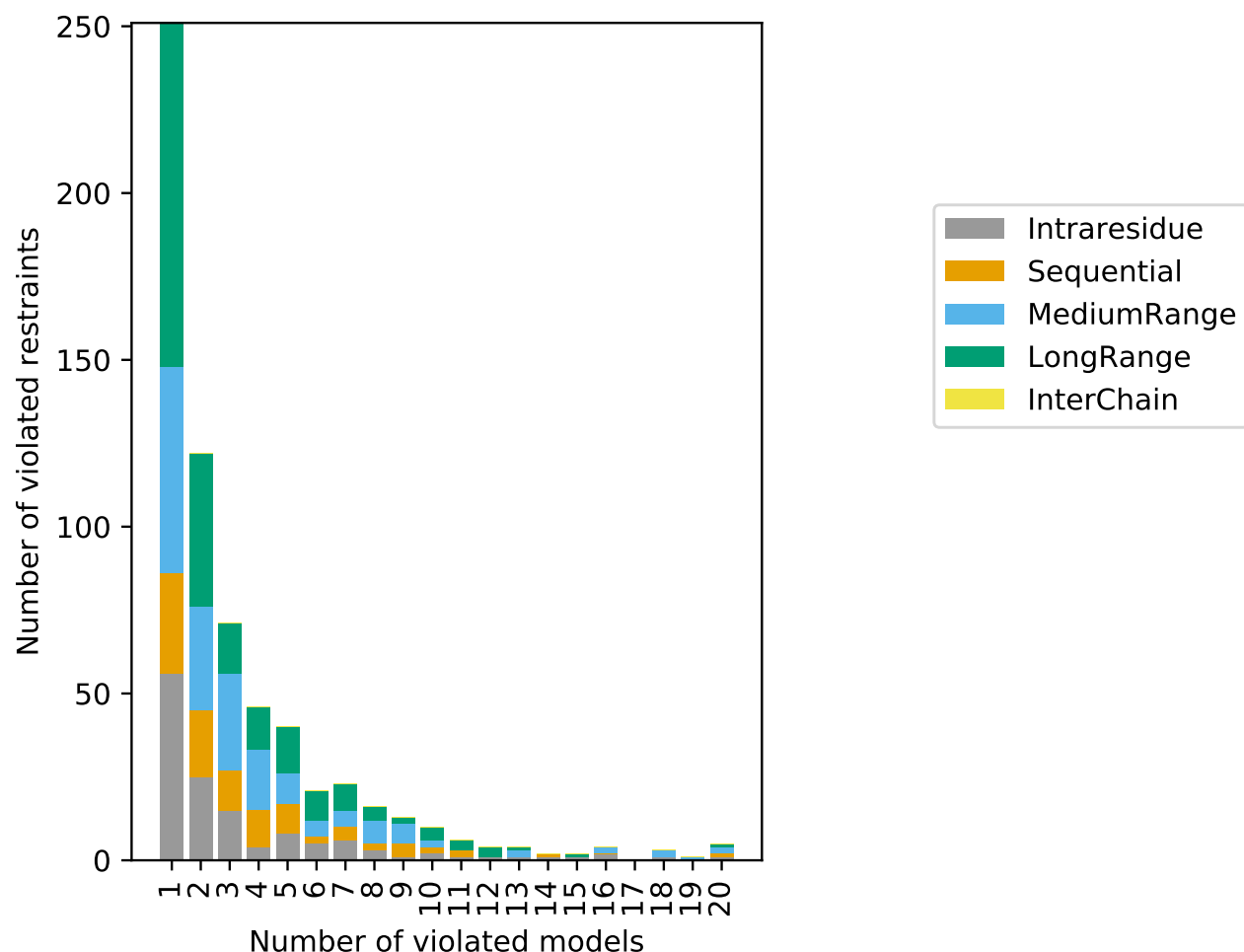
8.5 Distance violations in ensemble

The restraints are grouped based on the number of violated models and listed here.

No. of violated restraints						No. of violated models
IR ¹	SQ ²	MR ³	LR ⁴	IC ⁵	Total	
56	30	62	103	0	251	1
25	20	31	46	0	122	2
15	12	29	15	0	71	3
4	11	18	13	0	46	4
8	9	9	14	0	40	5
5	2	5	9	0	21	6
6	4	5	8	0	23	7
3	2	7	4	0	16	8
1	4	6	2	0	13	9
2	2	2	4	0	10	10
1	2	0	3	0	6	11
1	0	0	3	0	4	12
1	0	2	1	0	4	13
1	1	0	0	0	2	14
1	0	0	1	0	2	15
2	0	2	0	0	4	16
0	0	0	0	0	0	17
1	0	2	0	0	3	18
0	0	1	0	0	1	19
1	1	2	1	0	5	20

¹intraresidue restraints, ²sequential restraints, ³medium range restraints, ⁴long range restraints, ⁵inter chain restraints

8.5.1 Bar graph : No. of models vs No. of violations



558 intraresidue restraints, 827 sequential restraints, 685 medium range restraints, 885 long range restraints and 0 inter chain restraints are not violated. There are totally 2955 restrains not violated in any of the models

8.6 Violations in each model

The following table lists the violation count in each model in the ensemble

Model ID	No. of violations					Total	Mean (Å)	Max (Å)
	IR ¹	SQ ²	MR ³	LR ⁴	IC ⁵			
1	26	15	32	28	0	101	0.29	3.19
2	21	16	33	32	0	102	0.35	3.63
3	27	16	26	35	0	104	0.18	1.6
4	26	22	30	40	0	118	0.25	2.76
5	23	15	34	40	0	112	0.17	1.61

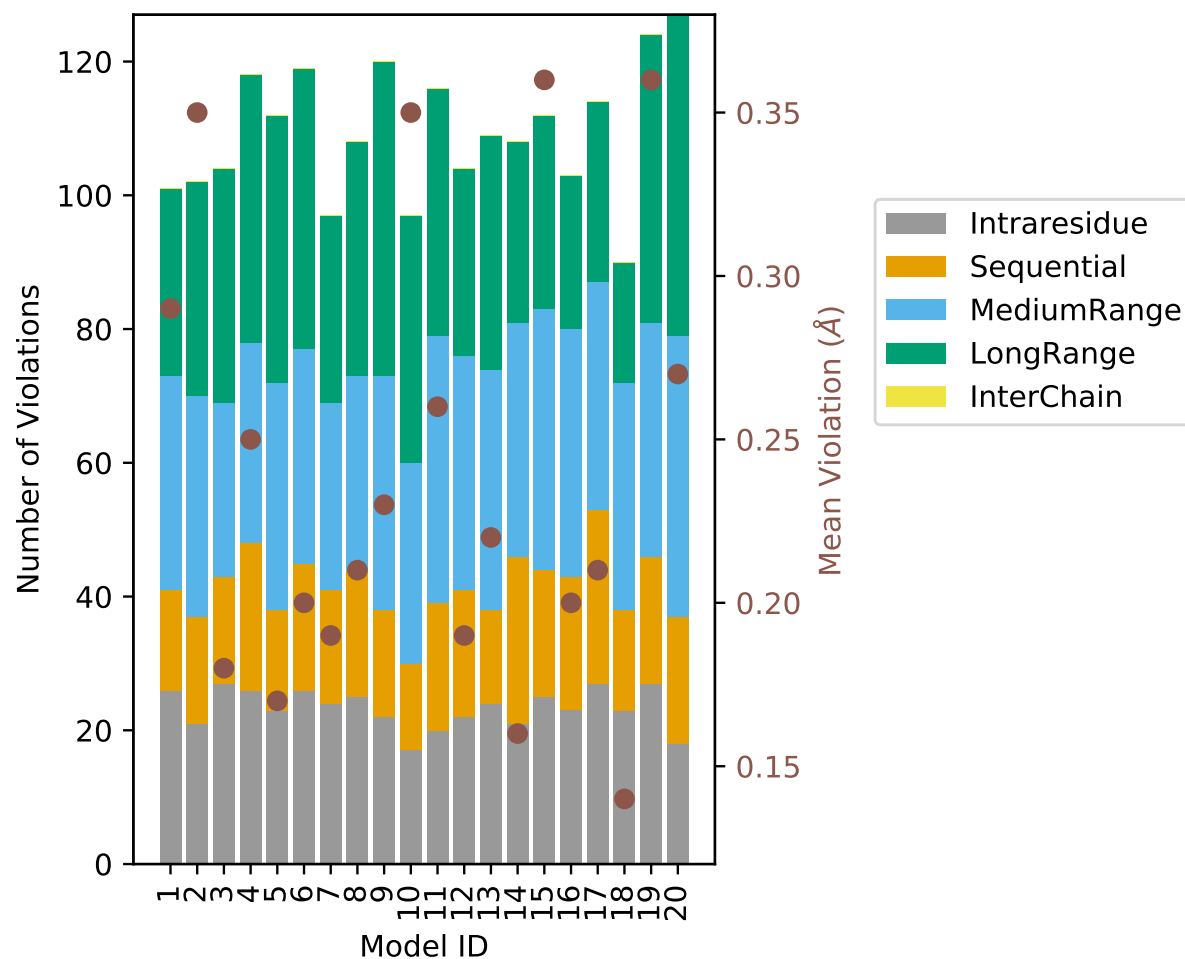
Continued on next page...

Continued from previous page...

Model ID	No. of violations						Mean (Å)	Max (Å)
	IR ¹	SQ ²	MR ³	LR ⁴	IC ⁵	Total		
6	26	19	32	42	0	119	0.2	1.6
7	24	17	28	28	0	97	0.19	2.52
8	25	19	29	35	0	108	0.21	2.6
9	22	16	35	47	0	120	0.23	2.34
10	17	13	30	37	0	97	0.35	3.15
11	20	19	40	37	0	116	0.26	2.91
12	22	19	35	28	0	104	0.19	2.0
13	24	14	36	35	0	109	0.22	2.12
14	21	25	35	27	0	108	0.16	1.3
15	25	19	39	29	0	112	0.36	3.71
16	23	20	37	23	0	103	0.2	1.51
17	27	26	34	27	0	114	0.21	2.58
18	23	15	34	18	0	90	0.14	1.28
19	27	19	35	43	0	124	0.36	3.92
20	18	19	42	48	0	127	0.27	2.72

¹intraresidue restraints, ²iequential restraints, ³iedium range restraints, ⁴long range restraints,
⁵inter chain restraints

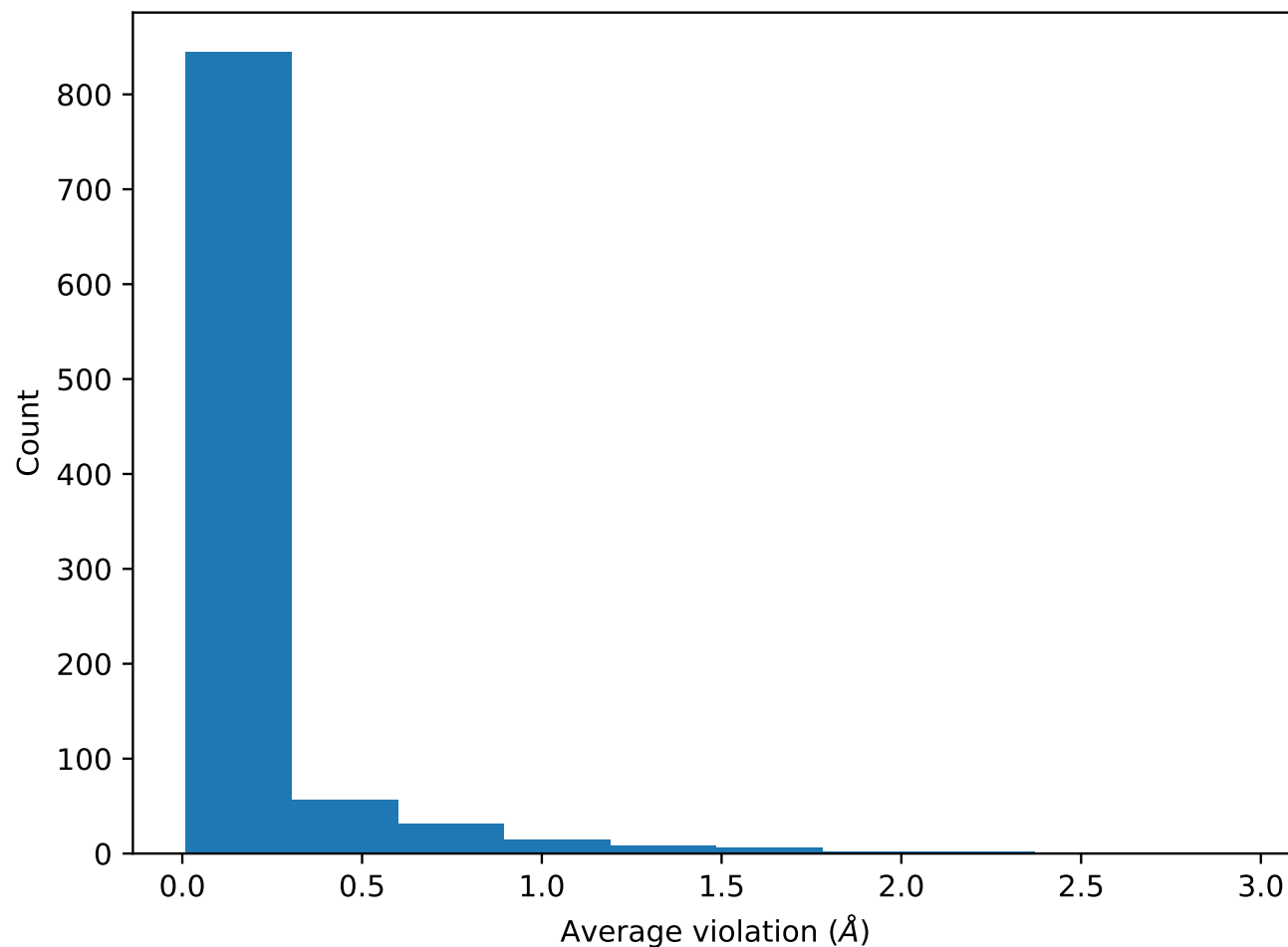
8.6.1 Bar graph : Violations in each model



8.7 Most violated distance restraints

8.7.1 Histogram : Distribution of mean distance violation

The following histogram shows the distribution of average violation of each restraint.



8.7.2 Table: Most violated distance restraints

The following table lists the average violation of each restraint sorted by number of violated models

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,970)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:62:GLY:HA2	20	0.82	1.26
(1,638)	1:A:58:SER:H	1:A:62:GLY:HA3	20	0.98	1.6
(1,3168)	1:A:40:ILE:H	1:A:40:ILE:HG12	20	0.06	0.15
(1,3119)	1:A:28:TRP:HB2	1:A:29:VAL:H	20	0.16	0.25
(1,3079)	1:A:21:GLY:HA2	1:A:23:ARG:HB2	20	0.43	0.76
(1,3621)	1:A:135:ALA:O	1:A:139:ALA:H	19	0.05	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,3617)	1:A:120:HIS:O	1:A:124:LEU:H	18	0.06	0.11
(1,3199)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	18	0.28	0.36
(1,2022)	1:A:32:LEU:HB3	1:A:36:TYR:HE1	18	1.47	3.4
(1,474)	1:A:136:HIS:H	1:A:136:HIS:HB3	16	0.01	0.02
(1,3132)	1:A:30:GLN:HE22	1:A:34:GLU:HG2	16	0.87	1.27
(1,2021)	1:A:32:LEU:HB2	1:A:36:TYR:HE1	16	1.51	2.97
(1,197)	1:A:45:ASN:H	1:A:45:ASN:HB3	16	0.03	0.06
(1,3485)	1:A:127:ARG:H	1:A:127:ARG:HG2	15	0.1	0.19
(1,2091)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:H	15	0.98	3.92
(1,828)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	14	0.04	0.06
(1,155)	1:A:37:GLN:HB3	1:A:38:SER:H	14	0.04	0.09
(1,640)	1:A:59:ASN:H	1:A:62:GLY:HA3	13	0.19	0.47
(1,457)	1:A:131:LYS:H	1:A:131:LYS:HB3	13	0.02	0.03
(1,3319)	1:A:72:ILE:HG12	1:A:77:LYS:HE2	13	0.7	1.13
(1,3131)	1:A:30:GLN:HE21	1:A:34:GLU:HG2	13	0.37	0.74
(1,60)	1:A:23:ARG:H	1:A:23:ARG:HB3	12	0.02	0.05
(1,3399)	1:A:96:GLU:HB2	1:A:114:LYS:HB2	12	0.66	1.83
(1,3316)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG2	12	1.68	3.63
(1,1925)	1:A:42:TYR:HE1	1:A:135:ALA:HA	12	0.64	1.23
(1,3476)	1:A:122:LYS:HB3	1:A:123:PRO:HD2	11	0.21	0.48
(1,3315)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HB2	11	1.96	2.99
(1,3308)	1:A:70:TRP:HB2	1:A:71:TYR:H	11	0.1	0.2
(1,2031)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG2	11	1.62	3.44
(1,1924)	1:A:42:TYR:HD1	1:A:135:ALA:HA	11	0.43	0.84
(1,1582)	1:A:30:GLN:HB2	1:A:30:GLN:HE21	11	0.08	0.14
(1,1582)	1:A:30:GLN:HB3	1:A:30:GLN:HE21	11	0.08	0.14
(1,3625)	1:A:141:GLY:O	1:A:145:TRP:H	10	0.03	0.06
(1,3304)	1:A:69:CYS:HB2	1:A:70:TRP:H	10	0.18	0.3
(1,3252)	1:A:58:SER:HB2	1:A:59:ASN:H	10	0.27	0.39
(1,3183)	1:A:44:GLU:H	1:A:44:GLU:HG2	10	0.26	0.37
(1,3176)	1:A:41:ARG:HG2	1:A:45:ASN:HD22	10	0.81	1.42
(1,1991)	1:A:84:PHE:HB3	1:A:97:ILE:HA	10	0.03	0.06
(1,1949)	1:A:125:TRP:HH2	1:A:137:LEU:HA	10	0.03	0.07
(1,1779)	1:A:22:PRO:HA	1:A:28:TRP:HD1	10	0.03	0.08
(1,1317)	1:A:12:GLU:H	1:A:12:GLU:HB3	10	0.02	0.04
(1,1042)	1:A:72:ILE:HG13	1:A:78:TYR:H	10	0.05	0.09
(1,3629)	1:A:146:LEU:O	1:A:150:ILE:H	9	0.03	0.06
(1,3585)	1:A:36:TYR:O	1:A:40:ILE:H	9	0.03	0.05
(1,3583)	1:A:35:GLU:O	1:A:39:LEU:H	9	0.03	0.05
(1,3581)	1:A:34:GLU:O	1:A:38:SER:H	9	0.02	0.03
(1,3540)	1:A:160:GLN:HB2	1:A:161:HIS:H	9	0.11	0.24
(1,3524)	1:A:156:LYS:H	1:A:156:LYS:HG2	9	0.12	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,344)	1:A:83:GLU:HB3	1:A:84:PHE:H	9	0.03	0.07
(1,3088)	1:A:22:PRO:HB2	1:A:28:TRP:HZ2	9	0.23	0.34
(1,3078)	1:A:21:GLY:H	1:A:24:ASP:HB2	9	0.33	0.48
(1,2030)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:73:HIS:HB3	9	1.09	2.03
(1,195)	1:A:44:GLU:HB2	1:A:45:ASN:H	9	0.13	0.18
(1,1382)	1:A:57:GLU:HB2	1:A:58:SER:H	9	0.03	0.09
(1,1076)	1:A:42:TYR:HE1	1:A:139:ALA:H	9	0.65	1.54
(1,780)	1:A:32:LEU:H	1:A:32:LEU:HG	8	0.03	0.06
(1,3568)	1:A:24:ASP:O	1:A:28:TRP:N	8	0.03	0.06
(1,3267)	1:A:60:LYS:HB2	1:A:61:GLU:H	8	0.36	0.48
(1,3254)	1:A:58:SER:HB2	1:A:62:GLY:HA3	8	0.63	0.86
(1,3190)	1:A:47:LYS:H	1:A:52:ASP:HB2	8	0.41	0.98
(1,3074)	1:A:20:ALA:H	1:A:91:PRO:HD2	8	0.41	0.51
(1,1936)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG3	8	0.81	1.97
(1,1935)	1:A:150:ILE:HB	1:A:151:PRO:HD2	8	0.03	0.07
(1,1935)	1:A:150:ILE:HB	1:A:151:PRO:HD3	8	0.03	0.07
(1,1828)	1:A:54:PHE:HE1	1:A:56:LEU:HG	8	1.03	2.6
(1,1550)	1:A:12:GLU:H	1:A:12:GLU:HG2	8	0.03	0.07
(1,1470)	1:A:58:SER:HB3	1:A:62:GLY:HA3	8	0.62	0.74
(1,1414)	1:A:121:PHE:HA	1:A:124:LEU:H	8	0.03	0.05
(1,1369)	1:A:44:GLU:H	1:A:44:GLU:HB3	8	0.04	0.05
(1,1360)	1:A:41:ARG:HA	1:A:44:GLU:H	8	0.04	0.08
(1,1072)	1:A:133:GLY:H	1:A:136:HIS:HE1	8	0.03	0.06
(1,1054)	1:A:94:ALA:H	1:A:125:TRP:HZ2	8	0.02	0.04
(1,815)	1:A:45:ASN:HB2	1:A:45:ASN:HD22	7	0.03	0.06
(1,767)	1:A:25:ARG:H	1:A:25:ARG:HG2	7	0.02	0.06
(1,663)	1:A:83:GLU:H	1:A:98:ALA:H	7	0.04	0.15
(1,627)	1:A:46:ASN:HA	1:A:49:ALA:H	7	0.03	0.06
(1,610)	1:A:23:ARG:H	1:A:88:ILE:HA	7	0.05	0.07
(1,579)	1:A:164:LYS:HB3	1:A:165:CYS:H	7	0.03	0.06
(1,554)	1:A:156:LYS:H	1:A:156:LYS:HB3	7	0.02	0.02
(1,3611)	1:A:69:CYS:O	1:A:80:PHE:H	7	0.03	0.06
(1,3607)	1:A:53:TRP:O	1:A:70:TRP:H	7	0.04	0.09
(1,3565)	1:A:7:ARG:O	1:A:11:SER:H	7	0.02	0.04
(1,3545)	1:A:163:GLU:HB2	1:A:164:LYS:H	7	0.12	0.27
(1,3065)	1:A:19:ASN:HB3	1:A:91:PRO:HB2	7	0.29	0.98
(1,2763)	1:A:76:LEU:HD21	1:A:163:GLU:HA	7	0.04	0.07
(1,2763)	1:A:76:LEU:HD22	1:A:163:GLU:HA	7	0.04	0.07
(1,2763)	1:A:76:LEU:HD23	1:A:163:GLU:HA	7	0.04	0.07
(1,2683)	1:A:80:PHE:HE1	1:A:146:LEU:HD21	7	0.36	0.65
(1,2683)	1:A:80:PHE:HE1	1:A:146:LEU:HD22	7	0.36	0.65
(1,2683)	1:A:80:PHE:HE1	1:A:146:LEU:HD23	7	0.36	0.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,262)	1:A:61:GLU:H	1:A:61:GLU:HB3	7	0.02	0.04
(1,2600)	1:A:129:VAL:HG11	1:A:130:PRO:HA	7	0.03	0.06
(1,2600)	1:A:129:VAL:HG12	1:A:130:PRO:HA	7	0.03	0.06
(1,2600)	1:A:129:VAL:HG13	1:A:130:PRO:HA	7	0.03	0.06
(1,260)	1:A:60:LYS:HB3	1:A:61:GLU:H	7	0.07	0.13
(1,1864)	1:A:76:LEU:HG	1:A:78:TYR:HE1	7	0.54	1.14
(1,1600)	1:A:37:GLN:HA	1:A:37:GLN:HG3	7	0.02	0.05
(1,1469)	1:A:58:SER:HB2	1:A:62:GLY:HA3	7	0.56	0.71
(1,1343)	1:A:34:GLU:HA	1:A:37:GLN:HB3	7	0.04	0.07
(1,126)	1:A:34:GLU:H	1:A:34:GLU:HB3	7	0.02	0.02
(1,1075)	1:A:53:TRP:HZ2	1:A:139:ALA:H	7	0.06	0.08
(1,846)	1:A:61:GLU:H	1:A:61:GLU:HG3	6	0.03	0.08
(1,759)	1:A:19:ASN:HB3	1:A:19:ASN:HD22	6	0.04	0.06
(1,697)	1:A:133:GLY:HA2	1:A:136:HIS:H	6	0.11	0.22
(1,652)	1:A:56:LEU:HA	1:A:66:PHE:H	6	0.05	0.11
(1,559)	1:A:158:VAL:HB	1:A:159:ILE:H	6	0.04	0.09
(1,3589)	1:A:39:LEU:O	1:A:43:VAL:H	6	0.04	0.06
(1,3497)	1:A:135:ALA:HA	1:A:138:MET:HB2	6	0.2	0.29
(1,3474)	1:A:122:LYS:HA	1:A:122:LYS:HD2	6	0.07	0.14
(1,3398)	1:A:96:GLU:H	1:A:96:GLU:HG2	6	0.13	0.39
(1,3184)	1:A:44:GLU:HA	1:A:44:GLU:HG2	6	0.26	0.31
(1,3073)	1:A:20:ALA:H	1:A:91:PRO:HG2	6	0.5	0.96
(1,2977)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:HG21	6	0.57	1.85
(1,2977)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:HG22	6	0.57	1.85
(1,2977)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:HG23	6	0.57	1.85
(1,2725)	1:A:71:TYR:HD1	1:A:154:ILE:HD11	6	0.41	0.82
(1,2725)	1:A:71:TYR:HD1	1:A:154:ILE:HD12	6	0.41	0.82
(1,2725)	1:A:71:TYR:HD1	1:A:154:ILE:HD13	6	0.41	0.82
(1,2358)	1:A:39:LEU:HD21	1:A:65:TRP:HZ3	6	0.02	0.04
(1,2358)	1:A:39:LEU:HD22	1:A:65:TRP:HZ3	6	0.02	0.04
(1,2358)	1:A:39:LEU:HD23	1:A:65:TRP:HZ3	6	0.02	0.04
(1,2044)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:116:CYS:HA	6	1.43	2.52
(1,1934)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:147:ALA:HA	6	1.31	2.67
(1,190)	1:A:41:ARG:HA	1:A:45:ASN:H	6	0.05	0.11
(1,1796)	1:A:32:LEU:HG	1:A:36:TYR:HE1	6	0.56	1.15
(1,1328)	1:A:25:ARG:HB3	1:A:26:GLU:H	6	0.05	0.1
(1,1084)	1:A:53:TRP:HE1	1:A:71:TYR:HE1	6	0.35	0.75
(1,1003)	1:A:56:LEU:H	1:A:65:TRP:HZ3	6	0.02	0.03
(1,967)	1:A:20:ALA:H	1:A:91:PRO:HD2	5	0.04	0.08
(1,891)	1:A:105:LYS:H	1:A:105:LYS:HG3	5	0.09	0.15
(1,890)	1:A:105:LYS:H	1:A:105:LYS:HG2	5	0.09	0.19
(1,771)	1:A:25:ARG:HG3	1:A:26:GLU:H	5	0.04	0.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,760)	1:A:19:ASN:HB2	1:A:19:ASN:HD22	5	0.01	0.02
(1,613)	1:A:23:ARG:HA	1:A:25:ARG:H	5	0.04	0.06
(1,563)	1:A:159:ILE:HB	1:A:160:GLN:H	5	0.06	0.08
(1,387)	1:A:103:ASP:HA	1:A:104:GLY:H	5	0.18	0.18
(1,3622)	1:A:135:ALA:O	1:A:139:ALA:N	5	0.03	0.06
(1,3609)	1:A:73:HIS:H	1:A:76:LEU:O	5	0.03	0.07
(1,3603)	1:A:55:ARG:O	1:A:68:LYS:H	5	0.03	0.05
(1,3591)	1:A:40:ILE:O	1:A:44:GLU:H	5	0.03	0.04
(1,3577)	1:A:31:ARG:O	1:A:35:GLU:H	5	0.03	0.07
(1,3575)	1:A:30:GLN:O	1:A:34:GLU:H	5	0.03	0.05
(1,3549)	1:A:164:LYS:HB2	1:A:165:CYS:H	5	0.31	0.45
(1,3487)	1:A:127:ARG:HB2	1:A:128:ASN:H	5	0.07	0.17
(1,3470)	1:A:122:LYS:H	1:A:122:LYS:HG2	5	0.22	0.23
(1,3454)	1:A:114:LYS:H	1:A:114:LYS:HG2	5	0.18	0.32
(1,333)	1:A:81:ASP:H	1:A:81:ASP:HB2	5	0.07	0.12
(1,3214)	1:A:56:LEU:HA	1:A:67:GLY:HA2	5	0.18	0.31
(1,3200)	1:A:52:ASP:H	1:A:52:ASP:HB2	5	0.21	0.28
(1,3016)	1:A:125:TRP:HH2	1:A:133:GLY:HA3	5	0.23	0.35
(1,2996)	1:A:68:LYS:HD3	1:A:70:TRP:HZ2	5	0.03	0.07
(1,2923)	1:A:18:THR:HG21	1:A:27:LEU:HD11	5	0.03	0.06
(1,2923)	1:A:18:THR:HG21	1:A:27:LEU:HD12	5	0.03	0.06
(1,2923)	1:A:18:THR:HG21	1:A:27:LEU:HD13	5	0.03	0.06
(1,2923)	1:A:18:THR:HG22	1:A:27:LEU:HD11	5	0.03	0.06
(1,2923)	1:A:18:THR:HG22	1:A:27:LEU:HD12	5	0.03	0.06
(1,2923)	1:A:18:THR:HG22	1:A:27:LEU:HD13	5	0.03	0.06
(1,2923)	1:A:18:THR:HG23	1:A:27:LEU:HD11	5	0.03	0.06
(1,2923)	1:A:18:THR:HG23	1:A:27:LEU:HD12	5	0.03	0.06
(1,2923)	1:A:18:THR:HG23	1:A:27:LEU:HD13	5	0.03	0.06
(1,29)	1:A:10:VAL:HA	1:A:11:SER:H	5	0.03	0.04
(1,279)	1:A:65:TRP:HB2	1:A:66:PHE:H	5	0.02	0.03
(1,2732)	1:A:78:TYR:HB3	1:A:154:ILE:HD11	5	0.02	0.04
(1,2732)	1:A:78:TYR:HB3	1:A:154:ILE:HD12	5	0.02	0.04
(1,2732)	1:A:78:TYR:HB3	1:A:154:ILE:HD13	5	0.02	0.04
(1,2712)	1:A:106:THR:HB	1:A:153:LEU:HD11	5	0.04	0.06
(1,2712)	1:A:106:THR:HB	1:A:153:LEU:HD12	5	0.04	0.06
(1,2712)	1:A:106:THR:HB	1:A:153:LEU:HD13	5	0.04	0.06
(1,252)	1:A:58:SER:HB2	1:A:59:ASN:H	5	0.03	0.06
(1,2409)	1:A:32:LEU:HD11	1:A:61:GLU:HA	5	0.04	0.06
(1,2409)	1:A:32:LEU:HD12	1:A:61:GLU:HA	5	0.04	0.06
(1,2409)	1:A:32:LEU:HD13	1:A:61:GLU:HA	5	0.04	0.06
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:47:LYS:HE2	5	0.03	0.06
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:47:LYS:HE3	5	0.03	0.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:47:LYS:HE2	5	0.03	0.06
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:47:LYS:HE3	5	0.03	0.06
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:47:LYS:HE2	5	0.03	0.06
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:47:LYS:HE3	5	0.03	0.06
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG2	1:A:27:LEU:HD21	5	0.05	0.06
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG2	1:A:27:LEU:HD22	5	0.05	0.06
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG2	1:A:27:LEU:HD23	5	0.05	0.06
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG3	1:A:27:LEU:HD21	5	0.05	0.06
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG3	1:A:27:LEU:HD22	5	0.05	0.06
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG3	1:A:27:LEU:HD23	5	0.05	0.06
(1,2073)	1:A:32:LEU:HB2	1:A:36:TYR:HD1	5	0.67	1.05
(1,2040)	1:A:53:TRP:HH2	1:A:138:MET:HA	5	0.02	0.03
(1,1823)	1:A:56:LEU:HG	1:A:65:TRP:HE3	5	0.05	0.11
(1,1786)	1:A:23:ARG:HB2	1:A:88:ILE:HA	5	0.05	0.11
(1,1090)	1:A:71:TYR:H	1:A:80:PHE:HE1	5	0.21	0.36
(1,1079)	1:A:53:TRP:HH2	1:A:143:GLY:H	5	0.02	0.04
(1,1035)	1:A:53:TRP:HE3	1:A:70:TRP:H	5	0.05	0.09
(1,1000)	1:A:53:TRP:H	1:A:53:TRP:HD1	5	0.09	0.17
(1,840)	1:A:57:GLU:HG3	1:A:58:SER:H	4	0.03	0.04
(1,435)	1:A:123:PRO:HA	1:A:125:TRP:H	4	0.03	0.06
(1,403)	1:A:113:GLY:H	1:A:114:LYS:H	4	0.06	0.09
(1,3601)	1:A:67:GLY:H	1:A:82:ILE:O	4	0.02	0.03
(1,3599)	1:A:57:GLU:O	1:A:66:PHE:H	4	0.03	0.04
(1,3595)	1:A:43:VAL:O	1:A:47:LYS:H	4	0.03	0.05
(1,3574)	1:A:28:TRP:O	1:A:32:LEU:N	4	0.02	0.02
(1,3559)	1:A:4:GLU:O	1:A:8:ARG:H	4	0.04	0.07
(1,3548)	1:A:164:LYS:HA	1:A:164:LYS:HG2	4	0.07	0.11
(1,3488)	1:A:127:ARG:HB2	1:A:128:ASN:HD22	4	0.21	0.45
(1,3448)	1:A:110:TYR:HD1	1:A:114:LYS:HD2	4	1.44	3.47
(1,3312)	1:A:70:TRP:HD1	1:A:77:LYS:HD2	4	0.35	0.55
(1,3294)	1:A:68:LYS:HB2	1:A:70:TRP:HZ2	4	0.6	0.97
(1,3292)	1:A:68:LYS:HA	1:A:68:LYS:HD2	4	0.17	0.19
(1,3279)	1:A:64:ARG:HB2	1:A:64:ARG:HD2	4	0.24	0.59
(1,3249)	1:A:57:GLU:HG2	1:A:58:SER:H	4	0.1	0.14
(1,3215)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:GLU:H	4	0.05	0.08
(1,3197)	1:A:51:ASN:H	1:A:52:ASP:HB2	4	0.65	1.14
(1,3186)	1:A:44:GLU:HG2	1:A:48:ASN:HD21	4	0.25	0.5
(1,3180)	1:A:41:ARG:HD2	1:A:45:ASN:HD22	4	0.17	0.2
(1,3177)	1:A:41:ARG:HD2	1:A:44:GLU:H	4	0.38	0.69
(1,3175)	1:A:41:ARG:HG2	1:A:45:ASN:HD21	4	0.48	0.99
(1,3160)	1:A:35:GLU:HB2	1:A:36:TYR:H	4	0.05	0.07
(1,3154)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:TYR:HD1	4	0.18	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,3109)	1:A:24:ASP:HB2	1:A:28:TRP:H	4	0.08	0.18
(1,3072)	1:A:20:ALA:H	1:A:91:PRO:HB2	4	0.36	0.42
(1,3060)	1:A:19:ASN:HA	1:A:91:PRO:HB2	4	0.13	0.31
(1,2985)	1:A:28:TRP:HZ2	1:A:63:THR:HB	4	0.02	0.04
(1,2841)	1:A:94:ALA:HB1	1:A:121:PHE:HE1	4	0.23	0.34
(1,2841)	1:A:94:ALA:HB2	1:A:121:PHE:HE1	4	0.23	0.34
(1,2841)	1:A:94:ALA:HB3	1:A:121:PHE:HE1	4	0.23	0.34
(1,2798)	1:A:109:MET:HE1	1:A:115:ILE:HG21	4	0.02	0.04
(1,2798)	1:A:109:MET:HE1	1:A:115:ILE:HG22	4	0.02	0.04
(1,2798)	1:A:109:MET:HE1	1:A:115:ILE:HG23	4	0.02	0.04
(1,2798)	1:A:109:MET:HE2	1:A:115:ILE:HG21	4	0.02	0.04
(1,2798)	1:A:109:MET:HE2	1:A:115:ILE:HG22	4	0.02	0.04
(1,2798)	1:A:109:MET:HE2	1:A:115:ILE:HG23	4	0.02	0.04
(1,2798)	1:A:109:MET:HE3	1:A:115:ILE:HG21	4	0.02	0.04
(1,2798)	1:A:109:MET:HE3	1:A:115:ILE:HG22	4	0.02	0.04
(1,2798)	1:A:109:MET:HE3	1:A:115:ILE:HG23	4	0.02	0.04
(1,2727)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:154:ILE:HD11	4	0.52	0.98
(1,2727)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:154:ILE:HD12	4	0.52	0.98
(1,2727)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:154:ILE:HD13	4	0.52	0.98
(1,2513)	1:A:97:ILE:HD11	1:A:142:LEU:HB3	4	0.01	0.02
(1,2513)	1:A:97:ILE:HD12	1:A:142:LEU:HB3	4	0.01	0.02
(1,2513)	1:A:97:ILE:HD13	1:A:142:LEU:HB3	4	0.01	0.02
(1,2426)	1:A:72:ILE:HG21	1:A:75:LEU:H	4	0.04	0.07
(1,2426)	1:A:72:ILE:HG22	1:A:75:LEU:H	4	0.04	0.07
(1,2426)	1:A:72:ILE:HG23	1:A:75:LEU:H	4	0.04	0.07
(1,2086)	1:A:70:TRP:HD1	1:A:72:ILE:HG12	4	0.03	0.05
(1,2058)	1:A:64:ARG:HD3	1:A:66:PHE:HE1	4	1.28	3.71
(1,1808)	1:A:41:ARG:HD3	1:A:45:ASN:HD22	4	0.05	0.08
(1,1772)	1:A:15:VAL:HB	1:A:131:LYS:HB3	4	0.05	0.05
(1,1438)	1:A:162:LYS:HA	1:A:163:GLU:H	4	0.07	0.08
(1,143)	1:A:36:TYR:H	1:A:36:TYR:HB3	4	0.03	0.04
(1,1386)	1:A:74:ASP:HB3	1:A:75:LEU:H	4	0.02	0.03
(1,1257)	1:A:70:TRP:H	1:A:146:LEU:HD11	4	0.04	0.06
(1,1257)	1:A:70:TRP:H	1:A:146:LEU:HD12	4	0.04	0.06
(1,1257)	1:A:70:TRP:H	1:A:146:LEU:HD13	4	0.04	0.06
(1,1082)	1:A:46:ASN:HD21	1:A:53:TRP:HE1	4	0.04	0.11
(1,1069)	1:A:127:ARG:HB2	1:A:128:ASN:HD21	4	0.04	0.08
(1,1041)	1:A:76:LEU:H	1:A:78:TYR:HE1	4	0.15	0.22
(1,1024)	1:A:63:THR:HA	1:A:65:TRP:HE1	4	0.02	0.02
(1,1)	1:A:3:ASP:HA	1:A:4:GLU:H	4	0.11	0.17
(1,990)	1:A:12:GLU:HB2	1:A:45:ASN:HD22	3	0.02	0.03
(1,86)	1:A:27:LEU:HB3	1:A:28:TRP:H	3	0.04	0.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,845)	1:A:61:GLU:H	1:A:61:GLU:HG2	3	0.05	0.08
(1,829)	1:A:51:ASN:HB3	1:A:51:ASN:HD22	3	0.05	0.06
(1,793)	1:A:37:GLN:HG3	1:A:37:GLN:HE22	3	0.04	0.04
(1,646)	1:A:59:ASN:H	1:A:64:ARG:H	3	0.02	0.04
(1,633)	1:A:47:LYS:HA	1:A:51:ASN:H	3	0.04	0.06
(1,632)	1:A:49:ALA:HA	1:A:51:ASN:H	3	0.02	0.04
(1,608)	1:A:21:GLY:H	1:A:24:ASP:HB2	3	0.02	0.03
(1,574)	1:A:163:GLU:H	1:A:163:GLU:HB3	3	0.03	0.05
(1,384)	1:A:103:ASP:H	1:A:103:ASP:HB2	3	0.04	0.06
(1,3632)	1:A:149:GLU:O	1:A:153:LEU:N	3	0.03	0.04
(1,3631)	1:A:149:GLU:O	1:A:153:LEU:H	3	0.05	0.1
(1,3608)	1:A:53:TRP:O	1:A:70:TRP:N	3	0.02	0.05
(1,3597)	1:A:44:GLU:O	1:A:48:ASN:H	3	0.01	0.02
(1,3584)	1:A:35:GLU:O	1:A:39:LEU:N	3	0.02	0.02
(1,3579)	1:A:32:LEU:O	1:A:36:TYR:H	3	0.02	0.03
(1,3569)	1:A:25:ARG:O	1:A:29:VAL:H	3	0.02	0.03
(1,3563)	1:A:6:THR:O	1:A:10:VAL:H	3	0.03	0.06
(1,3561)	1:A:5:ALA:O	1:A:9:VAL:H	3	0.01	0.02
(1,3550)	1:A:164:LYS:HG2	1:A:165:CYS:H	3	0.16	0.25
(1,3546)	1:A:164:LYS:H	1:A:164:LYS:HB2	3	0.13	0.2
(1,3543)	1:A:161:HIS:HB2	1:A:162:LYS:H	3	0.16	0.25
(1,3453)	1:A:114:LYS:H	1:A:114:LYS:HB2	3	0.16	0.35
(1,3449)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:114:LYS:HB2	3	0.5	1.2
(1,3447)	1:A:110:TYR:HD1	1:A:114:LYS:HG2	3	0.73	1.19
(1,3433)	1:A:103:ASP:H	1:A:103:ASP:HB2	3	0.28	0.3
(1,343)	1:A:83:GLU:HB2	1:A:84:PHE:H	3	0.11	0.13
(1,3367)	1:A:87:PRO:HG2	1:A:90:TYR:H	3	0.12	0.17
(1,3284)	1:A:64:ARG:HD2	1:A:66:PHE:HE1	3	0.98	2.4
(1,3282)	1:A:64:ARG:HG2	1:A:66:PHE:HE1	3	0.81	1.89
(1,3280)	1:A:64:ARG:HB3	1:A:64:ARG:HD2	3	0.08	0.14
(1,3251)	1:A:58:SER:H	1:A:58:SER:HB2	3	0.03	0.04
(1,3188)	1:A:46:ASN:HA	1:A:51:ASN:HB2	3	0.32	0.66
(1,3187)	1:A:44:GLU:HG2	1:A:48:ASN:HD22	3	0.53	0.79
(1,3170)	1:A:40:ILE:HG21	1:A:44:GLU:HG2	3	0.19	0.26
(1,3170)	1:A:40:ILE:HG22	1:A:44:GLU:HG2	3	0.19	0.26
(1,3170)	1:A:40:ILE:HG23	1:A:44:GLU:HG2	3	0.19	0.26
(1,3150)	1:A:33:LYS:H	1:A:34:GLU:HG2	3	0.28	0.43
(1,3149)	1:A:33:LYS:H	1:A:33:LYS:HG2	3	0.08	0.15
(1,3053)	1:A:15:VAL:HG11	1:A:131:LYS:HD2	3	0.24	0.47
(1,3053)	1:A:15:VAL:HG12	1:A:131:LYS:HD2	3	0.24	0.47
(1,3053)	1:A:15:VAL:HG13	1:A:131:LYS:HD2	3	0.24	0.47
(1,3042)	1:A:7:ARG:HG2	1:A:8:ARG:H	3	0.62	0.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,2995)	1:A:68:LYS:HD2	1:A:70:TRP:HZ2	3	0.06	0.14
(1,293)	1:A:69:CYS:HB2	1:A:70:TRP:H	3	0.03	0.05
(1,2816)	1:A:84:PHE:HZ	1:A:134:LEU:HD21	3	0.03	0.04
(1,2816)	1:A:84:PHE:HZ	1:A:134:LEU:HD22	3	0.03	0.04
(1,2816)	1:A:84:PHE:HZ	1:A:134:LEU:HD23	3	0.03	0.04
(1,2806)	1:A:109:MET:HE1	1:A:145:TRP:HZ2	3	0.03	0.05
(1,2806)	1:A:109:MET:HE2	1:A:145:TRP:HZ2	3	0.03	0.05
(1,2806)	1:A:109:MET:HE3	1:A:145:TRP:HZ2	3	0.03	0.05
(1,2505)	1:A:94:ALA:HB1	1:A:137:LEU:HB3	3	0.02	0.03
(1,2505)	1:A:94:ALA:HB2	1:A:137:LEU:HB3	3	0.02	0.03
(1,2505)	1:A:94:ALA:HB3	1:A:137:LEU:HB3	3	0.02	0.03
(1,2297)	1:A:16:LEU:HD21	1:A:35:GLU:HA	3	0.02	0.03
(1,2297)	1:A:16:LEU:HD22	1:A:35:GLU:HA	3	0.02	0.03
(1,2297)	1:A:16:LEU:HD23	1:A:35:GLU:HA	3	0.02	0.03
(1,2141)	1:A:56:LEU:HD11	1:A:57:GLU:H	3	0.04	0.07
(1,2141)	1:A:56:LEU:HD12	1:A:57:GLU:H	3	0.04	0.07
(1,2141)	1:A:56:LEU:HD13	1:A:57:GLU:H	3	0.04	0.07
(1,202)	1:A:45:ASN:HB3	1:A:46:ASN:H	3	0.03	0.04
(1,1967)	1:A:70:TRP:HD1	1:A:77:LYS:HE3	3	0.03	0.05
(1,1953)	1:A:124:LEU:HA	1:A:127:ARG:HG3	3	0.04	0.05
(1,1939)	1:A:10:VAL:HA	1:A:13:ILE:HG13	3	0.04	0.07
(1,1912)	1:A:124:LEU:HG	1:A:132:PHE:HE1	3	0.35	0.7
(1,1906)	1:A:122:LYS:HB2	1:A:123:PRO:HD3	3	0.05	0.06
(1,1905)	1:A:122:LYS:HB3	1:A:123:PRO:HD2	3	0.03	0.04
(1,1874)	1:A:81:ASP:HB2	1:A:83:GLU:HG2	3	0.02	0.03
(1,1874)	1:A:81:ASP:HB2	1:A:83:GLU:HG3	3	0.02	0.03
(1,1867)	1:A:70:TRP:HD1	1:A:79:GLU:HG2	3	0.05	0.08
(1,1867)	1:A:70:TRP:HD1	1:A:79:GLU:HG3	3	0.05	0.08
(1,1858)	1:A:73:HIS:HB2	1:A:78:TYR:HE1	3	1.21	1.57
(1,1820)	1:A:47:LYS:HA	1:A:52:ASP:HB3	3	0.05	0.05
(1,1807)	1:A:41:ARG:HD2	1:A:45:ASN:HD22	3	0.03	0.05
(1,1795)	1:A:28:TRP:HD1	1:A:32:LEU:HG	3	0.06	0.1
(1,1633)	1:A:61:GLU:HA	1:A:61:GLU:HG3	3	0.02	0.02
(1,1614)	1:A:47:LYS:HA	1:A:47:LYS:HG3	3	0.02	0.03
(1,1482)	1:A:74:ASP:HB2	1:A:76:LEU:H	3	0.04	0.05
(1,1422)	1:A:127:ARG:H	1:A:127:ARG:HB3	3	0.04	0.06
(1,137)	1:A:32:LEU:HA	1:A:36:TYR:H	3	0.04	0.07
(1,1339)	1:A:32:LEU:HB2	1:A:33:LYS:H	3	0.05	0.06
(1,1337)	1:A:32:LEU:H	1:A:32:LEU:HB3	3	0.04	0.06
(1,1336)	1:A:29:VAL:HA	1:A:32:LEU:HB3	3	0.01	0.02
(1,129)	1:A:32:LEU:HA	1:A:35:GLU:H	3	0.02	0.03
(1,1066)	1:A:124:LEU:HA	1:A:128:ASN:HD21	3	0.04	0.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,1005)	1:A:57:GLU:H	1:A:65:TRP:HE3	3	0.02	0.02
(1,998)	1:A:44:GLU:HG3	1:A:48:ASN:HD21	2	0.06	0.06
(1,996)	1:A:45:ASN:HA	1:A:48:ASN:HD21	2	0.04	0.05
(1,993)	1:A:46:ASN:HD21	1:A:51:ASN:HD22	2	0.04	0.05
(1,973)	1:A:22:PRO:HA	1:A:28:TRP:HE1	2	0.01	0.02
(1,965)	1:A:20:ALA:H	1:A:28:TRP:HE3	2	0.03	0.05
(1,90)	1:A:26:GLU:HA	1:A:29:VAL:H	2	0.04	0.04
(1,764)	1:A:23:ARG:H	1:A:23:ARG:HG3	2	0.03	0.06
(1,752)	1:A:13:ILE:H	1:A:13:ILE:HG12	2	0.01	0.02
(1,673)	1:A:64:ARG:HA	1:A:86:ILE:H	2	0.03	0.04
(1,66)	1:A:24:ASP:H	1:A:25:ARG:H	2	0.01	0.01
(1,651)	1:A:65:TRP:H	1:A:85:ASP:HA	2	0.01	0.02
(1,648)	1:A:62:GLY:HA3	1:A:64:ARG:H	2	0.14	0.16
(1,609)	1:A:21:GLY:H	1:A:24:ASP:HB3	2	0.07	0.07
(1,580)	1:A:165:CYS:H	1:A:166:ASN:H	2	0.04	0.07
(1,578)	1:A:164:LYS:HB2	1:A:165:CYS:H	2	0.07	0.07
(1,569)	1:A:161:HIS:HA	1:A:162:LYS:H	2	0.03	0.04
(1,418)	1:A:119:ASP:H	1:A:119:ASP:HB2	2	0.01	0.02
(1,396)	1:A:106:THR:HA	1:A:107:ALA:H	2	0.04	0.05
(1,3633)	1:A:150:ILE:O	1:A:154:ILE:H	2	0.03	0.04
(1,3615)	1:A:83:GLU:O	1:A:98:ALA:H	2	0.06	0.06
(1,3613)	1:A:65:TRP:O	1:A:84:PHE:H	2	0.01	0.01
(1,3605)	1:A:69:CYS:H	1:A:80:PHE:O	2	0.01	0.02
(1,3592)	1:A:40:ILE:O	1:A:44:GLU:N	2	0.02	0.03
(1,3567)	1:A:24:ASP:O	1:A:28:TRP:H	2	0.03	0.04
(1,3544)	1:A:163:GLU:H	1:A:163:GLU:HB2	2	0.08	0.12
(1,353)	1:A:85:ASP:HB2	1:A:86:ILE:H	2	0.07	0.1
(1,3475)	1:A:122:LYS:HB2	1:A:123:PRO:HD2	2	0.28	0.37
(1,3463)	1:A:118:THR:HG21	1:A:121:PHE:HB2	2	0.01	0.02
(1,3463)	1:A:118:THR:HG22	1:A:121:PHE:HB2	2	0.01	0.02
(1,3463)	1:A:118:THR:HG23	1:A:121:PHE:HB2	2	0.01	0.02
(1,3451)	1:A:111:ARG:HA	1:A:111:ARG:HG2	2	0.21	0.28
(1,3434)	1:A:105:LYS:H	1:A:105:LYS:HB2	2	0.21	0.25
(1,3400)	1:A:96:GLU:HB2	1:A:114:LYS:HG2	2	0.85	0.91
(1,3375)	1:A:88:ILE:H	1:A:88:ILE:HG12	2	0.25	0.26
(1,3356)	1:A:84:PHE:HB2	1:A:98:ALA:H	2	0.06	0.08
(1,3353)	1:A:84:PHE:HB2	1:A:85:ASP:H	2	0.07	0.1
(1,3333)	1:A:77:LYS:HB2	1:A:77:LYS:HE2	2	0.12	0.14
(1,3328)	1:A:76:LEU:HD21	1:A:164:LYS:HG2	2	0.29	0.35
(1,3328)	1:A:76:LEU:HD22	1:A:164:LYS:HG2	2	0.29	0.35
(1,3328)	1:A:76:LEU:HD23	1:A:164:LYS:HG2	2	0.29	0.35
(1,3326)	1:A:76:LEU:HD11	1:A:161:HIS:HB2	2	0.19	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,3326)	1:A:76:LEU:HD12	1:A:161:HIS:HB2	2	0.19	0.26
(1,3326)	1:A:76:LEU:HD13	1:A:161:HIS:HB2	2	0.19	0.26
(1,3314)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:73:HIS:HB2	2	0.89	0.92
(1,3301)	1:A:68:LYS:HD2	1:A:80:PHE:H	2	0.97	1.0
(1,3273)	1:A:61:GLU:HA	1:A:61:GLU:HG2	2	0.29	0.31
(1,3266)	1:A:60:LYS:HB2	1:A:60:LYS:HE2	2	0.01	0.02
(1,3266)	1:A:60:LYS:HB2	1:A:60:LYS:HE3	2	0.01	0.02
(1,3230)	1:A:56:LEU:HD11	1:A:67:GLY:HA2	2	0.41	0.5
(1,3230)	1:A:56:LEU:HD12	1:A:67:GLY:HA2	2	0.41	0.5
(1,3230)	1:A:56:LEU:HD13	1:A:67:GLY:HA2	2	0.41	0.5
(1,3227)	1:A:56:LEU:HD11	1:A:66:PHE:H	2	0.05	0.05
(1,3227)	1:A:56:LEU:HD12	1:A:66:PHE:H	2	0.05	0.05
(1,3227)	1:A:56:LEU:HD13	1:A:66:PHE:H	2	0.05	0.05
(1,322)	1:A:78:TYR:H	1:A:78:TYR:HB2	2	0.03	0.03
(1,3166)	1:A:37:GLN:HG2	1:A:38:SER:H	2	0.1	0.16
(1,3147)	1:A:32:LEU:HD11	1:A:65:TRP:HZ2	2	0.27	0.51
(1,3147)	1:A:32:LEU:HD12	1:A:65:TRP:HZ2	2	0.27	0.51
(1,3147)	1:A:32:LEU:HD13	1:A:65:TRP:HZ2	2	0.27	0.51
(1,3144)	1:A:32:LEU:HD11	1:A:62:GLY:HA2	2	0.19	0.35
(1,3144)	1:A:32:LEU:HD12	1:A:62:GLY:HA2	2	0.19	0.35
(1,3144)	1:A:32:LEU:HD13	1:A:62:GLY:HA2	2	0.19	0.35
(1,3140)	1:A:32:LEU:HD11	1:A:36:TYR:HE1	2	0.7	0.83
(1,3140)	1:A:32:LEU:HD12	1:A:36:TYR:HE1	2	0.7	0.83
(1,3140)	1:A:32:LEU:HD13	1:A:36:TYR:HE1	2	0.7	0.83
(1,3136)	1:A:32:LEU:HA	1:A:32:LEU:HD11	2	0.2	0.21
(1,3136)	1:A:32:LEU:HA	1:A:32:LEU:HD12	2	0.2	0.21
(1,3136)	1:A:32:LEU:HA	1:A:32:LEU:HD13	2	0.2	0.21
(1,3124)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:61:GLU:HG2	2	0.47	0.5
(1,3123)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:32:LEU:HD11	2	0.21	0.26
(1,3123)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:32:LEU:HD12	2	0.21	0.26
(1,3123)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:32:LEU:HD13	2	0.21	0.26
(1,3092)	1:A:22:PRO:HG2	1:A:86:ILE:HB	2	0.09	0.09
(1,296)	1:A:70:TRP:HB2	1:A:71:TYR:H	2	0.01	0.02
(1,2834)	1:A:87:PRO:HB3	1:A:93:THR:HG21	2	0.02	0.02
(1,2834)	1:A:87:PRO:HB3	1:A:93:THR:HG22	2	0.02	0.02
(1,2834)	1:A:87:PRO:HB3	1:A:93:THR:HG23	2	0.02	0.02
(1,2823)	1:A:56:LEU:HD21	1:A:65:TRP:HB3	2	0.04	0.05
(1,2823)	1:A:56:LEU:HD22	1:A:65:TRP:HB3	2	0.04	0.05
(1,2823)	1:A:56:LEU:HD23	1:A:65:TRP:HB3	2	0.04	0.05
(1,2820)	1:A:118:THR:HG21	1:A:121:PHE:HB2	2	0.01	0.02
(1,2820)	1:A:118:THR:HG22	1:A:121:PHE:HB2	2	0.01	0.02
(1,2820)	1:A:118:THR:HG23	1:A:121:PHE:HB2	2	0.01	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,2680)	1:A:53:TRP:HE3	1:A:146:LEU:HD21	2	0.03	0.04
(1,2680)	1:A:53:TRP:HE3	1:A:146:LEU:HD22	2	0.03	0.04
(1,2680)	1:A:53:TRP:HE3	1:A:146:LEU:HD23	2	0.03	0.04
(1,2626)	1:A:95:PRO:HG3	1:A:134:LEU:HD11	2	0.01	0.01
(1,2626)	1:A:95:PRO:HG3	1:A:134:LEU:HD12	2	0.01	0.01
(1,2626)	1:A:95:PRO:HG3	1:A:134:LEU:HD13	2	0.01	0.01
(1,259)	1:A:60:LYS:HB2	1:A:61:GLU:H	2	0.03	0.04
(1,2579)	1:A:117:LEU:HD21	1:A:141:GLY:HA3	2	0.07	0.08
(1,2579)	1:A:117:LEU:HD22	1:A:141:GLY:HA3	2	0.07	0.08
(1,2579)	1:A:117:LEU:HD23	1:A:141:GLY:HA3	2	0.07	0.08
(1,253)	1:A:58:SER:HB3	1:A:59:ASN:H	2	0.01	0.01
(1,248)	1:A:57:GLU:HA	1:A:58:SER:H	2	0.01	0.01
(1,2471)	1:A:28:TRP:HH2	1:A:86:ILE:HG21	2	0.05	0.07
(1,2471)	1:A:28:TRP:HH2	1:A:86:ILE:HG22	2	0.05	0.07
(1,2471)	1:A:28:TRP:HH2	1:A:86:ILE:HG23	2	0.05	0.07
(1,2444)	1:A:76:LEU:HD21	1:A:164:LYS:HA	2	0.03	0.03
(1,2444)	1:A:76:LEU:HD22	1:A:164:LYS:HA	2	0.03	0.03
(1,2444)	1:A:76:LEU:HD23	1:A:164:LYS:HA	2	0.03	0.03
(1,2442)	1:A:74:ASP:HB3	1:A:154:ILE:HG21	2	0.03	0.06
(1,2442)	1:A:74:ASP:HB3	1:A:154:ILE:HG22	2	0.03	0.06
(1,2442)	1:A:74:ASP:HB3	1:A:154:ILE:HG23	2	0.03	0.06
(1,2402)	1:A:56:LEU:HD21	1:A:65:TRP:HE3	2	0.03	0.04
(1,2402)	1:A:56:LEU:HD22	1:A:65:TRP:HE3	2	0.03	0.04
(1,2402)	1:A:56:LEU:HD23	1:A:65:TRP:HE3	2	0.03	0.04
(1,2386)	1:A:40:ILE:HG21	1:A:44:GLU:HG2	2	0.03	0.03
(1,2386)	1:A:40:ILE:HG22	1:A:44:GLU:HG2	2	0.03	0.03
(1,2386)	1:A:40:ILE:HG23	1:A:44:GLU:HG2	2	0.03	0.03
(1,2338)	1:A:18:THR:HG21	1:A:30:GLN:HB2	2	0.01	0.01
(1,2338)	1:A:18:THR:HG21	1:A:30:GLN:HB3	2	0.01	0.01
(1,2338)	1:A:18:THR:HG22	1:A:30:GLN:HB2	2	0.01	0.01
(1,2338)	1:A:18:THR:HG22	1:A:30:GLN:HB3	2	0.01	0.01
(1,2338)	1:A:18:THR:HG23	1:A:30:GLN:HB2	2	0.01	0.01
(1,2338)	1:A:18:THR:HG23	1:A:30:GLN:HB3	2	0.01	0.01
(1,2321)	1:A:23:ARG:HD2	1:A:88:ILE:HG21	2	0.03	0.03
(1,2321)	1:A:23:ARG:HD2	1:A:88:ILE:HG22	2	0.03	0.03
(1,2321)	1:A:23:ARG:HD2	1:A:88:ILE:HG23	2	0.03	0.03
(1,2321)	1:A:23:ARG:HD3	1:A:88:ILE:HG21	2	0.03	0.03
(1,2321)	1:A:23:ARG:HD3	1:A:88:ILE:HG22	2	0.03	0.03
(1,2321)	1:A:23:ARG:HD3	1:A:88:ILE:HG23	2	0.03	0.03
(1,2089)	1:A:73:HIS:H	1:A:78:TYR:HE1	2	0.1	0.18
(1,2087)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:150:ILE:HG13	2	1.46	2.21
(1,206)	1:A:43:VAL:HA	1:A:47:LYS:H	2	0.03	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,2050)	1:A:64:ARG:HD2	1:A:66:PHE:HE1	2	1.04	2.02
(1,2029)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:73:HIS:HB2	2	0.51	0.54
(1,2019)	1:A:22:PRO:HB2	1:A:28:TRP:HZ2	2	0.02	0.03
(1,1983)	1:A:131:LYS:HA	1:A:131:LYS:HD3	2	0.04	0.08
(1,196)	1:A:44:GLU:HB3	1:A:45:ASN:H	2	0.08	0.09
(1,1948)	1:A:46:ASN:HB2	1:A:52:ASP:HA	2	0.04	0.08
(1,1948)	1:A:46:ASN:HB3	1:A:52:ASP:HA	2	0.04	0.08
(1,1904)	1:A:122:LYS:HB3	1:A:123:PRO:HD3	2	0.02	0.02
(1,1894)	1:A:80:PHE:HD1	1:A:101:GLU:HG2	2	0.03	0.03
(1,1894)	1:A:80:PHE:HD1	1:A:101:GLU:HG3	2	0.03	0.03
(1,1894)	1:A:80:PHE:HD2	1:A:101:GLU:HG2	2	0.03	0.03
(1,1894)	1:A:80:PHE:HD2	1:A:101:GLU:HG3	2	0.03	0.03
(1,1890)	1:A:87:PRO:HG3	1:A:93:THR:HB	2	0.03	0.04
(1,1888)	1:A:89:THR:HB	1:A:93:THR:HB	2	0.01	0.01
(1,1866)	1:A:70:TRP:HE3	1:A:79:GLU:HG2	2	0.07	0.07
(1,1866)	1:A:70:TRP:HE3	1:A:79:GLU:HG3	2	0.07	0.07
(1,1859)	1:A:73:HIS:HB3	1:A:78:TYR:HE1	2	0.1	0.18
(1,1819)	1:A:47:LYS:HA	1:A:52:ASP:HB2	2	0.01	0.01
(1,1804)	1:A:36:TYR:H	1:A:37:GLN:HG3	2	0.03	0.05
(1,1789)	1:A:24:ASP:HB2	1:A:27:LEU:HB3	2	0.07	0.07
(1,1711)	1:A:131:LYS:H	1:A:131:LYS:HG2	2	0.15	0.23
(1,1708)	1:A:128:ASN:HA	1:A:128:ASN:HD21	2	0.02	0.02
(1,1694)	1:A:122:LYS:HB2	1:A:122:LYS:HD3	2	0.03	0.03
(1,1669)	1:A:96:GLU:HA	1:A:96:GLU:HG2	2	0.1	0.16
(1,1666)	1:A:88:ILE:H	1:A:88:ILE:HG12	2	0.06	0.07
(1,1611)	1:A:44:GLU:HA	1:A:44:GLU:HG3	2	0.01	0.02
(1,1591)	1:A:33:LYS:HB2	1:A:33:LYS:HE2	2	0.02	0.03
(1,1591)	1:A:33:LYS:HB2	1:A:33:LYS:HE3	2	0.02	0.03
(1,1591)	1:A:33:LYS:HB3	1:A:33:LYS:HE2	2	0.02	0.03
(1,1591)	1:A:33:LYS:HB3	1:A:33:LYS:HE3	2	0.02	0.03
(1,1570)	1:A:25:ARG:HA	1:A:25:ARG:HG3	2	0.04	0.04
(1,1559)	1:A:17:LYS:H	1:A:17:LYS:HD2	2	0.03	0.04
(1,1559)	1:A:17:LYS:H	1:A:17:LYS:HD3	2	0.03	0.04
(1,1552)	1:A:12:GLU:H	1:A:12:GLU:HG3	2	0.1	0.13
(1,1549)	1:A:12:GLU:HA	1:A:12:GLU:HG3	2	0.27	0.27
(1,1531)	1:A:124:LEU:HA	1:A:127:ARG:HB3	2	0.04	0.04
(1,1498)	1:A:98:ALA:HA	1:A:114:LYS:HA	2	0.07	0.08
(1,1494)	1:A:87:PRO:HA	1:A:89:THR:H	2	0.01	0.01
(1,1428)	1:A:135:ALA:HA	1:A:138:MET:HB3	2	0.01	0.02
(1,1427)	1:A:135:ALA:HA	1:A:138:MET:HB2	2	0.04	0.05
(1,1412)	1:A:119:ASP:HA	1:A:122:LYS:HB3	2	0.04	0.04
(1,141)	1:A:35:GLU:HB3	1:A:36:TYR:H	2	0.09	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,1400)	1:A:111:ARG:HA	1:A:112:GLY:H	2	0.07	0.07
(1,1397)	1:A:101:GLU:H	1:A:101:GLU:HB3	2	0.06	0.06
(1,1304)	1:A:4:GLU:HA	1:A:7:ARG:H	2	0.03	0.04
(1,1300)	1:A:107:ALA:HB1	1:A:108:LYS:H	2	0.03	0.03
(1,1300)	1:A:107:ALA:HB2	1:A:108:LYS:H	2	0.03	0.03
(1,1300)	1:A:107:ALA:HB3	1:A:108:LYS:H	2	0.03	0.03
(1,1229)	1:A:18:THR:HG21	1:A:31:ARG:H	2	0.03	0.04
(1,1229)	1:A:18:THR:HG22	1:A:31:ARG:H	2	0.03	0.04
(1,1229)	1:A:18:THR:HG23	1:A:31:ARG:H	2	0.03	0.04
(1,1218)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:63:THR:HG21	2	0.02	0.02
(1,1218)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:63:THR:HG22	2	0.02	0.02
(1,1218)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:63:THR:HG23	2	0.02	0.02
(1,1213)	1:A:18:THR:HG21	1:A:20:ALA:H	2	0.04	0.05
(1,1213)	1:A:18:THR:HG22	1:A:20:ALA:H	2	0.04	0.05
(1,1213)	1:A:18:THR:HG23	1:A:20:ALA:H	2	0.04	0.05
(1,113)	1:A:29:VAL:HA	1:A:33:LYS:H	2	0.06	0.09
(1,1112)	1:A:127:ARG:H	1:A:128:ASN:HD22	2	0.02	0.02
(1,1111)	1:A:128:ASN:HD22	1:A:132:PHE:HE1	2	0.68	1.29
(1,1109)	1:A:46:ASN:HD22	1:A:51:ASN:HD22	2	0.03	0.06
(1,1098)	1:A:53:TRP:HE1	1:A:139:ALA:HA	2	0.01	0.02
(1,1085)	1:A:51:ASN:HD21	1:A:53:TRP:HE1	2	0.03	0.04
(1,1022)	1:A:65:TRP:HE1	1:A:84:PHE:HE1	2	0.26	0.31
(1,1017)	1:A:64:ARG:H	1:A:66:PHE:HE1	2	0.97	1.59
(1,1014)	1:A:59:ASN:HD22	1:A:63:THR:H	2	0.03	0.05
(1,1006)	1:A:57:GLU:H	1:A:65:TRP:HB3	2	0.06	0.1
(1,999)	1:A:44:GLU:HG2	1:A:48:ASN:HD21	1	0.06	0.06
(1,989)	1:A:12:GLU:HB3	1:A:45:ASN:HD22	1	0.02	0.02
(1,978)	1:A:30:GLN:HE22	1:A:33:LYS:HD2	1	0.07	0.07
(1,978)	1:A:30:GLN:HE22	1:A:33:LYS:HD3	1	0.07	0.07
(1,96)	1:A:27:LEU:HA	1:A:30:GLN:H	1	0.1	0.1
(1,951)	1:A:162:LYS:HG2	1:A:163:GLU:H	1	0.08	0.08
(1,951)	1:A:162:LYS:HG3	1:A:163:GLU:H	1	0.08	0.08
(1,947)	1:A:160:GLN:H	1:A:160:GLN:HG2	1	0.09	0.09
(1,859)	1:A:75:LEU:H	1:A:75:LEU:HG	1	0.04	0.04
(1,830)	1:A:51:ASN:HA	1:A:51:ASN:HD21	1	0.01	0.01
(1,792)	1:A:37:GLN:HG2	1:A:37:GLN:HE22	1	0.04	0.04
(1,763)	1:A:23:ARG:H	1:A:23:ARG:HG2	1	0.08	0.08
(1,746)	1:A:7:ARG:H	1:A:7:ARG:HG3	1	0.01	0.01
(1,744)	1:A:4:GLU:H	1:A:4:GLU:HG2	1	0.01	0.01
(1,744)	1:A:4:GLU:H	1:A:4:GLU:HG3	1	0.01	0.01
(1,725)	1:A:67:GLY:H	1:A:83:GLU:HA	1	0.02	0.02
(1,719)	1:A:57:GLU:H	1:A:66:PHE:H	1	0.05	0.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,716)	1:A:156:LYS:HB2	1:A:158:VAL:H	1	0.03	0.03
(1,714)	1:A:154:ILE:HA	1:A:158:VAL:H	1	0.02	0.02
(1,712)	1:A:153:LEU:HA	1:A:156:LYS:H	1	0.06	0.06
(1,693)	1:A:133:GLY:H	1:A:136:HIS:H	1	0.05	0.05
(1,666)	1:A:69:CYS:H	1:A:82:ILE:H	1	0.01	0.01
(1,660)	1:A:73:HIS:H	1:A:77:LYS:HA	1	0.01	0.01
(1,658)	1:A:71:TYR:H	1:A:79:GLU:HA	1	0.05	0.05
(1,655)	1:A:70:TRP:H	1:A:79:GLU:HA	1	0.01	0.01
(1,587)	1:A:167:GLN:H	1:A:167:GLN:HB3	1	0.13	0.13
(1,577)	1:A:164:LYS:H	1:A:165:CYS:H	1	0.01	0.01
(1,572)	1:A:162:LYS:H	1:A:163:GLU:H	1	0.02	0.02
(1,570)	1:A:161:HIS:HB2	1:A:162:LYS:H	1	0.04	0.04
(1,51)	1:A:18:THR:HB	1:A:19:ASN:H	1	0.01	0.01
(1,454)	1:A:128:ASN:H	1:A:129:VAL:H	1	0.03	0.03
(1,445)	1:A:125:TRP:HB2	1:A:126:ALA:H	1	0.01	0.01
(1,405)	1:A:114:LYS:H	1:A:114:LYS:HB3	1	0.06	0.06
(1,404)	1:A:114:LYS:H	1:A:114:LYS:HB2	1	0.05	0.05
(1,395)	1:A:106:THR:H	1:A:107:ALA:H	1	0.02	0.02
(1,391)	1:A:105:LYS:H	1:A:105:LYS:HB2	1	0.03	0.03
(1,385)	1:A:103:ASP:H	1:A:103:ASP:HB3	1	0.04	0.04
(1,379)	1:A:100:PRO:HB3	1:A:101:GLU:H	1	0.04	0.04
(1,374)	1:A:97:ILE:H	1:A:97:ILE:HB	1	0.01	0.01
(1,372)	1:A:96:GLU:HA	1:A:97:ILE:H	1	0.15	0.15
(1,3627)	1:A:142:LEU:O	1:A:146:LEU:H	1	0.03	0.03
(1,3619)	1:A:121:PHE:O	1:A:125:TRP:H	1	0.02	0.02
(1,3618)	1:A:120:HIS:O	1:A:124:LEU:N	1	0.02	0.02
(1,3610)	1:A:73:HIS:N	1:A:76:LEU:O	1	0.02	0.02
(1,3596)	1:A:43:VAL:O	1:A:47:LYS:N	1	0.01	0.01
(1,3593)	1:A:41:ARG:O	1:A:45:ASN:H	1	0.03	0.03
(1,3587)	1:A:37:GLN:O	1:A:41:ARG:H	1	0.03	0.03
(1,3573)	1:A:28:TRP:O	1:A:32:LEU:H	1	0.03	0.03
(1,3571)	1:A:27:LEU:O	1:A:31:ARG:H	1	0.01	0.01
(1,3551)	1:A:167:GLN:H	1:A:167:GLN:HB2	1	0.12	0.12
(1,3541)	1:A:160:GLN:HG2	1:A:161:HIS:H	1	0.07	0.07
(1,3537)	1:A:160:GLN:H	1:A:160:GLN:HB2	1	0.02	0.02
(1,3520)	1:A:149:GLU:HA	1:A:149:GLU:HG2	1	0.27	0.27
(1,3508)	1:A:142:LEU:HD11	1:A:145:TRP:HE3	1	0.05	0.05
(1,3508)	1:A:142:LEU:HD12	1:A:145:TRP:HE3	1	0.05	0.05
(1,3508)	1:A:142:LEU:HD13	1:A:145:TRP:HE3	1	0.05	0.05
(1,3493)	1:A:131:LYS:H	1:A:131:LYS:HD2	1	0.42	0.42
(1,3473)	1:A:122:LYS:HA	1:A:122:LYS:HG2	1	0.02	0.02
(1,3466)	1:A:121:PHE:HB2	1:A:122:LYS:H	1	0.06	0.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,3464)	1:A:119:ASP:HA	1:A:122:LYS:HG2	1	0.48	0.48
(1,3452)	1:A:111:ARG:HG2	1:A:112:GLY:H	1	0.02	0.02
(1,3446)	1:A:110:TYR:HD1	1:A:114:LYS:HB2	1	0.92	0.92
(1,3444)	1:A:109:MET:HG2	1:A:115:ILE:HA	1	0.57	0.57
(1,3439)	1:A:105:LYS:HB2	1:A:158:VAL:HG11	1	0.6	0.6
(1,3439)	1:A:105:LYS:HB2	1:A:158:VAL:HG12	1	0.6	0.6
(1,3439)	1:A:105:LYS:HB2	1:A:158:VAL:HG13	1	0.6	0.6
(1,3392)	1:A:95:PRO:HG2	1:A:134:LEU:HD11	1	0.01	0.01
(1,3392)	1:A:95:PRO:HG2	1:A:134:LEU:HD12	1	0.01	0.01
(1,3392)	1:A:95:PRO:HG2	1:A:134:LEU:HD13	1	0.01	0.01
(1,339)	1:A:82:ILE:HB	1:A:83:GLU:H	1	0.02	0.02
(1,3354)	1:A:84:PHE:HB2	1:A:97:ILE:HA	1	0.33	0.33
(1,3352)	1:A:83:GLU:H	1:A:100:PRO:HD2	1	0.01	0.01
(1,3345)	1:A:81:ASP:H	1:A:99:VAL:HG11	1	0.25	0.25
(1,3345)	1:A:81:ASP:H	1:A:99:VAL:HG12	1	0.25	0.25
(1,3345)	1:A:81:ASP:H	1:A:99:VAL:HG13	1	0.25	0.25
(1,3340)	1:A:80:PHE:HB2	1:A:99:VAL:HG11	1	0.06	0.06
(1,3340)	1:A:80:PHE:HB2	1:A:99:VAL:HG12	1	0.06	0.06
(1,3340)	1:A:80:PHE:HB2	1:A:99:VAL:HG13	1	0.06	0.06
(1,3337)	1:A:78:TYR:HE1	1:A:159:ILE:HG12	1	0.2	0.2
(1,3330)	1:A:77:LYS:H	1:A:77:LYS:HD2	1	0.01	0.01
(1,3323)	1:A:72:ILE:HD11	1:A:77:LYS:HE2	1	0.16	0.16
(1,3323)	1:A:72:ILE:HD12	1:A:77:LYS:HE2	1	0.16	0.16
(1,3323)	1:A:72:ILE:HD13	1:A:77:LYS:HE2	1	0.16	0.16
(1,3299)	1:A:68:LYS:HG2	1:A:82:ILE:H	1	0.75	0.75
(1,3290)	1:A:67:GLY:HA2	1:A:82:ILE:HD11	1	0.08	0.08
(1,3290)	1:A:67:GLY:HA2	1:A:82:ILE:HD12	1	0.08	0.08
(1,3290)	1:A:67:GLY:HA2	1:A:82:ILE:HD13	1	0.08	0.08
(1,3276)	1:A:61:GLU:HG2	1:A:63:THR:HG21	1	0.26	0.26
(1,3276)	1:A:61:GLU:HG2	1:A:63:THR:HG22	1	0.26	0.26
(1,3276)	1:A:61:GLU:HG2	1:A:63:THR:HG23	1	0.26	0.26
(1,3268)	1:A:60:LYS:HB2	1:A:61:GLU:HG2	1	0.05	0.05
(1,3263)	1:A:59:ASN:HD22	1:A:61:GLU:HG2	1	0.73	0.73
(1,3253)	1:A:58:SER:HB2	1:A:62:GLY:H	1	0.14	0.14
(1,325)	1:A:78:TYR:HB3	1:A:79:GLU:H	1	0.01	0.01
(1,3248)	1:A:57:GLU:HA	1:A:57:GLU:HG2	1	0.01	0.01
(1,3217)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:67:GLY:HA2	1	0.04	0.04
(1,3210)	1:A:55:ARG:HG2	1:A:70:TRP:HH2	1	0.47	0.47
(1,3209)	1:A:55:ARG:HG2	1:A:70:TRP:HZ3	1	0.72	0.72
(1,3201)	1:A:53:TRP:HB2	1:A:70:TRP:H	1	0.19	0.19
(1,3194)	1:A:47:LYS:HG3	1:A:52:ASP:HB3	1	0.07	0.07
(1,3178)	1:A:41:ARG:HD2	1:A:45:ASN:H	1	0.01	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,3165)	1:A:37:GLN:HG2	1:A:37:GLN:HE22	1	0.26	0.26
(1,3134)	1:A:31:ARG:H	1:A:33:LYS:HG2	1	0.02	0.02
(1,3108)	1:A:24:ASP:HB2	1:A:27:LEU:HD21	1	0.39	0.39
(1,3108)	1:A:24:ASP:HB2	1:A:27:LEU:HD22	1	0.39	0.39
(1,3108)	1:A:24:ASP:HB2	1:A:27:LEU:HD23	1	0.39	0.39
(1,3106)	1:A:24:ASP:HB2	1:A:27:LEU:H	1	0.07	0.07
(1,3101)	1:A:23:ARG:HA	1:A:23:ARG:HG2	1	0.22	0.22
(1,3100)	1:A:23:ARG:H	1:A:23:ARG:HG2	1	0.26	0.26
(1,3096)	1:A:22:PRO:HD2	1:A:86:ILE:HG21	1	0.12	0.12
(1,3096)	1:A:22:PRO:HD2	1:A:86:ILE:HG22	1	0.12	0.12
(1,3096)	1:A:22:PRO:HD2	1:A:86:ILE:HG23	1	0.12	0.12
(1,3089)	1:A:22:PRO:HB2	1:A:63:THR:HG21	1	0.15	0.15
(1,3089)	1:A:22:PRO:HB2	1:A:63:THR:HG22	1	0.15	0.15
(1,3089)	1:A:22:PRO:HB2	1:A:63:THR:HG23	1	0.15	0.15
(1,3075)	1:A:20:ALA:HB1	1:A:24:ASP:HB2	1	0.01	0.01
(1,3075)	1:A:20:ALA:HB2	1:A:24:ASP:HB2	1	0.01	0.01
(1,3075)	1:A:20:ALA:HB3	1:A:24:ASP:HB2	1	0.01	0.01
(1,3070)	1:A:19:ASN:HD21	1:A:130:PRO:HD2	1	0.09	0.09
(1,3068)	1:A:19:ASN:HD21	1:A:129:VAL:HG11	1	0.28	0.28
(1,3068)	1:A:19:ASN:HD21	1:A:129:VAL:HG12	1	0.28	0.28
(1,3068)	1:A:19:ASN:HD21	1:A:129:VAL:HG13	1	0.28	0.28
(1,3062)	1:A:19:ASN:HB2	1:A:91:PRO:HB2	1	0.03	0.03
(1,3041)	1:A:7:ARG:H	1:A:7:ARG:HG2	1	0.09	0.09
(1,3038)	1:A:4:GLU:HA	1:A:7:ARG:HG2	1	0.28	0.28
(1,3022)	1:A:121:PHE:HE1	1:A:140:LEU:HB2	1	1.45	1.45
(1,3011)	1:A:145:TRP:HE3	1:A:148:VAL:HB	1	0.01	0.01
(1,3007)	1:A:132:PHE:HE1	1:A:140:LEU:HG	1	0.72	0.72
(1,3004)	1:A:125:TRP:HZ3	1:A:137:LEU:HB2	1	0.03	0.03
(1,3001)	1:A:84:PHE:HE1	1:A:97:ILE:HB	1	0.51	0.51
(1,2921)	1:A:105:LYS:HD2	1:A:158:VAL:HG21	1	0.02	0.02
(1,2921)	1:A:105:LYS:HD2	1:A:158:VAL:HG22	1	0.02	0.02
(1,2921)	1:A:105:LYS:HD2	1:A:158:VAL:HG23	1	0.02	0.02
(1,2921)	1:A:105:LYS:HD3	1:A:158:VAL:HG21	1	0.02	0.02
(1,2921)	1:A:105:LYS:HD3	1:A:158:VAL:HG22	1	0.02	0.02
(1,2921)	1:A:105:LYS:HD3	1:A:158:VAL:HG23	1	0.02	0.02
(1,292)	1:A:69:CYS:HB3	1:A:70:TRP:H	1	0.01	0.01
(1,2877)	1:A:15:VAL:HG11	1:A:131:LYS:HD3	1	0.07	0.07
(1,2877)	1:A:15:VAL:HG12	1:A:131:LYS:HD3	1	0.07	0.07
(1,2877)	1:A:15:VAL:HG13	1:A:131:LYS:HD3	1	0.07	0.07
(1,2870)	1:A:15:VAL:HG11	1:A:131:LYS:HD2	1	0.02	0.02
(1,2870)	1:A:15:VAL:HG12	1:A:131:LYS:HD2	1	0.02	0.02
(1,2870)	1:A:15:VAL:HG13	1:A:131:LYS:HD2	1	0.02	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,2865)	1:A:124:LEU:HD21	1:A:140:LEU:HB3	1	0.03	0.03
(1,2865)	1:A:124:LEU:HD22	1:A:140:LEU:HB3	1	0.03	0.03
(1,2865)	1:A:124:LEU:HD23	1:A:140:LEU:HB3	1	0.03	0.03
(1,2842)	1:A:94:ALA:HB1	1:A:125:TRP:HH2	1	0.01	0.01
(1,2842)	1:A:94:ALA:HB2	1:A:125:TRP:HH2	1	0.01	0.01
(1,2842)	1:A:94:ALA:HB3	1:A:125:TRP:HH2	1	0.01	0.01
(1,2825)	1:A:72:ILE:HD11	1:A:77:LYS:HE3	1	0.01	0.01
(1,2825)	1:A:72:ILE:HD12	1:A:77:LYS:HE3	1	0.01	0.01
(1,2825)	1:A:72:ILE:HD13	1:A:77:LYS:HE3	1	0.01	0.01
(1,2824)	1:A:72:ILE:HD11	1:A:77:LYS:HD3	1	0.01	0.01
(1,2824)	1:A:72:ILE:HD12	1:A:77:LYS:HD3	1	0.01	0.01
(1,2824)	1:A:72:ILE:HD13	1:A:77:LYS:HD3	1	0.01	0.01
(1,2808)	1:A:102:LEU:H	1:A:109:MET:HE1	1	0.04	0.04
(1,2808)	1:A:102:LEU:H	1:A:109:MET:HE2	1	0.04	0.04
(1,2808)	1:A:102:LEU:H	1:A:109:MET:HE3	1	0.04	0.04
(1,2805)	1:A:109:MET:HE1	1:A:145:TRP:HH2	1	0.01	0.01
(1,2805)	1:A:109:MET:HE2	1:A:145:TRP:HH2	1	0.01	0.01
(1,2805)	1:A:109:MET:HE3	1:A:145:TRP:HH2	1	0.01	0.01
(1,2797)	1:A:106:THR:HG21	1:A:109:MET:HE1	1	0.03	0.03
(1,2797)	1:A:106:THR:HG21	1:A:109:MET:HE2	1	0.03	0.03
(1,2797)	1:A:106:THR:HG21	1:A:109:MET:HE3	1	0.03	0.03
(1,2797)	1:A:106:THR:HG22	1:A:109:MET:HE1	1	0.03	0.03
(1,2797)	1:A:106:THR:HG22	1:A:109:MET:HE2	1	0.03	0.03
(1,2797)	1:A:106:THR:HG22	1:A:109:MET:HE3	1	0.03	0.03
(1,2797)	1:A:106:THR:HG23	1:A:109:MET:HE1	1	0.03	0.03
(1,2797)	1:A:106:THR:HG23	1:A:109:MET:HE2	1	0.03	0.03
(1,2797)	1:A:106:THR:HG23	1:A:109:MET:HE3	1	0.03	0.03
(1,2770)	1:A:76:LEU:HD21	1:A:164:LYS:HE2	1	0.05	0.05
(1,2770)	1:A:76:LEU:HD21	1:A:164:LYS:HE3	1	0.05	0.05
(1,2770)	1:A:76:LEU:HD22	1:A:164:LYS:HE2	1	0.05	0.05
(1,2770)	1:A:76:LEU:HD22	1:A:164:LYS:HE3	1	0.05	0.05
(1,2770)	1:A:76:LEU:HD23	1:A:164:LYS:HE2	1	0.05	0.05
(1,2770)	1:A:76:LEU:HD23	1:A:164:LYS:HE3	1	0.05	0.05
(1,2765)	1:A:76:LEU:HD21	1:A:164:LYS:HB2	1	0.04	0.04
(1,2765)	1:A:76:LEU:HD22	1:A:164:LYS:HB2	1	0.04	0.04
(1,2765)	1:A:76:LEU:HD23	1:A:164:LYS:HB2	1	0.04	0.04
(1,2746)	1:A:80:PHE:HZ	1:A:159:ILE:HG21	1	0.01	0.01
(1,2746)	1:A:80:PHE:HZ	1:A:159:ILE:HG22	1	0.01	0.01
(1,2746)	1:A:80:PHE:HZ	1:A:159:ILE:HG23	1	0.01	0.01
(1,2735)	1:A:78:TYR:HB2	1:A:154:ILE:HG21	1	0.02	0.02
(1,2735)	1:A:78:TYR:HB2	1:A:154:ILE:HG22	1	0.02	0.02
(1,2735)	1:A:78:TYR:HB2	1:A:154:ILE:HG23	1	0.02	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,2731)	1:A:151:PRO:HA	1:A:154:ILE:HD11	1	0.01	0.01
(1,2731)	1:A:151:PRO:HA	1:A:154:ILE:HD12	1	0.01	0.01
(1,2731)	1:A:151:PRO:HA	1:A:154:ILE:HD13	1	0.01	0.01
(1,2718)	1:A:153:LEU:HD11	1:A:156:LYS:HE2	1	0.01	0.01
(1,2718)	1:A:153:LEU:HD11	1:A:156:LYS:HE3	1	0.01	0.01
(1,2718)	1:A:153:LEU:HD12	1:A:156:LYS:HE2	1	0.01	0.01
(1,2718)	1:A:153:LEU:HD12	1:A:156:LYS:HE3	1	0.01	0.01
(1,2718)	1:A:153:LEU:HD13	1:A:156:LYS:HE2	1	0.01	0.01
(1,2718)	1:A:153:LEU:HD13	1:A:156:LYS:HE3	1	0.01	0.01
(1,2714)	1:A:106:THR:HB	1:A:153:LEU:HD21	1	0.02	0.02
(1,2714)	1:A:106:THR:HB	1:A:153:LEU:HD22	1	0.02	0.02
(1,2714)	1:A:106:THR:HB	1:A:153:LEU:HD23	1	0.02	0.02
(1,2707)	1:A:146:LEU:HA	1:A:150:ILE:HD11	1	0.02	0.02
(1,2707)	1:A:146:LEU:HA	1:A:150:ILE:HD12	1	0.02	0.02
(1,2707)	1:A:146:LEU:HA	1:A:150:ILE:HD13	1	0.02	0.02
(1,270)	1:A:64:ARG:H	1:A:64:ARG:HB3	1	0.01	0.01
(1,2640)	1:A:125:TRP:HZ3	1:A:137:LEU:HD11	1	0.02	0.02
(1,2640)	1:A:125:TRP:HZ3	1:A:137:LEU:HD12	1	0.02	0.02
(1,2640)	1:A:125:TRP:HZ3	1:A:137:LEU:HD13	1	0.02	0.02
(1,2625)	1:A:95:PRO:HG2	1:A:134:LEU:HD11	1	0.01	0.01
(1,2625)	1:A:95:PRO:HG2	1:A:134:LEU:HD12	1	0.01	0.01
(1,2625)	1:A:95:PRO:HG2	1:A:134:LEU:HD13	1	0.01	0.01
(1,2615)	1:A:84:PHE:HE1	1:A:134:LEU:HD21	1	0.02	0.02
(1,2615)	1:A:84:PHE:HE1	1:A:134:LEU:HD22	1	0.02	0.02
(1,2615)	1:A:84:PHE:HE1	1:A:134:LEU:HD23	1	0.02	0.02
(1,2606)	1:A:92:THR:HA	1:A:129:VAL:HG21	1	0.01	0.01
(1,2606)	1:A:92:THR:HA	1:A:129:VAL:HG22	1	0.01	0.01
(1,2606)	1:A:92:THR:HA	1:A:129:VAL:HG23	1	0.01	0.01
(1,2588)	1:A:124:LEU:HD21	1:A:132:PHE:HE1	1	0.06	0.06
(1,2588)	1:A:124:LEU:HD22	1:A:132:PHE:HE1	1	0.06	0.06
(1,2588)	1:A:124:LEU:HD23	1:A:132:PHE:HE1	1	0.06	0.06
(1,2585)	1:A:115:ILE:HD11	1:A:117:LEU:HD21	1	0.02	0.02
(1,2585)	1:A:115:ILE:HD11	1:A:117:LEU:HD22	1	0.02	0.02
(1,2585)	1:A:115:ILE:HD11	1:A:117:LEU:HD23	1	0.02	0.02
(1,2585)	1:A:115:ILE:HD12	1:A:117:LEU:HD21	1	0.02	0.02
(1,2585)	1:A:115:ILE:HD12	1:A:117:LEU:HD22	1	0.02	0.02
(1,2585)	1:A:115:ILE:HD12	1:A:117:LEU:HD23	1	0.02	0.02
(1,2585)	1:A:115:ILE:HD13	1:A:117:LEU:HD21	1	0.02	0.02
(1,2585)	1:A:115:ILE:HD13	1:A:117:LEU:HD22	1	0.02	0.02
(1,2585)	1:A:115:ILE:HD13	1:A:117:LEU:HD23	1	0.02	0.02
(1,2582)	1:A:117:LEU:HD11	1:A:141:GLY:HA3	1	0.02	0.02
(1,2582)	1:A:117:LEU:HD12	1:A:141:GLY:HA3	1	0.02	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,2582)	1:A:117:LEU:HD13	1:A:141:GLY:HA3	1	0.02	0.02
(1,2570)	1:A:110:TYR:HD1	1:A:115:ILE:HG21	1	1.66	1.66
(1,2570)	1:A:110:TYR:HD1	1:A:115:ILE:HG22	1	1.66	1.66
(1,2570)	1:A:110:TYR:HD1	1:A:115:ILE:HG23	1	1.66	1.66
(1,2555)	1:A:106:THR:HG21	1:A:145:TRP:HZ2	1	0.04	0.04
(1,2555)	1:A:106:THR:HG22	1:A:145:TRP:HZ2	1	0.04	0.04
(1,2555)	1:A:106:THR:HG23	1:A:145:TRP:HZ2	1	0.04	0.04
(1,2554)	1:A:102:LEU:HD21	1:A:105:LYS:HE2	1	0.03	0.03
(1,2554)	1:A:102:LEU:HD21	1:A:105:LYS:HE3	1	0.03	0.03
(1,2554)	1:A:102:LEU:HD22	1:A:105:LYS:HE2	1	0.03	0.03
(1,2554)	1:A:102:LEU:HD22	1:A:105:LYS:HE3	1	0.03	0.03
(1,2554)	1:A:102:LEU:HD23	1:A:105:LYS:HE2	1	0.03	0.03
(1,2554)	1:A:102:LEU:HD23	1:A:105:LYS:HE3	1	0.03	0.03
(1,2529)	1:A:97:ILE:HD11	1:A:115:ILE:HD11	1	0.01	0.01
(1,2529)	1:A:97:ILE:HD11	1:A:115:ILE:HD12	1	0.01	0.01
(1,2529)	1:A:97:ILE:HD11	1:A:115:ILE:HD13	1	0.01	0.01
(1,2529)	1:A:97:ILE:HD12	1:A:115:ILE:HD11	1	0.01	0.01
(1,2529)	1:A:97:ILE:HD12	1:A:115:ILE:HD12	1	0.01	0.01
(1,2529)	1:A:97:ILE:HD12	1:A:115:ILE:HD13	1	0.01	0.01
(1,2529)	1:A:97:ILE:HD13	1:A:115:ILE:HD11	1	0.01	0.01
(1,2529)	1:A:97:ILE:HD13	1:A:115:ILE:HD12	1	0.01	0.01
(1,2529)	1:A:97:ILE:HD13	1:A:115:ILE:HD13	1	0.01	0.01
(1,2522)	1:A:97:ILE:HD11	1:A:142:LEU:HB2	1	0.05	0.05
(1,2522)	1:A:97:ILE:HD12	1:A:142:LEU:HB2	1	0.05	0.05
(1,2522)	1:A:97:ILE:HD13	1:A:142:LEU:HB2	1	0.05	0.05
(1,25)	1:A:8:ARG:HA	1:A:11:SER:H	1	0.02	0.02
(1,2495)	1:A:92:THR:HA	1:A:129:VAL:HG11	1	0.06	0.06
(1,2495)	1:A:92:THR:HA	1:A:129:VAL:HG12	1	0.06	0.06
(1,2495)	1:A:92:THR:HA	1:A:129:VAL:HG13	1	0.06	0.06
(1,2468)	1:A:84:PHE:HE1	1:A:86:ILE:HD11	1	0.78	0.78
(1,2468)	1:A:84:PHE:HE1	1:A:86:ILE:HD12	1	0.78	0.78
(1,2468)	1:A:84:PHE:HE1	1:A:86:ILE:HD13	1	0.78	0.78
(1,2460)	1:A:54:PHE:HB3	1:A:82:ILE:HD11	1	0.04	0.04
(1,2460)	1:A:54:PHE:HB3	1:A:82:ILE:HD12	1	0.04	0.04
(1,2460)	1:A:54:PHE:HB3	1:A:82:ILE:HD13	1	0.04	0.04
(1,2447)	1:A:76:LEU:HD11	1:A:161:HIS:HB2	1	0.04	0.04
(1,2447)	1:A:76:LEU:HD12	1:A:161:HIS:HB2	1	0.04	0.04
(1,2447)	1:A:76:LEU:HD13	1:A:161:HIS:HB2	1	0.04	0.04
(1,2436)	1:A:72:ILE:HD11	1:A:77:LYS:HE2	1	0.01	0.01
(1,2436)	1:A:72:ILE:HD12	1:A:77:LYS:HE2	1	0.01	0.01
(1,2436)	1:A:72:ILE:HD13	1:A:77:LYS:HE2	1	0.01	0.01
(1,2429)	1:A:70:TRP:HD1	1:A:72:ILE:HD11	1	0.03	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,2429)	1:A:70:TRP:HD1	1:A:72:ILE:HD12	1	0.03	0.03
(1,2429)	1:A:70:TRP:HD1	1:A:72:ILE:HD13	1	0.03	0.03
(1,2414)	1:A:22:PRO:HA	1:A:63:THR:HG21	1	0.01	0.01
(1,2414)	1:A:22:PRO:HA	1:A:63:THR:HG22	1	0.01	0.01
(1,2414)	1:A:22:PRO:HA	1:A:63:THR:HG23	1	0.01	0.01
(1,2404)	1:A:56:LEU:HD11	1:A:67:GLY:HA3	1	0.01	0.01
(1,2404)	1:A:56:LEU:HD12	1:A:67:GLY:HA3	1	0.01	0.01
(1,2404)	1:A:56:LEU:HD13	1:A:67:GLY:HA3	1	0.01	0.01
(1,237)	1:A:54:PHE:HB3	1:A:55:ARG:H	1	0.01	0.01
(1,2353)	1:A:16:LEU:HD21	1:A:38:SER:HA	1	0.06	0.06
(1,2353)	1:A:16:LEU:HD22	1:A:38:SER:HA	1	0.06	0.06
(1,2353)	1:A:16:LEU:HD23	1:A:38:SER:HA	1	0.06	0.06
(1,2307)	1:A:18:THR:HG21	1:A:31:ARG:HB3	1	0.04	0.04
(1,2307)	1:A:18:THR:HG22	1:A:31:ARG:HB3	1	0.04	0.04
(1,2307)	1:A:18:THR:HG23	1:A:31:ARG:HB3	1	0.04	0.04
(1,2302)	1:A:16:LEU:HD11	1:A:133:GLY:HA2	1	0.69	0.69
(1,2302)	1:A:16:LEU:HD12	1:A:133:GLY:HA2	1	0.69	0.69
(1,2302)	1:A:16:LEU:HD13	1:A:133:GLY:HA2	1	0.69	0.69
(1,2298)	1:A:16:LEU:HD21	1:A:133:GLY:HA2	1	1.09	1.09
(1,2298)	1:A:16:LEU:HD22	1:A:133:GLY:HA2	1	1.09	1.09
(1,2298)	1:A:16:LEU:HD23	1:A:133:GLY:HA2	1	1.09	1.09
(1,2267)	1:A:10:VAL:HA	1:A:13:ILE:HD11	1	0.01	0.01
(1,2267)	1:A:10:VAL:HA	1:A:13:ILE:HD12	1	0.01	0.01
(1,2267)	1:A:10:VAL:HA	1:A:13:ILE:HD13	1	0.01	0.01
(1,2262)	1:A:13:ILE:HG21	1:A:38:SER:HB2	1	0.06	0.06
(1,2262)	1:A:13:ILE:HG21	1:A:38:SER:HB3	1	0.06	0.06
(1,2262)	1:A:13:ILE:HG22	1:A:38:SER:HB2	1	0.06	0.06
(1,2262)	1:A:13:ILE:HG22	1:A:38:SER:HB3	1	0.06	0.06
(1,2262)	1:A:13:ILE:HG23	1:A:38:SER:HB2	1	0.06	0.06
(1,2262)	1:A:13:ILE:HG23	1:A:38:SER:HB3	1	0.06	0.06
(1,2253)	1:A:10:VAL:HG11	1:A:132:PHE:HE1	1	0.54	0.54
(1,2253)	1:A:10:VAL:HG12	1:A:132:PHE:HE1	1	0.54	0.54
(1,2253)	1:A:10:VAL:HG13	1:A:132:PHE:HE1	1	0.54	0.54
(1,224)	1:A:51:ASN:H	1:A:51:ASN:HB2	1	0.17	0.17
(1,2217)	1:A:153:LEU:HA	1:A:153:LEU:HD11	1	0.24	0.24
(1,2217)	1:A:153:LEU:HA	1:A:153:LEU:HD12	1	0.24	0.24
(1,2217)	1:A:153:LEU:HA	1:A:153:LEU:HD13	1	0.24	0.24
(1,2148)	1:A:75:LEU:HA	1:A:75:LEU:HD11	1	0.01	0.01
(1,2148)	1:A:75:LEU:HA	1:A:75:LEU:HD12	1	0.01	0.01
(1,2148)	1:A:75:LEU:HA	1:A:75:LEU:HD13	1	0.01	0.01
(1,2121)	1:A:27:LEU:HA	1:A:27:LEU:HD11	1	0.2	0.2
(1,2121)	1:A:27:LEU:HA	1:A:27:LEU:HD12	1	0.2	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,2121)	1:A:27:LEU:HA	1:A:27:LEU:HD13	1	0.2	0.2
(1,2085)	1:A:70:TRP:HD1	1:A:77:LYS:HD2	1	0.05	0.05
(1,2079)	1:A:71:TYR:HD1	1:A:150:ILE:HB	1	0.38	0.38
(1,2071)	1:A:121:PHE:HE1	1:A:125:TRP:HZ3	1	0.04	0.04
(1,2065)	1:A:71:TYR:HB2	1:A:80:PHE:HE1	1	1.07	1.07
(1,2065)	1:A:71:TYR:HB3	1:A:80:PHE:HE1	1	1.07	1.07
(1,2059)	1:A:128:ASN:HB3	1:A:132:PHE:HE1	1	0.01	0.01
(1,2057)	1:A:64:ARG:HB2	1:A:66:PHE:HE1	1	1.07	1.07
(1,2052)	1:A:42:TYR:HE1	1:A:46:ASN:HD22	1	0.35	0.35
(1,2049)	1:A:121:PHE:HE1	1:A:140:LEU:HB3	1	2.32	2.32
(1,2048)	1:A:121:PHE:HZ	1:A:125:TRP:HB3	1	0.01	0.01
(1,2039)	1:A:53:TRP:HZ2	1:A:139:ALA:HA	1	0.02	0.02
(1,1985)	1:A:131:LYS:H	1:A:131:LYS:HD3	1	0.09	0.09
(1,1981)	1:A:131:LYS:H	1:A:131:LYS:HG3	1	0.02	0.02
(1,1977)	1:A:111:ARG:H	1:A:111:ARG:HG3	1	0.02	0.02
(1,1969)	1:A:66:PHE:HB3	1:A:83:GLU:HA	1	0.02	0.02
(1,1954)	1:A:127:ARG:HA	1:A:127:ARG:HG3	1	0.05	0.05
(1,1943)	1:A:24:ASP:HB3	1:A:27:LEU:HB2	1	0.02	0.02
(1,1938)	1:A:154:ILE:HA	1:A:159:ILE:HB	1	0.03	0.03
(1,193)	1:A:43:VAL:HA	1:A:45:ASN:H	1	0.01	0.01
(1,1929)	1:A:121:PHE:HE1	1:A:137:LEU:HA	1	2.23	2.23
(1,1921)	1:A:127:ARG:HB2	1:A:128:ASN:HD22	1	0.01	0.01
(1,1897)	1:A:117:LEU:HA	1:A:145:TRP:HD1	1	0.01	0.01
(1,1896)	1:A:110:TYR:HD1	1:A:115:ILE:HA	1	1.86	1.86
(1,1885)	1:A:90:TYR:HE1	1:A:95:PRO:HD3	1	0.01	0.01
(1,1865)	1:A:70:TRP:HD1	1:A:77:LYS:HD3	1	0.05	0.05
(1,1840)	1:A:66:PHE:HB2	1:A:83:GLU:HB2	1	0.03	0.03
(1,1825)	1:A:56:LEU:HG	1:A:65:TRP:HZ3	1	0.02	0.02
(1,1818)	1:A:46:ASN:HA	1:A:51:ASN:HB2	1	0.01	0.01
(1,1810)	1:A:41:ARG:HD2	1:A:44:GLU:HB3	1	0.04	0.04
(1,1803)	1:A:36:TYR:H	1:A:37:GLN:HG2	1	0.02	0.02
(1,1774)	1:A:16:LEU:HG	1:A:34:GLU:HB3	1	0.01	0.01
(1,1768)	1:A:15:VAL:HA	1:A:136:HIS:HE1	1	0.02	0.02
(1,1767)	1:A:13:ILE:HA	1:A:41:ARG:HB2	1	0.03	0.03
(1,1755)	1:A:3:ASP:HB2	1:A:6:THR:HB	1	0.03	0.03
(1,1755)	1:A:3:ASP:HB3	1:A:6:THR:HB	1	0.03	0.03
(1,1740)	1:A:162:LYS:HA	1:A:162:LYS:HE2	1	0.01	0.01
(1,1740)	1:A:162:LYS:HA	1:A:162:LYS:HE3	1	0.01	0.01
(1,1735)	1:A:156:LYS:HB2	1:A:156:LYS:HE2	1	0.05	0.05
(1,1735)	1:A:156:LYS:HB2	1:A:156:LYS:HE3	1	0.05	0.05
(1,1729)	1:A:156:LYS:HB2	1:A:156:LYS:HD2	1	0.06	0.06
(1,1728)	1:A:156:LYS:HA	1:A:156:LYS:HE2	1	0.02	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,1728)	1:A:156:LYS:HA	1:A:156:LYS:HE3	1	0.02	0.02
(1,1725)	1:A:156:LYS:HA	1:A:156:LYS:HG3	1	0.02	0.02
(1,1716)	1:A:142:LEU:HA	1:A:142:LEU:HG	1	0.25	0.25
(1,1713)	1:A:131:LYS:H	1:A:131:LYS:HD2	1	0.17	0.17
(1,169)	1:A:37:GLN:HA	1:A:41:ARG:H	1	0.04	0.04
(1,1671)	1:A:96:GLU:HG3	1:A:97:ILE:H	1	0.05	0.05
(1,1670)	1:A:96:GLU:HA	1:A:96:GLU:HG3	1	0.2	0.2
(1,1644)	1:A:64:ARG:HD3	1:A:65:TRP:H	1	0.01	0.01
(1,1629)	1:A:60:LYS:HA	1:A:60:LYS:HE2	1	0.14	0.14
(1,1629)	1:A:60:LYS:HA	1:A:60:LYS:HE3	1	0.14	0.14
(1,162)	1:A:38:SER:H	1:A:40:ILE:H	1	0.01	0.01
(1,1599)	1:A:37:GLN:H	1:A:37:GLN:HG3	1	0.03	0.03
(1,1598)	1:A:37:GLN:HG2	1:A:38:SER:H	1	0.02	0.02
(1,1595)	1:A:37:GLN:H	1:A:37:GLN:HG2	1	0.06	0.06
(1,1573)	1:A:26:GLU:H	1:A:26:GLU:HG2	1	0.02	0.02
(1,1573)	1:A:26:GLU:H	1:A:26:GLU:HG3	1	0.02	0.02
(1,1572)	1:A:25:ARG:HB3	1:A:25:ARG:HG2	1	0.01	0.01
(1,1566)	1:A:23:ARG:H	1:A:23:ARG:HD2	1	0.06	0.06
(1,1566)	1:A:23:ARG:H	1:A:23:ARG:HD3	1	0.06	0.06
(1,1565)	1:A:23:ARG:HA	1:A:23:ARG:HG3	1	0.01	0.01
(1,1554)	1:A:13:ILE:HA	1:A:14:PRO:HD2	1	0.01	0.01
(1,1539)	1:A:122:LYS:HA	1:A:126:ALA:H	1	0.02	0.02
(1,1503)	1:A:129:VAL:HA	1:A:131:LYS:H	1	0.05	0.05
(1,1499)	1:A:103:ASP:HA	1:A:105:LYS:H	1	0.08	0.08
(1,1488)	1:A:64:ARG:HA	1:A:85:ASP:HA	1	0.05	0.05
(1,147)	1:A:36:TYR:HB2	1:A:37:GLN:H	1	0.03	0.03
(1,1458)	1:A:23:ARG:HB3	1:A:24:ASP:HA	1	0.04	0.04
(1,1445)	1:A:4:GLU:HA	1:A:6:THR:H	1	0.01	0.01
(1,1439)	1:A:163:GLU:HB2	1:A:164:LYS:H	1	0.04	0.04
(1,1408)	1:A:117:LEU:HB2	1:A:118:THR:H	1	0.03	0.03
(1,1403)	1:A:116:CYS:H	1:A:116:CYS:HB3	1	0.04	0.04
(1,1389)	1:A:85:ASP:H	1:A:85:ASP:HB2	1	0.01	0.01
(1,1372)	1:A:45:ASN:HA	1:A:48:ASN:HB2	1	0.04	0.04
(1,1372)	1:A:45:ASN:HA	1:A:48:ASN:HB3	1	0.04	0.04
(1,1370)	1:A:45:ASN:HA	1:A:45:ASN:HB3	1	0.03	0.03
(1,1368)	1:A:41:ARG:HA	1:A:44:GLU:HB3	1	0.01	0.01
(1,1354)	1:A:38:SER:HA	1:A:41:ARG:HB3	1	0.07	0.07
(1,1350)	1:A:37:GLN:HA	1:A:40:ILE:H	1	0.03	0.03
(1,1333)	1:A:26:GLU:HA	1:A:29:VAL:HB	1	0.04	0.04
(1,1316)	1:A:12:GLU:HA	1:A:13:ILE:H	1	0.01	0.01
(1,1308)	1:A:6:THR:H	1:A:6:THR:HB	1	0.12	0.12
(1,1307)	1:A:6:THR:HA	1:A:9:VAL:HB	1	0.01	0.01

Continued on next page...

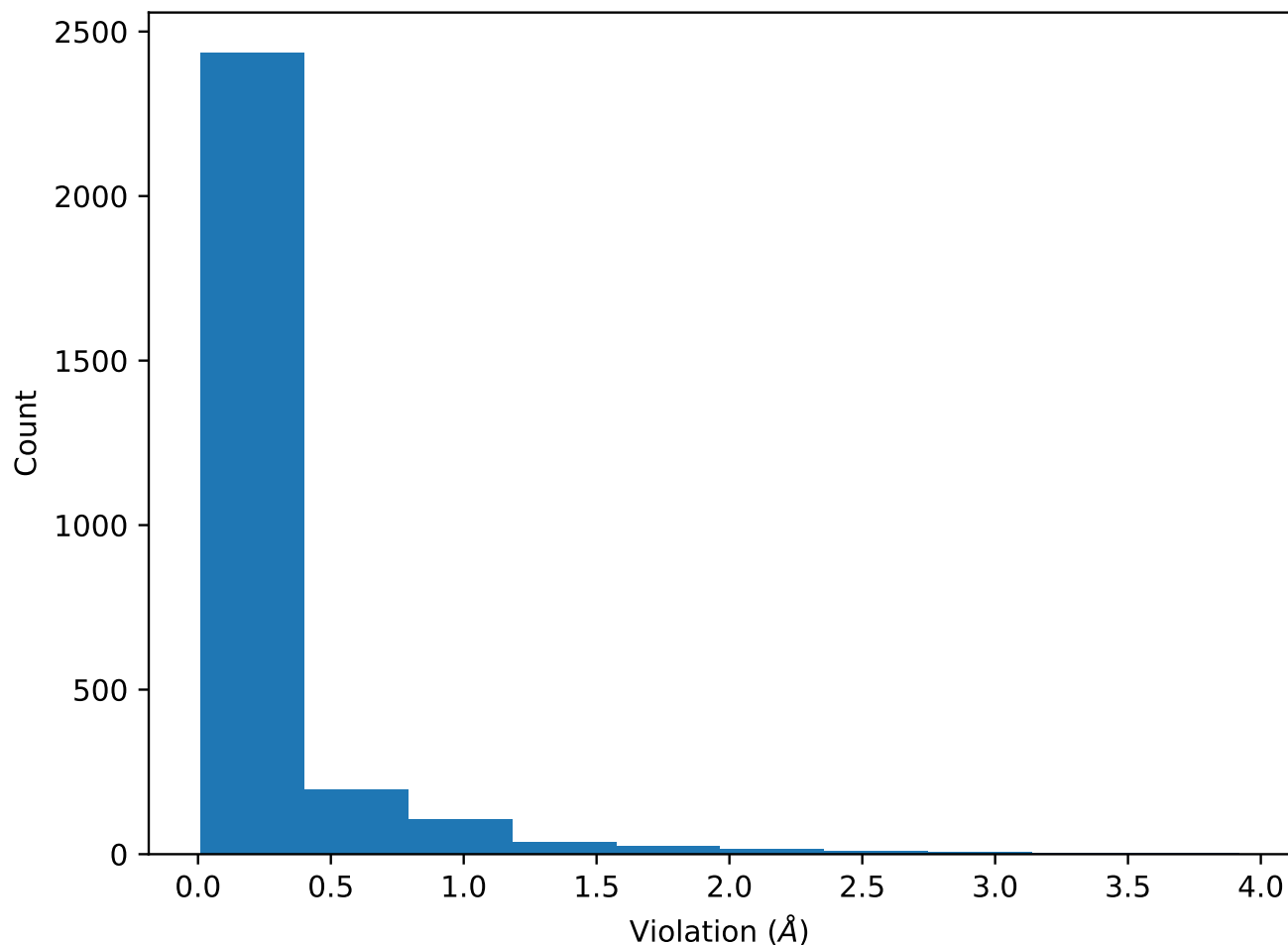
Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,1228)	1:A:27:LEU:HD11	1:A:30:GLN:H	1	0.1	0.1
(1,1228)	1:A:27:LEU:HD12	1:A:30:GLN:H	1	0.1	0.1
(1,1228)	1:A:27:LEU:HD13	1:A:30:GLN:H	1	0.1	0.1
(1,1212)	1:A:19:ASN:HD22	1:A:129:VAL:HG11	1	0.04	0.04
(1,1212)	1:A:19:ASN:HD22	1:A:129:VAL:HG12	1	0.04	0.04
(1,1212)	1:A:19:ASN:HD22	1:A:129:VAL:HG13	1	0.04	0.04
(1,1211)	1:A:19:ASN:HD21	1:A:129:VAL:HG11	1	0.01	0.01
(1,1211)	1:A:19:ASN:HD21	1:A:129:VAL:HG12	1	0.01	0.01
(1,1211)	1:A:19:ASN:HD21	1:A:129:VAL:HG13	1	0.01	0.01
(1,118)	1:A:32:LEU:HB3	1:A:33:LYS:H	1	0.02	0.02
(1,1163)	1:A:97:ILE:H	1:A:97:ILE:HD11	1	0.01	0.01
(1,1163)	1:A:97:ILE:H	1:A:97:ILE:HD12	1	0.01	0.01
(1,1163)	1:A:97:ILE:H	1:A:97:ILE:HD13	1	0.01	0.01
(1,1159)	1:A:89:THR:H	1:A:89:THR:HG21	1	0.02	0.02
(1,1159)	1:A:89:THR:H	1:A:89:THR:HG22	1	0.02	0.02
(1,1159)	1:A:89:THR:H	1:A:89:THR:HG23	1	0.02	0.02
(1,1156)	1:A:88:ILE:H	1:A:88:ILE:HD11	1	0.03	0.03
(1,1156)	1:A:88:ILE:H	1:A:88:ILE:HD12	1	0.03	0.03
(1,1156)	1:A:88:ILE:H	1:A:88:ILE:HD13	1	0.03	0.03
(1,1116)	1:A:127:ARG:H	1:A:127:ARG:HG3	1	0.01	0.01
(1,1108)	1:A:46:ASN:HD22	1:A:53:TRP:HD1	1	0.07	0.07
(1,1093)	1:A:116:CYS:H	1:A:145:TRP:HE1	1	0.03	0.03
(1,1086)	1:A:46:ASN:HD22	1:A:53:TRP:HE1	1	0.03	0.03
(1,1078)	1:A:121:PHE:HE1	1:A:140:LEU:H	1	2.96	2.96
(1,1073)	1:A:39:LEU:HG	1:A:135:ALA:H	1	0.01	0.01
(1,1063)	1:A:94:ALA:HA	1:A:125:TRP:HE1	1	0.04	0.04
(1,1038)	1:A:54:PHE:HB3	1:A:70:TRP:H	1	0.12	0.12
(1,1028)	1:A:65:TRP:HE1	1:A:86:ILE:HG12	1	0.01	0.01
(1,1018)	1:A:59:ASN:HD22	1:A:64:ARG:H	1	0.05	0.05
(1,1016)	1:A:59:ASN:HD21	1:A:64:ARG:H	1	0.05	0.05
(1,1011)	1:A:59:ASN:HD22	1:A:64:ARG:HB2	1	0.03	0.03
(1,1010)	1:A:59:ASN:HD22	1:A:64:ARG:HB3	1	0.04	0.04
(1,1009)	1:A:59:ASN:HD21	1:A:64:ARG:HB2	1	0.03	0.03
(1,1007)	1:A:59:ASN:H	1:A:66:PHE:HE1	1	0.15	0.15
(1,1001)	1:A:46:ASN:HD22	1:A:53:TRP:H	1	0.02	0.02

8.8 All distance violations

8.8.1 Histogram : Distribution of distance violations

The following histogram shows the distribution of violations in the ensemble.



8.8.2 Table : All distance violations

The following table lists the violations in the ensemble sorted by violation value

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,2091)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:H	19	3.92
(1,2058)	1:A:64:ARG:HD3	1:A:66:PHE:HE1	15	3.71
(1,3316)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG2	2	3.63
(1,3448)	1:A:110:TYR:HD1	1:A:114:LYS:HD2	19	3.47
(1,2031)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG2	2	3.44
(1,2022)	1:A:32:LEU:HB3	1:A:36:TYR:HE1	15	3.4
(1,2022)	1:A:32:LEU:HB3	1:A:36:TYR:HE1	1	3.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,2022)	1:A:32:LEU:HB3	1:A:36:TYR:HE1	10	3.15
(1,3315)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HB2	2	2.99
(1,2021)	1:A:32:LEU:HB2	1:A:36:TYR:HE1	10	2.97
(1,2021)	1:A:32:LEU:HB2	1:A:36:TYR:HE1	15	2.96
(1,1078)	1:A:121:PHE:HE1	1:A:140:LEU:H	10	2.96
(1,3316)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG2	11	2.91
(1,2021)	1:A:32:LEU:HB2	1:A:36:TYR:HE1	1	2.84
(1,3316)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG2	4	2.76
(1,3315)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HB2	20	2.72
(1,2031)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG2	11	2.72
(1,1934)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:147:ALA:HA	2	2.67
(1,1828)	1:A:54:PHE:HE1	1:A:56:LEU:HG	8	2.6
(1,2022)	1:A:32:LEU:HB3	1:A:36:TYR:HE1	17	2.58
(1,2031)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG2	4	2.57
(1,2044)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:116:CYS:HA	7	2.52
(1,3315)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HB2	11	2.44
(1,3284)	1:A:64:ARG:HD2	1:A:66:PHE:HE1	15	2.4
(1,3315)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HB2	9	2.34
(1,3315)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HB2	4	2.32
(1,2049)	1:A:121:PHE:HE1	1:A:140:LEU:HB3	10	2.32
(1,3316)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG2	1	2.29
(1,1929)	1:A:121:PHE:HE1	1:A:137:LEU:HA	10	2.23
(1,2087)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:150:ILE:HG13	20	2.21
(1,3315)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HB2	1	2.2
(1,2021)	1:A:32:LEU:HB2	1:A:36:TYR:HE1	2	2.17
(1,2021)	1:A:32:LEU:HB2	1:A:36:TYR:HE1	13	2.12
(1,2031)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG2	1	2.1
(1,2030)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:73:HIS:HB3	19	2.03
(1,2050)	1:A:64:ARG:HD2	1:A:66:PHE:HE1	15	2.02
(1,3316)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG2	20	2.0
(1,2091)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:H	12	2.0
(1,2030)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:73:HIS:HB3	2	2.0
(1,2022)	1:A:32:LEU:HB3	1:A:36:TYR:HE1	2	1.97
(1,1936)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG3	2	1.97
(1,2022)	1:A:32:LEU:HB3	1:A:36:TYR:HE1	13	1.93
(1,2021)	1:A:32:LEU:HB2	1:A:36:TYR:HE1	17	1.92
(1,3316)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG2	19	1.89
(1,3282)	1:A:64:ARG:HG2	1:A:66:PHE:HE1	15	1.89
(1,1934)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:147:ALA:HA	20	1.88
(1,1896)	1:A:110:TYR:HD1	1:A:115:ILE:HA	19	1.86
(1,2977)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:HG21	19	1.85
(1,2977)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:HG22	19	1.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,2977)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:HG23	19	1.85
(1,3399)	1:A:96:GLU:HB2	1:A:114:LYS:HB2	8	1.83
(1,2031)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG2	20	1.81
(1,2091)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:H	8	1.71
(1,2031)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG2	19	1.7
(1,2570)	1:A:110:TYR:HD1	1:A:115:ILE:HG21	19	1.66
(1,2570)	1:A:110:TYR:HD1	1:A:115:ILE:HG22	19	1.66
(1,2570)	1:A:110:TYR:HD1	1:A:115:ILE:HG23	19	1.66
(1,2021)	1:A:32:LEU:HB2	1:A:36:TYR:HE1	20	1.63
(1,3448)	1:A:110:TYR:HD1	1:A:114:LYS:HD2	12	1.61
(1,2022)	1:A:32:LEU:HB3	1:A:36:TYR:HE1	5	1.61
(1,638)	1:A:58:SER:H	1:A:62:GLY:HA3	3	1.6
(1,638)	1:A:58:SER:H	1:A:62:GLY:HA3	11	1.6
(1,3316)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG2	6	1.6
(1,2044)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:116:CYS:HA	19	1.6
(1,3316)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG2	9	1.59
(1,1017)	1:A:64:ARG:H	1:A:66:PHE:HE1	15	1.59
(1,638)	1:A:58:SER:H	1:A:62:GLY:HA3	17	1.58
(1,1858)	1:A:73:HIS:HB2	1:A:78:TYR:HE1	8	1.57
(1,1076)	1:A:42:TYR:HE1	1:A:139:ALA:H	13	1.54
(1,3315)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HB2	6	1.52
(1,1828)	1:A:54:PHE:HE1	1:A:56:LEU:HG	16	1.51
(1,2021)	1:A:32:LEU:HB2	1:A:36:TYR:HE1	9	1.5
(1,2044)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:116:CYS:HA	10	1.47
(1,3022)	1:A:121:PHE:HE1	1:A:140:LEU:HB2	10	1.45
(1,2022)	1:A:32:LEU:HB3	1:A:36:TYR:HE1	20	1.44
(1,3399)	1:A:96:GLU:HB2	1:A:114:LYS:HB2	19	1.43
(1,3176)	1:A:41:ARG:HG2	1:A:45:ASN:HD22	1	1.42
(1,3315)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HB2	5	1.41
(1,2031)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG2	6	1.41
(1,638)	1:A:58:SER:H	1:A:62:GLY:HA3	5	1.4
(1,2031)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG2	9	1.4
(1,3315)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HB2	19	1.39
(1,2044)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:116:CYS:HA	17	1.34
(1,3176)	1:A:41:ARG:HG2	1:A:45:ASN:HD22	15	1.31
(1,638)	1:A:58:SER:H	1:A:62:GLY:HA3	14	1.3
(1,2022)	1:A:32:LEU:HB3	1:A:36:TYR:HE1	9	1.3
(1,2058)	1:A:64:ARG:HD3	1:A:66:PHE:HE1	8	1.29
(1,1111)	1:A:128:ASN:HD22	1:A:132:PHE:HE1	15	1.29
(1,1828)	1:A:54:PHE:HE1	1:A:56:LEU:HG	18	1.28
(1,3132)	1:A:30:GLN:HE22	1:A:34:GLU:HG2	4	1.27
(1,2030)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:73:HIS:HB3	18	1.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,2022)	1:A:32:LEU:HB3	1:A:36:TYR:HE1	19	1.27
(1,970)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:62:GLY:HA2	17	1.26
(1,3315)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HB2	13	1.25
(1,1925)	1:A:42:TYR:HE1	1:A:135:ALA:HA	13	1.23
(1,638)	1:A:58:SER:H	1:A:62:GLY:HA3	18	1.22
(1,2021)	1:A:32:LEU:HB2	1:A:36:TYR:HE1	16	1.22
(1,1936)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG3	11	1.21
(1,1858)	1:A:73:HIS:HB2	1:A:78:TYR:HE1	6	1.21
(1,3449)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:114:LYS:HB2	19	1.2
(1,638)	1:A:58:SER:H	1:A:62:GLY:HA3	7	1.19
(1,3447)	1:A:110:TYR:HD1	1:A:114:LYS:HG2	19	1.19
(1,3132)	1:A:30:GLN:HE22	1:A:34:GLU:HG2	3	1.19
(1,1936)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG3	4	1.19
(1,3132)	1:A:30:GLN:HE22	1:A:34:GLU:HG2	1	1.16
(1,1796)	1:A:32:LEU:HG	1:A:36:TYR:HE1	16	1.15
(1,638)	1:A:58:SER:H	1:A:62:GLY:HA3	9	1.14
(1,3197)	1:A:51:ASN:H	1:A:52:ASP:HB2	20	1.14
(1,2021)	1:A:32:LEU:HB2	1:A:36:TYR:HE1	12	1.14
(1,1864)	1:A:76:LEU:HG	1:A:78:TYR:HE1	5	1.14
(1,3319)	1:A:72:ILE:HG12	1:A:77:LYS:HE2	12	1.13
(1,2022)	1:A:32:LEU:HB3	1:A:36:TYR:HE1	16	1.13
(1,1076)	1:A:42:TYR:HE1	1:A:139:ALA:H	20	1.12
(1,970)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:62:GLY:HA2	2	1.11
(1,638)	1:A:58:SER:H	1:A:62:GLY:HA3	13	1.11
(1,638)	1:A:58:SER:H	1:A:62:GLY:HA3	10	1.1
(1,2298)	1:A:16:LEU:HD21	1:A:133:GLY:HA2	10	1.09
(1,2298)	1:A:16:LEU:HD22	1:A:133:GLY:HA2	10	1.09
(1,2298)	1:A:16:LEU:HD23	1:A:133:GLY:HA2	10	1.09
(1,3319)	1:A:72:ILE:HG12	1:A:77:LYS:HE2	11	1.08
(1,2091)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:H	6	1.08
(1,2022)	1:A:32:LEU:HB3	1:A:36:TYR:HE1	12	1.08
(1,3319)	1:A:72:ILE:HG12	1:A:77:LYS:HE2	14	1.07
(1,2065)	1:A:71:TYR:HB2	1:A:80:PHE:HE1	12	1.07
(1,2065)	1:A:71:TYR:HB3	1:A:80:PHE:HE1	12	1.07
(1,2057)	1:A:64:ARG:HB2	1:A:66:PHE:HE1	15	1.07
(1,2044)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:116:CYS:HA	12	1.07
(1,1828)	1:A:54:PHE:HE1	1:A:56:LEU:HG	19	1.06
(1,970)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:62:GLY:HA2	14	1.05
(1,3319)	1:A:72:ILE:HG12	1:A:77:LYS:HE2	10	1.05
(1,2091)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:H	16	1.05
(1,2073)	1:A:32:LEU:HB2	1:A:36:TYR:HD1	15	1.05
(1,2030)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:73:HIS:HB3	5	1.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,3176)	1:A:41:ARG:HG2	1:A:45:ASN:HD22	18	1.01
(1,3132)	1:A:30:GLN:HE22	1:A:34:GLU:HG2	10	1.01
(1,3319)	1:A:72:ILE:HG12	1:A:77:LYS:HE2	9	1.0
(1,3301)	1:A:68:LYS:HD2	1:A:80:PHE:H	7	1.0
(1,2091)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:H	2	1.0
(1,970)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:62:GLY:HA2	12	0.99
(1,3399)	1:A:96:GLU:HB2	1:A:114:LYS:HB2	17	0.99
(1,3175)	1:A:41:ARG:HG2	1:A:45:ASN:HD21	15	0.99
(1,970)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:62:GLY:HA2	7	0.98
(1,3190)	1:A:47:LYS:H	1:A:52:ASP:HB2	20	0.98
(1,3065)	1:A:19:ASN:HB3	1:A:91:PRO:HB2	9	0.98
(1,2727)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:154:ILE:HD11	11	0.98
(1,2727)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:154:ILE:HD12	11	0.98
(1,2727)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:154:ILE:HD13	11	0.98
(1,3294)	1:A:68:LYS:HB2	1:A:70:TRP:HZ2	2	0.97
(1,3197)	1:A:51:ASN:H	1:A:52:ASP:HB2	6	0.97
(1,2091)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:H	17	0.97
(1,3073)	1:A:20:ALA:H	1:A:91:PRO:HG2	9	0.96
(1,3301)	1:A:68:LYS:HD2	1:A:80:PHE:H	5	0.95
(1,3132)	1:A:30:GLN:HE22	1:A:34:GLU:HG2	15	0.95
(1,3399)	1:A:96:GLU:HB2	1:A:114:LYS:HB2	1	0.94
(1,3315)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HB2	15	0.94
(1,638)	1:A:58:SER:H	1:A:62:GLY:HA3	8	0.93
(1,2091)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:H	20	0.93
(1,970)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:62:GLY:HA2	3	0.92
(1,970)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:62:GLY:HA2	10	0.92
(1,3446)	1:A:110:TYR:HD1	1:A:114:LYS:HB2	13	0.92
(1,3314)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:73:HIS:HB2	2	0.92
(1,1934)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:147:ALA:HA	9	0.92
(1,1925)	1:A:42:TYR:HE1	1:A:135:ALA:HA	11	0.92
(1,3400)	1:A:96:GLU:HB2	1:A:114:LYS:HG2	9	0.91
(1,3319)	1:A:72:ILE:HG12	1:A:77:LYS:HE2	15	0.91
(1,3132)	1:A:30:GLN:HE22	1:A:34:GLU:HG2	14	0.91
(1,970)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:62:GLY:HA2	1	0.9
(1,970)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:62:GLY:HA2	5	0.9
(1,3132)	1:A:30:GLN:HE22	1:A:34:GLU:HG2	17	0.9
(1,2073)	1:A:32:LEU:HB2	1:A:36:TYR:HD1	1	0.9
(1,970)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:62:GLY:HA2	11	0.89
(1,970)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:62:GLY:HA2	18	0.89
(1,970)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:62:GLY:HA2	19	0.89
(1,638)	1:A:58:SER:H	1:A:62:GLY:HA3	19	0.89
(1,3176)	1:A:41:ARG:HG2	1:A:45:ASN:HD22	12	0.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1076)	1:A:42:TYR:HE1	1:A:139:ALA:H	3	0.89
(1,3132)	1:A:30:GLN:HE22	1:A:34:GLU:HG2	7	0.88
(1,2021)	1:A:32:LEU:HB2	1:A:36:TYR:HE1	19	0.88
(1,1864)	1:A:76:LEU:HG	1:A:78:TYR:HE1	20	0.88
(1,2073)	1:A:32:LEU:HB2	1:A:36:TYR:HD1	10	0.87
(1,1936)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG3	1	0.87
(1,3314)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:73:HIS:HB2	19	0.86
(1,3254)	1:A:58:SER:HB2	1:A:62:GLY:HA3	3	0.86
(1,3254)	1:A:58:SER:HB2	1:A:62:GLY:HA3	17	0.86
(1,1858)	1:A:73:HIS:HB2	1:A:78:TYR:HE1	10	0.86
(1,3190)	1:A:47:LYS:H	1:A:52:ASP:HB2	14	0.85
(1,3176)	1:A:41:ARG:HG2	1:A:45:ASN:HD22	6	0.85
(1,1924)	1:A:42:TYR:HD1	1:A:135:ALA:HA	11	0.84
(1,638)	1:A:58:SER:H	1:A:62:GLY:HA3	16	0.83
(1,3140)	1:A:32:LEU:HD11	1:A:36:TYR:HE1	13	0.83
(1,3140)	1:A:32:LEU:HD12	1:A:36:TYR:HE1	13	0.83
(1,3140)	1:A:32:LEU:HD13	1:A:36:TYR:HE1	13	0.83
(1,1934)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:147:ALA:HA	5	0.83
(1,3294)	1:A:68:LYS:HB2	1:A:70:TRP:HZ2	12	0.82
(1,3132)	1:A:30:GLN:HE22	1:A:34:GLU:HG2	9	0.82
(1,2725)	1:A:71:TYR:HD1	1:A:154:ILE:HD11	11	0.82
(1,2725)	1:A:71:TYR:HD1	1:A:154:ILE:HD12	11	0.82
(1,2725)	1:A:71:TYR:HD1	1:A:154:ILE:HD13	11	0.82
(1,2030)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:73:HIS:HB3	20	0.82
(1,1924)	1:A:42:TYR:HD1	1:A:135:ALA:HA	13	0.82
(1,3176)	1:A:41:ARG:HG2	1:A:45:ASN:HD22	17	0.81
(1,2021)	1:A:32:LEU:HB2	1:A:36:TYR:HE1	14	0.81
(1,1925)	1:A:42:TYR:HE1	1:A:135:ALA:HA	10	0.81
(1,3254)	1:A:58:SER:HB2	1:A:62:GLY:HA3	14	0.8
(1,3132)	1:A:30:GLN:HE22	1:A:34:GLU:HG2	19	0.8
(1,2727)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:154:ILE:HD11	2	0.8
(1,2727)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:154:ILE:HD12	2	0.8
(1,2727)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:154:ILE:HD13	2	0.8
(1,1934)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:147:ALA:HA	11	0.8
(1,970)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:62:GLY:HA2	4	0.79
(1,3400)	1:A:96:GLU:HB2	1:A:114:LYS:HG2	3	0.79
(1,3254)	1:A:58:SER:HB2	1:A:62:GLY:HA3	11	0.79
(1,3187)	1:A:44:GLU:HG2	1:A:48:ASN:HD22	16	0.79
(1,2021)	1:A:32:LEU:HB2	1:A:36:TYR:HE1	4	0.79
(1,2468)	1:A:84:PHE:HE1	1:A:86:ILE:HD11	3	0.78
(1,2468)	1:A:84:PHE:HE1	1:A:86:ILE:HD12	3	0.78
(1,2468)	1:A:84:PHE:HE1	1:A:86:ILE:HD13	3	0.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,3042)	1:A:7:ARG:HG2	1:A:8:ARG:H	15	0.77
(1,3254)	1:A:58:SER:HB2	1:A:62:GLY:HA3	16	0.76
(1,3079)	1:A:21:GLY:HA2	1:A:23:ARG:HB2	8	0.76
(1,2977)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:HG21	8	0.76
(1,2977)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:HG22	8	0.76
(1,2977)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:HG23	8	0.76
(1,3299)	1:A:68:LYS:HG2	1:A:82:ILE:H	9	0.75
(1,3132)	1:A:30:GLN:HE22	1:A:34:GLU:HG2	8	0.75
(1,2030)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:73:HIS:HB3	11	0.75
(1,1084)	1:A:53:TRP:HE1	1:A:71:TYR:HE1	3	0.75
(1,970)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:62:GLY:HA2	15	0.74
(1,638)	1:A:58:SER:H	1:A:62:GLY:HA3	2	0.74
(1,638)	1:A:58:SER:H	1:A:62:GLY:HA3	15	0.74
(1,3176)	1:A:41:ARG:HG2	1:A:45:ASN:HD22	11	0.74
(1,3176)	1:A:41:ARG:HG2	1:A:45:ASN:HD22	19	0.74
(1,3131)	1:A:30:GLN:HE21	1:A:34:GLU:HG2	3	0.74
(1,3073)	1:A:20:ALA:H	1:A:91:PRO:HG2	16	0.74
(1,1934)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:147:ALA:HA	15	0.74
(1,1470)	1:A:58:SER:HB3	1:A:62:GLY:HA3	5	0.74
(1,3263)	1:A:59:ASN:HD22	1:A:61:GLU:HG2	4	0.73
(1,3132)	1:A:30:GLN:HE22	1:A:34:GLU:HG2	16	0.73
(1,1925)	1:A:42:TYR:HE1	1:A:135:ALA:HA	7	0.73
(1,1470)	1:A:58:SER:HB3	1:A:62:GLY:HA3	18	0.73
(1,1470)	1:A:58:SER:HB3	1:A:62:GLY:HA3	19	0.73
(1,970)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:62:GLY:HA2	16	0.72
(1,3209)	1:A:55:ARG:HG2	1:A:70:TRP:HZ3	19	0.72
(1,3007)	1:A:132:PHE:HE1	1:A:140:LEU:HG	20	0.72
(1,2087)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:150:ILE:HG13	4	0.72
(1,2030)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:73:HIS:HB3	8	0.72
(1,1925)	1:A:42:TYR:HE1	1:A:135:ALA:HA	3	0.72
(1,1470)	1:A:58:SER:HB3	1:A:62:GLY:HA3	15	0.72
(1,3132)	1:A:30:GLN:HE22	1:A:34:GLU:HG2	20	0.71
(1,1470)	1:A:58:SER:HB3	1:A:62:GLY:HA3	9	0.71
(1,1469)	1:A:58:SER:HB2	1:A:62:GLY:HA3	3	0.71
(1,1469)	1:A:58:SER:HB2	1:A:62:GLY:HA3	17	0.71
(1,1076)	1:A:42:TYR:HE1	1:A:139:ALA:H	10	0.71
(1,3132)	1:A:30:GLN:HE22	1:A:34:GLU:HG2	2	0.7
(1,1912)	1:A:124:LEU:HG	1:A:132:PHE:HE1	15	0.7
(1,1470)	1:A:58:SER:HB3	1:A:62:GLY:HA3	10	0.7
(1,3177)	1:A:41:ARG:HD2	1:A:44:GLU:H	6	0.69
(1,2302)	1:A:16:LEU:HD11	1:A:133:GLY:HA2	10	0.69
(1,2302)	1:A:16:LEU:HD12	1:A:133:GLY:HA2	10	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,2302)	1:A:16:LEU:HD13	1:A:133:GLY:HA2	10	0.69
(1,2030)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:73:HIS:HB3	4	0.69
(1,2022)	1:A:32:LEU:HB3	1:A:36:TYR:HE1	14	0.69
(1,3399)	1:A:96:GLU:HB2	1:A:114:LYS:HB2	5	0.66
(1,3399)	1:A:96:GLU:HB2	1:A:114:LYS:HB2	7	0.66
(1,3319)	1:A:72:ILE:HG12	1:A:77:LYS:HE2	6	0.66
(1,3188)	1:A:46:ASN:HA	1:A:51:ASN:HB2	20	0.66
(1,3132)	1:A:30:GLN:HE22	1:A:34:GLU:HG2	6	0.66
(1,1076)	1:A:42:TYR:HE1	1:A:139:ALA:H	7	0.66
(1,638)	1:A:58:SER:H	1:A:62:GLY:HA3	4	0.65
(1,3131)	1:A:30:GLN:HE21	1:A:34:GLU:HG2	9	0.65
(1,2683)	1:A:80:PHE:HE1	1:A:146:LEU:HD21	19	0.65
(1,2683)	1:A:80:PHE:HE1	1:A:146:LEU:HD22	19	0.65
(1,2683)	1:A:80:PHE:HE1	1:A:146:LEU:HD23	19	0.65
(1,1925)	1:A:42:TYR:HE1	1:A:135:ALA:HA	4	0.65
(1,1469)	1:A:58:SER:HB2	1:A:62:GLY:HA3	14	0.65
(1,3447)	1:A:110:TYR:HD1	1:A:114:LYS:HG2	16	0.64
(1,3131)	1:A:30:GLN:HE21	1:A:34:GLU:HG2	1	0.64
(1,3131)	1:A:30:GLN:HE21	1:A:34:GLU:HG2	4	0.64
(1,3079)	1:A:21:GLY:HA2	1:A:23:ARG:HB2	10	0.64
(1,1469)	1:A:58:SER:HB2	1:A:62:GLY:HA3	11	0.64
(1,3079)	1:A:21:GLY:HA2	1:A:23:ARG:HB2	4	0.63
(1,2683)	1:A:80:PHE:HE1	1:A:146:LEU:HD21	2	0.63
(1,2683)	1:A:80:PHE:HE1	1:A:146:LEU:HD22	2	0.63
(1,2683)	1:A:80:PHE:HE1	1:A:146:LEU:HD23	2	0.63
(1,3177)	1:A:41:ARG:HD2	1:A:44:GLU:H	11	0.62
(1,2022)	1:A:32:LEU:HB3	1:A:36:TYR:HE1	6	0.62
(1,1084)	1:A:53:TRP:HE1	1:A:71:TYR:HE1	12	0.62
(1,2022)	1:A:32:LEU:HB3	1:A:36:TYR:HE1	4	0.61
(1,1936)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG3	20	0.61
(1,1828)	1:A:54:PHE:HE1	1:A:56:LEU:HG	20	0.61
(1,1796)	1:A:32:LEU:HG	1:A:36:TYR:HE1	10	0.61
(1,1469)	1:A:58:SER:HB2	1:A:62:GLY:HA3	16	0.61
(1,970)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:62:GLY:HA2	13	0.6
(1,3439)	1:A:105:LYS:HB2	1:A:158:VAL:HG11	5	0.6
(1,3439)	1:A:105:LYS:HB2	1:A:158:VAL:HG12	5	0.6
(1,3439)	1:A:105:LYS:HB2	1:A:158:VAL:HG13	5	0.6
(1,3042)	1:A:7:ARG:HG2	1:A:8:ARG:H	13	0.6
(1,2091)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:H	1	0.6
(1,3279)	1:A:64:ARG:HB2	1:A:64:ARG:HD2	3	0.59
(1,3131)	1:A:30:GLN:HE21	1:A:34:GLU:HG2	16	0.59
(1,1076)	1:A:42:TYR:HE1	1:A:139:ALA:H	11	0.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,970)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:62:GLY:HA2	20	0.58
(1,3140)	1:A:32:LEU:HD11	1:A:36:TYR:HE1	20	0.58
(1,3140)	1:A:32:LEU:HD12	1:A:36:TYR:HE1	20	0.58
(1,3140)	1:A:32:LEU:HD13	1:A:36:TYR:HE1	20	0.58
(1,1924)	1:A:42:TYR:HD1	1:A:135:ALA:HA	4	0.58
(1,3444)	1:A:109:MET:HG2	1:A:115:ILE:HA	10	0.57
(1,3316)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG2	17	0.57
(1,3079)	1:A:21:GLY:HA2	1:A:23:ARG:HB2	13	0.57
(1,638)	1:A:58:SER:H	1:A:62:GLY:HA3	6	0.56
(1,3319)	1:A:72:ILE:HG12	1:A:77:LYS:HE2	4	0.56
(1,3079)	1:A:21:GLY:HA2	1:A:23:ARG:HB2	12	0.56
(1,3073)	1:A:20:ALA:H	1:A:91:PRO:HG2	14	0.56
(1,2021)	1:A:32:LEU:HB2	1:A:36:TYR:HE1	6	0.56
(1,3312)	1:A:70:TRP:HD1	1:A:77:LYS:HD2	8	0.55
(1,3254)	1:A:58:SER:HB2	1:A:62:GLY:HA3	20	0.55
(1,3079)	1:A:21:GLY:HA2	1:A:23:ARG:HB2	7	0.55
(1,2044)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:116:CYS:HA	8	0.55
(1,1470)	1:A:58:SER:HB3	1:A:62:GLY:HA3	7	0.55
(1,3079)	1:A:21:GLY:HA2	1:A:23:ARG:HB2	17	0.54
(1,2253)	1:A:10:VAL:HG11	1:A:132:PHE:HE1	15	0.54
(1,2253)	1:A:10:VAL:HG12	1:A:132:PHE:HE1	15	0.54
(1,2253)	1:A:10:VAL:HG13	1:A:132:PHE:HE1	15	0.54
(1,2029)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:73:HIS:HB2	2	0.54
(1,1925)	1:A:42:TYR:HE1	1:A:135:ALA:HA	15	0.54
(1,1864)	1:A:76:LEU:HG	1:A:78:TYR:HE1	4	0.54
(1,3319)	1:A:72:ILE:HG12	1:A:77:LYS:HE2	1	0.53
(1,2030)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:73:HIS:HB3	14	0.53
(1,1828)	1:A:54:PHE:HE1	1:A:56:LEU:HG	15	0.53
(1,970)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:62:GLY:HA2	9	0.52
(1,1864)	1:A:76:LEU:HG	1:A:78:TYR:HE1	12	0.52
(1,1796)	1:A:32:LEU:HG	1:A:36:TYR:HE1	15	0.52
(1,3294)	1:A:68:LYS:HB2	1:A:70:TRP:HZ2	13	0.51
(1,3147)	1:A:32:LEU:HD11	1:A:65:TRP:HZ2	4	0.51
(1,3147)	1:A:32:LEU:HD12	1:A:65:TRP:HZ2	4	0.51
(1,3147)	1:A:32:LEU:HD13	1:A:65:TRP:HZ2	4	0.51
(1,3074)	1:A:20:ALA:H	1:A:91:PRO:HD2	11	0.51
(1,3001)	1:A:84:PHE:HE1	1:A:97:ILE:HB	4	0.51
(1,1925)	1:A:42:TYR:HE1	1:A:135:ALA:HA	16	0.51
(1,3230)	1:A:56:LEU:HD11	1:A:67:GLY:HA2	14	0.5
(1,3230)	1:A:56:LEU:HD12	1:A:67:GLY:HA2	14	0.5
(1,3230)	1:A:56:LEU:HD13	1:A:67:GLY:HA2	14	0.5
(1,3186)	1:A:44:GLU:HG2	1:A:48:ASN:HD21	16	0.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,3124)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:61:GLU:HG2	14	0.5
(1,3074)	1:A:20:ALA:H	1:A:91:PRO:HD2	16	0.5
(1,1925)	1:A:42:TYR:HE1	1:A:135:ALA:HA	20	0.5
(1,1924)	1:A:42:TYR:HD1	1:A:135:ALA:HA	3	0.5
(1,1828)	1:A:54:PHE:HE1	1:A:56:LEU:HG	9	0.5
(1,638)	1:A:58:SER:H	1:A:62:GLY:HA3	20	0.49
(1,3312)	1:A:70:TRP:HD1	1:A:77:LYS:HD2	13	0.49
(1,3079)	1:A:21:GLY:HA2	1:A:23:ARG:HB2	1	0.49
(1,3042)	1:A:7:ARG:HG2	1:A:8:ARG:H	1	0.49
(1,2725)	1:A:71:TYR:HD1	1:A:154:ILE:HD11	4	0.49
(1,2725)	1:A:71:TYR:HD1	1:A:154:ILE:HD12	4	0.49
(1,2725)	1:A:71:TYR:HD1	1:A:154:ILE:HD13	4	0.49
(1,3476)	1:A:122:LYS:HB3	1:A:123:PRO:HD2	7	0.48
(1,3464)	1:A:119:ASP:HA	1:A:122:LYS:HG2	4	0.48
(1,3267)	1:A:60:LYS:HB2	1:A:61:GLU:H	19	0.48
(1,3078)	1:A:21:GLY:H	1:A:24:ASP:HB2	8	0.48
(1,2029)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:73:HIS:HB2	19	0.48
(1,1925)	1:A:42:TYR:HE1	1:A:135:ALA:HA	6	0.48
(1,640)	1:A:59:ASN:H	1:A:62:GLY:HA3	19	0.47
(1,638)	1:A:58:SER:H	1:A:62:GLY:HA3	12	0.47
(1,3476)	1:A:122:LYS:HB3	1:A:123:PRO:HD2	8	0.47
(1,3476)	1:A:122:LYS:HB3	1:A:123:PRO:HD2	17	0.47
(1,3319)	1:A:72:ILE:HG12	1:A:77:LYS:HE2	17	0.47
(1,3210)	1:A:55:ARG:HG2	1:A:70:TRP:HH2	19	0.47
(1,3197)	1:A:51:ASN:H	1:A:52:ASP:HB2	17	0.47
(1,3079)	1:A:21:GLY:HA2	1:A:23:ARG:HB2	16	0.47
(1,3053)	1:A:15:VAL:HG11	1:A:131:LYS:HD2	10	0.47
(1,3053)	1:A:15:VAL:HG12	1:A:131:LYS:HD2	10	0.47
(1,3053)	1:A:15:VAL:HG13	1:A:131:LYS:HD2	10	0.47
(1,640)	1:A:59:ASN:H	1:A:62:GLY:HA3	15	0.46
(1,3316)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG2	5	0.46
(1,3175)	1:A:41:ARG:HG2	1:A:45:ASN:HD21	18	0.46
(1,3078)	1:A:21:GLY:H	1:A:24:ASP:HB2	6	0.46
(1,3078)	1:A:21:GLY:H	1:A:24:ASP:HB2	11	0.46
(1,3549)	1:A:164:LYS:HB2	1:A:165:CYS:H	11	0.45
(1,3488)	1:A:127:ARG:HB2	1:A:128:ASN:HD22	6	0.45
(1,3448)	1:A:110:TYR:HD1	1:A:114:LYS:HD2	13	0.45
(1,3284)	1:A:64:ARG:HD2	1:A:66:PHE:HE1	7	0.45
(1,3267)	1:A:60:LYS:HB2	1:A:61:GLU:H	12	0.45
(1,3124)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:61:GLU:HG2	5	0.45
(1,3079)	1:A:21:GLY:HA2	1:A:23:ARG:HB2	2	0.45
(1,3078)	1:A:21:GLY:H	1:A:24:ASP:HB2	20	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,3074)	1:A:20:ALA:H	1:A:91:PRO:HD2	9	0.45
(1,3074)	1:A:20:ALA:H	1:A:91:PRO:HD2	19	0.45
(1,3073)	1:A:20:ALA:H	1:A:91:PRO:HG2	15	0.45
(1,2683)	1:A:80:PHE:HE1	1:A:146:LEU:HD21	9	0.45
(1,2683)	1:A:80:PHE:HE1	1:A:146:LEU:HD22	9	0.45
(1,2683)	1:A:80:PHE:HE1	1:A:146:LEU:HD23	9	0.45
(1,3549)	1:A:164:LYS:HB2	1:A:165:CYS:H	1	0.44
(1,3186)	1:A:44:GLU:HG2	1:A:48:ASN:HD21	20	0.44
(1,3074)	1:A:20:ALA:H	1:A:91:PRO:HD2	6	0.44
(1,3267)	1:A:60:LYS:HB2	1:A:61:GLU:H	17	0.43
(1,3150)	1:A:33:LYS:H	1:A:34:GLU:HG2	18	0.43
(1,1924)	1:A:42:TYR:HD1	1:A:135:ALA:HA	7	0.43
(1,3493)	1:A:131:LYS:H	1:A:131:LYS:HD2	4	0.42
(1,3132)	1:A:30:GLN:HE22	1:A:34:GLU:HG2	12	0.42
(1,3131)	1:A:30:GLN:HE21	1:A:34:GLU:HG2	17	0.42
(1,3072)	1:A:20:ALA:H	1:A:91:PRO:HB2	9	0.42
(1,3079)	1:A:21:GLY:HA2	1:A:23:ARG:HB2	20	0.41
(1,3074)	1:A:20:ALA:H	1:A:91:PRO:HD2	15	0.41
(1,2091)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:H	7	0.41
(1,2021)	1:A:32:LEU:HB2	1:A:36:TYR:HE1	5	0.41
(1,970)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:62:GLY:HA2	8	0.4
(1,3399)	1:A:96:GLU:HB2	1:A:114:LYS:HB2	18	0.4
(1,3282)	1:A:64:ARG:HG2	1:A:66:PHE:HE1	7	0.4
(1,3267)	1:A:60:LYS:HB2	1:A:61:GLU:H	5	0.4
(1,3267)	1:A:60:LYS:HB2	1:A:61:GLU:H	14	0.4
(1,3187)	1:A:44:GLU:HG2	1:A:48:ASN:HD22	18	0.4
(1,3079)	1:A:21:GLY:HA2	1:A:23:ARG:HB2	9	0.4
(1,2091)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:H	5	0.4
(1,1925)	1:A:42:TYR:HE1	1:A:135:ALA:HA	8	0.4
(1,1469)	1:A:58:SER:HB2	1:A:62:GLY:HA3	20	0.4
(1,3398)	1:A:96:GLU:H	1:A:96:GLU:HG2	6	0.39
(1,3252)	1:A:58:SER:HB2	1:A:59:ASN:H	14	0.39
(1,3187)	1:A:44:GLU:HG2	1:A:48:ASN:HD22	11	0.39
(1,3108)	1:A:24:ASP:HB2	1:A:27:LEU:HD21	1	0.39
(1,3108)	1:A:24:ASP:HB2	1:A:27:LEU:HD22	1	0.39
(1,3108)	1:A:24:ASP:HB2	1:A:27:LEU:HD23	1	0.39
(1,3079)	1:A:21:GLY:HA2	1:A:23:ARG:HB2	3	0.39
(1,3074)	1:A:20:ALA:H	1:A:91:PRO:HD2	3	0.39
(1,3065)	1:A:19:ASN:HB3	1:A:91:PRO:HB2	4	0.39
(1,1924)	1:A:42:TYR:HD1	1:A:135:ALA:HA	10	0.39
(1,1796)	1:A:32:LEU:HG	1:A:36:TYR:HE1	4	0.39
(1,2725)	1:A:71:TYR:HD1	1:A:154:ILE:HD11	2	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,2725)	1:A:71:TYR:HD1	1:A:154:ILE:HD12	2	0.38
(1,2725)	1:A:71:TYR:HD1	1:A:154:ILE:HD13	2	0.38
(1,2079)	1:A:71:TYR:HD1	1:A:150:ILE:HB	20	0.38
(1,2031)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG2	17	0.38
(1,1796)	1:A:32:LEU:HG	1:A:36:TYR:HE1	2	0.38
(1,3475)	1:A:122:LYS:HB2	1:A:123:PRO:HD2	13	0.37
(1,3183)	1:A:44:GLU:H	1:A:44:GLU:HG2	11	0.37
(1,3072)	1:A:20:ALA:H	1:A:91:PRO:HB2	16	0.37
(1,3252)	1:A:58:SER:HB2	1:A:59:ASN:H	20	0.36
(1,3199)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	6	0.36
(1,3199)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	20	0.36
(1,3190)	1:A:47:LYS:H	1:A:52:ASP:HB2	4	0.36
(1,2725)	1:A:71:TYR:HD1	1:A:154:ILE:HD11	13	0.36
(1,2725)	1:A:71:TYR:HD1	1:A:154:ILE:HD12	13	0.36
(1,2725)	1:A:71:TYR:HD1	1:A:154:ILE:HD13	13	0.36
(1,2073)	1:A:32:LEU:HB2	1:A:36:TYR:HD1	13	0.36
(1,1864)	1:A:76:LEU:HG	1:A:78:TYR:HE1	15	0.36
(1,1090)	1:A:71:TYR:H	1:A:80:PHE:HE1	5	0.36
(1,970)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:62:GLY:HA2	6	0.35
(1,3549)	1:A:164:LYS:HB2	1:A:165:CYS:H	3	0.35
(1,3453)	1:A:114:LYS:H	1:A:114:LYS:HB2	9	0.35
(1,3447)	1:A:110:TYR:HD1	1:A:114:LYS:HG2	13	0.35
(1,3328)	1:A:76:LEU:HD21	1:A:164:LYS:HG2	3	0.35
(1,3328)	1:A:76:LEU:HD22	1:A:164:LYS:HG2	3	0.35
(1,3328)	1:A:76:LEU:HD23	1:A:164:LYS:HG2	3	0.35
(1,3252)	1:A:58:SER:HB2	1:A:59:ASN:H	1	0.35
(1,3199)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	1	0.35
(1,3199)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	3	0.35
(1,3199)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	4	0.35
(1,3199)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	17	0.35
(1,3144)	1:A:32:LEU:HD11	1:A:62:GLY:HA2	4	0.35
(1,3144)	1:A:32:LEU:HD12	1:A:62:GLY:HA2	4	0.35
(1,3144)	1:A:32:LEU:HD13	1:A:62:GLY:HA2	4	0.35
(1,3079)	1:A:21:GLY:HA2	1:A:23:ARG:HB2	19	0.35
(1,3072)	1:A:20:ALA:H	1:A:91:PRO:HB2	14	0.35
(1,3016)	1:A:125:TRP:HH2	1:A:133:GLY:HA3	8	0.35
(1,2052)	1:A:42:TYR:HE1	1:A:46:ASN:HD22	9	0.35
(1,1090)	1:A:71:TYR:H	1:A:80:PHE:HE1	12	0.35
(1,3252)	1:A:58:SER:HB2	1:A:59:ASN:H	3	0.34
(1,3252)	1:A:58:SER:HB2	1:A:59:ASN:H	11	0.34
(1,3199)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	15	0.34
(1,3199)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	18	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,3088)	1:A:22:PRO:HB2	1:A:28:TRP:HZ2	3	0.34
(1,3078)	1:A:21:GLY:H	1:A:24:ASP:HB2	18	0.34
(1,2841)	1:A:94:ALA:HB1	1:A:121:PHE:HE1	2	0.34
(1,2841)	1:A:94:ALA:HB2	1:A:121:PHE:HE1	2	0.34
(1,2841)	1:A:94:ALA:HB3	1:A:121:PHE:HE1	2	0.34
(1,2091)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:H	13	0.34
(1,1017)	1:A:64:ARG:H	1:A:66:PHE:HE1	7	0.34
(1,640)	1:A:59:ASN:H	1:A:62:GLY:HA3	2	0.33
(1,3354)	1:A:84:PHE:HB2	1:A:97:ILE:HA	6	0.33
(1,3252)	1:A:58:SER:HB2	1:A:59:ASN:H	13	0.33
(1,3199)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	12	0.33
(1,3175)	1:A:41:ARG:HG2	1:A:45:ASN:HD21	19	0.33
(1,3079)	1:A:21:GLY:HA2	1:A:23:ARG:HB2	14	0.33
(1,2725)	1:A:71:TYR:HD1	1:A:154:ILE:HD11	6	0.33
(1,2725)	1:A:71:TYR:HD1	1:A:154:ILE:HD12	6	0.33
(1,2725)	1:A:71:TYR:HD1	1:A:154:ILE:HD13	6	0.33
(1,2683)	1:A:80:PHE:HE1	1:A:146:LEU:HD21	13	0.33
(1,2683)	1:A:80:PHE:HE1	1:A:146:LEU:HD22	13	0.33
(1,2683)	1:A:80:PHE:HE1	1:A:146:LEU:HD23	13	0.33
(1,1924)	1:A:42:TYR:HD1	1:A:135:ALA:HA	8	0.33
(1,3454)	1:A:114:LYS:H	1:A:114:LYS:HG2	18	0.32
(1,3267)	1:A:60:LYS:HB2	1:A:61:GLU:H	1	0.32
(1,3254)	1:A:58:SER:HB2	1:A:62:GLY:HA3	13	0.32
(1,3230)	1:A:56:LEU:HD11	1:A:67:GLY:HA2	2	0.32
(1,3230)	1:A:56:LEU:HD12	1:A:67:GLY:HA2	2	0.32
(1,3230)	1:A:56:LEU:HD13	1:A:67:GLY:HA2	2	0.32
(1,3199)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	7	0.32
(1,3199)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	11	0.32
(1,3199)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	14	0.32
(1,3199)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	19	0.32
(1,3183)	1:A:44:GLU:H	1:A:44:GLU:HG2	2	0.32
(1,3183)	1:A:44:GLU:H	1:A:44:GLU:HG2	20	0.32
(1,3154)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:TYR:HD1	13	0.32
(1,3088)	1:A:22:PRO:HB2	1:A:28:TRP:HZ2	8	0.32
(1,3078)	1:A:21:GLY:H	1:A:24:ASP:HB2	9	0.32
(1,1796)	1:A:32:LEU:HG	1:A:36:TYR:HE1	1	0.32
(1,3273)	1:A:61:GLU:HA	1:A:61:GLU:HG2	6	0.31
(1,3214)	1:A:56:LEU:HA	1:A:67:GLY:HA2	14	0.31
(1,3199)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	16	0.31
(1,3184)	1:A:44:GLU:HA	1:A:44:GLU:HG2	11	0.31
(1,3184)	1:A:44:GLU:HA	1:A:44:GLU:HG2	20	0.31
(1,3183)	1:A:44:GLU:H	1:A:44:GLU:HG2	8	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,3176)	1:A:41:ARG:HG2	1:A:45:ASN:HD22	4	0.31
(1,3088)	1:A:22:PRO:HB2	1:A:28:TRP:HZ2	5	0.31
(1,3060)	1:A:19:ASN:HA	1:A:91:PRO:HB2	9	0.31
(1,1022)	1:A:65:TRP:HE1	1:A:84:PHE:HE1	3	0.31
(1,3476)	1:A:122:LYS:HB3	1:A:123:PRO:HD2	16	0.3
(1,3433)	1:A:103:ASP:H	1:A:103:ASP:HB2	4	0.3
(1,3319)	1:A:72:ILE:HG12	1:A:77:LYS:HE2	13	0.3
(1,3304)	1:A:69:CYS:HB2	1:A:70:TRP:H	14	0.3
(1,3088)	1:A:22:PRO:HB2	1:A:28:TRP:HZ2	14	0.3
(1,3088)	1:A:22:PRO:HB2	1:A:28:TRP:HZ2	18	0.3
(1,3072)	1:A:20:ALA:H	1:A:91:PRO:HB2	6	0.3
(1,1924)	1:A:42:TYR:HD1	1:A:135:ALA:HA	20	0.3
(1,3497)	1:A:135:ALA:HA	1:A:138:MET:HB2	20	0.29
(1,3488)	1:A:127:ARG:HB2	1:A:128:ASN:HD22	11	0.29
(1,3252)	1:A:58:SER:HB2	1:A:59:ASN:H	16	0.29
(1,3190)	1:A:47:LYS:H	1:A:52:ASP:HB2	17	0.29
(1,3184)	1:A:44:GLU:HA	1:A:44:GLU:HG2	6	0.29
(1,3183)	1:A:44:GLU:H	1:A:44:GLU:HG2	6	0.29
(1,3065)	1:A:19:ASN:HB3	1:A:91:PRO:HB2	14	0.29
(1,3451)	1:A:111:ARG:HA	1:A:111:ARG:HG2	7	0.28
(1,3399)	1:A:96:GLU:HB2	1:A:114:LYS:HB2	20	0.28
(1,3312)	1:A:70:TRP:HD1	1:A:77:LYS:HD2	9	0.28
(1,3304)	1:A:69:CYS:HB2	1:A:70:TRP:H	19	0.28
(1,3200)	1:A:52:ASP:H	1:A:52:ASP:HB2	17	0.28
(1,3184)	1:A:44:GLU:HA	1:A:44:GLU:HG2	2	0.28
(1,3183)	1:A:44:GLU:H	1:A:44:GLU:HG2	1	0.28
(1,3183)	1:A:44:GLU:H	1:A:44:GLU:HG2	9	0.28
(1,3079)	1:A:21:GLY:HA2	1:A:23:ARG:HB2	15	0.28
(1,3068)	1:A:19:ASN:HD21	1:A:129:VAL:HG11	20	0.28
(1,3068)	1:A:19:ASN:HD21	1:A:129:VAL:HG12	20	0.28
(1,3068)	1:A:19:ASN:HD21	1:A:129:VAL:HG13	20	0.28
(1,3038)	1:A:4:GLU:HA	1:A:7:ARG:HG2	15	0.28
(1,2977)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:HG21	20	0.28
(1,2977)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:HG22	20	0.28
(1,2977)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:HG23	20	0.28
(1,1924)	1:A:42:TYR:HD1	1:A:135:ALA:HA	16	0.28
(1,3545)	1:A:163:GLU:HB2	1:A:164:LYS:H	11	0.27
(1,3520)	1:A:149:GLU:HA	1:A:149:GLU:HG2	7	0.27
(1,3433)	1:A:103:ASP:H	1:A:103:ASP:HB2	19	0.27
(1,3304)	1:A:69:CYS:HB2	1:A:70:TRP:H	2	0.27
(1,3273)	1:A:61:GLU:HA	1:A:61:GLU:HG2	7	0.27
(1,3079)	1:A:21:GLY:HA2	1:A:23:ARG:HB2	6	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,2031)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG2	5	0.27
(1,1924)	1:A:42:TYR:HD1	1:A:135:ALA:HA	15	0.27
(1,1549)	1:A:12:GLU:HA	1:A:12:GLU:HG3	6	0.27
(1,640)	1:A:59:ASN:H	1:A:62:GLY:HA3	11	0.26
(1,3497)	1:A:135:ALA:HA	1:A:138:MET:HB2	11	0.26
(1,3433)	1:A:103:ASP:H	1:A:103:ASP:HB2	17	0.26
(1,3375)	1:A:88:ILE:H	1:A:88:ILE:HG12	13	0.26
(1,3326)	1:A:76:LEU:HD11	1:A:161:HIS:HB2	9	0.26
(1,3326)	1:A:76:LEU:HD12	1:A:161:HIS:HB2	9	0.26
(1,3326)	1:A:76:LEU:HD13	1:A:161:HIS:HB2	9	0.26
(1,3276)	1:A:61:GLU:HG2	1:A:63:THR:HG21	19	0.26
(1,3276)	1:A:61:GLU:HG2	1:A:63:THR:HG22	19	0.26
(1,3276)	1:A:61:GLU:HG2	1:A:63:THR:HG23	19	0.26
(1,3214)	1:A:56:LEU:HA	1:A:67:GLY:HA2	4	0.26
(1,3200)	1:A:52:ASP:H	1:A:52:ASP:HB2	14	0.26
(1,3200)	1:A:52:ASP:H	1:A:52:ASP:HB2	20	0.26
(1,3170)	1:A:40:ILE:HG21	1:A:44:GLU:HG2	9	0.26
(1,3170)	1:A:40:ILE:HG22	1:A:44:GLU:HG2	9	0.26
(1,3170)	1:A:40:ILE:HG23	1:A:44:GLU:HG2	9	0.26
(1,3170)	1:A:40:ILE:HG21	1:A:44:GLU:HG2	17	0.26
(1,3170)	1:A:40:ILE:HG22	1:A:44:GLU:HG2	17	0.26
(1,3170)	1:A:40:ILE:HG23	1:A:44:GLU:HG2	17	0.26
(1,3165)	1:A:37:GLN:HG2	1:A:37:GLN:HE22	10	0.26
(1,3131)	1:A:30:GLN:HE21	1:A:34:GLU:HG2	10	0.26
(1,3123)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:32:LEU:HD11	17	0.26
(1,3123)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:32:LEU:HD12	17	0.26
(1,3123)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:32:LEU:HD13	17	0.26
(1,3100)	1:A:23:ARG:H	1:A:23:ARG:HG2	6	0.26
(1,2841)	1:A:94:ALA:HB1	1:A:121:PHE:HE1	4	0.26
(1,2841)	1:A:94:ALA:HB2	1:A:121:PHE:HE1	4	0.26
(1,2841)	1:A:94:ALA:HB3	1:A:121:PHE:HE1	4	0.26
(1,1912)	1:A:124:LEU:HG	1:A:132:PHE:HE1	7	0.26
(1,1549)	1:A:12:GLU:HA	1:A:12:GLU:HG3	16	0.26
(1,3550)	1:A:164:LYS:HG2	1:A:165:CYS:H	4	0.25
(1,3543)	1:A:161:HIS:HB2	1:A:162:LYS:H	15	0.25
(1,3434)	1:A:105:LYS:H	1:A:105:LYS:HB2	4	0.25
(1,3399)	1:A:96:GLU:HB2	1:A:114:LYS:HB2	11	0.25
(1,3345)	1:A:81:ASP:H	1:A:99:VAL:HG11	7	0.25
(1,3345)	1:A:81:ASP:H	1:A:99:VAL:HG12	7	0.25
(1,3345)	1:A:81:ASP:H	1:A:99:VAL:HG13	7	0.25
(1,3319)	1:A:72:ILE:HG12	1:A:77:LYS:HE2	19	0.25
(1,3316)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG2	15	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,3190)	1:A:47:LYS:H	1:A:52:ASP:HB2	13	0.25
(1,3150)	1:A:33:LYS:H	1:A:34:GLU:HG2	3	0.25
(1,3119)	1:A:28:TRP:HB2	1:A:29:VAL:H	15	0.25
(1,3078)	1:A:21:GLY:H	1:A:24:ASP:HB2	5	0.25
(1,3016)	1:A:125:TRP:HH2	1:A:133:GLY:HA3	5	0.25
(1,1936)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG3	9	0.25
(1,1864)	1:A:76:LEU:HG	1:A:78:TYR:HE1	11	0.25
(1,1716)	1:A:142:LEU:HA	1:A:142:LEU:HG	12	0.25
(1,3540)	1:A:160:GLN:HB2	1:A:161:HIS:H	1	0.24
(1,3375)	1:A:88:ILE:H	1:A:88:ILE:HG12	17	0.24
(1,3183)	1:A:44:GLU:H	1:A:44:GLU:HG2	17	0.24
(1,3088)	1:A:22:PRO:HB2	1:A:28:TRP:HZ2	19	0.24
(1,2217)	1:A:153:LEU:HA	1:A:153:LEU:HD11	8	0.24
(1,2217)	1:A:153:LEU:HA	1:A:153:LEU:HD12	8	0.24
(1,2217)	1:A:153:LEU:HA	1:A:153:LEU:HD13	8	0.24
(1,3470)	1:A:122:LYS:H	1:A:122:LYS:HG2	4	0.23
(1,3470)	1:A:122:LYS:H	1:A:122:LYS:HG2	13	0.23
(1,3454)	1:A:114:LYS:H	1:A:114:LYS:HG2	6	0.23
(1,3448)	1:A:110:TYR:HD1	1:A:114:LYS:HD2	16	0.23
(1,3328)	1:A:76:LEU:HD21	1:A:164:LYS:HG2	19	0.23
(1,3328)	1:A:76:LEU:HD22	1:A:164:LYS:HG2	19	0.23
(1,3328)	1:A:76:LEU:HD23	1:A:164:LYS:HG2	19	0.23
(1,3119)	1:A:28:TRP:HB2	1:A:29:VAL:H	7	0.23
(1,3079)	1:A:21:GLY:HA2	1:A:23:ARG:HB2	11	0.23
(1,2683)	1:A:80:PHE:HE1	1:A:146:LEU:HD21	7	0.23
(1,2683)	1:A:80:PHE:HE1	1:A:146:LEU:HD22	7	0.23
(1,2683)	1:A:80:PHE:HE1	1:A:146:LEU:HD23	7	0.23
(1,1711)	1:A:131:LYS:H	1:A:131:LYS:HG2	4	0.23
(1,697)	1:A:133:GLY:HA2	1:A:136:HIS:H	6	0.22
(1,3497)	1:A:135:ALA:HA	1:A:138:MET:HB2	10	0.22
(1,3476)	1:A:122:LYS:HB3	1:A:123:PRO:HD2	20	0.22
(1,3470)	1:A:122:LYS:H	1:A:122:LYS:HG2	18	0.22
(1,3304)	1:A:69:CYS:HB2	1:A:70:TRP:H	6	0.22
(1,3119)	1:A:28:TRP:HB2	1:A:29:VAL:H	3	0.22
(1,3101)	1:A:23:ARG:HA	1:A:23:ARG:HG2	6	0.22
(1,3088)	1:A:22:PRO:HB2	1:A:28:TRP:HZ2	16	0.22
(1,3016)	1:A:125:TRP:HH2	1:A:133:GLY:HA3	19	0.22
(1,2683)	1:A:80:PHE:HE1	1:A:146:LEU:HD21	8	0.22
(1,2683)	1:A:80:PHE:HE1	1:A:146:LEU:HD22	8	0.22
(1,2683)	1:A:80:PHE:HE1	1:A:146:LEU:HD23	8	0.22
(1,1084)	1:A:53:TRP:HE1	1:A:71:TYR:HE1	18	0.22
(1,1076)	1:A:42:TYR:HE1	1:A:139:ALA:H	9	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1041)	1:A:76:LEU:H	1:A:78:TYR:HE1	10	0.22
(1,3470)	1:A:122:LYS:H	1:A:122:LYS:HG2	1	0.21
(1,3399)	1:A:96:GLU:HB2	1:A:114:LYS:HB2	10	0.21
(1,3200)	1:A:52:ASP:H	1:A:52:ASP:HB2	6	0.21
(1,3190)	1:A:47:LYS:H	1:A:52:ASP:HB2	6	0.21
(1,3136)	1:A:32:LEU:HA	1:A:32:LEU:HD11	16	0.21
(1,3136)	1:A:32:LEU:HA	1:A:32:LEU:HD12	16	0.21
(1,3136)	1:A:32:LEU:HA	1:A:32:LEU:HD13	16	0.21
(1,3131)	1:A:30:GLN:HE21	1:A:34:GLU:HG2	2	0.21
(1,3131)	1:A:30:GLN:HE21	1:A:34:GLU:HG2	18	0.21
(1,3119)	1:A:28:TRP:HB2	1:A:29:VAL:H	17	0.21
(1,3053)	1:A:15:VAL:HG11	1:A:131:LYS:HD2	19	0.21
(1,3053)	1:A:15:VAL:HG12	1:A:131:LYS:HD2	19	0.21
(1,3053)	1:A:15:VAL:HG13	1:A:131:LYS:HD2	19	0.21
(1,2977)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:HG21	7	0.21
(1,2977)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:HG22	7	0.21
(1,2977)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:HG23	7	0.21
(1,2022)	1:A:32:LEU:HB3	1:A:36:TYR:HE1	7	0.21
(1,1936)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG3	6	0.21
(1,1041)	1:A:76:LEU:H	1:A:78:TYR:HE1	5	0.21
(1,1022)	1:A:65:TRP:HE1	1:A:84:PHE:HE1	6	0.21
(1,640)	1:A:59:ASN:H	1:A:62:GLY:HA3	3	0.2
(1,3546)	1:A:164:LYS:H	1:A:164:LYS:HB2	1	0.2
(1,3337)	1:A:78:TYR:HE1	1:A:159:ILE:HG12	16	0.2
(1,3308)	1:A:70:TRP:HB2	1:A:71:TYR:H	17	0.2
(1,3190)	1:A:47:LYS:H	1:A:52:ASP:HB2	8	0.2
(1,3184)	1:A:44:GLU:HA	1:A:44:GLU:HG2	7	0.2
(1,3180)	1:A:41:ARG:HD2	1:A:45:ASN:HD22	13	0.2
(1,3119)	1:A:28:TRP:HB2	1:A:29:VAL:H	4	0.2
(1,3078)	1:A:21:GLY:H	1:A:24:ASP:HB2	1	0.2
(1,2121)	1:A:27:LEU:HA	1:A:27:LEU:HD11	1	0.2
(1,2121)	1:A:27:LEU:HA	1:A:27:LEU:HD12	1	0.2
(1,2121)	1:A:27:LEU:HA	1:A:27:LEU:HD13	1	0.2
(1,1670)	1:A:96:GLU:HA	1:A:96:GLU:HG3	19	0.2
(1,890)	1:A:105:LYS:H	1:A:105:LYS:HG2	9	0.19
(1,697)	1:A:133:GLY:HA2	1:A:136:HIS:H	10	0.19
(1,640)	1:A:59:ASN:H	1:A:62:GLY:HA3	10	0.19
(1,3549)	1:A:164:LYS:HB2	1:A:165:CYS:H	8	0.19
(1,3545)	1:A:163:GLU:HB2	1:A:164:LYS:H	9	0.19
(1,3543)	1:A:161:HIS:HB2	1:A:162:LYS:H	3	0.19
(1,3497)	1:A:135:ALA:HA	1:A:138:MET:HB2	13	0.19
(1,3485)	1:A:127:ARG:H	1:A:127:ARG:HG2	15	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,3470)	1:A:122:LYS:H	1:A:122:LYS:HG2	2	0.19
(1,3449)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:114:LYS:HB2	13	0.19
(1,3308)	1:A:70:TRP:HB2	1:A:71:TYR:H	14	0.19
(1,3292)	1:A:68:LYS:HA	1:A:68:LYS:HD2	1	0.19
(1,3267)	1:A:60:LYS:HB2	1:A:61:GLU:H	4	0.19
(1,3201)	1:A:53:TRP:HB2	1:A:70:TRP:H	13	0.19
(1,3184)	1:A:44:GLU:HA	1:A:44:GLU:HG2	19	0.19
(1,3119)	1:A:28:TRP:HB2	1:A:29:VAL:H	5	0.19
(1,2091)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:H	14	0.19
(1,640)	1:A:59:ASN:H	1:A:62:GLY:HA3	9	0.18
(1,387)	1:A:103:ASP:HA	1:A:104:GLY:H	4	0.18
(1,387)	1:A:103:ASP:HA	1:A:104:GLY:H	5	0.18
(1,387)	1:A:103:ASP:HA	1:A:104:GLY:H	11	0.18
(1,387)	1:A:103:ASP:HA	1:A:104:GLY:H	17	0.18
(1,3546)	1:A:164:LYS:H	1:A:164:LYS:HB2	9	0.18
(1,3540)	1:A:160:GLN:HB2	1:A:161:HIS:H	17	0.18
(1,3475)	1:A:122:LYS:HB2	1:A:123:PRO:HD2	4	0.18
(1,3399)	1:A:96:GLU:HB2	1:A:114:LYS:HB2	12	0.18
(1,3316)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG2	13	0.18
(1,3292)	1:A:68:LYS:HA	1:A:68:LYS:HD2	3	0.18
(1,3292)	1:A:68:LYS:HA	1:A:68:LYS:HD2	18	0.18
(1,3267)	1:A:60:LYS:HB2	1:A:61:GLU:H	7	0.18
(1,3136)	1:A:32:LEU:HA	1:A:32:LEU:HD11	4	0.18
(1,3136)	1:A:32:LEU:HA	1:A:32:LEU:HD12	4	0.18
(1,3136)	1:A:32:LEU:HA	1:A:32:LEU:HD13	4	0.18
(1,3119)	1:A:28:TRP:HB2	1:A:29:VAL:H	8	0.18
(1,3109)	1:A:24:ASP:HB2	1:A:28:TRP:H	20	0.18
(1,2089)	1:A:73:HIS:H	1:A:78:TYR:HE1	8	0.18
(1,2073)	1:A:32:LEU:HB2	1:A:36:TYR:HD1	2	0.18
(1,2021)	1:A:32:LEU:HB2	1:A:36:TYR:HE1	18	0.18
(1,195)	1:A:44:GLU:HB2	1:A:45:ASN:H	8	0.18
(1,1936)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG3	19	0.18
(1,1859)	1:A:73:HIS:HB3	1:A:78:TYR:HE1	8	0.18
(1,1084)	1:A:53:TRP:HE1	1:A:71:TYR:HE1	10	0.18
(1,1084)	1:A:53:TRP:HE1	1:A:71:TYR:HE1	14	0.18
(1,640)	1:A:59:ASN:H	1:A:62:GLY:HA3	6	0.17
(1,387)	1:A:103:ASP:HA	1:A:104:GLY:H	19	0.17
(1,3487)	1:A:127:ARG:HB2	1:A:128:ASN:H	14	0.17
(1,3434)	1:A:105:LYS:H	1:A:105:LYS:HB2	13	0.17
(1,3398)	1:A:96:GLU:H	1:A:96:GLU:HG2	10	0.17
(1,3398)	1:A:96:GLU:H	1:A:96:GLU:HG2	16	0.17
(1,3367)	1:A:87:PRO:HG2	1:A:90:TYR:H	9	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,3304)	1:A:69:CYS:HB2	1:A:70:TRP:H	7	0.17
(1,3304)	1:A:69:CYS:HB2	1:A:70:TRP:H	13	0.17
(1,3214)	1:A:56:LEU:HA	1:A:67:GLY:HA2	13	0.17
(1,3180)	1:A:41:ARG:HD2	1:A:45:ASN:HD22	6	0.17
(1,3177)	1:A:41:ARG:HD2	1:A:44:GLU:H	20	0.17
(1,3154)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:TYR:HD1	20	0.17
(1,3150)	1:A:33:LYS:H	1:A:34:GLU:HG2	1	0.17
(1,3131)	1:A:30:GLN:HE21	1:A:34:GLU:HG2	14	0.17
(1,3119)	1:A:28:TRP:HB2	1:A:29:VAL:H	19	0.17
(1,3079)	1:A:21:GLY:HA2	1:A:23:ARG:HB2	5	0.17
(1,3073)	1:A:20:ALA:H	1:A:91:PRO:HG2	11	0.17
(1,2841)	1:A:94:ALA:HB1	1:A:121:PHE:HE1	7	0.17
(1,2841)	1:A:94:ALA:HB2	1:A:121:PHE:HE1	7	0.17
(1,2841)	1:A:94:ALA:HB3	1:A:121:PHE:HE1	7	0.17
(1,224)	1:A:51:ASN:H	1:A:51:ASN:HB2	10	0.17
(1,195)	1:A:44:GLU:HB2	1:A:45:ASN:H	1	0.17
(1,195)	1:A:44:GLU:HB2	1:A:45:ASN:H	17	0.17
(1,1925)	1:A:42:TYR:HE1	1:A:135:ALA:HA	9	0.17
(1,1713)	1:A:131:LYS:H	1:A:131:LYS:HD2	4	0.17
(1,1469)	1:A:58:SER:HB2	1:A:62:GLY:HA3	13	0.17
(1,1041)	1:A:76:LEU:H	1:A:78:TYR:HE1	15	0.17
(1,1000)	1:A:53:TRP:H	1:A:53:TRP:HD1	1	0.17
(1,1)	1:A:3:ASP:HA	1:A:4:GLU:H	9	0.17
(1,648)	1:A:62:GLY:HA3	1:A:64:ARG:H	9	0.16
(1,3524)	1:A:156:LYS:H	1:A:156:LYS:HG2	14	0.16
(1,3323)	1:A:72:ILE:HD11	1:A:77:LYS:HE2	17	0.16
(1,3323)	1:A:72:ILE:HD12	1:A:77:LYS:HE2	17	0.16
(1,3323)	1:A:72:ILE:HD13	1:A:77:LYS:HE2	17	0.16
(1,3279)	1:A:64:ARG:HB2	1:A:64:ARG:HD2	12	0.16
(1,3188)	1:A:46:ASN:HA	1:A:51:ASN:HB2	1	0.16
(1,3180)	1:A:41:ARG:HD2	1:A:45:ASN:HD22	11	0.16
(1,3166)	1:A:37:GLN:HG2	1:A:38:SER:H	15	0.16
(1,3131)	1:A:30:GLN:HE21	1:A:34:GLU:HG2	15	0.16
(1,3119)	1:A:28:TRP:HB2	1:A:29:VAL:H	1	0.16
(1,3119)	1:A:28:TRP:HB2	1:A:29:VAL:H	18	0.16
(1,3060)	1:A:19:ASN:HA	1:A:91:PRO:HB2	5	0.16
(1,3016)	1:A:125:TRP:HH2	1:A:133:GLY:HA3	6	0.16
(1,3016)	1:A:125:TRP:HH2	1:A:133:GLY:HA3	12	0.16
(1,2841)	1:A:94:ALA:HB1	1:A:121:PHE:HE1	3	0.16
(1,2841)	1:A:94:ALA:HB2	1:A:121:PHE:HE1	3	0.16
(1,2841)	1:A:94:ALA:HB3	1:A:121:PHE:HE1	3	0.16
(1,2727)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:154:ILE:HD11	13	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,2727)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:154:ILE:HD12	13	0.16
(1,2727)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:154:ILE:HD13	13	0.16
(1,1828)	1:A:54:PHE:HE1	1:A:56:LEU:HG	4	0.16
(1,1669)	1:A:96:GLU:HA	1:A:96:GLU:HG2	15	0.16
(1,891)	1:A:105:LYS:H	1:A:105:LYS:HG3	10	0.15
(1,663)	1:A:83:GLU:H	1:A:98:ALA:H	11	0.15
(1,372)	1:A:96:GLU:HA	1:A:97:ILE:H	2	0.15
(1,3540)	1:A:160:GLN:HB2	1:A:161:HIS:H	5	0.15
(1,3540)	1:A:160:GLN:HB2	1:A:161:HIS:H	19	0.15
(1,3524)	1:A:156:LYS:H	1:A:156:LYS:HG2	1	0.15
(1,3485)	1:A:127:ARG:H	1:A:127:ARG:HG2	16	0.15
(1,3454)	1:A:114:LYS:H	1:A:114:LYS:HG2	1	0.15
(1,3304)	1:A:69:CYS:HB2	1:A:70:TRP:H	17	0.15
(1,3190)	1:A:47:LYS:H	1:A:52:ASP:HB2	9	0.15
(1,3188)	1:A:46:ASN:HA	1:A:51:ASN:HB2	6	0.15
(1,3180)	1:A:41:ARG:HD2	1:A:45:ASN:HD22	1	0.15
(1,3168)	1:A:40:ILE:H	1:A:40:ILE:HG12	16	0.15
(1,3149)	1:A:33:LYS:H	1:A:33:LYS:HG2	8	0.15
(1,3123)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:32:LEU:HD11	3	0.15
(1,3123)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:32:LEU:HD12	3	0.15
(1,3123)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:32:LEU:HD13	3	0.15
(1,3119)	1:A:28:TRP:HB2	1:A:29:VAL:H	16	0.15
(1,3089)	1:A:22:PRO:HB2	1:A:63:THR:HG21	5	0.15
(1,3089)	1:A:22:PRO:HB2	1:A:63:THR:HG22	5	0.15
(1,3089)	1:A:22:PRO:HB2	1:A:63:THR:HG23	5	0.15
(1,2977)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:HG21	6	0.15
(1,2977)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:HG22	6	0.15
(1,2977)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:HG23	6	0.15
(1,2022)	1:A:32:LEU:HB3	1:A:36:TYR:HE1	18	0.15
(1,195)	1:A:44:GLU:HB2	1:A:45:ASN:H	9	0.15
(1,1090)	1:A:71:TYR:H	1:A:80:PHE:HE1	9	0.15
(1,1084)	1:A:53:TRP:HE1	1:A:71:TYR:HE1	16	0.15
(1,1007)	1:A:59:ASN:H	1:A:66:PHE:HE1	15	0.15
(1,1)	1:A:3:ASP:HA	1:A:4:GLU:H	15	0.15
(1,3549)	1:A:164:LYS:HB2	1:A:165:CYS:H	9	0.14
(1,3524)	1:A:156:LYS:H	1:A:156:LYS:HG2	3	0.14
(1,3485)	1:A:127:ARG:H	1:A:127:ARG:HG2	13	0.14
(1,3476)	1:A:122:LYS:HB3	1:A:123:PRO:HD2	6	0.14
(1,3474)	1:A:122:LYS:HA	1:A:122:LYS:HD2	19	0.14
(1,3451)	1:A:111:ARG:HA	1:A:111:ARG:HG2	14	0.14
(1,3333)	1:A:77:LYS:HB2	1:A:77:LYS:HE2	5	0.14
(1,3292)	1:A:68:LYS:HA	1:A:68:LYS:HD2	7	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,3280)	1:A:64:ARG:HB3	1:A:64:ARG:HD2	11	0.14
(1,3253)	1:A:58:SER:HB2	1:A:62:GLY:H	20	0.14
(1,3252)	1:A:58:SER:HB2	1:A:59:ASN:H	2	0.14
(1,3249)	1:A:57:GLU:HG2	1:A:58:SER:H	11	0.14
(1,3249)	1:A:57:GLU:HG2	1:A:58:SER:H	14	0.14
(1,3119)	1:A:28:TRP:HB2	1:A:29:VAL:H	12	0.14
(1,3074)	1:A:20:ALA:H	1:A:91:PRO:HD2	5	0.14
(1,3065)	1:A:19:ASN:HB3	1:A:91:PRO:HB2	13	0.14
(1,2995)	1:A:68:LYS:HD2	1:A:70:TRP:HZ2	8	0.14
(1,2977)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:HG21	1	0.14
(1,2977)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:HG22	1	0.14
(1,2977)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:HG23	1	0.14
(1,2727)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:154:ILE:HD11	4	0.14
(1,2727)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:154:ILE:HD12	4	0.14
(1,2727)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:154:ILE:HD13	4	0.14
(1,195)	1:A:44:GLU:HB2	1:A:45:ASN:H	20	0.14
(1,1629)	1:A:60:LYS:HA	1:A:60:LYS:HE2	19	0.14
(1,1629)	1:A:60:LYS:HA	1:A:60:LYS:HE3	19	0.14
(1,1582)	1:A:30:GLN:HB2	1:A:30:GLN:HE21	1	0.14
(1,1582)	1:A:30:GLN:HB3	1:A:30:GLN:HE21	1	0.14
(1,891)	1:A:105:LYS:H	1:A:105:LYS:HG3	2	0.13
(1,587)	1:A:167:GLN:H	1:A:167:GLN:HB3	1	0.13
(1,3550)	1:A:164:LYS:HG2	1:A:165:CYS:H	12	0.13
(1,3524)	1:A:156:LYS:H	1:A:156:LYS:HG2	9	0.13
(1,3524)	1:A:156:LYS:H	1:A:156:LYS:HG2	13	0.13
(1,3497)	1:A:135:ALA:HA	1:A:138:MET:HB2	2	0.13
(1,343)	1:A:83:GLU:HB2	1:A:84:PHE:H	3	0.13
(1,3282)	1:A:64:ARG:HG2	1:A:66:PHE:HE1	8	0.13
(1,3175)	1:A:41:ARG:HG2	1:A:45:ASN:HD21	12	0.13
(1,3168)	1:A:40:ILE:H	1:A:40:ILE:HG12	5	0.13
(1,3119)	1:A:28:TRP:HB2	1:A:29:VAL:H	10	0.13
(1,260)	1:A:60:LYS:HB3	1:A:61:GLU:H	5	0.13
(1,1582)	1:A:30:GLN:HB2	1:A:30:GLN:HE21	8	0.13
(1,1582)	1:A:30:GLN:HB3	1:A:30:GLN:HE21	8	0.13
(1,1552)	1:A:12:GLU:H	1:A:12:GLU:HG3	16	0.13
(1,3551)	1:A:167:GLN:H	1:A:167:GLN:HB2	8	0.12
(1,3545)	1:A:163:GLU:HB2	1:A:164:LYS:H	10	0.12
(1,3544)	1:A:163:GLU:H	1:A:163:GLU:HB2	16	0.12
(1,3524)	1:A:156:LYS:H	1:A:156:LYS:HG2	19	0.12
(1,3497)	1:A:135:ALA:HA	1:A:138:MET:HB2	8	0.12
(1,3485)	1:A:127:ARG:H	1:A:127:ARG:HG2	11	0.12
(1,3449)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:114:LYS:HB2	16	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,3367)	1:A:87:PRO:HG2	1:A:90:TYR:H	16	0.12
(1,333)	1:A:81:ASP:H	1:A:81:ASP:HB2	9	0.12
(1,3326)	1:A:76:LEU:HD11	1:A:161:HIS:HB2	15	0.12
(1,3326)	1:A:76:LEU:HD12	1:A:161:HIS:HB2	15	0.12
(1,3326)	1:A:76:LEU:HD13	1:A:161:HIS:HB2	15	0.12
(1,3308)	1:A:70:TRP:HB2	1:A:71:TYR:H	11	0.12
(1,3308)	1:A:70:TRP:HB2	1:A:71:TYR:H	15	0.12
(1,3294)	1:A:68:LYS:HB2	1:A:70:TRP:HZ2	8	0.12
(1,3183)	1:A:44:GLU:H	1:A:44:GLU:HG2	19	0.12
(1,3154)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:TYR:HD1	4	0.12
(1,3154)	1:A:33:LYS:HG2	1:A:36:TYR:HD1	12	0.12
(1,3119)	1:A:28:TRP:HB2	1:A:29:VAL:H	2	0.12
(1,3119)	1:A:28:TRP:HB2	1:A:29:VAL:H	11	0.12
(1,3119)	1:A:28:TRP:HB2	1:A:29:VAL:H	13	0.12
(1,3119)	1:A:28:TRP:HB2	1:A:29:VAL:H	20	0.12
(1,3096)	1:A:22:PRO:HD2	1:A:86:ILE:HG21	9	0.12
(1,3096)	1:A:22:PRO:HD2	1:A:86:ILE:HG22	9	0.12
(1,3096)	1:A:22:PRO:HD2	1:A:86:ILE:HG23	9	0.12
(1,2091)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:H	11	0.12
(1,195)	1:A:44:GLU:HB2	1:A:45:ASN:H	2	0.12
(1,1308)	1:A:6:THR:H	1:A:6:THR:HB	16	0.12
(1,1090)	1:A:71:TYR:H	1:A:80:PHE:HE1	11	0.12
(1,1038)	1:A:54:PHE:HB3	1:A:70:TRP:H	5	0.12
(1,890)	1:A:105:LYS:H	1:A:105:LYS:HG2	3	0.11
(1,652)	1:A:56:LEU:HA	1:A:66:PHE:H	7	0.11
(1,648)	1:A:62:GLY:HA3	1:A:64:ARG:H	7	0.11
(1,3621)	1:A:135:ALA:O	1:A:139:ALA:H	2	0.11
(1,3617)	1:A:120:HIS:O	1:A:124:LEU:H	20	0.11
(1,3550)	1:A:164:LYS:HG2	1:A:165:CYS:H	17	0.11
(1,3548)	1:A:164:LYS:HA	1:A:164:LYS:HG2	1	0.11
(1,3548)	1:A:164:LYS:HA	1:A:164:LYS:HG2	9	0.11
(1,3540)	1:A:160:GLN:HB2	1:A:161:HIS:H	10	0.11
(1,3485)	1:A:127:ARG:H	1:A:127:ARG:HG2	8	0.11
(1,3454)	1:A:114:LYS:H	1:A:114:LYS:HG2	17	0.11
(1,343)	1:A:83:GLU:HB2	1:A:84:PHE:H	6	0.11
(1,3399)	1:A:96:GLU:HB2	1:A:114:LYS:HB2	14	0.11
(1,3319)	1:A:72:ILE:HG12	1:A:77:LYS:HE2	20	0.11
(1,3308)	1:A:70:TRP:HB2	1:A:71:TYR:H	9	0.11
(1,3304)	1:A:69:CYS:HB2	1:A:70:TRP:H	15	0.11
(1,3279)	1:A:64:ARG:HB2	1:A:64:ARG:HD2	2	0.11
(1,3214)	1:A:56:LEU:HA	1:A:67:GLY:HA2	2	0.11
(1,3168)	1:A:40:ILE:H	1:A:40:ILE:HG12	17	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,3131)	1:A:30:GLN:HE21	1:A:34:GLU:HG2	7	0.11
(1,3119)	1:A:28:TRP:HB2	1:A:29:VAL:H	6	0.11
(1,3079)	1:A:21:GLY:HA2	1:A:23:ARG:HB2	18	0.11
(1,3073)	1:A:20:ALA:H	1:A:91:PRO:HG2	6	0.11
(1,3065)	1:A:19:ASN:HB3	1:A:91:PRO:HB2	2	0.11
(1,260)	1:A:60:LYS:HB3	1:A:61:GLU:H	13	0.11
(1,190)	1:A:41:ARG:HA	1:A:45:ASN:H	13	0.11
(1,1864)	1:A:76:LEU:HG	1:A:78:TYR:HE1	3	0.11
(1,1823)	1:A:56:LEU:HG	1:A:65:TRP:HE3	12	0.11
(1,1786)	1:A:23:ARG:HB2	1:A:88:ILE:HA	10	0.11
(1,1582)	1:A:30:GLN:HB2	1:A:30:GLN:HE21	3	0.11
(1,1582)	1:A:30:GLN:HB3	1:A:30:GLN:HE21	3	0.11
(1,1470)	1:A:58:SER:HB3	1:A:62:GLY:HA3	12	0.11
(1,1082)	1:A:46:ASN:HD21	1:A:53:TRP:HE1	4	0.11
(1,1000)	1:A:53:TRP:H	1:A:53:TRP:HD1	6	0.11
(1,96)	1:A:27:LEU:HA	1:A:30:GLN:H	7	0.1
(1,640)	1:A:59:ASN:H	1:A:62:GLY:HA3	13	0.1
(1,3631)	1:A:149:GLU:O	1:A:153:LEU:H	1	0.1
(1,3621)	1:A:135:ALA:O	1:A:139:ALA:H	3	0.1
(1,353)	1:A:85:ASP:HB2	1:A:86:ILE:H	3	0.1
(1,3524)	1:A:156:LYS:H	1:A:156:LYS:HG2	7	0.1
(1,3487)	1:A:127:ARG:HB2	1:A:128:ASN:H	2	0.1
(1,3485)	1:A:127:ARG:H	1:A:127:ARG:HG2	5	0.1
(1,3485)	1:A:127:ARG:H	1:A:127:ARG:HG2	6	0.1
(1,3476)	1:A:122:LYS:HB3	1:A:123:PRO:HD2	19	0.1
(1,3474)	1:A:122:LYS:HA	1:A:122:LYS:HD2	3	0.1
(1,3454)	1:A:114:LYS:H	1:A:114:LYS:HG2	7	0.1
(1,3353)	1:A:84:PHE:HB2	1:A:85:ASP:H	6	0.1
(1,3279)	1:A:64:ARG:HB2	1:A:64:ARG:HD2	11	0.1
(1,3249)	1:A:57:GLU:HG2	1:A:58:SER:H	10	0.1
(1,3168)	1:A:40:ILE:H	1:A:40:ILE:HG12	3	0.1
(1,195)	1:A:44:GLU:HB2	1:A:45:ASN:H	6	0.1
(1,195)	1:A:44:GLU:HB2	1:A:45:ASN:H	11	0.1
(1,1912)	1:A:124:LEU:HG	1:A:132:PHE:HE1	14	0.1
(1,1795)	1:A:28:TRP:HD1	1:A:32:LEU:HG	5	0.1
(1,141)	1:A:35:GLU:HB3	1:A:36:TYR:H	9	0.1
(1,1328)	1:A:25:ARG:HB3	1:A:26:GLU:H	4	0.1
(1,1228)	1:A:27:LEU:HD11	1:A:30:GLN:H	1	0.1
(1,1228)	1:A:27:LEU:HD12	1:A:30:GLN:H	1	0.1
(1,1228)	1:A:27:LEU:HD13	1:A:30:GLN:H	1	0.1
(1,1006)	1:A:57:GLU:H	1:A:65:TRP:HB3	20	0.1
(1,947)	1:A:160:GLN:H	1:A:160:GLN:HG2	17	0.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,890)	1:A:105:LYS:H	1:A:105:LYS:HG2	2	0.09
(1,652)	1:A:56:LEU:HA	1:A:66:PHE:H	5	0.09
(1,559)	1:A:158:VAL:HB	1:A:159:ILE:H	16	0.09
(1,403)	1:A:113:GLY:H	1:A:114:LYS:H	10	0.09
(1,3617)	1:A:120:HIS:O	1:A:124:LEU:H	9	0.09
(1,3617)	1:A:120:HIS:O	1:A:124:LEU:H	10	0.09
(1,3607)	1:A:53:TRP:O	1:A:70:TRP:H	13	0.09
(1,3545)	1:A:163:GLU:HB2	1:A:164:LYS:H	5	0.09
(1,3485)	1:A:127:ARG:H	1:A:127:ARG:HG2	2	0.09
(1,3485)	1:A:127:ARG:H	1:A:127:ARG:HG2	3	0.09
(1,3485)	1:A:127:ARG:H	1:A:127:ARG:HG2	17	0.09
(1,3485)	1:A:127:ARG:H	1:A:127:ARG:HG2	19	0.09
(1,343)	1:A:83:GLU:HB2	1:A:84:PHE:H	12	0.09
(1,3333)	1:A:77:LYS:HB2	1:A:77:LYS:HE2	9	0.09
(1,3284)	1:A:64:ARG:HD2	1:A:66:PHE:HE1	8	0.09
(1,3280)	1:A:64:ARG:HB3	1:A:64:ARG:HD2	2	0.09
(1,3254)	1:A:58:SER:HB2	1:A:62:GLY:HA3	1	0.09
(1,3252)	1:A:58:SER:HB2	1:A:59:ASN:H	17	0.09
(1,3092)	1:A:22:PRO:HG2	1:A:86:ILE:HB	15	0.09
(1,3092)	1:A:22:PRO:HG2	1:A:86:ILE:HB	20	0.09
(1,3070)	1:A:19:ASN:HD21	1:A:130:PRO:HD2	4	0.09
(1,3041)	1:A:7:ARG:H	1:A:7:ARG:HG2	15	0.09
(1,1985)	1:A:131:LYS:H	1:A:131:LYS:HD3	11	0.09
(1,196)	1:A:44:GLU:HB3	1:A:45:ASN:H	16	0.09
(1,1786)	1:A:23:ARG:HB2	1:A:88:ILE:HA	6	0.09
(1,1582)	1:A:30:GLN:HB2	1:A:30:GLN:HE21	14	0.09
(1,1582)	1:A:30:GLN:HB3	1:A:30:GLN:HE21	14	0.09
(1,1582)	1:A:30:GLN:HB2	1:A:30:GLN:HE21	19	0.09
(1,1582)	1:A:30:GLN:HB3	1:A:30:GLN:HE21	19	0.09
(1,155)	1:A:37:GLN:HB3	1:A:38:SER:H	10	0.09
(1,1382)	1:A:57:GLU:HB2	1:A:58:SER:H	7	0.09
(1,113)	1:A:29:VAL:HA	1:A:33:LYS:H	12	0.09
(1,1042)	1:A:72:ILE:HG13	1:A:78:TYR:H	12	0.09
(1,1035)	1:A:53:TRP:HE3	1:A:70:TRP:H	13	0.09
(1,967)	1:A:20:ALA:H	1:A:91:PRO:HD2	11	0.08
(1,951)	1:A:162:LYS:HG2	1:A:163:GLU:H	4	0.08
(1,951)	1:A:162:LYS:HG3	1:A:163:GLU:H	4	0.08
(1,846)	1:A:61:GLU:H	1:A:61:GLU:HG3	11	0.08
(1,845)	1:A:61:GLU:H	1:A:61:GLU:HG2	7	0.08
(1,763)	1:A:23:ARG:H	1:A:23:ARG:HG2	6	0.08
(1,697)	1:A:133:GLY:HA2	1:A:136:HIS:H	12	0.08
(1,563)	1:A:159:ILE:HB	1:A:160:GLN:H	9	0.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,563)	1:A:159:ILE:HB	1:A:160:GLN:H	19	0.08
(1,3621)	1:A:135:ALA:O	1:A:139:ALA:H	13	0.08
(1,3621)	1:A:135:ALA:O	1:A:139:ALA:H	19	0.08
(1,3617)	1:A:120:HIS:O	1:A:124:LEU:H	5	0.08
(1,3617)	1:A:120:HIS:O	1:A:124:LEU:H	8	0.08
(1,3617)	1:A:120:HIS:O	1:A:124:LEU:H	13	0.08
(1,3524)	1:A:156:LYS:H	1:A:156:LYS:HG2	6	0.08
(1,3488)	1:A:127:ARG:HB2	1:A:128:ASN:HD22	4	0.08
(1,3485)	1:A:127:ARG:H	1:A:127:ARG:HG2	4	0.08
(1,3356)	1:A:84:PHE:HB2	1:A:98:ALA:H	6	0.08
(1,3312)	1:A:70:TRP:HD1	1:A:77:LYS:HD2	19	0.08
(1,3308)	1:A:70:TRP:HB2	1:A:71:TYR:H	6	0.08
(1,3308)	1:A:70:TRP:HB2	1:A:71:TYR:H	16	0.08
(1,3290)	1:A:67:GLY:HA2	1:A:82:ILE:HD11	2	0.08
(1,3290)	1:A:67:GLY:HA2	1:A:82:ILE:HD12	2	0.08
(1,3290)	1:A:67:GLY:HA2	1:A:82:ILE:HD13	2	0.08
(1,3215)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:GLU:H	1	0.08
(1,3199)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	5	0.08
(1,3199)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	8	0.08
(1,3199)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	13	0.08
(1,3168)	1:A:40:ILE:H	1:A:40:ILE:HG12	12	0.08
(1,3168)	1:A:40:ILE:H	1:A:40:ILE:HG12	13	0.08
(1,2725)	1:A:71:TYR:HD1	1:A:154:ILE:HD11	20	0.08
(1,2725)	1:A:71:TYR:HD1	1:A:154:ILE:HD12	20	0.08
(1,2725)	1:A:71:TYR:HD1	1:A:154:ILE:HD13	20	0.08
(1,260)	1:A:60:LYS:HB3	1:A:61:GLU:H	14	0.08
(1,2579)	1:A:117:LEU:HD21	1:A:141:GLY:HA3	16	0.08
(1,2579)	1:A:117:LEU:HD22	1:A:141:GLY:HA3	16	0.08
(1,2579)	1:A:117:LEU:HD23	1:A:141:GLY:HA3	16	0.08
(1,2058)	1:A:64:ARG:HD3	1:A:66:PHE:HE1	9	0.08
(1,1983)	1:A:131:LYS:HA	1:A:131:LYS:HD3	13	0.08
(1,1948)	1:A:46:ASN:HB2	1:A:52:ASP:HA	3	0.08
(1,1948)	1:A:46:ASN:HB3	1:A:52:ASP:HA	3	0.08
(1,1867)	1:A:70:TRP:HD1	1:A:79:GLU:HG2	14	0.08
(1,1867)	1:A:70:TRP:HD1	1:A:79:GLU:HG3	14	0.08
(1,1808)	1:A:41:ARG:HD3	1:A:45:ASN:HD22	1	0.08
(1,1779)	1:A:22:PRO:HA	1:A:28:TRP:HD1	2	0.08
(1,1711)	1:A:131:LYS:H	1:A:131:LYS:HG2	11	0.08
(1,1582)	1:A:30:GLN:HB2	1:A:30:GLN:HE21	7	0.08
(1,1582)	1:A:30:GLN:HB3	1:A:30:GLN:HE21	7	0.08
(1,1499)	1:A:103:ASP:HA	1:A:105:LYS:H	5	0.08
(1,1498)	1:A:98:ALA:HA	1:A:114:LYS:HA	17	0.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1438)	1:A:162:LYS:HA	1:A:163:GLU:H	6	0.08
(1,1360)	1:A:41:ARG:HA	1:A:44:GLU:H	8	0.08
(1,1076)	1:A:42:TYR:HE1	1:A:139:ALA:H	4	0.08
(1,1075)	1:A:53:TRP:HZ2	1:A:139:ALA:H	3	0.08
(1,1069)	1:A:127:ARG:HB2	1:A:128:ASN:HD21	6	0.08
(1,1)	1:A:3:ASP:HA	1:A:4:GLU:H	10	0.08
(1,978)	1:A:30:GLN:HE22	1:A:33:LYS:HD2	6	0.07
(1,978)	1:A:30:GLN:HE22	1:A:33:LYS:HD3	6	0.07
(1,967)	1:A:20:ALA:H	1:A:91:PRO:HD2	16	0.07
(1,891)	1:A:105:LYS:H	1:A:105:LYS:HG3	8	0.07
(1,86)	1:A:27:LEU:HB3	1:A:28:TRP:H	17	0.07
(1,638)	1:A:58:SER:H	1:A:62:GLY:HA3	1	0.07
(1,610)	1:A:23:ARG:H	1:A:88:ILE:HA	5	0.07
(1,609)	1:A:21:GLY:H	1:A:24:ASP:HB3	7	0.07
(1,580)	1:A:165:CYS:H	1:A:166:ASN:H	11	0.07
(1,578)	1:A:164:LYS:HB2	1:A:165:CYS:H	11	0.07
(1,3621)	1:A:135:ALA:O	1:A:139:ALA:H	8	0.07
(1,3621)	1:A:135:ALA:O	1:A:139:ALA:H	10	0.07
(1,3621)	1:A:135:ALA:O	1:A:139:ALA:H	11	0.07
(1,3621)	1:A:135:ALA:O	1:A:139:ALA:H	16	0.07
(1,3617)	1:A:120:HIS:O	1:A:124:LEU:H	2	0.07
(1,3617)	1:A:120:HIS:O	1:A:124:LEU:H	14	0.07
(1,3609)	1:A:73:HIS:H	1:A:76:LEU:O	13	0.07
(1,3577)	1:A:31:ARG:O	1:A:35:GLU:H	3	0.07
(1,3559)	1:A:4:GLU:O	1:A:8:ARG:H	16	0.07
(1,3545)	1:A:163:GLU:HB2	1:A:164:LYS:H	8	0.07
(1,3541)	1:A:160:GLN:HG2	1:A:161:HIS:H	8	0.07
(1,3540)	1:A:160:GLN:HB2	1:A:161:HIS:H	4	0.07
(1,3485)	1:A:127:ARG:H	1:A:127:ARG:HG2	20	0.07
(1,3476)	1:A:122:LYS:HB3	1:A:123:PRO:HD2	3	0.07
(1,3474)	1:A:122:LYS:HA	1:A:122:LYS:HD2	2	0.07
(1,344)	1:A:83:GLU:HB3	1:A:84:PHE:H	14	0.07
(1,3367)	1:A:87:PRO:HG2	1:A:90:TYR:H	14	0.07
(1,333)	1:A:81:ASP:H	1:A:81:ASP:HB2	5	0.07
(1,3308)	1:A:70:TRP:HB2	1:A:71:TYR:H	18	0.07
(1,3215)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:GLU:H	10	0.07
(1,3199)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	2	0.07
(1,3194)	1:A:47:LYS:HG3	1:A:52:ASP:HB3	3	0.07
(1,3168)	1:A:40:ILE:H	1:A:40:ILE:HG12	4	0.07
(1,3160)	1:A:35:GLU:HB2	1:A:36:TYR:H	20	0.07
(1,3149)	1:A:33:LYS:H	1:A:33:LYS:HG2	16	0.07
(1,3119)	1:A:28:TRP:HB2	1:A:29:VAL:H	14	0.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,3106)	1:A:24:ASP:HB2	1:A:27:LEU:H	13	0.07
(1,2996)	1:A:68:LYS:HD3	1:A:70:TRP:HZ2	2	0.07
(1,2877)	1:A:15:VAL:HG11	1:A:131:LYS:HD3	7	0.07
(1,2877)	1:A:15:VAL:HG12	1:A:131:LYS:HD3	7	0.07
(1,2877)	1:A:15:VAL:HG13	1:A:131:LYS:HD3	7	0.07
(1,2763)	1:A:76:LEU:HD21	1:A:163:GLU:HA	7	0.07
(1,2763)	1:A:76:LEU:HD22	1:A:163:GLU:HA	7	0.07
(1,2763)	1:A:76:LEU:HD23	1:A:163:GLU:HA	7	0.07
(1,260)	1:A:60:LYS:HB3	1:A:61:GLU:H	1	0.07
(1,2471)	1:A:28:TRP:HH2	1:A:86:ILE:HG21	2	0.07
(1,2471)	1:A:28:TRP:HH2	1:A:86:ILE:HG22	2	0.07
(1,2471)	1:A:28:TRP:HH2	1:A:86:ILE:HG23	2	0.07
(1,2426)	1:A:72:ILE:HG21	1:A:75:LEU:H	1	0.07
(1,2426)	1:A:72:ILE:HG22	1:A:75:LEU:H	1	0.07
(1,2426)	1:A:72:ILE:HG23	1:A:75:LEU:H	1	0.07
(1,2141)	1:A:56:LEU:HD11	1:A:57:GLU:H	14	0.07
(1,2141)	1:A:56:LEU:HD12	1:A:57:GLU:H	14	0.07
(1,2141)	1:A:56:LEU:HD13	1:A:57:GLU:H	14	0.07
(1,2050)	1:A:64:ARG:HD2	1:A:66:PHE:HE1	7	0.07
(1,196)	1:A:44:GLU:HB3	1:A:45:ASN:H	18	0.07
(1,1949)	1:A:125:TRP:HH2	1:A:137:LEU:HA	8	0.07
(1,1939)	1:A:10:VAL:HA	1:A:13:ILE:HG13	15	0.07
(1,1935)	1:A:150:ILE:HB	1:A:151:PRO:HD2	8	0.07
(1,1935)	1:A:150:ILE:HB	1:A:151:PRO:HD3	8	0.07
(1,1866)	1:A:70:TRP:HE3	1:A:79:GLU:HG2	9	0.07
(1,1866)	1:A:70:TRP:HE3	1:A:79:GLU:HG3	9	0.07
(1,1866)	1:A:70:TRP:HE3	1:A:79:GLU:HG2	10	0.07
(1,1866)	1:A:70:TRP:HE3	1:A:79:GLU:HG3	10	0.07
(1,1823)	1:A:56:LEU:HG	1:A:65:TRP:HE3	2	0.07
(1,1789)	1:A:24:ASP:HB2	1:A:27:LEU:HB3	1	0.07
(1,1666)	1:A:88:ILE:H	1:A:88:ILE:HG12	13	0.07
(1,1582)	1:A:30:GLN:HB2	1:A:30:GLN:HE21	18	0.07
(1,1582)	1:A:30:GLN:HB3	1:A:30:GLN:HE21	18	0.07
(1,1550)	1:A:12:GLU:H	1:A:12:GLU:HG2	19	0.07
(1,155)	1:A:37:GLN:HB3	1:A:38:SER:H	8	0.07
(1,155)	1:A:37:GLN:HB3	1:A:38:SER:H	12	0.07
(1,1438)	1:A:162:LYS:HA	1:A:163:GLU:H	12	0.07
(1,141)	1:A:35:GLU:HB3	1:A:36:TYR:H	14	0.07
(1,1400)	1:A:111:ARG:HA	1:A:112:GLY:H	18	0.07
(1,137)	1:A:32:LEU:HA	1:A:36:TYR:H	15	0.07
(1,1354)	1:A:38:SER:HA	1:A:41:ARG:HB3	11	0.07
(1,1343)	1:A:34:GLU:HA	1:A:37:GLN:HB3	9	0.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1108)	1:A:46:ASN:HD22	1:A:53:TRP:HD1	11	0.07
(1,1090)	1:A:71:TYR:H	1:A:80:PHE:HE1	2	0.07
(1,1076)	1:A:42:TYR:HE1	1:A:139:ALA:H	15	0.07
(1,1066)	1:A:124:LEU:HA	1:A:128:ASN:HD21	18	0.07
(1,1042)	1:A:72:ILE:HG13	1:A:78:TYR:H	3	0.07
(1,1042)	1:A:72:ILE:HG13	1:A:78:TYR:H	18	0.07
(1,999)	1:A:44:GLU:HG2	1:A:48:ASN:HD21	16	0.06
(1,998)	1:A:44:GLU:HG3	1:A:48:ASN:HD21	4	0.06
(1,829)	1:A:51:ASN:HB3	1:A:51:ASN:HD22	2	0.06
(1,828)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	6	0.06
(1,828)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	20	0.06
(1,815)	1:A:45:ASN:HB2	1:A:45:ASN:HD22	18	0.06
(1,815)	1:A:45:ASN:HB2	1:A:45:ASN:HD22	19	0.06
(1,780)	1:A:32:LEU:H	1:A:32:LEU:HG	5	0.06
(1,771)	1:A:25:ARG:HG3	1:A:26:GLU:H	19	0.06
(1,767)	1:A:25:ARG:H	1:A:25:ARG:HG2	1	0.06
(1,764)	1:A:23:ARG:H	1:A:23:ARG:HG3	17	0.06
(1,759)	1:A:19:ASN:HB3	1:A:19:ASN:HD22	20	0.06
(1,712)	1:A:153:LEU:HA	1:A:156:LYS:H	1	0.06
(1,697)	1:A:133:GLY:HA2	1:A:136:HIS:H	20	0.06
(1,640)	1:A:59:ASN:H	1:A:62:GLY:HA3	5	0.06
(1,640)	1:A:59:ASN:H	1:A:62:GLY:HA3	8	0.06
(1,633)	1:A:47:LYS:HA	1:A:51:ASN:H	7	0.06
(1,627)	1:A:46:ASN:HA	1:A:49:ALA:H	10	0.06
(1,613)	1:A:23:ARG:HA	1:A:25:ARG:H	9	0.06
(1,610)	1:A:23:ARG:H	1:A:88:ILE:HA	6	0.06
(1,610)	1:A:23:ARG:H	1:A:88:ILE:HA	11	0.06
(1,609)	1:A:21:GLY:H	1:A:24:ASP:HB3	16	0.06
(1,579)	1:A:164:LYS:HB3	1:A:165:CYS:H	16	0.06
(1,578)	1:A:164:LYS:HB2	1:A:165:CYS:H	1	0.06
(1,563)	1:A:159:ILE:HB	1:A:160:GLN:H	16	0.06
(1,435)	1:A:123:PRO:HA	1:A:125:TRP:H	13	0.06
(1,405)	1:A:114:LYS:H	1:A:114:LYS:HB3	10	0.06
(1,384)	1:A:103:ASP:H	1:A:103:ASP:HB2	4	0.06
(1,3629)	1:A:146:LEU:O	1:A:150:ILE:H	1	0.06
(1,3629)	1:A:146:LEU:O	1:A:150:ILE:H	6	0.06
(1,3625)	1:A:141:GLY:O	1:A:145:TRP:H	16	0.06
(1,3622)	1:A:135:ALA:O	1:A:139:ALA:N	3	0.06
(1,3617)	1:A:120:HIS:O	1:A:124:LEU:H	6	0.06
(1,3617)	1:A:120:HIS:O	1:A:124:LEU:H	15	0.06
(1,3617)	1:A:120:HIS:O	1:A:124:LEU:H	19	0.06
(1,3615)	1:A:83:GLU:O	1:A:98:ALA:H	19	0.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,3611)	1:A:69:CYS:O	1:A:80:PHE:H	2	0.06
(1,3607)	1:A:53:TRP:O	1:A:70:TRP:H	16	0.06
(1,3589)	1:A:39:LEU:O	1:A:43:VAL:H	2	0.06
(1,3589)	1:A:39:LEU:O	1:A:43:VAL:H	8	0.06
(1,3568)	1:A:24:ASP:O	1:A:28:TRP:N	17	0.06
(1,3563)	1:A:6:THR:O	1:A:10:VAL:H	8	0.06
(1,3540)	1:A:160:GLN:HB2	1:A:161:HIS:H	8	0.06
(1,3466)	1:A:121:PHE:HB2	1:A:122:LYS:H	10	0.06
(1,3453)	1:A:114:LYS:H	1:A:114:LYS:HB2	3	0.06
(1,3453)	1:A:114:LYS:H	1:A:114:LYS:HB2	13	0.06
(1,344)	1:A:83:GLU:HB3	1:A:84:PHE:H	17	0.06
(1,3340)	1:A:80:PHE:HB2	1:A:99:VAL:HG11	17	0.06
(1,3340)	1:A:80:PHE:HB2	1:A:99:VAL:HG12	17	0.06
(1,3340)	1:A:80:PHE:HB2	1:A:99:VAL:HG13	17	0.06
(1,333)	1:A:81:ASP:H	1:A:81:ASP:HB2	16	0.06
(1,3308)	1:A:70:TRP:HB2	1:A:71:TYR:H	4	0.06
(1,3304)	1:A:69:CYS:HB2	1:A:70:TRP:H	3	0.06
(1,3252)	1:A:58:SER:HB2	1:A:59:ASN:H	8	0.06
(1,3168)	1:A:40:ILE:H	1:A:40:ILE:HG12	19	0.06
(1,3160)	1:A:35:GLU:HB2	1:A:36:TYR:H	17	0.06
(1,3119)	1:A:28:TRP:HB2	1:A:29:VAL:H	9	0.06
(1,3109)	1:A:24:ASP:HB2	1:A:28:TRP:H	2	0.06
(1,3109)	1:A:24:ASP:HB2	1:A:28:TRP:H	19	0.06
(1,3065)	1:A:19:ASN:HB3	1:A:91:PRO:HB2	10	0.06
(1,2923)	1:A:18:THR:HG21	1:A:27:LEU:HD11	8	0.06
(1,2923)	1:A:18:THR:HG21	1:A:27:LEU:HD12	8	0.06
(1,2923)	1:A:18:THR:HG21	1:A:27:LEU:HD13	8	0.06
(1,2923)	1:A:18:THR:HG22	1:A:27:LEU:HD11	8	0.06
(1,2923)	1:A:18:THR:HG22	1:A:27:LEU:HD12	8	0.06
(1,2923)	1:A:18:THR:HG22	1:A:27:LEU:HD13	8	0.06
(1,2923)	1:A:18:THR:HG23	1:A:27:LEU:HD11	8	0.06
(1,2923)	1:A:18:THR:HG23	1:A:27:LEU:HD12	8	0.06
(1,2923)	1:A:18:THR:HG23	1:A:27:LEU:HD13	8	0.06
(1,2763)	1:A:76:LEU:HD21	1:A:163:GLU:HA	11	0.06
(1,2763)	1:A:76:LEU:HD22	1:A:163:GLU:HA	11	0.06
(1,2763)	1:A:76:LEU:HD23	1:A:163:GLU:HA	11	0.06
(1,2712)	1:A:106:THR:HB	1:A:153:LEU:HD11	10	0.06
(1,2712)	1:A:106:THR:HB	1:A:153:LEU:HD12	10	0.06
(1,2712)	1:A:106:THR:HB	1:A:153:LEU:HD13	10	0.06
(1,2600)	1:A:129:VAL:HG11	1:A:130:PRO:HA	16	0.06
(1,2600)	1:A:129:VAL:HG12	1:A:130:PRO:HA	16	0.06
(1,2600)	1:A:129:VAL:HG13	1:A:130:PRO:HA	16	0.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,2588)	1:A:124:LEU:HD21	1:A:132:PHE:HE1	20	0.06
(1,2588)	1:A:124:LEU:HD22	1:A:132:PHE:HE1	20	0.06
(1,2588)	1:A:124:LEU:HD23	1:A:132:PHE:HE1	20	0.06
(1,252)	1:A:58:SER:HB2	1:A:59:ASN:H	14	0.06
(1,2495)	1:A:92:THR:HA	1:A:129:VAL:HG11	11	0.06
(1,2495)	1:A:92:THR:HA	1:A:129:VAL:HG12	11	0.06
(1,2495)	1:A:92:THR:HA	1:A:129:VAL:HG13	11	0.06
(1,2442)	1:A:74:ASP:HB3	1:A:154:ILE:HG21	14	0.06
(1,2442)	1:A:74:ASP:HB3	1:A:154:ILE:HG22	14	0.06
(1,2442)	1:A:74:ASP:HB3	1:A:154:ILE:HG23	14	0.06
(1,2409)	1:A:32:LEU:HD11	1:A:61:GLU:HA	6	0.06
(1,2409)	1:A:32:LEU:HD12	1:A:61:GLU:HA	6	0.06
(1,2409)	1:A:32:LEU:HD13	1:A:61:GLU:HA	6	0.06
(1,2409)	1:A:32:LEU:HD11	1:A:61:GLU:HA	14	0.06
(1,2409)	1:A:32:LEU:HD12	1:A:61:GLU:HA	14	0.06
(1,2409)	1:A:32:LEU:HD13	1:A:61:GLU:HA	14	0.06
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:47:LYS:HE2	11	0.06
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:47:LYS:HE3	11	0.06
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:47:LYS:HE2	11	0.06
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:47:LYS:HE3	11	0.06
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:47:LYS:HE2	11	0.06
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:47:LYS:HE3	11	0.06
(1,2353)	1:A:16:LEU:HD21	1:A:38:SER:HA	8	0.06
(1,2353)	1:A:16:LEU:HD22	1:A:38:SER:HA	8	0.06
(1,2353)	1:A:16:LEU:HD23	1:A:38:SER:HA	8	0.06
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG2	1:A:27:LEU:HD21	4	0.06
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG2	1:A:27:LEU:HD22	4	0.06
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG2	1:A:27:LEU:HD23	4	0.06
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG3	1:A:27:LEU:HD21	4	0.06
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG3	1:A:27:LEU:HD22	4	0.06
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG3	1:A:27:LEU:HD23	4	0.06
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG2	1:A:27:LEU:HD21	15	0.06
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG2	1:A:27:LEU:HD22	15	0.06
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG2	1:A:27:LEU:HD23	15	0.06
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG3	1:A:27:LEU:HD21	15	0.06
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG3	1:A:27:LEU:HD22	15	0.06
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG3	1:A:27:LEU:HD23	15	0.06
(1,2262)	1:A:13:ILE:HG21	1:A:38:SER:HB2	6	0.06
(1,2262)	1:A:13:ILE:HG21	1:A:38:SER:HB3	6	0.06
(1,2262)	1:A:13:ILE:HG22	1:A:38:SER:HB2	6	0.06
(1,2262)	1:A:13:ILE:HG22	1:A:38:SER:HB3	6	0.06
(1,2262)	1:A:13:ILE:HG23	1:A:38:SER:HB2	6	0.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,2262)	1:A:13:ILE:HG23	1:A:38:SER:HB3	6	0.06
(1,2031)	1:A:71:TYR:HE1	1:A:151:PRO:HG2	15	0.06
(1,1991)	1:A:84:PHE:HB3	1:A:97:ILE:HA	11	0.06
(1,197)	1:A:45:ASN:H	1:A:45:ASN:HB3	3	0.06
(1,1906)	1:A:122:LYS:HB2	1:A:123:PRO:HD3	17	0.06
(1,190)	1:A:41:ARG:HA	1:A:45:ASN:H	12	0.06
(1,1789)	1:A:24:ASP:HB2	1:A:27:LEU:HB3	19	0.06
(1,1779)	1:A:22:PRO:HA	1:A:28:TRP:HD1	12	0.06
(1,1729)	1:A:156:LYS:HB2	1:A:156:LYS:HD2	5	0.06
(1,1595)	1:A:37:GLN:H	1:A:37:GLN:HG2	15	0.06
(1,1582)	1:A:30:GLN:HB2	1:A:30:GLN:HE21	15	0.06
(1,1582)	1:A:30:GLN:HB3	1:A:30:GLN:HE21	15	0.06
(1,1566)	1:A:23:ARG:H	1:A:23:ARG:HD2	6	0.06
(1,1566)	1:A:23:ARG:H	1:A:23:ARG:HD3	6	0.06
(1,1552)	1:A:12:GLU:H	1:A:12:GLU:HG3	6	0.06
(1,155)	1:A:37:GLN:HB3	1:A:38:SER:H	7	0.06
(1,1498)	1:A:98:ALA:HA	1:A:114:LYS:HA	10	0.06
(1,1438)	1:A:162:LYS:HA	1:A:163:GLU:H	15	0.06
(1,1438)	1:A:162:LYS:HA	1:A:163:GLU:H	18	0.06
(1,1422)	1:A:127:ARG:H	1:A:127:ARG:HB3	7	0.06
(1,1400)	1:A:111:ARG:HA	1:A:112:GLY:H	13	0.06
(1,1397)	1:A:101:GLU:H	1:A:101:GLU:HB3	7	0.06
(1,1360)	1:A:41:ARG:HA	1:A:44:GLU:H	16	0.06
(1,1360)	1:A:41:ARG:HA	1:A:44:GLU:H	18	0.06
(1,1343)	1:A:34:GLU:HA	1:A:37:GLN:HB3	2	0.06
(1,1339)	1:A:32:LEU:HB2	1:A:33:LYS:H	7	0.06
(1,1337)	1:A:32:LEU:H	1:A:32:LEU:HB3	4	0.06
(1,1337)	1:A:32:LEU:H	1:A:32:LEU:HB3	16	0.06
(1,1257)	1:A:70:TRP:H	1:A:146:LEU:HD11	5	0.06
(1,1257)	1:A:70:TRP:H	1:A:146:LEU:HD12	5	0.06
(1,1257)	1:A:70:TRP:H	1:A:146:LEU:HD13	5	0.06
(1,1111)	1:A:128:ASN:HD22	1:A:132:PHE:HE1	14	0.06
(1,1109)	1:A:46:ASN:HD22	1:A:51:ASN:HD22	2	0.06
(1,1075)	1:A:53:TRP:HZ2	1:A:139:ALA:H	1	0.06
(1,1075)	1:A:53:TRP:HZ2	1:A:139:ALA:H	2	0.06
(1,1075)	1:A:53:TRP:HZ2	1:A:139:ALA:H	13	0.06
(1,1072)	1:A:133:GLY:H	1:A:136:HIS:HE1	1	0.06
(1,1069)	1:A:127:ARG:HB2	1:A:128:ASN:HD21	11	0.06
(1,1042)	1:A:72:ILE:HG13	1:A:78:TYR:H	2	0.06
(1,1042)	1:A:72:ILE:HG13	1:A:78:TYR:H	8	0.06
(1,1035)	1:A:53:TRP:HE3	1:A:70:TRP:H	3	0.06
(1,1000)	1:A:53:TRP:H	1:A:53:TRP:HD1	20	0.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,998)	1:A:44:GLU:HG3	1:A:48:ASN:HD21	3	0.05
(1,996)	1:A:45:ASN:HA	1:A:48:ASN:HD21	6	0.05
(1,993)	1:A:46:ASN:HD21	1:A:51:ASN:HD22	15	0.05
(1,965)	1:A:20:ALA:H	1:A:28:TRP:HE3	6	0.05
(1,891)	1:A:105:LYS:H	1:A:105:LYS:HG3	9	0.05
(1,829)	1:A:51:ASN:HB3	1:A:51:ASN:HD22	10	0.05
(1,828)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	1	0.05
(1,828)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	3	0.05
(1,828)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	4	0.05
(1,828)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	17	0.05
(1,771)	1:A:25:ARG:HG3	1:A:26:GLU:H	15	0.05
(1,759)	1:A:19:ASN:HB3	1:A:19:ASN:HD22	7	0.05
(1,719)	1:A:57:GLU:H	1:A:66:PHE:H	7	0.05
(1,693)	1:A:133:GLY:H	1:A:136:HIS:H	19	0.05
(1,658)	1:A:71:TYR:H	1:A:79:GLU:HA	3	0.05
(1,633)	1:A:47:LYS:HA	1:A:51:ASN:H	10	0.05
(1,613)	1:A:23:ARG:HA	1:A:25:ARG:H	6	0.05
(1,60)	1:A:23:ARG:H	1:A:23:ARG:HB3	12	0.05
(1,60)	1:A:23:ARG:H	1:A:23:ARG:HB3	17	0.05
(1,574)	1:A:163:GLU:H	1:A:163:GLU:HB3	14	0.05
(1,404)	1:A:114:LYS:H	1:A:114:LYS:HB2	9	0.05
(1,403)	1:A:113:GLY:H	1:A:114:LYS:H	18	0.05
(1,396)	1:A:106:THR:HA	1:A:107:ALA:H	12	0.05
(1,3629)	1:A:146:LEU:O	1:A:150:ILE:H	10	0.05
(1,3625)	1:A:141:GLY:O	1:A:145:TRP:H	14	0.05
(1,3621)	1:A:135:ALA:O	1:A:139:ALA:H	4	0.05
(1,3621)	1:A:135:ALA:O	1:A:139:ALA:H	6	0.05
(1,3621)	1:A:135:ALA:O	1:A:139:ALA:H	12	0.05
(1,3617)	1:A:120:HIS:O	1:A:124:LEU:H	1	0.05
(1,3617)	1:A:120:HIS:O	1:A:124:LEU:H	3	0.05
(1,3617)	1:A:120:HIS:O	1:A:124:LEU:H	11	0.05
(1,3615)	1:A:83:GLU:O	1:A:98:ALA:H	17	0.05
(1,3608)	1:A:53:TRP:O	1:A:70:TRP:N	13	0.05
(1,3603)	1:A:55:ARG:O	1:A:68:LYS:H	16	0.05
(1,3595)	1:A:43:VAL:O	1:A:47:LYS:H	12	0.05
(1,3585)	1:A:36:TYR:O	1:A:40:ILE:H	12	0.05
(1,3583)	1:A:35:GLU:O	1:A:39:LEU:H	11	0.05
(1,3583)	1:A:35:GLU:O	1:A:39:LEU:H	16	0.05
(1,3583)	1:A:35:GLU:O	1:A:39:LEU:H	20	0.05
(1,3577)	1:A:31:ARG:O	1:A:35:GLU:H	11	0.05
(1,3575)	1:A:30:GLN:O	1:A:34:GLU:H	20	0.05
(1,3544)	1:A:163:GLU:H	1:A:163:GLU:HB2	2	0.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,3543)	1:A:161:HIS:HB2	1:A:162:LYS:H	14	0.05
(1,3524)	1:A:156:LYS:H	1:A:156:LYS:HG2	10	0.05
(1,3508)	1:A:142:LEU:HD11	1:A:145:TRP:HE3	20	0.05
(1,3508)	1:A:142:LEU:HD12	1:A:145:TRP:HE3	20	0.05
(1,3508)	1:A:142:LEU:HD13	1:A:145:TRP:HE3	20	0.05
(1,3487)	1:A:127:ARG:HB2	1:A:128:ASN:H	19	0.05
(1,3485)	1:A:127:ARG:H	1:A:127:ARG:HG2	14	0.05
(1,3474)	1:A:122:LYS:HA	1:A:122:LYS:HD2	9	0.05
(1,3474)	1:A:122:LYS:HA	1:A:122:LYS:HD2	17	0.05
(1,3308)	1:A:70:TRP:HB2	1:A:71:TYR:H	20	0.05
(1,3304)	1:A:69:CYS:HB2	1:A:70:TRP:H	9	0.05
(1,3268)	1:A:60:LYS:HB2	1:A:61:GLU:HG2	7	0.05
(1,3227)	1:A:56:LEU:HD11	1:A:66:PHE:H	2	0.05
(1,3227)	1:A:56:LEU:HD12	1:A:66:PHE:H	2	0.05
(1,3227)	1:A:56:LEU:HD13	1:A:66:PHE:H	2	0.05
(1,3227)	1:A:56:LEU:HD11	1:A:66:PHE:H	12	0.05
(1,3227)	1:A:56:LEU:HD12	1:A:66:PHE:H	12	0.05
(1,3227)	1:A:56:LEU:HD13	1:A:66:PHE:H	12	0.05
(1,3168)	1:A:40:ILE:H	1:A:40:ILE:HG12	10	0.05
(1,3160)	1:A:35:GLU:HB2	1:A:36:TYR:H	6	0.05
(1,3088)	1:A:22:PRO:HB2	1:A:28:TRP:HZ2	17	0.05
(1,3065)	1:A:19:ASN:HB3	1:A:91:PRO:HB2	19	0.05
(1,3053)	1:A:15:VAL:HG11	1:A:131:LYS:HD2	15	0.05
(1,3053)	1:A:15:VAL:HG12	1:A:131:LYS:HD2	15	0.05
(1,3053)	1:A:15:VAL:HG13	1:A:131:LYS:HD2	15	0.05
(1,293)	1:A:69:CYS:HB2	1:A:70:TRP:H	14	0.05
(1,2823)	1:A:56:LEU:HD21	1:A:65:TRP:HB3	20	0.05
(1,2823)	1:A:56:LEU:HD22	1:A:65:TRP:HB3	20	0.05
(1,2823)	1:A:56:LEU:HD23	1:A:65:TRP:HB3	20	0.05
(1,2806)	1:A:109:MET:HE1	1:A:145:TRP:HZ2	12	0.05
(1,2806)	1:A:109:MET:HE2	1:A:145:TRP:HZ2	12	0.05
(1,2806)	1:A:109:MET:HE3	1:A:145:TRP:HZ2	12	0.05
(1,2770)	1:A:76:LEU:HD21	1:A:164:LYS:HE2	13	0.05
(1,2770)	1:A:76:LEU:HD21	1:A:164:LYS:HE3	13	0.05
(1,2770)	1:A:76:LEU:HD22	1:A:164:LYS:HE2	13	0.05
(1,2770)	1:A:76:LEU:HD22	1:A:164:LYS:HE3	13	0.05
(1,2770)	1:A:76:LEU:HD23	1:A:164:LYS:HE2	13	0.05
(1,2770)	1:A:76:LEU:HD23	1:A:164:LYS:HE3	13	0.05
(1,2712)	1:A:106:THR:HB	1:A:153:LEU:HD11	20	0.05
(1,2712)	1:A:106:THR:HB	1:A:153:LEU:HD12	20	0.05
(1,2712)	1:A:106:THR:HB	1:A:153:LEU:HD13	20	0.05
(1,2600)	1:A:129:VAL:HG11	1:A:130:PRO:HA	6	0.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,2600)	1:A:129:VAL:HG12	1:A:130:PRO:HA	6	0.05
(1,2600)	1:A:129:VAL:HG13	1:A:130:PRO:HA	6	0.05
(1,2579)	1:A:117:LEU:HD21	1:A:141:GLY:HA3	19	0.05
(1,2579)	1:A:117:LEU:HD22	1:A:141:GLY:HA3	19	0.05
(1,2579)	1:A:117:LEU:HD23	1:A:141:GLY:HA3	19	0.05
(1,2522)	1:A:97:ILE:HD11	1:A:142:LEU:HB2	20	0.05
(1,2522)	1:A:97:ILE:HD12	1:A:142:LEU:HB2	20	0.05
(1,2522)	1:A:97:ILE:HD13	1:A:142:LEU:HB2	20	0.05
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG2	1:A:27:LEU:HD21	16	0.05
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG2	1:A:27:LEU:HD22	16	0.05
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG2	1:A:27:LEU:HD23	16	0.05
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG3	1:A:27:LEU:HD21	16	0.05
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG3	1:A:27:LEU:HD22	16	0.05
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG3	1:A:27:LEU:HD23	16	0.05
(1,2141)	1:A:56:LEU:HD11	1:A:57:GLU:H	2	0.05
(1,2141)	1:A:56:LEU:HD12	1:A:57:GLU:H	2	0.05
(1,2141)	1:A:56:LEU:HD13	1:A:57:GLU:H	2	0.05
(1,2086)	1:A:70:TRP:HD1	1:A:72:ILE:HG12	17	0.05
(1,2085)	1:A:70:TRP:HD1	1:A:77:LYS:HD2	8	0.05
(1,197)	1:A:45:ASN:H	1:A:45:ASN:HB3	10	0.05
(1,197)	1:A:45:ASN:H	1:A:45:ASN:HB3	20	0.05
(1,1967)	1:A:70:TRP:HD1	1:A:77:LYS:HE3	1	0.05
(1,1954)	1:A:127:ARG:HA	1:A:127:ARG:HG3	7	0.05
(1,1953)	1:A:124:LEU:HA	1:A:127:ARG:HG3	15	0.05
(1,1906)	1:A:122:LYS:HB2	1:A:123:PRO:HD3	8	0.05
(1,190)	1:A:41:ARG:HA	1:A:45:ASN:H	4	0.05
(1,1865)	1:A:70:TRP:HD1	1:A:77:LYS:HD3	19	0.05
(1,1820)	1:A:47:LYS:HA	1:A:52:ASP:HB3	13	0.05
(1,1820)	1:A:47:LYS:HA	1:A:52:ASP:HB3	18	0.05
(1,1808)	1:A:41:ARG:HD3	1:A:45:ASN:HD22	5	0.05
(1,1808)	1:A:41:ARG:HD3	1:A:45:ASN:HD22	8	0.05
(1,1807)	1:A:41:ARG:HD2	1:A:45:ASN:HD22	13	0.05
(1,1804)	1:A:36:TYR:H	1:A:37:GLN:HG3	15	0.05
(1,1772)	1:A:15:VAL:HB	1:A:131:LYS:HB3	2	0.05
(1,1772)	1:A:15:VAL:HB	1:A:131:LYS:HB3	6	0.05
(1,1735)	1:A:156:LYS:HB2	1:A:156:LYS:HE2	13	0.05
(1,1735)	1:A:156:LYS:HB2	1:A:156:LYS:HE3	13	0.05
(1,1671)	1:A:96:GLU:HG3	1:A:97:ILE:H	19	0.05
(1,1666)	1:A:88:ILE:H	1:A:88:ILE:HG12	17	0.05
(1,1600)	1:A:37:GLN:HA	1:A:37:GLN:HG3	19	0.05
(1,155)	1:A:37:GLN:HB3	1:A:38:SER:H	19	0.05
(1,1503)	1:A:129:VAL:HA	1:A:131:LYS:H	1	0.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1488)	1:A:64:ARG:HA	1:A:85:ASP:HA	3	0.05
(1,1482)	1:A:74:ASP:HB2	1:A:76:LEU:H	16	0.05
(1,1427)	1:A:135:ALA:HA	1:A:138:MET:HB2	20	0.05
(1,1414)	1:A:121:PHE:HA	1:A:124:LEU:H	6	0.05
(1,1414)	1:A:121:PHE:HA	1:A:124:LEU:H	11	0.05
(1,1397)	1:A:101:GLU:H	1:A:101:GLU:HB3	8	0.05
(1,1382)	1:A:57:GLU:HB2	1:A:58:SER:H	14	0.05
(1,1369)	1:A:44:GLU:H	1:A:44:GLU:HB3	15	0.05
(1,1328)	1:A:25:ARG:HB3	1:A:26:GLU:H	3	0.05
(1,1328)	1:A:25:ARG:HB3	1:A:26:GLU:H	8	0.05
(1,1257)	1:A:70:TRP:H	1:A:146:LEU:HD11	9	0.05
(1,1257)	1:A:70:TRP:H	1:A:146:LEU:HD12	9	0.05
(1,1257)	1:A:70:TRP:H	1:A:146:LEU:HD13	9	0.05
(1,1213)	1:A:18:THR:HG21	1:A:20:ALA:H	7	0.05
(1,1213)	1:A:18:THR:HG22	1:A:20:ALA:H	7	0.05
(1,1213)	1:A:18:THR:HG23	1:A:20:ALA:H	7	0.05
(1,1075)	1:A:53:TRP:HZ2	1:A:139:ALA:H	6	0.05
(1,1018)	1:A:59:ASN:HD22	1:A:64:ARG:H	7	0.05
(1,1016)	1:A:59:ASN:HD21	1:A:64:ARG:H	12	0.05
(1,1014)	1:A:59:ASN:HD22	1:A:63:THR:H	18	0.05
(1,1000)	1:A:53:TRP:H	1:A:53:TRP:HD1	13	0.05
(1,993)	1:A:46:ASN:HD21	1:A:51:ASN:HD22	19	0.04
(1,90)	1:A:26:GLU:HA	1:A:29:VAL:H	17	0.04
(1,890)	1:A:105:LYS:H	1:A:105:LYS:HG2	8	0.04
(1,859)	1:A:75:LEU:H	1:A:75:LEU:HG	3	0.04
(1,845)	1:A:61:GLU:H	1:A:61:GLU:HG2	6	0.04
(1,840)	1:A:57:GLU:HG3	1:A:58:SER:H	4	0.04
(1,829)	1:A:51:ASN:HB3	1:A:51:ASN:HD22	9	0.04
(1,828)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	15	0.04
(1,828)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	18	0.04
(1,793)	1:A:37:GLN:HG3	1:A:37:GLN:HE22	3	0.04
(1,793)	1:A:37:GLN:HG3	1:A:37:GLN:HE22	4	0.04
(1,792)	1:A:37:GLN:HG2	1:A:37:GLN:HE22	10	0.04
(1,780)	1:A:32:LEU:H	1:A:32:LEU:HG	3	0.04
(1,780)	1:A:32:LEU:H	1:A:32:LEU:HG	8	0.04
(1,771)	1:A:25:ARG:HG3	1:A:26:GLU:H	1	0.04
(1,759)	1:A:19:ASN:HB3	1:A:19:ASN:HD22	6	0.04
(1,759)	1:A:19:ASN:HB3	1:A:19:ASN:HD22	15	0.04
(1,697)	1:A:133:GLY:HA2	1:A:136:HIS:H	7	0.04
(1,697)	1:A:133:GLY:HA2	1:A:136:HIS:H	14	0.04
(1,673)	1:A:64:ARG:HA	1:A:86:ILE:H	3	0.04
(1,646)	1:A:59:ASN:H	1:A:64:ARG:H	15	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,632)	1:A:49:ALA:HA	1:A:51:ASN:H	8	0.04
(1,627)	1:A:46:ASN:HA	1:A:49:ALA:H	12	0.04
(1,613)	1:A:23:ARG:HA	1:A:25:ARG:H	18	0.04
(1,610)	1:A:23:ARG:H	1:A:88:ILE:HA	9	0.04
(1,60)	1:A:23:ARG:H	1:A:23:ARG:HB3	4	0.04
(1,579)	1:A:164:LYS:HB3	1:A:165:CYS:H	1	0.04
(1,570)	1:A:161:HIS:HB2	1:A:162:LYS:H	15	0.04
(1,569)	1:A:161:HIS:HA	1:A:162:LYS:H	17	0.04
(1,563)	1:A:159:ILE:HB	1:A:160:GLN:H	5	0.04
(1,563)	1:A:159:ILE:HB	1:A:160:GLN:H	6	0.04
(1,559)	1:A:158:VAL:HB	1:A:159:ILE:H	5	0.04
(1,559)	1:A:158:VAL:HB	1:A:159:ILE:H	17	0.04
(1,403)	1:A:113:GLY:H	1:A:114:LYS:H	14	0.04
(1,403)	1:A:113:GLY:H	1:A:114:LYS:H	17	0.04
(1,385)	1:A:103:ASP:H	1:A:103:ASP:HB3	8	0.04
(1,379)	1:A:100:PRO:HB3	1:A:101:GLU:H	4	0.04
(1,3633)	1:A:150:ILE:O	1:A:154:ILE:H	18	0.04
(1,3632)	1:A:149:GLU:O	1:A:153:LEU:N	1	0.04
(1,3629)	1:A:146:LEU:O	1:A:150:ILE:H	7	0.04
(1,3625)	1:A:141:GLY:O	1:A:145:TRP:H	1	0.04
(1,3625)	1:A:141:GLY:O	1:A:145:TRP:H	11	0.04
(1,3621)	1:A:135:ALA:O	1:A:139:ALA:H	9	0.04
(1,3617)	1:A:120:HIS:O	1:A:124:LEU:H	18	0.04
(1,3611)	1:A:69:CYS:O	1:A:80:PHE:H	7	0.04
(1,3611)	1:A:69:CYS:O	1:A:80:PHE:H	8	0.04
(1,3607)	1:A:53:TRP:O	1:A:70:TRP:H	4	0.04
(1,3607)	1:A:53:TRP:O	1:A:70:TRP:H	18	0.04
(1,3603)	1:A:55:ARG:O	1:A:68:LYS:H	19	0.04
(1,3599)	1:A:57:GLU:O	1:A:66:PHE:H	5	0.04
(1,3591)	1:A:40:ILE:O	1:A:44:GLU:H	12	0.04
(1,3589)	1:A:39:LEU:O	1:A:43:VAL:H	11	0.04
(1,3589)	1:A:39:LEU:O	1:A:43:VAL:H	17	0.04
(1,3585)	1:A:36:TYR:O	1:A:40:ILE:H	16	0.04
(1,3585)	1:A:36:TYR:O	1:A:40:ILE:H	19	0.04
(1,3583)	1:A:35:GLU:O	1:A:39:LEU:H	18	0.04
(1,3568)	1:A:24:ASP:O	1:A:28:TRP:N	12	0.04
(1,3567)	1:A:24:ASP:O	1:A:28:TRP:H	17	0.04
(1,3565)	1:A:7:ARG:O	1:A:11:SER:H	7	0.04
(1,3559)	1:A:4:GLU:O	1:A:8:ARG:H	5	0.04
(1,3548)	1:A:164:LYS:HA	1:A:164:LYS:HG2	8	0.04
(1,3545)	1:A:163:GLU:HB2	1:A:164:LYS:H	12	0.04
(1,3540)	1:A:160:GLN:HB2	1:A:161:HIS:H	13	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,3485)	1:A:127:ARG:H	1:A:127:ARG:HG2	18	0.04
(1,3474)	1:A:122:LYS:HA	1:A:122:LYS:HD2	8	0.04
(1,3356)	1:A:84:PHE:HB2	1:A:98:ALA:H	3	0.04
(1,333)	1:A:81:ASP:H	1:A:81:ASP:HB2	14	0.04
(1,333)	1:A:81:ASP:H	1:A:81:ASP:HB2	17	0.04
(1,3308)	1:A:70:TRP:HB2	1:A:71:TYR:H	10	0.04
(1,3251)	1:A:58:SER:H	1:A:58:SER:HB2	10	0.04
(1,3217)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:67:GLY:HA2	14	0.04
(1,3215)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:GLU:H	7	0.04
(1,3214)	1:A:56:LEU:HA	1:A:67:GLY:HA2	1	0.04
(1,3200)	1:A:52:ASP:H	1:A:52:ASP:HB2	9	0.04
(1,3177)	1:A:41:ARG:HD2	1:A:44:GLU:H	7	0.04
(1,3170)	1:A:40:ILE:HG21	1:A:44:GLU:HG2	1	0.04
(1,3170)	1:A:40:ILE:HG22	1:A:44:GLU:HG2	1	0.04
(1,3170)	1:A:40:ILE:HG23	1:A:44:GLU:HG2	1	0.04
(1,3168)	1:A:40:ILE:H	1:A:40:ILE:HG12	7	0.04
(1,3168)	1:A:40:ILE:H	1:A:40:ILE:HG12	8	0.04
(1,3144)	1:A:32:LEU:HD11	1:A:62:GLY:HA2	7	0.04
(1,3144)	1:A:32:LEU:HD12	1:A:62:GLY:HA2	7	0.04
(1,3144)	1:A:32:LEU:HD13	1:A:62:GLY:HA2	7	0.04
(1,3109)	1:A:24:ASP:HB2	1:A:28:TRP:H	3	0.04
(1,3060)	1:A:19:ASN:HA	1:A:91:PRO:HB2	15	0.04
(1,2996)	1:A:68:LYS:HD3	1:A:70:TRP:HZ2	19	0.04
(1,2985)	1:A:28:TRP:HZ2	1:A:63:THR:HB	5	0.04
(1,2923)	1:A:18:THR:HG21	1:A:27:LEU:HD11	12	0.04
(1,2923)	1:A:18:THR:HG21	1:A:27:LEU:HD12	12	0.04
(1,2923)	1:A:18:THR:HG21	1:A:27:LEU:HD13	12	0.04
(1,2923)	1:A:18:THR:HG22	1:A:27:LEU:HD11	12	0.04
(1,2923)	1:A:18:THR:HG22	1:A:27:LEU:HD12	12	0.04
(1,2923)	1:A:18:THR:HG22	1:A:27:LEU:HD13	12	0.04
(1,2923)	1:A:18:THR:HG23	1:A:27:LEU:HD11	12	0.04
(1,2923)	1:A:18:THR:HG23	1:A:27:LEU:HD12	12	0.04
(1,2923)	1:A:18:THR:HG23	1:A:27:LEU:HD13	12	0.04
(1,29)	1:A:10:VAL:HA	1:A:11:SER:H	14	0.04
(1,29)	1:A:10:VAL:HA	1:A:11:SER:H	20	0.04
(1,2823)	1:A:56:LEU:HD21	1:A:65:TRP:HB3	19	0.04
(1,2823)	1:A:56:LEU:HD22	1:A:65:TRP:HB3	19	0.04
(1,2823)	1:A:56:LEU:HD23	1:A:65:TRP:HB3	19	0.04
(1,2816)	1:A:84:PHE:HZ	1:A:134:LEU:HD21	13	0.04
(1,2816)	1:A:84:PHE:HZ	1:A:134:LEU:HD22	13	0.04
(1,2816)	1:A:84:PHE:HZ	1:A:134:LEU:HD23	13	0.04
(1,2808)	1:A:102:LEU:H	1:A:109:MET:HE1	13	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,2808)	1:A:102:LEU:H	1:A:109:MET:HE2	13	0.04
(1,2808)	1:A:102:LEU:H	1:A:109:MET:HE3	13	0.04
(1,2798)	1:A:109:MET:HE1	1:A:115:ILE:HG21	4	0.04
(1,2798)	1:A:109:MET:HE1	1:A:115:ILE:HG22	4	0.04
(1,2798)	1:A:109:MET:HE1	1:A:115:ILE:HG23	4	0.04
(1,2798)	1:A:109:MET:HE2	1:A:115:ILE:HG21	4	0.04
(1,2798)	1:A:109:MET:HE2	1:A:115:ILE:HG22	4	0.04
(1,2798)	1:A:109:MET:HE2	1:A:115:ILE:HG23	4	0.04
(1,2798)	1:A:109:MET:HE3	1:A:115:ILE:HG21	4	0.04
(1,2798)	1:A:109:MET:HE3	1:A:115:ILE:HG22	4	0.04
(1,2798)	1:A:109:MET:HE3	1:A:115:ILE:HG23	4	0.04
(1,2765)	1:A:76:LEU:HD21	1:A:164:LYS:HB2	11	0.04
(1,2765)	1:A:76:LEU:HD22	1:A:164:LYS:HB2	11	0.04
(1,2765)	1:A:76:LEU:HD23	1:A:164:LYS:HB2	11	0.04
(1,2763)	1:A:76:LEU:HD21	1:A:163:GLU:HA	4	0.04
(1,2763)	1:A:76:LEU:HD22	1:A:163:GLU:HA	4	0.04
(1,2763)	1:A:76:LEU:HD23	1:A:163:GLU:HA	4	0.04
(1,2763)	1:A:76:LEU:HD21	1:A:163:GLU:HA	12	0.04
(1,2763)	1:A:76:LEU:HD22	1:A:163:GLU:HA	12	0.04
(1,2763)	1:A:76:LEU:HD23	1:A:163:GLU:HA	12	0.04
(1,2732)	1:A:78:TYR:HB3	1:A:154:ILE:HD11	20	0.04
(1,2732)	1:A:78:TYR:HB3	1:A:154:ILE:HD12	20	0.04
(1,2732)	1:A:78:TYR:HB3	1:A:154:ILE:HD13	20	0.04
(1,2680)	1:A:53:TRP:HE3	1:A:146:LEU:HD21	4	0.04
(1,2680)	1:A:53:TRP:HE3	1:A:146:LEU:HD22	4	0.04
(1,2680)	1:A:53:TRP:HE3	1:A:146:LEU:HD23	4	0.04
(1,262)	1:A:61:GLU:H	1:A:61:GLU:HB3	13	0.04
(1,260)	1:A:60:LYS:HB3	1:A:61:GLU:H	11	0.04
(1,259)	1:A:60:LYS:HB2	1:A:61:GLU:H	19	0.04
(1,2555)	1:A:106:THR:HG21	1:A:145:TRP:HZ2	9	0.04
(1,2555)	1:A:106:THR:HG22	1:A:145:TRP:HZ2	9	0.04
(1,2555)	1:A:106:THR:HG23	1:A:145:TRP:HZ2	9	0.04
(1,2460)	1:A:54:PHE:HB3	1:A:82:ILE:HD11	5	0.04
(1,2460)	1:A:54:PHE:HB3	1:A:82:ILE:HD12	5	0.04
(1,2460)	1:A:54:PHE:HB3	1:A:82:ILE:HD13	5	0.04
(1,2447)	1:A:76:LEU:HD11	1:A:161:HIS:HB2	9	0.04
(1,2447)	1:A:76:LEU:HD12	1:A:161:HIS:HB2	9	0.04
(1,2447)	1:A:76:LEU:HD13	1:A:161:HIS:HB2	9	0.04
(1,2426)	1:A:72:ILE:HG21	1:A:75:LEU:H	18	0.04
(1,2426)	1:A:72:ILE:HG22	1:A:75:LEU:H	18	0.04
(1,2426)	1:A:72:ILE:HG23	1:A:75:LEU:H	18	0.04
(1,2426)	1:A:72:ILE:HG21	1:A:75:LEU:H	20	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,2426)	1:A:72:ILE:HG22	1:A:75:LEU:H	20	0.04
(1,2426)	1:A:72:ILE:HG23	1:A:75:LEU:H	20	0.04
(1,2402)	1:A:56:LEU:HD21	1:A:65:TRP:HE3	20	0.04
(1,2402)	1:A:56:LEU:HD22	1:A:65:TRP:HE3	20	0.04
(1,2402)	1:A:56:LEU:HD23	1:A:65:TRP:HE3	20	0.04
(1,2358)	1:A:39:LEU:HD21	1:A:65:TRP:HZ3	4	0.04
(1,2358)	1:A:39:LEU:HD22	1:A:65:TRP:HZ3	4	0.04
(1,2358)	1:A:39:LEU:HD23	1:A:65:TRP:HZ3	4	0.04
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG2	1:A:27:LEU:HD21	10	0.04
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG2	1:A:27:LEU:HD22	10	0.04
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG2	1:A:27:LEU:HD23	10	0.04
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG3	1:A:27:LEU:HD21	10	0.04
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG3	1:A:27:LEU:HD22	10	0.04
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG3	1:A:27:LEU:HD23	10	0.04
(1,2307)	1:A:18:THR:HG21	1:A:31:ARG:HB3	6	0.04
(1,2307)	1:A:18:THR:HG22	1:A:31:ARG:HB3	6	0.04
(1,2307)	1:A:18:THR:HG23	1:A:31:ARG:HB3	6	0.04
(1,2086)	1:A:70:TRP:HD1	1:A:72:ILE:HG12	16	0.04
(1,2071)	1:A:121:PHE:HE1	1:A:125:TRP:HZ3	10	0.04
(1,206)	1:A:43:VAL:HA	1:A:47:LYS:H	18	0.04
(1,2022)	1:A:32:LEU:HB3	1:A:36:TYR:HE1	3	0.04
(1,202)	1:A:45:ASN:HB3	1:A:46:ASN:H	9	0.04
(1,202)	1:A:45:ASN:HB3	1:A:46:ASN:H	11	0.04
(1,1991)	1:A:84:PHE:HB3	1:A:97:ILE:HA	7	0.04
(1,197)	1:A:45:ASN:H	1:A:45:ASN:HB3	9	0.04
(1,197)	1:A:45:ASN:H	1:A:45:ASN:HB3	11	0.04
(1,197)	1:A:45:ASN:H	1:A:45:ASN:HB3	13	0.04
(1,197)	1:A:45:ASN:H	1:A:45:ASN:HB3	14	0.04
(1,197)	1:A:45:ASN:H	1:A:45:ASN:HB3	17	0.04
(1,1949)	1:A:125:TRP:HH2	1:A:137:LEU:HA	6	0.04
(1,1949)	1:A:125:TRP:HH2	1:A:137:LEU:HA	19	0.04
(1,1905)	1:A:122:LYS:HB3	1:A:123:PRO:HD2	7	0.04
(1,1890)	1:A:87:PRO:HG3	1:A:93:THR:HB	4	0.04
(1,1867)	1:A:70:TRP:HD1	1:A:79:GLU:HG2	4	0.04
(1,1867)	1:A:70:TRP:HD1	1:A:79:GLU:HG3	4	0.04
(1,1820)	1:A:47:LYS:HA	1:A:52:ASP:HB3	4	0.04
(1,1810)	1:A:41:ARG:HD2	1:A:44:GLU:HB3	18	0.04
(1,1795)	1:A:28:TRP:HD1	1:A:32:LEU:HG	8	0.04
(1,1779)	1:A:22:PRO:HA	1:A:28:TRP:HD1	5	0.04
(1,1779)	1:A:22:PRO:HA	1:A:28:TRP:HD1	18	0.04
(1,1772)	1:A:15:VAL:HB	1:A:131:LYS:HB3	3	0.04
(1,1772)	1:A:15:VAL:HB	1:A:131:LYS:HB3	16	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,169)	1:A:37:GLN:HA	1:A:41:ARG:H	8	0.04
(1,1669)	1:A:96:GLU:HA	1:A:96:GLU:HG2	4	0.04
(1,1600)	1:A:37:GLN:HA	1:A:37:GLN:HG3	11	0.04
(1,1570)	1:A:25:ARG:HA	1:A:25:ARG:HG3	11	0.04
(1,1570)	1:A:25:ARG:HA	1:A:25:ARG:HG3	15	0.04
(1,1559)	1:A:17:LYS:H	1:A:17:LYS:HD2	1	0.04
(1,1559)	1:A:17:LYS:H	1:A:17:LYS:HD3	1	0.04
(1,1550)	1:A:12:GLU:H	1:A:12:GLU:HG2	14	0.04
(1,155)	1:A:37:GLN:HB3	1:A:38:SER:H	17	0.04
(1,1531)	1:A:124:LEU:HA	1:A:127:ARG:HB3	12	0.04
(1,1482)	1:A:74:ASP:HB2	1:A:76:LEU:H	15	0.04
(1,1458)	1:A:23:ARG:HB3	1:A:24:ASP:HA	20	0.04
(1,1439)	1:A:163:GLU:HB2	1:A:164:LYS:H	16	0.04
(1,143)	1:A:36:TYR:H	1:A:36:TYR:HB3	11	0.04
(1,1422)	1:A:127:ARG:H	1:A:127:ARG:HB3	12	0.04
(1,1412)	1:A:119:ASP:HA	1:A:122:LYS:HB3	16	0.04
(1,1403)	1:A:116:CYS:H	1:A:116:CYS:HB3	13	0.04
(1,1382)	1:A:57:GLU:HB2	1:A:58:SER:H	4	0.04
(1,1382)	1:A:57:GLU:HB2	1:A:58:SER:H	16	0.04
(1,1372)	1:A:45:ASN:HA	1:A:48:ASN:HB2	11	0.04
(1,1372)	1:A:45:ASN:HA	1:A:48:ASN:HB3	11	0.04
(1,137)	1:A:32:LEU:HA	1:A:36:TYR:H	5	0.04
(1,1369)	1:A:44:GLU:H	1:A:44:GLU:HB3	4	0.04
(1,1369)	1:A:44:GLU:H	1:A:44:GLU:HB3	5	0.04
(1,1369)	1:A:44:GLU:H	1:A:44:GLU:HB3	12	0.04
(1,1369)	1:A:44:GLU:H	1:A:44:GLU:HB3	14	0.04
(1,1360)	1:A:41:ARG:HA	1:A:44:GLU:H	7	0.04
(1,1339)	1:A:32:LEU:HB2	1:A:33:LYS:H	3	0.04
(1,1339)	1:A:32:LEU:HB2	1:A:33:LYS:H	8	0.04
(1,1333)	1:A:26:GLU:HA	1:A:29:VAL:HB	12	0.04
(1,1328)	1:A:25:ARG:HB3	1:A:26:GLU:H	2	0.04
(1,1317)	1:A:12:GLU:H	1:A:12:GLU:HB3	14	0.04
(1,1317)	1:A:12:GLU:H	1:A:12:GLU:HB3	20	0.04
(1,1304)	1:A:4:GLU:HA	1:A:7:ARG:H	16	0.04
(1,1257)	1:A:70:TRP:H	1:A:146:LEU:HD11	11	0.04
(1,1257)	1:A:70:TRP:H	1:A:146:LEU:HD12	11	0.04
(1,1257)	1:A:70:TRP:H	1:A:146:LEU:HD13	11	0.04
(1,1229)	1:A:18:THR:HG21	1:A:31:ARG:H	8	0.04
(1,1229)	1:A:18:THR:HG22	1:A:31:ARG:H	8	0.04
(1,1229)	1:A:18:THR:HG23	1:A:31:ARG:H	8	0.04
(1,1212)	1:A:19:ASN:HD22	1:A:129:VAL:HG11	5	0.04
(1,1212)	1:A:19:ASN:HD22	1:A:129:VAL:HG12	5	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1212)	1:A:19:ASN:HD22	1:A:129:VAL:HG13	5	0.04
(1,1085)	1:A:51:ASN:HD21	1:A:53:TRP:HE1	9	0.04
(1,1082)	1:A:46:ASN:HD21	1:A:53:TRP:HE1	3	0.04
(1,1079)	1:A:53:TRP:HH2	1:A:143:GLY:H	10	0.04
(1,1075)	1:A:53:TRP:HZ2	1:A:139:ALA:H	4	0.04
(1,1075)	1:A:53:TRP:HZ2	1:A:139:ALA:H	8	0.04
(1,1066)	1:A:124:LEU:HA	1:A:128:ASN:HD21	13	0.04
(1,1063)	1:A:94:ALA:HA	1:A:125:TRP:HE1	1	0.04
(1,1054)	1:A:94:ALA:H	1:A:125:TRP:HZ2	9	0.04
(1,1054)	1:A:94:ALA:H	1:A:125:TRP:HZ2	11	0.04
(1,1042)	1:A:72:ILE:HG13	1:A:78:TYR:H	1	0.04
(1,1042)	1:A:72:ILE:HG13	1:A:78:TYR:H	13	0.04
(1,1042)	1:A:72:ILE:HG13	1:A:78:TYR:H	15	0.04
(1,1042)	1:A:72:ILE:HG13	1:A:78:TYR:H	19	0.04
(1,1035)	1:A:53:TRP:HE3	1:A:70:TRP:H	1	0.04
(1,1010)	1:A:59:ASN:HD22	1:A:64:ARG:HB3	19	0.04
(1,1000)	1:A:53:TRP:H	1:A:53:TRP:HD1	4	0.04
(1,1)	1:A:3:ASP:HA	1:A:4:GLU:H	16	0.04
(1,990)	1:A:12:GLU:HB2	1:A:45:ASN:HD22	11	0.03
(1,90)	1:A:26:GLU:HA	1:A:29:VAL:H	19	0.03
(1,891)	1:A:105:LYS:H	1:A:105:LYS:HG3	3	0.03
(1,890)	1:A:105:LYS:H	1:A:105:LYS:HG2	10	0.03
(1,86)	1:A:27:LEU:HB3	1:A:28:TRP:H	12	0.03
(1,846)	1:A:61:GLU:H	1:A:61:GLU:HG3	20	0.03
(1,840)	1:A:57:GLU:HG3	1:A:58:SER:H	7	0.03
(1,840)	1:A:57:GLU:HG3	1:A:58:SER:H	14	0.03
(1,828)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	12	0.03
(1,815)	1:A:45:ASN:HB2	1:A:45:ASN:HD22	12	0.03
(1,815)	1:A:45:ASN:HB2	1:A:45:ASN:HD22	13	0.03
(1,793)	1:A:37:GLN:HG3	1:A:37:GLN:HE22	15	0.03
(1,771)	1:A:25:ARG:HG3	1:A:26:GLU:H	11	0.03
(1,759)	1:A:19:ASN:HB3	1:A:19:ASN:HD22	18	0.03
(1,716)	1:A:156:LYS:HB2	1:A:158:VAL:H	14	0.03
(1,663)	1:A:83:GLU:H	1:A:98:ALA:H	8	0.03
(1,663)	1:A:83:GLU:H	1:A:98:ALA:H	18	0.03
(1,652)	1:A:56:LEU:HA	1:A:66:PHE:H	8	0.03
(1,652)	1:A:56:LEU:HA	1:A:66:PHE:H	19	0.03
(1,627)	1:A:46:ASN:HA	1:A:49:ALA:H	5	0.03
(1,627)	1:A:46:ASN:HA	1:A:49:ALA:H	11	0.03
(1,610)	1:A:23:ARG:H	1:A:88:ILE:HA	4	0.03
(1,610)	1:A:23:ARG:H	1:A:88:ILE:HA	19	0.03
(1,610)	1:A:23:ARG:H	1:A:88:ILE:HA	20	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,608)	1:A:21:GLY:H	1:A:24:ASP:HB2	8	0.03
(1,60)	1:A:23:ARG:H	1:A:23:ARG:HB3	8	0.03
(1,60)	1:A:23:ARG:H	1:A:23:ARG:HB3	13	0.03
(1,574)	1:A:163:GLU:H	1:A:163:GLU:HB3	7	0.03
(1,457)	1:A:131:LYS:H	1:A:131:LYS:HB3	10	0.03
(1,454)	1:A:128:ASN:H	1:A:129:VAL:H	9	0.03
(1,435)	1:A:123:PRO:HA	1:A:125:TRP:H	11	0.03
(1,391)	1:A:105:LYS:H	1:A:105:LYS:HB2	4	0.03
(1,384)	1:A:103:ASP:H	1:A:103:ASP:HB2	19	0.03
(1,3632)	1:A:149:GLU:O	1:A:153:LEU:N	15	0.03
(1,3631)	1:A:149:GLU:O	1:A:153:LEU:H	19	0.03
(1,3629)	1:A:146:LEU:O	1:A:150:ILE:H	11	0.03
(1,3627)	1:A:142:LEU:O	1:A:146:LEU:H	2	0.03
(1,3625)	1:A:141:GLY:O	1:A:145:TRP:H	20	0.03
(1,3621)	1:A:135:ALA:O	1:A:139:ALA:H	14	0.03
(1,3621)	1:A:135:ALA:O	1:A:139:ALA:H	18	0.03
(1,3617)	1:A:120:HIS:O	1:A:124:LEU:H	4	0.03
(1,3617)	1:A:120:HIS:O	1:A:124:LEU:H	7	0.03
(1,3617)	1:A:120:HIS:O	1:A:124:LEU:H	17	0.03
(1,3611)	1:A:69:CYS:O	1:A:80:PHE:H	12	0.03
(1,3609)	1:A:73:HIS:H	1:A:76:LEU:O	2	0.03
(1,3607)	1:A:53:TRP:O	1:A:70:TRP:H	12	0.03
(1,3601)	1:A:67:GLY:H	1:A:82:ILE:O	5	0.03
(1,3599)	1:A:57:GLU:O	1:A:66:PHE:H	9	0.03
(1,3599)	1:A:57:GLU:O	1:A:66:PHE:H	19	0.03
(1,3595)	1:A:43:VAL:O	1:A:47:LYS:H	17	0.03
(1,3593)	1:A:41:ARG:O	1:A:45:ASN:H	17	0.03
(1,3592)	1:A:40:ILE:O	1:A:44:GLU:N	17	0.03
(1,3591)	1:A:40:ILE:O	1:A:44:GLU:H	4	0.03
(1,3591)	1:A:40:ILE:O	1:A:44:GLU:H	6	0.03
(1,3591)	1:A:40:ILE:O	1:A:44:GLU:H	10	0.03
(1,3587)	1:A:37:GLN:O	1:A:41:ARG:H	16	0.03
(1,3585)	1:A:36:TYR:O	1:A:40:ILE:H	3	0.03
(1,3585)	1:A:36:TYR:O	1:A:40:ILE:H	4	0.03
(1,3585)	1:A:36:TYR:O	1:A:40:ILE:H	10	0.03
(1,3583)	1:A:35:GLU:O	1:A:39:LEU:H	2	0.03
(1,3583)	1:A:35:GLU:O	1:A:39:LEU:H	5	0.03
(1,3581)	1:A:34:GLU:O	1:A:38:SER:H	9	0.03
(1,3581)	1:A:34:GLU:O	1:A:38:SER:H	20	0.03
(1,3579)	1:A:32:LEU:O	1:A:36:TYR:H	4	0.03
(1,3575)	1:A:30:GLN:O	1:A:34:GLU:H	12	0.03
(1,3573)	1:A:28:TRP:O	1:A:32:LEU:H	5	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,3569)	1:A:25:ARG:O	1:A:29:VAL:H	14	0.03
(1,3568)	1:A:24:ASP:O	1:A:28:TRP:N	16	0.03
(1,3565)	1:A:7:ARG:O	1:A:11:SER:H	17	0.03
(1,3565)	1:A:7:ARG:O	1:A:11:SER:H	19	0.03
(1,3563)	1:A:6:THR:O	1:A:10:VAL:H	17	0.03
(1,3559)	1:A:4:GLU:O	1:A:8:ARG:H	12	0.03
(1,3545)	1:A:163:GLU:HB2	1:A:164:LYS:H	16	0.03
(1,353)	1:A:85:ASP:HB2	1:A:86:ILE:H	9	0.03
(1,3487)	1:A:127:ARG:HB2	1:A:128:ASN:H	9	0.03
(1,3476)	1:A:122:LYS:HB3	1:A:123:PRO:HD2	14	0.03
(1,3476)	1:A:122:LYS:HB3	1:A:123:PRO:HD2	15	0.03
(1,344)	1:A:83:GLU:HB3	1:A:84:PHE:H	9	0.03
(1,3398)	1:A:96:GLU:H	1:A:96:GLU:HG2	20	0.03
(1,3353)	1:A:84:PHE:HB2	1:A:85:ASP:H	3	0.03
(1,3251)	1:A:58:SER:H	1:A:58:SER:HB2	15	0.03
(1,322)	1:A:78:TYR:H	1:A:78:TYR:HB2	9	0.03
(1,3186)	1:A:44:GLU:HG2	1:A:48:ASN:HD21	7	0.03
(1,3186)	1:A:44:GLU:HG2	1:A:48:ASN:HD21	18	0.03
(1,3168)	1:A:40:ILE:H	1:A:40:ILE:HG12	2	0.03
(1,3168)	1:A:40:ILE:H	1:A:40:ILE:HG12	9	0.03
(1,3168)	1:A:40:ILE:H	1:A:40:ILE:HG12	11	0.03
(1,3166)	1:A:37:GLN:HG2	1:A:38:SER:H	12	0.03
(1,3160)	1:A:35:GLU:HB2	1:A:36:TYR:H	14	0.03
(1,3149)	1:A:33:LYS:H	1:A:33:LYS:HG2	11	0.03
(1,3078)	1:A:21:GLY:H	1:A:24:ASP:HB2	3	0.03
(1,3062)	1:A:19:ASN:HB2	1:A:91:PRO:HB2	9	0.03
(1,3004)	1:A:125:TRP:HZ3	1:A:137:LEU:HB2	18	0.03
(1,2995)	1:A:68:LYS:HD2	1:A:70:TRP:HZ2	19	0.03
(1,2985)	1:A:28:TRP:HZ2	1:A:63:THR:HB	4	0.03
(1,293)	1:A:69:CYS:HB2	1:A:70:TRP:H	19	0.03
(1,2923)	1:A:18:THR:HG21	1:A:27:LEU:HD11	11	0.03
(1,2923)	1:A:18:THR:HG21	1:A:27:LEU:HD12	11	0.03
(1,2923)	1:A:18:THR:HG21	1:A:27:LEU:HD13	11	0.03
(1,2923)	1:A:18:THR:HG22	1:A:27:LEU:HD11	11	0.03
(1,2923)	1:A:18:THR:HG22	1:A:27:LEU:HD12	11	0.03
(1,2923)	1:A:18:THR:HG22	1:A:27:LEU:HD13	11	0.03
(1,2923)	1:A:18:THR:HG23	1:A:27:LEU:HD11	11	0.03
(1,2923)	1:A:18:THR:HG23	1:A:27:LEU:HD12	11	0.03
(1,2923)	1:A:18:THR:HG23	1:A:27:LEU:HD13	11	0.03
(1,2865)	1:A:124:LEU:HD21	1:A:140:LEU:HB3	4	0.03
(1,2865)	1:A:124:LEU:HD22	1:A:140:LEU:HB3	4	0.03
(1,2865)	1:A:124:LEU:HD23	1:A:140:LEU:HB3	4	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,2797)	1:A:106:THR:HG21	1:A:109:MET:HE1	20	0.03
(1,2797)	1:A:106:THR:HG21	1:A:109:MET:HE2	20	0.03
(1,2797)	1:A:106:THR:HG21	1:A:109:MET:HE3	20	0.03
(1,2797)	1:A:106:THR:HG22	1:A:109:MET:HE1	20	0.03
(1,2797)	1:A:106:THR:HG22	1:A:109:MET:HE2	20	0.03
(1,2797)	1:A:106:THR:HG22	1:A:109:MET:HE3	20	0.03
(1,2797)	1:A:106:THR:HG23	1:A:109:MET:HE1	20	0.03
(1,2797)	1:A:106:THR:HG23	1:A:109:MET:HE2	20	0.03
(1,2797)	1:A:106:THR:HG23	1:A:109:MET:HE3	20	0.03
(1,279)	1:A:65:TRP:HB2	1:A:66:PHE:H	2	0.03
(1,2763)	1:A:76:LEU:HD21	1:A:163:GLU:HA	9	0.03
(1,2763)	1:A:76:LEU:HD22	1:A:163:GLU:HA	9	0.03
(1,2763)	1:A:76:LEU:HD23	1:A:163:GLU:HA	9	0.03
(1,2732)	1:A:78:TYR:HB3	1:A:154:ILE:HD11	6	0.03
(1,2732)	1:A:78:TYR:HB3	1:A:154:ILE:HD12	6	0.03
(1,2732)	1:A:78:TYR:HB3	1:A:154:ILE:HD13	6	0.03
(1,2732)	1:A:78:TYR:HB3	1:A:154:ILE:HD11	9	0.03
(1,2732)	1:A:78:TYR:HB3	1:A:154:ILE:HD12	9	0.03
(1,2732)	1:A:78:TYR:HB3	1:A:154:ILE:HD13	9	0.03
(1,2712)	1:A:106:THR:HB	1:A:153:LEU:HD11	12	0.03
(1,2712)	1:A:106:THR:HB	1:A:153:LEU:HD12	12	0.03
(1,2712)	1:A:106:THR:HB	1:A:153:LEU:HD13	12	0.03
(1,2600)	1:A:129:VAL:HG11	1:A:130:PRO:HA	20	0.03
(1,2600)	1:A:129:VAL:HG12	1:A:130:PRO:HA	20	0.03
(1,2600)	1:A:129:VAL:HG13	1:A:130:PRO:HA	20	0.03
(1,2554)	1:A:102:LEU:HD21	1:A:105:LYS:HE2	8	0.03
(1,2554)	1:A:102:LEU:HD21	1:A:105:LYS:HE3	8	0.03
(1,2554)	1:A:102:LEU:HD22	1:A:105:LYS:HE2	8	0.03
(1,2554)	1:A:102:LEU:HD22	1:A:105:LYS:HE3	8	0.03
(1,2554)	1:A:102:LEU:HD23	1:A:105:LYS:HE2	8	0.03
(1,2554)	1:A:102:LEU:HD23	1:A:105:LYS:HE3	8	0.03
(1,252)	1:A:58:SER:HB2	1:A:59:ASN:H	20	0.03
(1,2505)	1:A:94:ALA:HB1	1:A:137:LEU:HB3	14	0.03
(1,2505)	1:A:94:ALA:HB2	1:A:137:LEU:HB3	14	0.03
(1,2505)	1:A:94:ALA:HB3	1:A:137:LEU:HB3	14	0.03
(1,2444)	1:A:76:LEU:HD21	1:A:164:LYS:HA	20	0.03
(1,2444)	1:A:76:LEU:HD22	1:A:164:LYS:HA	20	0.03
(1,2444)	1:A:76:LEU:HD23	1:A:164:LYS:HA	20	0.03
(1,2429)	1:A:70:TRP:HD1	1:A:72:ILE:HD11	14	0.03
(1,2429)	1:A:70:TRP:HD1	1:A:72:ILE:HD12	14	0.03
(1,2429)	1:A:70:TRP:HD1	1:A:72:ILE:HD13	14	0.03
(1,2409)	1:A:32:LEU:HD11	1:A:61:GLU:HA	9	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,2409)	1:A:32:LEU:HD12	1:A:61:GLU:HA	9	0.03
(1,2409)	1:A:32:LEU:HD13	1:A:61:GLU:HA	9	0.03
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:47:LYS:HE2	5	0.03
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:47:LYS:HE3	5	0.03
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:47:LYS:HE2	5	0.03
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:47:LYS:HE3	5	0.03
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:47:LYS:HE2	5	0.03
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:47:LYS:HE3	5	0.03
(1,2386)	1:A:40:ILE:HG21	1:A:44:GLU:HG2	9	0.03
(1,2386)	1:A:40:ILE:HG22	1:A:44:GLU:HG2	9	0.03
(1,2386)	1:A:40:ILE:HG23	1:A:44:GLU:HG2	9	0.03
(1,2386)	1:A:40:ILE:HG21	1:A:44:GLU:HG2	17	0.03
(1,2386)	1:A:40:ILE:HG22	1:A:44:GLU:HG2	17	0.03
(1,2386)	1:A:40:ILE:HG23	1:A:44:GLU:HG2	17	0.03
(1,2321)	1:A:23:ARG:HD2	1:A:88:ILE:HG21	6	0.03
(1,2321)	1:A:23:ARG:HD2	1:A:88:ILE:HG22	6	0.03
(1,2321)	1:A:23:ARG:HD2	1:A:88:ILE:HG23	6	0.03
(1,2321)	1:A:23:ARG:HD3	1:A:88:ILE:HG21	6	0.03
(1,2321)	1:A:23:ARG:HD3	1:A:88:ILE:HG22	6	0.03
(1,2321)	1:A:23:ARG:HD3	1:A:88:ILE:HG23	6	0.03
(1,2297)	1:A:16:LEU:HD21	1:A:35:GLU:HA	17	0.03
(1,2297)	1:A:16:LEU:HD22	1:A:35:GLU:HA	17	0.03
(1,2297)	1:A:16:LEU:HD23	1:A:35:GLU:HA	17	0.03
(1,2058)	1:A:64:ARG:HD3	1:A:66:PHE:HE1	7	0.03
(1,2040)	1:A:53:TRP:HH2	1:A:138:MET:HA	10	0.03
(1,2040)	1:A:53:TRP:HH2	1:A:138:MET:HA	11	0.03
(1,2040)	1:A:53:TRP:HH2	1:A:138:MET:HA	20	0.03
(1,2019)	1:A:22:PRO:HB2	1:A:28:TRP:HZ2	3	0.03
(1,1991)	1:A:84:PHE:HB3	1:A:97:ILE:HA	2	0.03
(1,1991)	1:A:84:PHE:HB3	1:A:97:ILE:HA	5	0.03
(1,1991)	1:A:84:PHE:HB3	1:A:97:ILE:HA	8	0.03
(1,1991)	1:A:84:PHE:HB3	1:A:97:ILE:HA	14	0.03
(1,1991)	1:A:84:PHE:HB3	1:A:97:ILE:HA	18	0.03
(1,197)	1:A:45:ASN:H	1:A:45:ASN:HB3	4	0.03
(1,197)	1:A:45:ASN:H	1:A:45:ASN:HB3	5	0.03
(1,197)	1:A:45:ASN:H	1:A:45:ASN:HB3	6	0.03
(1,197)	1:A:45:ASN:H	1:A:45:ASN:HB3	16	0.03
(1,1953)	1:A:124:LEU:HA	1:A:127:ARG:HG3	14	0.03
(1,1953)	1:A:124:LEU:HA	1:A:127:ARG:HG3	19	0.03
(1,1949)	1:A:125:TRP:HH2	1:A:137:LEU:HA	11	0.03
(1,1949)	1:A:125:TRP:HH2	1:A:137:LEU:HA	16	0.03
(1,1939)	1:A:10:VAL:HA	1:A:13:ILE:HG13	7	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1938)	1:A:154:ILE:HA	1:A:159:ILE:HB	10	0.03
(1,1935)	1:A:150:ILE:HB	1:A:151:PRO:HD2	3	0.03
(1,1935)	1:A:150:ILE:HB	1:A:151:PRO:HD3	3	0.03
(1,1935)	1:A:150:ILE:HB	1:A:151:PRO:HD2	5	0.03
(1,1935)	1:A:150:ILE:HB	1:A:151:PRO:HD3	5	0.03
(1,1906)	1:A:122:LYS:HB2	1:A:123:PRO:HD3	7	0.03
(1,1905)	1:A:122:LYS:HB3	1:A:123:PRO:HD2	8	0.03
(1,1905)	1:A:122:LYS:HB3	1:A:123:PRO:HD2	17	0.03
(1,190)	1:A:41:ARG:HA	1:A:45:ASN:H	15	0.03
(1,1894)	1:A:80:PHE:HD1	1:A:101:GLU:HG2	1	0.03
(1,1894)	1:A:80:PHE:HD1	1:A:101:GLU:HG3	1	0.03
(1,1894)	1:A:80:PHE:HD2	1:A:101:GLU:HG2	1	0.03
(1,1894)	1:A:80:PHE:HD2	1:A:101:GLU:HG3	1	0.03
(1,1894)	1:A:80:PHE:HD1	1:A:101:GLU:HG2	5	0.03
(1,1894)	1:A:80:PHE:HD1	1:A:101:GLU:HG3	5	0.03
(1,1894)	1:A:80:PHE:HD2	1:A:101:GLU:HG2	5	0.03
(1,1894)	1:A:80:PHE:HD2	1:A:101:GLU:HG3	5	0.03
(1,1874)	1:A:81:ASP:HB2	1:A:83:GLU:HG2	19	0.03
(1,1874)	1:A:81:ASP:HB2	1:A:83:GLU:HG3	19	0.03
(1,1840)	1:A:66:PHE:HB2	1:A:83:GLU:HB2	6	0.03
(1,1808)	1:A:41:ARG:HD3	1:A:45:ASN:HD22	12	0.03
(1,1795)	1:A:28:TRP:HD1	1:A:32:LEU:HG	13	0.03
(1,1767)	1:A:13:ILE:HA	1:A:41:ARG:HB2	5	0.03
(1,1755)	1:A:3:ASP:HB2	1:A:6:THR:HB	6	0.03
(1,1755)	1:A:3:ASP:HB3	1:A:6:THR:HB	6	0.03
(1,1694)	1:A:122:LYS:HB2	1:A:122:LYS:HD3	6	0.03
(1,1694)	1:A:122:LYS:HB2	1:A:122:LYS:HD3	12	0.03
(1,1614)	1:A:47:LYS:HA	1:A:47:LYS:HG3	16	0.03
(1,1600)	1:A:37:GLN:HA	1:A:37:GLN:HG3	13	0.03
(1,1599)	1:A:37:GLN:H	1:A:37:GLN:HG3	20	0.03
(1,1591)	1:A:33:LYS:HB2	1:A:33:LYS:HE2	18	0.03
(1,1591)	1:A:33:LYS:HB2	1:A:33:LYS:HE3	18	0.03
(1,1591)	1:A:33:LYS:HB3	1:A:33:LYS:HE2	18	0.03
(1,1591)	1:A:33:LYS:HB3	1:A:33:LYS:HE3	18	0.03
(1,1582)	1:A:30:GLN:HB2	1:A:30:GLN:HE21	16	0.03
(1,1582)	1:A:30:GLN:HB3	1:A:30:GLN:HE21	16	0.03
(1,1550)	1:A:12:GLU:H	1:A:12:GLU:HG2	3	0.03
(1,1550)	1:A:12:GLU:H	1:A:12:GLU:HG2	17	0.03
(1,1550)	1:A:12:GLU:H	1:A:12:GLU:HG2	18	0.03
(1,155)	1:A:37:GLN:HB3	1:A:38:SER:H	2	0.03
(1,155)	1:A:37:GLN:HB3	1:A:38:SER:H	4	0.03
(1,155)	1:A:37:GLN:HB3	1:A:38:SER:H	5	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,155)	1:A:37:GLN:HB3	1:A:38:SER:H	18	0.03
(1,1531)	1:A:124:LEU:HA	1:A:127:ARG:HB3	1	0.03
(1,1482)	1:A:74:ASP:HB2	1:A:76:LEU:H	10	0.03
(1,147)	1:A:36:TYR:HB2	1:A:37:GLN:H	18	0.03
(1,143)	1:A:36:TYR:H	1:A:36:TYR:HB3	5	0.03
(1,1422)	1:A:127:ARG:H	1:A:127:ARG:HB3	1	0.03
(1,1414)	1:A:121:PHE:HA	1:A:124:LEU:H	14	0.03
(1,1414)	1:A:121:PHE:HA	1:A:124:LEU:H	15	0.03
(1,1414)	1:A:121:PHE:HA	1:A:124:LEU:H	19	0.03
(1,1412)	1:A:119:ASP:HA	1:A:122:LYS:HB3	11	0.03
(1,1408)	1:A:117:LEU:HB2	1:A:118:THR:H	17	0.03
(1,1386)	1:A:74:ASP:HB3	1:A:75:LEU:H	5	0.03
(1,1386)	1:A:74:ASP:HB3	1:A:75:LEU:H	15	0.03
(1,1370)	1:A:45:ASN:HA	1:A:45:ASN:HB3	1	0.03
(1,1369)	1:A:44:GLU:H	1:A:44:GLU:HB3	16	0.03
(1,1369)	1:A:44:GLU:H	1:A:44:GLU:HB3	18	0.03
(1,1350)	1:A:37:GLN:HA	1:A:40:ILE:H	16	0.03
(1,1343)	1:A:34:GLU:HA	1:A:37:GLN:HB3	14	0.03
(1,1343)	1:A:34:GLU:HA	1:A:37:GLN:HB3	18	0.03
(1,1343)	1:A:34:GLU:HA	1:A:37:GLN:HB3	20	0.03
(1,1328)	1:A:25:ARG:HB3	1:A:26:GLU:H	20	0.03
(1,1317)	1:A:12:GLU:H	1:A:12:GLU:HB3	5	0.03
(1,1317)	1:A:12:GLU:H	1:A:12:GLU:HB3	15	0.03
(1,1300)	1:A:107:ALA:HB1	1:A:108:LYS:H	8	0.03
(1,1300)	1:A:107:ALA:HB2	1:A:108:LYS:H	8	0.03
(1,1300)	1:A:107:ALA:HB3	1:A:108:LYS:H	8	0.03
(1,129)	1:A:32:LEU:HA	1:A:35:GLU:H	14	0.03
(1,129)	1:A:32:LEU:HA	1:A:35:GLU:H	17	0.03
(1,1213)	1:A:18:THR:HG21	1:A:20:ALA:H	5	0.03
(1,1213)	1:A:18:THR:HG22	1:A:20:ALA:H	5	0.03
(1,1213)	1:A:18:THR:HG23	1:A:20:ALA:H	5	0.03
(1,1156)	1:A:88:ILE:H	1:A:88:ILE:HD11	17	0.03
(1,1156)	1:A:88:ILE:H	1:A:88:ILE:HD12	17	0.03
(1,1156)	1:A:88:ILE:H	1:A:88:ILE:HD13	17	0.03
(1,113)	1:A:29:VAL:HA	1:A:33:LYS:H	20	0.03
(1,1093)	1:A:116:CYS:H	1:A:145:TRP:HE1	10	0.03
(1,1086)	1:A:46:ASN:HD22	1:A:53:TRP:HE1	20	0.03
(1,1079)	1:A:53:TRP:HH2	1:A:143:GLY:H	5	0.03
(1,1072)	1:A:133:GLY:H	1:A:136:HIS:HE1	13	0.03
(1,1072)	1:A:133:GLY:H	1:A:136:HIS:HE1	14	0.03
(1,1072)	1:A:133:GLY:H	1:A:136:HIS:HE1	15	0.03
(1,1069)	1:A:127:ARG:HB2	1:A:128:ASN:HD21	4	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1054)	1:A:94:ALA:H	1:A:125:TRP:HZ2	8	0.03
(1,1035)	1:A:53:TRP:HE3	1:A:70:TRP:H	20	0.03
(1,1011)	1:A:59:ASN:HD22	1:A:64:ARG:HB2	8	0.03
(1,1009)	1:A:59:ASN:HD21	1:A:64:ARG:HB2	11	0.03
(1,1003)	1:A:56:LEU:H	1:A:65:TRP:HZ3	3	0.03
(1,1003)	1:A:56:LEU:H	1:A:65:TRP:HZ3	20	0.03
(1,996)	1:A:45:ASN:HA	1:A:48:ASN:HD21	7	0.02
(1,989)	1:A:12:GLU:HB3	1:A:45:ASN:HD22	15	0.02
(1,973)	1:A:22:PRO:HA	1:A:28:TRP:HE1	17	0.02
(1,967)	1:A:20:ALA:H	1:A:91:PRO:HD2	9	0.02
(1,967)	1:A:20:ALA:H	1:A:91:PRO:HD2	19	0.02
(1,86)	1:A:27:LEU:HB3	1:A:28:TRP:H	18	0.02
(1,846)	1:A:61:GLU:H	1:A:61:GLU:HG3	5	0.02
(1,846)	1:A:61:GLU:H	1:A:61:GLU:HG3	14	0.02
(1,846)	1:A:61:GLU:H	1:A:61:GLU:HG3	16	0.02
(1,845)	1:A:61:GLU:H	1:A:61:GLU:HG2	13	0.02
(1,828)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	7	0.02
(1,828)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	11	0.02
(1,828)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	14	0.02
(1,828)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	19	0.02
(1,815)	1:A:45:ASN:HB2	1:A:45:ASN:HD22	1	0.02
(1,815)	1:A:45:ASN:HB2	1:A:45:ASN:HD22	5	0.02
(1,815)	1:A:45:ASN:HB2	1:A:45:ASN:HD22	15	0.02
(1,780)	1:A:32:LEU:H	1:A:32:LEU:HG	7	0.02
(1,780)	1:A:32:LEU:H	1:A:32:LEU:HG	10	0.02
(1,780)	1:A:32:LEU:H	1:A:32:LEU:HG	15	0.02
(1,767)	1:A:25:ARG:H	1:A:25:ARG:HG2	4	0.02
(1,767)	1:A:25:ARG:H	1:A:25:ARG:HG2	17	0.02
(1,767)	1:A:25:ARG:H	1:A:25:ARG:HG2	19	0.02
(1,760)	1:A:19:ASN:HB2	1:A:19:ASN:HD22	17	0.02
(1,752)	1:A:13:ILE:H	1:A:13:ILE:HG12	9	0.02
(1,725)	1:A:67:GLY:H	1:A:83:GLU:HA	16	0.02
(1,714)	1:A:154:ILE:HA	1:A:158:VAL:H	13	0.02
(1,673)	1:A:64:ARG:HA	1:A:86:ILE:H	18	0.02
(1,663)	1:A:83:GLU:H	1:A:98:ALA:H	17	0.02
(1,663)	1:A:83:GLU:H	1:A:98:ALA:H	19	0.02
(1,652)	1:A:56:LEU:HA	1:A:66:PHE:H	9	0.02
(1,651)	1:A:65:TRP:H	1:A:85:ASP:HA	3	0.02
(1,633)	1:A:47:LYS:HA	1:A:51:ASN:H	4	0.02
(1,627)	1:A:46:ASN:HA	1:A:49:ALA:H	9	0.02
(1,627)	1:A:46:ASN:HA	1:A:49:ALA:H	15	0.02
(1,613)	1:A:23:ARG:HA	1:A:25:ARG:H	5	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,613)	1:A:23:ARG:HA	1:A:25:ARG:H	20	0.02
(1,60)	1:A:23:ARG:H	1:A:23:ARG:HB3	16	0.02
(1,579)	1:A:164:LYS:HB3	1:A:165:CYS:H	4	0.02
(1,579)	1:A:164:LYS:HB3	1:A:165:CYS:H	8	0.02
(1,579)	1:A:164:LYS:HB3	1:A:165:CYS:H	9	0.02
(1,579)	1:A:164:LYS:HB3	1:A:165:CYS:H	12	0.02
(1,579)	1:A:164:LYS:HB3	1:A:165:CYS:H	20	0.02
(1,572)	1:A:162:LYS:H	1:A:163:GLU:H	16	0.02
(1,559)	1:A:158:VAL:HB	1:A:159:ILE:H	2	0.02
(1,559)	1:A:158:VAL:HB	1:A:159:ILE:H	7	0.02
(1,559)	1:A:158:VAL:HB	1:A:159:ILE:H	15	0.02
(1,554)	1:A:156:LYS:H	1:A:156:LYS:HB3	2	0.02
(1,554)	1:A:156:LYS:H	1:A:156:LYS:HB3	5	0.02
(1,554)	1:A:156:LYS:H	1:A:156:LYS:HB3	12	0.02
(1,554)	1:A:156:LYS:H	1:A:156:LYS:HB3	15	0.02
(1,474)	1:A:136:HIS:H	1:A:136:HIS:HB3	1	0.02
(1,474)	1:A:136:HIS:H	1:A:136:HIS:HB3	2	0.02
(1,457)	1:A:131:LYS:H	1:A:131:LYS:HB3	2	0.02
(1,457)	1:A:131:LYS:H	1:A:131:LYS:HB3	9	0.02
(1,457)	1:A:131:LYS:H	1:A:131:LYS:HB3	12	0.02
(1,457)	1:A:131:LYS:H	1:A:131:LYS:HB3	15	0.02
(1,457)	1:A:131:LYS:H	1:A:131:LYS:HB3	18	0.02
(1,457)	1:A:131:LYS:H	1:A:131:LYS:HB3	19	0.02
(1,457)	1:A:131:LYS:H	1:A:131:LYS:HB3	20	0.02
(1,435)	1:A:123:PRO:HA	1:A:125:TRP:H	17	0.02
(1,418)	1:A:119:ASP:H	1:A:119:ASP:HB2	6	0.02
(1,396)	1:A:106:THR:HA	1:A:107:ALA:H	4	0.02
(1,395)	1:A:106:THR:H	1:A:107:ALA:H	13	0.02
(1,384)	1:A:103:ASP:H	1:A:103:ASP:HB2	17	0.02
(1,3632)	1:A:149:GLU:O	1:A:153:LEU:N	2	0.02
(1,3631)	1:A:149:GLU:O	1:A:153:LEU:H	3	0.02
(1,3629)	1:A:146:LEU:O	1:A:150:ILE:H	12	0.02
(1,3629)	1:A:146:LEU:O	1:A:150:ILE:H	15	0.02
(1,3625)	1:A:141:GLY:O	1:A:145:TRP:H	2	0.02
(1,3622)	1:A:135:ALA:O	1:A:139:ALA:N	2	0.02
(1,3622)	1:A:135:ALA:O	1:A:139:ALA:N	6	0.02
(1,3622)	1:A:135:ALA:O	1:A:139:ALA:N	16	0.02
(1,3621)	1:A:135:ALA:O	1:A:139:ALA:H	5	0.02
(1,3619)	1:A:121:PHE:O	1:A:125:TRP:H	2	0.02
(1,3618)	1:A:120:HIS:O	1:A:124:LEU:N	20	0.02
(1,3611)	1:A:69:CYS:O	1:A:80:PHE:H	5	0.02
(1,3610)	1:A:73:HIS:N	1:A:76:LEU:O	13	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,3609)	1:A:73:HIS:H	1:A:76:LEU:O	3	0.02
(1,3607)	1:A:53:TRP:O	1:A:70:TRP:H	7	0.02
(1,3605)	1:A:69:CYS:H	1:A:80:PHE:O	14	0.02
(1,3603)	1:A:55:ARG:O	1:A:68:LYS:H	11	0.02
(1,3601)	1:A:67:GLY:H	1:A:82:ILE:O	6	0.02
(1,3601)	1:A:67:GLY:H	1:A:82:ILE:O	11	0.02
(1,3599)	1:A:57:GLU:O	1:A:66:PHE:H	7	0.02
(1,3597)	1:A:44:GLU:O	1:A:48:ASN:H	20	0.02
(1,3595)	1:A:43:VAL:O	1:A:47:LYS:H	9	0.02
(1,3591)	1:A:40:ILE:O	1:A:44:GLU:H	14	0.02
(1,3584)	1:A:35:GLU:O	1:A:39:LEU:N	18	0.02
(1,3584)	1:A:35:GLU:O	1:A:39:LEU:N	20	0.02
(1,3583)	1:A:35:GLU:O	1:A:39:LEU:H	14	0.02
(1,3583)	1:A:35:GLU:O	1:A:39:LEU:H	17	0.02
(1,3581)	1:A:34:GLU:O	1:A:38:SER:H	2	0.02
(1,3581)	1:A:34:GLU:O	1:A:38:SER:H	5	0.02
(1,3581)	1:A:34:GLU:O	1:A:38:SER:H	13	0.02
(1,3575)	1:A:30:GLN:O	1:A:34:GLU:H	4	0.02
(1,3575)	1:A:30:GLN:O	1:A:34:GLU:H	9	0.02
(1,3574)	1:A:28:TRP:O	1:A:32:LEU:N	4	0.02
(1,3574)	1:A:28:TRP:O	1:A:32:LEU:N	5	0.02
(1,3574)	1:A:28:TRP:O	1:A:32:LEU:N	7	0.02
(1,3574)	1:A:28:TRP:O	1:A:32:LEU:N	10	0.02
(1,3569)	1:A:25:ARG:O	1:A:29:VAL:H	18	0.02
(1,3568)	1:A:24:ASP:O	1:A:28:TRP:N	10	0.02
(1,3568)	1:A:24:ASP:O	1:A:28:TRP:N	13	0.02
(1,3568)	1:A:24:ASP:O	1:A:28:TRP:N	14	0.02
(1,3567)	1:A:24:ASP:O	1:A:28:TRP:H	10	0.02
(1,3565)	1:A:7:ARG:O	1:A:11:SER:H	11	0.02
(1,3565)	1:A:7:ARG:O	1:A:11:SER:H	20	0.02
(1,3561)	1:A:5:ALA:O	1:A:9:VAL:H	9	0.02
(1,3540)	1:A:160:GLN:HB2	1:A:161:HIS:H	7	0.02
(1,3537)	1:A:160:GLN:H	1:A:160:GLN:HB2	15	0.02
(1,3488)	1:A:127:ARG:HB2	1:A:128:ASN:HD22	20	0.02
(1,3476)	1:A:122:LYS:HB3	1:A:123:PRO:HD2	12	0.02
(1,3473)	1:A:122:LYS:HA	1:A:122:LYS:HG2	13	0.02
(1,3463)	1:A:118:THR:HG21	1:A:121:PHE:HB2	20	0.02
(1,3463)	1:A:118:THR:HG22	1:A:121:PHE:HB2	20	0.02
(1,3463)	1:A:118:THR:HG23	1:A:121:PHE:HB2	20	0.02
(1,3452)	1:A:111:ARG:HG2	1:A:112:GLY:H	12	0.02
(1,344)	1:A:83:GLU:HB3	1:A:84:PHE:H	2	0.02
(1,344)	1:A:83:GLU:HB3	1:A:84:PHE:H	16	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,344)	1:A:83:GLU:HB3	1:A:84:PHE:H	18	0.02
(1,3398)	1:A:96:GLU:H	1:A:96:GLU:HG2	9	0.02
(1,339)	1:A:82:ILE:HB	1:A:83:GLU:H	7	0.02
(1,3280)	1:A:64:ARG:HB3	1:A:64:ARG:HD2	12	0.02
(1,3266)	1:A:60:LYS:HB2	1:A:60:LYS:HE2	5	0.02
(1,3266)	1:A:60:LYS:HB2	1:A:60:LYS:HE3	5	0.02
(1,3249)	1:A:57:GLU:HG2	1:A:58:SER:H	17	0.02
(1,322)	1:A:78:TYR:H	1:A:78:TYR:HB2	19	0.02
(1,3215)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:GLU:H	6	0.02
(1,3183)	1:A:44:GLU:H	1:A:44:GLU:HG2	7	0.02
(1,3176)	1:A:41:ARG:HG2	1:A:45:ASN:HD22	8	0.02
(1,3168)	1:A:40:ILE:H	1:A:40:ILE:HG12	1	0.02
(1,3168)	1:A:40:ILE:H	1:A:40:ILE:HG12	6	0.02
(1,3168)	1:A:40:ILE:H	1:A:40:ILE:HG12	14	0.02
(1,3168)	1:A:40:ILE:H	1:A:40:ILE:HG12	15	0.02
(1,3147)	1:A:32:LEU:HD11	1:A:65:TRP:HZ2	16	0.02
(1,3147)	1:A:32:LEU:HD12	1:A:65:TRP:HZ2	16	0.02
(1,3147)	1:A:32:LEU:HD13	1:A:65:TRP:HZ2	16	0.02
(1,3134)	1:A:31:ARG:H	1:A:33:LYS:HG2	5	0.02
(1,3131)	1:A:30:GLN:HE21	1:A:34:GLU:HG2	19	0.02
(1,3088)	1:A:22:PRO:HB2	1:A:28:TRP:HZ2	7	0.02
(1,2996)	1:A:68:LYS:HD3	1:A:70:TRP:HZ2	1	0.02
(1,2996)	1:A:68:LYS:HD3	1:A:70:TRP:HZ2	5	0.02
(1,2996)	1:A:68:LYS:HD3	1:A:70:TRP:HZ2	12	0.02
(1,2995)	1:A:68:LYS:HD2	1:A:70:TRP:HZ2	3	0.02
(1,296)	1:A:70:TRP:HB2	1:A:71:TYR:H	17	0.02
(1,293)	1:A:69:CYS:HB2	1:A:70:TRP:H	2	0.02
(1,2923)	1:A:18:THR:HG21	1:A:27:LEU:HD11	17	0.02
(1,2923)	1:A:18:THR:HG21	1:A:27:LEU:HD12	17	0.02
(1,2923)	1:A:18:THR:HG21	1:A:27:LEU:HD13	17	0.02
(1,2923)	1:A:18:THR:HG22	1:A:27:LEU:HD11	17	0.02
(1,2923)	1:A:18:THR:HG22	1:A:27:LEU:HD12	17	0.02
(1,2923)	1:A:18:THR:HG22	1:A:27:LEU:HD13	17	0.02
(1,2923)	1:A:18:THR:HG23	1:A:27:LEU:HD11	17	0.02
(1,2923)	1:A:18:THR:HG23	1:A:27:LEU:HD12	17	0.02
(1,2923)	1:A:18:THR:HG23	1:A:27:LEU:HD13	17	0.02
(1,2921)	1:A:105:LYS:HD2	1:A:158:VAL:HG21	10	0.02
(1,2921)	1:A:105:LYS:HD2	1:A:158:VAL:HG22	10	0.02
(1,2921)	1:A:105:LYS:HD2	1:A:158:VAL:HG23	10	0.02
(1,2921)	1:A:105:LYS:HD3	1:A:158:VAL:HG21	10	0.02
(1,2921)	1:A:105:LYS:HD3	1:A:158:VAL:HG22	10	0.02
(1,2921)	1:A:105:LYS:HD3	1:A:158:VAL:HG23	10	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,29)	1:A:10:VAL:HA	1:A:11:SER:H	8	0.02
(1,29)	1:A:10:VAL:HA	1:A:11:SER:H	12	0.02
(1,2870)	1:A:15:VAL:HG11	1:A:131:LYS:HD2	10	0.02
(1,2870)	1:A:15:VAL:HG12	1:A:131:LYS:HD2	10	0.02
(1,2870)	1:A:15:VAL:HG13	1:A:131:LYS:HD2	10	0.02
(1,2834)	1:A:87:PRO:HB3	1:A:93:THR:HG21	1	0.02
(1,2834)	1:A:87:PRO:HB3	1:A:93:THR:HG22	1	0.02
(1,2834)	1:A:87:PRO:HB3	1:A:93:THR:HG23	1	0.02
(1,2834)	1:A:87:PRO:HB3	1:A:93:THR:HG21	7	0.02
(1,2834)	1:A:87:PRO:HB3	1:A:93:THR:HG22	7	0.02
(1,2834)	1:A:87:PRO:HB3	1:A:93:THR:HG23	7	0.02
(1,2820)	1:A:118:THR:HG21	1:A:121:PHE:HB2	20	0.02
(1,2820)	1:A:118:THR:HG22	1:A:121:PHE:HB2	20	0.02
(1,2820)	1:A:118:THR:HG23	1:A:121:PHE:HB2	20	0.02
(1,2816)	1:A:84:PHE:HZ	1:A:134:LEU:HD21	3	0.02
(1,2816)	1:A:84:PHE:HZ	1:A:134:LEU:HD22	3	0.02
(1,2816)	1:A:84:PHE:HZ	1:A:134:LEU:HD23	3	0.02
(1,2816)	1:A:84:PHE:HZ	1:A:134:LEU:HD21	15	0.02
(1,2816)	1:A:84:PHE:HZ	1:A:134:LEU:HD22	15	0.02
(1,2816)	1:A:84:PHE:HZ	1:A:134:LEU:HD23	15	0.02
(1,2806)	1:A:109:MET:HE1	1:A:145:TRP:HZ2	18	0.02
(1,2806)	1:A:109:MET:HE2	1:A:145:TRP:HZ2	18	0.02
(1,2806)	1:A:109:MET:HE3	1:A:145:TRP:HZ2	18	0.02
(1,2798)	1:A:109:MET:HE1	1:A:115:ILE:HG21	13	0.02
(1,2798)	1:A:109:MET:HE1	1:A:115:ILE:HG22	13	0.02
(1,2798)	1:A:109:MET:HE1	1:A:115:ILE:HG23	13	0.02
(1,2798)	1:A:109:MET:HE2	1:A:115:ILE:HG21	13	0.02
(1,2798)	1:A:109:MET:HE2	1:A:115:ILE:HG22	13	0.02
(1,2798)	1:A:109:MET:HE2	1:A:115:ILE:HG23	13	0.02
(1,2798)	1:A:109:MET:HE3	1:A:115:ILE:HG21	13	0.02
(1,2798)	1:A:109:MET:HE3	1:A:115:ILE:HG22	13	0.02
(1,2798)	1:A:109:MET:HE3	1:A:115:ILE:HG23	13	0.02
(1,279)	1:A:65:TRP:HB2	1:A:66:PHE:H	11	0.02
(1,2763)	1:A:76:LEU:HD21	1:A:163:GLU:HA	13	0.02
(1,2763)	1:A:76:LEU:HD22	1:A:163:GLU:HA	13	0.02
(1,2763)	1:A:76:LEU:HD23	1:A:163:GLU:HA	13	0.02
(1,2735)	1:A:78:TYR:HB2	1:A:154:ILE:HG21	20	0.02
(1,2735)	1:A:78:TYR:HB2	1:A:154:ILE:HG22	20	0.02
(1,2735)	1:A:78:TYR:HB2	1:A:154:ILE:HG23	20	0.02
(1,2714)	1:A:106:THR:HB	1:A:153:LEU:HD21	6	0.02
(1,2714)	1:A:106:THR:HB	1:A:153:LEU:HD22	6	0.02
(1,2714)	1:A:106:THR:HB	1:A:153:LEU:HD23	6	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,2712)	1:A:106:THR:HB	1:A:153:LEU:HD11	5	0.02
(1,2712)	1:A:106:THR:HB	1:A:153:LEU:HD12	5	0.02
(1,2712)	1:A:106:THR:HB	1:A:153:LEU:HD13	5	0.02
(1,2712)	1:A:106:THR:HB	1:A:153:LEU:HD11	7	0.02
(1,2712)	1:A:106:THR:HB	1:A:153:LEU:HD12	7	0.02
(1,2712)	1:A:106:THR:HB	1:A:153:LEU:HD13	7	0.02
(1,2707)	1:A:146:LEU:HA	1:A:150:ILE:HD11	20	0.02
(1,2707)	1:A:146:LEU:HA	1:A:150:ILE:HD12	20	0.02
(1,2707)	1:A:146:LEU:HA	1:A:150:ILE:HD13	20	0.02
(1,2683)	1:A:80:PHE:HE1	1:A:146:LEU:HD21	18	0.02
(1,2683)	1:A:80:PHE:HE1	1:A:146:LEU:HD22	18	0.02
(1,2683)	1:A:80:PHE:HE1	1:A:146:LEU:HD23	18	0.02
(1,2640)	1:A:125:TRP:HZ3	1:A:137:LEU:HD11	8	0.02
(1,2640)	1:A:125:TRP:HZ3	1:A:137:LEU:HD12	8	0.02
(1,2640)	1:A:125:TRP:HZ3	1:A:137:LEU:HD13	8	0.02
(1,262)	1:A:61:GLU:H	1:A:61:GLU:HB3	1	0.02
(1,262)	1:A:61:GLU:H	1:A:61:GLU:HB3	12	0.02
(1,2615)	1:A:84:PHE:HE1	1:A:134:LEU:HD21	4	0.02
(1,2615)	1:A:84:PHE:HE1	1:A:134:LEU:HD22	4	0.02
(1,2615)	1:A:84:PHE:HE1	1:A:134:LEU:HD23	4	0.02
(1,2600)	1:A:129:VAL:HG11	1:A:130:PRO:HA	13	0.02
(1,2600)	1:A:129:VAL:HG12	1:A:130:PRO:HA	13	0.02
(1,2600)	1:A:129:VAL:HG13	1:A:130:PRO:HA	13	0.02
(1,2600)	1:A:129:VAL:HG11	1:A:130:PRO:HA	14	0.02
(1,2600)	1:A:129:VAL:HG12	1:A:130:PRO:HA	14	0.02
(1,2600)	1:A:129:VAL:HG13	1:A:130:PRO:HA	14	0.02
(1,260)	1:A:60:LYS:HB3	1:A:61:GLU:H	15	0.02
(1,2585)	1:A:115:ILE:HD11	1:A:117:LEU:HD21	20	0.02
(1,2585)	1:A:115:ILE:HD11	1:A:117:LEU:HD22	20	0.02
(1,2585)	1:A:115:ILE:HD11	1:A:117:LEU:HD23	20	0.02
(1,2585)	1:A:115:ILE:HD12	1:A:117:LEU:HD21	20	0.02
(1,2585)	1:A:115:ILE:HD12	1:A:117:LEU:HD22	20	0.02
(1,2585)	1:A:115:ILE:HD12	1:A:117:LEU:HD23	20	0.02
(1,2585)	1:A:115:ILE:HD13	1:A:117:LEU:HD21	20	0.02
(1,2585)	1:A:115:ILE:HD13	1:A:117:LEU:HD22	20	0.02
(1,2585)	1:A:115:ILE:HD13	1:A:117:LEU:HD23	20	0.02
(1,2582)	1:A:117:LEU:HD11	1:A:141:GLY:HA3	17	0.02
(1,2582)	1:A:117:LEU:HD12	1:A:141:GLY:HA3	17	0.02
(1,2582)	1:A:117:LEU:HD13	1:A:141:GLY:HA3	17	0.02
(1,252)	1:A:58:SER:HB2	1:A:59:ASN:H	1	0.02
(1,2513)	1:A:97:ILE:HD11	1:A:142:LEU:HB3	9	0.02
(1,2513)	1:A:97:ILE:HD12	1:A:142:LEU:HB3	9	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,2513)	1:A:97:ILE:HD13	1:A:142:LEU:HB3	9	0.02
(1,25)	1:A:8:ARG:HA	1:A:11:SER:H	12	0.02
(1,2471)	1:A:28:TRP:HH2	1:A:86:ILE:HG21	1	0.02
(1,2471)	1:A:28:TRP:HH2	1:A:86:ILE:HG22	1	0.02
(1,2471)	1:A:28:TRP:HH2	1:A:86:ILE:HG23	1	0.02
(1,2444)	1:A:76:LEU:HD21	1:A:164:LYS:HA	14	0.02
(1,2444)	1:A:76:LEU:HD22	1:A:164:LYS:HA	14	0.02
(1,2444)	1:A:76:LEU:HD23	1:A:164:LYS:HA	14	0.02
(1,2426)	1:A:72:ILE:HG21	1:A:75:LEU:H	14	0.02
(1,2426)	1:A:72:ILE:HG22	1:A:75:LEU:H	14	0.02
(1,2426)	1:A:72:ILE:HG23	1:A:75:LEU:H	14	0.02
(1,2409)	1:A:32:LEU:HD11	1:A:61:GLU:HA	12	0.02
(1,2409)	1:A:32:LEU:HD12	1:A:61:GLU:HA	12	0.02
(1,2409)	1:A:32:LEU:HD13	1:A:61:GLU:HA	12	0.02
(1,2402)	1:A:56:LEU:HD21	1:A:65:TRP:HE3	10	0.02
(1,2402)	1:A:56:LEU:HD22	1:A:65:TRP:HE3	10	0.02
(1,2402)	1:A:56:LEU:HD23	1:A:65:TRP:HE3	10	0.02
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:47:LYS:HE2	14	0.02
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:47:LYS:HE3	14	0.02
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:47:LYS:HE2	14	0.02
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:47:LYS:HE3	14	0.02
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:47:LYS:HE2	14	0.02
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:47:LYS:HE3	14	0.02
(1,2358)	1:A:39:LEU:HD21	1:A:65:TRP:HZ3	9	0.02
(1,2358)	1:A:39:LEU:HD22	1:A:65:TRP:HZ3	9	0.02
(1,2358)	1:A:39:LEU:HD23	1:A:65:TRP:HZ3	9	0.02
(1,2358)	1:A:39:LEU:HD21	1:A:65:TRP:HZ3	16	0.02
(1,2358)	1:A:39:LEU:HD22	1:A:65:TRP:HZ3	16	0.02
(1,2358)	1:A:39:LEU:HD23	1:A:65:TRP:HZ3	16	0.02
(1,2358)	1:A:39:LEU:HD21	1:A:65:TRP:HZ3	20	0.02
(1,2358)	1:A:39:LEU:HD22	1:A:65:TRP:HZ3	20	0.02
(1,2358)	1:A:39:LEU:HD23	1:A:65:TRP:HZ3	20	0.02
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG2	1:A:27:LEU:HD21	12	0.02
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG2	1:A:27:LEU:HD22	12	0.02
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG2	1:A:27:LEU:HD23	12	0.02
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG3	1:A:27:LEU:HD21	12	0.02
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG3	1:A:27:LEU:HD22	12	0.02
(1,2331)	1:A:26:GLU:HG3	1:A:27:LEU:HD23	12	0.02
(1,2321)	1:A:23:ARG:HD2	1:A:88:ILE:HG21	3	0.02
(1,2321)	1:A:23:ARG:HD2	1:A:88:ILE:HG22	3	0.02
(1,2321)	1:A:23:ARG:HD2	1:A:88:ILE:HG23	3	0.02
(1,2321)	1:A:23:ARG:HD3	1:A:88:ILE:HG21	3	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,2321)	1:A:23:ARG:HD3	1:A:88:ILE:HG22	3	0.02
(1,2321)	1:A:23:ARG:HD3	1:A:88:ILE:HG23	3	0.02
(1,2297)	1:A:16:LEU:HD21	1:A:35:GLU:HA	5	0.02
(1,2297)	1:A:16:LEU:HD22	1:A:35:GLU:HA	5	0.02
(1,2297)	1:A:16:LEU:HD23	1:A:35:GLU:HA	5	0.02
(1,2297)	1:A:16:LEU:HD21	1:A:35:GLU:HA	13	0.02
(1,2297)	1:A:16:LEU:HD22	1:A:35:GLU:HA	13	0.02
(1,2297)	1:A:16:LEU:HD23	1:A:35:GLU:HA	13	0.02
(1,2091)	1:A:110:TYR:HE1	1:A:115:ILE:H	10	0.02
(1,2086)	1:A:70:TRP:HD1	1:A:72:ILE:HG12	18	0.02
(1,206)	1:A:43:VAL:HA	1:A:47:LYS:H	19	0.02
(1,2040)	1:A:53:TRP:HH2	1:A:138:MET:HA	2	0.02
(1,2039)	1:A:53:TRP:HZ2	1:A:139:ALA:HA	19	0.02
(1,1991)	1:A:84:PHE:HB3	1:A:97:ILE:HA	9	0.02
(1,1991)	1:A:84:PHE:HB3	1:A:97:ILE:HA	19	0.02
(1,1981)	1:A:131:LYS:H	1:A:131:LYS:HG3	18	0.02
(1,1977)	1:A:111:ARG:H	1:A:111:ARG:HG3	7	0.02
(1,197)	1:A:45:ASN:H	1:A:45:ASN:HB3	7	0.02
(1,197)	1:A:45:ASN:H	1:A:45:ASN:HB3	15	0.02
(1,197)	1:A:45:ASN:H	1:A:45:ASN:HB3	19	0.02
(1,1969)	1:A:66:PHE:HB3	1:A:83:GLU:HA	12	0.02
(1,1967)	1:A:70:TRP:HD1	1:A:77:LYS:HE3	13	0.02
(1,1967)	1:A:70:TRP:HD1	1:A:77:LYS:HE3	14	0.02
(1,1949)	1:A:125:TRP:HH2	1:A:137:LEU:HA	5	0.02
(1,1949)	1:A:125:TRP:HH2	1:A:137:LEU:HA	15	0.02
(1,1949)	1:A:125:TRP:HH2	1:A:137:LEU:HA	18	0.02
(1,1943)	1:A:24:ASP:HB3	1:A:27:LEU:HB2	18	0.02
(1,1935)	1:A:150:ILE:HB	1:A:151:PRO:HD2	9	0.02
(1,1935)	1:A:150:ILE:HB	1:A:151:PRO:HD3	9	0.02
(1,1935)	1:A:150:ILE:HB	1:A:151:PRO:HD2	13	0.02
(1,1935)	1:A:150:ILE:HB	1:A:151:PRO:HD3	13	0.02
(1,1935)	1:A:150:ILE:HB	1:A:151:PRO:HD2	15	0.02
(1,1935)	1:A:150:ILE:HB	1:A:151:PRO:HD3	15	0.02
(1,1924)	1:A:42:TYR:HD1	1:A:135:ALA:HA	6	0.02
(1,1904)	1:A:122:LYS:HB3	1:A:123:PRO:HD3	4	0.02
(1,1904)	1:A:122:LYS:HB3	1:A:123:PRO:HD3	13	0.02
(1,190)	1:A:41:ARG:HA	1:A:45:ASN:H	17	0.02
(1,1890)	1:A:87:PRO:HG3	1:A:93:THR:HB	1	0.02
(1,1874)	1:A:81:ASP:HB2	1:A:83:GLU:HG2	1	0.02
(1,1874)	1:A:81:ASP:HB2	1:A:83:GLU:HG3	1	0.02
(1,1867)	1:A:70:TRP:HD1	1:A:79:GLU:HG2	17	0.02
(1,1867)	1:A:70:TRP:HD1	1:A:79:GLU:HG3	17	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1859)	1:A:73:HIS:HB3	1:A:78:TYR:HE1	1	0.02
(1,1825)	1:A:56:LEU:HG	1:A:65:TRP:HZ3	19	0.02
(1,1823)	1:A:56:LEU:HG	1:A:65:TRP:HE3	4	0.02
(1,1823)	1:A:56:LEU:HG	1:A:65:TRP:HE3	14	0.02
(1,1807)	1:A:41:ARG:HD2	1:A:45:ASN:HD22	6	0.02
(1,1803)	1:A:36:TYR:H	1:A:37:GLN:HG2	15	0.02
(1,1786)	1:A:23:ARG:HB2	1:A:88:ILE:HA	16	0.02
(1,1786)	1:A:23:ARG:HB2	1:A:88:ILE:HA	20	0.02
(1,1779)	1:A:22:PRO:HA	1:A:28:TRP:HD1	13	0.02
(1,1779)	1:A:22:PRO:HA	1:A:28:TRP:HD1	15	0.02
(1,1779)	1:A:22:PRO:HA	1:A:28:TRP:HD1	17	0.02
(1,1779)	1:A:22:PRO:HA	1:A:28:TRP:HD1	20	0.02
(1,1768)	1:A:15:VAL:HA	1:A:136:HIS:HE1	3	0.02
(1,1728)	1:A:156:LYS:HA	1:A:156:LYS:HE2	5	0.02
(1,1728)	1:A:156:LYS:HA	1:A:156:LYS:HE3	5	0.02
(1,1725)	1:A:156:LYS:HA	1:A:156:LYS:HG3	5	0.02
(1,1708)	1:A:128:ASN:HA	1:A:128:ASN:HD21	13	0.02
(1,1708)	1:A:128:ASN:HA	1:A:128:ASN:HD21	18	0.02
(1,1633)	1:A:61:GLU:HA	1:A:61:GLU:HG3	14	0.02
(1,1633)	1:A:61:GLU:HA	1:A:61:GLU:HG3	16	0.02
(1,1633)	1:A:61:GLU:HA	1:A:61:GLU:HG3	19	0.02
(1,1614)	1:A:47:LYS:HA	1:A:47:LYS:HG3	12	0.02
(1,1611)	1:A:44:GLU:HA	1:A:44:GLU:HG3	18	0.02
(1,1600)	1:A:37:GLN:HA	1:A:37:GLN:HG3	18	0.02
(1,1598)	1:A:37:GLN:HG2	1:A:38:SER:H	15	0.02
(1,1582)	1:A:30:GLN:HB2	1:A:30:GLN:HE21	9	0.02
(1,1582)	1:A:30:GLN:HB3	1:A:30:GLN:HE21	9	0.02
(1,1573)	1:A:26:GLU:H	1:A:26:GLU:HG2	12	0.02
(1,1573)	1:A:26:GLU:H	1:A:26:GLU:HG3	12	0.02
(1,1559)	1:A:17:LYS:H	1:A:17:LYS:HD2	5	0.02
(1,1559)	1:A:17:LYS:H	1:A:17:LYS:HD3	5	0.02
(1,1550)	1:A:12:GLU:H	1:A:12:GLU:HG2	4	0.02
(1,1550)	1:A:12:GLU:H	1:A:12:GLU:HG2	8	0.02
(1,155)	1:A:37:GLN:HB3	1:A:38:SER:H	6	0.02
(1,1539)	1:A:122:LYS:HA	1:A:126:ALA:H	18	0.02
(1,143)	1:A:36:TYR:H	1:A:36:TYR:HB3	19	0.02
(1,1428)	1:A:135:ALA:HA	1:A:138:MET:HB3	4	0.02
(1,1427)	1:A:135:ALA:HA	1:A:138:MET:HB2	11	0.02
(1,1414)	1:A:121:PHE:HA	1:A:124:LEU:H	4	0.02
(1,1414)	1:A:121:PHE:HA	1:A:124:LEU:H	16	0.02
(1,1386)	1:A:74:ASP:HB3	1:A:75:LEU:H	16	0.02
(1,1382)	1:A:57:GLU:HB2	1:A:58:SER:H	3	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1382)	1:A:57:GLU:HB2	1:A:58:SER:H	18	0.02
(1,137)	1:A:32:LEU:HA	1:A:36:TYR:H	3	0.02
(1,1369)	1:A:44:GLU:H	1:A:44:GLU:HB3	3	0.02
(1,1360)	1:A:41:ARG:HA	1:A:44:GLU:H	11	0.02
(1,1343)	1:A:34:GLU:HA	1:A:37:GLN:HB3	5	0.02
(1,1336)	1:A:29:VAL:HA	1:A:32:LEU:HB3	16	0.02
(1,1317)	1:A:12:GLU:H	1:A:12:GLU:HB3	3	0.02
(1,1304)	1:A:4:GLU:HA	1:A:7:ARG:H	8	0.02
(1,1300)	1:A:107:ALA:HB1	1:A:108:LYS:H	20	0.02
(1,1300)	1:A:107:ALA:HB2	1:A:108:LYS:H	20	0.02
(1,1300)	1:A:107:ALA:HB3	1:A:108:LYS:H	20	0.02
(1,126)	1:A:34:GLU:H	1:A:34:GLU:HB3	1	0.02
(1,126)	1:A:34:GLU:H	1:A:34:GLU:HB3	13	0.02
(1,126)	1:A:34:GLU:H	1:A:34:GLU:HB3	15	0.02
(1,126)	1:A:34:GLU:H	1:A:34:GLU:HB3	18	0.02
(1,1257)	1:A:70:TRP:H	1:A:146:LEU:HD11	15	0.02
(1,1257)	1:A:70:TRP:H	1:A:146:LEU:HD12	15	0.02
(1,1257)	1:A:70:TRP:H	1:A:146:LEU:HD13	15	0.02
(1,1229)	1:A:18:THR:HG21	1:A:31:ARG:H	12	0.02
(1,1229)	1:A:18:THR:HG22	1:A:31:ARG:H	12	0.02
(1,1229)	1:A:18:THR:HG23	1:A:31:ARG:H	12	0.02
(1,1218)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:63:THR:HG21	5	0.02
(1,1218)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:63:THR:HG22	5	0.02
(1,1218)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:63:THR:HG23	5	0.02
(1,1218)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:63:THR:HG21	8	0.02
(1,1218)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:63:THR:HG22	8	0.02
(1,1218)	1:A:28:TRP:HE1	1:A:63:THR:HG23	8	0.02
(1,118)	1:A:32:LEU:HB3	1:A:33:LYS:H	16	0.02
(1,1159)	1:A:89:THR:H	1:A:89:THR:HG21	14	0.02
(1,1159)	1:A:89:THR:H	1:A:89:THR:HG22	14	0.02
(1,1159)	1:A:89:THR:H	1:A:89:THR:HG23	14	0.02
(1,1112)	1:A:127:ARG:H	1:A:128:ASN:HD22	4	0.02
(1,1112)	1:A:127:ARG:H	1:A:128:ASN:HD22	20	0.02
(1,1098)	1:A:53:TRP:HE1	1:A:139:ALA:HA	9	0.02
(1,1085)	1:A:51:ASN:HD21	1:A:53:TRP:HE1	6	0.02
(1,1082)	1:A:46:ASN:HD21	1:A:53:TRP:HE1	1	0.02
(1,1079)	1:A:53:TRP:HH2	1:A:143:GLY:H	8	0.02
(1,1072)	1:A:133:GLY:H	1:A:136:HIS:HE1	9	0.02
(1,1072)	1:A:133:GLY:H	1:A:136:HIS:HE1	17	0.02
(1,1054)	1:A:94:ALA:H	1:A:125:TRP:HZ2	3	0.02
(1,1042)	1:A:72:ILE:HG13	1:A:78:TYR:H	11	0.02
(1,1041)	1:A:76:LEU:H	1:A:78:TYR:HE1	11	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1024)	1:A:63:THR:HA	1:A:65:TRP:HE1	1	0.02
(1,1024)	1:A:63:THR:HA	1:A:65:TRP:HE1	6	0.02
(1,1005)	1:A:57:GLU:H	1:A:65:TRP:HE3	3	0.02
(1,1005)	1:A:57:GLU:H	1:A:65:TRP:HE3	11	0.02
(1,1003)	1:A:56:LEU:H	1:A:65:TRP:HZ3	5	0.02
(1,1001)	1:A:46:ASN:HD22	1:A:53:TRP:H	19	0.02
(1,990)	1:A:12:GLU:HB2	1:A:45:ASN:HD22	3	0.01
(1,990)	1:A:12:GLU:HB2	1:A:45:ASN:HD22	9	0.01
(1,973)	1:A:22:PRO:HA	1:A:28:TRP:HE1	5	0.01
(1,967)	1:A:20:ALA:H	1:A:91:PRO:HD2	6	0.01
(1,965)	1:A:20:ALA:H	1:A:28:TRP:HE3	13	0.01
(1,846)	1:A:61:GLU:H	1:A:61:GLU:HG3	9	0.01
(1,840)	1:A:57:GLU:HG3	1:A:58:SER:H	2	0.01
(1,830)	1:A:51:ASN:HA	1:A:51:ASN:HD21	2	0.01
(1,828)	1:A:51:ASN:HB2	1:A:51:ASN:HD22	16	0.01
(1,780)	1:A:32:LEU:H	1:A:32:LEU:HG	17	0.01
(1,780)	1:A:32:LEU:H	1:A:32:LEU:HG	19	0.01
(1,771)	1:A:25:ARG:HG3	1:A:26:GLU:H	4	0.01
(1,767)	1:A:25:ARG:H	1:A:25:ARG:HG2	2	0.01
(1,767)	1:A:25:ARG:H	1:A:25:ARG:HG2	5	0.01
(1,767)	1:A:25:ARG:H	1:A:25:ARG:HG2	20	0.01
(1,764)	1:A:23:ARG:H	1:A:23:ARG:HG3	3	0.01
(1,760)	1:A:19:ASN:HB2	1:A:19:ASN:HD22	1	0.01
(1,760)	1:A:19:ASN:HB2	1:A:19:ASN:HD22	2	0.01
(1,760)	1:A:19:ASN:HB2	1:A:19:ASN:HD22	10	0.01
(1,760)	1:A:19:ASN:HB2	1:A:19:ASN:HD22	19	0.01
(1,759)	1:A:19:ASN:HB3	1:A:19:ASN:HD22	8	0.01
(1,752)	1:A:13:ILE:H	1:A:13:ILE:HG12	3	0.01
(1,746)	1:A:7:ARG:H	1:A:7:ARG:HG3	8	0.01
(1,744)	1:A:4:GLU:H	1:A:4:GLU:HG2	12	0.01
(1,744)	1:A:4:GLU:H	1:A:4:GLU:HG3	12	0.01
(1,666)	1:A:69:CYS:H	1:A:82:ILE:H	17	0.01
(1,663)	1:A:83:GLU:H	1:A:98:ALA:H	9	0.01
(1,663)	1:A:83:GLU:H	1:A:98:ALA:H	12	0.01
(1,660)	1:A:73:HIS:H	1:A:77:LYS:HA	13	0.01
(1,66)	1:A:24:ASP:H	1:A:25:ARG:H	5	0.01
(1,66)	1:A:24:ASP:H	1:A:25:ARG:H	16	0.01
(1,655)	1:A:70:TRP:H	1:A:79:GLU:HA	4	0.01
(1,652)	1:A:56:LEU:HA	1:A:66:PHE:H	10	0.01
(1,651)	1:A:65:TRP:H	1:A:85:ASP:HA	14	0.01
(1,646)	1:A:59:ASN:H	1:A:64:ARG:H	8	0.01
(1,646)	1:A:59:ASN:H	1:A:64:ARG:H	19	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,640)	1:A:59:ASN:H	1:A:62:GLY:HA3	12	0.01
(1,640)	1:A:59:ASN:H	1:A:62:GLY:HA3	18	0.01
(1,632)	1:A:49:ALA:HA	1:A:51:ASN:H	11	0.01
(1,632)	1:A:49:ALA:HA	1:A:51:ASN:H	14	0.01
(1,627)	1:A:46:ASN:HA	1:A:49:ALA:H	8	0.01
(1,608)	1:A:21:GLY:H	1:A:24:ASP:HB2	6	0.01
(1,608)	1:A:21:GLY:H	1:A:24:ASP:HB2	11	0.01
(1,60)	1:A:23:ARG:H	1:A:23:ARG:HB3	1	0.01
(1,60)	1:A:23:ARG:H	1:A:23:ARG:HB3	3	0.01
(1,60)	1:A:23:ARG:H	1:A:23:ARG:HB3	7	0.01
(1,60)	1:A:23:ARG:H	1:A:23:ARG:HB3	9	0.01
(1,60)	1:A:23:ARG:H	1:A:23:ARG:HB3	15	0.01
(1,60)	1:A:23:ARG:H	1:A:23:ARG:HB3	20	0.01
(1,580)	1:A:165:CYS:H	1:A:166:ASN:H	2	0.01
(1,577)	1:A:164:LYS:H	1:A:165:CYS:H	1	0.01
(1,574)	1:A:163:GLU:H	1:A:163:GLU:HB3	8	0.01
(1,569)	1:A:161:HIS:HA	1:A:162:LYS:H	19	0.01
(1,554)	1:A:156:LYS:H	1:A:156:LYS:HB3	8	0.01
(1,554)	1:A:156:LYS:H	1:A:156:LYS:HB3	11	0.01
(1,554)	1:A:156:LYS:H	1:A:156:LYS:HB3	16	0.01
(1,51)	1:A:18:THR:HB	1:A:19:ASN:H	16	0.01
(1,474)	1:A:136:HIS:H	1:A:136:HIS:HB3	3	0.01
(1,474)	1:A:136:HIS:H	1:A:136:HIS:HB3	4	0.01
(1,474)	1:A:136:HIS:H	1:A:136:HIS:HB3	5	0.01
(1,474)	1:A:136:HIS:H	1:A:136:HIS:HB3	6	0.01
(1,474)	1:A:136:HIS:H	1:A:136:HIS:HB3	7	0.01
(1,474)	1:A:136:HIS:H	1:A:136:HIS:HB3	8	0.01
(1,474)	1:A:136:HIS:H	1:A:136:HIS:HB3	11	0.01
(1,474)	1:A:136:HIS:H	1:A:136:HIS:HB3	12	0.01
(1,474)	1:A:136:HIS:H	1:A:136:HIS:HB3	13	0.01
(1,474)	1:A:136:HIS:H	1:A:136:HIS:HB3	14	0.01
(1,474)	1:A:136:HIS:H	1:A:136:HIS:HB3	15	0.01
(1,474)	1:A:136:HIS:H	1:A:136:HIS:HB3	17	0.01
(1,474)	1:A:136:HIS:H	1:A:136:HIS:HB3	18	0.01
(1,474)	1:A:136:HIS:H	1:A:136:HIS:HB3	19	0.01
(1,457)	1:A:131:LYS:H	1:A:131:LYS:HB3	3	0.01
(1,457)	1:A:131:LYS:H	1:A:131:LYS:HB3	5	0.01
(1,457)	1:A:131:LYS:H	1:A:131:LYS:HB3	8	0.01
(1,457)	1:A:131:LYS:H	1:A:131:LYS:HB3	14	0.01
(1,457)	1:A:131:LYS:H	1:A:131:LYS:HB3	17	0.01
(1,445)	1:A:125:TRP:HB2	1:A:126:ALA:H	7	0.01
(1,435)	1:A:123:PRO:HA	1:A:125:TRP:H	5	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,418)	1:A:119:ASP:H	1:A:119:ASP:HB2	5	0.01
(1,374)	1:A:97:ILE:H	1:A:97:ILE:HB	2	0.01
(1,3633)	1:A:150:ILE:O	1:A:154:ILE:H	8	0.01
(1,3629)	1:A:146:LEU:O	1:A:150:ILE:H	9	0.01
(1,3629)	1:A:146:LEU:O	1:A:150:ILE:H	20	0.01
(1,3625)	1:A:141:GLY:O	1:A:145:TRP:H	6	0.01
(1,3625)	1:A:141:GLY:O	1:A:145:TRP:H	8	0.01
(1,3625)	1:A:141:GLY:O	1:A:145:TRP:H	9	0.01
(1,3625)	1:A:141:GLY:O	1:A:145:TRP:H	13	0.01
(1,3622)	1:A:135:ALA:O	1:A:139:ALA:N	19	0.01
(1,3621)	1:A:135:ALA:O	1:A:139:ALA:H	1	0.01
(1,3621)	1:A:135:ALA:O	1:A:139:ALA:H	7	0.01
(1,3621)	1:A:135:ALA:O	1:A:139:ALA:H	15	0.01
(1,3621)	1:A:135:ALA:O	1:A:139:ALA:H	17	0.01
(1,3613)	1:A:65:TRP:O	1:A:84:PHE:H	3	0.01
(1,3613)	1:A:65:TRP:O	1:A:84:PHE:H	12	0.01
(1,3611)	1:A:69:CYS:O	1:A:80:PHE:H	1	0.01
(1,3611)	1:A:69:CYS:O	1:A:80:PHE:H	6	0.01
(1,3609)	1:A:73:HIS:H	1:A:76:LEU:O	4	0.01
(1,3609)	1:A:73:HIS:H	1:A:76:LEU:O	12	0.01
(1,3608)	1:A:53:TRP:O	1:A:70:TRP:N	15	0.01
(1,3608)	1:A:53:TRP:O	1:A:70:TRP:N	18	0.01
(1,3607)	1:A:53:TRP:O	1:A:70:TRP:H	6	0.01
(1,3605)	1:A:69:CYS:H	1:A:80:PHE:O	9	0.01
(1,3603)	1:A:55:ARG:O	1:A:68:LYS:H	4	0.01
(1,3603)	1:A:55:ARG:O	1:A:68:LYS:H	6	0.01
(1,3601)	1:A:67:GLY:H	1:A:82:ILE:O	9	0.01
(1,3597)	1:A:44:GLU:O	1:A:48:ASN:H	4	0.01
(1,3597)	1:A:44:GLU:O	1:A:48:ASN:H	11	0.01
(1,3596)	1:A:43:VAL:O	1:A:47:LYS:N	17	0.01
(1,3595)	1:A:43:VAL:O	1:A:47:LYS:H	4	0.01
(1,3592)	1:A:40:ILE:O	1:A:44:GLU:N	10	0.01
(1,3589)	1:A:39:LEU:O	1:A:43:VAL:H	14	0.01
(1,3589)	1:A:39:LEU:O	1:A:43:VAL:H	16	0.01
(1,3585)	1:A:36:TYR:O	1:A:40:ILE:H	11	0.01
(1,3585)	1:A:36:TYR:O	1:A:40:ILE:H	14	0.01
(1,3585)	1:A:36:TYR:O	1:A:40:ILE:H	15	0.01
(1,3584)	1:A:35:GLU:O	1:A:39:LEU:N	2	0.01
(1,3583)	1:A:35:GLU:O	1:A:39:LEU:H	9	0.01
(1,3581)	1:A:34:GLU:O	1:A:38:SER:H	6	0.01
(1,3581)	1:A:34:GLU:O	1:A:38:SER:H	14	0.01
(1,3581)	1:A:34:GLU:O	1:A:38:SER:H	16	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,3581)	1:A:34:GLU:O	1:A:38:SER:H	19	0.01
(1,3579)	1:A:32:LEU:O	1:A:36:TYR:H	14	0.01
(1,3579)	1:A:32:LEU:O	1:A:36:TYR:H	20	0.01
(1,3577)	1:A:31:ARG:O	1:A:35:GLU:H	5	0.01
(1,3577)	1:A:31:ARG:O	1:A:35:GLU:H	10	0.01
(1,3577)	1:A:31:ARG:O	1:A:35:GLU:H	17	0.01
(1,3575)	1:A:30:GLN:O	1:A:34:GLU:H	7	0.01
(1,3571)	1:A:27:LEU:O	1:A:31:ARG:H	17	0.01
(1,3569)	1:A:25:ARG:O	1:A:29:VAL:H	9	0.01
(1,3568)	1:A:24:ASP:O	1:A:28:TRP:N	2	0.01
(1,3568)	1:A:24:ASP:O	1:A:28:TRP:N	18	0.01
(1,3565)	1:A:7:ARG:O	1:A:11:SER:H	6	0.01
(1,3565)	1:A:7:ARG:O	1:A:11:SER:H	16	0.01
(1,3563)	1:A:6:THR:O	1:A:10:VAL:H	2	0.01
(1,3561)	1:A:5:ALA:O	1:A:9:VAL:H	3	0.01
(1,3561)	1:A:5:ALA:O	1:A:9:VAL:H	10	0.01
(1,3559)	1:A:4:GLU:O	1:A:8:ARG:H	9	0.01
(1,3548)	1:A:164:LYS:HA	1:A:164:LYS:HG2	6	0.01
(1,3546)	1:A:164:LYS:H	1:A:164:LYS:HB2	8	0.01
(1,3487)	1:A:127:ARG:HB2	1:A:128:ASN:H	5	0.01
(1,3463)	1:A:118:THR:HG21	1:A:121:PHE:HB2	12	0.01
(1,3463)	1:A:118:THR:HG22	1:A:121:PHE:HB2	12	0.01
(1,3463)	1:A:118:THR:HG23	1:A:121:PHE:HB2	12	0.01
(1,344)	1:A:83:GLU:HB3	1:A:84:PHE:H	5	0.01
(1,344)	1:A:83:GLU:HB3	1:A:84:PHE:H	10	0.01
(1,344)	1:A:83:GLU:HB3	1:A:84:PHE:H	20	0.01
(1,3398)	1:A:96:GLU:H	1:A:96:GLU:HG2	4	0.01
(1,3392)	1:A:95:PRO:HG2	1:A:134:LEU:HD11	2	0.01
(1,3392)	1:A:95:PRO:HG2	1:A:134:LEU:HD12	2	0.01
(1,3392)	1:A:95:PRO:HG2	1:A:134:LEU:HD13	2	0.01
(1,3352)	1:A:83:GLU:H	1:A:100:PRO:HD2	19	0.01
(1,3330)	1:A:77:LYS:H	1:A:77:LYS:HD2	1	0.01
(1,3266)	1:A:60:LYS:HB2	1:A:60:LYS:HE2	3	0.01
(1,3266)	1:A:60:LYS:HB2	1:A:60:LYS:HE3	3	0.01
(1,3251)	1:A:58:SER:H	1:A:58:SER:HB2	19	0.01
(1,325)	1:A:78:TYR:HB3	1:A:79:GLU:H	19	0.01
(1,3248)	1:A:57:GLU:HA	1:A:57:GLU:HG2	18	0.01
(1,3197)	1:A:51:ASN:H	1:A:52:ASP:HB2	14	0.01
(1,3178)	1:A:41:ARG:HD2	1:A:45:ASN:H	11	0.01
(1,3168)	1:A:40:ILE:H	1:A:40:ILE:HG12	18	0.01
(1,3168)	1:A:40:ILE:H	1:A:40:ILE:HG12	20	0.01
(1,3075)	1:A:20:ALA:HB1	1:A:24:ASP:HB2	9	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,3075)	1:A:20:ALA:HB2	1:A:24:ASP:HB2	9	0.01
(1,3075)	1:A:20:ALA:HB3	1:A:24:ASP:HB2	9	0.01
(1,3060)	1:A:19:ASN:HA	1:A:91:PRO:HB2	10	0.01
(1,3011)	1:A:145:TRP:HE3	1:A:148:VAL:HB	10	0.01
(1,2985)	1:A:28:TRP:HZ2	1:A:63:THR:HB	16	0.01
(1,2985)	1:A:28:TRP:HZ2	1:A:63:THR:HB	20	0.01
(1,296)	1:A:70:TRP:HB2	1:A:71:TYR:H	14	0.01
(1,2923)	1:A:18:THR:HG21	1:A:27:LEU:HD11	6	0.01
(1,2923)	1:A:18:THR:HG21	1:A:27:LEU:HD12	6	0.01
(1,2923)	1:A:18:THR:HG21	1:A:27:LEU:HD13	6	0.01
(1,2923)	1:A:18:THR:HG22	1:A:27:LEU:HD11	6	0.01
(1,2923)	1:A:18:THR:HG22	1:A:27:LEU:HD12	6	0.01
(1,2923)	1:A:18:THR:HG22	1:A:27:LEU:HD13	6	0.01
(1,2923)	1:A:18:THR:HG23	1:A:27:LEU:HD11	6	0.01
(1,2923)	1:A:18:THR:HG23	1:A:27:LEU:HD12	6	0.01
(1,2923)	1:A:18:THR:HG23	1:A:27:LEU:HD13	6	0.01
(1,292)	1:A:69:CYS:HB3	1:A:70:TRP:H	11	0.01
(1,29)	1:A:10:VAL:HA	1:A:11:SER:H	17	0.01
(1,2842)	1:A:94:ALA:HB1	1:A:125:TRP:HH2	20	0.01
(1,2842)	1:A:94:ALA:HB2	1:A:125:TRP:HH2	20	0.01
(1,2842)	1:A:94:ALA:HB3	1:A:125:TRP:HH2	20	0.01
(1,2825)	1:A:72:ILE:HD11	1:A:77:LYS:HE3	20	0.01
(1,2825)	1:A:72:ILE:HD12	1:A:77:LYS:HE3	20	0.01
(1,2825)	1:A:72:ILE:HD13	1:A:77:LYS:HE3	20	0.01
(1,2824)	1:A:72:ILE:HD11	1:A:77:LYS:HD3	4	0.01
(1,2824)	1:A:72:ILE:HD12	1:A:77:LYS:HD3	4	0.01
(1,2824)	1:A:72:ILE:HD13	1:A:77:LYS:HD3	4	0.01
(1,2820)	1:A:118:THR:HG21	1:A:121:PHE:HB2	12	0.01
(1,2820)	1:A:118:THR:HG22	1:A:121:PHE:HB2	12	0.01
(1,2820)	1:A:118:THR:HG23	1:A:121:PHE:HB2	12	0.01
(1,2806)	1:A:109:MET:HE1	1:A:145:TRP:HZ2	10	0.01
(1,2806)	1:A:109:MET:HE2	1:A:145:TRP:HZ2	10	0.01
(1,2806)	1:A:109:MET:HE3	1:A:145:TRP:HZ2	10	0.01
(1,2805)	1:A:109:MET:HE1	1:A:145:TRP:HH2	17	0.01
(1,2805)	1:A:109:MET:HE2	1:A:145:TRP:HH2	17	0.01
(1,2805)	1:A:109:MET:HE3	1:A:145:TRP:HH2	17	0.01
(1,2798)	1:A:109:MET:HE1	1:A:115:ILE:HG21	11	0.01
(1,2798)	1:A:109:MET:HE1	1:A:115:ILE:HG22	11	0.01
(1,2798)	1:A:109:MET:HE1	1:A:115:ILE:HG23	11	0.01
(1,2798)	1:A:109:MET:HE2	1:A:115:ILE:HG21	11	0.01
(1,2798)	1:A:109:MET:HE2	1:A:115:ILE:HG22	11	0.01
(1,2798)	1:A:109:MET:HE2	1:A:115:ILE:HG23	11	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,2798)	1:A:109:MET:HE3	1:A:115:ILE:HG21	11	0.01
(1,2798)	1:A:109:MET:HE3	1:A:115:ILE:HG22	11	0.01
(1,2798)	1:A:109:MET:HE3	1:A:115:ILE:HG23	11	0.01
(1,2798)	1:A:109:MET:HE1	1:A:115:ILE:HG21	14	0.01
(1,2798)	1:A:109:MET:HE1	1:A:115:ILE:HG22	14	0.01
(1,2798)	1:A:109:MET:HE1	1:A:115:ILE:HG23	14	0.01
(1,2798)	1:A:109:MET:HE2	1:A:115:ILE:HG21	14	0.01
(1,2798)	1:A:109:MET:HE2	1:A:115:ILE:HG22	14	0.01
(1,2798)	1:A:109:MET:HE2	1:A:115:ILE:HG23	14	0.01
(1,2798)	1:A:109:MET:HE3	1:A:115:ILE:HG21	14	0.01
(1,2798)	1:A:109:MET:HE3	1:A:115:ILE:HG22	14	0.01
(1,2798)	1:A:109:MET:HE3	1:A:115:ILE:HG23	14	0.01
(1,279)	1:A:65:TRP:HB2	1:A:66:PHE:H	5	0.01
(1,279)	1:A:65:TRP:HB2	1:A:66:PHE:H	17	0.01
(1,279)	1:A:65:TRP:HB2	1:A:66:PHE:H	18	0.01
(1,2763)	1:A:76:LEU:HD21	1:A:163:GLU:HA	6	0.01
(1,2763)	1:A:76:LEU:HD22	1:A:163:GLU:HA	6	0.01
(1,2763)	1:A:76:LEU:HD23	1:A:163:GLU:HA	6	0.01
(1,2746)	1:A:80:PHE:HZ	1:A:159:ILE:HG21	20	0.01
(1,2746)	1:A:80:PHE:HZ	1:A:159:ILE:HG22	20	0.01
(1,2746)	1:A:80:PHE:HZ	1:A:159:ILE:HG23	20	0.01
(1,2732)	1:A:78:TYR:HB3	1:A:154:ILE:HD11	15	0.01
(1,2732)	1:A:78:TYR:HB3	1:A:154:ILE:HD12	15	0.01
(1,2732)	1:A:78:TYR:HB3	1:A:154:ILE:HD13	15	0.01
(1,2732)	1:A:78:TYR:HB3	1:A:154:ILE:HD11	19	0.01
(1,2732)	1:A:78:TYR:HB3	1:A:154:ILE:HD12	19	0.01
(1,2732)	1:A:78:TYR:HB3	1:A:154:ILE:HD13	19	0.01
(1,2731)	1:A:151:PRO:HA	1:A:154:ILE:HD11	5	0.01
(1,2731)	1:A:151:PRO:HA	1:A:154:ILE:HD12	5	0.01
(1,2731)	1:A:151:PRO:HA	1:A:154:ILE:HD13	5	0.01
(1,2718)	1:A:153:LEU:HD11	1:A:156:LYS:HE2	15	0.01
(1,2718)	1:A:153:LEU:HD11	1:A:156:LYS:HE3	15	0.01
(1,2718)	1:A:153:LEU:HD12	1:A:156:LYS:HE2	15	0.01
(1,2718)	1:A:153:LEU:HD12	1:A:156:LYS:HE3	15	0.01
(1,2718)	1:A:153:LEU:HD13	1:A:156:LYS:HE2	15	0.01
(1,2718)	1:A:153:LEU:HD13	1:A:156:LYS:HE3	15	0.01
(1,270)	1:A:64:ARG:H	1:A:64:ARG:HB3	20	0.01
(1,2680)	1:A:53:TRP:HE3	1:A:146:LEU:HD21	20	0.01
(1,2680)	1:A:53:TRP:HE3	1:A:146:LEU:HD22	20	0.01
(1,2680)	1:A:53:TRP:HE3	1:A:146:LEU:HD23	20	0.01
(1,2626)	1:A:95:PRO:HG3	1:A:134:LEU:HD11	1	0.01
(1,2626)	1:A:95:PRO:HG3	1:A:134:LEU:HD12	1	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,2626)	1:A:95:PRO:HG3	1:A:134:LEU:HD13	1	0.01
(1,2626)	1:A:95:PRO:HG3	1:A:134:LEU:HD11	14	0.01
(1,2626)	1:A:95:PRO:HG3	1:A:134:LEU:HD12	14	0.01
(1,2626)	1:A:95:PRO:HG3	1:A:134:LEU:HD13	14	0.01
(1,2625)	1:A:95:PRO:HG2	1:A:134:LEU:HD11	2	0.01
(1,2625)	1:A:95:PRO:HG2	1:A:134:LEU:HD12	2	0.01
(1,2625)	1:A:95:PRO:HG2	1:A:134:LEU:HD13	2	0.01
(1,262)	1:A:61:GLU:H	1:A:61:GLU:HB3	2	0.01
(1,262)	1:A:61:GLU:H	1:A:61:GLU:HB3	10	0.01
(1,262)	1:A:61:GLU:H	1:A:61:GLU:HB3	14	0.01
(1,262)	1:A:61:GLU:H	1:A:61:GLU:HB3	16	0.01
(1,2606)	1:A:92:THR:HA	1:A:129:VAL:HG21	3	0.01
(1,2606)	1:A:92:THR:HA	1:A:129:VAL:HG22	3	0.01
(1,2606)	1:A:92:THR:HA	1:A:129:VAL:HG23	3	0.01
(1,2600)	1:A:129:VAL:HG11	1:A:130:PRO:HA	4	0.01
(1,2600)	1:A:129:VAL:HG12	1:A:130:PRO:HA	4	0.01
(1,2600)	1:A:129:VAL:HG13	1:A:130:PRO:HA	4	0.01
(1,2600)	1:A:129:VAL:HG11	1:A:130:PRO:HA	19	0.01
(1,2600)	1:A:129:VAL:HG12	1:A:130:PRO:HA	19	0.01
(1,2600)	1:A:129:VAL:HG13	1:A:130:PRO:HA	19	0.01
(1,260)	1:A:60:LYS:HB3	1:A:61:GLU:H	6	0.01
(1,259)	1:A:60:LYS:HB2	1:A:61:GLU:H	12	0.01
(1,253)	1:A:58:SER:HB3	1:A:59:ASN:H	7	0.01
(1,253)	1:A:58:SER:HB3	1:A:59:ASN:H	18	0.01
(1,2529)	1:A:97:ILE:HD11	1:A:115:ILE:HD11	3	0.01
(1,2529)	1:A:97:ILE:HD11	1:A:115:ILE:HD12	3	0.01
(1,2529)	1:A:97:ILE:HD11	1:A:115:ILE:HD13	3	0.01
(1,2529)	1:A:97:ILE:HD12	1:A:115:ILE:HD11	3	0.01
(1,2529)	1:A:97:ILE:HD12	1:A:115:ILE:HD12	3	0.01
(1,2529)	1:A:97:ILE:HD12	1:A:115:ILE:HD13	3	0.01
(1,2529)	1:A:97:ILE:HD13	1:A:115:ILE:HD11	3	0.01
(1,2529)	1:A:97:ILE:HD13	1:A:115:ILE:HD12	3	0.01
(1,2529)	1:A:97:ILE:HD13	1:A:115:ILE:HD13	3	0.01
(1,252)	1:A:58:SER:HB2	1:A:59:ASN:H	3	0.01
(1,252)	1:A:58:SER:HB2	1:A:59:ASN:H	11	0.01
(1,2513)	1:A:97:ILE:HD11	1:A:142:LEU:HB3	1	0.01
(1,2513)	1:A:97:ILE:HD12	1:A:142:LEU:HB3	1	0.01
(1,2513)	1:A:97:ILE:HD13	1:A:142:LEU:HB3	1	0.01
(1,2513)	1:A:97:ILE:HD11	1:A:142:LEU:HB3	13	0.01
(1,2513)	1:A:97:ILE:HD12	1:A:142:LEU:HB3	13	0.01
(1,2513)	1:A:97:ILE:HD13	1:A:142:LEU:HB3	13	0.01
(1,2513)	1:A:97:ILE:HD11	1:A:142:LEU:HB3	16	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,2513)	1:A:97:ILE:HD12	1:A:142:LEU:HB3	16	0.01
(1,2513)	1:A:97:ILE:HD13	1:A:142:LEU:HB3	16	0.01
(1,2505)	1:A:94:ALA:HB1	1:A:137:LEU:HB3	5	0.01
(1,2505)	1:A:94:ALA:HB2	1:A:137:LEU:HB3	5	0.01
(1,2505)	1:A:94:ALA:HB3	1:A:137:LEU:HB3	5	0.01
(1,2505)	1:A:94:ALA:HB1	1:A:137:LEU:HB3	6	0.01
(1,2505)	1:A:94:ALA:HB2	1:A:137:LEU:HB3	6	0.01
(1,2505)	1:A:94:ALA:HB3	1:A:137:LEU:HB3	6	0.01
(1,248)	1:A:57:GLU:HA	1:A:58:SER:H	8	0.01
(1,248)	1:A:57:GLU:HA	1:A:58:SER:H	19	0.01
(1,2442)	1:A:74:ASP:HB3	1:A:154:ILE:HG21	4	0.01
(1,2442)	1:A:74:ASP:HB3	1:A:154:ILE:HG22	4	0.01
(1,2442)	1:A:74:ASP:HB3	1:A:154:ILE:HG23	4	0.01
(1,2436)	1:A:72:ILE:HD11	1:A:77:LYS:HE2	17	0.01
(1,2436)	1:A:72:ILE:HD12	1:A:77:LYS:HE2	17	0.01
(1,2436)	1:A:72:ILE:HD13	1:A:77:LYS:HE2	17	0.01
(1,2414)	1:A:22:PRO:HA	1:A:63:THR:HG21	5	0.01
(1,2414)	1:A:22:PRO:HA	1:A:63:THR:HG22	5	0.01
(1,2414)	1:A:22:PRO:HA	1:A:63:THR:HG23	5	0.01
(1,2409)	1:A:32:LEU:HD11	1:A:61:GLU:HA	17	0.01
(1,2409)	1:A:32:LEU:HD12	1:A:61:GLU:HA	17	0.01
(1,2409)	1:A:32:LEU:HD13	1:A:61:GLU:HA	17	0.01
(1,2404)	1:A:56:LEU:HD11	1:A:67:GLY:HA3	9	0.01
(1,2404)	1:A:56:LEU:HD12	1:A:67:GLY:HA3	9	0.01
(1,2404)	1:A:56:LEU:HD13	1:A:67:GLY:HA3	9	0.01
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:47:LYS:HE2	15	0.01
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:47:LYS:HE3	15	0.01
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:47:LYS:HE2	15	0.01
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:47:LYS:HE3	15	0.01
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:47:LYS:HE2	15	0.01
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:47:LYS:HE3	15	0.01
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:47:LYS:HE2	18	0.01
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:47:LYS:HE3	18	0.01
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:47:LYS:HE2	18	0.01
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:47:LYS:HE3	18	0.01
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:47:LYS:HE2	18	0.01
(1,2387)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:47:LYS:HE3	18	0.01
(1,237)	1:A:54:PHE:HB3	1:A:55:ARG:H	17	0.01
(1,2358)	1:A:39:LEU:HD21	1:A:65:TRP:HZ3	1	0.01
(1,2358)	1:A:39:LEU:HD22	1:A:65:TRP:HZ3	1	0.01
(1,2358)	1:A:39:LEU:HD23	1:A:65:TRP:HZ3	1	0.01
(1,2358)	1:A:39:LEU:HD21	1:A:65:TRP:HZ3	10	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,2358)	1:A:39:LEU:HD22	1:A:65:TRP:HZ3	10	0.01
(1,2358)	1:A:39:LEU:HD23	1:A:65:TRP:HZ3	10	0.01
(1,2338)	1:A:18:THR:HG21	1:A:30:GLN:HB2	10	0.01
(1,2338)	1:A:18:THR:HG21	1:A:30:GLN:HB3	10	0.01
(1,2338)	1:A:18:THR:HG22	1:A:30:GLN:HB2	10	0.01
(1,2338)	1:A:18:THR:HG22	1:A:30:GLN:HB3	10	0.01
(1,2338)	1:A:18:THR:HG23	1:A:30:GLN:HB2	10	0.01
(1,2338)	1:A:18:THR:HG23	1:A:30:GLN:HB3	10	0.01
(1,2338)	1:A:18:THR:HG21	1:A:30:GLN:HB2	20	0.01
(1,2338)	1:A:18:THR:HG21	1:A:30:GLN:HB3	20	0.01
(1,2338)	1:A:18:THR:HG22	1:A:30:GLN:HB2	20	0.01
(1,2338)	1:A:18:THR:HG22	1:A:30:GLN:HB3	20	0.01
(1,2338)	1:A:18:THR:HG23	1:A:30:GLN:HB2	20	0.01
(1,2338)	1:A:18:THR:HG23	1:A:30:GLN:HB3	20	0.01
(1,2267)	1:A:10:VAL:HA	1:A:13:ILE:HD11	15	0.01
(1,2267)	1:A:10:VAL:HA	1:A:13:ILE:HD12	15	0.01
(1,2267)	1:A:10:VAL:HA	1:A:13:ILE:HD13	15	0.01
(1,2148)	1:A:75:LEU:HA	1:A:75:LEU:HD11	18	0.01
(1,2148)	1:A:75:LEU:HA	1:A:75:LEU:HD12	18	0.01
(1,2148)	1:A:75:LEU:HA	1:A:75:LEU:HD13	18	0.01
(1,2141)	1:A:56:LEU:HD11	1:A:57:GLU:H	12	0.01
(1,2141)	1:A:56:LEU:HD12	1:A:57:GLU:H	12	0.01
(1,2141)	1:A:56:LEU:HD13	1:A:57:GLU:H	12	0.01
(1,2089)	1:A:73:HIS:H	1:A:78:TYR:HE1	10	0.01
(1,2086)	1:A:70:TRP:HD1	1:A:72:ILE:HG12	6	0.01
(1,2059)	1:A:128:ASN:HB3	1:A:132:PHE:HE1	20	0.01
(1,2048)	1:A:121:PHE:HZ	1:A:125:TRP:HB3	4	0.01
(1,2040)	1:A:53:TRP:HH2	1:A:138:MET:HA	3	0.01
(1,202)	1:A:45:ASN:HB3	1:A:46:ASN:H	14	0.01
(1,2019)	1:A:22:PRO:HB2	1:A:28:TRP:HZ2	8	0.01
(1,1991)	1:A:84:PHE:HB3	1:A:97:ILE:HA	13	0.01
(1,1983)	1:A:131:LYS:HA	1:A:131:LYS:HD3	14	0.01
(1,197)	1:A:45:ASN:H	1:A:45:ASN:HB3	12	0.01
(1,195)	1:A:44:GLU:HB2	1:A:45:ASN:H	19	0.01
(1,1949)	1:A:125:TRP:HH2	1:A:137:LEU:HA	10	0.01
(1,1949)	1:A:125:TRP:HH2	1:A:137:LEU:HA	12	0.01
(1,1948)	1:A:46:ASN:HB2	1:A:52:ASP:HA	7	0.01
(1,1948)	1:A:46:ASN:HB3	1:A:52:ASP:HA	7	0.01
(1,1939)	1:A:10:VAL:HA	1:A:13:ILE:HG13	6	0.01
(1,1935)	1:A:150:ILE:HB	1:A:151:PRO:HD2	12	0.01
(1,1935)	1:A:150:ILE:HB	1:A:151:PRO:HD3	12	0.01
(1,1935)	1:A:150:ILE:HB	1:A:151:PRO:HD2	14	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1935)	1:A:150:ILE:HB	1:A:151:PRO:HD3	14	0.01
(1,193)	1:A:43:VAL:HA	1:A:45:ASN:H	9	0.01
(1,1921)	1:A:127:ARG:HB2	1:A:128:ASN:HD22	6	0.01
(1,190)	1:A:41:ARG:HA	1:A:45:ASN:H	14	0.01
(1,1897)	1:A:117:LEU:HA	1:A:145:TRP:HD1	1	0.01
(1,1888)	1:A:89:THR:HB	1:A:93:THR:HB	13	0.01
(1,1888)	1:A:89:THR:HB	1:A:93:THR:HB	17	0.01
(1,1885)	1:A:90:TYR:HE1	1:A:95:PRO:HD3	2	0.01
(1,1874)	1:A:81:ASP:HB2	1:A:83:GLU:HG2	18	0.01
(1,1874)	1:A:81:ASP:HB2	1:A:83:GLU:HG3	18	0.01
(1,1823)	1:A:56:LEU:HG	1:A:65:TRP:HE3	16	0.01
(1,1819)	1:A:47:LYS:HA	1:A:52:ASP:HB2	17	0.01
(1,1819)	1:A:47:LYS:HA	1:A:52:ASP:HB2	20	0.01
(1,1818)	1:A:46:ASN:HA	1:A:51:ASN:HB2	20	0.01
(1,1807)	1:A:41:ARG:HD2	1:A:45:ASN:HD22	11	0.01
(1,1804)	1:A:36:TYR:H	1:A:37:GLN:HG3	20	0.01
(1,1786)	1:A:23:ARG:HB2	1:A:88:ILE:HA	9	0.01
(1,1779)	1:A:22:PRO:HA	1:A:28:TRP:HD1	4	0.01
(1,1779)	1:A:22:PRO:HA	1:A:28:TRP:HD1	7	0.01
(1,1774)	1:A:16:LEU:HG	1:A:34:GLU:HB3	12	0.01
(1,1740)	1:A:162:LYS:HA	1:A:162:LYS:HE2	3	0.01
(1,1740)	1:A:162:LYS:HA	1:A:162:LYS:HE3	3	0.01
(1,1644)	1:A:64:ARG:HD3	1:A:65:TRP:H	8	0.01
(1,162)	1:A:38:SER:H	1:A:40:ILE:H	13	0.01
(1,1614)	1:A:47:LYS:HA	1:A:47:LYS:HG3	4	0.01
(1,1611)	1:A:44:GLU:HA	1:A:44:GLU:HG3	16	0.01
(1,1600)	1:A:37:GLN:HA	1:A:37:GLN:HG3	3	0.01
(1,1600)	1:A:37:GLN:HA	1:A:37:GLN:HG3	8	0.01
(1,1600)	1:A:37:GLN:HA	1:A:37:GLN:HG3	17	0.01
(1,1591)	1:A:33:LYS:HB2	1:A:33:LYS:HE2	4	0.01
(1,1591)	1:A:33:LYS:HB2	1:A:33:LYS:HE3	4	0.01
(1,1591)	1:A:33:LYS:HB3	1:A:33:LYS:HE2	4	0.01
(1,1591)	1:A:33:LYS:HB3	1:A:33:LYS:HE3	4	0.01
(1,1582)	1:A:30:GLN:HB2	1:A:30:GLN:HE21	11	0.01
(1,1582)	1:A:30:GLN:HB3	1:A:30:GLN:HE21	11	0.01
(1,1572)	1:A:25:ARG:HB3	1:A:25:ARG:HG2	15	0.01
(1,1565)	1:A:23:ARG:HA	1:A:23:ARG:HG3	17	0.01
(1,1554)	1:A:13:ILE:HA	1:A:14:PRO:HD2	18	0.01
(1,1550)	1:A:12:GLU:H	1:A:12:GLU:HG2	15	0.01
(1,155)	1:A:37:GLN:HB3	1:A:38:SER:H	3	0.01
(1,155)	1:A:37:GLN:HB3	1:A:38:SER:H	11	0.01
(1,155)	1:A:37:GLN:HB3	1:A:38:SER:H	13	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1494)	1:A:87:PRO:HA	1:A:89:THR:H	2	0.01
(1,1494)	1:A:87:PRO:HA	1:A:89:THR:H	5	0.01
(1,1445)	1:A:4:GLU:HA	1:A:6:THR:H	12	0.01
(1,143)	1:A:36:TYR:H	1:A:36:TYR:HB3	12	0.01
(1,1428)	1:A:135:ALA:HA	1:A:138:MET:HB3	5	0.01
(1,1414)	1:A:121:PHE:HA	1:A:124:LEU:H	5	0.01
(1,1389)	1:A:85:ASP:H	1:A:85:ASP:HB2	6	0.01
(1,1386)	1:A:74:ASP:HB3	1:A:75:LEU:H	10	0.01
(1,1382)	1:A:57:GLU:HB2	1:A:58:SER:H	2	0.01
(1,1382)	1:A:57:GLU:HB2	1:A:58:SER:H	6	0.01
(1,1382)	1:A:57:GLU:HB2	1:A:58:SER:H	12	0.01
(1,1368)	1:A:41:ARG:HA	1:A:44:GLU:HB3	3	0.01
(1,1360)	1:A:41:ARG:HA	1:A:44:GLU:H	1	0.01
(1,1360)	1:A:41:ARG:HA	1:A:44:GLU:H	2	0.01
(1,1360)	1:A:41:ARG:HA	1:A:44:GLU:H	6	0.01
(1,1343)	1:A:34:GLU:HA	1:A:37:GLN:HB3	11	0.01
(1,1337)	1:A:32:LEU:H	1:A:32:LEU:HB3	11	0.01
(1,1336)	1:A:29:VAL:HA	1:A:32:LEU:HB3	11	0.01
(1,1336)	1:A:29:VAL:HA	1:A:32:LEU:HB3	13	0.01
(1,1328)	1:A:25:ARG:HB3	1:A:26:GLU:H	19	0.01
(1,1317)	1:A:12:GLU:H	1:A:12:GLU:HB3	1	0.01
(1,1317)	1:A:12:GLU:H	1:A:12:GLU:HB3	10	0.01
(1,1317)	1:A:12:GLU:H	1:A:12:GLU:HB3	12	0.01
(1,1317)	1:A:12:GLU:H	1:A:12:GLU:HB3	17	0.01
(1,1317)	1:A:12:GLU:H	1:A:12:GLU:HB3	19	0.01
(1,1316)	1:A:12:GLU:HA	1:A:13:ILE:H	13	0.01
(1,1307)	1:A:6:THR:HA	1:A:9:VAL:HB	17	0.01
(1,129)	1:A:32:LEU:HA	1:A:35:GLU:H	9	0.01
(1,126)	1:A:34:GLU:H	1:A:34:GLU:HB3	5	0.01
(1,126)	1:A:34:GLU:H	1:A:34:GLU:HB3	7	0.01
(1,126)	1:A:34:GLU:H	1:A:34:GLU:HB3	12	0.01
(1,1211)	1:A:19:ASN:HD21	1:A:129:VAL:HG11	20	0.01
(1,1211)	1:A:19:ASN:HD21	1:A:129:VAL:HG12	20	0.01
(1,1211)	1:A:19:ASN:HD21	1:A:129:VAL:HG13	20	0.01
(1,1163)	1:A:97:ILE:H	1:A:97:ILE:HD11	13	0.01
(1,1163)	1:A:97:ILE:H	1:A:97:ILE:HD12	13	0.01
(1,1163)	1:A:97:ILE:H	1:A:97:ILE:HD13	13	0.01
(1,1116)	1:A:127:ARG:H	1:A:127:ARG:HG3	18	0.01
(1,1109)	1:A:46:ASN:HD22	1:A:51:ASN:HD22	1	0.01
(1,1098)	1:A:53:TRP:HE1	1:A:139:ALA:HA	8	0.01
(1,1082)	1:A:46:ASN:HD21	1:A:53:TRP:HE1	13	0.01
(1,1079)	1:A:53:TRP:HH2	1:A:143:GLY:H	9	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1079)	1:A:53:TRP:HH2	1:A:143:GLY:H	15	0.01
(1,1073)	1:A:39:LEU:HG	1:A:135:ALA:H	2	0.01
(1,1072)	1:A:133:GLY:H	1:A:136:HIS:HE1	3	0.01
(1,1072)	1:A:133:GLY:H	1:A:136:HIS:HE1	10	0.01
(1,1069)	1:A:127:ARG:HB2	1:A:128:ASN:HD21	20	0.01
(1,1066)	1:A:124:LEU:HA	1:A:128:ASN:HD21	11	0.01
(1,1054)	1:A:94:ALA:H	1:A:125:TRP:HZ2	2	0.01
(1,1054)	1:A:94:ALA:H	1:A:125:TRP:HZ2	5	0.01
(1,1054)	1:A:94:ALA:H	1:A:125:TRP:HZ2	18	0.01
(1,1054)	1:A:94:ALA:H	1:A:125:TRP:HZ2	20	0.01
(1,1035)	1:A:53:TRP:HE3	1:A:70:TRP:H	9	0.01
(1,1028)	1:A:65:TRP:HE1	1:A:86:ILE:HG12	12	0.01
(1,1024)	1:A:63:THR:HA	1:A:65:TRP:HE1	12	0.01
(1,1024)	1:A:63:THR:HA	1:A:65:TRP:HE1	14	0.01
(1,1014)	1:A:59:ASN:HD22	1:A:63:THR:H	6	0.01
(1,1006)	1:A:57:GLU:H	1:A:65:TRP:HB3	17	0.01
(1,1005)	1:A:57:GLU:H	1:A:65:TRP:HE3	13	0.01
(1,1003)	1:A:56:LEU:H	1:A:65:TRP:HZ3	8	0.01
(1,1003)	1:A:56:LEU:H	1:A:65:TRP:HZ3	17	0.01
(1,1003)	1:A:56:LEU:H	1:A:65:TRP:HZ3	18	0.01

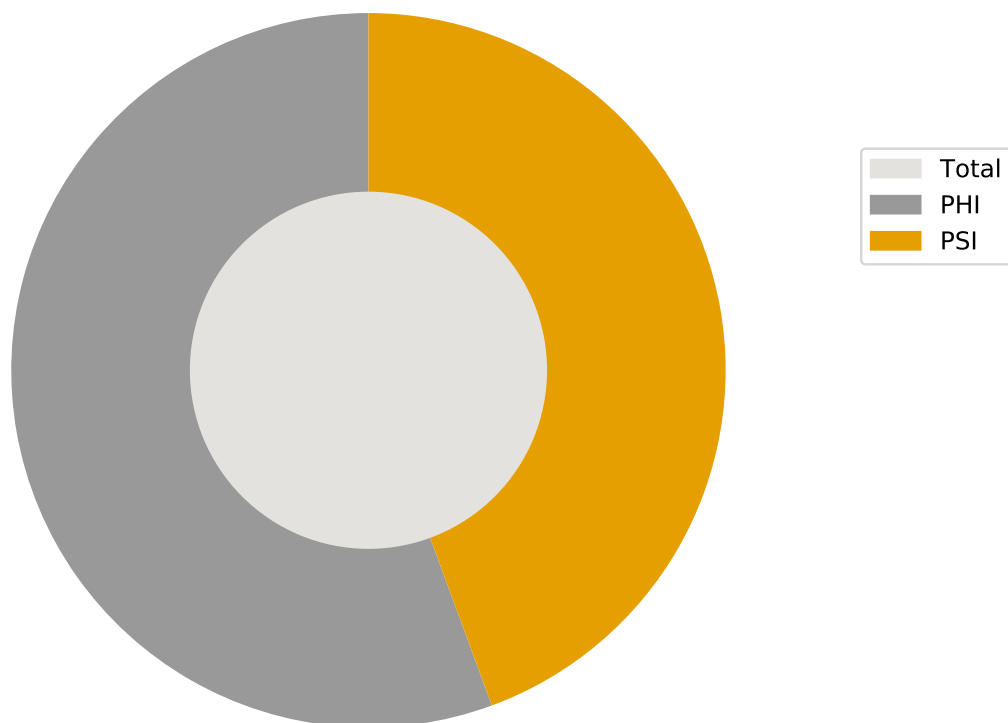
9 Dihedral angle restraints analysis

9.1 Dihedral angle restraints summary

Angle name	Count	%
PHI	203	55.6
PSI	162	44.4
Total	365	100.0

9.1.1 Pie chart : Dihedral angle restraints

There are 0 unmapped restraints



9.2 Dihedral angle violations

The following table provides the summary of violated restraints. Restraints that are violated at least in one model are counted as violated.

Angle name	Count	% ¹	% ²
PHI	129	63.5	54.9
PSI	106	65.4	45.1

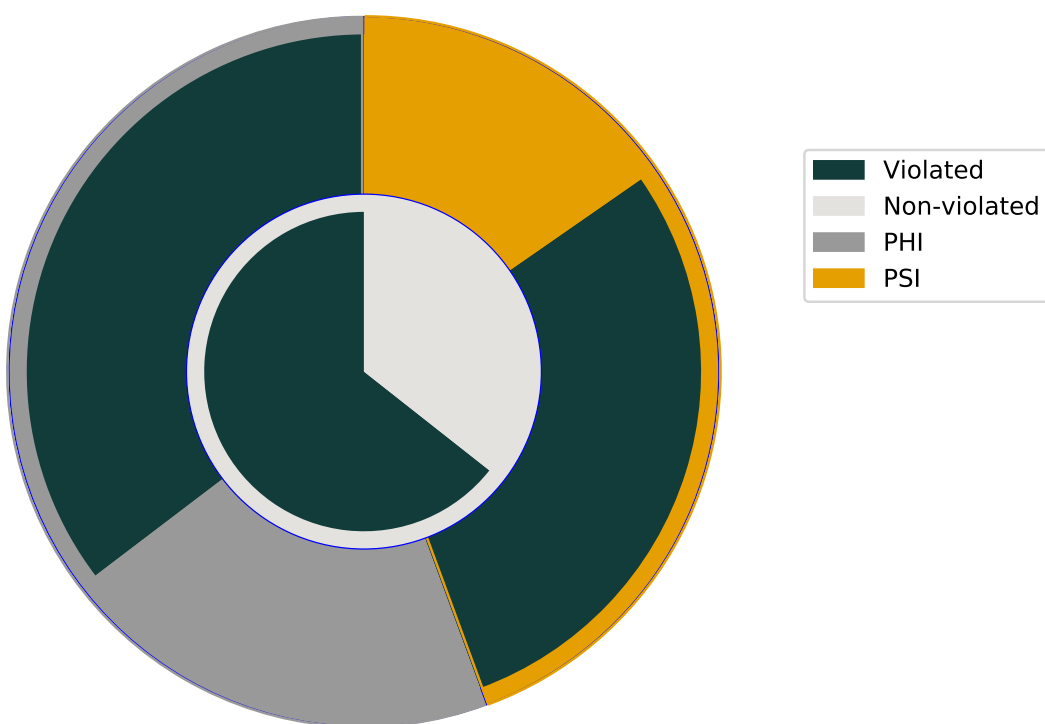
Continued on next page...

Continued from previous page...

Angle name	Count	% ¹	% ²
Total	235	64.4	100.0

¹percentage of violated restraints in that particular angle type, ²percentage of violation in total violations.

9.2.1 Pie chart : Dihedral angle violations



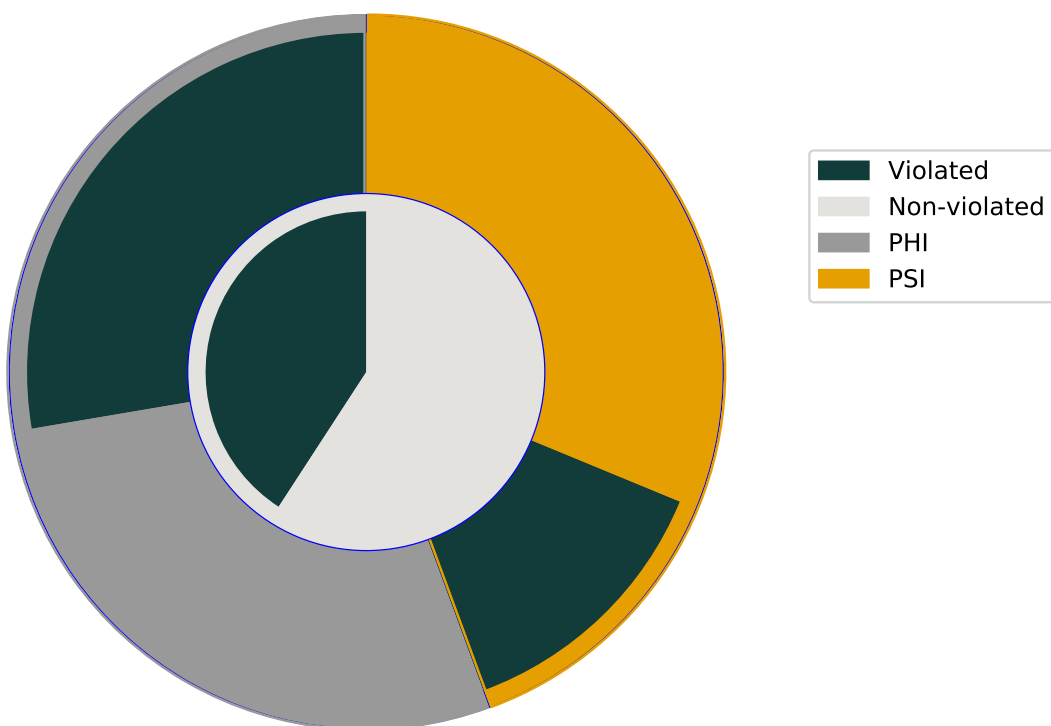
9.3 Consistent dihedral angle violations

The following table provides the summary of consistently violated restraints. Restraints that are violated all models are counted as violated.

Angle name	Count	% ¹	% ²
PHI	101	49.8	67.8
PSI	48	29.6	32.2
Total	149	40.8	100.0

¹percentage of violated restraints in that particular angle type, ²percentage of violation in total violations.

9.3.1 Pie chart : Consistent dihedral angle violations



9.4 Residual dihedral angle violations

Violation are counted in different bin sizes and listed below

Range (°)	No. of violated restraints per model	Max violation (°)
0.0-5.0	18.8	4.98
5.0-10.0	3.9	9.99
10.0-20.0	13.1	20.0
20.0-40.0	38.6	40.0
40.0-80.0	53.2	80.0
80.0<	47.8	143.49

9.5 Dihedral angle violations in the ensemble

The restraints are grouped based on the number of violated models and listed here.

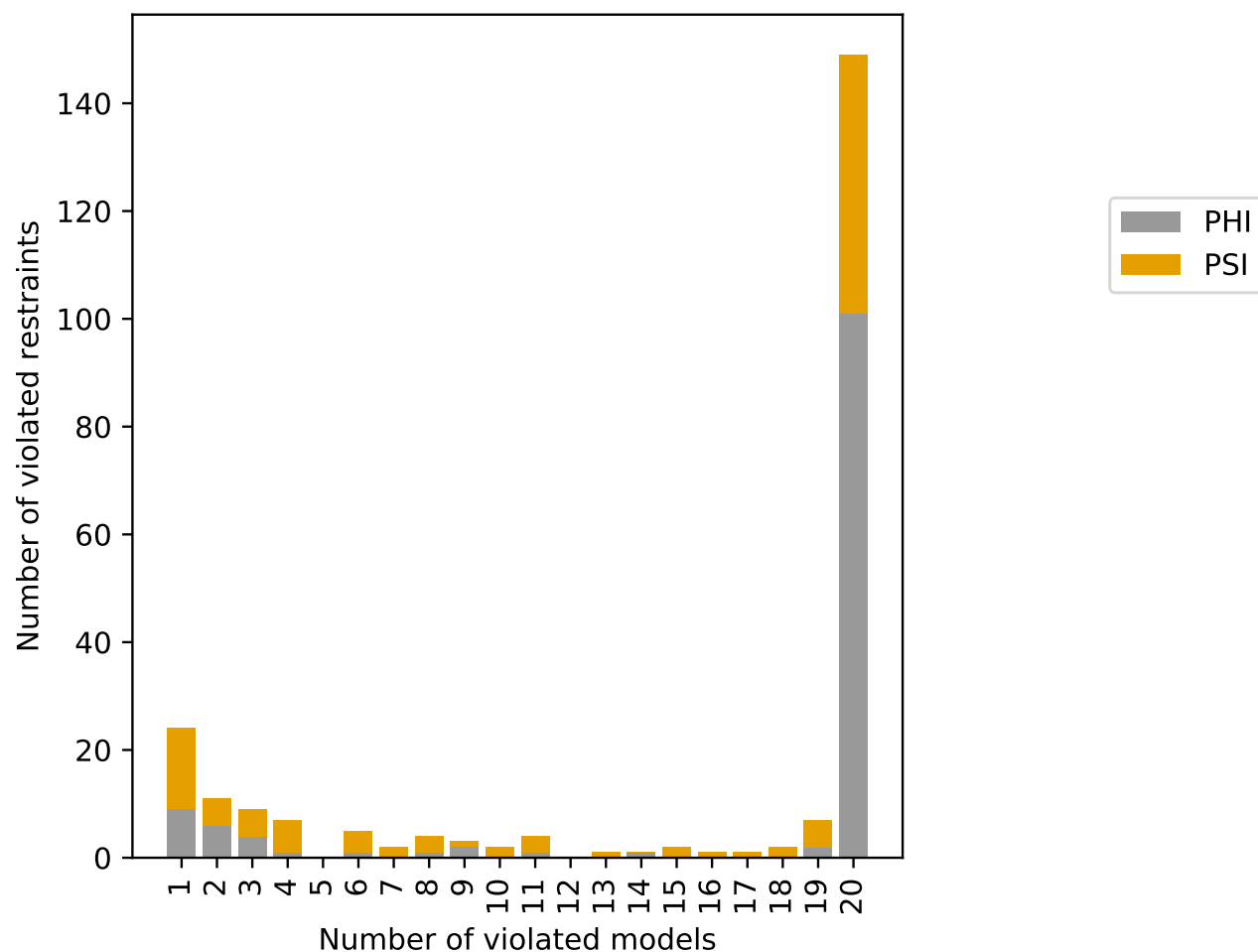
No. of violated restraints			No. of violated models
PHI	PSI	Total	
9	15	24	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

No. of violated restraints			No. of violated models
PHI	PSI	Total	
6	5	11	2
4	5	9	3
1	6	7	4
0	0	0	5
1	4	5	6
0	2	2	7
1	3	4	8
2	1	3	9
0	2	2	10
1	3	4	11
0	0	0	12
0	1	1	13
1	0	1	14
0	2	2	15
0	1	1	16
0	1	1	17
0	2	2	18
2	5	7	19
101	48	149	20

9.5.1 Bar graph : No. of models vs No. of violations



9.6 Violations in each model

The following table lists the violation count in each model in the ensemble

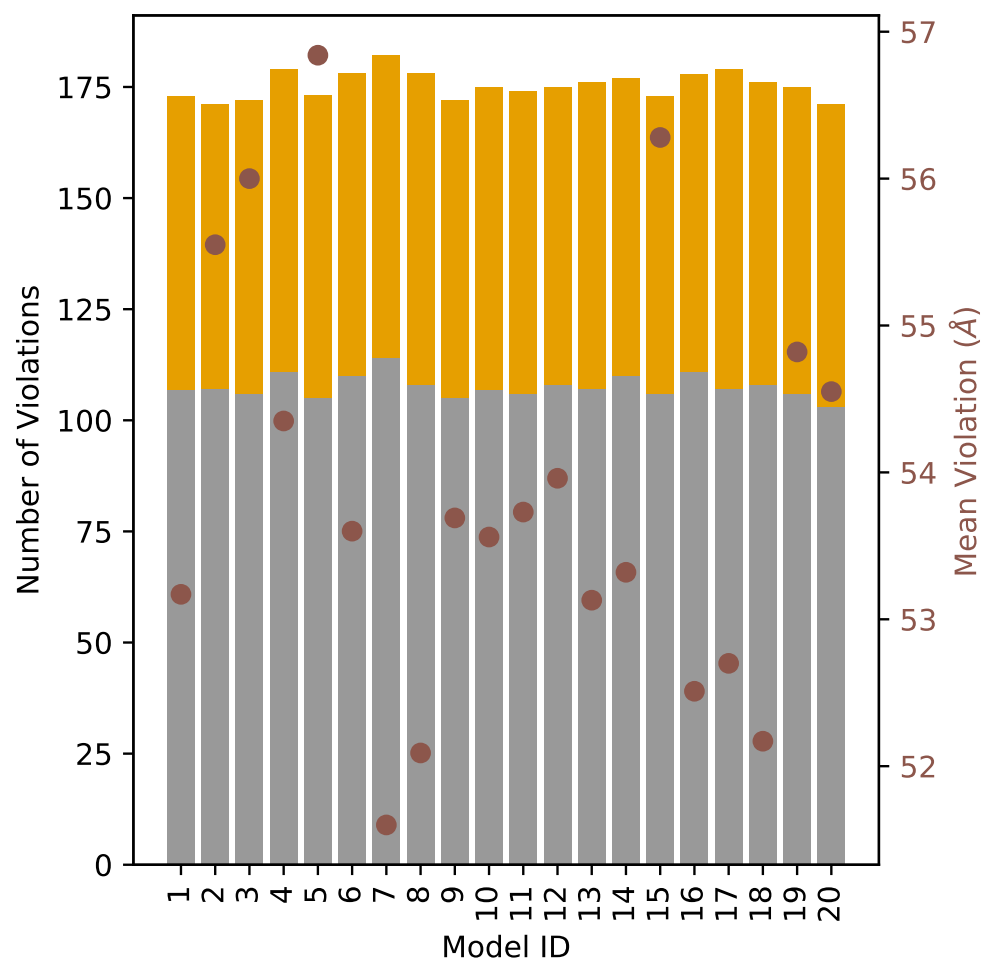
Model ID	No. of violations			Mean (Å)	Max (Å)
	PHI	PSI	Total		
1	107	66	173	53.17	133.31
2	107	64	171	55.55	143.4
3	106	66	172	56.0	132.28
4	111	68	179	54.35	142.69
5	105	68	173	56.84	130.21
6	110	68	178	53.6	129.27
7	114	68	182	51.6	135.74
8	108	70	178	52.09	140.55
9	105	67	172	53.69	132.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Model ID	No. of violations			Mean (Å)	Max (Å)
	PHI	PSI	Total		
10	107	68	175	53.56	140.25
11	106	68	174	53.73	139.01
12	108	67	175	53.96	132.8
13	107	69	176	53.13	134.86
14	110	67	177	53.32	136.34
15	106	67	173	56.28	135.5
16	111	67	178	52.51	142.07
17	107	72	179	52.7	137.21
18	108	68	176	52.17	126.45
19	106	69	175	54.82	143.49
20	103	68	171	54.55	127.17

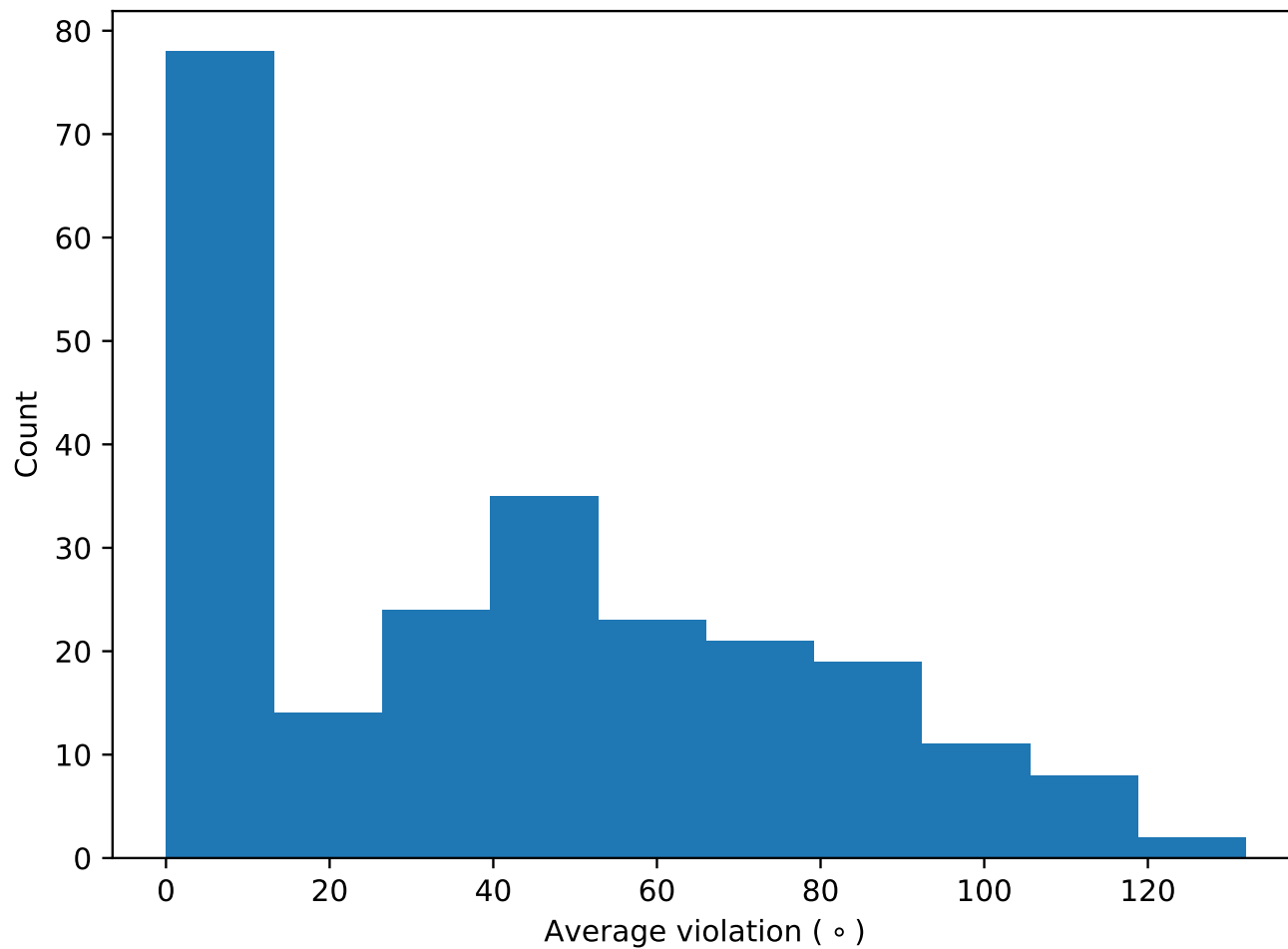
9.6.1 Bar graph : Violations in each model



9.7 Most violated dihedral angle restraints

9.7.1 Histogram : Distribution of mean dihedral angle violations

The following histogram shows the distribution of average violation of each restraint



9.7.2 Table: Most violated dihedral angle restraints

The following table lists the average violation of each restraint sorted by number of violated models

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models	Mean (°)	Max (°)
(1,224)	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	16	131.94	143.49
(1,354)	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	19	75.07	139.01
(1,289)	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	20	48.28	136.34
(1,359)	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	20	76.03	135.74
(1,283)	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	20	90.85	135.5
(1,280)	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	18	62.8	132.72
(1,345)	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	20	80.54	128.84
(1,348)	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	20	73.02	126.41
(1,292)	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	20	84.47	122.82
(1,362)	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	20	68.66	122.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models	Mean (°)	Max (°)
(1,365)	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	1:A:168:LEU:N	20	70.2	119.2
(1,187)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	20	111.96	118.22
(1,351)	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	20	40.93	116.49
(1,203)	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	20	93.29	113.99
(1,298)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	20	63.07	113.1
(1,200)	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	20	84.92	112.55
(1,195)	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	1:A:25:ARG:N	20	101.88	112.41
(1,286)	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	20	55.12	112.17
(1,178)	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	20	70.91	111.65
(1,181)	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	20	86.97	108.23
(1,269)	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	15	85.35	107.62
(1,249)	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	20	77.68	104.26
(1,304)	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	20	74.2	101.3
(1,184)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	20	65.73	99.49
(1,310)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	20	85.55	94.74
(1,163)	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	1:A:4:GLU:N	18	56.42	94.46
(1,255)	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	20	65.39	92.62
(1,299)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	20	54.43	83.23
(1,317)	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	1:A:121:PHE:N	20	68.93	82.27
(1,210)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	20	63.58	80.2
(1,277)	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	19	41.97	75.06
(1,314)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	20	51.17	72.12
(1,220)	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	20	49.55	71.06
(1,230)	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	1:A:77:LYS:N	20	51.7	64.61
(1,311)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	20	44.45	63.07
(1,307)	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	20	31.47	62.44
(1,326)	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	20	34.09	60.34
(1,301)	1:A:115:ILE:N	1:A:115:ILE:CA	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	20	40.68	59.76
(1,185)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	20	34.27	59.37
(1,246)	1:A:95:PRO:N	1:A:95:PRO:CA	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	19	39.23	59.0
(1,342)	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	20	42.28	56.48
(1,168)	1:A:14:PRO:N	1:A:14:PRO:CA	1:A:14:PRO:C	1:A:15:VAL:N	20	43.68	55.48
(1,242)	1:A:93:THR:N	1:A:93:THR:CA	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	20	36.91	49.36
(1,252)	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	20	33.31	48.47
(1,233)	1:A:87:PRO:N	1:A:87:PRO:CA	1:A:87:PRO:C	1:A:88:ILE:N	20	35.11	46.78
(1,209)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	19	17.29	44.33
(1,112)	1:A:85:ASP:N	1:A:85:ASP:CA	1:A:85:ASP:C	1:A:86:ILE:N	20	28.51	43.71
(1,189)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	20	30.7	43.69
(1,188)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	20	19.3	40.45
(1,170)	1:A:15:VAL:N	1:A:15:VAL:CA	1:A:15:VAL:C	1:A:16:LEU:N	20	31.28	37.88
(1,106)	1:A:82:ILE:N	1:A:82:ILE:CA	1:A:82:ILE:C	1:A:83:GLU:N	20	26.13	34.68
(1,172)	1:A:16:LEU:N	1:A:16:LEU:CA	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	11	18.52	34.53
(1,108)	1:A:83:GLU:N	1:A:83:GLU:CA	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	20	25.99	30.6
(1,82)	1:A:65:TRP:N	1:A:65:TRP:CA	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	20	13.68	27.33
(1,78)	1:A:59:ASN:N	1:A:59:ASN:CA	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	20	12.26	23.29
(1,84)	1:A:68:LYS:N	1:A:68:LYS:CA	1:A:68:LYS:C	1:A:69:CYS:N	17	11.54	23.28
(1,259)	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	1:A:100:PRO:N	4	5.35	9.21
(1,232)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:PRO:N	20	5.36	6.98
(1,167)	1:A:13:ILE:N	1:A:13:ILE:CA	1:A:13:ILE:C	1:A:14:PRO:N	19	3.46	5.21
(1,38)	1:A:35:GLU:N	1:A:35:GLU:CA	1:A:35:GLU:C	1:A:36:TYR:N	6	2.74	4.98
(1,94)	1:A:73:HIS:N	1:A:73:HIS:CA	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	6	1.63	3.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models	Mean (°)	Max (°)
(1,70)	1:A:55:ARG:N	1:A:55:ARG:CA	1:A:55:ARG:C	1:A:56:LEU:N	13	1.31	3.22
(1,90)	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	1:A:72:ILE:N	9	1.07	2.34
(1,72)	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	1:A:57:GLU:N	8	0.88	2.32
(1,142)	1:A:143:GLY:N	1:A:143:GLY:CA	1:A:143:GLY:C	1:A:144:PRO:N	20	0.88	2.15
(1,100)	1:A:79:GLU:N	1:A:79:GLU:CA	1:A:79:GLU:C	1:A:80:PHE:N	10	0.97	2.08
(1,114)	1:A:121:PHE:N	1:A:121:PHE:CA	1:A:121:PHE:C	1:A:122:LYS:N	11	0.97	1.96
(1,18)	1:A:25:ARG:N	1:A:25:ARG:CA	1:A:25:ARG:C	1:A:26:GLU:N	8	0.86	1.84
(1,130)	1:A:136:HIS:N	1:A:136:HIS:CA	1:A:136:HIS:C	1:A:137:LEU:N	10	0.88	1.77
(1,245)	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	1:A:95:PRO:N	15	0.68	1.71
(1,110)	1:A:84:PHE:N	1:A:84:PHE:CA	1:A:84:PHE:C	1:A:85:ASP:N	1	1.68	1.68
(1,150)	1:A:148:VAL:N	1:A:148:VAL:CA	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	11	0.76	1.68
(1,88)	1:A:70:TRP:N	1:A:70:TRP:CA	1:A:70:TRP:C	1:A:71:TYR:N	8	0.91	1.53
(1,34)	1:A:33:LYS:N	1:A:33:LYS:CA	1:A:33:LYS:C	1:A:34:GLU:N	2	0.78	1.47
(1,356)	1:A:164:LYS:N	1:A:164:LYS:CA	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	3	0.96	1.46
(1,30)	1:A:31:ARG:N	1:A:31:ARG:CA	1:A:31:ARG:C	1:A:32:LEU:N	3	0.71	1.42
(1,68)	1:A:54:PHE:N	1:A:54:PHE:CA	1:A:54:PHE:C	1:A:55:ARG:N	3	0.73	1.34
(1,58)	1:A:45:ASN:N	1:A:45:ASN:CA	1:A:45:ASN:C	1:A:46:ASN:N	2	0.78	1.26
(1,92)	1:A:72:ILE:N	1:A:72:ILE:CA	1:A:72:ILE:C	1:A:73:HIS:N	6	0.71	1.21
(1,260)	1:A:100:PRO:N	1:A:100:PRO:CA	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1	1.2	1.2
(1,76)	1:A:58:SER:N	1:A:58:SER:CA	1:A:58:SER:C	1:A:59:ASN:N	2	1.05	1.2
(1,28)	1:A:30:GLN:N	1:A:30:GLN:CA	1:A:30:GLN:C	1:A:31:ARG:N	4	0.68	1.18
(1,197)	1:A:50:ASP:N	1:A:50:ASP:CA	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1	1.13	1.13
(1,160)	1:A:155:GLN:N	1:A:155:GLN:CA	1:A:155:GLN:C	1:A:156:LYS:N	3	0.66	1.07
(1,128)	1:A:135:ALA:N	1:A:135:ALA:CA	1:A:135:ALA:C	1:A:136:HIS:N	4	0.51	0.98
(1,46)	1:A:39:LEU:N	1:A:39:LEU:CA	1:A:39:LEU:C	1:A:40:ILE:N	6	0.52	0.92
(1,56)	1:A:44:GLU:N	1:A:44:GLU:CA	1:A:44:GLU:C	1:A:45:ASN:N	2	0.54	0.87
(1,158)	1:A:154:ILE:N	1:A:154:ILE:CA	1:A:154:ILE:C	1:A:155:GLN:N	4	0.52	0.82
(1,190)	1:A:22:PRO:N	1:A:22:PRO:CA	1:A:22:PRO:C	1:A:23:ARG:N	4	0.56	0.76
(1,64)	1:A:48:ASN:N	1:A:48:ASN:CA	1:A:48:ASN:C	1:A:49:ALA:N	7	0.34	0.72
(1,146)	1:A:146:LEU:N	1:A:146:LEU:CA	1:A:146:LEU:C	1:A:147:ALA:N	3	0.34	0.69
(1,14)	1:A:10:VAL:N	1:A:10:VAL:CA	1:A:10:VAL:C	1:A:11:SER:N	1	0.64	0.64
(1,120)	1:A:125:TRP:N	1:A:125:TRP:CA	1:A:125:TRP:C	1:A:126:ALA:N	7	0.35	0.6
(1,124)	1:A:127:ARG:N	1:A:127:ARG:CA	1:A:127:ARG:C	1:A:128:ASN:N	2	0.54	0.6
(1,26)	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	1:A:30:GLN:N	1	0.5	0.5
(1,136)	1:A:139:ALA:N	1:A:139:ALA:CA	1:A:139:ALA:C	1:A:140:LEU:N	1	0.47	0.47
(1,152)	1:A:150:ILE:N	1:A:150:ILE:CA	1:A:150:ILE:C	1:A:151:PRO:N	4	0.4	0.46
(1,6)	1:A:6:THR:N	1:A:6:THR:CA	1:A:6:THR:C	1:A:7:ARG:N	1	0.44	0.44
(1,102)	1:A:80:PHE:N	1:A:80:PHE:CA	1:A:80:PHE:C	1:A:81:ASP:N	1	0.43	0.43
(1,54)	1:A:43:VAL:N	1:A:43:VAL:CA	1:A:43:VAL:C	1:A:44:GLU:N	1	0.4	0.4
(1,20)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:LEU:N	1	0.36	0.36
(1,86)	1:A:69:CYS:N	1:A:69:CYS:CA	1:A:69:CYS:C	1:A:70:TRP:N	1	0.34	0.34
(1,140)	1:A:142:LEU:N	1:A:142:LEU:CA	1:A:142:LEU:C	1:A:143:GLY:N	1	0.14	0.14
(1,98)	1:A:78:TYR:N	1:A:78:TYR:CA	1:A:78:TYR:C	1:A:79:GLU:N	1	0.12	0.12
(1,104)	1:A:81:ASP:N	1:A:81:ASP:CA	1:A:81:ASP:C	1:A:82:ILE:N	1	0.09	0.09
(1,74)	1:A:57:GLU:N	1:A:57:GLU:CA	1:A:57:GLU:C	1:A:58:SER:N	1	0.06	0.06
(1,327)	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	20	110.28	134.86
(1,349)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	20	54.16	134.47
(1,221)	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	20	118.21	134.41
(1,363)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	20	51.48	133.9
(1,294)	1:A:112:GLY:C	1:A:113:GLY:N	1:A:113:GLY:CA	1:A:113:GLY:C	20	58.67	133.23
(1,293)	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	1:A:112:GLY:CA	1:A:112:GLY:C	20	62.1	132.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models	Mean (°)	Max (°)
(1,282)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	19	85.19	129.99
(1,361)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	20	87.94	129.85
(1,316)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	20	110.0	129.77
(1,279)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	20	78.67	129.57
(1,313)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	20	121.33	128.09
(1,208)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	20	118.02	127.9
(1,344)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	19	102.53	127.71
(1,347)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	20	79.44	127.69
(1,288)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	20	91.38	127.38
(1,202)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	20	102.47	127.25
(1,350)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	20	80.29	126.95
(1,291)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	20	79.51	126.85
(1,346)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	20	60.56	126.8
(1,270)	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	20	50.0	126.74
(1,278)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	20	49.53	125.7
(1,364)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	20	77.52	125.6
(1,353)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	20	64.44	125.5
(1,268)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	20	114.78	125.0
(1,309)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	20	105.45	124.86
(1,174)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	20	92.0	124.75
(1,262)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	20	111.37	123.08
(1,244)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	20	114.53	122.39
(1,186)	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	20	65.4	122.12
(1,205)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	20	78.79	121.44
(1,281)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	20	42.58	121.15
(1,265)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	20	93.6	121.12
(1,162)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	20	69.31	120.94
(1,182)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	20	93.8	120.63
(1,325)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	20	94.47	120.03
(1,296)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	20	60.33	119.61
(1,177)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	20	87.89	118.87
(1,285)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	20	67.04	118.68
(1,308)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	20	33.83	118.39
(1,290)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	20	43.68	118.3
(1,276)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	20	79.55	118.06
(1,331)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	20	87.77	117.47
(1,237)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	20	102.89	116.64
(1,358)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	20	64.32	116.53
(1,360)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	20	46.54	115.41
(1,183)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	20	46.2	115.37
(1,297)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	20	74.17	114.97
(1,201)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	20	37.17	113.09
(1,218)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	20	99.22	111.11
(1,352)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	20	36.61	110.95
(1,176)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	20	52.11	109.21
(1,194)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	20	87.45	108.4
(1,275)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	20	60.45	108.02
(1,179)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	20	72.85	107.89
(1,216)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	20	96.28	107.63
(1,284)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	20	61.96	104.38
(1,343)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	20	36.7	101.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models	Mean (°)	Max (°)
(1,204)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	20	61.21	98.33
(1,225)	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	1:A:75:LEU:CA	1:A:75:LEU:C	20	38.65	97.03
(1,330)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	20	52.23	96.81
(1,198)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	20	72.06	96.52
(1,303)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	20	77.8	96.29
(1,180)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	20	56.15	95.78
(1,254)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	20	80.48	95.46
(1,302)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	20	62.2	93.47
(1,199)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	20	67.94	93.04
(1,357)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	20	42.68	92.82
(1,173)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	20	48.0	92.04
(1,272)	1:A:104:GLY:C	1:A:105:LYS:N	1:A:105:LYS:CA	1:A:105:LYS:C	20	55.28	88.85
(1,256)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	20	66.13	85.55
(1,328)	1:A:140:LEU:C	1:A:141:GLY:N	1:A:141:GLY:CA	1:A:141:GLY:C	20	66.35	84.29
(1,324)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	20	45.53	83.01
(1,340)	1:A:158:VAL:C	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	20	45.04	82.2
(1,287)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	20	37.62	81.54
(1,305)	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	20	46.18	79.97
(1,247)	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	20	46.4	78.89
(1,264)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	20	46.4	78.38
(1,161)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	20	32.19	75.92
(1,193)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	20	52.54	75.38
(1,253)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	20	59.52	74.62
(1,228)	1:A:75:LEU:C	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	20	47.38	67.38
(1,257)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	20	51.87	66.68
(1,318)	1:A:127:ARG:C	1:A:128:ASN:N	1:A:128:ASN:CA	1:A:128:ASN:C	20	49.83	65.11
(1,355)	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	1:A:164:LYS:CA	1:A:164:LYS:C	20	38.67	63.48
(1,261)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	20	28.42	58.95
(1,337)	1:A:157:GLY:C	1:A:158:VAL:N	1:A:158:VAL:CA	1:A:158:VAL:C	20	42.86	58.2
(1,250)	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	20	30.71	56.64
(1,93)	1:A:72:ILE:C	1:A:73:HIS:N	1:A:73:HIS:CA	1:A:73:HIS:C	20	42.18	55.28
(1,219)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	20	40.78	55.16
(1,335)	1:A:156:LYS:C	1:A:157:GLY:N	1:A:157:GLY:CA	1:A:157:GLY:C	20	39.78	54.58
(1,215)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	20	43.72	54.42
(1,236)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	20	37.11	48.52
(1,315)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	20	29.97	48.39
(1,243)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	20	25.47	36.41
(1,109)	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	1:A:84:PHE:CA	1:A:84:PHE:C	20	23.62	34.89
(1,213)	1:A:61:GLU:C	1:A:62:GLY:N	1:A:62:GLY:CA	1:A:62:GLY:C	20	27.86	33.99
(1,321)	1:A:130:PRO:C	1:A:131:LYS:N	1:A:131:LYS:CA	1:A:131:LYS:C	20	28.79	32.21
(1,207)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	20	21.98	31.12
(1,312)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	20	17.86	30.32
(1,223)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	20	14.66	26.92
(1,267)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	20	17.18	26.17
(1,239)	1:A:91:PRO:C	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	20	16.99	24.57
(1,222)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	20	15.34	23.3
(1,322)	1:A:130:PRO:C	1:A:131:LYS:N	1:A:131:LYS:CA	1:A:131:LYS:C	9	3.6	7.58
(1,67)	1:A:53:TRP:C	1:A:54:PHE:N	1:A:54:PHE:CA	1:A:54:PHE:C	6	0.95	1.83
(1,151)	1:A:149:GLU:C	1:A:150:ILE:N	1:A:150:ILE:CA	1:A:150:ILE:C	8	0.54	1.79
(1,129)	1:A:135:ALA:C	1:A:136:HIS:N	1:A:136:HIS:CA	1:A:136:HIS:C	14	0.55	1.7
(1,105)	1:A:81:ASP:C	1:A:82:ILE:N	1:A:82:ILE:CA	1:A:82:ILE:C	3	0.87	1.69

Continued on next page...

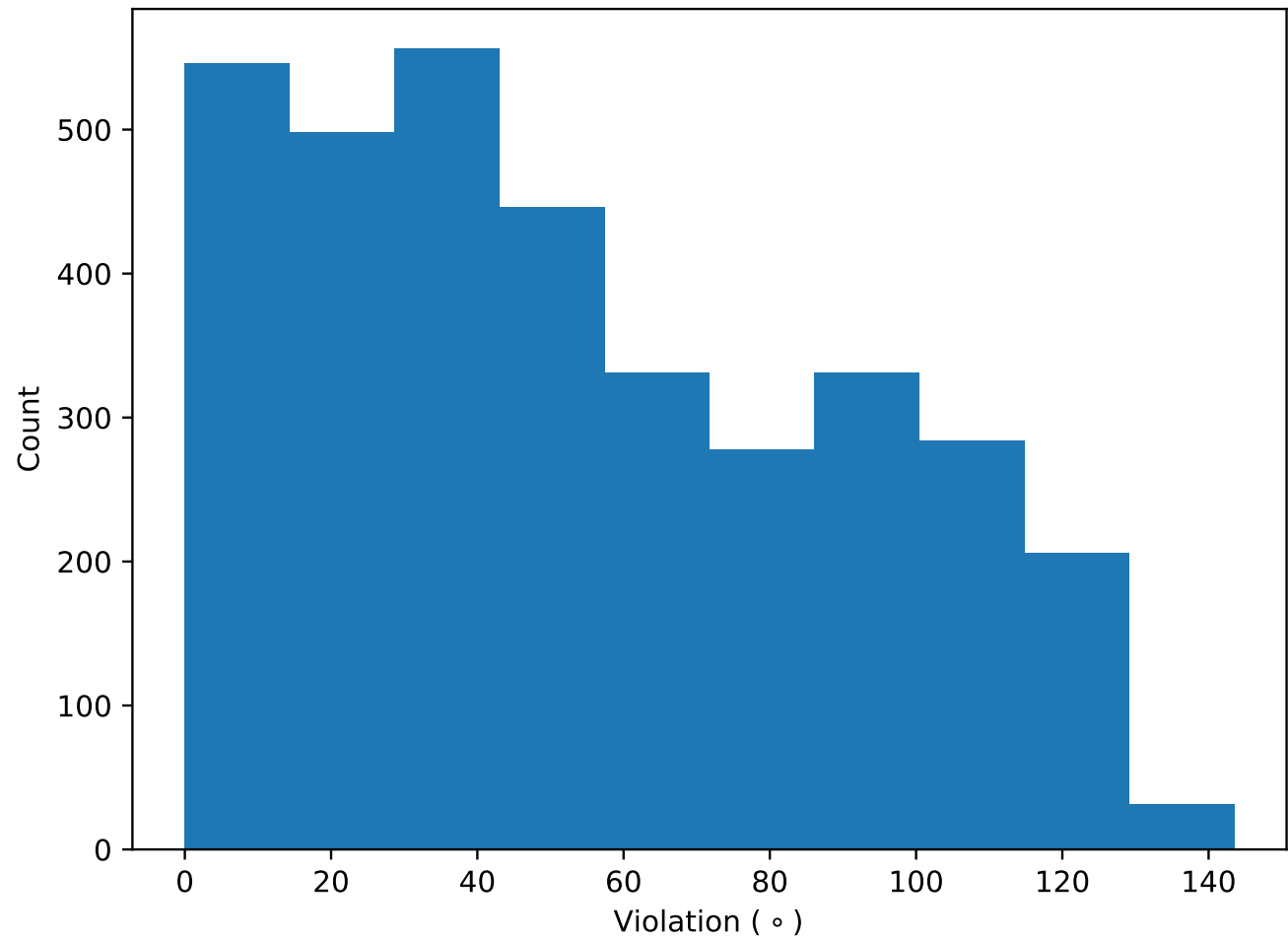
Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models	Mean (°)	Max (°)
(1,89)	1:A:70:TRP:C	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	11	0.9	1.63
(1,1)	1:A:3:ASP:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	1	1.34	1.34
(1,17)	1:A:24:ASP:C	1:A:25:ARG:N	1:A:25:ARG:CA	1:A:25:ARG:C	2	0.9	1.02
(1,21)	1:A:26:GLU:C	1:A:27:LEU:N	1:A:27:LEU:CA	1:A:27:LEU:C	2	0.61	0.94
(1,113)	1:A:120:HIS:C	1:A:121:PHE:N	1:A:121:PHE:CA	1:A:121:PHE:C	9	0.47	0.94
(1,83)	1:A:67:GLY:C	1:A:68:LYS:N	1:A:68:LYS:CA	1:A:68:LYS:C	2	0.79	0.82
(1,231)	1:A:85:ASP:C	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	3	0.52	0.81
(1,71)	1:A:55:ARG:C	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	1	0.76	0.76
(1,81)	1:A:64:ARG:C	1:A:65:TRP:N	1:A:65:TRP:CA	1:A:65:TRP:C	1	0.67	0.67
(1,85)	1:A:68:LYS:C	1:A:69:CYS:N	1:A:69:CYS:CA	1:A:69:CYS:C	4	0.56	0.66
(1,39)	1:A:35:GLU:C	1:A:36:TYR:N	1:A:36:TYR:CA	1:A:36:TYR:C	1	0.58	0.58
(1,37)	1:A:34:GLU:C	1:A:35:GLU:N	1:A:35:GLU:CA	1:A:35:GLU:C	2	0.49	0.57
(1,153)	1:A:151:PRO:C	1:A:152:ASP:N	1:A:152:ASP:CA	1:A:152:ASP:C	3	0.3	0.5
(1,29)	1:A:30:GLN:C	1:A:31:ARG:N	1:A:31:ARG:CA	1:A:31:ARG:C	1	0.48	0.48
(1,226)	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	1:A:75:LEU:CA	1:A:75:LEU:C	2	0.38	0.4
(1,53)	1:A:42:TYR:C	1:A:43:VAL:N	1:A:43:VAL:CA	1:A:43:VAL:C	1	0.39	0.39
(1,31)	1:A:31:ARG:C	1:A:32:LEU:N	1:A:32:LEU:CA	1:A:32:LEU:C	2	0.3	0.32
(1,77)	1:A:58:SER:C	1:A:59:ASN:N	1:A:59:ASN:CA	1:A:59:ASN:C	1	0.29	0.29
(1,166)	1:A:12:GLU:C	1:A:13:ILE:N	1:A:13:ILE:CA	1:A:13:ILE:C	3	0.2	0.27
(1,159)	1:A:154:ILE:C	1:A:155:GLN:N	1:A:155:GLN:CA	1:A:155:GLN:C	1	0.16	0.16
(1,35)	1:A:33:LYS:C	1:A:34:GLU:N	1:A:34:GLU:CA	1:A:34:GLU:C	1	0.06	0.06

9.8 All violated dihedral angleeee restraints

9.8.1 Histogram : Distribution of violations

The following histogram shows the distribution of violations in the ensemble.



9.8.2 Table: All violated dihedral angle restraints

The following table lists the violations in the ensemble sorted by violation value

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,224)	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	19	143.49
(1,224)	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	2	143.4
(1,224)	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	4	142.69
(1,224)	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	16	142.07
(1,224)	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	8	140.55
(1,224)	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	10	140.25
(1,354)	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	11	139.01
(1,224)	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	17	137.21
(1,289)	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	14	136.34
(1,359)	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	7	135.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,283)	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	15	135.5
(1,224)	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	7	135.13
(1,327)	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	13	134.86
(1,349)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	17	134.47
(1,221)	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	15	134.41
(1,354)	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	8	134.05
(1,363)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	7	133.9
(1,327)	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	1	133.31
(1,294)	1:A:112:GLY:C	1:A:113:GLY:N	1:A:113:GLY:CA	1:A:113:GLY:C	10	133.23
(1,221)	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	12	132.8
(1,280)	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	9	132.72
(1,293)	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	1:A:112:GLY:CA	1:A:112:GLY:C	3	132.28
(1,224)	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	15	130.93
(1,221)	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	17	130.68
(1,221)	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	19	130.41
(1,224)	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	5	130.21
(1,282)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	8	129.99
(1,361)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	11	129.85
(1,316)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	10	129.77
(1,279)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	19	129.57
(1,221)	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	6	129.27
(1,345)	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1	128.84
(1,359)	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	19	128.73
(1,221)	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	3	128.71
(1,313)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	7	128.09
(1,208)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	7	127.9
(1,313)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	3	127.72
(1,344)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	3	127.71
(1,347)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	13	127.69
(1,221)	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	11	127.66
(1,208)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	4	127.44
(1,288)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	9	127.38
(1,221)	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	16	127.34
(1,202)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	10	127.25
(1,221)	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	20	127.17
(1,354)	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	7	126.96
(1,350)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	12	126.95
(1,224)	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	11	126.95
(1,313)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	16	126.87
(1,291)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	20	126.85
(1,346)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	12	126.8
(1,270)	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	5	126.74
(1,313)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	10	126.59
(1,224)	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	6	126.49
(1,293)	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	1:A:112:GLY:CA	1:A:112:GLY:C	18	126.45
(1,202)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	12	126.44
(1,348)	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1	126.41
(1,313)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	4	126.09
(1,344)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	15	125.84
(1,313)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	19	125.84
(1,313)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	13	125.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,278)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	13	125.7
(1,364)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	9	125.6
(1,353)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	10	125.5
(1,344)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	7	125.28
(1,291)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	6	125.13
(1,344)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	8	125.12
(1,291)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	15	125.12
(1,294)	1:A:112:GLY:C	1:A:113:GLY:N	1:A:113:GLY:CA	1:A:113:GLY:C	12	125.03
(1,268)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	1	125.0
(1,327)	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	2	124.94
(1,268)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	12	124.89
(1,221)	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	18	124.89
(1,353)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	19	124.87
(1,291)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	8	124.87
(1,309)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	2	124.86
(1,174)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	17	124.75
(1,353)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	4	124.68
(1,221)	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	1	124.54
(1,353)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	20	124.39
(1,327)	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	7	124.35
(1,208)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1	124.34
(1,309)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	10	123.9
(1,268)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	20	123.89
(1,268)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	16	123.75
(1,283)	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1	123.7
(1,313)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	18	123.49
(1,288)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	1	123.47
(1,291)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	3	123.45
(1,224)	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	12	123.36
(1,221)	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	2	123.33
(1,268)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	18	123.19
(1,268)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	9	123.16
(1,262)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	9	123.08
(1,208)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	17	123.0
(1,208)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	14	122.94
(1,262)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	19	122.88
(1,292)	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	4	122.82
(1,309)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	13	122.81
(1,316)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	8	122.75
(1,268)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	2	122.74
(1,202)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	11	122.7
(1,268)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	10	122.54
(1,313)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	14	122.46
(1,244)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	11	122.39
(1,362)	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	4	122.37
(1,364)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	16	122.14
(1,186)	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	16	122.12
(1,313)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	15	122.07
(1,279)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	10	122.03
(1,268)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	5	121.99
(1,327)	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	10	121.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,221)	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	13	121.83
(1,350)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	3	121.81
(1,283)	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	11	121.71
(1,244)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	13	121.7
(1,208)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	3	121.69
(1,205)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	20	121.44
(1,313)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	2	121.43
(1,262)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	5	121.42
(1,262)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	11	121.39
(1,309)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	4	121.35
(1,281)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	9	121.15
(1,265)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	8	121.12
(1,327)	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	17	121.01
(1,344)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	20	120.96
(1,162)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	19	120.94
(1,292)	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	5	120.86
(1,268)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	15	120.85
(1,283)	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	2	120.81
(1,349)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	7	120.72
(1,208)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	8	120.69
(1,291)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	2	120.63
(1,182)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	19	120.63
(1,313)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	12	120.5
(1,268)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	4	120.4
(1,244)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	17	120.32
(1,344)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	11	120.23
(1,202)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	4	120.23
(1,344)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	14	120.21
(1,309)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	5	120.17
(1,309)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	7	120.1
(1,221)	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	10	120.1
(1,325)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	18	120.03
(1,309)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	19	120.0
(1,162)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	11	119.99
(1,327)	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	8	119.9
(1,282)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	13	119.9
(1,262)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	15	119.89
(1,244)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	7	119.88
(1,268)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	14	119.76
(1,344)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	4	119.68
(1,296)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	9	119.61
(1,313)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	5	119.58
(1,313)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	20	119.51
(1,244)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	3	119.44
(1,208)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	9	119.35
(1,365)	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	1:A:168:LEU:N	15	119.2
(1,292)	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	16	119.11
(1,224)	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	3	119.07
(1,177)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	16	118.87
(1,208)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	5	118.73
(1,285)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	12	118.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,221)	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	4	118.68
(1,268)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	6	118.66
(1,313)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	8	118.52
(1,350)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	9	118.48
(1,208)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	16	118.47
(1,316)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	19	118.46
(1,291)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	5	118.4
(1,308)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	14	118.39
(1,290)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	1	118.3
(1,262)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	14	118.27
(1,354)	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	14	118.22
(1,288)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	3	118.22
(1,187)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	6	118.22
(1,327)	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	15	118.15
(1,276)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	12	118.06
(1,279)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	8	118.01
(1,205)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	4	117.96
(1,316)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	13	117.94
(1,313)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1	117.94
(1,208)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	6	117.81
(1,221)	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	14	117.75
(1,347)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	2	117.56
(1,187)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	16	117.54
(1,202)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	7	117.5
(1,331)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	17	117.47
(1,182)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	2	117.42
(1,292)	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	12	117.34
(1,244)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	14	117.24
(1,262)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	17	117.21
(1,309)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	18	117.12
(1,162)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	14	117.12
(1,187)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	3	117.11
(1,187)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	1	117.03
(1,290)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	19	116.93
(1,224)	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	13	116.93
(1,221)	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	8	116.93
(1,268)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	19	116.82
(1,177)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	15	116.68
(1,237)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	17	116.64
(1,313)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	9	116.59
(1,358)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	11	116.53
(1,351)	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	11	116.49
(1,361)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	12	116.42
(1,262)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	16	116.42
(1,316)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	16	116.39
(1,313)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	17	116.33
(1,268)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	11	116.33
(1,268)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	7	116.32
(1,358)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	20	116.28
(1,182)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	8	116.2
(1,244)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	18	116.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,208)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	12	116.17
(1,244)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	9	116.0
(1,268)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	3	115.86
(1,208)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	2	115.86
(1,237)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	1	115.84
(1,202)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	14	115.84
(1,202)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	6	115.73
(1,268)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	13	115.71
(1,187)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	19	115.67
(1,282)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	19	115.65
(1,350)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	1	115.55
(1,244)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	19	115.48
(1,278)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	12	115.47
(1,360)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	20	115.41
(1,183)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	6	115.37
(1,350)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	16	115.24
(1,364)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	11	115.17
(1,187)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	11	115.16
(1,309)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	16	115.05
(1,297)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	4	114.97
(1,288)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	11	114.96
(1,347)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	3	114.95
(1,174)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	7	114.82
(1,244)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	12	114.76
(1,208)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	18	114.76
(1,345)	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	17	114.74
(1,187)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	7	114.69
(1,282)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	20	114.66
(1,327)	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	16	114.63
(1,316)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	9	114.57
(1,244)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	1	114.56
(1,288)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	19	114.5
(1,327)	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	6	114.43
(1,208)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	13	114.37
(1,244)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	16	114.29
(1,244)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	5	114.27
(1,362)	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	19	114.25
(1,182)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	18	114.07
(1,358)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	16	114.0
(1,203)	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	19	113.99
(1,309)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	8	113.9
(1,344)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	2	113.85
(1,186)	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	5	113.85
(1,268)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	17	113.83
(1,353)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	3	113.82
(1,276)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	10	113.81
(1,203)	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	5	113.81
(1,364)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	5	113.72
(1,187)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	10	113.56
(1,174)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	6	113.55
(1,282)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	12	113.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,244)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	6	113.42
(1,316)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	3	113.41
(1,309)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	12	113.41
(1,316)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	12	113.25
(1,262)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	3	113.25
(1,262)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	12	113.21
(1,358)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	2	113.18
(1,298)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	7	113.1
(1,201)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	9	113.09
(1,162)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	20	113.08
(1,208)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	10	113.07
(1,309)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	20	113.02
(1,309)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	9	112.86
(1,361)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	7	112.72
(1,309)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1	112.63
(1,200)	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	3	112.55
(1,187)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	13	112.49
(1,325)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	12	112.47
(1,200)	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	8	112.44
(1,195)	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	1:A:25:ARG:N	1	112.41
(1,224)	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	9	112.26
(1,200)	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1	112.22
(1,237)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	13	112.21
(1,187)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	14	112.19
(1,187)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	17	112.19
(1,286)	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	14	112.17
(1,182)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	20	112.13
(1,361)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	10	112.09
(1,208)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	20	112.09
(1,202)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	13	112.09
(1,187)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	4	112.05
(1,288)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	10	111.85
(1,327)	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	3	111.72
(1,187)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	5	111.71
(1,178)	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	5	111.65
(1,244)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	4	111.62
(1,208)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	15	111.62
(1,187)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	2	111.61
(1,316)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	14	111.6
(1,203)	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	15	111.6
(1,285)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	3	111.55
(1,290)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	4	111.49
(1,200)	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	18	111.48
(1,313)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	11	111.47
(1,349)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	19	111.38
(1,237)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	7	111.37
(1,262)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	6	111.32
(1,291)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	10	111.29
(1,182)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	10	111.28
(1,195)	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	1:A:25:ARG:N	10	111.23
(1,244)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	20	111.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,187)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	9	111.16
(1,203)	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	17	111.15
(1,208)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	11	111.13
(1,362)	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	2	111.11
(1,218)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	19	111.11
(1,200)	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	6	111.11
(1,316)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	15	111.05
(1,331)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	10	111.01
(1,262)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	8	110.97
(1,352)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	6	110.95
(1,348)	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	8	110.95
(1,280)	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	4	110.92
(1,279)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	20	110.9
(1,325)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	11	110.88
(1,195)	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	1:A:25:ARG:N	13	110.73
(1,187)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	12	110.5
(1,364)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	19	110.19
(1,262)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	20	110.17
(1,291)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	11	110.1
(1,218)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	4	110.0
(1,174)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	8	109.97
(1,362)	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1	109.96
(1,218)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	15	109.95
(1,276)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	9	109.9
(1,195)	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	1:A:25:ARG:N	14	109.89
(1,177)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	13	109.83
(1,316)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	2	109.82
(1,313)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	6	109.68
(1,244)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	8	109.51
(1,347)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	6	109.48
(1,205)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	13	109.47
(1,365)	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	1:A:168:LEU:N	13	109.44
(1,177)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	14	109.32
(1,237)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	20	109.31
(1,292)	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	7	109.26
(1,176)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	12	109.21
(1,361)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	19	109.15
(1,353)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	17	109.14
(1,218)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	6	109.12
(1,359)	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	14	109.06
(1,288)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	5	109.02
(1,279)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	5	108.91
(1,208)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	19	108.88
(1,162)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	7	108.88
(1,359)	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	13	108.8
(1,182)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	17	108.75
(1,345)	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	19	108.66
(1,293)	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	1:A:112:GLY:CA	1:A:112:GLY:C	13	108.63
(1,195)	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	1:A:25:ARG:N	2	108.58
(1,202)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	20	108.51
(1,194)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	10	108.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,316)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	17	108.37
(1,346)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	9	108.35
(1,262)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	2	108.35
(1,218)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	13	108.34
(1,297)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	8	108.27
(1,181)	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	2	108.23
(1,275)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	2	108.02
(1,325)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	16	107.99
(1,359)	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	5	107.97
(1,179)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	20	107.89
(1,350)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	18	107.79
(1,331)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	9	107.79
(1,216)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	6	107.63
(1,269)	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	12	107.62
(1,290)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	9	107.57
(1,195)	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	1:A:25:ARG:N	19	107.48
(1,244)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	15	107.41
(1,265)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	11	107.38
(1,244)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	10	107.38
(1,218)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	7	107.36
(1,218)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	3	107.35
(1,283)	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	17	107.33
(1,279)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	9	107.3
(1,276)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	11	107.28
(1,346)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	1	107.24
(1,344)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	13	107.24
(1,195)	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	1:A:25:ARG:N	8	107.13
(1,202)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	1	107.11
(1,361)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	2	106.94
(1,353)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	12	106.75
(1,186)	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	11	106.68
(1,327)	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	12	106.67
(1,347)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	20	106.46
(1,316)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	1	106.44
(1,187)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	15	106.36
(1,187)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	20	106.31
(1,288)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	13	106.23
(1,174)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	14	106.15
(1,262)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	1	106.13
(1,182)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	4	106.07
(1,316)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	7	105.97
(1,181)	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	11	105.94
(1,325)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	5	105.92
(1,344)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	16	105.83
(1,262)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	18	105.64
(1,283)	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	18	105.61
(1,181)	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	13	105.41
(1,354)	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	9	105.33
(1,200)	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	20	105.25
(1,331)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	12	105.16
(1,275)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	1	105.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,316)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	5	105.07
(1,325)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	17	105.05
(1,237)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	9	105.05
(1,179)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	10	105.02
(1,316)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	20	104.97
(1,203)	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	7	104.86
(1,194)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	4	104.84
(1,182)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	9	104.76
(1,365)	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	1:A:168:LEU:N	11	104.73
(1,162)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	15	104.58
(1,194)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	12	104.52
(1,331)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	8	104.51
(1,365)	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	1:A:168:LEU:N	10	104.44
(1,364)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	10	104.44
(1,284)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	11	104.38
(1,216)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	1	104.36
(1,344)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	1	104.35
(1,276)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	20	104.35
(1,364)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	13	104.34
(1,327)	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	5	104.32
(1,269)	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	13	104.32
(1,325)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	3	104.26
(1,249)	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	19	104.26
(1,316)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	6	104.21
(1,187)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	18	104.19
(1,237)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	19	104.09
(1,283)	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	5	103.97
(1,361)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	4	103.95
(1,262)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	10	103.91
(1,362)	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	16	103.88
(1,364)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	4	103.86
(1,347)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	17	103.83
(1,291)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	17	103.77
(1,244)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	2	103.59
(1,237)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	15	103.59
(1,203)	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	11	103.53
(1,195)	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	1:A:25:ARG:N	7	103.46
(1,351)	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	8	103.45
(1,183)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	16	103.41
(1,282)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	11	103.33
(1,202)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	15	103.33
(1,331)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	19	103.32
(1,293)	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	1:A:112:GLY:CA	1:A:112:GLY:C	6	103.31
(1,325)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	13	103.2
(1,203)	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	8	103.19
(1,179)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	11	103.16
(1,278)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	7	103.0
(1,174)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	2	102.93
(1,282)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	15	102.82
(1,237)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	4	102.77
(1,265)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	9	102.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,265)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	6	102.64
(1,203)	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	4	102.5
(1,316)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	11	102.36
(1,262)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	7	102.35
(1,200)	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	4	102.3
(1,296)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	18	102.1
(1,279)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	1	102.06
(1,177)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	11	102.03
(1,182)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	15	101.97
(1,365)	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	1:A:168:LEU:N	19	101.96
(1,202)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	3	101.94
(1,174)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	18	101.93
(1,282)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	4	101.89
(1,237)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	2	101.81
(1,345)	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	5	101.79
(1,205)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	17	101.78
(1,216)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	17	101.76
(1,176)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	6	101.74
(1,293)	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	1:A:112:GLY:CA	1:A:112:GLY:C	15	101.7
(1,358)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	3	101.65
(1,344)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	12	101.64
(1,200)	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	13	101.62
(1,327)	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	14	101.57
(1,194)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	17	101.57
(1,265)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	4	101.53
(1,265)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	18	101.5
(1,283)	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	16	101.48
(1,218)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	8	101.45
(1,195)	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	1:A:25:ARG:N	15	101.45
(1,304)	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	1	101.3
(1,216)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	2	101.27
(1,354)	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	13	101.25
(1,331)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	4	101.2
(1,343)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	5	101.15
(1,347)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	11	101.13
(1,327)	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	20	101.1
(1,292)	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	14	101.02
(1,218)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	1	101.0
(1,327)	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	9	100.98
(1,195)	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	1:A:25:ARG:N	4	100.9
(1,195)	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	1:A:25:ARG:N	17	100.87
(1,181)	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	9	100.8
(1,237)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	11	100.79
(1,179)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	18	100.72
(1,194)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	16	100.69
(1,279)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	16	100.68
(1,177)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	3	100.68
(1,194)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	8	100.67
(1,181)	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	4	100.66
(1,309)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	11	100.64
(1,195)	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	1:A:25:ARG:N	18	100.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,262)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	13	100.47
(1,331)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	11	100.43
(1,203)	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	13	100.3
(1,279)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	14	100.18
(1,237)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	18	100.17
(1,195)	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	1:A:25:ARG:N	16	100.1
(1,218)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	14	100.08
(1,182)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	13	100.04
(1,344)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	6	100.02
(1,347)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	19	100.01
(1,327)	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	11	99.97
(1,177)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	2	99.97
(1,364)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	20	99.87
(1,309)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	6	99.86
(1,237)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	5	99.81
(1,203)	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	14	99.66
(1,288)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	15	99.64
(1,279)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	15	99.64
(1,187)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	8	99.55
(1,184)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	16	99.49
(1,178)	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	3	99.46
(1,359)	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	20	99.45
(1,289)	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	7	99.45
(1,162)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	2	99.43
(1,280)	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	17	99.42
(1,297)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	14	99.32
(1,331)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	3	99.29
(1,237)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	8	99.29
(1,216)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	4	99.29
(1,348)	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	2	99.22
(1,280)	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	2	99.22
(1,216)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	16	99.17
(1,202)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	17	99.1
(1,361)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	5	99.07
(1,265)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	17	99.01
(1,162)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	9	98.98
(1,344)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	9	98.91
(1,182)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	12	98.91
(1,291)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	7	98.9
(1,216)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	8	98.89
(1,283)	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	12	98.83
(1,276)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	8	98.79
(1,350)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	8	98.78
(1,202)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	16	98.73
(1,297)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	16	98.69
(1,174)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	9	98.68
(1,345)	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	13	98.67
(1,216)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	13	98.67
(1,178)	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	12	98.67
(1,288)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	6	98.63
(1,269)	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	16	98.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,195)	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	1:A:25:ARG:N	3	98.59
(1,237)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	12	98.57
(1,203)	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	16	98.55
(1,363)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	6	98.53
(1,203)	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	2	98.41
(1,218)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	20	98.39
(1,282)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	6	98.34
(1,204)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	10	98.33
(1,284)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	10	98.29
(1,265)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	19	98.28
(1,265)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	1	98.24
(1,352)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	1	98.06
(1,282)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	16	98.04
(1,297)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	19	98.01
(1,200)	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	5	97.96
(1,178)	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	15	97.83
(1,174)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	19	97.8
(1,350)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	13	97.7
(1,195)	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	1:A:25:ARG:N	11	97.66
(1,346)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	16	97.57
(1,285)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	20	97.5
(1,349)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	5	97.45
(1,177)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	1	97.45
(1,362)	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	15	97.41
(1,177)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	18	97.41
(1,309)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	3	97.38
(1,174)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	20	97.19
(1,283)	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	14	97.13
(1,276)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	18	97.12
(1,200)	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	19	97.06
(1,225)	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	1:A:75:LEU:CA	1:A:75:LEU:C	1	97.03
(1,237)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	3	96.98
(1,280)	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	6	96.95
(1,364)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	12	96.94
(1,308)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	17	96.85
(1,181)	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	14	96.82
(1,330)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	18	96.81
(1,327)	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	18	96.66
(1,265)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	10	96.58
(1,350)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	20	96.56
(1,177)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	4	96.56
(1,216)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	7	96.54
(1,198)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	8	96.52
(1,237)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	10	96.48
(1,296)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	7	96.44
(1,286)	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	13	96.31
(1,303)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	11	96.29
(1,205)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	6	96.21
(1,285)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	19	96.17
(1,237)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	16	96.17
(1,162)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	8	96.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,177)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	5	96.14
(1,181)	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1	96.13
(1,195)	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	1:A:25:ARG:N	20	96.09
(1,177)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	10	96.08
(1,218)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	10	96.01
(1,358)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	17	95.83
(1,353)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	15	95.83
(1,348)	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	15	95.81
(1,180)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	3	95.78
(1,216)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	20	95.72
(1,292)	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	17	95.69
(1,282)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	1	95.69
(1,194)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	13	95.6
(1,292)	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	20	95.53
(1,363)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	8	95.5
(1,347)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	14	95.5
(1,346)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	15	95.49
(1,254)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	6	95.46
(1,182)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	5	95.45
(1,216)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	18	95.44
(1,269)	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	14	95.42
(1,350)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	10	95.39
(1,331)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	13	95.37
(1,269)	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	3	95.36
(1,237)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	6	95.31
(1,162)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	5	95.22
(1,364)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	15	95.09
(1,309)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	15	95.09
(1,265)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	2	95.08
(1,216)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	5	95.03
(1,325)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	8	95.01
(1,304)	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	5	94.93
(1,181)	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	12	94.92
(1,286)	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	9	94.9
(1,218)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	17	94.82
(1,288)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	12	94.8
(1,254)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	9	94.76
(1,310)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	18	94.74
(1,203)	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	18	94.67
(1,249)	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	17	94.65
(1,216)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	11	94.62
(1,216)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	12	94.55
(1,249)	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	8	94.52
(1,325)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	7	94.49
(1,365)	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	1:A:168:LEU:N	9	94.46
(1,181)	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	3	94.46
(1,163)	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	1:A:4:GLU:N	13	94.46
(1,195)	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	1:A:25:ARG:N	6	94.45
(1,269)	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	2	94.43
(1,361)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	16	94.33
(1,284)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	5	94.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,216)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	15	94.26
(1,331)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	16	94.25
(1,288)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	2	94.24
(1,284)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	2	94.24
(1,292)	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	15	94.22
(1,325)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	19	94.18
(1,203)	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	12	94.13
(1,265)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	14	94.04
(1,216)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	10	94.03
(1,283)	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	7	93.9
(1,296)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	11	93.89
(1,354)	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	12	93.88
(1,249)	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	5	93.83
(1,310)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	6	93.81
(1,195)	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	1:A:25:ARG:N	5	93.72
(1,354)	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	5	93.61
(1,174)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	16	93.59
(1,203)	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	9	93.57
(1,285)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	4	93.55
(1,310)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	15	93.48
(1,302)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	13	93.47
(1,249)	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	7	93.44
(1,325)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	14	93.36
(1,194)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	1	93.34
(1,180)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	8	93.29
(1,194)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	5	93.26
(1,297)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	2	93.2
(1,200)	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	15	93.17
(1,361)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	9	93.16
(1,325)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	1	93.16
(1,202)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	5	93.15
(1,292)	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	6	93.14
(1,288)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	17	93.14
(1,303)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	16	93.06
(1,199)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	12	93.04
(1,218)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	12	92.87
(1,359)	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	8	92.86
(1,283)	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	8	92.84
(1,357)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	1	92.82
(1,275)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	14	92.81
(1,195)	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	1:A:25:ARG:N	9	92.81
(1,288)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	20	92.79
(1,254)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	1	92.76
(1,216)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	19	92.74
(1,292)	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	2	92.66
(1,255)	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	6	92.62
(1,194)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	14	92.56
(1,269)	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	9	92.55
(1,202)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	19	92.44
(1,269)	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	10	92.41
(1,310)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	3	92.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,254)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	18	92.38
(1,363)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	17	92.35
(1,218)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	11	92.25
(1,345)	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	4	92.18
(1,357)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	9	92.15
(1,181)	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	7	92.11
(1,316)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	4	92.09
(1,283)	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	4	92.05
(1,283)	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	10	92.04
(1,225)	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	1:A:75:LEU:CA	1:A:75:LEU:C	14	92.04
(1,173)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	12	92.04
(1,363)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	14	91.83
(1,327)	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	4	91.78
(1,310)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	17	91.75
(1,354)	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	2	91.66
(1,316)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	18	91.61
(1,249)	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	14	91.58
(1,362)	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	6	91.57
(1,194)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	11	91.57
(1,310)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	13	91.52
(1,200)	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	16	91.52
(1,218)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	16	91.5
(1,237)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	14	91.48
(1,218)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	2	91.46
(1,297)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	20	91.44
(1,292)	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	3	91.42
(1,292)	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	11	91.4
(1,276)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	6	91.4
(1,177)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	19	91.36
(1,310)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	8	91.31
(1,289)	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	4	91.3
(1,202)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	2	91.3
(1,357)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	10	91.22
(1,182)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	11	91.08
(1,218)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	18	91.04
(1,352)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	16	91.02
(1,349)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	4	90.96
(1,303)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	20	90.89
(1,275)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	16	90.88
(1,291)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	16	90.81
(1,285)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	14	90.72
(1,293)	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	1:A:112:GLY:CA	1:A:112:GLY:C	5	90.71
(1,310)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	11	90.52
(1,249)	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	18	90.46
(1,194)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	7	90.38
(1,325)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	6	90.35
(1,179)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	2	90.24
(1,174)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	5	90.24
(1,348)	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	14	90.16
(1,350)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	15	90.12
(1,353)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	5	90.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,330)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	7	90.08
(1,284)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	1	90.06
(1,350)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	2	90.05
(1,276)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	7	90.02
(1,289)	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	13	89.94
(1,282)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	18	89.93
(1,347)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	5	89.92
(1,345)	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	8	89.9
(1,216)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	9	89.8
(1,179)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	15	89.76
(1,304)	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	6	89.68
(1,198)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	3	89.67
(1,254)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	12	89.62
(1,358)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	7	89.61
(1,279)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	17	89.56
(1,330)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	5	89.5
(1,298)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	9	89.47
(1,310)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	14	89.42
(1,325)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	9	89.35
(1,195)	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	1:A:25:ARG:N	12	89.35
(1,359)	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	3	89.29
(1,331)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	1	89.26
(1,199)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	15	89.24
(1,178)	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	19	89.24
(1,358)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	14	89.16
(1,280)	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	18	89.08
(1,288)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	8	88.9
(1,272)	1:A:104:GLY:C	1:A:105:LYS:N	1:A:105:LYS:CA	1:A:105:LYS:C	20	88.85
(1,282)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	2	88.81
(1,331)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	15	88.74
(1,286)	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	7	88.55
(1,310)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	16	88.51
(1,297)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1	88.49
(1,304)	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	11	88.46
(1,198)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	14	88.44
(1,255)	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	7	88.34
(1,303)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	9	88.17
(1,177)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	9	88.17
(1,346)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	18	88.16
(1,163)	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	1:A:4:GLU:N	3	88.16
(1,345)	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	10	88.14
(1,265)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	15	88.13
(1,254)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	11	88.02
(1,285)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	16	87.99
(1,199)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	10	87.83
(1,365)	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	1:A:168:LEU:N	17	87.72
(1,265)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	12	87.7
(1,225)	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	1:A:75:LEU:CA	1:A:75:LEU:C	18	87.64
(1,265)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	16	87.58
(1,179)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	7	87.56
(1,303)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	8	87.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,359)	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	15	87.4
(1,255)	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1	87.36
(1,265)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	20	87.34
(1,205)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	15	87.15
(1,179)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	6	87.1
(1,310)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	9	87.09
(1,179)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	9	87.04
(1,303)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	3	87.03
(1,347)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	10	86.97
(1,310)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1	86.97
(1,178)	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	13	86.95
(1,296)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	17	86.89
(1,174)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	13	86.78
(1,265)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	3	86.72
(1,182)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1	86.71
(1,348)	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	3	86.68
(1,279)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	18	86.66
(1,181)	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	8	86.64
(1,198)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	18	86.52
(1,361)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	13	86.36
(1,269)	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	15	86.24
(1,221)	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	5	86.24
(1,199)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	4	86.22
(1,270)	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	19	86.21
(1,216)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	14	86.21
(1,361)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	14	86.15
(1,280)	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	16	85.97
(1,304)	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	20	85.94
(1,354)	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	10	85.92
(1,292)	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	10	85.9
(1,202)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	18	85.65
(1,216)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	3	85.58
(1,256)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	19	85.55
(1,218)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	5	85.4
(1,181)	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	17	85.37
(1,249)	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	12	85.18
(1,303)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	4	85.15
(1,200)	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	17	85.15
(1,310)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	19	85.13
(1,205)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	19	85.11
(1,174)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	11	85.09
(1,283)	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	20	85.07
(1,303)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	12	85.06
(1,204)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	9	85.04
(1,303)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	19	84.98
(1,218)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	9	84.84
(1,205)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	3	84.75
(1,310)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	12	84.67
(1,297)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	15	84.58
(1,348)	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	4	84.54
(1,176)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	17	84.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,181)	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	18	84.35
(1,285)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	17	84.34
(1,256)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	13	84.33
(1,328)	1:A:140:LEU:C	1:A:141:GLY:N	1:A:141:GLY:CA	1:A:141:GLY:C	19	84.29
(1,254)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	13	84.28
(1,361)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	6	84.27
(1,358)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	6	84.21
(1,294)	1:A:112:GLY:C	1:A:113:GLY:N	1:A:113:GLY:CA	1:A:113:GLY:C	14	84.09
(1,343)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	10	83.97
(1,304)	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	7	83.94
(1,282)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	17	83.82
(1,256)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	17	83.8
(1,298)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	3	83.68
(1,361)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	18	83.57
(1,181)	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	10	83.56
(1,202)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	8	83.54
(1,281)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	10	83.53
(1,325)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	4	83.44
(1,270)	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	17	83.43
(1,256)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	15	83.41
(1,299)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	4	83.23
(1,298)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	15	83.14
(1,297)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	3	83.13
(1,365)	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	1:A:168:LEU:N	3	83.03
(1,324)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	20	83.01
(1,272)	1:A:104:GLY:C	1:A:105:LYS:N	1:A:105:LYS:CA	1:A:105:LYS:C	4	82.96
(1,256)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	5	82.78
(1,350)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	6	82.75
(1,254)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	7	82.72
(1,199)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	9	82.72
(1,361)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	8	82.38
(1,317)	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	1:A:121:PHE:N	11	82.27
(1,186)	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	14	82.27
(1,340)	1:A:158:VAL:C	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	17	82.2
(1,347)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	4	82.14
(1,255)	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	13	82.0
(1,348)	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	13	81.96
(1,345)	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	7	81.69
(1,278)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	6	81.65
(1,221)	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	9	81.62
(1,184)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	14	81.62
(1,287)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	18	81.54
(1,298)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	20	81.5
(1,293)	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	1:A:112:GLY:CA	1:A:112:GLY:C	2	81.5
(1,304)	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	14	81.47
(1,249)	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	20	81.47
(1,186)	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	15	81.47
(1,358)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	4	81.43
(1,310)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	20	81.2
(1,361)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	3	81.13
(1,284)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	8	81.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,262)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	4	81.05
(1,269)	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	18	81.0
(1,331)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	14	80.98
(1,162)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	12	80.96
(1,317)	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	1:A:121:PHE:N	16	80.93
(1,255)	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	4	80.9
(1,364)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	18	80.89
(1,182)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	14	80.83
(1,325)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	2	80.8
(1,310)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	10	80.68
(1,204)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	2	80.5
(1,184)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	5	80.5
(1,284)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	15	80.49
(1,303)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	5	80.47
(1,203)	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	20	80.4
(1,186)	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	3	80.38
(1,198)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	16	80.3
(1,302)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	14	80.29
(1,256)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	6	80.28
(1,179)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	19	80.24
(1,210)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	13	80.2
(1,304)	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	8	80.15
(1,200)	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	2	80.1
(1,269)	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	6	80.09
(1,163)	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	1:A:4:GLU:N	19	80.09
(1,205)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	1	80.06
(1,330)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	2	80.01
(1,346)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	7	80.0
(1,305)	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	15	79.97
(1,297)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	13	79.94
(1,303)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	18	79.9
(1,297)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	6	79.84
(1,254)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	17	79.81
(1,179)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	5	79.62
(1,255)	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	8	79.53
(1,163)	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	1:A:4:GLU:N	20	79.5
(1,317)	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	1:A:121:PHE:N	17	79.46
(1,302)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	15	79.46
(1,256)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	2	79.43
(1,210)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	19	79.43
(1,254)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	5	79.42
(1,180)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	13	79.3
(1,364)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	2	79.27
(1,296)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	12	79.24
(1,204)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	18	79.24
(1,328)	1:A:140:LEU:C	1:A:141:GLY:N	1:A:141:GLY:CA	1:A:141:GLY:C	16	79.23
(1,249)	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	13	79.17
(1,357)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	12	79.15
(1,178)	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	4	79.14
(1,254)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	15	79.11
(1,317)	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	1:A:121:PHE:N	4	79.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,256)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	7	79.04
(1,176)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	8	79.02
(1,362)	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	3	78.97
(1,204)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	12	78.97
(1,265)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	7	78.91
(1,247)	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	6	78.89
(1,174)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	1	78.77
(1,204)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	8	78.72
(1,225)	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	1:A:75:LEU:CA	1:A:75:LEU:C	20	78.57
(1,328)	1:A:140:LEU:C	1:A:141:GLY:N	1:A:141:GLY:CA	1:A:141:GLY:C	15	78.54
(1,256)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	16	78.52
(1,210)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	11	78.5
(1,178)	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	11	78.41
(1,264)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	13	78.38
(1,174)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	10	78.37
(1,317)	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	1:A:121:PHE:N	5	78.33
(1,325)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	10	78.32
(1,304)	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	2	78.29
(1,299)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	18	78.27
(1,362)	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	11	78.13
(1,249)	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	9	78.13
(1,350)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	14	78.12
(1,275)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	13	78.12
(1,163)	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	1:A:4:GLU:N	12	78.04
(1,304)	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	3	78.02
(1,249)	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	10	78.01
(1,198)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	11	77.99
(1,254)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	19	77.94
(1,331)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	20	77.93
(1,198)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	2	77.9
(1,254)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	10	77.85
(1,256)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	10	77.83
(1,182)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	3	77.68
(1,163)	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	1:A:4:GLU:N	4	77.68
(1,249)	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	11	77.67
(1,173)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	3	77.64
(1,181)	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	5	77.63
(1,254)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	4	77.55
(1,276)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	15	77.5
(1,345)	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	12	77.45
(1,177)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	7	77.39
(1,360)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	15	77.15
(1,304)	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	9	77.08
(1,310)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	5	77.07
(1,198)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	19	77.07
(1,162)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	10	77.01
(1,359)	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	4	76.98
(1,345)	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	6	76.87
(1,186)	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	18	76.82
(1,276)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	19	76.73
(1,347)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	8	76.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,283)	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	6	76.69
(1,184)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	12	76.63
(1,181)	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	15	76.59
(1,256)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	14	76.56
(1,303)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	10	76.42
(1,269)	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	1	76.33
(1,365)	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	1:A:168:LEU:N	12	76.31
(1,284)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	6	76.27
(1,178)	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	20	76.22
(1,304)	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	12	76.19
(1,255)	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	10	76.12
(1,256)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	3	76.09
(1,275)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	5	76.07
(1,255)	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	15	76.07
(1,205)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	14	76.06
(1,265)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	5	76.01
(1,184)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	10	76.01
(1,161)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	4	75.92
(1,292)	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	19	75.81
(1,288)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	16	75.78
(1,179)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	14	75.77
(1,345)	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	9	75.69
(1,194)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	6	75.67
(1,317)	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	1:A:121:PHE:N	12	75.65
(1,297)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	5	75.64
(1,254)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	16	75.62
(1,305)	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	19	75.61
(1,204)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	16	75.61
(1,255)	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	16	75.47
(1,179)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	17	75.43
(1,193)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	18	75.38
(1,198)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	20	75.24
(1,331)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	6	75.18
(1,310)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	4	75.18
(1,343)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	19	75.14
(1,345)	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	3	75.12
(1,304)	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	4	75.11
(1,210)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	15	75.11
(1,277)	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	9	75.06
(1,290)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	13	75.01
(1,317)	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	1:A:121:PHE:N	3	74.99
(1,256)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	4	74.98
(1,256)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	1	74.96
(1,255)	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	14	74.9
(1,198)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	1	74.82
(1,174)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	4	74.76
(1,194)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	3	74.75
(1,328)	1:A:140:LEU:C	1:A:141:GLY:N	1:A:141:GLY:CA	1:A:141:GLY:C	12	74.66
(1,348)	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	6	74.62
(1,253)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	2	74.62
(1,361)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	17	74.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,256)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	20	74.57
(1,298)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	19	74.49
(1,302)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	17	74.44
(1,289)	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	6	74.35
(1,174)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	15	74.3
(1,255)	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	19	74.25
(1,299)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	8	74.19
(1,177)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	20	74.18
(1,276)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	4	74.15
(1,328)	1:A:140:LEU:C	1:A:141:GLY:N	1:A:141:GLY:CA	1:A:141:GLY:C	5	74.13
(1,205)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	11	73.87
(1,303)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	1	73.86
(1,354)	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	3	73.8
(1,180)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	12	73.76
(1,253)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	8	73.71
(1,178)	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	18	73.6
(1,294)	1:A:112:GLY:C	1:A:113:GLY:N	1:A:113:GLY:CA	1:A:113:GLY:C	17	73.48
(1,269)	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	20	73.48
(1,285)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	18	73.4
(1,279)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	3	73.39
(1,198)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	5	73.39
(1,256)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	8	73.32
(1,253)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	20	73.27
(1,184)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	11	73.08
(1,303)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	7	72.91
(1,272)	1:A:104:GLY:C	1:A:105:LYS:N	1:A:105:LYS:CA	1:A:105:LYS:C	19	72.88
(1,345)	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	18	72.83
(1,249)	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	16	72.82
(1,198)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	6	72.81
(1,194)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	20	72.76
(1,317)	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	1:A:121:PHE:N	6	72.74
(1,198)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	7	72.66
(1,289)	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	11	72.59
(1,180)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	4	72.51
(1,204)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	5	72.28
(1,210)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	2	72.27
(1,299)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	17	72.24
(1,194)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	15	72.24
(1,272)	1:A:104:GLY:C	1:A:105:LYS:N	1:A:105:LYS:CA	1:A:105:LYS:C	7	72.22
(1,199)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	17	72.13
(1,314)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	6	72.12
(1,194)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	19	72.09
(1,254)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	14	72.04
(1,328)	1:A:140:LEU:C	1:A:141:GLY:N	1:A:141:GLY:CA	1:A:141:GLY:C	18	72.02
(1,254)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	3	71.92
(1,353)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	18	71.9
(1,359)	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	18	71.79
(1,249)	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	1	71.79
(1,276)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	17	71.77
(1,293)	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	1:A:112:GLY:CA	1:A:112:GLY:C	17	71.7
(1,345)	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	16	71.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,181)	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	19	71.64
(1,348)	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	20	71.6
(1,193)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	9	71.6
(1,279)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	2	71.59
(1,344)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	18	71.39
(1,303)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	6	71.37
(1,304)	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	18	71.24
(1,285)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	7	71.23
(1,276)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	3	71.17
(1,194)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	2	71.17
(1,272)	1:A:104:GLY:C	1:A:105:LYS:N	1:A:105:LYS:CA	1:A:105:LYS:C	13	71.08
(1,220)	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	7	71.06
(1,304)	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	16	70.96
(1,199)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	13	70.92
(1,255)	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	5	70.86
(1,182)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	7	70.86
(1,286)	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	15	70.78
(1,303)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	2	70.73
(1,205)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	7	70.67
(1,348)	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	11	70.62
(1,328)	1:A:140:LEU:C	1:A:141:GLY:N	1:A:141:GLY:CA	1:A:141:GLY:C	3	70.61
(1,286)	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	3	70.61
(1,299)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	16	70.6
(1,281)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	5	70.49
(1,272)	1:A:104:GLY:C	1:A:105:LYS:N	1:A:105:LYS:CA	1:A:105:LYS:C	11	70.49
(1,317)	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	1:A:121:PHE:N	8	70.32
(1,351)	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	3	70.22
(1,184)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	18	70.17
(1,210)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	10	70.15
(1,288)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	4	70.08
(1,325)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	15	70.06
(1,255)	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	3	70.0
(1,324)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	15	69.94
(1,287)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	4	69.92
(1,163)	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	1:A:4:GLU:N	17	69.85
(1,270)	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	4	69.8
(1,184)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	7	69.68
(1,317)	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	1:A:121:PHE:N	7	69.57
(1,282)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	5	69.51
(1,348)	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	5	69.45
(1,317)	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	1:A:121:PHE:N	20	69.43
(1,204)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	7	69.33
(1,302)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	2	69.27
(1,304)	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	17	69.14
(1,183)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	7	69.14
(1,178)	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	9	69.11
(1,198)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	13	69.08
(1,292)	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	8	69.07
(1,203)	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	6	68.93
(1,294)	1:A:112:GLY:C	1:A:113:GLY:N	1:A:113:GLY:CA	1:A:113:GLY:C	1	68.89
(1,249)	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	15	68.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,275)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	3	68.83
(1,193)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	2	68.83
(1,284)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	7	68.77
(1,310)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	7	68.67
(1,184)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	9	68.65
(1,302)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	6	68.63
(1,343)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	18	68.61
(1,298)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	11	68.49
(1,278)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	2	68.41
(1,194)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	9	68.4
(1,178)	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	14	68.36
(1,186)	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	8	68.29
(1,328)	1:A:140:LEU:C	1:A:141:GLY:N	1:A:141:GLY:CA	1:A:141:GLY:C	14	68.24
(1,275)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	17	68.23
(1,181)	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	20	68.19
(1,184)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	20	68.15
(1,352)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	18	68.1
(1,277)	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	13	68.08
(1,253)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	3	68.08
(1,253)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	14	67.96
(1,328)	1:A:140:LEU:C	1:A:141:GLY:N	1:A:141:GLY:CA	1:A:141:GLY:C	2	67.91
(1,193)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	19	67.91
(1,198)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	17	67.87
(1,249)	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	6	67.85
(1,193)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	15	67.76
(1,205)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	5	67.72
(1,328)	1:A:140:LEU:C	1:A:141:GLY:N	1:A:141:GLY:CA	1:A:141:GLY:C	1	67.55
(1,255)	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	17	67.53
(1,348)	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	12	67.49
(1,298)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	12	67.49
(1,179)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	4	67.49
(1,228)	1:A:75:LEU:C	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	18	67.38
(1,199)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	7	67.34
(1,294)	1:A:112:GLY:C	1:A:113:GLY:N	1:A:113:GLY:CA	1:A:113:GLY:C	8	67.33
(1,328)	1:A:140:LEU:C	1:A:141:GLY:N	1:A:141:GLY:CA	1:A:141:GLY:C	17	67.32
(1,193)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	20	67.24
(1,199)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	6	67.19
(1,302)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	7	67.09
(1,210)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	6	67.06
(1,310)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	2	66.93
(1,254)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	20	66.73
(1,328)	1:A:140:LEU:C	1:A:141:GLY:N	1:A:141:GLY:CA	1:A:141:GLY:C	6	66.72
(1,317)	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	1:A:121:PHE:N	15	66.71
(1,257)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	8	66.68
(1,255)	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	2	66.62
(1,278)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	3	66.61
(1,199)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	5	66.61
(1,304)	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	19	66.6
(1,284)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	18	66.6
(1,178)	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	8	66.52
(1,317)	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	1:A:121:PHE:N	9	66.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,228)	1:A:75:LEU:C	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	1	66.47
(1,220)	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	9	66.44
(1,254)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	8	66.29
(1,179)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	12	66.24
(1,302)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	1	66.14
(1,204)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	11	66.13
(1,228)	1:A:75:LEU:C	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	17	66.08
(1,203)	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	10	66.07
(1,359)	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	2	65.86
(1,275)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	4	65.85
(1,210)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	18	65.85
(1,176)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	20	65.82
(1,184)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	17	65.7
(1,173)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	15	65.7
(1,220)	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	5	65.68
(1,303)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	17	65.56
(1,328)	1:A:140:LEU:C	1:A:141:GLY:N	1:A:141:GLY:CA	1:A:141:GLY:C	10	65.43
(1,257)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	20	65.43
(1,360)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	17	65.42
(1,254)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	2	65.38
(1,298)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	13	65.32
(1,193)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	3	65.25
(1,173)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	4	65.24
(1,249)	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	3	65.2
(1,199)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	1	65.18
(1,318)	1:A:127:ARG:C	1:A:128:ASN:N	1:A:128:ASN:CA	1:A:128:ASN:C	2	65.11
(1,210)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	16	65.06
(1,257)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	1	65.04
(1,257)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	4	65.02
(1,163)	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	1:A:4:GLU:N	14	65.01
(1,291)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	13	64.99
(1,178)	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	17	64.98
(1,317)	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	1:A:121:PHE:N	1	64.97
(1,317)	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	1:A:121:PHE:N	14	64.95
(1,344)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	19	64.86
(1,330)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	6	64.82
(1,199)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	20	64.76
(1,255)	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	20	64.69
(1,194)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	18	64.62
(1,294)	1:A:112:GLY:C	1:A:113:GLY:N	1:A:113:GLY:CA	1:A:113:GLY:C	6	64.61
(1,230)	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	1:A:77:LYS:N	7	64.61
(1,180)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	17	64.57
(1,299)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	10	64.55
(1,345)	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	2	64.44
(1,205)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	16	64.39
(1,253)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	16	64.38
(1,296)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	5	64.36
(1,193)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	6	64.33
(1,180)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	14	64.23
(1,287)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	16	64.22
(1,286)	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	16	64.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,298)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	5	64.18
(1,247)	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	10	64.09
(1,162)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	4	64.08
(1,228)	1:A:75:LEU:C	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	16	64.06
(1,264)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	5	63.99
(1,348)	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	7	63.97
(1,210)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	12	63.95
(1,204)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	14	63.94
(1,276)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	5	63.93
(1,257)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	3	63.91
(1,318)	1:A:127:ARG:C	1:A:128:ASN:N	1:A:128:ASN:CA	1:A:128:ASN:C	12	63.85
(1,299)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	1	63.81
(1,285)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	6	63.73
(1,228)	1:A:75:LEU:C	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	14	63.69
(1,314)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	19	63.61
(1,210)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	5	63.61
(1,302)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	10	63.58
(1,163)	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	1:A:4:GLU:N	11	63.57
(1,270)	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	11	63.5
(1,355)	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	1:A:164:LYS:CA	1:A:164:LYS:C	1	63.48
(1,257)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	14	63.44
(1,317)	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	1:A:121:PHE:N	13	63.42
(1,354)	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	4	63.35
(1,280)	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1	63.34
(1,346)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	8	63.28
(1,275)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	19	63.27
(1,184)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	3	63.23
(1,327)	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	19	63.21
(1,328)	1:A:140:LEU:C	1:A:141:GLY:N	1:A:141:GLY:CA	1:A:141:GLY:C	13	63.16
(1,230)	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	1:A:77:LYS:N	8	63.14
(1,311)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	2	63.07
(1,298)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	14	62.99
(1,161)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	10	62.99
(1,199)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	19	62.93
(1,317)	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	1:A:121:PHE:N	2	62.89
(1,361)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	15	62.85
(1,247)	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	16	62.75
(1,340)	1:A:158:VAL:C	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	18	62.73
(1,365)	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	1:A:168:LEU:N	5	62.69
(1,200)	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	9	62.63
(1,184)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	19	62.62
(1,176)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	7	62.61
(1,298)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	2	62.54
(1,275)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	15	62.5
(1,340)	1:A:158:VAL:C	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	11	62.48
(1,253)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	4	62.45
(1,230)	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	1:A:77:LYS:N	10	62.45
(1,307)	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	8	62.44
(1,228)	1:A:75:LEU:C	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	10	62.4
(1,249)	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	4	62.36
(1,174)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	3	62.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,351)	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1	62.32
(1,183)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	3	62.32
(1,348)	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	18	62.28
(1,163)	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	1:A:4:GLU:N	6	62.24
(1,228)	1:A:75:LEU:C	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	8	62.18
(1,257)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	10	62.17
(1,253)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	10	62.15
(1,230)	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	1:A:77:LYS:N	2	62.14
(1,286)	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	12	62.12
(1,199)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	2	62.1
(1,365)	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	1:A:168:LEU:N	18	62.09
(1,330)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	20	62.07
(1,253)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	19	62.06
(1,199)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	11	62.01
(1,298)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	6	61.91
(1,349)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	14	61.88
(1,276)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	13	61.88
(1,328)	1:A:140:LEU:C	1:A:141:GLY:N	1:A:141:GLY:CA	1:A:141:GLY:C	4	61.77
(1,247)	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	1	61.71
(1,324)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	10	61.68
(1,230)	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	1:A:77:LYS:N	16	61.67
(1,294)	1:A:112:GLY:C	1:A:113:GLY:N	1:A:113:GLY:CA	1:A:113:GLY:C	16	61.66
(1,173)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	10	61.63
(1,265)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	13	61.62
(1,210)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	14	61.55
(1,257)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	16	61.48
(1,359)	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	9	61.46
(1,270)	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	6	61.37
(1,311)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	7	61.33
(1,186)	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	7	61.29
(1,205)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	8	61.28
(1,173)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	1	61.23
(1,362)	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	18	61.21
(1,264)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	7	61.09
(1,205)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	12	61.03
(1,318)	1:A:127:ARG:C	1:A:128:ASN:N	1:A:128:ASN:CA	1:A:128:ASN:C	14	61.0
(1,269)	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	7	60.99
(1,177)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	8	60.98
(1,257)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	7	60.96
(1,210)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	3	60.96
(1,228)	1:A:75:LEU:C	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	9	60.93
(1,253)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	15	60.89
(1,358)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	12	60.85
(1,318)	1:A:127:ARG:C	1:A:128:ASN:N	1:A:128:ASN:CA	1:A:128:ASN:C	15	60.81
(1,297)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	12	60.76
(1,205)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	18	60.76
(1,363)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	2	60.73
(1,230)	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	1:A:77:LYS:N	9	60.73
(1,179)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	13	60.7
(1,253)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	5	60.58
(1,257)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	2	60.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,303)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	15	60.54
(1,293)	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	1:A:112:GLY:CA	1:A:112:GLY:C	14	60.48
(1,184)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	1	60.43
(1,314)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	11	60.42
(1,230)	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	1:A:77:LYS:N	6	60.4
(1,180)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	5	60.38
(1,326)	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	19	60.34
(1,286)	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	4	60.26
(1,253)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	17	60.19
(1,318)	1:A:127:ARG:C	1:A:128:ASN:N	1:A:128:ASN:CA	1:A:128:ASN:C	9	60.16
(1,296)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	6	60.16
(1,210)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	9	60.11
(1,302)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	18	60.1
(1,314)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	18	60.06
(1,296)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	13	60.06
(1,362)	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	13	60.03
(1,347)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	7	60.0
(1,331)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	2	59.99
(1,204)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	1	59.94
(1,314)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	5	59.91
(1,340)	1:A:158:VAL:C	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	5	59.86
(1,221)	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	7	59.8
(1,178)	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	2	59.79
(1,301)	1:A:115:ILE:N	1:A:115:ILE:CA	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	9	59.76
(1,180)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	19	59.76
(1,257)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	6	59.72
(1,303)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	14	59.71
(1,199)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	16	59.7
(1,314)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1	59.62
(1,302)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	5	59.53
(1,285)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	15	59.51
(1,247)	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	3	59.5
(1,205)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	2	59.5
(1,301)	1:A:115:ILE:N	1:A:115:ILE:CA	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	10	59.49
(1,365)	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	1:A:168:LEU:N	14	59.38
(1,185)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	13	59.37
(1,324)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	2	59.2
(1,183)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	14	59.17
(1,230)	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	1:A:77:LYS:N	20	59.16
(1,178)	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	10	59.14
(1,363)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	18	59.11
(1,365)	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	1:A:168:LEU:N	7	59.09
(1,318)	1:A:127:ARG:C	1:A:128:ASN:N	1:A:128:ASN:CA	1:A:128:ASN:C	7	59.07
(1,355)	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	1:A:164:LYS:CA	1:A:164:LYS:C	12	59.06
(1,161)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	12	59.04
(1,330)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	14	59.02
(1,318)	1:A:127:ARG:C	1:A:128:ASN:N	1:A:128:ASN:CA	1:A:128:ASN:C	5	59.01
(1,246)	1:A:95:PRO:N	1:A:95:PRO:CA	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	4	59.0
(1,210)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	8	58.96
(1,261)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	4	58.95
(1,360)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	3	58.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,285)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	8	58.87
(1,186)	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	2	58.77
(1,305)	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	13	58.75
(1,181)	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	16	58.66
(1,357)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	4	58.57
(1,286)	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1	58.56
(1,246)	1:A:95:PRO:N	1:A:95:PRO:CA	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	2	58.53
(1,288)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	18	58.46
(1,293)	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	1:A:112:GLY:CA	1:A:112:GLY:C	11	58.43
(1,279)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	6	58.35
(1,365)	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	1:A:168:LEU:N	2	58.33
(1,228)	1:A:75:LEU:C	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	20	58.27
(1,337)	1:A:157:GLY:C	1:A:158:VAL:N	1:A:158:VAL:CA	1:A:158:VAL:C	4	58.2
(1,355)	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	1:A:164:LYS:CA	1:A:164:LYS:C	15	58.18
(1,203)	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1	58.14
(1,299)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	6	58.09
(1,314)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	9	58.07
(1,355)	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	1:A:164:LYS:CA	1:A:164:LYS:C	9	58.04
(1,210)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	20	57.99
(1,346)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	4	57.86
(1,230)	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	1:A:77:LYS:N	18	57.75
(1,360)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	8	57.62
(1,299)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	2	57.46
(1,277)	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	11	57.39
(1,247)	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	9	57.3
(1,253)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	7	57.28
(1,198)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	9	57.28
(1,349)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	6	57.25
(1,220)	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	8	57.24
(1,257)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	5	57.22
(1,318)	1:A:127:ARG:C	1:A:128:ASN:N	1:A:128:ASN:CA	1:A:128:ASN:C	8	57.14
(1,294)	1:A:112:GLY:C	1:A:113:GLY:N	1:A:113:GLY:CA	1:A:113:GLY:C	15	57.13
(1,280)	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	5	57.05
(1,299)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	14	57.01
(1,325)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	20	56.99
(1,220)	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	11	56.96
(1,186)	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	9	56.94
(1,272)	1:A:104:GLY:C	1:A:105:LYS:N	1:A:105:LYS:CA	1:A:105:LYS:C	2	56.9
(1,296)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	3	56.87
(1,210)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	17	56.7
(1,345)	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	15	56.68
(1,250)	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	3	56.64
(1,257)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	15	56.59
(1,210)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	1	56.57
(1,324)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	4	56.56
(1,247)	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	20	56.5
(1,186)	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	10	56.5
(1,342)	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	7	56.48
(1,282)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	10	56.47
(1,201)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	8	56.46
(1,360)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	18	56.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,342)	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	4	56.38
(1,184)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	2	56.38
(1,280)	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	19	56.36
(1,272)	1:A:104:GLY:C	1:A:105:LYS:N	1:A:105:LYS:CA	1:A:105:LYS:C	6	56.25
(1,257)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	17	56.2
(1,298)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	1	56.19
(1,281)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	17	56.18
(1,328)	1:A:140:LEU:C	1:A:141:GLY:N	1:A:141:GLY:CA	1:A:141:GLY:C	8	56.17
(1,186)	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	4	56.17
(1,272)	1:A:104:GLY:C	1:A:105:LYS:N	1:A:105:LYS:CA	1:A:105:LYS:C	18	56.08
(1,344)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	10	56.03
(1,301)	1:A:115:ILE:N	1:A:115:ILE:CA	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	20	55.89
(1,220)	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	20	55.88
(1,299)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	5	55.82
(1,357)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	6	55.79
(1,220)	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	10	55.75
(1,360)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	6	55.73
(1,253)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	13	55.72
(1,257)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	13	55.67
(1,186)	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1	55.67
(1,340)	1:A:158:VAL:C	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	10	55.66
(1,284)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	17	55.66
(1,177)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	17	55.62
(1,185)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	6	55.52
(1,168)	1:A:14:PRO:N	1:A:14:PRO:CA	1:A:14:PRO:C	1:A:15:VAL:N	3	55.48
(1,283)	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	3	55.44
(1,296)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	15	55.42
(1,294)	1:A:112:GLY:C	1:A:113:GLY:N	1:A:113:GLY:CA	1:A:113:GLY:C	4	55.42
(1,230)	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	1:A:77:LYS:N	14	55.39
(1,359)	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	6	55.33
(1,178)	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	7	55.33
(1,93)	1:A:72:ILE:C	1:A:73:HIS:N	1:A:73:HIS:CA	1:A:73:HIS:C	18	55.28
(1,204)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	3	55.25
(1,362)	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	12	55.23
(1,219)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	9	55.16
(1,342)	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	20	55.13
(1,305)	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	8	55.12
(1,337)	1:A:157:GLY:C	1:A:158:VAL:N	1:A:158:VAL:CA	1:A:158:VAL:C	5	55.11
(1,272)	1:A:104:GLY:C	1:A:105:LYS:N	1:A:105:LYS:CA	1:A:105:LYS:C	5	55.08
(1,302)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	19	55.02
(1,355)	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	1:A:164:LYS:CA	1:A:164:LYS:C	6	54.97
(1,314)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	14	54.97
(1,337)	1:A:157:GLY:C	1:A:158:VAL:N	1:A:158:VAL:CA	1:A:158:VAL:C	19	54.96
(1,205)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	9	54.96
(1,302)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	12	54.94
(1,173)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	11	54.91
(1,204)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	19	54.89
(1,302)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	4	54.85
(1,311)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	4	54.82
(1,186)	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	19	54.76
(1,317)	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	1:A:121:PHE:N	19	54.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,314)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	20	54.74
(1,220)	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	17	54.7
(1,299)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	13	54.68
(1,219)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	5	54.6
(1,335)	1:A:156:LYS:C	1:A:157:GLY:N	1:A:157:GLY:CA	1:A:157:GLY:C	6	54.58
(1,168)	1:A:14:PRO:N	1:A:14:PRO:CA	1:A:14:PRO:C	1:A:15:VAL:N	11	54.54
(1,257)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	19	54.45
(1,215)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	3	54.42
(1,220)	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	19	54.35
(1,201)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	18	54.35
(1,314)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	10	54.31
(1,200)	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	14	54.29
(1,342)	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	3	54.28
(1,283)	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	19	54.25
(1,317)	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	1:A:121:PHE:N	10	54.02
(1,93)	1:A:72:ILE:C	1:A:73:HIS:N	1:A:73:HIS:CA	1:A:73:HIS:C	3	53.89
(1,360)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	14	53.85
(1,326)	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	9	53.83
(1,294)	1:A:112:GLY:C	1:A:113:GLY:N	1:A:113:GLY:CA	1:A:113:GLY:C	2	53.81
(1,328)	1:A:140:LEU:C	1:A:141:GLY:N	1:A:141:GLY:CA	1:A:141:GLY:C	20	53.79
(1,215)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	14	53.79
(1,198)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	4	53.78
(1,230)	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	1:A:77:LYS:N	17	53.71
(1,360)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	13	53.64
(1,318)	1:A:127:ARG:C	1:A:128:ASN:N	1:A:128:ASN:CA	1:A:128:ASN:C	16	53.61
(1,328)	1:A:140:LEU:C	1:A:141:GLY:N	1:A:141:GLY:CA	1:A:141:GLY:C	9	53.6
(1,270)	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	14	53.58
(1,272)	1:A:104:GLY:C	1:A:105:LYS:N	1:A:105:LYS:CA	1:A:105:LYS:C	12	53.56
(1,93)	1:A:72:ILE:C	1:A:73:HIS:N	1:A:73:HIS:CA	1:A:73:HIS:C	19	53.53
(1,351)	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	9	53.52
(1,199)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	18	53.48
(1,93)	1:A:72:ILE:C	1:A:73:HIS:N	1:A:73:HIS:CA	1:A:73:HIS:C	14	53.38
(1,278)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	18	53.34
(1,183)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1	53.29
(1,168)	1:A:14:PRO:N	1:A:14:PRO:CA	1:A:14:PRO:C	1:A:15:VAL:N	13	53.29
(1,264)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	3	53.28
(1,168)	1:A:14:PRO:N	1:A:14:PRO:CA	1:A:14:PRO:C	1:A:15:VAL:N	15	53.24
(1,173)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	13	53.22
(1,305)	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	9	53.21
(1,297)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	17	53.11
(1,342)	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	11	53.07
(1,168)	1:A:14:PRO:N	1:A:14:PRO:CA	1:A:14:PRO:C	1:A:15:VAL:N	20	53.04
(1,346)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	10	53.03
(1,286)	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	10	53.03
(1,302)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	3	52.97
(1,180)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	9	52.96
(1,184)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	4	52.94
(1,311)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	5	52.93
(1,180)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	6	52.9
(1,204)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	15	52.85
(1,314)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	2	52.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,294)	1:A:112:GLY:C	1:A:113:GLY:N	1:A:113:GLY:CA	1:A:113:GLY:C	5	52.66
(1,264)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	20	52.66
(1,220)	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	3	52.58
(1,93)	1:A:72:ILE:C	1:A:73:HIS:N	1:A:73:HIS:CA	1:A:73:HIS:C	4	52.54
(1,302)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	8	52.54
(1,299)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	12	52.51
(1,286)	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	18	52.48
(1,314)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	15	52.46
(1,180)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	7	52.44
(1,264)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	16	52.42
(1,318)	1:A:127:ARG:C	1:A:128:ASN:N	1:A:128:ASN:CA	1:A:128:ASN:C	17	52.41
(1,365)	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	1:A:168:LEU:N	4	52.39
(1,351)	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	19	52.39
(1,184)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	15	52.39
(1,337)	1:A:157:GLY:C	1:A:158:VAL:N	1:A:158:VAL:CA	1:A:158:VAL:C	9	52.37
(1,342)	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	12	52.32
(1,264)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	12	52.3
(1,198)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	10	52.17
(1,277)	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	4	52.12
(1,284)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	16	52.01
(1,253)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	11	51.98
(1,228)	1:A:75:LEU:C	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	5	51.96
(1,168)	1:A:14:PRO:N	1:A:14:PRO:CA	1:A:14:PRO:C	1:A:15:VAL:N	9	51.96
(1,359)	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	16	51.88
(1,264)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	15	51.87
(1,347)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	18	51.84
(1,302)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	9	51.83
(1,176)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	9	51.83
(1,345)	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	14	51.77
(1,184)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	8	51.75
(1,246)	1:A:95:PRO:N	1:A:95:PRO:CA	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	5	51.59
(1,199)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	14	51.56
(1,355)	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	1:A:164:LYS:CA	1:A:164:LYS:C	7	51.53
(1,299)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	11	51.51
(1,296)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1	51.51
(1,328)	1:A:140:LEU:C	1:A:141:GLY:N	1:A:141:GLY:CA	1:A:141:GLY:C	7	51.41
(1,230)	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	1:A:77:LYS:N	1	51.33
(1,181)	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	6	51.32
(1,93)	1:A:72:ILE:C	1:A:73:HIS:N	1:A:73:HIS:CA	1:A:73:HIS:C	12	51.31
(1,301)	1:A:115:ILE:N	1:A:115:ILE:CA	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	17	51.29
(1,330)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	15	51.26
(1,281)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	2	51.19
(1,287)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	8	51.1
(1,318)	1:A:127:ARG:C	1:A:128:ASN:N	1:A:128:ASN:CA	1:A:128:ASN:C	19	51.07
(1,348)	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	19	51.0
(1,318)	1:A:127:ARG:C	1:A:128:ASN:N	1:A:128:ASN:CA	1:A:128:ASN:C	3	50.96
(1,93)	1:A:72:ILE:C	1:A:73:HIS:N	1:A:73:HIS:CA	1:A:73:HIS:C	20	50.93
(1,270)	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1	50.86
(1,357)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	14	50.84
(1,342)	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	2	50.84
(1,93)	1:A:72:ILE:C	1:A:73:HIS:N	1:A:73:HIS:CA	1:A:73:HIS:C	15	50.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,342)	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	14	50.79
(1,198)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	15	50.76
(1,330)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	1	50.74
(1,324)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	9	50.65
(1,272)	1:A:104:GLY:C	1:A:105:LYS:N	1:A:105:LYS:CA	1:A:105:LYS:C	17	50.63
(1,318)	1:A:127:ARG:C	1:A:128:ASN:N	1:A:128:ASN:CA	1:A:128:ASN:C	1	50.62
(1,331)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	5	50.5
(1,328)	1:A:140:LEU:C	1:A:141:GLY:N	1:A:141:GLY:CA	1:A:141:GLY:C	11	50.49
(1,278)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	17	50.44
(1,357)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	7	50.39
(1,326)	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	14	50.39
(1,253)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	12	50.38
(1,199)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	3	50.33
(1,246)	1:A:95:PRO:N	1:A:95:PRO:CA	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	18	50.3
(1,345)	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	20	50.27
(1,180)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	15	50.24
(1,215)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	9	50.2
(1,346)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	5	50.08
(1,281)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	18	50.07
(1,275)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	7	49.98
(1,349)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	2	49.95
(1,285)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	1	49.94
(1,220)	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	12	49.94
(1,352)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	5	49.92
(1,331)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	7	49.92
(1,246)	1:A:95:PRO:N	1:A:95:PRO:CA	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	14	49.91
(1,349)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	15	49.88
(1,200)	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	7	49.85
(1,340)	1:A:158:VAL:C	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	14	49.83
(1,280)	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	11	49.77
(1,180)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	2	49.76
(1,173)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	5	49.76
(1,340)	1:A:158:VAL:C	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	16	49.74
(1,277)	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	10	49.73
(1,163)	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	1:A:4:GLU:N	18	49.71
(1,337)	1:A:157:GLY:C	1:A:158:VAL:N	1:A:158:VAL:CA	1:A:158:VAL:C	11	49.69
(1,324)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	6	49.65
(1,193)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	7	49.62
(1,289)	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	12	49.51
(1,298)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	16	49.4
(1,242)	1:A:93:THR:N	1:A:93:THR:CA	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	7	49.36
(1,311)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	10	49.32
(1,242)	1:A:93:THR:N	1:A:93:THR:CA	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	20	49.3
(1,284)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	14	49.28
(1,290)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	16	49.19
(1,276)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	16	49.12
(1,302)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	20	49.11
(1,350)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	4	49.04
(1,353)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	16	48.98
(1,219)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	18	48.96
(1,183)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	11	48.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,168)	1:A:14:PRO:N	1:A:14:PRO:CA	1:A:14:PRO:C	1:A:15:VAL:N	4	48.91
(1,355)	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	1:A:164:LYS:CA	1:A:164:LYS:C	18	48.9
(1,311)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	20	48.8
(1,358)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	10	48.78
(1,301)	1:A:115:ILE:N	1:A:115:ILE:CA	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	19	48.77
(1,230)	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	1:A:77:LYS:N	13	48.75
(1,305)	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	6	48.74
(1,168)	1:A:14:PRO:N	1:A:14:PRO:CA	1:A:14:PRO:C	1:A:15:VAL:N	8	48.71
(1,201)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	2	48.7
(1,314)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	13	48.67
(1,277)	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	17	48.65
(1,176)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	19	48.64
(1,275)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	6	48.6
(1,220)	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	1	48.57
(1,296)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	20	48.56
(1,230)	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	1:A:77:LYS:N	15	48.56
(1,272)	1:A:104:GLY:C	1:A:105:LYS:N	1:A:105:LYS:CA	1:A:105:LYS:C	16	48.55
(1,219)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	2	48.54
(1,236)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	14	48.52
(1,246)	1:A:95:PRO:N	1:A:95:PRO:CA	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	15	48.51
(1,219)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	16	48.5
(1,272)	1:A:104:GLY:C	1:A:105:LYS:N	1:A:105:LYS:CA	1:A:105:LYS:C	10	48.47
(1,252)	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	4	48.47
(1,193)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	11	48.43
(1,315)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	18	48.39
(1,247)	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	8	48.34
(1,301)	1:A:115:ILE:N	1:A:115:ILE:CA	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	5	48.31
(1,203)	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	3	48.29
(1,185)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	8	48.25
(1,340)	1:A:158:VAL:C	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	8	48.21
(1,340)	1:A:158:VAL:C	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	3	48.19
(1,364)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	14	48.17
(1,247)	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	7	48.17
(1,247)	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	12	48.06
(1,280)	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	15	48.01
(1,174)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	12	47.96
(1,168)	1:A:14:PRO:N	1:A:14:PRO:CA	1:A:14:PRO:C	1:A:15:VAL:N	17	47.96
(1,315)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	4	47.91
(1,365)	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	1:A:168:LEU:N	16	47.88
(1,335)	1:A:156:LYS:C	1:A:157:GLY:N	1:A:157:GLY:CA	1:A:157:GLY:C	15	47.86
(1,358)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	9	47.85
(1,250)	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	20	47.79
(1,305)	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	3	47.77
(1,354)	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	15	47.76
(1,298)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	17	47.76
(1,219)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	11	47.75
(1,317)	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	1:A:121:PHE:N	18	47.71
(1,307)	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1	47.68
(1,305)	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	11	47.68
(1,364)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	17	47.65
(1,253)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	18	47.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,185)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	15	47.61
(1,342)	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	8	47.59
(1,201)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	19	47.56
(1,348)	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	16	47.52
(1,337)	1:A:157:GLY:C	1:A:158:VAL:N	1:A:158:VAL:CA	1:A:158:VAL:C	16	47.46
(1,193)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	14	47.44
(1,272)	1:A:104:GLY:C	1:A:105:LYS:N	1:A:105:LYS:CA	1:A:105:LYS:C	1	47.34
(1,293)	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	1:A:112:GLY:CA	1:A:112:GLY:C	20	47.32
(1,242)	1:A:93:THR:N	1:A:93:THR:CA	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	18	47.26
(1,215)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	19	47.26
(1,253)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	1	47.24
(1,270)	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	3	47.23
(1,287)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	20	47.21
(1,276)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	14	47.19
(1,358)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	1	47.18
(1,219)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	12	47.13
(1,292)	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	1	47.12
(1,362)	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	5	47.11
(1,168)	1:A:14:PRO:N	1:A:14:PRO:CA	1:A:14:PRO:C	1:A:15:VAL:N	1	47.11
(1,185)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	4	47.06
(1,301)	1:A:115:ILE:N	1:A:115:ILE:CA	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	3	47.02
(1,198)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	12	46.96
(1,340)	1:A:158:VAL:C	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	2	46.95
(1,228)	1:A:75:LEU:C	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	6	46.95
(1,302)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	16	46.94
(1,228)	1:A:75:LEU:C	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	4	46.91
(1,342)	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1	46.88
(1,287)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	17	46.86
(1,201)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	5	46.85
(1,360)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	9	46.84
(1,324)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	1	46.84
(1,296)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	2	46.8
(1,277)	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	14	46.8
(1,233)	1:A:87:PRO:N	1:A:87:PRO:CA	1:A:87:PRO:C	1:A:88:ILE:N	2	46.78
(1,220)	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	18	46.77
(1,193)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	5	46.74
(1,242)	1:A:93:THR:N	1:A:93:THR:CA	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1	46.73
(1,179)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	8	46.71
(1,314)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	12	46.67
(1,193)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	1	46.66
(1,324)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	14	46.64
(1,337)	1:A:157:GLY:C	1:A:158:VAL:N	1:A:158:VAL:CA	1:A:158:VAL:C	6	46.62
(1,335)	1:A:156:LYS:C	1:A:157:GLY:N	1:A:157:GLY:CA	1:A:157:GLY:C	13	46.6
(1,303)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	13	46.53
(1,233)	1:A:87:PRO:N	1:A:87:PRO:CA	1:A:87:PRO:C	1:A:88:ILE:N	11	46.5
(1,284)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	4	46.45
(1,252)	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	20	46.42
(1,173)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	16	46.41
(1,305)	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	10	46.37
(1,168)	1:A:14:PRO:N	1:A:14:PRO:CA	1:A:14:PRO:C	1:A:15:VAL:N	5	46.36
(1,307)	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	3	46.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,233)	1:A:87:PRO:N	1:A:87:PRO:CA	1:A:87:PRO:C	1:A:88:ILE:N	14	46.22
(1,305)	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	20	46.19
(1,297)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	11	46.11
(1,348)	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	17	46.09
(1,337)	1:A:157:GLY:C	1:A:158:VAL:N	1:A:158:VAL:CA	1:A:158:VAL:C	20	46.07
(1,163)	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	1:A:4:GLU:N	7	45.98
(1,215)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	10	45.97
(1,264)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	14	45.96
(1,335)	1:A:156:LYS:C	1:A:157:GLY:N	1:A:157:GLY:CA	1:A:157:GLY:C	10	45.92
(1,324)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	19	45.82
(1,342)	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	13	45.81
(1,298)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	8	45.81
(1,287)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	2	45.76
(1,285)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	2	45.76
(1,330)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	16	45.75
(1,362)	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	10	45.74
(1,285)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	5	45.74
(1,215)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	15	45.74
(1,360)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	16	45.67
(1,242)	1:A:93:THR:N	1:A:93:THR:CA	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	19	45.56
(1,324)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	7	45.51
(1,299)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	19	45.51
(1,168)	1:A:14:PRO:N	1:A:14:PRO:CA	1:A:14:PRO:C	1:A:15:VAL:N	10	45.49
(1,335)	1:A:156:LYS:C	1:A:157:GLY:N	1:A:157:GLY:CA	1:A:157:GLY:C	12	45.45
(1,215)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	12	45.45
(1,293)	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	1:A:112:GLY:CA	1:A:112:GLY:C	12	45.39
(1,215)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	11	45.38
(1,311)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	12	45.33
(1,351)	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	14	45.26
(1,253)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	9	45.24
(1,307)	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	19	45.2
(1,287)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	12	45.2
(1,219)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	17	45.18
(1,283)	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	13	45.14
(1,324)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	8	44.99
(1,355)	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	1:A:164:LYS:CA	1:A:164:LYS:C	3	44.98
(1,270)	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	18	44.97
(1,215)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	5	44.97
(1,264)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	2	44.92
(1,363)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	15	44.91
(1,308)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	15	44.91
(1,311)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	19	44.87
(1,246)	1:A:95:PRO:N	1:A:95:PRO:CA	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	17	44.82
(1,161)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	5	44.78
(1,236)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	6	44.69
(1,233)	1:A:87:PRO:N	1:A:87:PRO:CA	1:A:87:PRO:C	1:A:88:ILE:N	3	44.69
(1,330)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	13	44.63
(1,349)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	10	44.61
(1,215)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	18	44.56
(1,183)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	5	44.55
(1,294)	1:A:112:GLY:C	1:A:113:GLY:N	1:A:113:GLY:CA	1:A:113:GLY:C	11	44.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,253)	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	6	44.54
(1,347)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	15	44.51
(1,364)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	8	44.5
(1,346)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	14	44.5
(1,184)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	6	44.48
(1,193)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	13	44.4
(1,220)	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	6	44.39
(1,318)	1:A:127:ARG:C	1:A:128:ASN:N	1:A:128:ASN:CA	1:A:128:ASN:C	20	44.36
(1,242)	1:A:93:THR:N	1:A:93:THR:CA	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	12	44.36
(1,209)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	7	44.33
(1,281)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	1	44.31
(1,215)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	20	44.28
(1,277)	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	18	44.25
(1,179)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	3	44.22
(1,357)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	17	44.17
(1,352)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	15	44.17
(1,219)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	10	43.99
(1,335)	1:A:156:LYS:C	1:A:157:GLY:N	1:A:157:GLY:CA	1:A:157:GLY:C	5	43.96
(1,359)	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	10	43.94
(1,176)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	10	43.92
(1,307)	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	16	43.9
(1,250)	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	1	43.86
(1,176)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	5	43.86
(1,161)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	8	43.84
(1,284)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	19	43.83
(1,236)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	16	43.83
(1,270)	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	16	43.8
(1,168)	1:A:14:PRO:N	1:A:14:PRO:CA	1:A:14:PRO:C	1:A:15:VAL:N	2	43.8
(1,204)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	6	43.79
(1,168)	1:A:14:PRO:N	1:A:14:PRO:CA	1:A:14:PRO:C	1:A:15:VAL:N	18	43.78
(1,337)	1:A:157:GLY:C	1:A:158:VAL:N	1:A:158:VAL:CA	1:A:158:VAL:C	12	43.71
(1,302)	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	11	43.71
(1,112)	1:A:85:ASP:N	1:A:85:ASP:CA	1:A:85:ASP:C	1:A:86:ILE:N	9	43.71
(1,189)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	20	43.69
(1,277)	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	16	43.66
(1,326)	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	10	43.64
(1,189)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	15	43.64
(1,185)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	2	43.62
(1,362)	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	17	43.6
(1,297)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	7	43.56
(1,236)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	10	43.52
(1,228)	1:A:75:LEU:C	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	11	43.48
(1,199)	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	8	43.48
(1,250)	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	9	43.46
(1,215)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	7	43.46
(1,349)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	20	43.44
(1,176)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	4	43.44
(1,264)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	10	43.42
(1,337)	1:A:157:GLY:C	1:A:158:VAL:N	1:A:158:VAL:CA	1:A:158:VAL:C	3	43.4
(1,340)	1:A:158:VAL:C	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	13	43.39
(1,337)	1:A:157:GLY:C	1:A:158:VAL:N	1:A:158:VAL:CA	1:A:158:VAL:C	17	43.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,246)	1:A:95:PRO:N	1:A:95:PRO:CA	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	8	43.21
(1,355)	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	1:A:164:LYS:CA	1:A:164:LYS:C	10	43.2
(1,331)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	18	43.19
(1,305)	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	5	43.16
(1,277)	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1	43.16
(1,309)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	17	43.15
(1,318)	1:A:127:ARG:C	1:A:128:ASN:N	1:A:128:ASN:CA	1:A:128:ASN:C	18	43.14
(1,307)	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	18	43.14
(1,230)	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	1:A:77:LYS:N	19	43.07
(1,363)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	12	43.06
(1,311)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1	43.03
(1,236)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	3	43.02
(1,168)	1:A:14:PRO:N	1:A:14:PRO:CA	1:A:14:PRO:C	1:A:15:VAL:N	16	43.01
(1,294)	1:A:112:GLY:C	1:A:113:GLY:N	1:A:113:GLY:CA	1:A:113:GLY:C	3	42.94
(1,311)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	9	42.91
(1,342)	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	17	42.89
(1,275)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	18	42.88
(1,335)	1:A:156:LYS:C	1:A:157:GLY:N	1:A:157:GLY:CA	1:A:157:GLY:C	19	42.83
(1,200)	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	11	42.83
(1,173)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	20	42.81
(1,93)	1:A:72:ILE:C	1:A:73:HIS:N	1:A:73:HIS:CA	1:A:73:HIS:C	5	42.79
(1,326)	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	3	42.78
(1,351)	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	5	42.74
(1,301)	1:A:115:ILE:N	1:A:115:ILE:CA	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	7	42.64
(1,178)	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	6	42.64
(1,308)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	3	42.62
(1,176)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	18	42.59
(1,350)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	5	42.55
(1,176)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	1	42.55
(1,337)	1:A:157:GLY:C	1:A:158:VAL:N	1:A:158:VAL:CA	1:A:158:VAL:C	1	42.54
(1,351)	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	17	42.5
(1,284)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	20	42.5
(1,347)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	16	42.43
(1,349)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	13	42.3
(1,289)	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	3	42.29
(1,220)	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	15	42.28
(1,173)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	19	42.2
(1,335)	1:A:156:LYS:C	1:A:157:GLY:N	1:A:157:GLY:CA	1:A:157:GLY:C	7	42.13
(1,326)	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	20	42.1
(1,301)	1:A:115:ILE:N	1:A:115:ILE:CA	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	11	42.1
(1,314)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	8	42.07
(1,359)	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	11	42.05
(1,270)	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	2	42.02
(1,314)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	17	42.0
(1,296)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	19	41.99
(1,281)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	16	41.96
(1,93)	1:A:72:ILE:C	1:A:73:HIS:N	1:A:73:HIS:CA	1:A:73:HIS:C	17	41.94
(1,353)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	1	41.94
(1,210)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	4	41.92
(1,342)	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	15	41.89
(1,304)	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	10	41.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,359)	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1	41.77
(1,264)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	1	41.76
(1,305)	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	12	41.74
(1,294)	1:A:112:GLY:C	1:A:113:GLY:N	1:A:113:GLY:CA	1:A:113:GLY:C	18	41.74
(1,298)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	18	41.73
(1,264)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	19	41.72
(1,252)	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	7	41.72
(1,305)	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	16	41.71
(1,285)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	10	41.71
(1,205)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	10	41.67
(1,281)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	6	41.66
(1,247)	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	5	41.63
(1,219)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	20	41.61
(1,337)	1:A:157:GLY:C	1:A:158:VAL:N	1:A:158:VAL:CA	1:A:158:VAL:C	18	41.52
(1,311)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	16	41.49
(1,364)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	6	41.47
(1,236)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	12	41.43
(1,287)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	6	41.37
(1,252)	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	14	41.36
(1,269)	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	8	41.35
(1,272)	1:A:104:GLY:C	1:A:105:LYS:N	1:A:105:LYS:CA	1:A:105:LYS:C	9	41.33
(1,215)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	13	41.33
(1,173)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	9	41.32
(1,296)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	16	41.31
(1,201)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	16	41.27
(1,349)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	8	41.22
(1,275)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	8	41.21
(1,301)	1:A:115:ILE:N	1:A:115:ILE:CA	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	18	41.14
(1,233)	1:A:87:PRO:N	1:A:87:PRO:CA	1:A:87:PRO:C	1:A:88:ILE:N	16	41.11
(1,215)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	8	41.11
(1,290)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	7	41.1
(1,343)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	9	41.09
(1,246)	1:A:95:PRO:N	1:A:95:PRO:CA	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	19	41.09
(1,183)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	12	41.09
(1,348)	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	9	41.07
(1,200)	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	10	41.04
(1,161)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	9	41.02
(1,255)	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	9	41.0
(1,264)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	17	40.99
(1,360)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	5	40.93
(1,201)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	17	40.9
(1,112)	1:A:85:ASP:N	1:A:85:ASP:CA	1:A:85:ASP:C	1:A:86:ILE:N	6	40.87
(1,215)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	16	40.83
(1,307)	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	9	40.81
(1,335)	1:A:156:LYS:C	1:A:157:GLY:N	1:A:157:GLY:CA	1:A:157:GLY:C	18	40.8
(1,230)	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	1:A:77:LYS:N	3	40.79
(1,270)	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	15	40.78
(1,330)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	3	40.71
(1,236)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	8	40.71
(1,215)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	4	40.71
(1,305)	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	2	40.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,304)	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	15	40.69
(1,296)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	14	40.68
(1,93)	1:A:72:ILE:C	1:A:73:HIS:N	1:A:73:HIS:CA	1:A:73:HIS:C	10	40.64
(1,184)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	13	40.63
(1,311)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	14	40.58
(1,161)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	2	40.57
(1,242)	1:A:93:THR:N	1:A:93:THR:CA	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	3	40.47
(1,289)	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	18	40.45
(1,188)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	8	40.45
(1,93)	1:A:72:ILE:C	1:A:73:HIS:N	1:A:73:HIS:CA	1:A:73:HIS:C	1	40.41
(1,246)	1:A:95:PRO:N	1:A:95:PRO:CA	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	11	40.38
(1,287)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	15	40.36
(1,278)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	15	40.36
(1,318)	1:A:127:ARG:C	1:A:128:ASN:N	1:A:128:ASN:CA	1:A:128:ASN:C	13	40.35
(1,236)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	5	40.19
(1,308)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	6	40.14
(1,363)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	20	40.13
(1,186)	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	13	40.1
(1,277)	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	5	40.04
(1,176)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	2	40.03
(1,293)	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	1:A:112:GLY:CA	1:A:112:GLY:C	19	40.0
(1,346)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	19	39.99
(1,343)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	6	39.98
(1,183)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	13	39.96
(1,219)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	14	39.92
(1,335)	1:A:156:LYS:C	1:A:157:GLY:N	1:A:157:GLY:CA	1:A:157:GLY:C	2	39.88
(1,301)	1:A:115:ILE:N	1:A:115:ILE:CA	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	8	39.85
(1,236)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	18	39.83
(1,278)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	14	39.82
(1,335)	1:A:156:LYS:C	1:A:157:GLY:N	1:A:157:GLY:CA	1:A:157:GLY:C	1	39.71
(1,355)	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	1:A:164:LYS:CA	1:A:164:LYS:C	13	39.69
(1,233)	1:A:87:PRO:N	1:A:87:PRO:CA	1:A:87:PRO:C	1:A:88:ILE:N	8	39.69
(1,307)	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	7	39.68
(1,252)	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	15	39.6
(1,247)	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	15	39.59
(1,330)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	11	39.57
(1,185)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	1	39.57
(1,342)	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	18	39.53
(1,337)	1:A:157:GLY:C	1:A:158:VAL:N	1:A:158:VAL:CA	1:A:158:VAL:C	14	39.53
(1,261)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	13	39.53
(1,189)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	12	39.5
(1,311)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	11	39.48
(1,246)	1:A:95:PRO:N	1:A:95:PRO:CA	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	9	39.47
(1,335)	1:A:156:LYS:C	1:A:157:GLY:N	1:A:157:GLY:CA	1:A:157:GLY:C	11	39.45
(1,277)	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	15	39.45
(1,186)	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	17	39.45
(1,93)	1:A:72:ILE:C	1:A:73:HIS:N	1:A:73:HIS:CA	1:A:73:HIS:C	6	39.44
(1,277)	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	6	39.41
(1,308)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	11	39.36
(1,193)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	8	39.33
(1,278)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	16	39.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,176)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	3	39.32
(1,193)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	16	39.31
(1,180)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	18	39.28
(1,340)	1:A:158:VAL:C	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	4	39.25
(1,247)	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	18	39.23
(1,236)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	11	39.21
(1,326)	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	11	39.18
(1,242)	1:A:93:THR:N	1:A:93:THR:CA	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	8	39.18
(1,335)	1:A:156:LYS:C	1:A:157:GLY:N	1:A:157:GLY:CA	1:A:157:GLY:C	8	39.14
(1,340)	1:A:158:VAL:C	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	6	39.07
(1,219)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	1	39.0
(1,163)	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	1:A:4:GLU:N	1	38.98
(1,112)	1:A:85:ASP:N	1:A:85:ASP:CA	1:A:85:ASP:C	1:A:86:ILE:N	3	38.96
(1,293)	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	1:A:112:GLY:CA	1:A:112:GLY:C	7	38.89
(1,346)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	11	38.87
(1,344)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	5	38.85
(1,351)	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	12	38.84
(1,189)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	9	38.84
(1,340)	1:A:158:VAL:C	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	1	38.82
(1,330)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	4	38.8
(1,246)	1:A:95:PRO:N	1:A:95:PRO:CA	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	12	38.77
(1,215)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	2	38.73
(1,311)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	8	38.69
(1,230)	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	1:A:77:LYS:N	4	38.69
(1,335)	1:A:156:LYS:C	1:A:157:GLY:N	1:A:157:GLY:CA	1:A:157:GLY:C	3	38.62
(1,219)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	8	38.55
(1,299)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	20	38.5
(1,264)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	18	38.5
(1,340)	1:A:158:VAL:C	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	7	38.49
(1,311)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	13	38.48
(1,318)	1:A:127:ARG:C	1:A:128:ASN:N	1:A:128:ASN:CA	1:A:128:ASN:C	10	38.47
(1,264)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	4	38.47
(1,314)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	4	38.44
(1,193)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	17	38.43
(1,286)	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	5	38.38
(1,343)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	12	38.36
(1,357)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	3	38.35
(1,294)	1:A:112:GLY:C	1:A:113:GLY:N	1:A:113:GLY:CA	1:A:113:GLY:C	9	38.34
(1,247)	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	13	38.31
(1,189)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	5	38.29
(1,177)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	6	38.26
(1,311)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	17	38.25
(1,215)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	17	38.24
(1,204)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	17	38.22
(1,236)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	2	38.19
(1,337)	1:A:157:GLY:C	1:A:158:VAL:N	1:A:158:VAL:CA	1:A:158:VAL:C	8	38.17
(1,230)	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	1:A:77:LYS:N	5	38.14
(1,281)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	4	38.11
(1,209)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	4	38.08
(1,173)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	18	38.07
(1,201)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	3	38.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,183)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	15	38.03
(1,176)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	11	37.97
(1,278)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	1	37.94
(1,270)	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	10	37.93
(1,297)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	18	37.9
(1,286)	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	11	37.9
(1,170)	1:A:15:VAL:N	1:A:15:VAL:CA	1:A:15:VAL:C	1:A:16:LEU:N	5	37.88
(1,189)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	17	37.81
(1,355)	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	1:A:164:LYS:CA	1:A:164:LYS:C	20	37.67
(1,261)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	7	37.65
(1,315)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	11	37.64
(1,311)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	3	37.61
(1,293)	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	1:A:112:GLY:CA	1:A:112:GLY:C	9	37.61
(1,242)	1:A:93:THR:N	1:A:93:THR:CA	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	13	37.58
(1,242)	1:A:93:THR:N	1:A:93:THR:CA	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	10	37.52
(1,351)	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	16	37.51
(1,189)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	13	37.51
(1,252)	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	10	37.43
(1,301)	1:A:115:ILE:N	1:A:115:ILE:CA	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	14	37.39
(1,185)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	19	37.38
(1,264)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	6	37.36
(1,305)	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	7	37.35
(1,289)	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	10	37.33
(1,264)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	9	37.33
(1,170)	1:A:15:VAL:N	1:A:15:VAL:CA	1:A:15:VAL:C	1:A:16:LEU:N	19	37.3
(1,307)	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	13	37.26
(1,236)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	4	37.23
(1,281)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	15	37.18
(1,170)	1:A:15:VAL:N	1:A:15:VAL:CA	1:A:15:VAL:C	1:A:16:LEU:N	18	37.17
(1,233)	1:A:87:PRO:N	1:A:87:PRO:CA	1:A:87:PRO:C	1:A:88:ILE:N	15	37.14
(1,365)	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	1:A:168:LEU:N	8	37.13
(1,293)	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	1:A:112:GLY:CA	1:A:112:GLY:C	10	37.1
(1,173)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	2	37.07
(1,289)	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	9	37.01
(1,279)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	7	37.0
(1,301)	1:A:115:ILE:N	1:A:115:ILE:CA	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	16	36.99
(1,326)	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	18	36.95
(1,305)	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	14	36.9
(1,342)	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	6	36.89
(1,299)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	15	36.86
(1,180)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	11	36.84
(1,170)	1:A:15:VAL:N	1:A:15:VAL:CA	1:A:15:VAL:C	1:A:16:LEU:N	16	36.83
(1,324)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	13	36.8
(1,298)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	4	36.77
(1,185)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	3	36.77
(1,362)	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	14	36.71
(1,330)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	19	36.68
(1,281)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	11	36.67
(1,201)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	15	36.67
(1,247)	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	19	36.66
(1,168)	1:A:14:PRO:N	1:A:14:PRO:CA	1:A:14:PRO:C	1:A:15:VAL:N	12	36.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,246)	1:A:95:PRO:N	1:A:95:PRO:CA	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	13	36.65
(1,182)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	16	36.59
(1,242)	1:A:93:THR:N	1:A:93:THR:CA	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	5	36.57
(1,311)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	15	36.52
(1,326)	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	16	36.49
(1,170)	1:A:15:VAL:N	1:A:15:VAL:CA	1:A:15:VAL:C	1:A:16:LEU:N	3	36.46
(1,272)	1:A:104:GLY:C	1:A:105:LYS:N	1:A:105:LYS:CA	1:A:105:LYS:C	3	36.45
(1,189)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	10	36.44
(1,243)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	2	36.41
(1,236)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	15	36.41
(1,252)	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	18	36.4
(1,252)	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	13	36.38
(1,242)	1:A:93:THR:N	1:A:93:THR:CA	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	15	36.34
(1,112)	1:A:85:ASP:N	1:A:85:ASP:CA	1:A:85:ASP:C	1:A:86:ILE:N	12	36.34
(1,299)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	3	36.32
(1,290)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	17	36.23
(1,280)	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	7	36.2
(1,335)	1:A:156:LYS:C	1:A:157:GLY:N	1:A:157:GLY:CA	1:A:157:GLY:C	4	36.19
(1,311)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	6	36.19
(1,346)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	17	36.17
(1,363)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	4	36.14
(1,261)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	10	36.09
(1,220)	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	13	36.08
(1,360)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	4	36.05
(1,270)	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	9	36.02
(1,359)	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	12	36.0
(1,335)	1:A:156:LYS:C	1:A:157:GLY:N	1:A:157:GLY:CA	1:A:157:GLY:C	17	36.0
(1,233)	1:A:87:PRO:N	1:A:87:PRO:CA	1:A:87:PRO:C	1:A:88:ILE:N	6	35.98
(1,337)	1:A:157:GLY:C	1:A:158:VAL:N	1:A:158:VAL:CA	1:A:158:VAL:C	10	35.95
(1,246)	1:A:95:PRO:N	1:A:95:PRO:CA	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	3	35.93
(1,236)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	19	35.91
(1,301)	1:A:115:ILE:N	1:A:115:ILE:CA	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	12	35.85
(1,188)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	18	35.81
(1,315)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	6	35.79
(1,252)	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	17	35.75
(1,324)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	3	35.74
(1,272)	1:A:104:GLY:C	1:A:105:LYS:N	1:A:105:LYS:CA	1:A:105:LYS:C	14	35.67
(1,210)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	7	35.67
(1,363)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	13	35.66
(1,343)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	1	35.65
(1,275)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	20	35.65
(1,215)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	1	35.64
(1,285)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	11	35.62
(1,314)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	7	35.58
(1,163)	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	1:A:4:GLU:N	5	35.57
(1,363)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	10	35.56
(1,220)	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	16	35.54
(1,330)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	8	35.49
(1,193)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	12	35.48
(1,289)	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	15	35.43
(1,161)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	15	35.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,314)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	16	35.38
(1,163)	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	1:A:4:GLU:N	2	35.31
(1,311)	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	18	35.26
(1,233)	1:A:87:PRO:N	1:A:87:PRO:CA	1:A:87:PRO:C	1:A:88:ILE:N	10	35.26
(1,183)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	9	35.24
(1,294)	1:A:112:GLY:C	1:A:113:GLY:N	1:A:113:GLY:CA	1:A:113:GLY:C	13	35.19
(1,193)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	4	35.16
(1,326)	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	4	35.04
(1,315)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	20	35.03
(1,335)	1:A:156:LYS:C	1:A:157:GLY:N	1:A:157:GLY:CA	1:A:157:GLY:C	9	34.99
(1,228)	1:A:75:LEU:C	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	12	34.98
(1,180)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	10	34.98
(1,324)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	17	34.95
(1,236)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	9	34.95
(1,247)	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	17	34.94
(1,315)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	5	34.93
(1,276)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	1	34.91
(1,109)	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	1:A:84:PHE:CA	1:A:84:PHE:C	6	34.89
(1,330)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	12	34.84
(1,189)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	11	34.84
(1,292)	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	18	34.82
(1,318)	1:A:127:ARG:C	1:A:128:ASN:N	1:A:128:ASN:CA	1:A:128:ASN:C	4	34.76
(1,247)	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	2	34.74
(1,220)	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	14	34.74
(1,337)	1:A:157:GLY:C	1:A:158:VAL:N	1:A:158:VAL:CA	1:A:158:VAL:C	2	34.7
(1,106)	1:A:82:ILE:N	1:A:82:ILE:CA	1:A:82:ILE:C	1:A:83:GLU:N	1	34.68
(1,326)	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	17	34.61
(1,340)	1:A:158:VAL:C	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	19	34.53
(1,172)	1:A:16:LEU:N	1:A:16:LEU:CA	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	3	34.53
(1,170)	1:A:15:VAL:N	1:A:15:VAL:CA	1:A:15:VAL:C	1:A:16:LEU:N	13	34.53
(1,93)	1:A:72:ILE:C	1:A:73:HIS:N	1:A:73:HIS:CA	1:A:73:HIS:C	13	34.5
(1,355)	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	1:A:164:LYS:CA	1:A:164:LYS:C	17	34.45
(1,93)	1:A:72:ILE:C	1:A:73:HIS:N	1:A:73:HIS:CA	1:A:73:HIS:C	11	34.43
(1,186)	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	6	34.38
(1,261)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	18	34.36
(1,189)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	19	34.33
(1,185)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	17	34.3
(1,112)	1:A:85:ASP:N	1:A:85:ASP:CA	1:A:85:ASP:C	1:A:86:ILE:N	7	34.22
(1,170)	1:A:15:VAL:N	1:A:15:VAL:CA	1:A:15:VAL:C	1:A:16:LEU:N	4	34.2
(1,343)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	16	34.17
(1,305)	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	4	34.17
(1,365)	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	1:A:168:LEU:N	20	34.16
(1,280)	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	10	34.11
(1,324)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	5	34.08
(1,233)	1:A:87:PRO:N	1:A:87:PRO:CA	1:A:87:PRO:C	1:A:88:ILE:N	18	34.05
(1,315)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	7	34.03
(1,220)	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	4	34.01
(1,213)	1:A:61:GLU:C	1:A:62:GLY:N	1:A:62:GLY:CA	1:A:62:GLY:C	15	33.99
(1,362)	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	7	33.96
(1,168)	1:A:14:PRO:N	1:A:14:PRO:CA	1:A:14:PRO:C	1:A:15:VAL:N	14	33.94
(1,183)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	4	33.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,246)	1:A:95:PRO:N	1:A:95:PRO:CA	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	7	33.92
(1,261)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	1	33.87
(1,93)	1:A:72:ILE:C	1:A:73:HIS:N	1:A:73:HIS:CA	1:A:73:HIS:C	2	33.85
(1,173)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	14	33.85
(1,355)	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	1:A:164:LYS:CA	1:A:164:LYS:C	16	33.82
(1,252)	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	12	33.82
(1,200)	1:A:51:ASN:N	1:A:51:ASN:CA	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	12	33.79
(1,287)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	13	33.77
(1,112)	1:A:85:ASP:N	1:A:85:ASP:CA	1:A:85:ASP:C	1:A:86:ILE:N	16	33.76
(1,277)	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	12	33.65
(1,213)	1:A:61:GLU:C	1:A:62:GLY:N	1:A:62:GLY:CA	1:A:62:GLY:C	12	33.63
(1,170)	1:A:15:VAL:N	1:A:15:VAL:CA	1:A:15:VAL:C	1:A:16:LEU:N	17	33.62
(1,315)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	1	33.56
(1,346)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	20	33.54
(1,351)	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	7	33.48
(1,337)	1:A:157:GLY:C	1:A:158:VAL:N	1:A:158:VAL:CA	1:A:158:VAL:C	7	33.45
(1,345)	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	11	33.42
(1,301)	1:A:115:ILE:N	1:A:115:ILE:CA	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	13	33.42
(1,106)	1:A:82:ILE:N	1:A:82:ILE:CA	1:A:82:ILE:C	1:A:83:GLU:N	13	33.38
(1,106)	1:A:82:ILE:N	1:A:82:ILE:CA	1:A:82:ILE:C	1:A:83:GLU:N	18	33.36
(1,352)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	12	33.25
(1,277)	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	3	33.21
(1,307)	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	5	33.16
(1,106)	1:A:82:ILE:N	1:A:82:ILE:CA	1:A:82:ILE:C	1:A:83:GLU:N	5	33.16
(1,304)	1:A:116:CYS:N	1:A:116:CYS:CA	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	13	33.07
(1,360)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	2	33.06
(1,93)	1:A:72:ILE:C	1:A:73:HIS:N	1:A:73:HIS:CA	1:A:73:HIS:C	7	33.03
(1,201)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	1	32.89
(1,301)	1:A:115:ILE:N	1:A:115:ILE:CA	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	6	32.82
(1,347)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	1	32.76
(1,343)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	13	32.76
(1,252)	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	11	32.76
(1,270)	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	7	32.74
(1,275)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	11	32.72
(1,112)	1:A:85:ASP:N	1:A:85:ASP:CA	1:A:85:ASP:C	1:A:86:ILE:N	14	32.71
(1,278)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	9	32.7
(1,93)	1:A:72:ILE:C	1:A:73:HIS:N	1:A:73:HIS:CA	1:A:73:HIS:C	16	32.65
(1,305)	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	17	32.65
(1,219)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	3	32.65
(1,219)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	7	32.64
(1,264)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	11	32.62
(1,243)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	10	32.62
(1,242)	1:A:93:THR:N	1:A:93:THR:CA	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	4	32.62
(1,243)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	15	32.59
(1,170)	1:A:15:VAL:N	1:A:15:VAL:CA	1:A:15:VAL:C	1:A:16:LEU:N	7	32.58
(1,354)	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	6	32.51
(1,230)	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	1:A:77:LYS:N	12	32.49
(1,189)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	16	32.46
(1,342)	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	5	32.45
(1,291)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	9	32.43
(1,213)	1:A:61:GLU:C	1:A:62:GLY:N	1:A:62:GLY:CA	1:A:62:GLY:C	7	32.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,355)	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	1:A:164:LYS:CA	1:A:164:LYS:C	4	32.39
(1,233)	1:A:87:PRO:N	1:A:87:PRO:CA	1:A:87:PRO:C	1:A:88:ILE:N	17	32.39
(1,362)	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	9	32.38
(1,215)	1:A:62:GLY:C	1:A:63:THR:N	1:A:63:THR:CA	1:A:63:THR:C	6	32.37
(1,213)	1:A:61:GLU:C	1:A:62:GLY:N	1:A:62:GLY:CA	1:A:62:GLY:C	19	32.34
(1,354)	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	20	32.24
(1,349)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	18	32.21
(1,330)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	9	32.21
(1,321)	1:A:130:PRO:C	1:A:131:LYS:N	1:A:131:LYS:CA	1:A:131:LYS:C	3	32.21
(1,289)	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	5	32.21
(1,170)	1:A:15:VAL:N	1:A:15:VAL:CA	1:A:15:VAL:C	1:A:16:LEU:N	8	32.21
(1,106)	1:A:82:ILE:N	1:A:82:ILE:CA	1:A:82:ILE:C	1:A:83:GLU:N	4	32.19
(1,170)	1:A:15:VAL:N	1:A:15:VAL:CA	1:A:15:VAL:C	1:A:16:LEU:N	9	32.15
(1,112)	1:A:85:ASP:N	1:A:85:ASP:CA	1:A:85:ASP:C	1:A:86:ILE:N	8	32.14
(1,180)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	20	32.11
(1,170)	1:A:15:VAL:N	1:A:15:VAL:CA	1:A:15:VAL:C	1:A:16:LEU:N	6	32.02
(1,324)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	16	32.01
(1,276)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	2	31.98
(1,185)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	20	31.85
(1,354)	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	19	31.81
(1,326)	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	6	31.73
(1,296)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	8	31.73
(1,286)	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	17	31.7
(1,219)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	13	31.66
(1,347)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	9	31.65
(1,314)	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	3	31.65
(1,261)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	2	31.65
(1,315)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	17	31.63
(1,193)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:ASP:N	1:A:24:ASP:CA	1:A:24:ASP:C	10	31.6
(1,170)	1:A:15:VAL:N	1:A:15:VAL:CA	1:A:15:VAL:C	1:A:16:LEU:N	11	31.6
(1,233)	1:A:87:PRO:N	1:A:87:PRO:CA	1:A:87:PRO:C	1:A:88:ILE:N	13	31.54
(1,277)	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	2	31.53
(1,201)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	20	31.49
(1,294)	1:A:112:GLY:C	1:A:113:GLY:N	1:A:113:GLY:CA	1:A:113:GLY:C	20	31.48
(1,286)	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	19	31.45
(1,112)	1:A:85:ASP:N	1:A:85:ASP:CA	1:A:85:ASP:C	1:A:86:ILE:N	15	31.4
(1,185)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	9	31.35
(1,321)	1:A:130:PRO:C	1:A:131:LYS:N	1:A:131:LYS:CA	1:A:131:LYS:C	2	31.28
(1,183)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	17	31.25
(1,250)	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	10	31.24
(1,252)	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	1	31.22
(1,213)	1:A:61:GLU:C	1:A:62:GLY:N	1:A:62:GLY:CA	1:A:62:GLY:C	17	31.21
(1,272)	1:A:104:GLY:C	1:A:105:LYS:N	1:A:105:LYS:CA	1:A:105:LYS:C	8	31.16
(1,186)	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	12	31.15
(1,230)	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	1:A:77:LYS:N	11	31.12
(1,207)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	19	31.12
(1,161)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	7	31.12
(1,278)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	5	31.09
(1,289)	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1	31.07
(1,326)	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	12	31.05
(1,170)	1:A:15:VAL:N	1:A:15:VAL:CA	1:A:15:VAL:C	1:A:16:LEU:N	15	31.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,321)	1:A:130:PRO:C	1:A:131:LYS:N	1:A:131:LYS:CA	1:A:131:LYS:C	13	31.02
(1,178)	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1	31.02
(1,250)	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	12	31.01
(1,228)	1:A:75:LEU:C	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	7	31.0
(1,186)	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	20	31.0
(1,233)	1:A:87:PRO:N	1:A:87:PRO:CA	1:A:87:PRO:C	1:A:88:ILE:N	5	30.99
(1,321)	1:A:130:PRO:C	1:A:131:LYS:N	1:A:131:LYS:CA	1:A:131:LYS:C	15	30.98
(1,287)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	5	30.98
(1,242)	1:A:93:THR:N	1:A:93:THR:CA	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	17	30.98
(1,233)	1:A:87:PRO:N	1:A:87:PRO:CA	1:A:87:PRO:C	1:A:88:ILE:N	9	30.96
(1,247)	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	14	30.94
(1,355)	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	1:A:164:LYS:CA	1:A:164:LYS:C	8	30.91
(1,233)	1:A:87:PRO:N	1:A:87:PRO:CA	1:A:87:PRO:C	1:A:88:ILE:N	19	30.89
(1,219)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	6	30.88
(1,352)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	17	30.86
(1,360)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	19	30.85
(1,301)	1:A:115:ILE:N	1:A:115:ILE:CA	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	4	30.83
(1,213)	1:A:61:GLU:C	1:A:62:GLY:N	1:A:62:GLY:CA	1:A:62:GLY:C	4	30.82
(1,213)	1:A:61:GLU:C	1:A:62:GLY:N	1:A:62:GLY:CA	1:A:62:GLY:C	18	30.8
(1,177)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	12	30.79
(1,321)	1:A:130:PRO:C	1:A:131:LYS:N	1:A:131:LYS:CA	1:A:131:LYS:C	12	30.77
(1,236)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	20	30.69
(1,176)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	14	30.68
(1,250)	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	4	30.64
(1,106)	1:A:82:ILE:N	1:A:82:ILE:CA	1:A:82:ILE:C	1:A:83:GLU:N	11	30.62
(1,108)	1:A:83:GLU:N	1:A:83:GLU:CA	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	5	30.6
(1,112)	1:A:85:ASP:N	1:A:85:ASP:CA	1:A:85:ASP:C	1:A:86:ILE:N	18	30.58
(1,280)	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	14	30.55
(1,250)	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	16	30.55
(1,321)	1:A:130:PRO:C	1:A:131:LYS:N	1:A:131:LYS:CA	1:A:131:LYS:C	9	30.54
(1,289)	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	19	30.54
(1,321)	1:A:130:PRO:C	1:A:131:LYS:N	1:A:131:LYS:CA	1:A:131:LYS:C	17	30.53
(1,299)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	9	30.53
(1,233)	1:A:87:PRO:N	1:A:87:PRO:CA	1:A:87:PRO:C	1:A:88:ILE:N	20	30.53
(1,204)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	13	30.53
(1,346)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	6	30.52
(1,321)	1:A:130:PRO:C	1:A:131:LYS:N	1:A:131:LYS:CA	1:A:131:LYS:C	5	30.51
(1,243)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	8	30.49
(1,252)	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	5	30.42
(1,225)	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	1:A:75:LEU:CA	1:A:75:LEU:C	12	30.4
(1,225)	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	1:A:75:LEU:CA	1:A:75:LEU:C	3	30.36
(1,233)	1:A:87:PRO:N	1:A:87:PRO:CA	1:A:87:PRO:C	1:A:88:ILE:N	4	30.34
(1,106)	1:A:82:ILE:N	1:A:82:ILE:CA	1:A:82:ILE:C	1:A:83:GLU:N	3	30.34
(1,108)	1:A:83:GLU:N	1:A:83:GLU:CA	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	16	30.33
(1,343)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	17	30.32
(1,312)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	6	30.32
(1,286)	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	2	30.32
(1,185)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	7	30.32
(1,281)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	3	30.31
(1,242)	1:A:93:THR:N	1:A:93:THR:CA	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	14	30.31
(1,355)	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	1:A:164:LYS:CA	1:A:164:LYS:C	2	30.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,321)	1:A:130:PRO:C	1:A:131:LYS:N	1:A:131:LYS:CA	1:A:131:LYS:C	20	30.24
(1,170)	1:A:15:VAL:N	1:A:15:VAL:CA	1:A:15:VAL:C	1:A:16:LEU:N	2	30.21
(1,315)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	2	30.18
(1,176)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	13	30.17
(1,340)	1:A:158:VAL:C	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	9	30.16
(1,108)	1:A:83:GLU:N	1:A:83:GLU:CA	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	10	30.12
(1,275)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	9	30.1
(1,321)	1:A:130:PRO:C	1:A:131:LYS:N	1:A:131:LYS:CA	1:A:131:LYS:C	19	30.09
(1,321)	1:A:130:PRO:C	1:A:131:LYS:N	1:A:131:LYS:CA	1:A:131:LYS:C	14	30.07
(1,219)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	15	30.05
(1,213)	1:A:61:GLU:C	1:A:62:GLY:N	1:A:62:GLY:CA	1:A:62:GLY:C	6	30.03
(1,173)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	8	30.03
(1,219)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	4	30.0
(1,168)	1:A:14:PRO:N	1:A:14:PRO:CA	1:A:14:PRO:C	1:A:15:VAL:N	7	29.94
(1,290)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	11	29.9
(1,250)	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	19	29.9
(1,228)	1:A:75:LEU:C	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	15	29.87
(1,261)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	20	29.83
(1,185)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	18	29.83
(1,363)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	19	29.81
(1,242)	1:A:93:THR:N	1:A:93:THR:CA	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	6	29.73
(1,321)	1:A:130:PRO:C	1:A:131:LYS:N	1:A:131:LYS:CA	1:A:131:LYS:C	8	29.67
(1,213)	1:A:61:GLU:C	1:A:62:GLY:N	1:A:62:GLY:CA	1:A:62:GLY:C	14	29.66
(1,272)	1:A:104:GLY:C	1:A:105:LYS:N	1:A:105:LYS:CA	1:A:105:LYS:C	15	29.61
(1,233)	1:A:87:PRO:N	1:A:87:PRO:CA	1:A:87:PRO:C	1:A:88:ILE:N	1	29.6
(1,112)	1:A:85:ASP:N	1:A:85:ASP:CA	1:A:85:ASP:C	1:A:86:ILE:N	11	29.55
(1,109)	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	1:A:84:PHE:CA	1:A:84:PHE:C	5	29.54
(1,225)	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	1:A:75:LEU:CA	1:A:75:LEU:C	7	29.46
(1,247)	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	11	29.44
(1,326)	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	15	29.4
(1,242)	1:A:93:THR:N	1:A:93:THR:CA	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	9	29.4
(1,307)	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	20	29.38
(1,252)	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	16	29.38
(1,250)	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	5	29.35
(1,170)	1:A:15:VAL:N	1:A:15:VAL:CA	1:A:15:VAL:C	1:A:16:LEU:N	20	29.29
(1,108)	1:A:83:GLU:N	1:A:83:GLU:CA	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	2	29.29
(1,305)	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	1	29.28
(1,180)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	16	29.17
(1,324)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	11	29.12
(1,278)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	20	29.1
(1,353)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	6	29.05
(1,261)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	8	29.03
(1,213)	1:A:61:GLU:C	1:A:62:GLY:N	1:A:62:GLY:CA	1:A:62:GLY:C	5	29.03
(1,330)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	10	28.99
(1,315)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	15	28.95
(1,277)	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	7	28.95
(1,250)	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	13	28.9
(1,219)	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	19	28.89
(1,207)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	11	28.87
(1,318)	1:A:127:ARG:C	1:A:128:ASN:N	1:A:128:ASN:CA	1:A:128:ASN:C	6	28.85
(1,243)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	20	28.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,108)	1:A:83:GLU:N	1:A:83:GLU:CA	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	9	28.82
(1,180)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	1	28.75
(1,109)	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	1:A:84:PHE:CA	1:A:84:PHE:C	14	28.75
(1,183)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	10	28.72
(1,290)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	10	28.71
(1,261)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	6	28.68
(1,321)	1:A:130:PRO:C	1:A:131:LYS:N	1:A:131:LYS:CA	1:A:131:LYS:C	10	28.66
(1,292)	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	9	28.66
(1,307)	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	12	28.65
(1,252)	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	3	28.64
(1,236)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	7	28.63
(1,350)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	19	28.62
(1,109)	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	1:A:84:PHE:CA	1:A:84:PHE:C	9	28.62
(1,172)	1:A:16:LEU:N	1:A:16:LEU:CA	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	10	28.59
(1,312)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	11	28.53
(1,291)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	4	28.51
(1,337)	1:A:157:GLY:C	1:A:158:VAL:N	1:A:158:VAL:CA	1:A:158:VAL:C	13	28.45
(1,284)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	3	28.45
(1,106)	1:A:82:ILE:N	1:A:82:ILE:CA	1:A:82:ILE:C	1:A:83:GLU:N	10	28.42
(1,315)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	14	28.4
(1,188)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	2	28.39
(1,108)	1:A:83:GLU:N	1:A:83:GLU:CA	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	1	28.39
(1,243)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	4	28.38
(1,207)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	15	28.38
(1,233)	1:A:87:PRO:N	1:A:87:PRO:CA	1:A:87:PRO:C	1:A:88:ILE:N	12	28.37
(1,225)	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	1:A:75:LEU:CA	1:A:75:LEU:C	19	28.34
(1,213)	1:A:61:GLU:C	1:A:62:GLY:N	1:A:62:GLY:CA	1:A:62:GLY:C	3	28.25
(1,189)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	6	28.22
(1,287)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	10	28.15
(1,108)	1:A:83:GLU:N	1:A:83:GLU:CA	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	8	28.06
(1,108)	1:A:83:GLU:N	1:A:83:GLU:CA	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	17	28.04
(1,108)	1:A:83:GLU:N	1:A:83:GLU:CA	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	4	28.01
(1,220)	1:A:66:PHE:N	1:A:66:PHE:CA	1:A:66:PHE:C	1:A:67:GLY:N	2	27.95
(1,188)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	4	27.95
(1,307)	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	4	27.93
(1,360)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	10	27.91
(1,207)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	20	27.91
(1,201)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	13	27.91
(1,321)	1:A:130:PRO:C	1:A:131:LYS:N	1:A:131:LYS:CA	1:A:131:LYS:C	18	27.89
(1,183)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	20	27.87
(1,250)	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	15	27.86
(1,321)	1:A:130:PRO:C	1:A:131:LYS:N	1:A:131:LYS:CA	1:A:131:LYS:C	16	27.81
(1,188)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	14	27.81
(1,236)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	13	27.79
(1,351)	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	10	27.77
(1,335)	1:A:156:LYS:C	1:A:157:GLY:N	1:A:157:GLY:CA	1:A:157:GLY:C	16	27.74
(1,250)	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	18	27.7
(1,225)	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	1:A:75:LEU:CA	1:A:75:LEU:C	2	27.65
(1,225)	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	1:A:75:LEU:CA	1:A:75:LEU:C	15	27.65
(1,362)	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	20	27.59
(1,324)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	12	27.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,363)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	1	27.49
(1,301)	1:A:115:ILE:N	1:A:115:ILE:CA	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	2	27.45
(1,108)	1:A:83:GLU:N	1:A:83:GLU:CA	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	15	27.42
(1,213)	1:A:61:GLU:C	1:A:62:GLY:N	1:A:62:GLY:CA	1:A:62:GLY:C	2	27.39
(1,290)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	18	27.38
(1,250)	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	7	27.38
(1,308)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	1	27.37
(1,170)	1:A:15:VAL:N	1:A:15:VAL:CA	1:A:15:VAL:C	1:A:16:LEU:N	1	27.36
(1,108)	1:A:83:GLU:N	1:A:83:GLU:CA	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	11	27.36
(1,106)	1:A:82:ILE:N	1:A:82:ILE:CA	1:A:82:ILE:C	1:A:83:GLU:N	19	27.34
(1,82)	1:A:65:TRP:N	1:A:65:TRP:CA	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	6	27.33
(1,360)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	7	27.28
(1,228)	1:A:75:LEU:C	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	19	27.22
(1,308)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	9	27.14
(1,189)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	3	27.11
(1,335)	1:A:156:LYS:C	1:A:157:GLY:N	1:A:157:GLY:CA	1:A:157:GLY:C	14	27.05
(1,189)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	1	27.03
(1,321)	1:A:130:PRO:C	1:A:131:LYS:N	1:A:131:LYS:CA	1:A:131:LYS:C	7	26.99
(1,308)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	20	26.98
(1,250)	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	8	26.97
(1,207)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	10	26.93
(1,225)	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	1:A:75:LEU:CA	1:A:75:LEU:C	6	26.92
(1,223)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	15	26.92
(1,185)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	11	26.92
(1,161)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	20	26.92
(1,202)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	9	26.91
(1,109)	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	1:A:84:PHE:CA	1:A:84:PHE:C	7	26.86
(1,225)	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	1:A:75:LEU:CA	1:A:75:LEU:C	13	26.84
(1,108)	1:A:83:GLU:N	1:A:83:GLU:CA	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	20	26.84
(1,93)	1:A:72:ILE:C	1:A:73:HIS:N	1:A:73:HIS:CA	1:A:73:HIS:C	9	26.82
(1,357)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	2	26.82
(1,335)	1:A:156:LYS:C	1:A:157:GLY:N	1:A:157:GLY:CA	1:A:157:GLY:C	20	26.8
(1,261)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	12	26.79
(1,315)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	12	26.75
(1,261)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	3	26.75
(1,82)	1:A:65:TRP:N	1:A:65:TRP:CA	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	15	26.73
(1,109)	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	1:A:84:PHE:CA	1:A:84:PHE:C	8	26.73
(1,278)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	11	26.7
(1,213)	1:A:61:GLU:C	1:A:62:GLY:N	1:A:62:GLY:CA	1:A:62:GLY:C	13	26.69
(1,252)	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	8	26.67
(1,213)	1:A:61:GLU:C	1:A:62:GLY:N	1:A:62:GLY:CA	1:A:62:GLY:C	9	26.67
(1,315)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	3	26.59
(1,308)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	12	26.59
(1,305)	1:A:116:CYS:C	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	18	26.58
(1,243)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	6	26.58
(1,82)	1:A:65:TRP:N	1:A:65:TRP:CA	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	19	26.57
(1,350)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	11	26.54
(1,342)	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	16	26.48
(1,340)	1:A:158:VAL:C	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	20	26.48
(1,213)	1:A:61:GLU:C	1:A:62:GLY:N	1:A:62:GLY:CA	1:A:62:GLY:C	1	26.48
(1,281)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	12	26.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,173)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	6	26.45
(1,106)	1:A:82:ILE:N	1:A:82:ILE:CA	1:A:82:ILE:C	1:A:83:GLU:N	16	26.37
(1,321)	1:A:130:PRO:C	1:A:131:LYS:N	1:A:131:LYS:CA	1:A:131:LYS:C	6	26.36
(1,363)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	5	26.28
(1,275)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	10	26.19
(1,352)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	3	26.18
(1,267)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	17	26.17
(1,343)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	2	26.15
(1,308)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	8	26.1
(1,106)	1:A:82:ILE:N	1:A:82:ILE:CA	1:A:82:ILE:C	1:A:83:GLU:N	9	26.04
(1,357)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	16	26.0
(1,297)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	10	25.97
(1,109)	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	1:A:84:PHE:CA	1:A:84:PHE:C	16	25.95
(1,183)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	18	25.93
(1,242)	1:A:93:THR:N	1:A:93:THR:CA	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	11	25.92
(1,351)	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	13	25.9
(1,109)	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	1:A:84:PHE:CA	1:A:84:PHE:C	4	25.86
(1,243)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	5	25.73
(1,243)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	16	25.71
(1,161)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	16	25.71
(1,207)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	13	25.63
(1,225)	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	1:A:75:LEU:CA	1:A:75:LEU:C	17	25.62
(1,109)	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	1:A:84:PHE:CA	1:A:84:PHE:C	11	25.61
(1,287)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	19	25.5
(1,112)	1:A:85:ASP:N	1:A:85:ASP:CA	1:A:85:ASP:C	1:A:86:ILE:N	5	25.48
(1,243)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	1	25.44
(1,225)	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	1:A:75:LEU:CA	1:A:75:LEU:C	11	25.44
(1,315)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	9	25.43
(1,351)	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	15	25.39
(1,321)	1:A:130:PRO:C	1:A:131:LYS:N	1:A:131:LYS:CA	1:A:131:LYS:C	11	25.34
(1,281)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	20	25.34
(1,161)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	17	25.34
(1,188)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	7	25.31
(1,108)	1:A:83:GLU:N	1:A:83:GLU:CA	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	19	25.29
(1,342)	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	10	25.25
(1,243)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	12	25.24
(1,207)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	18	25.24
(1,326)	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	5	25.23
(1,173)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	7	25.18
(1,108)	1:A:83:GLU:N	1:A:83:GLU:CA	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	18	25.17
(1,357)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	18	25.13
(1,225)	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	1:A:75:LEU:CA	1:A:75:LEU:C	4	25.11
(1,106)	1:A:82:ILE:N	1:A:82:ILE:CA	1:A:82:ILE:C	1:A:83:GLU:N	15	25.07
(1,346)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	3	25.05
(1,287)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	11	25.04
(1,213)	1:A:61:GLU:C	1:A:62:GLY:N	1:A:62:GLY:CA	1:A:62:GLY:C	11	25.04
(1,296)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	4	25.03
(1,365)	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	1:A:168:LEU:N	1	25.02
(1,250)	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	14	25.01
(1,112)	1:A:85:ASP:N	1:A:85:ASP:CA	1:A:85:ASP:C	1:A:86:ILE:N	2	25.0
(1,286)	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	8	24.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,308)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	16	24.95
(1,109)	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	1:A:84:PHE:CA	1:A:84:PHE:C	19	24.91
(1,252)	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	19	24.84
(1,363)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	11	24.83
(1,349)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	16	24.76
(1,213)	1:A:61:GLU:C	1:A:62:GLY:N	1:A:62:GLY:CA	1:A:62:GLY:C	8	24.69
(1,189)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	7	24.69
(1,291)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	14	24.68
(1,242)	1:A:93:THR:N	1:A:93:THR:CA	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	2	24.66
(1,106)	1:A:82:ILE:N	1:A:82:ILE:CA	1:A:82:ILE:C	1:A:83:GLU:N	17	24.66
(1,182)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	6	24.63
(1,288)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	14	24.6
(1,365)	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	1:A:168:LEU:N	6	24.59
(1,361)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	20	24.59
(1,106)	1:A:82:ILE:N	1:A:82:ILE:CA	1:A:82:ILE:C	1:A:83:GLU:N	6	24.58
(1,239)	1:A:91:PRO:C	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	7	24.57
(1,279)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	12	24.53
(1,243)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	19	24.52
(1,284)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	9	24.51
(1,225)	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	1:A:75:LEU:CA	1:A:75:LEU:C	8	24.46
(1,349)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	1	24.45
(1,108)	1:A:83:GLU:N	1:A:83:GLU:CA	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	7	24.4
(1,242)	1:A:93:THR:N	1:A:93:THR:CA	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	16	24.39
(1,281)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	19	24.35
(1,267)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	13	24.29
(1,201)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	6	24.27
(1,301)	1:A:115:ILE:N	1:A:115:ILE:CA	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	1	24.25
(1,354)	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	18	24.17
(1,236)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	1	24.16
(1,201)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	14	24.16
(1,207)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	2	24.14
(1,109)	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	1:A:84:PHE:CA	1:A:84:PHE:C	2	24.09
(1,170)	1:A:15:VAL:N	1:A:15:VAL:CA	1:A:15:VAL:C	1:A:16:LEU:N	12	24.02
(1,243)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	9	24.0
(1,108)	1:A:83:GLU:N	1:A:83:GLU:CA	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	3	24.0
(1,185)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	10	23.99
(1,207)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	12	23.83
(1,243)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	18	23.81
(1,183)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	8	23.8
(1,294)	1:A:112:GLY:C	1:A:113:GLY:N	1:A:113:GLY:CA	1:A:113:GLY:C	7	23.77
(1,357)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	15	23.75
(1,326)	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	2	23.75
(1,357)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	20	23.72
(1,267)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	7	23.68
(1,312)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	17	23.67
(1,267)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	11	23.67
(1,315)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	16	23.61
(1,360)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	12	23.58
(1,261)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	16	23.58
(1,225)	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	1:A:75:LEU:CA	1:A:75:LEU:C	16	23.57
(1,270)	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	8	23.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,108)	1:A:83:GLU:N	1:A:83:GLU:CA	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	6	23.56
(1,357)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	11	23.47
(1,270)	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	12	23.44
(1,209)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	1	23.43
(1,312)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	9	23.41
(1,185)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	12	23.37
(1,236)	1:A:88:ILE:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	17	23.36
(1,307)	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	6	23.33
(1,176)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	15	23.32
(1,257)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	11	23.31
(1,222)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	1	23.3
(1,209)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	17	23.3
(1,109)	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	1:A:84:PHE:CA	1:A:84:PHE:C	17	23.3
(1,78)	1:A:59:ASN:N	1:A:59:ASN:CA	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	6	23.29
(1,84)	1:A:68:LYS:N	1:A:68:LYS:CA	1:A:68:LYS:C	1:A:69:CYS:N	20	23.28
(1,267)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	19	23.18
(1,246)	1:A:95:PRO:N	1:A:95:PRO:CA	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	20	23.12
(1,291)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	19	23.07
(1,188)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	1	22.97
(1,252)	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	9	22.95
(1,162)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	13	22.91
(1,106)	1:A:82:ILE:N	1:A:82:ILE:CA	1:A:82:ILE:C	1:A:83:GLU:N	14	22.9
(1,188)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	3	22.89
(1,308)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	18	22.88
(1,161)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	14	22.88
(1,261)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	17	22.79
(1,223)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	19	22.78
(1,243)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	14	22.76
(1,172)	1:A:16:LEU:N	1:A:16:LEU:CA	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	12	22.71
(1,340)	1:A:158:VAL:C	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	15	22.68
(1,222)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	14	22.65
(1,352)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	9	22.62
(1,112)	1:A:85:ASP:N	1:A:85:ASP:CA	1:A:85:ASP:C	1:A:86:ILE:N	20	22.6
(1,82)	1:A:65:TRP:N	1:A:65:TRP:CA	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	13	22.59
(1,183)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	2	22.58
(1,330)	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1:A:149:GLU:CA	1:A:149:GLU:C	17	22.53
(1,321)	1:A:130:PRO:C	1:A:131:LYS:N	1:A:131:LYS:CA	1:A:131:LYS:C	4	22.5
(1,201)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	7	22.5
(1,106)	1:A:82:ILE:N	1:A:82:ILE:CA	1:A:82:ILE:C	1:A:83:GLU:N	20	22.47
(1,163)	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	1:A:4:GLU:N	8	22.46
(1,346)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	2	22.44
(1,321)	1:A:130:PRO:C	1:A:131:LYS:N	1:A:131:LYS:CA	1:A:131:LYS:C	1	22.42
(1,112)	1:A:85:ASP:N	1:A:85:ASP:CA	1:A:85:ASP:C	1:A:86:ILE:N	4	22.4
(1,352)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	2	22.39
(1,250)	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	17	22.38
(1,109)	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	1:A:84:PHE:CA	1:A:84:PHE:C	18	22.36
(1,228)	1:A:75:LEU:C	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	2	22.35
(1,255)	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	12	22.28
(1,246)	1:A:95:PRO:N	1:A:95:PRO:CA	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	16	22.27
(1,225)	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	1:A:75:LEU:CA	1:A:75:LEU:C	5	22.26
(1,207)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	6	22.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,189)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	14	22.19
(1,82)	1:A:65:TRP:N	1:A:65:TRP:CA	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	7	22.15
(1,277)	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	20	22.15
(1,225)	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	1:A:75:LEU:CA	1:A:75:LEU:C	10	22.12
(1,340)	1:A:158:VAL:C	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	12	22.09
(1,362)	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	8	22.07
(1,337)	1:A:157:GLY:C	1:A:158:VAL:N	1:A:158:VAL:CA	1:A:158:VAL:C	15	22.06
(1,315)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	13	22.06
(1,312)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	1	22.06
(1,189)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	4	22.05
(1,204)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	4	22.04
(1,106)	1:A:82:ILE:N	1:A:82:ILE:CA	1:A:82:ILE:C	1:A:83:GLU:N	8	22.04
(1,209)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	20	22.01
(1,278)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	8	21.99
(1,275)	1:A:105:LYS:C	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	12	21.94
(1,84)	1:A:68:LYS:N	1:A:68:LYS:CA	1:A:68:LYS:C	1:A:69:CYS:N	17	21.93
(1,112)	1:A:85:ASP:N	1:A:85:ASP:CA	1:A:85:ASP:C	1:A:86:ILE:N	13	21.89
(1,281)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	14	21.87
(1,222)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	16	21.83
(1,318)	1:A:127:ARG:C	1:A:128:ASN:N	1:A:128:ASN:CA	1:A:128:ASN:C	11	21.78
(1,287)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	3	21.78
(1,188)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	6	21.78
(1,261)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	14	21.73
(1,291)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	1	21.7
(1,309)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	14	21.61
(1,189)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	2	21.61
(1,290)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	5	21.6
(1,250)	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	11	21.6
(1,315)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	19	21.54
(1,207)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	16	21.53
(1,349)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	9	21.52
(1,93)	1:A:72:ILE:C	1:A:73:HIS:N	1:A:73:HIS:CA	1:A:73:HIS:C	8	21.5
(1,312)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	8	21.48
(1,363)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	3	21.46
(1,225)	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	1:A:75:LEU:CA	1:A:75:LEU:C	9	21.42
(1,284)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	12	21.32
(1,207)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	5	21.27
(1,252)	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	2	21.24
(1,106)	1:A:82:ILE:N	1:A:82:ILE:CA	1:A:82:ILE:C	1:A:83:GLU:N	2	21.24
(1,162)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	18	21.22
(1,228)	1:A:75:LEU:C	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	3	21.2
(1,176)	1:A:17:LYS:C	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	16	21.13
(1,172)	1:A:16:LEU:N	1:A:16:LEU:CA	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	6	21.09
(1,112)	1:A:85:ASP:N	1:A:85:ASP:CA	1:A:85:ASP:C	1:A:86:ILE:N	19	21.09
(1,250)	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	6	21.05
(1,209)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	8	21.04
(1,246)	1:A:95:PRO:N	1:A:95:PRO:CA	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	10	21.02
(1,239)	1:A:91:PRO:C	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	12	20.81
(1,252)	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	1:A:98:ALA:N	6	20.76
(1,168)	1:A:14:PRO:N	1:A:14:PRO:CA	1:A:14:PRO:C	1:A:15:VAL:N	19	20.75
(1,293)	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	1:A:112:GLY:CA	1:A:112:GLY:C	16	20.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,281)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	7	20.71
(1,207)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	9	20.65
(1,284)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	13	20.63
(1,84)	1:A:68:LYS:N	1:A:68:LYS:CA	1:A:68:LYS:C	1:A:69:CYS:N	11	20.61
(1,108)	1:A:83:GLU:N	1:A:83:GLU:CA	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	12	20.61
(1,239)	1:A:91:PRO:C	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	5	20.57
(1,243)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	3	20.56
(1,161)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	1	20.52
(1,312)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	20	20.49
(1,307)	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	11	20.49
(1,312)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	5	20.42
(1,297)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	9	20.39
(1,358)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	19	20.36
(1,343)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	4	20.32
(1,355)	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	1:A:164:LYS:CA	1:A:164:LYS:C	11	20.28
(1,267)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	14	20.24
(1,239)	1:A:91:PRO:C	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	1	20.24
(1,213)	1:A:61:GLU:C	1:A:62:GLY:N	1:A:62:GLY:CA	1:A:62:GLY:C	10	20.22
(1,352)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	7	20.18
(1,307)	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	2	20.14
(1,243)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	7	20.12
(1,228)	1:A:75:LEU:C	1:A:76:LEU:N	1:A:76:LEU:CA	1:A:76:LEU:C	13	20.12
(1,261)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	15	20.11
(1,281)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	13	20.1
(1,78)	1:A:59:ASN:N	1:A:59:ASN:CA	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	13	20.07
(1,354)	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	1	20.05
(1,239)	1:A:91:PRO:C	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	19	20.04
(1,161)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	11	20.01
(1,308)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	19	20.0
(1,324)	1:A:131:LYS:C	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	18	19.97
(1,109)	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	1:A:84:PHE:CA	1:A:84:PHE:C	3	19.94
(1,223)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	10	19.93
(1,170)	1:A:15:VAL:N	1:A:15:VAL:CA	1:A:15:VAL:C	1:A:16:LEU:N	10	19.9
(1,209)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	9	19.89
(1,358)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	5	19.87
(1,109)	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	1:A:84:PHE:CA	1:A:84:PHE:C	15	19.87
(1,308)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	5	19.83
(1,172)	1:A:16:LEU:N	1:A:16:LEU:CA	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	11	19.8
(1,343)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	14	19.79
(1,109)	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	1:A:84:PHE:CA	1:A:84:PHE:C	10	19.79
(1,343)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	11	19.77
(1,201)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	4	19.77
(1,243)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	17	19.68
(1,267)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	4	19.6
(1,239)	1:A:91:PRO:C	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	15	19.6
(1,326)	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	8	19.53
(1,222)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	20	19.53
(1,312)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	12	19.5
(1,185)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	5	19.5
(1,78)	1:A:59:ASN:N	1:A:59:ASN:CA	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	5	19.45
(1,222)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	18	19.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,161)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	6	19.38
(1,290)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	2	19.37
(1,183)	1:A:19:ASN:C	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	19	19.37
(1,207)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	8	19.31
(1,350)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	7	19.28
(1,287)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	7	19.17
(1,267)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	15	19.15
(1,213)	1:A:61:GLU:C	1:A:62:GLY:N	1:A:62:GLY:CA	1:A:62:GLY:C	16	19.13
(1,78)	1:A:59:ASN:N	1:A:59:ASN:CA	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	15	19.11
(1,233)	1:A:87:PRO:N	1:A:87:PRO:CA	1:A:87:PRO:C	1:A:88:ILE:N	7	19.1
(1,82)	1:A:65:TRP:N	1:A:65:TRP:CA	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	4	19.09
(1,172)	1:A:16:LEU:N	1:A:16:LEU:CA	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	14	19.08
(1,161)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	19	19.06
(1,343)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	20	19.04
(1,239)	1:A:91:PRO:C	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	6	19.04
(1,209)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	3	19.04
(1,348)	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	10	18.99
(1,172)	1:A:16:LEU:N	1:A:16:LEU:CA	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	13	18.95
(1,264)	1:A:101:GLU:C	1:A:102:LEU:N	1:A:102:LEU:CA	1:A:102:LEU:C	8	18.88
(1,282)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	9	18.85
(1,112)	1:A:85:ASP:N	1:A:85:ASP:CA	1:A:85:ASP:C	1:A:86:ILE:N	10	18.85
(1,222)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	13	18.84
(1,109)	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	1:A:84:PHE:CA	1:A:84:PHE:C	12	18.82
(1,213)	1:A:61:GLU:C	1:A:62:GLY:N	1:A:62:GLY:CA	1:A:62:GLY:C	20	18.74
(1,308)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	4	18.65
(1,261)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	11	18.61
(1,261)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	5	18.58
(1,312)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	2	18.57
(1,204)	1:A:52:ASP:C	1:A:53:TRP:N	1:A:53:TRP:CA	1:A:53:TRP:C	20	18.56
(1,256)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	9	18.52
(1,106)	1:A:82:ILE:N	1:A:82:ILE:CA	1:A:82:ILE:C	1:A:83:GLU:N	12	18.52
(1,293)	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	1:A:112:GLY:CA	1:A:112:GLY:C	4	18.45
(1,209)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	14	18.45
(1,280)	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	3	18.44
(1,301)	1:A:115:ILE:N	1:A:115:ILE:CA	1:A:115:ILE:C	1:A:116:CYS:N	15	18.43
(1,185)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	14	18.38
(1,207)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	3	18.31
(1,243)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	13	18.3
(1,223)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	5	18.21
(1,349)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	3	18.19
(1,294)	1:A:112:GLY:C	1:A:113:GLY:N	1:A:113:GLY:CA	1:A:113:GLY:C	19	18.14
(1,342)	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	19	18.06
(1,267)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	5	18.01
(1,312)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	15	17.93
(1,363)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	16	17.86
(1,223)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	2	17.76
(1,239)	1:A:91:PRO:C	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	8	17.75
(1,223)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	8	17.74
(1,223)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	4	17.73
(1,222)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	9	17.73
(1,84)	1:A:68:LYS:N	1:A:68:LYS:CA	1:A:68:LYS:C	1:A:69:CYS:N	18	17.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,243)	1:A:93:THR:C	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	11	17.61
(1,326)	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	7	17.56
(1,312)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	14	17.54
(1,188)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	16	17.54
(1,293)	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	1:A:112:GLY:CA	1:A:112:GLY:C	8	17.43
(1,222)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	3	17.3
(1,201)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	11	17.3
(1,239)	1:A:91:PRO:C	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	2	17.28
(1,267)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	2	17.26
(1,315)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	8	17.25
(1,247)	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	4	17.24
(1,290)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	12	17.21
(1,82)	1:A:65:TRP:N	1:A:65:TRP:CA	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	3	17.18
(1,239)	1:A:91:PRO:C	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	3	17.13
(1,222)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	11	17.1
(1,109)	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	1:A:84:PHE:CA	1:A:84:PHE:C	13	17.07
(1,109)	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	1:A:84:PHE:CA	1:A:84:PHE:C	20	17.07
(1,207)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	14	17.06
(1,355)	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	1:A:164:LYS:CA	1:A:164:LYS:C	14	17.03
(1,239)	1:A:91:PRO:C	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	16	17.02
(1,207)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	17	17.0
(1,289)	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	17	16.98
(1,261)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	9	16.92
(1,352)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	8	16.88
(1,286)	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	20	16.86
(1,357)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	13	16.85
(1,267)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	9	16.84
(1,108)	1:A:83:GLU:N	1:A:83:GLU:CA	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	13	16.84
(1,267)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	18	16.81
(1,162)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	3	16.6
(1,108)	1:A:83:GLU:N	1:A:83:GLU:CA	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	14	16.6
(1,290)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	3	16.55
(1,287)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	1	16.53
(1,312)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	18	16.51
(1,270)	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	20	16.5
(1,256)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	18	16.49
(1,163)	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	1:A:4:GLU:N	16	16.47
(1,78)	1:A:59:ASN:N	1:A:59:ASN:CA	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	19	16.43
(1,307)	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	10	16.39
(1,209)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	5	16.39
(1,307)	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	15	16.14
(1,308)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	10	16.1
(1,209)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	12	16.05
(1,82)	1:A:65:TRP:N	1:A:65:TRP:CA	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	1	16.03
(1,239)	1:A:91:PRO:C	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	20	16.03
(1,223)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	12	15.89
(1,352)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	14	15.82
(1,239)	1:A:91:PRO:C	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	17	15.77
(1,112)	1:A:85:ASP:N	1:A:85:ASP:CA	1:A:85:ASP:C	1:A:86:ILE:N	17	15.71
(1,222)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	6	15.69
(1,168)	1:A:14:PRO:N	1:A:14:PRO:CA	1:A:14:PRO:C	1:A:15:VAL:N	6	15.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,188)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	19	15.67
(1,207)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1	15.66
(1,352)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	20	15.61
(1,289)	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	2	15.6
(1,239)	1:A:91:PRO:C	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	13	15.6
(1,270)	1:A:103:ASP:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	13	15.49
(1,352)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	13	15.42
(1,279)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	4	15.42
(1,358)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	8	15.39
(1,256)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	12	15.39
(1,222)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	17	15.34
(1,361)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	1	15.32
(1,352)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	4	15.32
(1,289)	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	20	15.29
(1,173)	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	1:A:17:LYS:CA	1:A:17:LYS:C	17	15.25
(1,170)	1:A:15:VAL:N	1:A:15:VAL:CA	1:A:15:VAL:C	1:A:16:LEU:N	14	15.19
(1,353)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	11	15.18
(1,188)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	11	15.16
(1,352)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	19	15.13
(1,290)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	8	15.13
(1,78)	1:A:59:ASN:N	1:A:59:ASN:CA	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	18	15.06
(1,223)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	7	15.05
(1,82)	1:A:65:TRP:N	1:A:65:TRP:CA	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	12	15.03
(1,267)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	1	15.0
(1,222)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	7	14.95
(1,209)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	16	14.94
(1,267)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	12	14.89
(1,343)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	8	14.88
(1,290)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	15	14.88
(1,290)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	6	14.87
(1,308)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	2	14.86
(1,352)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	11	14.82
(1,343)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	7	14.72
(1,360)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	1	14.68
(1,223)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	17	14.66
(1,82)	1:A:65:TRP:N	1:A:65:TRP:CA	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	14	14.65
(1,357)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	8	14.61
(1,257)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	12	14.61
(1,353)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	13	14.58
(1,278)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	4	14.58
(1,239)	1:A:91:PRO:C	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	18	14.56
(1,78)	1:A:59:ASN:N	1:A:59:ASN:CA	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	7	14.44
(1,363)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	9	14.4
(1,239)	1:A:91:PRO:C	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	10	14.38
(1,223)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	6	14.31
(1,279)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	13	14.3
(1,326)	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	13	14.28
(1,78)	1:A:59:ASN:N	1:A:59:ASN:CA	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	11	14.27
(1,359)	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	17	14.22
(1,189)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	18	14.19
(1,353)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	14	14.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,312)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	19	14.16
(1,209)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	18	14.15
(1,222)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	12	14.11
(1,84)	1:A:68:LYS:N	1:A:68:LYS:CA	1:A:68:LYS:C	1:A:69:CYS:N	4	14.07
(1,84)	1:A:68:LYS:N	1:A:68:LYS:CA	1:A:68:LYS:C	1:A:69:CYS:N	15	14.0
(1,172)	1:A:16:LEU:N	1:A:16:LEU:CA	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	4	13.99
(1,82)	1:A:65:TRP:N	1:A:65:TRP:CA	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	10	13.97
(1,326)	1:A:132:PHE:N	1:A:132:PHE:CA	1:A:132:PHE:C	1:A:133:GLY:N	1	13.95
(1,267)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	20	13.89
(1,84)	1:A:68:LYS:N	1:A:68:LYS:CA	1:A:68:LYS:C	1:A:69:CYS:N	14	13.83
(1,267)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	16	13.75
(1,188)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	10	13.56
(1,257)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	18	13.51
(1,239)	1:A:91:PRO:C	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	9	13.5
(1,283)	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	9	13.49
(1,351)	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	6	13.44
(1,312)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	10	13.41
(1,161)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	3	13.4
(1,347)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	12	13.2
(1,358)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	13	13.15
(1,312)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	16	13.13
(1,280)	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	13	13.13
(1,353)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	8	13.12
(1,349)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	12	13.05
(1,78)	1:A:59:ASN:N	1:A:59:ASN:CA	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	3	13.03
(1,239)	1:A:91:PRO:C	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	11	13.02
(1,209)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	6	12.94
(1,223)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	11	12.9
(1,112)	1:A:85:ASP:N	1:A:85:ASP:CA	1:A:85:ASP:C	1:A:86:ILE:N	1	12.9
(1,261)	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	1:A:101:GLU:CA	1:A:101:GLU:C	19	12.88
(1,308)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	13	12.81
(1,291)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	12	12.79
(1,201)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	10	12.75
(1,223)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	3	12.7
(1,172)	1:A:16:LEU:N	1:A:16:LEU:CA	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	18	12.63
(1,287)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	9	12.62
(1,342)	1:A:159:ILE:N	1:A:159:ILE:CA	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	9	12.56
(1,207)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	4	12.56
(1,163)	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	1:A:4:GLU:N	10	12.55
(1,267)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	10	12.54
(1,351)	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	2	12.52
(1,188)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	13	12.49
(1,109)	1:A:83:GLU:C	1:A:84:PHE:N	1:A:84:PHE:CA	1:A:84:PHE:C	1	12.45
(1,346)	1:A:160:GLN:C	1:A:161:HIS:N	1:A:161:HIS:CA	1:A:161:HIS:C	13	12.31
(1,343)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	3	12.29
(1,312)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	3	12.28
(1,78)	1:A:59:ASN:N	1:A:59:ASN:CA	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	9	12.27
(1,223)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	9	12.27
(1,222)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	4	12.27
(1,222)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	8	12.26
(1,84)	1:A:68:LYS:N	1:A:68:LYS:CA	1:A:68:LYS:C	1:A:69:CYS:N	19	12.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,222)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	2	12.24
(1,188)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	17	12.19
(1,207)	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	7	12.1
(1,289)	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	16	12.01
(1,312)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	7	11.91
(1,222)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	5	11.79
(1,188)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	5	11.71
(1,239)	1:A:91:PRO:C	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	4	11.51
(1,257)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	9	11.48
(1,239)	1:A:91:PRO:C	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	14	11.38
(1,355)	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	1:A:164:LYS:CA	1:A:164:LYS:C	5	11.32
(1,78)	1:A:59:ASN:N	1:A:59:ASN:CA	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	17	11.26
(1,223)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	13	11.16
(1,188)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	9	11.16
(1,172)	1:A:16:LEU:N	1:A:16:LEU:CA	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	8	11.15
(1,250)	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	1:A:97:ILE:CA	1:A:97:ILE:C	2	10.95
(1,82)	1:A:65:TRP:N	1:A:65:TRP:CA	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	9	10.93
(1,288)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	7	10.83
(1,84)	1:A:68:LYS:N	1:A:68:LYS:CA	1:A:68:LYS:C	1:A:69:CYS:N	1	10.81
(1,354)	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	17	10.75
(1,78)	1:A:59:ASN:N	1:A:59:ASN:CA	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	14	10.67
(1,78)	1:A:59:ASN:N	1:A:59:ASN:CA	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	8	10.63
(1,162)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	6	10.62
(1,223)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	18	10.56
(1,188)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	12	10.5
(1,223)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	20	10.47
(1,278)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	19	10.43
(1,178)	1:A:18:THR:N	1:A:18:THR:CA	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	16	10.2
(1,255)	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	18	10.19
(1,84)	1:A:68:LYS:N	1:A:68:LYS:CA	1:A:68:LYS:C	1:A:69:CYS:N	8	10.16
(1,357)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	5	10.13
(1,78)	1:A:59:ASN:N	1:A:59:ASN:CA	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	10	10.12
(1,308)	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	1:A:118:THR:CA	1:A:118:THR:C	7	10.1
(1,222)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	10	10.07
(1,267)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	8	10.06
(1,281)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	8	9.99
(1,268)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	8	9.94
(1,82)	1:A:65:TRP:N	1:A:65:TRP:CA	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	20	9.91
(1,360)	1:A:165:CYS:C	1:A:166:ASN:N	1:A:166:ASN:CA	1:A:166:ASN:C	11	9.85
(1,209)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	10	9.85
(1,353)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	7	9.82
(1,78)	1:A:59:ASN:N	1:A:59:ASN:CA	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	2	9.8
(1,315)	1:A:119:ASP:C	1:A:120:HIS:N	1:A:120:HIS:CA	1:A:120:HIS:C	10	9.77
(1,357)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	19	9.64
(1,189)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	8	9.55
(1,162)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	1	9.48
(1,285)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	13	9.37
(1,84)	1:A:68:LYS:N	1:A:68:LYS:CA	1:A:68:LYS:C	1:A:69:CYS:N	6	9.3
(1,78)	1:A:59:ASN:N	1:A:59:ASN:CA	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	20	9.29
(1,282)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	7	9.29
(1,351)	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	20	9.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,259)	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	1:A:100:PRO:N	11	9.21
(1,280)	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	12	9.08
(1,161)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	18	8.78
(1,267)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	6	8.66
(1,364)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	3	8.54
(1,223)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	16	8.17
(1,282)	1:A:107:ALA:C	1:A:108:LYS:N	1:A:108:LYS:CA	1:A:108:LYS:C	14	8.13
(1,84)	1:A:68:LYS:N	1:A:68:LYS:CA	1:A:68:LYS:C	1:A:69:CYS:N	13	7.95
(1,259)	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	1:A:100:PRO:N	19	7.73
(1,209)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	2	7.73
(1,353)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	2	7.61
(1,322)	1:A:130:PRO:C	1:A:131:LYS:N	1:A:131:LYS:CA	1:A:131:LYS:C	1	7.58
(1,322)	1:A:130:PRO:C	1:A:131:LYS:N	1:A:131:LYS:CA	1:A:131:LYS:C	4	7.5
(1,353)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	9	7.38
(1,223)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	14	7.35
(1,222)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	19	7.22
(1,161)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	13	7.09
(1,82)	1:A:65:TRP:N	1:A:65:TRP:CA	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	8	7.06
(1,255)	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	11	7.0
(1,232)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:PRO:N	2	6.98
(1,299)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	7	6.9
(1,246)	1:A:95:PRO:N	1:A:95:PRO:CA	1:A:95:PRO:C	1:A:96:GLU:N	1	6.9
(1,286)	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	6	6.86
(1,290)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	20	6.85
(1,84)	1:A:68:LYS:N	1:A:68:LYS:CA	1:A:68:LYS:C	1:A:69:CYS:N	16	6.74
(1,232)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:PRO:N	6	6.7
(1,223)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	1	6.7
(1,256)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	11	6.69
(1,78)	1:A:59:ASN:N	1:A:59:ASN:CA	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	4	6.68
(1,232)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:PRO:N	5	6.49
(1,201)	1:A:51:ASN:C	1:A:52:ASP:N	1:A:52:ASP:CA	1:A:52:ASP:C	12	6.44
(1,188)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	15	6.36
(1,188)	1:A:21:GLY:N	1:A:21:GLY:CA	1:A:21:GLY:C	1:A:22:PRO:N	20	6.31
(1,78)	1:A:59:ASN:N	1:A:59:ASN:CA	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	16	6.27
(1,358)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	15	6.25
(1,84)	1:A:68:LYS:N	1:A:68:LYS:CA	1:A:68:LYS:C	1:A:69:CYS:N	12	6.21
(1,232)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:PRO:N	16	6.12
(1,364)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	7	6.1
(1,312)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	4	6.09
(1,232)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:PRO:N	10	5.89
(1,232)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:PRO:N	14	5.87
(1,289)	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	8	5.86
(1,267)	1:A:102:LEU:C	1:A:103:ASP:N	1:A:103:ASP:CA	1:A:103:ASP:C	3	5.86
(1,343)	1:A:159:ILE:C	1:A:160:GLN:N	1:A:160:GLN:CA	1:A:160:GLN:C	15	5.84
(1,232)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:PRO:N	12	5.82
(1,312)	1:A:118:THR:C	1:A:119:ASP:N	1:A:119:ASP:CA	1:A:119:ASP:C	13	5.8
(1,84)	1:A:68:LYS:N	1:A:68:LYS:CA	1:A:68:LYS:C	1:A:69:CYS:N	3	5.61
(1,352)	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	1:A:163:GLU:CA	1:A:163:GLU:C	10	5.5
(1,285)	1:A:108:LYS:C	1:A:109:MET:N	1:A:109:MET:CA	1:A:109:MET:C	9	5.49
(1,232)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:PRO:N	7	5.46
(1,298)	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	1:A:115:ILE:N	10	5.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,232)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:PRO:N	8	5.43
(1,287)	1:A:109:MET:C	1:A:110:TYR:N	1:A:110:TYR:CA	1:A:110:TYR:C	14	5.4
(1,232)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:PRO:N	18	5.4
(1,290)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	14	5.32
(1,232)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:PRO:N	11	5.32
(1,232)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:PRO:N	15	5.32
(1,106)	1:A:82:ILE:N	1:A:82:ILE:CA	1:A:82:ILE:C	1:A:83:GLU:N	7	5.31
(1,232)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:PRO:N	20	5.23
(1,82)	1:A:65:TRP:N	1:A:65:TRP:CA	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	5	5.21
(1,167)	1:A:13:ILE:N	1:A:13:ILE:CA	1:A:13:ILE:C	1:A:14:PRO:N	15	5.21
(1,82)	1:A:65:TRP:N	1:A:65:TRP:CA	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	16	5.19
(1,38)	1:A:35:GLU:N	1:A:35:GLU:CA	1:A:35:GLU:C	1:A:36:TYR:N	9	4.98
(1,232)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:PRO:N	9	4.97
(1,167)	1:A:13:ILE:N	1:A:13:ILE:CA	1:A:13:ILE:C	1:A:14:PRO:N	12	4.91
(1,209)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	15	4.89
(1,358)	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	1:A:165:CYS:CA	1:A:165:CYS:C	18	4.87
(1,167)	1:A:13:ILE:N	1:A:13:ILE:CA	1:A:13:ILE:C	1:A:14:PRO:N	2	4.76
(1,232)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:PRO:N	4	4.68
(1,322)	1:A:130:PRO:C	1:A:131:LYS:N	1:A:131:LYS:CA	1:A:131:LYS:C	11	4.66
(1,162)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	17	4.66
(1,307)	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	17	4.6
(1,167)	1:A:13:ILE:N	1:A:13:ILE:CA	1:A:13:ILE:C	1:A:14:PRO:N	9	4.56
(1,167)	1:A:13:ILE:N	1:A:13:ILE:CA	1:A:13:ILE:C	1:A:14:PRO:N	14	4.53
(1,232)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:PRO:N	19	4.5
(1,350)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	17	4.47
(1,232)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:PRO:N	13	4.46
(1,232)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:PRO:N	3	4.38
(1,162)	1:A:2:ALA:C	1:A:3:ASP:N	1:A:3:ASP:CA	1:A:3:ASP:C	16	4.29
(1,232)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:PRO:N	17	4.22
(1,167)	1:A:13:ILE:N	1:A:13:ILE:CA	1:A:13:ILE:C	1:A:14:PRO:N	7	4.19
(1,167)	1:A:13:ILE:N	1:A:13:ILE:CA	1:A:13:ILE:C	1:A:14:PRO:N	3	4.07
(1,167)	1:A:13:ILE:N	1:A:13:ILE:CA	1:A:13:ILE:C	1:A:14:PRO:N	18	4.07
(1,232)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:PRO:N	1	4.05
(1,296)	1:A:113:GLY:C	1:A:114:LYS:N	1:A:114:LYS:CA	1:A:114:LYS:C	10	4.03
(1,293)	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	1:A:112:GLY:CA	1:A:112:GLY:C	1	3.95
(1,38)	1:A:35:GLU:N	1:A:35:GLU:CA	1:A:35:GLU:C	1:A:36:TYR:N	14	3.92
(1,94)	1:A:73:HIS:N	1:A:73:HIS:CA	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	15	3.77
(1,167)	1:A:13:ILE:N	1:A:13:ILE:CA	1:A:13:ILE:C	1:A:14:PRO:N	6	3.67
(1,82)	1:A:65:TRP:N	1:A:65:TRP:CA	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	18	3.65
(1,322)	1:A:130:PRO:C	1:A:131:LYS:N	1:A:131:LYS:CA	1:A:131:LYS:C	6	3.64
(1,167)	1:A:13:ILE:N	1:A:13:ILE:CA	1:A:13:ILE:C	1:A:14:PRO:N	20	3.57
(1,82)	1:A:65:TRP:N	1:A:65:TRP:CA	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	11	3.56
(1,38)	1:A:35:GLU:N	1:A:35:GLU:CA	1:A:35:GLU:C	1:A:36:TYR:N	17	3.54
(1,292)	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	1:A:112:GLY:N	13	3.5
(1,349)	1:A:161:HIS:C	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	11	3.46
(1,167)	1:A:13:ILE:N	1:A:13:ILE:CA	1:A:13:ILE:C	1:A:14:PRO:N	1	3.46
(1,82)	1:A:65:TRP:N	1:A:65:TRP:CA	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	2	3.43
(1,279)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	11	3.3
(1,82)	1:A:65:TRP:N	1:A:65:TRP:CA	1:A:65:TRP:C	1:A:66:PHE:N	17	3.29
(1,355)	1:A:163:GLU:C	1:A:164:LYS:N	1:A:164:LYS:CA	1:A:164:LYS:C	19	3.25
(1,70)	1:A:55:ARG:N	1:A:55:ARG:CA	1:A:55:ARG:C	1:A:56:LEU:N	20	3.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,167)	1:A:13:ILE:N	1:A:13:ILE:CA	1:A:13:ILE:C	1:A:14:PRO:N	4	3.2
(1,70)	1:A:55:ARG:N	1:A:55:ARG:CA	1:A:55:ARG:C	1:A:56:LEU:N	1	3.16
(1,222)	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	1:A:74:ASP:CA	1:A:74:ASP:C	15	3.08
(1,351)	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	4	3.05
(1,322)	1:A:130:PRO:C	1:A:131:LYS:N	1:A:131:LYS:CA	1:A:131:LYS:C	7	3.01
(1,167)	1:A:13:ILE:N	1:A:13:ILE:CA	1:A:13:ILE:C	1:A:14:PRO:N	5	3.0
(1,167)	1:A:13:ILE:N	1:A:13:ILE:CA	1:A:13:ILE:C	1:A:14:PRO:N	11	2.96
(1,307)	1:A:117:LEU:N	1:A:117:LEU:CA	1:A:117:LEU:C	1:A:118:THR:N	14	2.8
(1,291)	1:A:110:TYR:C	1:A:111:ARG:N	1:A:111:ARG:CA	1:A:111:ARG:C	18	2.62
(1,259)	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	1:A:100:PRO:N	18	2.62
(1,351)	1:A:162:LYS:N	1:A:162:LYS:CA	1:A:162:LYS:C	1:A:163:GLU:N	18	2.59
(1,167)	1:A:13:ILE:N	1:A:13:ILE:CA	1:A:13:ILE:C	1:A:14:PRO:N	13	2.56
(1,364)	1:A:166:ASN:C	1:A:167:GLN:N	1:A:167:GLN:CA	1:A:167:GLN:C	1	2.51
(1,94)	1:A:73:HIS:N	1:A:73:HIS:CA	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	19	2.4
(1,90)	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	1:A:72:ILE:N	14	2.34
(1,72)	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	1:A:57:GLU:N	4	2.32
(1,249)	1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CA	1:A:96:GLU:C	1:A:97:ILE:N	2	2.32
(1,322)	1:A:130:PRO:C	1:A:131:LYS:N	1:A:131:LYS:CA	1:A:131:LYS:C	16	2.19
(1,142)	1:A:143:GLY:N	1:A:143:GLY:CA	1:A:143:GLY:C	1:A:144:PRO:N	7	2.15
(1,78)	1:A:59:ASN:N	1:A:59:ASN:CA	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	12	2.14
(1,322)	1:A:130:PRO:C	1:A:131:LYS:N	1:A:131:LYS:CA	1:A:131:LYS:C	18	2.11
(1,100)	1:A:79:GLU:N	1:A:79:GLU:CA	1:A:79:GLU:C	1:A:80:PHE:N	17	2.08
(1,167)	1:A:13:ILE:N	1:A:13:ILE:CA	1:A:13:ILE:C	1:A:14:PRO:N	17	2.06
(1,278)	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	1:A:107:ALA:CA	1:A:107:ALA:C	10	2.03
(1,114)	1:A:121:PHE:N	1:A:121:PHE:CA	1:A:121:PHE:C	1:A:122:LYS:N	10	1.96
(1,167)	1:A:13:ILE:N	1:A:13:ILE:CA	1:A:13:ILE:C	1:A:14:PRO:N	8	1.93
(1,90)	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	1:A:72:ILE:N	9	1.89
(1,142)	1:A:143:GLY:N	1:A:143:GLY:CA	1:A:143:GLY:C	1:A:144:PRO:N	17	1.87
(1,259)	1:A:99:VAL:N	1:A:99:VAL:CA	1:A:99:VAL:C	1:A:100:PRO:N	12	1.85
(1,18)	1:A:25:ARG:N	1:A:25:ARG:CA	1:A:25:ARG:C	1:A:26:GLU:N	7	1.84
(1,67)	1:A:53:TRP:C	1:A:54:PHE:N	1:A:54:PHE:CA	1:A:54:PHE:C	16	1.83
(1,38)	1:A:35:GLU:N	1:A:35:GLU:CA	1:A:35:GLU:C	1:A:36:TYR:N	20	1.81
(1,151)	1:A:149:GLU:C	1:A:150:ILE:N	1:A:150:ILE:CA	1:A:150:ILE:C	4	1.79
(1,130)	1:A:136:HIS:N	1:A:136:HIS:CA	1:A:136:HIS:C	1:A:137:LEU:N	12	1.77
(1,167)	1:A:13:ILE:N	1:A:13:ILE:CA	1:A:13:ILE:C	1:A:14:PRO:N	16	1.75
(1,130)	1:A:136:HIS:N	1:A:136:HIS:CA	1:A:136:HIS:C	1:A:137:LEU:N	19	1.74
(1,84)	1:A:68:LYS:N	1:A:68:LYS:CA	1:A:68:LYS:C	1:A:69:CYS:N	2	1.73
(1,38)	1:A:35:GLU:N	1:A:35:GLU:CA	1:A:35:GLU:C	1:A:36:TYR:N	6	1.71
(1,245)	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	1:A:95:PRO:N	15	1.71
(1,129)	1:A:135:ALA:C	1:A:136:HIS:N	1:A:136:HIS:CA	1:A:136:HIS:C	10	1.7
(1,105)	1:A:81:ASP:C	1:A:82:ILE:N	1:A:82:ILE:CA	1:A:82:ILE:C	8	1.69
(1,94)	1:A:73:HIS:N	1:A:73:HIS:CA	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	10	1.68
(1,70)	1:A:55:ARG:N	1:A:55:ARG:CA	1:A:55:ARG:C	1:A:56:LEU:N	2	1.68
(1,150)	1:A:148:VAL:N	1:A:148:VAL:CA	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	5	1.68
(1,110)	1:A:84:PHE:N	1:A:84:PHE:CA	1:A:84:PHE:C	1:A:85:ASP:N	3	1.68
(1,89)	1:A:70:TRP:C	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	6	1.63
(1,100)	1:A:79:GLU:N	1:A:79:GLU:CA	1:A:79:GLU:C	1:A:80:PHE:N	4	1.59
(1,70)	1:A:55:ARG:N	1:A:55:ARG:CA	1:A:55:ARG:C	1:A:56:LEU:N	4	1.58
(1,245)	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	1:A:95:PRO:N	4	1.56
(1,130)	1:A:136:HIS:N	1:A:136:HIS:CA	1:A:136:HIS:C	1:A:137:LEU:N	4	1.54
(1,88)	1:A:70:TRP:N	1:A:70:TRP:CA	1:A:70:TRP:C	1:A:71:TYR:N	5	1.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,72)	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	1:A:57:GLU:N	13	1.52
(1,209)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	11	1.5
(1,90)	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	1:A:72:ILE:N	10	1.49
(1,67)	1:A:53:TRP:C	1:A:54:PHE:N	1:A:54:PHE:CA	1:A:54:PHE:C	13	1.48
(1,34)	1:A:33:LYS:N	1:A:33:LYS:CA	1:A:33:LYS:C	1:A:34:GLU:N	9	1.47
(1,89)	1:A:70:TRP:C	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	7	1.46
(1,356)	1:A:164:LYS:N	1:A:164:LYS:CA	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	20	1.46
(1,88)	1:A:70:TRP:N	1:A:70:TRP:CA	1:A:70:TRP:C	1:A:71:TYR:N	11	1.44
(1,114)	1:A:121:PHE:N	1:A:121:PHE:CA	1:A:121:PHE:C	1:A:122:LYS:N	2	1.43
(1,30)	1:A:31:ARG:N	1:A:31:ARG:CA	1:A:31:ARG:C	1:A:32:LEU:N	10	1.42
(1,114)	1:A:121:PHE:N	1:A:121:PHE:CA	1:A:121:PHE:C	1:A:122:LYS:N	9	1.38
(1,167)	1:A:13:ILE:N	1:A:13:ILE:CA	1:A:13:ILE:C	1:A:14:PRO:N	10	1.36
(1,68)	1:A:54:PHE:N	1:A:54:PHE:CA	1:A:54:PHE:C	1:A:55:ARG:N	13	1.34
(1,322)	1:A:130:PRO:C	1:A:131:LYS:N	1:A:131:LYS:CA	1:A:131:LYS:C	10	1.34
(1,1)	1:A:3:ASP:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	4	1.34
(1,88)	1:A:70:TRP:N	1:A:70:TRP:CA	1:A:70:TRP:C	1:A:71:TYR:N	15	1.31
(1,114)	1:A:121:PHE:N	1:A:121:PHE:CA	1:A:121:PHE:C	1:A:122:LYS:N	7	1.31
(1,89)	1:A:70:TRP:C	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	8	1.29
(1,67)	1:A:53:TRP:C	1:A:54:PHE:N	1:A:54:PHE:CA	1:A:54:PHE:C	7	1.29
(1,70)	1:A:55:ARG:N	1:A:55:ARG:CA	1:A:55:ARG:C	1:A:56:LEU:N	3	1.28
(1,142)	1:A:143:GLY:N	1:A:143:GLY:CA	1:A:143:GLY:C	1:A:144:PRO:N	20	1.28
(1,58)	1:A:45:ASN:N	1:A:45:ASN:CA	1:A:45:ASN:C	1:A:46:ASN:N	14	1.26
(1,179)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	1	1.25
(1,100)	1:A:79:GLU:N	1:A:79:GLU:CA	1:A:79:GLU:C	1:A:80:PHE:N	1	1.24
(1,70)	1:A:55:ARG:N	1:A:55:ARG:CA	1:A:55:ARG:C	1:A:56:LEU:N	14	1.23
(1,142)	1:A:143:GLY:N	1:A:143:GLY:CA	1:A:143:GLY:C	1:A:144:PRO:N	11	1.22
(1,92)	1:A:72:ILE:N	1:A:72:ILE:CA	1:A:72:ILE:C	1:A:73:HIS:N	5	1.21
(1,76)	1:A:58:SER:N	1:A:58:SER:CA	1:A:58:SER:C	1:A:59:ASN:N	1	1.2
(1,260)	1:A:100:PRO:N	1:A:100:PRO:CA	1:A:100:PRO:C	1:A:101:GLU:N	4	1.2
(1,89)	1:A:70:TRP:C	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	5	1.18
(1,28)	1:A:30:GLN:N	1:A:30:GLN:CA	1:A:30:GLN:C	1:A:31:ARG:N	20	1.18
(1,18)	1:A:25:ARG:N	1:A:25:ARG:CA	1:A:25:ARG:C	1:A:26:GLU:N	15	1.18
(1,142)	1:A:143:GLY:N	1:A:143:GLY:CA	1:A:143:GLY:C	1:A:144:PRO:N	10	1.18
(1,18)	1:A:25:ARG:N	1:A:25:ARG:CA	1:A:25:ARG:C	1:A:26:GLU:N	10	1.17
(1,100)	1:A:79:GLU:N	1:A:79:GLU:CA	1:A:79:GLU:C	1:A:80:PHE:N	7	1.17
(1,172)	1:A:16:LEU:N	1:A:16:LEU:CA	1:A:16:LEU:C	1:A:17:LYS:N	5	1.15
(1,150)	1:A:148:VAL:N	1:A:148:VAL:CA	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	8	1.14
(1,197)	1:A:50:ASP:N	1:A:50:ASP:CA	1:A:50:ASP:C	1:A:51:ASN:N	6	1.13
(1,150)	1:A:148:VAL:N	1:A:148:VAL:CA	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	20	1.12
(1,89)	1:A:70:TRP:C	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	1	1.11
(1,130)	1:A:136:HIS:N	1:A:136:HIS:CA	1:A:136:HIS:C	1:A:137:LEU:N	5	1.1
(1,92)	1:A:72:ILE:N	1:A:72:ILE:CA	1:A:72:ILE:C	1:A:73:HIS:N	9	1.08
(1,114)	1:A:121:PHE:N	1:A:121:PHE:CA	1:A:121:PHE:C	1:A:122:LYS:N	8	1.08
(1,356)	1:A:164:LYS:N	1:A:164:LYS:CA	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	12	1.07
(1,245)	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	1:A:95:PRO:N	9	1.07
(1,160)	1:A:155:GLN:N	1:A:155:GLN:CA	1:A:155:GLN:C	1:A:156:LYS:N	17	1.07
(1,245)	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	1:A:95:PRO:N	20	1.05
(1,89)	1:A:70:TRP:C	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	16	1.04
(1,150)	1:A:148:VAL:N	1:A:148:VAL:CA	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	13	1.04
(1,114)	1:A:121:PHE:N	1:A:121:PHE:CA	1:A:121:PHE:C	1:A:122:LYS:N	3	1.04
(1,17)	1:A:24:ASP:C	1:A:25:ARG:N	1:A:25:ARG:CA	1:A:25:ARG:C	17	1.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,72)	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	1:A:57:GLU:N	7	1.01
(1,245)	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	1:A:95:PRO:N	17	1.0
(1,142)	1:A:143:GLY:N	1:A:143:GLY:CA	1:A:143:GLY:C	1:A:144:PRO:N	19	1.0
(1,88)	1:A:70:TRP:N	1:A:70:TRP:CA	1:A:70:TRP:C	1:A:71:TYR:N	3	0.98
(1,78)	1:A:59:ASN:N	1:A:59:ASN:CA	1:A:59:ASN:C	1:A:60:LYS:N	1	0.98
(1,151)	1:A:149:GLU:C	1:A:150:ILE:N	1:A:150:ILE:CA	1:A:150:ILE:C	2	0.98
(1,150)	1:A:148:VAL:N	1:A:148:VAL:CA	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	18	0.98
(1,142)	1:A:143:GLY:N	1:A:143:GLY:CA	1:A:143:GLY:C	1:A:144:PRO:N	8	0.98
(1,128)	1:A:135:ALA:N	1:A:135:ALA:CA	1:A:135:ALA:C	1:A:136:HIS:N	12	0.98
(1,90)	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	1:A:72:ILE:N	17	0.97
(1,70)	1:A:55:ARG:N	1:A:55:ARG:CA	1:A:55:ARG:C	1:A:56:LEU:N	6	0.95
(1,21)	1:A:26:GLU:C	1:A:27:LEU:N	1:A:27:LEU:CA	1:A:27:LEU:C	12	0.94
(1,142)	1:A:143:GLY:N	1:A:143:GLY:CA	1:A:143:GLY:C	1:A:144:PRO:N	1	0.94
(1,113)	1:A:120:HIS:C	1:A:121:PHE:N	1:A:121:PHE:CA	1:A:121:PHE:C	18	0.94
(1,88)	1:A:70:TRP:N	1:A:70:TRP:CA	1:A:70:TRP:C	1:A:71:TYR:N	14	0.93
(1,46)	1:A:39:LEU:N	1:A:39:LEU:CA	1:A:39:LEU:C	1:A:40:ILE:N	13	0.92
(1,28)	1:A:30:GLN:N	1:A:30:GLN:CA	1:A:30:GLN:C	1:A:31:ARG:N	8	0.92
(1,90)	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	1:A:72:ILE:N	20	0.91
(1,76)	1:A:58:SER:N	1:A:58:SER:CA	1:A:58:SER:C	1:A:59:ASN:N	15	0.9
(1,142)	1:A:143:GLY:N	1:A:143:GLY:CA	1:A:143:GLY:C	1:A:144:PRO:N	15	0.9
(1,100)	1:A:79:GLU:N	1:A:79:GLU:CA	1:A:79:GLU:C	1:A:80:PHE:N	16	0.9
(1,72)	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	1:A:57:GLU:N	3	0.88
(1,56)	1:A:44:GLU:N	1:A:44:GLU:CA	1:A:44:GLU:C	1:A:45:ASN:N	9	0.87
(1,142)	1:A:143:GLY:N	1:A:143:GLY:CA	1:A:143:GLY:C	1:A:144:PRO:N	4	0.87
(1,129)	1:A:135:ALA:C	1:A:136:HIS:N	1:A:136:HIS:CA	1:A:136:HIS:C	1	0.87
(1,92)	1:A:72:ILE:N	1:A:72:ILE:CA	1:A:72:ILE:C	1:A:73:HIS:N	15	0.86
(1,150)	1:A:148:VAL:N	1:A:148:VAL:CA	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	11	0.86
(1,142)	1:A:143:GLY:N	1:A:143:GLY:CA	1:A:143:GLY:C	1:A:144:PRO:N	14	0.85
(1,114)	1:A:121:PHE:N	1:A:121:PHE:CA	1:A:121:PHE:C	1:A:122:LYS:N	20	0.85
(1,129)	1:A:135:ALA:C	1:A:136:HIS:N	1:A:136:HIS:CA	1:A:136:HIS:C	7	0.84
(1,179)	1:A:18:THR:C	1:A:19:ASN:N	1:A:19:ASN:CA	1:A:19:ASN:C	16	0.83
(1,83)	1:A:67:GLY:C	1:A:68:LYS:N	1:A:68:LYS:CA	1:A:68:LYS:C	7	0.82
(1,158)	1:A:154:ILE:N	1:A:154:ILE:CA	1:A:154:ILE:C	1:A:155:GLN:N	19	0.82
(1,231)	1:A:85:ASP:C	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	7	0.81
(1,18)	1:A:25:ARG:N	1:A:25:ARG:CA	1:A:25:ARG:C	1:A:26:GLU:N	16	0.8
(1,151)	1:A:149:GLU:C	1:A:150:ILE:N	1:A:150:ILE:CA	1:A:150:ILE:C	8	0.79
(1,142)	1:A:143:GLY:N	1:A:143:GLY:CA	1:A:143:GLY:C	1:A:144:PRO:N	6	0.79
(1,89)	1:A:70:TRP:C	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	10	0.78
(1,83)	1:A:67:GLY:C	1:A:68:LYS:N	1:A:68:LYS:CA	1:A:68:LYS:C	18	0.77
(1,70)	1:A:55:ARG:N	1:A:55:ARG:CA	1:A:55:ARG:C	1:A:56:LEU:N	5	0.77
(1,17)	1:A:24:ASP:C	1:A:25:ARG:N	1:A:25:ARG:CA	1:A:25:ARG:C	12	0.77
(1,71)	1:A:55:ARG:C	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	7	0.76
(1,190)	1:A:22:PRO:N	1:A:22:PRO:CA	1:A:22:PRO:C	1:A:23:ARG:N	1	0.76
(1,130)	1:A:136:HIS:N	1:A:136:HIS:CA	1:A:136:HIS:C	1:A:137:LEU:N	8	0.75
(1,129)	1:A:135:ALA:C	1:A:136:HIS:N	1:A:136:HIS:CA	1:A:136:HIS:C	17	0.75
(1,100)	1:A:79:GLU:N	1:A:79:GLU:CA	1:A:79:GLU:C	1:A:80:PHE:N	5	0.73
(1,64)	1:A:48:ASN:N	1:A:48:ASN:CA	1:A:48:ASN:C	1:A:49:ALA:N	9	0.72
(1,89)	1:A:70:TRP:C	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	19	0.71
(1,113)	1:A:120:HIS:C	1:A:121:PHE:N	1:A:121:PHE:CA	1:A:121:PHE:C	5	0.71
(1,245)	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	1:A:95:PRO:N	7	0.7
(1,94)	1:A:73:HIS:N	1:A:73:HIS:CA	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	4	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,70)	1:A:55:ARG:N	1:A:55:ARG:CA	1:A:55:ARG:C	1:A:56:LEU:N	19	0.69
(1,190)	1:A:22:PRO:N	1:A:22:PRO:CA	1:A:22:PRO:C	1:A:23:ARG:N	8	0.69
(1,158)	1:A:154:ILE:N	1:A:154:ILE:CA	1:A:154:ILE:C	1:A:155:GLN:N	10	0.69
(1,146)	1:A:146:LEU:N	1:A:146:LEU:CA	1:A:146:LEU:C	1:A:147:ALA:N	8	0.69
(1,142)	1:A:143:GLY:N	1:A:143:GLY:CA	1:A:143:GLY:C	1:A:144:PRO:N	2	0.69
(1,90)	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	1:A:72:ILE:N	6	0.68
(1,190)	1:A:22:PRO:N	1:A:22:PRO:CA	1:A:22:PRO:C	1:A:23:ARG:N	4	0.68
(1,128)	1:A:135:ALA:N	1:A:135:ALA:CA	1:A:135:ALA:C	1:A:136:HIS:N	19	0.68
(1,81)	1:A:64:ARG:C	1:A:65:TRP:N	1:A:65:TRP:CA	1:A:65:TRP:C	16	0.67
(1,70)	1:A:55:ARG:N	1:A:55:ARG:CA	1:A:55:ARG:C	1:A:56:LEU:N	7	0.67
(1,129)	1:A:135:ALA:C	1:A:136:HIS:N	1:A:136:HIS:CA	1:A:136:HIS:C	13	0.67
(1,85)	1:A:68:LYS:C	1:A:69:CYS:N	1:A:69:CYS:CA	1:A:69:CYS:C	14	0.66
(1,94)	1:A:73:HIS:N	1:A:73:HIS:CA	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	20	0.65
(1,85)	1:A:68:LYS:C	1:A:69:CYS:N	1:A:69:CYS:CA	1:A:69:CYS:C	17	0.65
(1,64)	1:A:48:ASN:N	1:A:48:ASN:CA	1:A:48:ASN:C	1:A:49:ALA:N	10	0.65
(1,142)	1:A:143:GLY:N	1:A:143:GLY:CA	1:A:143:GLY:C	1:A:144:PRO:N	18	0.64
(1,14)	1:A:10:VAL:N	1:A:10:VAL:CA	1:A:10:VAL:C	1:A:11:SER:N	19	0.64
(1,70)	1:A:55:ARG:N	1:A:55:ARG:CA	1:A:55:ARG:C	1:A:56:LEU:N	12	0.63
(1,231)	1:A:85:ASP:C	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	12	0.63
(1,68)	1:A:54:PHE:N	1:A:54:PHE:CA	1:A:54:PHE:C	1:A:55:ARG:N	17	0.61
(1,46)	1:A:39:LEU:N	1:A:39:LEU:CA	1:A:39:LEU:C	1:A:40:ILE:N	20	0.61
(1,92)	1:A:72:ILE:N	1:A:72:ILE:CA	1:A:72:ILE:C	1:A:73:HIS:N	3	0.6
(1,70)	1:A:55:ARG:N	1:A:55:ARG:CA	1:A:55:ARG:C	1:A:56:LEU:N	16	0.6
(1,124)	1:A:127:ARG:N	1:A:127:ARG:CA	1:A:127:ARG:C	1:A:128:ASN:N	7	0.6
(1,120)	1:A:125:TRP:N	1:A:125:TRP:CA	1:A:125:TRP:C	1:A:126:ALA:N	5	0.6
(1,18)	1:A:25:ARG:N	1:A:25:ARG:CA	1:A:25:ARG:C	1:A:26:GLU:N	6	0.59
(1,150)	1:A:148:VAL:N	1:A:148:VAL:CA	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	12	0.59
(1,142)	1:A:143:GLY:N	1:A:143:GLY:CA	1:A:143:GLY:C	1:A:144:PRO:N	9	0.59
(1,94)	1:A:73:HIS:N	1:A:73:HIS:CA	1:A:73:HIS:C	1:A:74:ASP:N	18	0.58
(1,39)	1:A:35:GLU:C	1:A:36:TYR:N	1:A:36:TYR:CA	1:A:36:TYR:C	9	0.58
(1,18)	1:A:25:ARG:N	1:A:25:ARG:CA	1:A:25:ARG:C	1:A:26:GLU:N	13	0.58
(1,37)	1:A:34:GLU:C	1:A:35:GLU:N	1:A:35:GLU:CA	1:A:35:GLU:C	14	0.57
(1,245)	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	1:A:95:PRO:N	6	0.57
(1,209)	1:A:60:LYS:N	1:A:60:LYS:CA	1:A:60:LYS:C	1:A:61:GLU:N	19	0.57
(1,160)	1:A:155:GLN:N	1:A:155:GLN:CA	1:A:155:GLN:C	1:A:156:LYS:N	13	0.57
(1,114)	1:A:121:PHE:N	1:A:121:PHE:CA	1:A:121:PHE:C	1:A:122:LYS:N	1	0.57
(1,113)	1:A:120:HIS:C	1:A:121:PHE:N	1:A:121:PHE:CA	1:A:121:PHE:C	15	0.57
(1,100)	1:A:79:GLU:N	1:A:79:GLU:CA	1:A:79:GLU:C	1:A:80:PHE:N	19	0.57
(1,100)	1:A:79:GLU:N	1:A:79:GLU:CA	1:A:79:GLU:C	1:A:80:PHE:N	2	0.56
(1,90)	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	1:A:72:ILE:N	7	0.55
(1,130)	1:A:136:HIS:N	1:A:136:HIS:CA	1:A:136:HIS:C	1:A:137:LEU:N	13	0.55
(1,129)	1:A:135:ALA:C	1:A:136:HIS:N	1:A:136:HIS:CA	1:A:136:HIS:C	15	0.55
(1,105)	1:A:81:ASP:C	1:A:82:ILE:N	1:A:82:ILE:CA	1:A:82:ILE:C	7	0.54
(1,70)	1:A:55:ARG:N	1:A:55:ARG:CA	1:A:55:ARG:C	1:A:56:LEU:N	17	0.52
(1,245)	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	1:A:95:PRO:N	1	0.52
(1,245)	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	1:A:95:PRO:N	16	0.52
(1,130)	1:A:136:HIS:N	1:A:136:HIS:CA	1:A:136:HIS:C	1:A:137:LEU:N	6	0.52
(1,130)	1:A:136:HIS:N	1:A:136:HIS:CA	1:A:136:HIS:C	1:A:137:LEU:N	10	0.52
(1,85)	1:A:68:LYS:C	1:A:69:CYS:N	1:A:69:CYS:CA	1:A:69:CYS:C	16	0.51
(1,67)	1:A:53:TRP:C	1:A:54:PHE:N	1:A:54:PHE:CA	1:A:54:PHE:C	3	0.51
(1,28)	1:A:30:GLN:N	1:A:30:GLN:CA	1:A:30:GLN:C	1:A:31:ARG:N	7	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,185)	1:A:20:ALA:N	1:A:20:ALA:CA	1:A:20:ALA:C	1:A:21:GLY:N	16	0.51
(1,26)	1:A:29:VAL:N	1:A:29:VAL:CA	1:A:29:VAL:C	1:A:30:GLN:N	1	0.5
(1,153)	1:A:151:PRO:C	1:A:152:ASP:N	1:A:152:ASP:CA	1:A:152:ASP:C	4	0.5
(1,113)	1:A:120:HIS:C	1:A:121:PHE:N	1:A:121:PHE:CA	1:A:121:PHE:C	2	0.5
(1,29)	1:A:30:GLN:C	1:A:31:ARG:N	1:A:31:ARG:CA	1:A:31:ARG:C	13	0.48
(1,18)	1:A:25:ARG:N	1:A:25:ARG:CA	1:A:25:ARG:C	1:A:26:GLU:N	9	0.48
(1,142)	1:A:143:GLY:N	1:A:143:GLY:CA	1:A:143:GLY:C	1:A:144:PRO:N	13	0.48
(1,124)	1:A:127:ARG:N	1:A:127:ARG:CA	1:A:127:ARG:C	1:A:128:ASN:N	15	0.48
(1,120)	1:A:125:TRP:N	1:A:125:TRP:CA	1:A:125:TRP:C	1:A:126:ALA:N	14	0.48
(1,89)	1:A:70:TRP:C	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	18	0.47
(1,136)	1:A:139:ALA:N	1:A:139:ALA:CA	1:A:139:ALA:C	1:A:140:LEU:N	11	0.47
(1,129)	1:A:135:ALA:C	1:A:136:HIS:N	1:A:136:HIS:CA	1:A:136:HIS:C	6	0.47
(1,72)	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	1:A:57:GLU:N	16	0.46
(1,64)	1:A:48:ASN:N	1:A:48:ASN:CA	1:A:48:ASN:C	1:A:49:ALA:N	4	0.46
(1,38)	1:A:35:GLU:N	1:A:35:GLU:CA	1:A:35:GLU:C	1:A:36:TYR:N	18	0.46
(1,30)	1:A:31:ARG:N	1:A:31:ARG:CA	1:A:31:ARG:C	1:A:32:LEU:N	6	0.46
(1,152)	1:A:150:ILE:N	1:A:150:ILE:CA	1:A:150:ILE:C	1:A:151:PRO:N	8	0.46
(1,152)	1:A:150:ILE:N	1:A:150:ILE:CA	1:A:150:ILE:C	1:A:151:PRO:N	11	0.46
(1,129)	1:A:135:ALA:C	1:A:136:HIS:N	1:A:136:HIS:CA	1:A:136:HIS:C	8	0.46
(1,120)	1:A:125:TRP:N	1:A:125:TRP:CA	1:A:125:TRP:C	1:A:126:ALA:N	8	0.46
(1,100)	1:A:79:GLU:N	1:A:79:GLU:CA	1:A:79:GLU:C	1:A:80:PHE:N	18	0.46
(1,46)	1:A:39:LEU:N	1:A:39:LEU:CA	1:A:39:LEU:C	1:A:40:ILE:N	9	0.45
(1,142)	1:A:143:GLY:N	1:A:143:GLY:CA	1:A:143:GLY:C	1:A:144:PRO:N	3	0.45
(1,90)	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	1:A:72:ILE:N	16	0.44
(1,6)	1:A:6:THR:N	1:A:6:THR:CA	1:A:6:THR:C	1:A:7:ARG:N	8	0.44
(1,142)	1:A:143:GLY:N	1:A:143:GLY:CA	1:A:143:GLY:C	1:A:144:PRO:N	16	0.44
(1,120)	1:A:125:TRP:N	1:A:125:TRP:CA	1:A:125:TRP:C	1:A:126:ALA:N	16	0.44
(1,113)	1:A:120:HIS:C	1:A:121:PHE:N	1:A:121:PHE:CA	1:A:121:PHE:C	1	0.44
(1,100)	1:A:79:GLU:N	1:A:79:GLU:CA	1:A:79:GLU:C	1:A:80:PHE:N	14	0.44
(1,67)	1:A:53:TRP:C	1:A:54:PHE:N	1:A:54:PHE:CA	1:A:54:PHE:C	19	0.43
(1,46)	1:A:39:LEU:N	1:A:39:LEU:CA	1:A:39:LEU:C	1:A:40:ILE:N	3	0.43
(1,102)	1:A:80:PHE:N	1:A:80:PHE:CA	1:A:80:PHE:C	1:A:81:ASP:N	2	0.43
(1,151)	1:A:149:GLU:C	1:A:150:ILE:N	1:A:150:ILE:CA	1:A:150:ILE:C	6	0.42
(1,88)	1:A:70:TRP:N	1:A:70:TRP:CA	1:A:70:TRP:C	1:A:71:TYR:N	17	0.41
(1,37)	1:A:34:GLU:C	1:A:35:GLU:N	1:A:35:GLU:CA	1:A:35:GLU:C	6	0.41
(1,90)	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	1:A:72:ILE:N	4	0.4
(1,88)	1:A:70:TRP:N	1:A:70:TRP:CA	1:A:70:TRP:C	1:A:71:TYR:N	13	0.4
(1,85)	1:A:68:LYS:C	1:A:69:CYS:N	1:A:69:CYS:CA	1:A:69:CYS:C	10	0.4
(1,72)	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	1:A:57:GLU:N	2	0.4
(1,54)	1:A:43:VAL:N	1:A:43:VAL:CA	1:A:43:VAL:C	1:A:44:GLU:N	17	0.4
(1,226)	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	1:A:75:LEU:CA	1:A:75:LEU:C	12	0.4
(1,53)	1:A:42:TYR:C	1:A:43:VAL:N	1:A:43:VAL:CA	1:A:43:VAL:C	19	0.39
(1,150)	1:A:148:VAL:N	1:A:148:VAL:CA	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	15	0.39
(1,114)	1:A:121:PHE:N	1:A:121:PHE:CA	1:A:121:PHE:C	1:A:122:LYS:N	17	0.39
(1,72)	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	1:A:57:GLU:N	14	0.38
(1,113)	1:A:120:HIS:C	1:A:121:PHE:N	1:A:121:PHE:CA	1:A:121:PHE:C	4	0.38
(1,105)	1:A:81:ASP:C	1:A:82:ILE:N	1:A:82:ILE:CA	1:A:82:ILE:C	2	0.38
(1,113)	1:A:120:HIS:C	1:A:121:PHE:N	1:A:121:PHE:CA	1:A:121:PHE:C	7	0.37
(1,356)	1:A:164:LYS:N	1:A:164:LYS:CA	1:A:164:LYS:C	1:A:165:CYS:N	13	0.36
(1,226)	1:A:74:ASP:C	1:A:75:LEU:N	1:A:75:LEU:CA	1:A:75:LEU:C	3	0.36
(1,20)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:LEU:N	19	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,46)	1:A:39:LEU:N	1:A:39:LEU:CA	1:A:39:LEU:C	1:A:40:ILE:N	16	0.35
(1,152)	1:A:150:ILE:N	1:A:150:ILE:CA	1:A:150:ILE:C	1:A:151:PRO:N	17	0.35
(1,86)	1:A:69:CYS:N	1:A:69:CYS:CA	1:A:69:CYS:C	1:A:70:TRP:N	2	0.34
(1,46)	1:A:39:LEU:N	1:A:39:LEU:CA	1:A:39:LEU:C	1:A:40:ILE:N	18	0.34
(1,160)	1:A:155:GLN:N	1:A:155:GLN:CA	1:A:155:GLN:C	1:A:156:LYS:N	5	0.34
(1,322)	1:A:130:PRO:C	1:A:131:LYS:N	1:A:131:LYS:CA	1:A:131:LYS:C	8	0.33
(1,245)	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	1:A:95:PRO:N	10	0.33
(1,31)	1:A:31:ARG:C	1:A:32:LEU:N	1:A:32:LEU:CA	1:A:32:LEU:C	9	0.32
(1,245)	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	1:A:95:PRO:N	12	0.32
(1,152)	1:A:150:ILE:N	1:A:150:ILE:CA	1:A:150:ILE:C	1:A:151:PRO:N	19	0.32
(1,129)	1:A:135:ALA:C	1:A:136:HIS:N	1:A:136:HIS:CA	1:A:136:HIS:C	16	0.32
(1,114)	1:A:121:PHE:N	1:A:121:PHE:CA	1:A:121:PHE:C	1:A:122:LYS:N	12	0.31
(1,158)	1:A:154:ILE:N	1:A:154:ILE:CA	1:A:154:ILE:C	1:A:155:GLN:N	1	0.3
(1,114)	1:A:121:PHE:N	1:A:121:PHE:CA	1:A:121:PHE:C	1:A:122:LYS:N	19	0.3
(1,92)	1:A:72:ILE:N	1:A:72:ILE:CA	1:A:72:ILE:C	1:A:73:HIS:N	16	0.29
(1,77)	1:A:58:SER:C	1:A:59:ASN:N	1:A:59:ASN:CA	1:A:59:ASN:C	6	0.29
(1,64)	1:A:48:ASN:N	1:A:48:ASN:CA	1:A:48:ASN:C	1:A:49:ALA:N	11	0.29
(1,58)	1:A:45:ASN:N	1:A:45:ASN:CA	1:A:45:ASN:C	1:A:46:ASN:N	8	0.29
(1,21)	1:A:26:GLU:C	1:A:27:LEU:N	1:A:27:LEU:CA	1:A:27:LEU:C	4	0.29
(1,129)	1:A:135:ALA:C	1:A:136:HIS:N	1:A:136:HIS:CA	1:A:136:HIS:C	14	0.29
(1,31)	1:A:31:ARG:C	1:A:32:LEU:N	1:A:32:LEU:CA	1:A:32:LEU:C	14	0.28
(1,18)	1:A:25:ARG:N	1:A:25:ARG:CA	1:A:25:ARG:C	1:A:26:GLU:N	5	0.28
(1,158)	1:A:154:ILE:N	1:A:154:ILE:CA	1:A:154:ILE:C	1:A:155:GLN:N	13	0.28
(1,150)	1:A:148:VAL:N	1:A:148:VAL:CA	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	6	0.28
(1,166)	1:A:12:GLU:C	1:A:13:ILE:N	1:A:13:ILE:CA	1:A:13:ILE:C	13	0.27
(1,130)	1:A:136:HIS:N	1:A:136:HIS:CA	1:A:136:HIS:C	1:A:137:LEU:N	11	0.27
(1,89)	1:A:70:TRP:C	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	14	0.26
(1,88)	1:A:70:TRP:N	1:A:70:TRP:CA	1:A:70:TRP:C	1:A:71:TYR:N	9	0.26
(1,245)	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	1:A:95:PRO:N	13	0.26
(1,166)	1:A:12:GLU:C	1:A:13:ILE:N	1:A:13:ILE:CA	1:A:13:ILE:C	4	0.26
(1,153)	1:A:151:PRO:C	1:A:152:ASP:N	1:A:152:ASP:CA	1:A:152:ASP:C	16	0.26
(1,120)	1:A:125:TRP:N	1:A:125:TRP:CA	1:A:125:TRP:C	1:A:126:ALA:N	20	0.26
(1,68)	1:A:54:PHE:N	1:A:54:PHE:CA	1:A:54:PHE:C	1:A:55:ARG:N	6	0.25
(1,30)	1:A:31:ARG:N	1:A:31:ARG:CA	1:A:31:ARG:C	1:A:32:LEU:N	8	0.25
(1,245)	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	1:A:95:PRO:N	14	0.25
(1,151)	1:A:149:GLU:C	1:A:150:ILE:N	1:A:150:ILE:CA	1:A:150:ILE:C	7	0.24
(1,129)	1:A:135:ALA:C	1:A:136:HIS:N	1:A:136:HIS:CA	1:A:136:HIS:C	3	0.23
(1,129)	1:A:135:ALA:C	1:A:136:HIS:N	1:A:136:HIS:CA	1:A:136:HIS:C	11	0.23
(1,277)	1:A:106:THR:N	1:A:106:THR:CA	1:A:106:THR:C	1:A:107:ALA:N	8	0.22
(1,113)	1:A:120:HIS:C	1:A:121:PHE:N	1:A:121:PHE:CA	1:A:121:PHE:C	17	0.22
(1,56)	1:A:44:GLU:N	1:A:44:GLU:CA	1:A:44:GLU:C	1:A:45:ASN:N	17	0.21
(1,92)	1:A:72:ILE:N	1:A:72:ILE:CA	1:A:72:ILE:C	1:A:73:HIS:N	11	0.2
(1,64)	1:A:48:ASN:N	1:A:48:ASN:CA	1:A:48:ASN:C	1:A:49:ALA:N	19	0.2
(1,245)	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	1:A:95:PRO:N	18	0.2
(1,146)	1:A:146:LEU:N	1:A:146:LEU:CA	1:A:146:LEU:C	1:A:147:ALA:N	17	0.2
(1,129)	1:A:135:ALA:C	1:A:136:HIS:N	1:A:136:HIS:CA	1:A:136:HIS:C	4	0.2
(1,150)	1:A:148:VAL:N	1:A:148:VAL:CA	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	1	0.19
(1,128)	1:A:135:ALA:N	1:A:135:ALA:CA	1:A:135:ALA:C	1:A:136:HIS:N	5	0.18
(1,128)	1:A:135:ALA:N	1:A:135:ALA:CA	1:A:135:ALA:C	1:A:136:HIS:N	18	0.18
(1,142)	1:A:143:GLY:N	1:A:143:GLY:CA	1:A:143:GLY:C	1:A:144:PRO:N	12	0.17
(1,159)	1:A:154:ILE:C	1:A:155:GLN:N	1:A:155:GLN:CA	1:A:155:GLN:C	6	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,120)	1:A:125:TRP:N	1:A:125:TRP:CA	1:A:125:TRP:C	1:A:126:ALA:N	17	0.16
(1,67)	1:A:53:TRP:C	1:A:54:PHE:N	1:A:54:PHE:CA	1:A:54:PHE:C	18	0.14
(1,153)	1:A:151:PRO:C	1:A:152:ASP:N	1:A:152:ASP:CA	1:A:152:ASP:C	2	0.14
(1,140)	1:A:142:LEU:N	1:A:142:LEU:CA	1:A:142:LEU:C	1:A:143:GLY:N	8	0.14
(1,190)	1:A:22:PRO:N	1:A:22:PRO:CA	1:A:22:PRO:C	1:A:23:ARG:N	18	0.13
(1,150)	1:A:148:VAL:N	1:A:148:VAL:CA	1:A:148:VAL:C	1:A:149:GLU:N	7	0.13
(1,129)	1:A:135:ALA:C	1:A:136:HIS:N	1:A:136:HIS:CA	1:A:136:HIS:C	12	0.13
(1,98)	1:A:78:TYR:N	1:A:78:TYR:CA	1:A:78:TYR:C	1:A:79:GLU:N	20	0.12
(1,231)	1:A:85:ASP:C	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	14	0.12
(1,146)	1:A:146:LEU:N	1:A:146:LEU:CA	1:A:146:LEU:C	1:A:147:ALA:N	11	0.12
(1,28)	1:A:30:GLN:N	1:A:30:GLN:CA	1:A:30:GLN:C	1:A:31:ARG:N	16	0.11
(1,104)	1:A:81:ASP:N	1:A:81:ASP:CA	1:A:81:ASP:C	1:A:82:ILE:N	11	0.09
(1,34)	1:A:33:LYS:N	1:A:33:LYS:CA	1:A:33:LYS:C	1:A:34:GLU:N	19	0.08
(1,245)	1:A:94:ALA:N	1:A:94:ALA:CA	1:A:94:ALA:C	1:A:95:PRO:N	5	0.08
(1,166)	1:A:12:GLU:C	1:A:13:ILE:N	1:A:13:ILE:CA	1:A:13:ILE:C	7	0.08
(1,151)	1:A:149:GLU:C	1:A:150:ILE:N	1:A:150:ILE:CA	1:A:150:ILE:C	17	0.08
(1,120)	1:A:125:TRP:N	1:A:125:TRP:CA	1:A:125:TRP:C	1:A:126:ALA:N	15	0.08
(1,142)	1:A:143:GLY:N	1:A:143:GLY:CA	1:A:143:GLY:C	1:A:144:PRO:N	5	0.07
(1,74)	1:A:57:GLU:N	1:A:57:GLU:CA	1:A:57:GLU:C	1:A:58:SER:N	19	0.06
(1,64)	1:A:48:ASN:N	1:A:48:ASN:CA	1:A:48:ASN:C	1:A:49:ALA:N	7	0.06
(1,35)	1:A:33:LYS:C	1:A:34:GLU:N	1:A:34:GLU:CA	1:A:34:GLU:C	16	0.06
(1,113)	1:A:120:HIS:C	1:A:121:PHE:N	1:A:121:PHE:CA	1:A:121:PHE:C	3	0.06
(1,84)	1:A:68:LYS:N	1:A:68:LYS:CA	1:A:68:LYS:C	1:A:69:CYS:N	10	0.05
(1,72)	1:A:56:LEU:N	1:A:56:LEU:CA	1:A:56:LEU:C	1:A:57:GLU:N	17	0.05
(1,151)	1:A:149:GLU:C	1:A:150:ILE:N	1:A:150:ILE:CA	1:A:150:ILE:C	15	0.04
(1,64)	1:A:48:ASN:N	1:A:48:ASN:CA	1:A:48:ASN:C	1:A:49:ALA:N	15	0.03
(1,130)	1:A:136:HIS:N	1:A:136:HIS:CA	1:A:136:HIS:C	1:A:137:LEU:N	18	0.02
(1,89)	1:A:70:TRP:C	1:A:71:TYR:N	1:A:71:TYR:CA	1:A:71:TYR:C	11	0.01
(1,151)	1:A:149:GLU:C	1:A:150:ILE:N	1:A:150:ILE:CA	1:A:150:ILE:C	14	0.01