



wwPDB NMR Structure Validation Summary Report ⓘ

Feb 25, 2020 – 04:39 PM CST

PDB ID : 2KCU
Title : NMR solution structure of an uncharacterized protein from *Chlorobium tepidum*. Northeast Structural Genomics target CtR107
Authors : Mills, J.L.; Zhang, Q.; Sukumaran, D.K.; Wang, D.; Jiang, M.; Foote, E.L.; Xiao, R.; Nair, R.; Everett, J.K.; Swapna, G.V.T.; Acton, T.B.; Rost, B.; Montelione, G.T.; Szyperski, T.; Northeast Structural Genomics Consortium (NESG)
Deposited on : 2008-12-29

This is a wwPDB NMR Structure Validation Summary Report for a publicly released PDB entry.

We welcome your comments at validation@mail.wwpdb.org

A user guide is available at

<https://www.wwpdb.org/validation/2017/NMRValidationReportHelp>

with specific help available everywhere you see the ⓘ symbol.

The following versions of software and data (see [references ⓘ](#)) were used in the production of this report:

Cyrange	:	Kirchner and Güntert (2011)
NmrClust	:	Kelley et al. (1996)
MolProbity	:	4.02b-467
Percentile statistics	:	20171227.v01 (using entries in the PDB archive December 27th 2017)
RCI	:	v_1n_11_5_13_A (Berjanski et al., 2005)
PANAV	:	Wang et al. (2010)
ShiftChecker	:	2.6.dev1
BMRB Restraints Analysis	:	v1.2
Ideal geometry (proteins)	:	Engh & Huber (2001)
Ideal geometry (DNA, RNA)	:	Parkinson et al. (1996)
Validation Pipeline (wwPDB-VP)	:	2.6.dev1

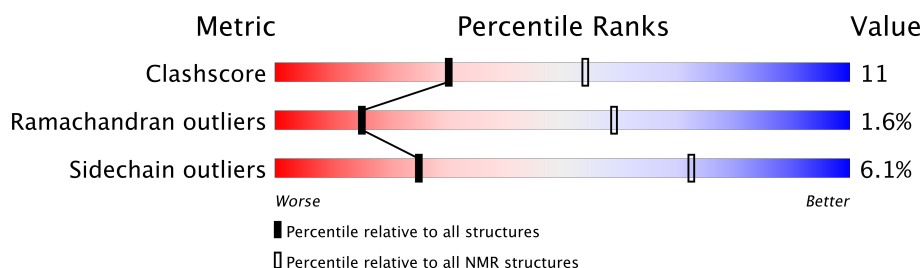
1 Overall quality at a glance

The following experimental techniques were used to determine the structure:

SOLUTION NMR

The overall completeness of chemical shifts assignment is 52%.

Percentile scores (ranging between 0-100) for global validation metrics of the entry are shown in the following graphic. The table shows the number of entries on which the scores are based.



Metric	Whole archive (#Entries)	NMR archive (#Entries)
Clashscore	136327	12091
Ramachandran outliers	132723	10835
Sidechain outliers	132532	10811

The table below summarises the geometric issues observed across the polymeric chains and their fit to the experimental data. The red, orange, yellow and green segments indicate the fraction of residues that contain outliers for ≥ 3 , 2, 1 and 0 types of geometric quality criteria. A cyan segment indicates the fraction of residues that are not part of the well-defined cores, and a grey segment represents the fraction of residues that are not modelled. The numeric value for each fraction is indicated below the corresponding segment, with a dot representing fractions $\leq 5\%$

Mol	Chain	Length	Quality of chain
1	A	166	<div> <div style="width: 74%; background-color: green;"></div> <div style="width: 15%; background-color: yellow;"></div> <div style="width: 11%; background-color: cyan;"></div> </div> <div>74% 15% 11%</div>

2 Ensemble composition and analysis

This entry contains 20 models. Model 14 is the overall representative, medoid model (most similar to other models). The authors have identified model 1 as representative, based on the following criterion: *lowest energy*.

The following residues are included in the computation of the global validation metrics.

Well-defined (core) protein residues			
Well-defined core	Residue range (total)	Backbone RMSD (Å)	Medoid model
1	A:7-A:154 (148)	1.26	14

Ill-defined regions of proteins are excluded from the global statistics.

Ligands and non-protein polymers are included in the analysis.

The models can be grouped into 4 clusters and 4 single-model clusters were found.

Cluster number	Models
1	1, 2, 4, 5, 6, 10, 12, 14, 16
2	15, 18, 19
3	8, 9
4	11, 13
Single-model clusters	3; 7; 17; 20

3 Entry composition

There is only 1 type of molecule in this entry. The entry contains 2495 atoms, of which 1218 are hydrogens and 0 are deuteriums.

- Molecule 1 is a protein called protein Ctr107.

Mol	Chain	Residues	Atoms						Trace
1	A	166	Total	C	H	N	O	S	0
			2495	813	1218	209	248	7	

There are 9 discrepancies between the modelled and reference sequences:

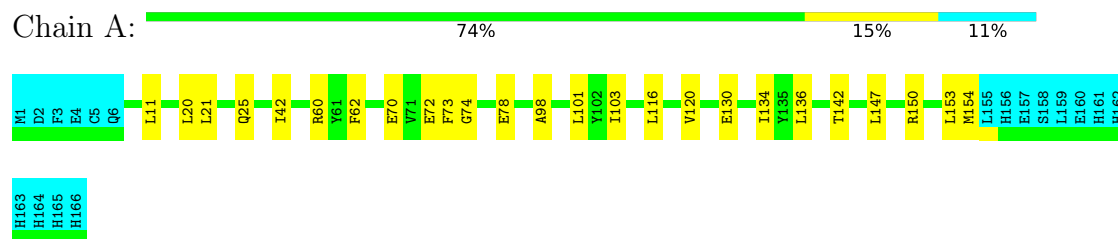
Chain	Residue	Modelled	Actual	Comment	Reference
A	27	ALA	THR	SEE REMARK 999	UNP Q8KFZ1
A	159	LEU	-	EXPRESSION TAG	UNP Q8KFZ1
A	160	GLU	-	EXPRESSION TAG	UNP Q8KFZ1
A	161	HIS	-	EXPRESSION TAG	UNP Q8KFZ1
A	162	HIS	-	EXPRESSION TAG	UNP Q8KFZ1
A	163	HIS	-	EXPRESSION TAG	UNP Q8KFZ1
A	164	HIS	-	EXPRESSION TAG	UNP Q8KFZ1
A	165	HIS	-	EXPRESSION TAG	UNP Q8KFZ1
A	166	HIS	-	EXPRESSION TAG	UNP Q8KFZ1

4 Residue-property plots [i](#)

4.1 Average score per residue in the NMR ensemble

These plots are provided for all protein, RNA and DNA chains in the entry. The first graphic is the same as shown in the summary in section 1 of this report. The second graphic shows the sequence where residues are colour-coded according to the number of geometric quality criteria for which they contain at least one outlier: green = 0, yellow = 1, orange = 2 and red = 3 or more. Stretches of 2 or more consecutive residues without any outliers are shown as green connectors. Residues which are classified as ill-defined in the NMR ensemble, are shown in cyan with an underline colour-coded according to the previous scheme. Residues which were present in the experimental sample, but not modelled in the final structure are shown in grey.

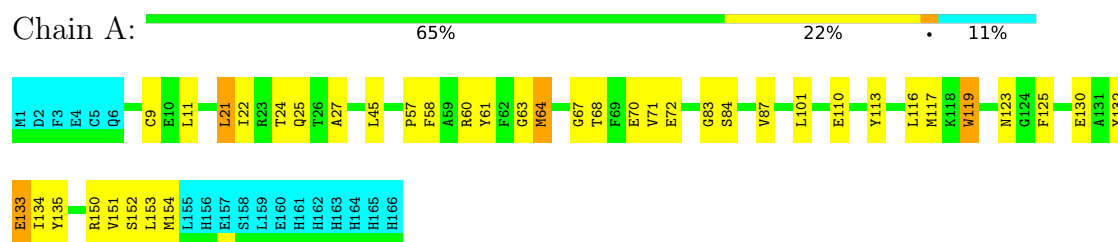
- Molecule 1: protein CtR107



4.2 Residue scores for the representative (medoid) model from the NMR ensemble

The representative model is number 14. Colouring as in section 4.1 above.

- Molecule 1: protein CtR107



5 Refinement protocol and experimental data overview

The models were refined using the following method: *simulated annealing, molecular dynamics*.

Of the 100 calculated structures, 20 were deposited, based on the following criterion: *target function*.

The following table shows the software used for structure solution, optimisation and refinement.

Software name	Classification	Version
CSI	structure solution	
TALOS	structure solution	
CYANA	structure solution	
CNS	geometry optimization	
PSVS	refinement	

The following table shows chemical shift validation statistics as aggregates over all chemical shift files. Detailed validation can be found in section 7 of this report.

Chemical shift file(s)	2kcu_nmr.cif
Number of chemical shift lists	1
Total number of shifts	1656
Number of shifts mapped to atoms	1011
Number of unparsed shifts	199
Number of shifts with mapping errors	0
Number of shifts with mapping warnings	446
Assignment completeness (well-defined parts)	52%

No validations of the models with respect to experimental NMR restraints is performed at this time.

6 Model quality [i](#)

6.1 Standard geometry [i](#)

There are no covalent bond-length or bond-angle outliers.

There are no bond-length outliers.

There are no bond-angle outliers.

There are no chirality outliers.

There are no planarity outliers.

6.2 Too-close contacts [i](#)

In the following table, the Non-H and H(model) columns list the number of non-hydrogen atoms and hydrogen atoms in each chain respectively. The H(added) column lists the number of hydrogen atoms added and optimized by MolProbity. The Clashes column lists the number of clashes averaged over the ensemble.

Mol	Chain	Non-H	H(model)	H(added)	Clashes
1	A	1115	1080	1079	24±6
All	All	22300	21600	21580	476

The all-atom clashscore is defined as the number of clashes found per 1000 atoms (including hydrogen atoms). The all-atom clashscore for this structure is 11.

5 of 362 unique clashes are listed below, sorted by their clash magnitude.

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:21:LEU:HB3	1:A:74:GLY:HA3	0.90	1.42	5	3
1:A:19:ALA:HA	1:A:76:PRO:HA	0.89	1.42	11	4
1:A:120:VAL:HA	1:A:123:ASN:HD22	0.83	1.34	19	3
1:A:62:PHE:HB2	1:A:70:GLU:HB3	0.81	1.49	18	2
1:A:102:TYR:HB3	1:A:149:THR:HB	0.77	1.54	17	2

6.3 Torsion angles [i](#)

6.3.1 Protein backbone [i](#)

In the following table, the Percentiles column shows the percent Ramachandran outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR entries. The Analysed column shows the number of residues for which the backbone conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Favoured	Allowed	Outliers	Percentiles	
1	A	148/166 (89%)	133±3 (90±2%)	13±3 (9±2%)	2±1 (2±1%)	15	59
All	All	2960/3320 (89%)	2650 (90%)	264 (9%)	46 (2%)	15	59

5 of 20 unique Ramachandran outliers are listed below. They are sorted by the frequency of occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	74	GLY	11
1	A	42	ILE	5
1	A	107	GLY	5
1	A	66	ALA	4
1	A	28	MET	3

6.3.2 Protein sidechains ⓘ

In the following table, the Percentiles column shows the percent sidechain outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR entries. The Analysed column shows the number of residues for which the sidechain conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Rotameric	Outliers	Percentiles	
1	A	116/134 (87%)	109±2 (94±2%)	7±2 (6±2%)	25	72
All	All	2320/2680 (87%)	2179 (94%)	141 (6%)	25	72

5 of 57 unique residues with a non-rotameric sidechain are listed below. They are sorted by the frequency of occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	21	LEU	9
1	A	78	GLU	6
1	A	136	LEU	5
1	A	89	THR	5
1	A	153	LEU	5

6.3.3 RNA ⓘ

There are no RNA molecules in this entry.

6.4 Non-standard residues in protein, DNA, RNA chains [i](#)

There are no non-standard protein/DNA/RNA residues in this entry.

6.5 Carbohydrates [i](#)

There are no carbohydrates in this entry.

6.6 Ligand geometry [i](#)

There are no ligands in this entry.

6.7 Other polymers [i](#)

There are no such molecules in this entry.

6.8 Polymer linkage issues [i](#)

There are no chain breaks in this entry.

7 Chemical shift validation

The completeness of assignment taking into account all chemical shift lists is 52% for the well-defined parts and 52% for the entire structure.

7.1 Chemical shift list 1

File name: 2kcu_nmr.cif

Chemical shift list name: *nef_chemical_shift_list_2kcu.mr*

7.1.1 Bookkeeping

The following table shows the results of parsing the chemical shift list and reports the number of nuclei with statistically unusual chemical shifts.

Total number of shifts	1656
Number of shifts mapped to atoms	1011
Number of unparsed shifts	199
Number of shifts with mapping errors	0
Number of shifts with mapping warnings	446
Number of shift outliers (ShiftChecker)	1

The following errors were found when reading this chemical shift list.

- Chemical shift has been reported more than once. First 5 (of 199) occurrences are reported below.

Shift ID	Chain	Res	Type	Atom	Shift Data		
					Value	Uncertainty	Ambiguity
2	A	1	MET	HE%	2.084	0.020	1
3	A	1	MET	HE%	2.084	0.020	1
4	A	1	MET	HE%	2.084	0.020	1
5	A	1	MET	HE%	2.084	0.020	1
6	A	1	MET	HE%	2.084	0.020	1

The following assigned chemical shifts were not mapped to the molecules present in the coordinate file.

- No matching atoms found in structure. First 5 (of 446) occurrences are reported below.

Chain	Res	Type	Atom	Shift Data		
				Value	Uncertainty	Ambiguity
A	70	GLU	HGy	2.091	0.02	2
A	150	ARG	HB%	1.58	0.02	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Chain	Res	Type	Atom	Shift Data		
				Value	Uncertainty	Ambiguity
A	145	ASP	HBy	2.599	0.02	2
A	127	LEU	HBy	1.704	0.02	2
A	53	PRO	HDy	3.751	0.02	2

7.1.2 Chemical shift referencing [i](#)

The following table shows the suggested chemical shift referencing corrections.

Nucleus	# values	Correction \pm precision, ppm	Suggested action
$^{13}\text{C}_\alpha$	156	0.12 ± 0.05	None needed (< 0.5 ppm)
$^{13}\text{C}_\beta$	138	-0.05 ± 0.11	None needed (< 0.5 ppm)
$^{13}\text{C}'$	0	—	None (insufficient data)
^{15}N	149	-0.09 ± 0.35	None needed (< 0.5 ppm)

7.1.3 Completeness of resonance assignments [i](#)

The following table shows the completeness of the chemical shift assignments for the well-defined regions of the structure. The overall completeness is 52%, i.e. 875 atoms were assigned a chemical shift out of a possible 1697. 23 out of 26 assigned methyl groups (LEU and VAL) were assigned stereospecifically.

	Total	^1H	^{13}C	^{15}N
Backbone	527/720 (73%)	255/286 (89%)	139/296 (47%)	133/138 (96%)
Sidechain	284/829 (34%)	34/486 (7%)	246/318 (77%)	4/25 (16%)
Aromatic	64/148 (43%)	29/78 (37%)	34/67 (51%)	1/3 (33%)
Overall	875/1697 (52%)	318/850 (37%)	419/681 (62%)	138/166 (83%)

7.1.4 Statistically unusual chemical shifts [i](#)

The following table lists the statistically unusual chemical shifts. These are statistical measures, and large deviations from the mean do not necessarily imply incorrect assignments. Molecules containing paramagnetic centres or hemes are expected to give rise to anomalous chemical shifts.

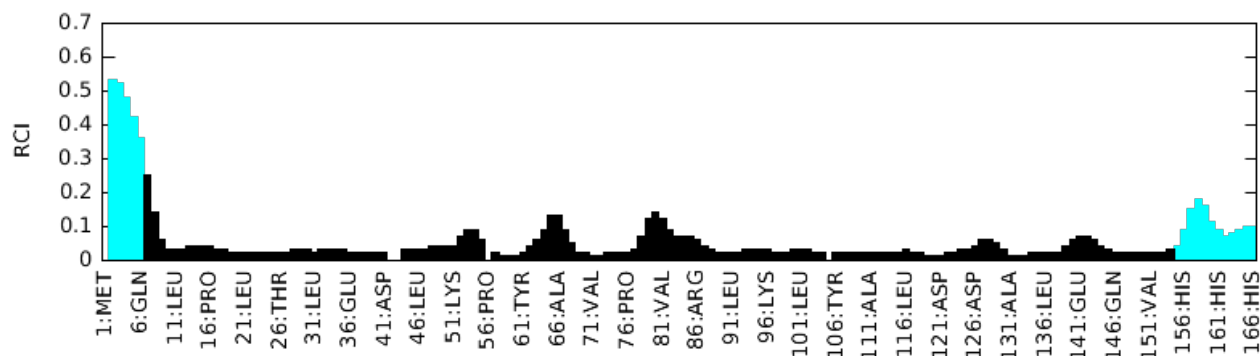
Mol	Chain	Res	Type	Atom	Shift, ppm	Expected range, ppm	Z-score
1	A	22	ILE	HB	0.24	3.24 – 0.34	-5.4

7.1.5 Random Coil Index (RCI) plots [i](#)

The image below reports *random coil index* values for the protein chains in the structure. The height of each bar gives a probability of a given residue to be disordered, as predicted from

the available chemical shifts and the amino acid sequence. A value above 0.2 is an indication of significant predicted disorder. The colour of the bar shows whether the residue is in the well-defined core (black) or in the ill-defined residue ranges (cyan), as described in section 2 on ensemble composition.

Random coil index (RCI) for chain A:



8 Distance restraints analysis

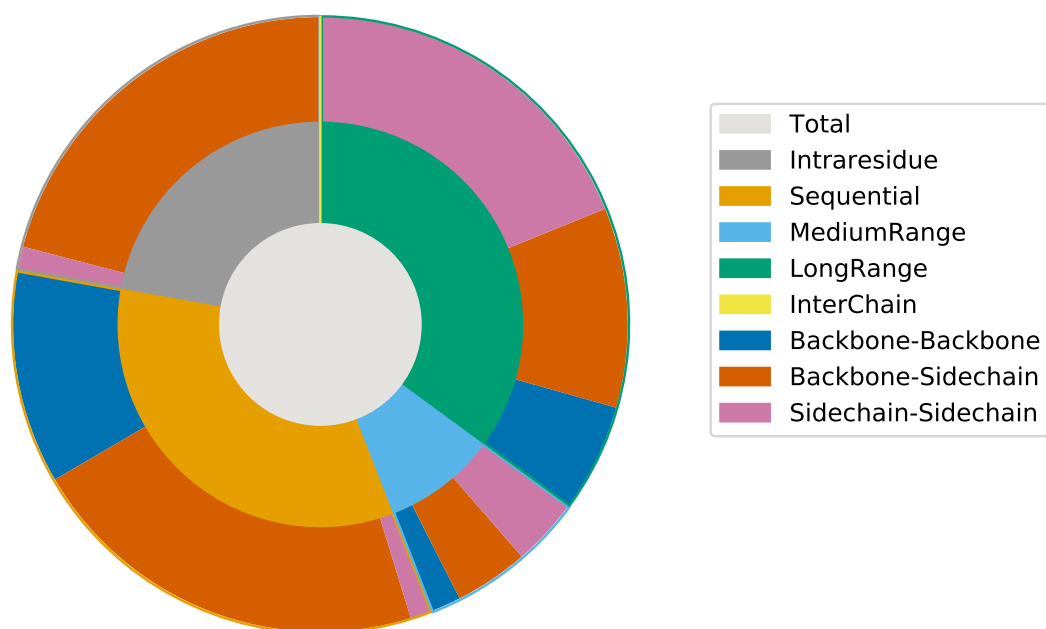
8.1 Distance restraints summary

Restraints are counted in different categories based on the atoms involved in each restraint.

Restraints type	B-B ¹ (H ⁴)	B-S ² (H ⁴)	S-S ³ (H ⁴)	Total		
				Total(H ⁴)	RR ⁵	% ⁶
Intraresidue ($ i-j =0$)	1(0)	252(0)	15(0)	268(0)	1.7	22.2
Sequential ($ i-j =1$)	136(0)	258(0)	14(0)	408(0)	2.6	33.7
Medium range ($ i-j >1$ and $ i-j <5$)	19(4)	47(0)	43(0)	109(4)	0.7	9.0
Long range ($ i-j \geq 5$)	69(40)	127(0)	228(0)	424(40)	2.7	35.1
Inter chain	0(0)	0(0)	0(0)	0(0)	0.0	0.0
Total	225(44)	684(0)	300(0)	1209(44)	7.7	100.0

¹number of backbone to backbone restraints, ²number of backbone to sidechain restraints, ³number of sidechain to sidechain restraints, ⁴number of hydrogen bonds in that category, ⁵number of restraints per residue, ⁶percentage of restraints in that category. There are 0 unmapped restraints

8.1.1 Pie chart : Distance restraints summary



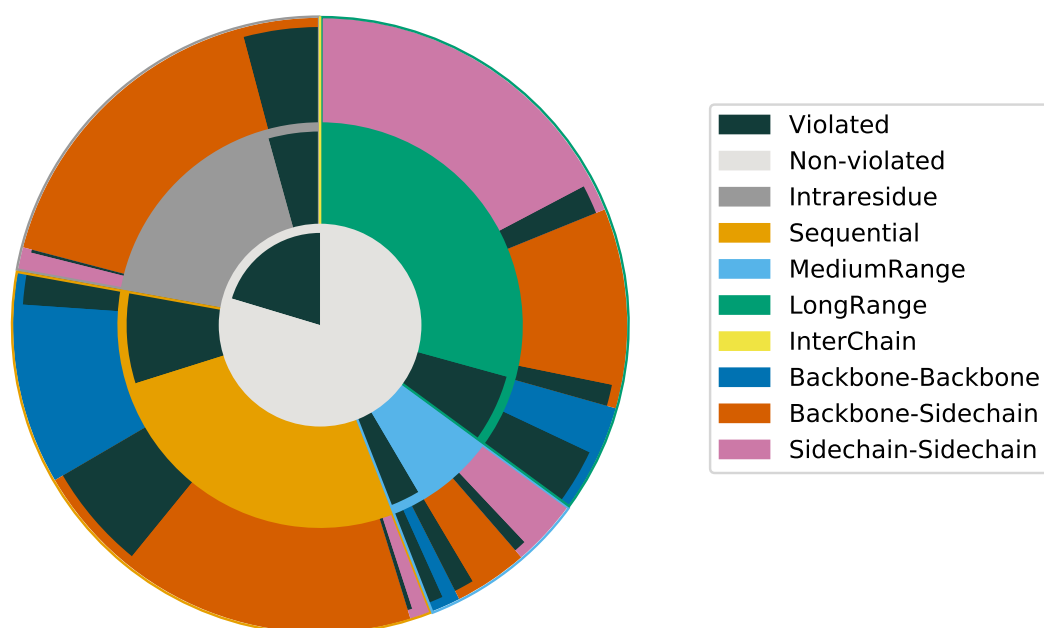
8.2 Distance violations summary

The following table provides the summary of violated restraints. Restraints that are violated at least in one model are counted as violated.

Restrains type	B-B ¹ (% ⁴)	B-S ² (% ⁴)	S-S ³ (% ⁴)	Total		
				Total(% ⁴)	RR ⁵	% ⁶
Intraresidue ($ i-j =0$)	1(100.0)	49(19.4)	2(13.3)	52(19.4)	0.3	21.1
Sequential ($ i-j =1$)	21(15.4)	69(26.7)	3(21.4)	93(22.8)	0.6	37.8
Medium range ($ i-j >1$ and $ i-j <5$)	10(52.6)	13(27.7)	8(18.6)	31(28.4)	0.2	12.6
Long range ($ i-j \geq 5$)	37(53.6)	14(11.0)	19(8.3)	70(16.5)	0.4	28.5
Inter chain	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0.0	0.0
Total	69(30.7)	145(21.2)	32(10.7)	246(20.3)	1.6	100.0

¹number of backbone to backbone restraints, ²number of backbone to sidechain restraints, ³number of sidechain to sidechain restraints, ⁴percentage of violations with respect to total restrains in that category, ⁵number of restraints per residue, ⁶percentage of violation with respect to total violations.

8.2.1 Pie-chart : Distance violations summary



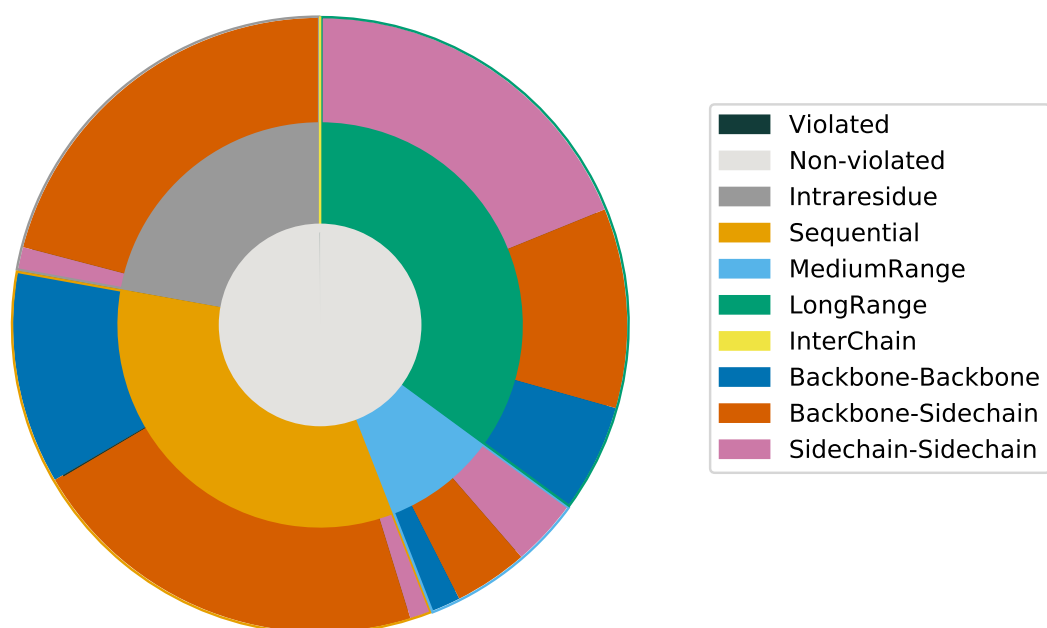
8.3 Consistent distance violations summary

The following table provides the summary of consistently violated restraints. Restraints that are violated all models are counted as violated.

Restrains type	B-B ¹ (% ⁴)	B-S ² (% ⁴)	S-S ³ (% ⁴)	Total		
				Total(% ⁴)	RR ⁵	% ⁶
Intraresidue ($ i-j =0$)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0.0	0.0
Sequential ($ i-j =1$)	0(0.0)	1(0.4)	0(0.0)	1(0.2)	0.0	100.0
Medium range ($ i-j >1$ and $ i-j <5$)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0.0	0.0
Long range ($ i-j \geq 5$)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0.0	0.0
Inter chain	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0.0	0.0
Total	0(0.0)	1(0.1)	0(0.0)	1(0.1)	0.0	100.0

¹number of backbone to backbone restraints, ²number of backbone to sidechain restraints, ³number of sidechain to sidechain restraints, ⁴percentage of violations with respect to total restrains in that category, ⁵number of restraints per residue, ⁶percentage of violation with respect to total violations

8.3.1 Pie-chart : Consistent distance violations



8.4 Residual distance violations

Violations are counted in different bin sizes and listed below

Range (Å)	No. of violated restraints per model	Max violation (Å)
0-0.2	44.3	0.2
0.2-0.5	6.2	0.5
0.5-1.0	2.1	1.0
1.0-2.0	1.6	1.92
2.0-5.0	0.1	2.06
5.0<	None	None

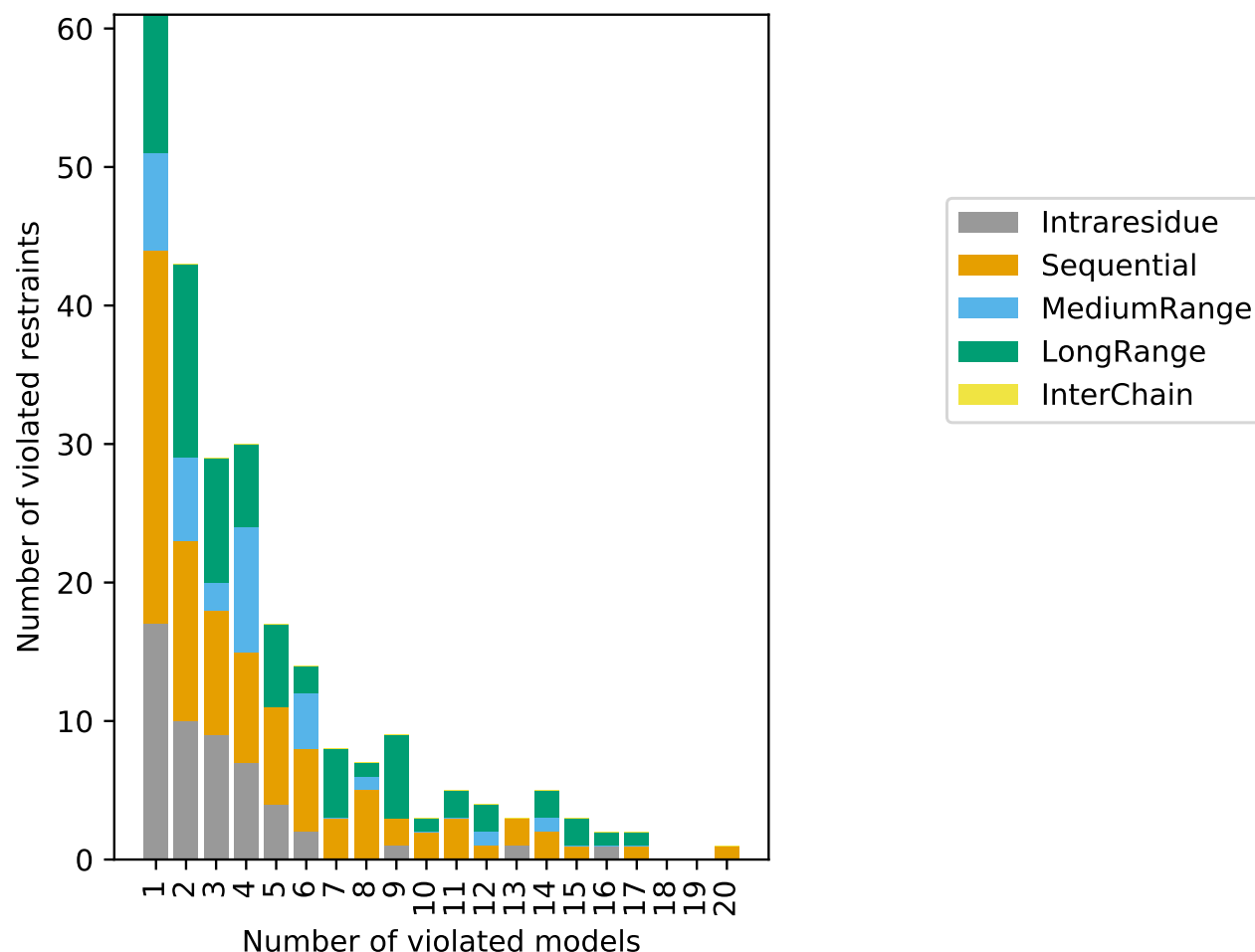
8.5 Distance violations in ensemble

The restraints are grouped based on the number of violated models and listed here.

No. of violated restraints						No. of violated models
IR ¹	SQ ²	MR ³	LR ⁴	IC ⁵	Total	
17	27	7	10	0	61	1
10	13	6	14	0	43	2
9	9	2	9	0	29	3
7	8	9	6	0	30	4
4	7	0	6	0	17	5
2	6	4	2	0	14	6
0	3	0	5	0	8	7
0	5	1	1	0	7	8
1	2	0	6	0	9	9
0	2	0	1	0	3	10
0	3	0	2	0	5	11
0	1	1	2	0	4	12
1	2	0	0	0	3	13
0	2	1	2	0	5	14
0	1	0	2	0	3	15
1	0	0	1	0	2	16
0	1	0	1	0	2	17
0	0	0	0	0	0	18
0	0	0	0	0	0	19
0	1	0	0	0	1	20

¹intraresidue restraints, ²sequential restraints, ³medium range restraints, ⁴long range restraints,
⁵inter chain restraints

8.5.1 Bar graph : No. of models vs No. of violations



216 intraresidue restraints, 315 sequential restraints, 78 medium range restraints, 354 long range restraints and 0 inter chain restraints are not violated. There are totally 963 restrains not violated in any of the models

8.6 Violations in each model

The following table lists the violation count in each model in the ensemble

Model ID	No. of violations					Total	Mean (Å)	Max (Å)
	IR ¹	SQ ²	MR ³	LR ⁴	IC ⁵			
1	10	19	9	13	0	51	0.13	1.11
2	6	23	6	22	0	57	0.22	1.92
3	8	16	7	16	0	47	0.11	0.81
4	10	24	10	17	0	61	0.23	2.06
5	9	20	12	24	0	65	0.22	2.02

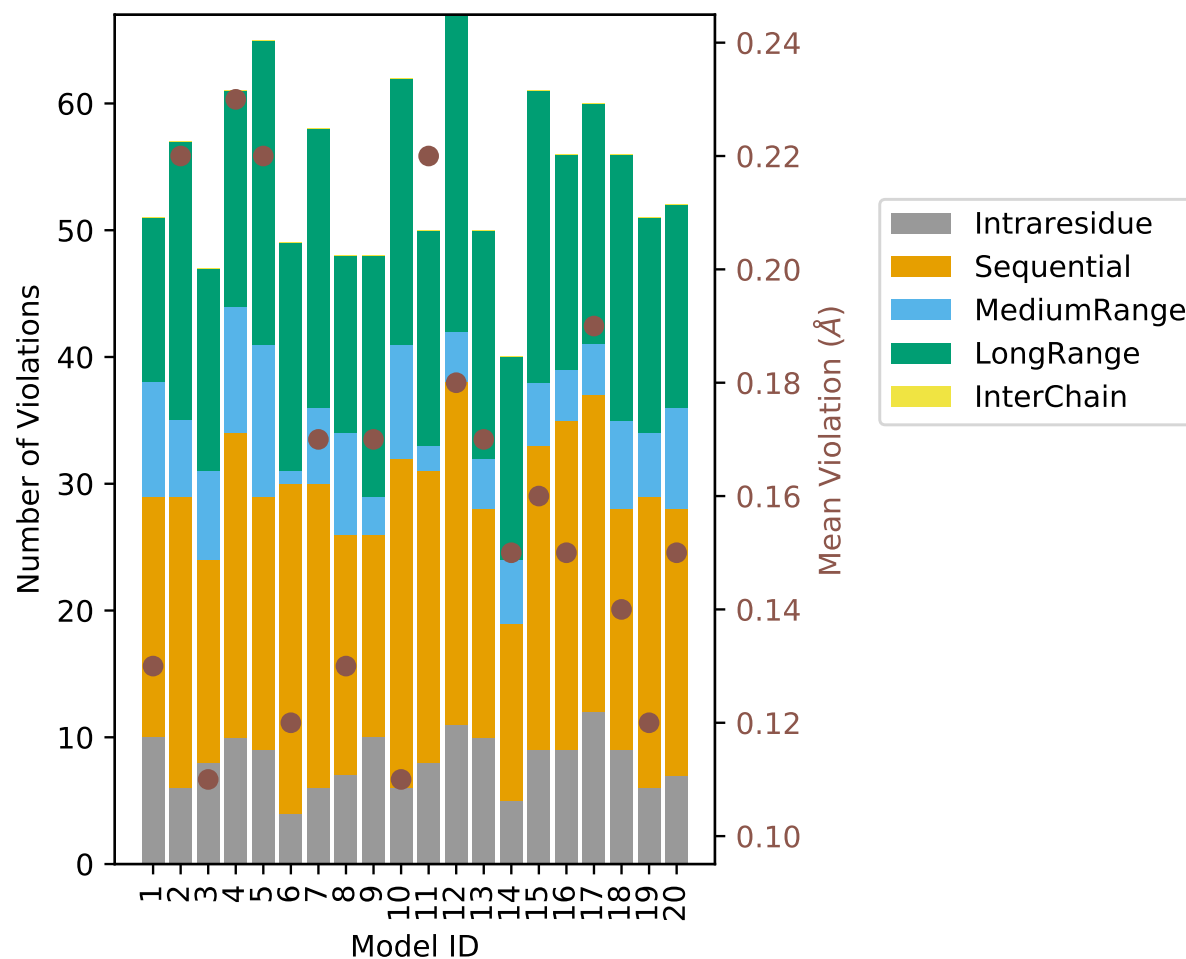
Continued on next page...

Continued from previous page...

Model ID	No. of violations						Mean (Å)	Max (Å)
	IR ¹	SQ ²	MR ³	LR ⁴	IC ⁵	Total		
6	4	26	1	18	0	49	0.12	1.64
7	6	24	6	22	0	58	0.17	1.77
8	7	19	8	14	0	48	0.13	1.27
9	10	16	3	19	0	48	0.17	1.77
10	6	26	9	21	0	62	0.11	0.93
11	8	23	2	17	0	50	0.22	1.81
12	11	27	4	25	0	67	0.18	1.77
13	10	18	4	18	0	50	0.17	2.06
14	5	14	5	16	0	40	0.15	1.76
15	9	24	5	23	0	61	0.16	0.88
16	9	26	4	17	0	56	0.15	1.72
17	12	25	4	19	0	60	0.19	1.85
18	9	19	7	21	0	56	0.14	1.32
19	6	23	5	17	0	51	0.12	1.19
20	7	21	8	16	0	52	0.15	1.78

¹intraresidue restraints, ²iequential restraints, ³iedium range restraints, ⁴long range restraints,
⁵inter chain restraints

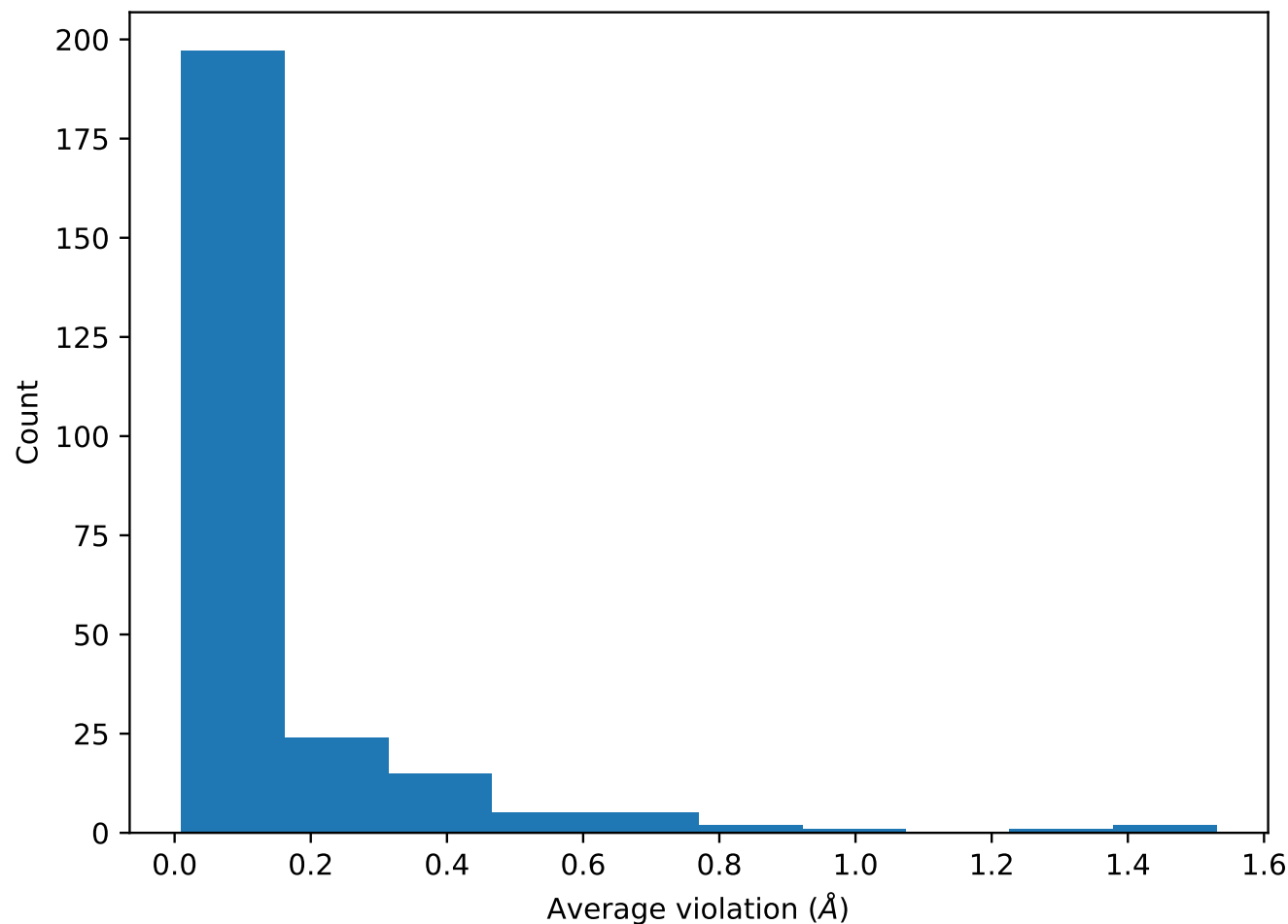
8.6.1 Bar graph : Violations in each model



8.7 Most violated distance restraints

8.7.1 Histogram : Distribution of mean distance violation

The following histogram shows the distribution of average violation of each restraint.



8.7.2 Table: Most violated distance restraints

The following table lists the average violation of each restraint sorted by number of violated models

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,492)	1:A:81:VAL:HB	1:A:82:GLU:H	20	0.08	0.15
(1,43)	1:A:98:ALA:O	1:A:153:LEU:H	17	0.05	0.11
(1,177)	1:A:120:VAL:HB	1:A:121:ASP:H	17	0.16	0.24
(1,285)	1:A:160:GLU:H	1:A:160:GLU:HA	16	0.08	0.13
(1,21)	1:A:62:PHE:O	1:A:70:GLU:H	16	0.05	0.1
(1,35)	1:A:61:TYR:O	1:A:131:ALA:H	15	0.05	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,25)	1:A:20:LEU:O	1:A:75:PHE:H	15	0.03	0.08
(1,143)	1:A:89:THR:HB	1:A:90:GLY:H	15	0.14	0.26
(1,41)	1:A:57:PRO:O	1:A:135:TYR:H	14	0.04	0.07
(1,387)	1:A:144:PRO:HD3	1:A:145:ASP:H	14	0.08	0.23
(1,33)	1:A:110:GLU:O	1:A:114:ASP:H	14	0.03	0.05
(1,199)	1:A:140:ALA:H	1:A:141:GLU:H	14	0.11	0.29
(1,13)	1:A:58:PHE:H	1:A:74:GLY:O	14	0.04	0.07
(1,266)	1:A:125:PHE:H	1:A:125:PHE:HB3	13	0.14	0.22
(1,123)	1:A:69:PHE:HB2	1:A:70:GLU:H	13	0.07	0.18
(1,1136)	1:A:69:PHE:HB2	1:A:70:GLU:H	13	0.3	0.41
(1,341)	1:A:127:LEU:HB2	1:A:129:GLY:H	12	0.07	0.13
(1,27)	1:A:21:LEU:O	1:A:88:VAL:H	12	0.03	0.06
(1,1173)	1:A:114:ASP:HB2	1:A:115:ALA:H	12	0.13	0.26
(1,1135)	1:A:64:MET:HG2	1:A:154:MET:H	12	0.43	0.82
(1,63)	1:A:11:LEU:HB2	1:A:12:LYS:H	11	0.05	0.1
(1,184)	1:A:125:PHE:HB2	1:A:126:ASP:H	11	0.06	0.14
(1,17)	1:A:60:ARG:H	1:A:72:GLU:O	11	0.03	0.09
(1,1181)	1:A:121:ASP:HB2	1:A:122:ASP:H	11	0.07	0.12
(1,1132)	1:A:60:ARG:HA	1:A:133:GLU:HG2	11	0.63	0.83
(1,410)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:75:PHE:H	10	1.53	1.79
(1,1151)	1:A:94:SER:HB2	1:A:95:GLY:H	10	0.21	0.33
(1,1115)	1:A:51:LYS:HB2	1:A:52:SER:H	10	0.22	0.39
(1,7)	1:A:24:THR:H	1:A:71:VAL:O	9	0.06	0.15
(1,668)	1:A:39:TYR:HB3	1:A:75:PHE:HE1	9	1.45	2.06
(1,667)	1:A:39:TYR:HB2	1:A:75:PHE:HE1	9	0.76	1.53
(1,666)	1:A:131:ALA:HA	1:A:153:LEU:HB2	9	0.08	0.16
(1,556)	1:A:51:LYS:HA	1:A:51:LYS:HE3	9	0.06	0.11
(1,286)	1:A:6:GLN:H	1:A:7:PHE:H	9	0.11	0.17
(1,23)	1:A:60:ARG:O	1:A:72:GLU:H	9	0.04	0.1
(1,120)	1:A:68:THR:HB	1:A:69:PHE:H	9	0.03	0.04
(1,1133)	1:A:61:TYR:HA	1:A:70:GLU:HG2	9	0.25	0.51
(1,420)	1:A:119:TRP:HE1	1:A:123:ASN:HD22	8	0.05	0.09
(1,386)	1:A:144:PRO:HD2	1:A:145:ASP:H	8	0.06	0.11
(1,371)	1:A:51:LYS:HD2	1:A:52:SER:H	8	0.05	0.08
(1,29)	1:A:19:ALA:O	1:A:90:GLY:H	8	0.03	0.05
(1,1208)	1:A:155:LEU:HB2	1:A:156:HIS:H	8	0.22	0.35
(1,1023)	1:A:10:GLU:HB2	1:A:11:LEU:H	8	0.2	0.26
(1,1013)	1:A:6:GLN:HB2	1:A:7:PHE:H	8	0.11	0.18
(1,664)	1:A:134:ILE:HB	1:A:149:THR:HA	7	0.05	0.08
(1,660)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:132:TYR:HE1	7	0.92	1.38
(1,378)	1:A:96:LYS:HD3	1:A:97:ALA:H	7	0.08	0.13
(1,36)	1:A:61:TYR:O	1:A:131:ALA:N	7	0.02	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,15)	1:A:59:ALA:H	1:A:133:GLU:O	7	0.02	0.02
(1,1128)	1:A:53:PRO:HD2	1:A:54:SER:H	7	0.22	0.29
(1,1050)	1:A:17:VAL:HB	1:A:76:PRO:HB2	7	0.37	0.88
(1,1007)	1:A:2:ASP:HB2	1:A:3:PHE:HB2	7	0.58	0.88
(1,85)	1:A:24:THR:HB	1:A:25:GLN:H	6	0.07	0.13
(1,642)	1:A:109:ILE:HG13	1:A:113:TYR:HD1	6	0.76	1.34
(1,633)	1:A:102:TYR:HA	1:A:149:THR:HB	6	0.12	0.31
(1,417)	1:A:123:ASN:H	1:A:123:ASN:HD22	6	0.1	0.13
(1,343)	1:A:97:ALA:HA	1:A:155:LEU:H	6	0.06	0.16
(1,333)	1:A:84:SER:H	1:A:87:VAL:HB	6	0.08	0.11
(1,327)	1:A:44:GLN:HA	1:A:47:ALA:H	6	0.04	0.1
(1,1153)	1:A:96:LYS:HB2	1:A:97:ALA:H	6	0.21	0.42
(1,1143)	1:A:82:GLU:HB2	1:A:83:GLY:H	6	0.14	0.23
(1,1111)	1:A:51:LYS:H	1:A:51:LYS:HB2	6	0.17	0.23
(1,110)	1:A:51:LYS:HB2	1:A:52:SER:H	6	0.03	0.07
(1,1091)	1:A:36:GLU:HA	1:A:39:TYR:HB2	6	0.35	0.63
(1,105)	1:A:46:LEU:HB2	1:A:47:ALA:H	6	0.13	0.17
(1,1018)	1:A:9:CYS:HB2	1:A:10:GLU:H	6	0.11	0.21
(1,9)	1:A:26:THR:H	1:A:69:PHE:O	5	0.05	0.11
(1,665)	1:A:131:ALA:HA	1:A:153:LEU:HB3	5	0.06	0.08
(1,663)	1:A:120:VAL:HA	1:A:125:PHE:HB3	5	0.07	0.16
(1,657)	1:A:45:LEU:HB3	1:A:84:SER:HB3	5	0.03	0.07
(1,473)	1:A:103:ILE:H	1:A:103:ILE:HB	5	0.08	0.12
(1,385)	1:A:144:PRO:HG3	1:A:145:ASP:H	5	0.08	0.12
(1,373)	1:A:53:PRO:HG2	1:A:54:SER:H	5	0.05	0.15
(1,318)	1:A:129:GLY:H	1:A:130:GLU:H	5	0.06	0.14
(1,288)	1:A:13:GLU:H	1:A:14:LEU:H	5	0.02	0.03
(1,248)	1:A:101:LEU:H	1:A:101:LEU:HB2	5	0.04	0.05
(1,22)	1:A:62:PHE:O	1:A:70:GLU:N	5	0.02	0.02
(1,216)	1:A:159:LEU:H	1:A:160:GLU:H	5	0.09	0.18
(1,202)	1:A:142:THR:HA	1:A:143:ALA:H	5	0.05	0.07
(1,198)	1:A:139:PRO:HB3	1:A:140:ALA:H	5	0.03	0.07
(1,1114)	1:A:51:LYS:HA	1:A:51:LYS:HE2	5	0.23	0.29
(1,1113)	1:A:51:LYS:HA	1:A:51:LYS:HD2	5	0.42	0.51
(1,1109)	1:A:49:GLN:HE21	1:A:82:GLU:HB2	5	0.54	1.27
(1,90)	1:A:28:MET:H	1:A:29:SER:H	4	0.22	0.26
(1,638)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:132:TYR:HE1	4	0.56	1.42
(1,630)	1:A:109:ILE:HG12	1:A:113:TYR:HD1	4	1.33	1.92
(1,60)	1:A:10:GLU:HB2	1:A:11:LEU:H	4	0.03	0.04
(1,553)	1:A:51:LYS:HA	1:A:51:LYS:HE2	4	0.1	0.13
(1,42)	1:A:57:PRO:O	1:A:135:TYR:N	4	0.01	0.02
(1,374)	1:A:53:PRO:HG3	1:A:54:SER:H	4	0.04	0.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,357)	1:A:49:GLN:H	1:A:51:LYS:H	4	0.03	0.04
(1,355)	1:A:140:ALA:H	1:A:142:THR:H	4	0.06	0.14
(1,342)	1:A:127:LEU:HB3	1:A:129:GLY:H	4	0.02	0.02
(1,328)	1:A:47:ALA:HA	1:A:51:LYS:H	4	0.04	0.07
(1,273)	1:A:142:THR:H	1:A:142:THR:HB	4	0.09	0.18
(1,243)	1:A:64:MET:H	1:A:64:MET:HB3	4	0.02	0.06
(1,229)	1:A:31:LEU:H	1:A:31:LEU:HB3	4	0.04	0.06
(1,219)	1:A:6:GLN:H	1:A:6:GLN:HB3	4	0.12	0.14
(1,201)	1:A:141:GLU:HB3	1:A:142:THR:H	4	0.08	0.15
(1,14)	1:A:58:PHE:N	1:A:74:GLY:O	4	0.04	0.05
(1,1206)	1:A:154:MET:HB2	1:A:159:LEU:H	4	0.52	0.97
(1,1194)	1:A:141:GLU:HB2	1:A:142:THR:H	4	0.1	0.13
(1,1191)	1:A:138:ASN:HB2	1:A:141:GLU:HG2	4	0.45	0.63
(1,1177)	1:A:118:LYS:HA	1:A:121:ASP:HB2	4	0.26	0.32
(1,1165)	1:A:109:ILE:HG12	1:A:113:TYR:HE1	4	1.07	2.06
(1,1147)	1:A:83:GLY:HA2	1:A:89:THR:H	4	0.18	0.24
(1,1138)	1:A:70:GLU:HG2	1:A:71:VAL:HA	4	0.1	0.19
(1,1121)	1:A:52:SER:H	1:A:52:SER:HB2	4	0.08	0.11
(1,11)	1:A:43:LEU:O	1:A:47:ALA:H	4	0.02	0.03
(1,1038)	1:A:13:GLU:HB2	1:A:14:LEU:H	4	0.11	0.13
(1,1031)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:13:GLU:H	4	0.05	0.07
(1,1027)	1:A:12:LYS:H	1:A:12:LYS:HB2	4	0.14	0.22
(1,1019)	1:A:9:CYS:HB2	1:A:100:SER:HA	4	0.26	0.4
(1,8)	1:A:24:THR:N	1:A:71:VAL:O	3	0.02	0.02
(1,641)	1:A:7:PHE:HE1	1:A:102:TYR:HE1	3	0.87	1.32
(1,612)	1:A:96:LYS:HG3	1:A:97:ALA:H	3	0.03	0.05
(1,551)	1:A:51:LYS:HA	1:A:51:LYS:HD2	3	0.02	0.02
(1,506)	1:A:25:GLN:HA	1:A:26:THR:HB	3	0.07	0.11
(1,5)	1:A:21:LEU:H	1:A:88:VAL:O	3	0.02	0.03
(1,477)	1:A:118:LYS:H	1:A:118:LYS:HB2	3	0.14	0.15
(1,470)	1:A:31:LEU:H	1:A:31:LEU:HB2	3	0.06	0.08
(1,467)	1:A:11:LEU:H	1:A:11:LEU:HB2	3	0.21	0.27
(1,465)	1:A:7:PHE:H	1:A:7:PHE:HB3	3	0.11	0.13
(1,44)	1:A:98:ALA:O	1:A:153:LEU:N	3	0.01	0.02
(1,419)	1:A:119:TRP:HE1	1:A:123:ASN:HD21	3	0.12	0.17
(1,377)	1:A:96:LYS:HD2	1:A:97:ALA:H	3	0.06	0.11
(1,351)	1:A:10:GLU:H	1:A:99:SER:H	3	0.03	0.04
(1,346)	1:A:26:THR:H	1:A:69:PHE:H	3	0.03	0.05
(1,324)	1:A:27:ALA:H	1:A:30:GLU:HB3	3	0.05	0.1
(1,320)	1:A:145:ASP:H	1:A:146:GLN:H	3	0.08	0.12
(1,292)	1:A:30:GLU:H	1:A:31:LEU:H	3	0.04	0.07
(1,214)	1:A:155:LEU:HB3	1:A:156:HIS:H	3	0.1	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,135)	1:A:82:GLU:H	1:A:83:GLY:H	3	0.03	0.06
(1,1209)	1:A:156:HIS:H	1:A:156:HIS:HB2	3	0.32	0.4
(1,1204)	1:A:153:LEU:H	1:A:153:LEU:HB2	3	0.03	0.04
(1,1193)	1:A:141:GLU:H	1:A:141:GLU:HB2	3	0.08	0.12
(1,1168)	1:A:110:GLU:H	1:A:110:GLU:HB2	3	0.22	0.26
(1,1150)	1:A:93:PRO:HB2	1:A:94:SER:H	3	0.18	0.22
(1,1124)	1:A:53:PRO:HB2	1:A:75:PHE:HB2	3	0.42	0.77
(1,111)	1:A:51:LYS:HB3	1:A:52:SER:H	3	0.04	0.05
(1,1095)	1:A:45:LEU:HB2	1:A:84:SER:HB2	3	0.23	0.31
(1,1042)	1:A:14:LEU:HB2	1:A:94:SER:H	3	0.38	0.62
(1,662)	1:A:120:VAL:HA	1:A:125:PHE:HB2	2	0.08	0.09
(1,621)	1:A:2:ASP:HB2	1:A:3:PHE:HB3	2	0.09	0.1
(1,572)	1:A:96:LYS:HA	1:A:96:LYS:HE3	2	0.06	0.07
(1,517)	1:A:28:MET:HA	1:A:30:GLU:H	2	0.06	0.08
(1,50)	1:A:6:GLN:HB3	1:A:7:PHE:H	2	0.05	0.09
(1,493)	1:A:82:GLU:HB2	1:A:83:GLY:H	2	0.06	0.08
(1,491)	1:A:78:GLU:HB3	1:A:79:GLY:H	2	0.01	0.02
(1,48)	1:A:6:GLN:HA	1:A:7:PHE:H	2	0.08	0.08
(1,47)	1:A:4:GLU:HA	1:A:5:CYS:H	2	0.06	0.09
(1,372)	1:A:51:LYS:HD3	1:A:52:SER:H	2	0.04	0.05
(1,37)	1:A:132:TYR:H	1:A:152:SER:O	2	0.02	0.03
(1,360)	1:A:84:SER:H	1:A:87:VAL:H	2	0.04	0.04
(1,331)	1:A:53:PRO:HB3	1:A:55:GLY:H	2	0.03	0.03
(1,329)	1:A:46:LEU:HA	1:A:51:LYS:H	2	0.08	0.09
(1,323)	1:A:27:ALA:H	1:A:30:GLU:HB2	2	0.03	0.05
(1,322)	1:A:149:THR:H	1:A:150:ARG:H	2	0.03	0.03
(1,31)	1:A:12:LYS:O	1:A:97:ALA:H	2	0.03	0.05
(1,302)	1:A:67:GLY:H	1:A:68:THR:H	2	0.09	0.1
(1,3)	1:A:19:ALA:H	1:A:90:GLY:O	2	0.02	0.03
(1,283)	1:A:156:HIS:H	1:A:156:HIS:HB2	2	0.18	0.19
(1,28)	1:A:21:LEU:O	1:A:88:VAL:N	2	0.01	0.02
(1,26)	1:A:20:LEU:O	1:A:75:PHE:N	2	0.02	0.03
(1,249)	1:A:101:LEU:H	1:A:101:LEU:HB3	2	0.04	0.05
(1,244)	1:A:68:THR:H	1:A:68:THR:HB	2	0.1	0.12
(1,220)	1:A:7:PHE:H	1:A:7:PHE:HB2	2	0.03	0.05
(1,217)	1:A:160:GLU:HA	1:A:161:HIS:H	2	0.06	0.06
(1,213)	1:A:155:LEU:HB2	1:A:156:HIS:H	2	0.04	0.08
(1,19)	1:A:61:TYR:H	1:A:131:ALA:O	2	0.01	0.02
(1,1202)	1:A:146:GLN:H	1:A:147:LEU:HB2	2	0.69	0.79
(1,1201)	1:A:146:GLN:H	1:A:146:GLN:HB2	2	0.05	0.06
(1,1200)	1:A:145:ASP:H	1:A:145:ASP:HB2	2	0.03	0.06
(1,1185)	1:A:125:PHE:HB3	1:A:155:LEU:HB2	2	0.4	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,1179)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:121:ASP:HB2	2	0.21	0.33
(1,1175)	1:A:116:LEU:HA	1:A:119:TRP:HB2	2	0.2	0.3
(1,1152)	1:A:96:LYS:H	1:A:96:LYS:HB2	2	0.14	0.18
(1,1119)	1:A:51:LYS:HE2	1:A:81:VAL:HG11	2	0.11	0.13
(1,1119)	1:A:51:LYS:HE2	1:A:81:VAL:HG12	2	0.11	0.13
(1,1119)	1:A:51:LYS:HE2	1:A:81:VAL:HG13	2	0.11	0.13
(1,1097)	1:A:45:LEU:HB3	1:A:84:SER:HB2	2	0.04	0.07
(1,1094)	1:A:40:HIS:HB2	1:A:41:ASP:H	2	0.04	0.04
(1,1093)	1:A:40:HIS:H	1:A:40:HIS:HB2	2	0.08	0.1
(1,1040)	1:A:13:GLU:HG2	1:A:96:LYS:HG2	2	0.73	1.1
(1,1014)	1:A:7:PHE:H	1:A:7:PHE:HB2	2	0.19	0.21
(1,10)	1:A:26:THR:N	1:A:69:PHE:O	2	0.02	0.03
(1,1)	1:A:14:LEU:H	1:A:95:GLY:O	2	0.01	0.01
(1,94)	1:A:31:LEU:HB3	1:A:32:GLY:H	1	0.01	0.01
(1,927)	1:A:132:TYR:HE1	1:A:134:ILE:HD11	1	0.02	0.02
(1,927)	1:A:132:TYR:HE1	1:A:134:ILE:HD12	1	0.02	0.02
(1,927)	1:A:132:TYR:HE1	1:A:134:ILE:HD13	1	0.02	0.02
(1,74)	1:A:18:PRO:HB3	1:A:19:ALA:H	1	0.02	0.02
(1,655)	1:A:35:PHE:HE1	1:A:73:PHE:HE1	1	0.53	0.53
(1,649)	1:A:135:TYR:HE1	1:A:149:THR:HB	1	0.09	0.09
(1,636)	1:A:11:LEU:HG	1:A:119:TRP:HH2	1	0.04	0.04
(1,632)	1:A:125:PHE:HB3	1:A:155:LEU:HG	1	0.02	0.02
(1,615)	1:A:108:GLU:HG3	1:A:109:ILE:H	1	0.05	0.05
(1,614)	1:A:108:GLU:HG2	1:A:109:ILE:H	1	0.11	0.11
(1,6)	1:A:21:LEU:N	1:A:88:VAL:O	1	0.02	0.02
(1,599)	1:A:25:GLN:HG2	1:A:26:THR:H	1	0.15	0.15
(1,598)	1:A:23:ARG:HG3	1:A:24:THR:H	1	0.02	0.02
(1,597)	1:A:23:ARG:HG2	1:A:24:THR:H	1	0.01	0.01
(1,596)	1:A:13:GLU:HG3	1:A:14:LEU:H	1	0.06	0.06
(1,570)	1:A:96:LYS:HB2	1:A:96:LYS:HE2	1	0.01	0.01
(1,569)	1:A:96:LYS:HA	1:A:96:LYS:HE2	1	0.31	0.31
(1,566)	1:A:96:LYS:HA	1:A:96:LYS:HD2	1	0.01	0.01
(1,565)	1:A:96:LYS:H	1:A:96:LYS:HD2	1	0.05	0.05
(1,557)	1:A:51:LYS:HB2	1:A:51:LYS:HE3	1	0.01	0.01
(1,525)	1:A:31:LEU:HA	1:A:34:LEU:HB2	1	0.02	0.02
(1,509)	1:A:118:LYS:HA	1:A:121:ASP:HB2	1	0.01	0.01
(1,504)	1:A:144:PRO:HB3	1:A:145:ASP:H	1	0.02	0.02
(1,49)	1:A:6:GLN:HB2	1:A:7:PHE:H	1	0.01	0.01
(1,488)	1:A:69:PHE:HB3	1:A:70:GLU:H	1	0.03	0.03
(1,474)	1:A:112:VAL:H	1:A:112:VAL:HB	1	0.21	0.21
(1,46)	1:A:3:PHE:HA	1:A:4:GLU:H	1	0.01	0.01
(1,4)	1:A:19:ALA:N	1:A:90:GLY:O	1	0.01	0.01

Continued on next page...

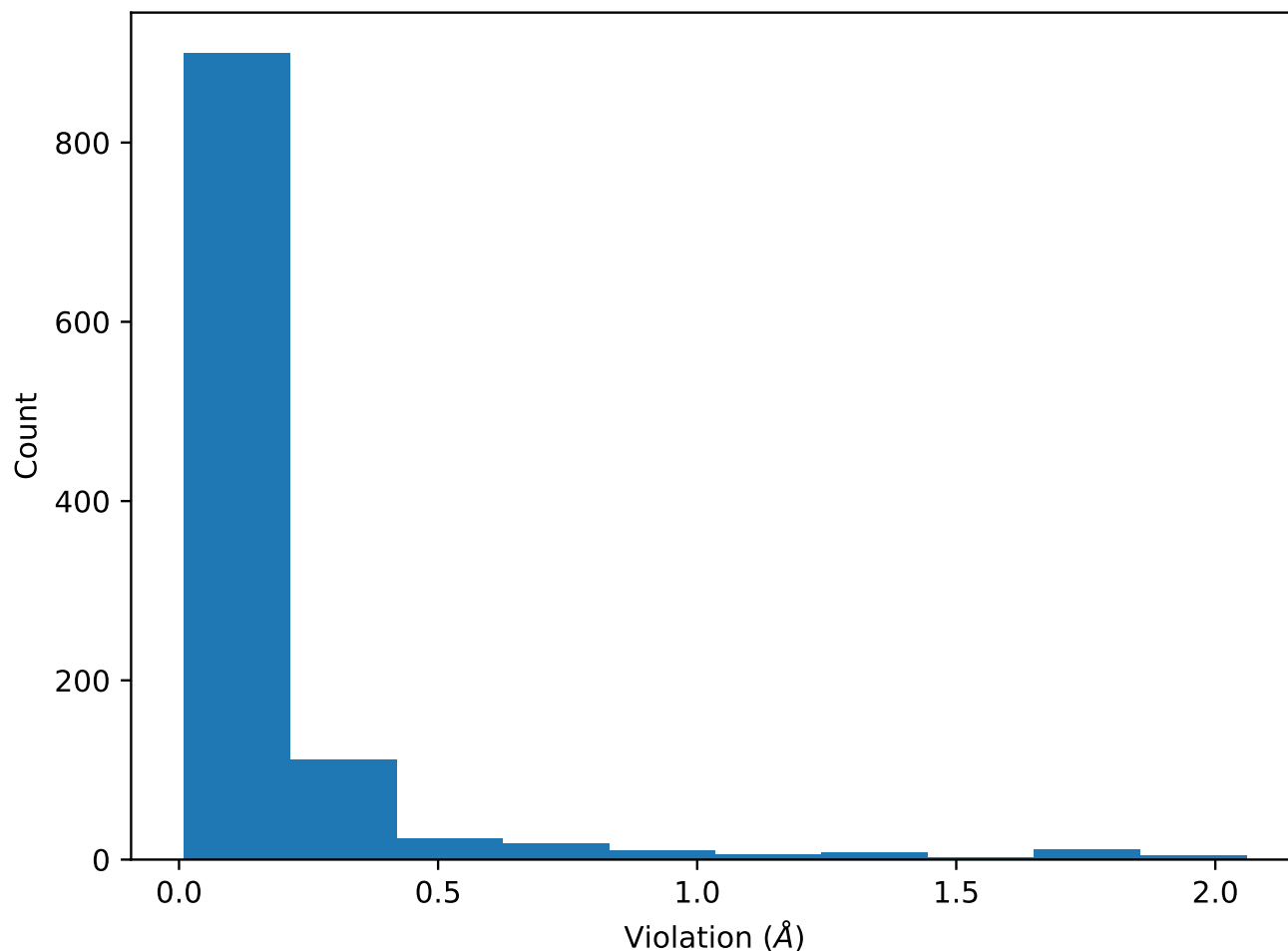
Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,39)	1:A:59:ALA:O	1:A:133:GLU:H	1	0.02	0.02
(1,388)	1:A:150:ARG:HG2	1:A:151:VAL:H	1	0.02	0.02
(1,384)	1:A:144:PRO:HG2	1:A:145:ASP:H	1	0.04	0.04
(1,368)	1:A:25:GLN:HG3	1:A:26:THR:H	1	0.05	0.05
(1,352)	1:A:104:GLY:H	1:A:147:LEU:H	1	0.08	0.08
(1,34)	1:A:110:GLU:O	1:A:114:ASP:N	1	0.01	0.01
(1,325)	1:A:31:LEU:HA	1:A:34:LEU:H	1	0.02	0.02
(1,321)	1:A:146:GLN:H	1:A:147:LEU:H	1	0.02	0.02
(1,319)	1:A:141:GLU:H	1:A:142:THR:H	1	0.01	0.01
(1,272)	1:A:141:GLU:H	1:A:141:GLU:HB3	1	0.11	0.11
(1,267)	1:A:127:LEU:H	1:A:127:LEU:HB2	1	0.02	0.02
(1,265)	1:A:125:PHE:H	1:A:125:PHE:HB2	1	0.05	0.05
(1,261)	1:A:122:ASP:H	1:A:122:ASP:HB2	1	0.09	0.09
(1,257)	1:A:118:LYS:H	1:A:118:LYS:HB3	1	0.03	0.03
(1,251)	1:A:110:GLU:H	1:A:110:GLU:HB2	1	0.01	0.01
(1,173)	1:A:114:ASP:HB2	1:A:115:ALA:H	1	0.04	0.04
(1,150)	1:A:93:PRO:HB3	1:A:94:SER:H	1	0.01	0.01
(1,149)	1:A:93:PRO:HB2	1:A:94:SER:H	1	0.01	0.01
(1,141)	1:A:88:VAL:HB	1:A:89:THR:H	1	0.03	0.03
(1,138)	1:A:84:SER:HA	1:A:85:GLY:H	1	0.08	0.08
(1,1203)	1:A:147:LEU:H	1:A:147:LEU:HB2	1	0.15	0.15
(1,1190)	1:A:138:ASN:H	1:A:138:ASN:HB2	1	0.12	0.12
(1,1182)	1:A:122:ASP:H	1:A:122:ASP:HB2	1	0.33	0.33
(1,1159)	1:A:101:LEU:HB2	1:A:136:LEU:HD11	1	0.36	0.36
(1,1159)	1:A:101:LEU:HB2	1:A:136:LEU:HD12	1	0.36	0.36
(1,1159)	1:A:101:LEU:HB2	1:A:136:LEU:HD13	1	0.36	0.36
(1,1157)	1:A:100:SER:HB2	1:A:116:LEU:HA	1	0.39	0.39
(1,1142)	1:A:82:GLU:H	1:A:82:GLU:HB2	1	0.05	0.05
(1,114)	1:A:54:SER:H	1:A:55:GLY:H	1	0.01	0.01
(1,1123)	1:A:53:PRO:HB2	1:A:55:GLY:H	1	0.1	0.1
(1,1122)	1:A:53:PRO:HB2	1:A:54:SER:H	1	0.06	0.06
(1,1088)	1:A:34:LEU:HB2	1:A:35:PHE:H	1	0.08	0.08
(1,1081)	1:A:31:LEU:HA	1:A:34:LEU:HB2	1	0.41	0.41
(1,108)	1:A:48:GLY:H	1:A:49:GLN:H	1	0.06	0.06
(1,1011)	1:A:6:GLN:H	1:A:6:GLN:HB2	1	0.13	0.13
(1,1009)	1:A:2:ASP:HB3	1:A:3:PHE:HB3	1	0.12	0.12

8.8 All distance violations

8.8.1 Histogram : Distribution of distance violations

The following histogram shows the distribution of violations in the ensemble.



8.8.2 Table : All distance violations

The following table lists the violations in the ensemble sorted by violation value

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,668)	1:A:39:TYR:HB3	1:A:75:PHE:HE1	13	2.06
(1,1165)	1:A:109:ILE:HG12	1:A:113:TYR:HE1	4	2.06
(1,1165)	1:A:109:ILE:HG12	1:A:113:TYR:HE1	5	2.02
(1,668)	1:A:39:TYR:HB3	1:A:75:PHE:HE1	2	1.92
(1,630)	1:A:109:ILE:HG12	1:A:113:TYR:HD1	4	1.92
(1,668)	1:A:39:TYR:HB3	1:A:75:PHE:HE1	17	1.85
(1,668)	1:A:39:TYR:HB3	1:A:75:PHE:HE1	11	1.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,410)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:75:PHE:H	11	1.79
(1,410)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:75:PHE:H	20	1.78
(1,668)	1:A:39:TYR:HB3	1:A:75:PHE:HE1	12	1.77
(1,410)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:75:PHE:H	7	1.77
(1,410)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:75:PHE:H	9	1.77
(1,410)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:75:PHE:H	14	1.76
(1,668)	1:A:39:TYR:HB3	1:A:75:PHE:HE1	16	1.72
(1,630)	1:A:109:ILE:HG12	1:A:113:TYR:HD1	5	1.7
(1,410)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:75:PHE:H	17	1.66
(1,410)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:75:PHE:H	2	1.65
(1,410)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:75:PHE:H	6	1.64
(1,667)	1:A:39:TYR:HB2	1:A:75:PHE:HE1	12	1.53
(1,638)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:132:TYR:HE1	2	1.42
(1,660)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:132:TYR:HE1	4	1.38
(1,667)	1:A:39:TYR:HB2	1:A:75:PHE:HE1	13	1.36
(1,668)	1:A:39:TYR:HB3	1:A:75:PHE:HE1	5	1.35
(1,642)	1:A:109:ILE:HG13	1:A:113:TYR:HD1	4	1.34
(1,641)	1:A:7:PHE:HE1	1:A:102:TYR:HE1	18	1.32
(1,660)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:132:TYR:HE1	8	1.27
(1,1109)	1:A:49:GLN:HE21	1:A:82:GLU:HB2	16	1.27
(1,410)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:75:PHE:H	18	1.2
(1,660)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:132:TYR:HE1	19	1.19
(1,660)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:132:TYR:HE1	1	1.11
(1,1040)	1:A:13:GLU:HG2	1:A:96:LYS:HG2	12	1.1
(1,630)	1:A:109:ILE:HG12	1:A:113:TYR:HD1	7	1.07
(1,660)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:132:TYR:HE1	12	1.04
(1,642)	1:A:109:ILE:HG13	1:A:113:TYR:HD1	5	1.03
(1,1109)	1:A:49:GLN:HE21	1:A:82:GLU:HB2	9	1.03
(1,667)	1:A:39:TYR:HB2	1:A:75:PHE:HE1	11	1.01
(1,641)	1:A:7:PHE:HE1	1:A:102:TYR:HE1	11	1.0
(1,1206)	1:A:154:MET:HB2	1:A:159:LEU:H	4	0.97
(1,642)	1:A:109:ILE:HG13	1:A:113:TYR:HD1	10	0.93
(1,1050)	1:A:17:VAL:HB	1:A:76:PRO:HB2	7	0.88
(1,1007)	1:A:2:ASP:HB2	1:A:3:PHE:HB2	15	0.88
(1,667)	1:A:39:TYR:HB2	1:A:75:PHE:HE1	16	0.87
(1,1007)	1:A:2:ASP:HB2	1:A:3:PHE:HB2	5	0.86
(1,1132)	1:A:60:ARG:HA	1:A:133:GLU:HG2	12	0.83
(1,1135)	1:A:64:MET:HG2	1:A:154:MET:H	1	0.82
(1,642)	1:A:109:ILE:HG13	1:A:113:TYR:HD1	20	0.81
(1,1132)	1:A:60:ARG:HA	1:A:133:GLU:HG2	10	0.81
(1,1007)	1:A:2:ASP:HB2	1:A:3:PHE:HB2	3	0.81
(1,1132)	1:A:60:ARG:HA	1:A:133:GLU:HG2	17	0.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1202)	1:A:146:GLN:H	1:A:147:LEU:HB2	12	0.79
(1,1132)	1:A:60:ARG:HA	1:A:133:GLU:HG2	1	0.77
(1,1132)	1:A:60:ARG:HA	1:A:133:GLU:HG2	20	0.77
(1,1124)	1:A:53:PRO:HB2	1:A:75:PHE:HB2	9	0.77
(1,667)	1:A:39:TYR:HB2	1:A:75:PHE:HE1	2	0.76
(1,1132)	1:A:60:ARG:HA	1:A:133:GLU:HG2	4	0.76
(1,1132)	1:A:60:ARG:HA	1:A:133:GLU:HG2	5	0.76
(1,1132)	1:A:60:ARG:HA	1:A:133:GLU:HG2	7	0.72
(1,1050)	1:A:17:VAL:HB	1:A:76:PRO:HB2	14	0.67
(1,630)	1:A:109:ILE:HG12	1:A:113:TYR:HD1	2	0.63
(1,1191)	1:A:138:ASN:HB2	1:A:141:GLU:HG2	15	0.63
(1,1091)	1:A:36:GLU:HA	1:A:39:TYR:HB2	5	0.63
(1,1135)	1:A:64:MET:HG2	1:A:154:MET:H	3	0.62
(1,1042)	1:A:14:LEU:HB2	1:A:94:SER:H	17	0.62
(1,1202)	1:A:146:GLN:H	1:A:147:LEU:HB2	2	0.58
(1,1191)	1:A:138:ASN:HB2	1:A:141:GLU:HG2	14	0.56
(1,667)	1:A:39:TYR:HB2	1:A:75:PHE:HE1	17	0.55
(1,1091)	1:A:36:GLU:HA	1:A:39:TYR:HB2	10	0.55
(1,1007)	1:A:2:ASP:HB2	1:A:3:PHE:HB2	2	0.55
(1,1050)	1:A:17:VAL:HB	1:A:76:PRO:HB2	20	0.54
(1,655)	1:A:35:PHE:HE1	1:A:73:PHE:HE1	4	0.53
(1,1135)	1:A:64:MET:HG2	1:A:154:MET:H	11	0.53
(1,638)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:132:TYR:HE1	7	0.52
(1,1135)	1:A:64:MET:HG2	1:A:154:MET:H	15	0.52
(1,667)	1:A:39:TYR:HB2	1:A:75:PHE:HE1	5	0.51
(1,1191)	1:A:138:ASN:HB2	1:A:141:GLU:HG2	5	0.51
(1,1135)	1:A:64:MET:HG2	1:A:154:MET:H	8	0.51
(1,1133)	1:A:61:TYR:HA	1:A:70:GLU:HG2	15	0.51
(1,1113)	1:A:51:LYS:HA	1:A:51:LYS:HD2	8	0.51
(1,1113)	1:A:51:LYS:HA	1:A:51:LYS:HD2	19	0.51
(1,1133)	1:A:61:TYR:HA	1:A:70:GLU:HG2	11	0.5
(1,1113)	1:A:51:LYS:HA	1:A:51:LYS:HD2	4	0.5
(1,668)	1:A:39:TYR:HB3	1:A:75:PHE:HE1	15	0.48
(1,1135)	1:A:64:MET:HG2	1:A:154:MET:H	7	0.48
(1,1113)	1:A:51:LYS:HA	1:A:51:LYS:HD2	5	0.48
(1,1133)	1:A:61:TYR:HA	1:A:70:GLU:HG2	4	0.44
(1,1206)	1:A:154:MET:HB2	1:A:159:LEU:H	13	0.42
(1,1153)	1:A:96:LYS:HB2	1:A:97:ALA:H	15	0.42
(1,1007)	1:A:2:ASP:HB2	1:A:3:PHE:HB2	10	0.42
(1,642)	1:A:109:ILE:HG13	1:A:113:TYR:HD1	7	0.41
(1,1136)	1:A:69:PHE:HB2	1:A:70:GLU:H	17	0.41
(1,1135)	1:A:64:MET:HG2	1:A:154:MET:H	5	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1081)	1:A:31:LEU:HA	1:A:34:LEU:HB2	10	0.41
(1,1209)	1:A:156:HIS:H	1:A:156:HIS:HB2	3	0.4
(1,1185)	1:A:125:PHE:HB3	1:A:155:LEU:HB2	18	0.4
(1,1185)	1:A:125:PHE:HB3	1:A:155:LEU:HB2	19	0.4
(1,1135)	1:A:64:MET:HG2	1:A:154:MET:H	13	0.4
(1,1019)	1:A:9:CYS:HB2	1:A:100:SER:HA	6	0.4
(1,1157)	1:A:100:SER:HB2	1:A:116:LEU:HA	17	0.39
(1,1115)	1:A:51:LYS:HB2	1:A:52:SER:H	9	0.39
(1,1209)	1:A:156:HIS:H	1:A:156:HIS:HB2	5	0.38
(1,1206)	1:A:154:MET:HB2	1:A:159:LEU:H	18	0.38
(1,1153)	1:A:96:LYS:HB2	1:A:97:ALA:H	17	0.38
(1,1136)	1:A:69:PHE:HB2	1:A:70:GLU:H	2	0.38
(1,1132)	1:A:60:ARG:HA	1:A:133:GLU:HG2	11	0.38
(1,1007)	1:A:2:ASP:HB2	1:A:3:PHE:HB2	6	0.38
(1,1135)	1:A:64:MET:HG2	1:A:154:MET:H	19	0.37
(1,1115)	1:A:51:LYS:HB2	1:A:52:SER:H	10	0.37
(1,1091)	1:A:36:GLU:HA	1:A:39:TYR:HB2	13	0.37
(1,1159)	1:A:101:LEU:HB2	1:A:136:LEU:HD11	17	0.36
(1,1159)	1:A:101:LEU:HB2	1:A:136:LEU:HD12	17	0.36
(1,1159)	1:A:101:LEU:HB2	1:A:136:LEU:HD13	17	0.36
(1,1040)	1:A:13:GLU:HG2	1:A:96:LYS:HG2	15	0.36
(1,1019)	1:A:9:CYS:HB2	1:A:100:SER:HA	1	0.36
(1,1208)	1:A:155:LEU:HB2	1:A:156:HIS:H	3	0.35
(1,1136)	1:A:69:PHE:HB2	1:A:70:GLU:H	16	0.34
(1,1182)	1:A:122:ASP:H	1:A:122:ASP:HB2	7	0.33
(1,1179)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:121:ASP:HB2	9	0.33
(1,1151)	1:A:94:SER:HB2	1:A:95:GLY:H	4	0.33
(1,1115)	1:A:51:LYS:HB2	1:A:52:SER:H	7	0.33
(1,1115)	1:A:51:LYS:HB2	1:A:52:SER:H	12	0.33
(1,1115)	1:A:51:LYS:HB2	1:A:52:SER:H	15	0.33
(1,1115)	1:A:51:LYS:HB2	1:A:52:SER:H	17	0.33
(1,1177)	1:A:118:LYS:HA	1:A:121:ASP:HB2	3	0.32
(1,1124)	1:A:53:PRO:HB2	1:A:75:PHE:HB2	14	0.32
(1,633)	1:A:102:TYR:HA	1:A:149:THR:HB	15	0.31
(1,569)	1:A:96:LYS:HA	1:A:96:LYS:HE2	7	0.31
(1,410)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:75:PHE:H	15	0.31
(1,1177)	1:A:118:LYS:HA	1:A:121:ASP:HB2	18	0.31
(1,1095)	1:A:45:LEU:HB2	1:A:84:SER:HB2	13	0.31
(1,1175)	1:A:116:LEU:HA	1:A:119:TRP:HB2	8	0.3
(1,1151)	1:A:94:SER:HB2	1:A:95:GLY:H	1	0.3
(1,1109)	1:A:49:GLN:HE21	1:A:82:GLU:HB2	11	0.3
(1,199)	1:A:140:ALA:H	1:A:141:GLU:H	9	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1206)	1:A:154:MET:HB2	1:A:159:LEU:H	2	0.29
(1,1136)	1:A:69:PHE:HB2	1:A:70:GLU:H	4	0.29
(1,1136)	1:A:69:PHE:HB2	1:A:70:GLU:H	5	0.29
(1,1136)	1:A:69:PHE:HB2	1:A:70:GLU:H	11	0.29
(1,1136)	1:A:69:PHE:HB2	1:A:70:GLU:H	13	0.29
(1,1128)	1:A:53:PRO:HD2	1:A:54:SER:H	8	0.29
(1,1114)	1:A:51:LYS:HA	1:A:51:LYS:HE2	20	0.29
(1,641)	1:A:7:PHE:HE1	1:A:102:TYR:HE1	2	0.28
(1,1208)	1:A:155:LEU:HB2	1:A:156:HIS:H	1	0.28
(1,1177)	1:A:118:LYS:HA	1:A:121:ASP:HB2	2	0.28
(1,1151)	1:A:94:SER:HB2	1:A:95:GLY:H	20	0.28
(1,1136)	1:A:69:PHE:HB2	1:A:70:GLU:H	12	0.28
(1,1136)	1:A:69:PHE:HB2	1:A:70:GLU:H	15	0.28
(1,1128)	1:A:53:PRO:HD2	1:A:54:SER:H	18	0.28
(1,1114)	1:A:51:LYS:HA	1:A:51:LYS:HE2	16	0.28
(1,467)	1:A:11:LEU:H	1:A:11:LEU:HB2	19	0.27
(1,1136)	1:A:69:PHE:HB2	1:A:70:GLU:H	18	0.27
(1,1135)	1:A:64:MET:HG2	1:A:154:MET:H	12	0.27
(1,1095)	1:A:45:LEU:HB2	1:A:84:SER:HB2	15	0.27
(1,1042)	1:A:14:LEU:HB2	1:A:94:SER:H	13	0.27
(1,90)	1:A:28:MET:H	1:A:29:SER:H	11	0.26
(1,638)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:132:TYR:HE1	12	0.26
(1,143)	1:A:89:THR:HB	1:A:90:GLY:H	16	0.26
(1,1173)	1:A:114:ASP:HB2	1:A:115:ALA:H	10	0.26
(1,1168)	1:A:110:GLU:H	1:A:110:GLU:HB2	4	0.26
(1,1042)	1:A:14:LEU:HB2	1:A:94:SER:H	4	0.26
(1,1023)	1:A:10:GLU:HB2	1:A:11:LEU:H	6	0.26
(1,1023)	1:A:10:GLU:HB2	1:A:11:LEU:H	11	0.26
(1,660)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:132:TYR:HE1	13	0.25
(1,143)	1:A:89:THR:HB	1:A:90:GLY:H	15	0.25
(1,1208)	1:A:155:LEU:HB2	1:A:156:HIS:H	4	0.25
(1,1208)	1:A:155:LEU:HB2	1:A:156:HIS:H	14	0.25
(1,1153)	1:A:96:LYS:HB2	1:A:97:ALA:H	16	0.25
(1,1132)	1:A:60:ARG:HA	1:A:133:GLU:HG2	8	0.25
(1,1128)	1:A:53:PRO:HD2	1:A:54:SER:H	11	0.25
(1,1128)	1:A:53:PRO:HD2	1:A:54:SER:H	19	0.25
(1,1023)	1:A:10:GLU:HB2	1:A:11:LEU:H	19	0.25
(1,177)	1:A:120:VAL:HB	1:A:121:ASP:H	1	0.24
(1,1151)	1:A:94:SER:HB2	1:A:95:GLY:H	5	0.24
(1,1147)	1:A:83:GLY:HA2	1:A:89:THR:H	8	0.24
(1,1136)	1:A:69:PHE:HB2	1:A:70:GLU:H	6	0.24
(1,1136)	1:A:69:PHE:HB2	1:A:70:GLU:H	8	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1136)	1:A:69:PHE:HB2	1:A:70:GLU:H	19	0.24
(1,1128)	1:A:53:PRO:HD2	1:A:54:SER:H	17	0.24
(1,1114)	1:A:51:LYS:HA	1:A:51:LYS:HE2	1	0.24
(1,1091)	1:A:36:GLU:HA	1:A:39:TYR:HB2	16	0.24
(1,1023)	1:A:10:GLU:HB2	1:A:11:LEU:H	15	0.24
(1,90)	1:A:28:MET:H	1:A:29:SER:H	2	0.23
(1,90)	1:A:28:MET:H	1:A:29:SER:H	12	0.23
(1,387)	1:A:144:PRO:HD3	1:A:145:ASP:H	15	0.23
(1,143)	1:A:89:THR:HB	1:A:90:GLY:H	13	0.23
(1,143)	1:A:89:THR:HB	1:A:90:GLY:H	14	0.23
(1,1151)	1:A:94:SER:HB2	1:A:95:GLY:H	6	0.23
(1,1143)	1:A:82:GLU:HB2	1:A:83:GLY:H	19	0.23
(1,1111)	1:A:51:LYS:H	1:A:51:LYS:HB2	18	0.23
(1,266)	1:A:125:PHE:H	1:A:125:PHE:HB3	13	0.22
(1,143)	1:A:89:THR:HB	1:A:90:GLY:H	4	0.22
(1,1208)	1:A:155:LEU:HB2	1:A:156:HIS:H	5	0.22
(1,1173)	1:A:114:ASP:HB2	1:A:115:ALA:H	6	0.22
(1,1151)	1:A:94:SER:HB2	1:A:95:GLY:H	11	0.22
(1,1150)	1:A:93:PRO:HB2	1:A:94:SER:H	18	0.22
(1,1128)	1:A:53:PRO:HD2	1:A:54:SER:H	20	0.22
(1,1114)	1:A:51:LYS:HA	1:A:51:LYS:HE2	11	0.22
(1,1027)	1:A:12:LYS:H	1:A:12:LYS:HB2	15	0.22
(1,474)	1:A:112:VAL:H	1:A:112:VAL:HB	2	0.21
(1,177)	1:A:120:VAL:HB	1:A:121:ASP:H	19	0.21
(1,1168)	1:A:110:GLU:H	1:A:110:GLU:HB2	3	0.21
(1,1133)	1:A:61:TYR:HA	1:A:70:GLU:HG2	18	0.21
(1,1050)	1:A:17:VAL:HB	1:A:76:PRO:HB2	15	0.21
(1,1019)	1:A:9:CYS:HB2	1:A:100:SER:HA	17	0.21
(1,1018)	1:A:9:CYS:HB2	1:A:10:GLU:H	12	0.21
(1,1014)	1:A:7:PHE:H	1:A:7:PHE:HB2	15	0.21
(1,467)	1:A:11:LEU:H	1:A:11:LEU:HB2	17	0.2
(1,143)	1:A:89:THR:HB	1:A:90:GLY:H	11	0.2
(1,1168)	1:A:110:GLU:H	1:A:110:GLU:HB2	8	0.2
(1,1111)	1:A:51:LYS:H	1:A:51:LYS:HB2	1	0.2
(1,283)	1:A:156:HIS:H	1:A:156:HIS:HB2	3	0.19
(1,266)	1:A:125:PHE:H	1:A:125:PHE:HB3	2	0.19
(1,266)	1:A:125:PHE:H	1:A:125:PHE:HB3	9	0.19
(1,266)	1:A:125:PHE:H	1:A:125:PHE:HB3	15	0.19
(1,199)	1:A:140:ALA:H	1:A:141:GLU:H	18	0.19
(1,177)	1:A:120:VAL:HB	1:A:121:ASP:H	8	0.19
(1,143)	1:A:89:THR:HB	1:A:90:GLY:H	9	0.19
(1,1209)	1:A:156:HIS:H	1:A:156:HIS:HB2	17	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1151)	1:A:94:SER:HB2	1:A:95:GLY:H	9	0.19
(1,1150)	1:A:93:PRO:HB2	1:A:94:SER:H	7	0.19
(1,1138)	1:A:70:GLU:HG2	1:A:71:VAL:HA	16	0.19
(1,660)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:132:TYR:HE1	2	0.18
(1,273)	1:A:142:THR:H	1:A:142:THR:HB	13	0.18
(1,216)	1:A:159:LEU:H	1:A:160:GLU:H	10	0.18
(1,177)	1:A:120:VAL:HB	1:A:121:ASP:H	4	0.18
(1,177)	1:A:120:VAL:HB	1:A:121:ASP:H	14	0.18
(1,177)	1:A:120:VAL:HB	1:A:121:ASP:H	17	0.18
(1,123)	1:A:69:PHE:HB2	1:A:70:GLU:H	17	0.18
(1,1173)	1:A:114:ASP:HB2	1:A:115:ALA:H	17	0.18
(1,1152)	1:A:96:LYS:H	1:A:96:LYS:HB2	12	0.18
(1,1147)	1:A:83:GLY:HA2	1:A:89:THR:H	19	0.18
(1,1143)	1:A:82:GLU:HB2	1:A:83:GLY:H	8	0.18
(1,1023)	1:A:10:GLU:HB2	1:A:11:LEU:H	3	0.18
(1,1013)	1:A:6:GLN:HB2	1:A:7:PHE:H	15	0.18
(1,467)	1:A:11:LEU:H	1:A:11:LEU:HB2	15	0.17
(1,419)	1:A:119:TRP:HE1	1:A:123:ASN:HD21	1	0.17
(1,286)	1:A:6:GLN:H	1:A:7:PHE:H	10	0.17
(1,283)	1:A:156:HIS:H	1:A:156:HIS:HB2	5	0.17
(1,214)	1:A:155:LEU:HB3	1:A:156:HIS:H	5	0.17
(1,199)	1:A:140:ALA:H	1:A:141:GLU:H	16	0.17
(1,177)	1:A:120:VAL:HB	1:A:121:ASP:H	3	0.17
(1,177)	1:A:120:VAL:HB	1:A:121:ASP:H	7	0.17
(1,1208)	1:A:155:LEU:HB2	1:A:156:HIS:H	15	0.17
(1,1151)	1:A:94:SER:HB2	1:A:95:GLY:H	7	0.17
(1,1147)	1:A:83:GLY:HA2	1:A:89:THR:H	15	0.17
(1,1124)	1:A:53:PRO:HB2	1:A:75:PHE:HB2	7	0.17
(1,1111)	1:A:51:LYS:H	1:A:51:LYS:HB2	4	0.17
(1,105)	1:A:46:LEU:HB2	1:A:47:ALA:H	1	0.17
(1,1018)	1:A:9:CYS:HB2	1:A:10:GLU:H	20	0.17
(1,1014)	1:A:7:PHE:H	1:A:7:PHE:HB2	10	0.17
(1,1013)	1:A:6:GLN:HB2	1:A:7:PHE:H	7	0.17
(1,90)	1:A:28:MET:H	1:A:29:SER:H	20	0.16
(1,666)	1:A:131:ALA:HA	1:A:153:LEU:HB2	20	0.16
(1,663)	1:A:120:VAL:HA	1:A:125:PHE:HB3	20	0.16
(1,387)	1:A:144:PRO:HD3	1:A:145:ASP:H	20	0.16
(1,343)	1:A:97:ALA:HA	1:A:155:LEU:H	20	0.16
(1,266)	1:A:125:PHE:H	1:A:125:PHE:HB3	10	0.16
(1,177)	1:A:120:VAL:HB	1:A:121:ASP:H	5	0.16
(1,177)	1:A:120:VAL:HB	1:A:121:ASP:H	9	0.16
(1,177)	1:A:120:VAL:HB	1:A:121:ASP:H	12	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,143)	1:A:89:THR:HB	1:A:90:GLY:H	8	0.16
(1,1173)	1:A:114:ASP:HB2	1:A:115:ALA:H	3	0.16
(1,1165)	1:A:109:ILE:HG12	1:A:113:TYR:HE1	10	0.16
(1,1133)	1:A:61:TYR:HA	1:A:70:GLU:HG2	9	0.16
(1,1133)	1:A:61:TYR:HA	1:A:70:GLU:HG2	13	0.16
(1,1111)	1:A:51:LYS:H	1:A:51:LYS:HB2	8	0.16
(1,7)	1:A:24:THR:H	1:A:71:VAL:O	10	0.15
(1,599)	1:A:25:GLN:HG2	1:A:26:THR:H	6	0.15
(1,492)	1:A:81:VAL:HB	1:A:82:GLU:H	14	0.15
(1,477)	1:A:118:LYS:H	1:A:118:LYS:HB2	6	0.15
(1,477)	1:A:118:LYS:H	1:A:118:LYS:HB2	12	0.15
(1,373)	1:A:53:PRO:HG2	1:A:54:SER:H	7	0.15
(1,286)	1:A:6:GLN:H	1:A:7:PHE:H	19	0.15
(1,201)	1:A:141:GLU:HB3	1:A:142:THR:H	17	0.15
(1,177)	1:A:120:VAL:HB	1:A:121:ASP:H	6	0.15
(1,123)	1:A:69:PHE:HB2	1:A:70:GLU:H	2	0.15
(1,1203)	1:A:147:LEU:H	1:A:147:LEU:HB2	12	0.15
(1,1143)	1:A:82:GLU:HB2	1:A:83:GLY:H	2	0.15
(1,1091)	1:A:36:GLU:HA	1:A:39:TYR:HB2	2	0.15
(1,1050)	1:A:17:VAL:HB	1:A:76:PRO:HB2	9	0.15
(1,105)	1:A:46:LEU:HB2	1:A:47:ALA:H	6	0.15
(1,1023)	1:A:10:GLU:HB2	1:A:11:LEU:H	18	0.15
(1,667)	1:A:39:TYR:HB2	1:A:75:PHE:HE1	15	0.14
(1,666)	1:A:131:ALA:HA	1:A:153:LEU:HB2	2	0.14
(1,633)	1:A:102:TYR:HA	1:A:149:THR:HB	9	0.14
(1,492)	1:A:81:VAL:HB	1:A:82:GLU:H	8	0.14
(1,355)	1:A:140:ALA:H	1:A:142:THR:H	5	0.14
(1,318)	1:A:129:GLY:H	1:A:130:GLU:H	17	0.14
(1,266)	1:A:125:PHE:H	1:A:125:PHE:HB3	7	0.14
(1,266)	1:A:125:PHE:H	1:A:125:PHE:HB3	20	0.14
(1,219)	1:A:6:GLN:H	1:A:6:GLN:HB3	2	0.14
(1,199)	1:A:140:ALA:H	1:A:141:GLU:H	4	0.14
(1,184)	1:A:125:PHE:HB2	1:A:126:ASP:H	12	0.14
(1,1208)	1:A:155:LEU:HB2	1:A:156:HIS:H	18	0.14
(1,1173)	1:A:114:ASP:HB2	1:A:115:ALA:H	2	0.14
(1,1173)	1:A:114:ASP:HB2	1:A:115:ALA:H	20	0.14
(1,1147)	1:A:83:GLY:HA2	1:A:89:THR:H	13	0.14
(1,1138)	1:A:70:GLU:HG2	1:A:71:VAL:HA	11	0.14
(1,1111)	1:A:51:LYS:H	1:A:51:LYS:HB2	5	0.14
(1,105)	1:A:46:LEU:HB2	1:A:47:ALA:H	9	0.14
(1,1027)	1:A:12:LYS:H	1:A:12:LYS:HB2	9	0.14
(1,1013)	1:A:6:GLN:HB2	1:A:7:PHE:H	5	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1013)	1:A:6:GLN:HB2	1:A:7:PHE:H	6	0.14
(1,85)	1:A:24:THR:HB	1:A:25:GLN:H	20	0.13
(1,553)	1:A:51:LYS:HA	1:A:51:LYS:HE2	20	0.13
(1,477)	1:A:118:LYS:H	1:A:118:LYS:HB2	9	0.13
(1,465)	1:A:7:PHE:H	1:A:7:PHE:HB3	1	0.13
(1,465)	1:A:7:PHE:H	1:A:7:PHE:HB3	3	0.13
(1,417)	1:A:123:ASN:H	1:A:123:ASN:HD22	2	0.13
(1,387)	1:A:144:PRO:HD3	1:A:145:ASP:H	8	0.13
(1,387)	1:A:144:PRO:HD3	1:A:145:ASP:H	11	0.13
(1,378)	1:A:96:LYS:HD3	1:A:97:ALA:H	8	0.13
(1,341)	1:A:127:LEU:HB2	1:A:129:GLY:H	5	0.13
(1,286)	1:A:6:GLN:H	1:A:7:PHE:H	13	0.13
(1,286)	1:A:6:GLN:H	1:A:7:PHE:H	18	0.13
(1,285)	1:A:160:GLU:H	1:A:160:GLU:HA	12	0.13
(1,273)	1:A:142:THR:H	1:A:142:THR:HB	4	0.13
(1,219)	1:A:6:GLN:H	1:A:6:GLN:HB3	20	0.13
(1,199)	1:A:140:ALA:H	1:A:141:GLU:H	1	0.13
(1,177)	1:A:120:VAL:HB	1:A:121:ASP:H	15	0.13
(1,1194)	1:A:141:GLU:HB2	1:A:142:THR:H	9	0.13
(1,1150)	1:A:93:PRO:HB2	1:A:94:SER:H	2	0.13
(1,1143)	1:A:82:GLU:HB2	1:A:83:GLY:H	18	0.13
(1,1133)	1:A:61:TYR:HA	1:A:70:GLU:HG2	16	0.13
(1,1119)	1:A:51:LYS:HE2	1:A:81:VAL:HG11	17	0.13
(1,1119)	1:A:51:LYS:HE2	1:A:81:VAL:HG12	17	0.13
(1,1119)	1:A:51:LYS:HE2	1:A:81:VAL:HG13	17	0.13
(1,1114)	1:A:51:LYS:HA	1:A:51:LYS:HE2	12	0.13
(1,1091)	1:A:36:GLU:HA	1:A:39:TYR:HB2	11	0.13
(1,1038)	1:A:13:GLU:HB2	1:A:14:LEU:H	19	0.13
(1,1023)	1:A:10:GLU:HB2	1:A:11:LEU:H	5	0.13
(1,1023)	1:A:10:GLU:HB2	1:A:11:LEU:H	16	0.13
(1,1011)	1:A:6:GLN:H	1:A:6:GLN:HB2	1	0.13
(1,1007)	1:A:2:ASP:HB2	1:A:3:PHE:HB2	7	0.13
(1,7)	1:A:24:THR:H	1:A:71:VAL:O	18	0.12
(1,668)	1:A:39:TYR:HB3	1:A:75:PHE:HE1	9	0.12
(1,553)	1:A:51:LYS:HA	1:A:51:LYS:HE2	16	0.12
(1,473)	1:A:103:ILE:H	1:A:103:ILE:HB	18	0.12
(1,387)	1:A:144:PRO:HD3	1:A:145:ASP:H	4	0.12
(1,385)	1:A:144:PRO:HG3	1:A:145:ASP:H	5	0.12
(1,378)	1:A:96:LYS:HD3	1:A:97:ALA:H	4	0.12
(1,320)	1:A:145:ASP:H	1:A:146:GLN:H	17	0.12
(1,286)	1:A:6:GLN:H	1:A:7:PHE:H	17	0.12
(1,285)	1:A:160:GLU:H	1:A:160:GLU:HA	14	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,266)	1:A:125:PHE:H	1:A:125:PHE:HB3	3	0.12
(1,266)	1:A:125:PHE:H	1:A:125:PHE:HB3	11	0.12
(1,266)	1:A:125:PHE:H	1:A:125:PHE:HB3	16	0.12
(1,244)	1:A:68:THR:H	1:A:68:THR:HB	12	0.12
(1,216)	1:A:159:LEU:H	1:A:160:GLU:H	6	0.12
(1,214)	1:A:155:LEU:HB3	1:A:156:HIS:H	4	0.12
(1,199)	1:A:140:ALA:H	1:A:141:GLU:H	15	0.12
(1,184)	1:A:125:PHE:HB2	1:A:126:ASP:H	16	0.12
(1,177)	1:A:120:VAL:HB	1:A:121:ASP:H	10	0.12
(1,177)	1:A:120:VAL:HB	1:A:121:ASP:H	11	0.12
(1,143)	1:A:89:THR:HB	1:A:90:GLY:H	2	0.12
(1,1193)	1:A:141:GLU:H	1:A:141:GLU:HB2	16	0.12
(1,1190)	1:A:138:ASN:H	1:A:138:ASN:HB2	9	0.12
(1,1181)	1:A:121:ASP:HB2	1:A:122:ASP:H	8	0.12
(1,1173)	1:A:114:ASP:HB2	1:A:115:ALA:H	14	0.12
(1,1135)	1:A:64:MET:HG2	1:A:154:MET:H	6	0.12
(1,1113)	1:A:51:LYS:HA	1:A:51:LYS:HD2	13	0.12
(1,1095)	1:A:45:LEU:HB2	1:A:84:SER:HB2	5	0.12
(1,105)	1:A:46:LEU:HB2	1:A:47:ALA:H	13	0.12
(1,1038)	1:A:13:GLU:HB2	1:A:14:LEU:H	20	0.12
(1,1027)	1:A:12:LYS:H	1:A:12:LYS:HB2	12	0.12
(1,1013)	1:A:6:GLN:HB2	1:A:7:PHE:H	4	0.12
(1,1009)	1:A:2:ASP:HB3	1:A:3:PHE:HB3	1	0.12
(1,9)	1:A:26:THR:H	1:A:69:PHE:O	20	0.11
(1,666)	1:A:131:ALA:HA	1:A:153:LEU:HB2	14	0.11
(1,633)	1:A:102:TYR:HA	1:A:149:THR:HB	11	0.11
(1,614)	1:A:108:GLU:HG2	1:A:109:ILE:H	10	0.11
(1,556)	1:A:51:LYS:HA	1:A:51:LYS:HE3	17	0.11
(1,506)	1:A:25:GLN:HA	1:A:26:THR:HB	18	0.11
(1,492)	1:A:81:VAL:HB	1:A:82:GLU:H	5	0.11
(1,492)	1:A:81:VAL:HB	1:A:82:GLU:H	13	0.11
(1,473)	1:A:103:ILE:H	1:A:103:ILE:HB	9	0.11
(1,43)	1:A:98:ALA:O	1:A:153:LEU:H	4	0.11
(1,419)	1:A:119:TRP:HE1	1:A:123:ASN:HD21	19	0.11
(1,417)	1:A:123:ASN:H	1:A:123:ASN:HD22	18	0.11
(1,386)	1:A:144:PRO:HD2	1:A:145:ASP:H	19	0.11
(1,378)	1:A:96:LYS:HD3	1:A:97:ALA:H	12	0.11
(1,377)	1:A:96:LYS:HD2	1:A:97:ALA:H	3	0.11
(1,333)	1:A:84:SER:H	1:A:87:VAL:HB	16	0.11
(1,285)	1:A:160:GLU:H	1:A:160:GLU:HA	17	0.11
(1,272)	1:A:141:GLU:H	1:A:141:GLU:HB3	17	0.11
(1,266)	1:A:125:PHE:H	1:A:125:PHE:HB3	5	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,219)	1:A:6:GLN:H	1:A:6:GLN:HB3	18	0.11
(1,177)	1:A:120:VAL:HB	1:A:121:ASP:H	2	0.11
(1,177)	1:A:120:VAL:HB	1:A:121:ASP:H	20	0.11
(1,123)	1:A:69:PHE:HB2	1:A:70:GLU:H	16	0.11
(1,1208)	1:A:155:LEU:HB2	1:A:156:HIS:H	10	0.11
(1,1181)	1:A:121:ASP:HB2	1:A:122:ASP:H	5	0.11
(1,1177)	1:A:118:LYS:HA	1:A:121:ASP:HB2	7	0.11
(1,1143)	1:A:82:GLU:HB2	1:A:83:GLY:H	5	0.11
(1,1121)	1:A:52:SER:H	1:A:52:SER:HB2	18	0.11
(1,667)	1:A:39:TYR:HB2	1:A:75:PHE:HE1	20	0.1
(1,63)	1:A:11:LEU:HB2	1:A:12:LYS:H	18	0.1
(1,621)	1:A:2:ASP:HB2	1:A:3:PHE:HB3	16	0.1
(1,492)	1:A:81:VAL:HB	1:A:82:GLU:H	2	0.1
(1,492)	1:A:81:VAL:HB	1:A:82:GLU:H	3	0.1
(1,492)	1:A:81:VAL:HB	1:A:82:GLU:H	9	0.1
(1,43)	1:A:98:ALA:O	1:A:153:LEU:H	1	0.1
(1,417)	1:A:123:ASN:H	1:A:123:ASN:HD22	17	0.1
(1,387)	1:A:144:PRO:HD3	1:A:145:ASP:H	12	0.1
(1,385)	1:A:144:PRO:HG3	1:A:145:ASP:H	6	0.1
(1,35)	1:A:61:TYR:O	1:A:131:ALA:H	16	0.1
(1,327)	1:A:44:GLN:HA	1:A:47:ALA:H	9	0.1
(1,324)	1:A:27:ALA:H	1:A:30:GLU:HB3	18	0.1
(1,302)	1:A:67:GLY:H	1:A:68:THR:H	11	0.1
(1,286)	1:A:6:GLN:H	1:A:7:PHE:H	3	0.1
(1,285)	1:A:160:GLU:H	1:A:160:GLU:HA	7	0.1
(1,285)	1:A:160:GLU:H	1:A:160:GLU:HA	18	0.1
(1,266)	1:A:125:PHE:H	1:A:125:PHE:HB3	1	0.1
(1,23)	1:A:60:ARG:O	1:A:72:GLU:H	10	0.1
(1,21)	1:A:62:PHE:O	1:A:70:GLU:H	6	0.1
(1,21)	1:A:62:PHE:O	1:A:70:GLU:H	18	0.1
(1,199)	1:A:140:ALA:H	1:A:141:GLU:H	2	0.1
(1,199)	1:A:140:ALA:H	1:A:141:GLU:H	14	0.1
(1,1194)	1:A:141:GLU:HB2	1:A:142:THR:H	16	0.1
(1,1181)	1:A:121:ASP:HB2	1:A:122:ASP:H	13	0.1
(1,1153)	1:A:96:LYS:HB2	1:A:97:ALA:H	14	0.1
(1,1152)	1:A:96:LYS:H	1:A:96:LYS:HB2	3	0.1
(1,1151)	1:A:94:SER:HB2	1:A:95:GLY:H	15	0.1
(1,1123)	1:A:53:PRO:HB2	1:A:55:GLY:H	4	0.1
(1,1111)	1:A:51:LYS:H	1:A:51:LYS:HB2	19	0.1
(1,1093)	1:A:40:HIS:H	1:A:40:HIS:HB2	14	0.1
(1,1038)	1:A:13:GLU:HB2	1:A:14:LEU:H	16	0.1
(1,1018)	1:A:9:CYS:HB2	1:A:10:GLU:H	6	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,85)	1:A:24:THR:HB	1:A:25:GLN:H	14	0.09
(1,662)	1:A:120:VAL:HA	1:A:125:PHE:HB2	19	0.09
(1,649)	1:A:135:TYR:HE1	1:A:149:THR:HB	16	0.09
(1,556)	1:A:51:LYS:HA	1:A:51:LYS:HE3	15	0.09
(1,50)	1:A:6:GLN:HB3	1:A:7:PHE:H	12	0.09
(1,492)	1:A:81:VAL:HB	1:A:82:GLU:H	11	0.09
(1,492)	1:A:81:VAL:HB	1:A:82:GLU:H	19	0.09
(1,473)	1:A:103:ILE:H	1:A:103:ILE:HB	11	0.09
(1,47)	1:A:4:GLU:HA	1:A:5:CYS:H	19	0.09
(1,43)	1:A:98:ALA:O	1:A:153:LEU:H	14	0.09
(1,420)	1:A:119:TRP:HE1	1:A:123:ASN:HD22	8	0.09
(1,419)	1:A:119:TRP:HE1	1:A:123:ASN:HD21	8	0.09
(1,417)	1:A:123:ASN:H	1:A:123:ASN:HD22	4	0.09
(1,417)	1:A:123:ASN:H	1:A:123:ASN:HD22	12	0.09
(1,386)	1:A:144:PRO:HD2	1:A:145:ASP:H	7	0.09
(1,378)	1:A:96:LYS:HD3	1:A:97:ALA:H	16	0.09
(1,35)	1:A:61:TYR:O	1:A:131:ALA:H	2	0.09
(1,341)	1:A:127:LEU:HB2	1:A:129:GLY:H	2	0.09
(1,333)	1:A:84:SER:H	1:A:87:VAL:HB	14	0.09
(1,329)	1:A:46:LEU:HA	1:A:51:LYS:H	12	0.09
(1,318)	1:A:129:GLY:H	1:A:130:GLU:H	4	0.09
(1,285)	1:A:160:GLU:H	1:A:160:GLU:HA	8	0.09
(1,285)	1:A:160:GLU:H	1:A:160:GLU:HA	15	0.09
(1,285)	1:A:160:GLU:H	1:A:160:GLU:HA	19	0.09
(1,261)	1:A:122:ASP:H	1:A:122:ASP:HB2	7	0.09
(1,244)	1:A:68:THR:H	1:A:68:THR:HB	15	0.09
(1,23)	1:A:60:ARG:O	1:A:72:GLU:H	12	0.09
(1,219)	1:A:6:GLN:H	1:A:6:GLN:HB3	7	0.09
(1,21)	1:A:62:PHE:O	1:A:70:GLU:H	19	0.09
(1,184)	1:A:125:PHE:HB2	1:A:126:ASP:H	17	0.09
(1,17)	1:A:60:ARG:H	1:A:72:GLU:O	14	0.09
(1,143)	1:A:89:THR:HB	1:A:90:GLY:H	5	0.09
(1,1191)	1:A:138:ASN:HB2	1:A:141:GLU:HG2	18	0.09
(1,1181)	1:A:121:ASP:HB2	1:A:122:ASP:H	4	0.09
(1,1179)	1:A:118:LYS:HG2	1:A:121:ASP:HB2	5	0.09
(1,1175)	1:A:116:LEU:HA	1:A:119:TRP:HB2	1	0.09
(1,1119)	1:A:51:LYS:HE2	1:A:81:VAL:HG11	10	0.09
(1,1119)	1:A:51:LYS:HE2	1:A:81:VAL:HG12	10	0.09
(1,1119)	1:A:51:LYS:HE2	1:A:81:VAL:HG13	10	0.09
(1,105)	1:A:46:LEU:HB2	1:A:47:ALA:H	2	0.09
(1,105)	1:A:46:LEU:HB2	1:A:47:ALA:H	12	0.09
(1,85)	1:A:24:THR:HB	1:A:25:GLN:H	7	0.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,7)	1:A:24:THR:H	1:A:71:VAL:O	11	0.08
(1,666)	1:A:131:ALA:HA	1:A:153:LEU:HB2	3	0.08
(1,665)	1:A:131:ALA:HA	1:A:153:LEU:HB3	6	0.08
(1,665)	1:A:131:ALA:HA	1:A:153:LEU:HB3	16	0.08
(1,664)	1:A:134:ILE:HB	1:A:149:THR:HA	9	0.08
(1,63)	1:A:11:LEU:HB2	1:A:12:LYS:H	1	0.08
(1,621)	1:A:2:ASP:HB2	1:A:3:PHE:HB3	7	0.08
(1,556)	1:A:51:LYS:HA	1:A:51:LYS:HE3	10	0.08
(1,556)	1:A:51:LYS:HA	1:A:51:LYS:HE3	13	0.08
(1,553)	1:A:51:LYS:HA	1:A:51:LYS:HE2	1	0.08
(1,517)	1:A:28:MET:HA	1:A:30:GLU:H	15	0.08
(1,493)	1:A:82:GLU:HB2	1:A:83:GLY:H	19	0.08
(1,492)	1:A:81:VAL:HB	1:A:82:GLU:H	18	0.08
(1,492)	1:A:81:VAL:HB	1:A:82:GLU:H	20	0.08
(1,48)	1:A:6:GLN:HA	1:A:7:PHE:H	14	0.08
(1,48)	1:A:6:GLN:HA	1:A:7:PHE:H	16	0.08
(1,470)	1:A:31:LEU:H	1:A:31:LEU:HB2	15	0.08
(1,465)	1:A:7:PHE:H	1:A:7:PHE:HB3	16	0.08
(1,43)	1:A:98:ALA:O	1:A:153:LEU:H	5	0.08
(1,43)	1:A:98:ALA:O	1:A:153:LEU:H	13	0.08
(1,420)	1:A:119:TRP:HE1	1:A:123:ASN:HD22	1	0.08
(1,420)	1:A:119:TRP:HE1	1:A:123:ASN:HD22	14	0.08
(1,420)	1:A:119:TRP:HE1	1:A:123:ASN:HD22	19	0.08
(1,386)	1:A:144:PRO:HD2	1:A:145:ASP:H	5	0.08
(1,371)	1:A:51:LYS:HD2	1:A:52:SER:H	3	0.08
(1,371)	1:A:51:LYS:HD2	1:A:52:SER:H	6	0.08
(1,352)	1:A:104:GLY:H	1:A:147:LEU:H	2	0.08
(1,341)	1:A:127:LEU:HB2	1:A:129:GLY:H	3	0.08
(1,341)	1:A:127:LEU:HB2	1:A:129:GLY:H	4	0.08
(1,341)	1:A:127:LEU:HB2	1:A:129:GLY:H	17	0.08
(1,333)	1:A:84:SER:H	1:A:87:VAL:HB	8	0.08
(1,333)	1:A:84:SER:H	1:A:87:VAL:HB	15	0.08
(1,302)	1:A:67:GLY:H	1:A:68:THR:H	2	0.08
(1,286)	1:A:6:GLN:H	1:A:7:PHE:H	9	0.08
(1,285)	1:A:160:GLU:H	1:A:160:GLU:HA	16	0.08
(1,25)	1:A:20:LEU:O	1:A:75:PHE:H	10	0.08
(1,216)	1:A:159:LEU:H	1:A:160:GLU:H	9	0.08
(1,213)	1:A:155:LEU:HB2	1:A:156:HIS:H	3	0.08
(1,21)	1:A:62:PHE:O	1:A:70:GLU:H	13	0.08
(1,199)	1:A:140:ALA:H	1:A:141:GLU:H	10	0.08
(1,199)	1:A:140:ALA:H	1:A:141:GLU:H	12	0.08
(1,143)	1:A:89:THR:HB	1:A:90:GLY:H	17	0.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,138)	1:A:84:SER:HA	1:A:85:GLY:H	13	0.08
(1,1194)	1:A:141:GLU:HB2	1:A:142:THR:H	17	0.08
(1,1181)	1:A:121:ASP:HB2	1:A:122:ASP:H	10	0.08
(1,1181)	1:A:121:ASP:HB2	1:A:122:ASP:H	16	0.08
(1,1153)	1:A:96:LYS:HB2	1:A:97:ALA:H	4	0.08
(1,1151)	1:A:94:SER:HB2	1:A:95:GLY:H	3	0.08
(1,1133)	1:A:61:TYR:HA	1:A:70:GLU:HG2	5	0.08
(1,1132)	1:A:60:ARG:HA	1:A:133:GLU:HG2	6	0.08
(1,1088)	1:A:34:LEU:HB2	1:A:35:PHE:H	10	0.08
(1,1050)	1:A:17:VAL:HB	1:A:76:PRO:HB2	16	0.08
(1,1018)	1:A:9:CYS:HB2	1:A:10:GLU:H	17	0.08
(1,1013)	1:A:6:GLN:HB2	1:A:7:PHE:H	2	0.08
(1,7)	1:A:24:THR:H	1:A:71:VAL:O	9	0.07
(1,666)	1:A:131:ALA:HA	1:A:153:LEU:HB2	12	0.07
(1,664)	1:A:134:ILE:HB	1:A:149:THR:HA	3	0.07
(1,663)	1:A:120:VAL:HA	1:A:125:PHE:HB3	5	0.07
(1,663)	1:A:120:VAL:HA	1:A:125:PHE:HB3	14	0.07
(1,662)	1:A:120:VAL:HA	1:A:125:PHE:HB2	6	0.07
(1,657)	1:A:45:LEU:HB3	1:A:84:SER:HB3	8	0.07
(1,633)	1:A:102:TYR:HA	1:A:149:THR:HB	2	0.07
(1,63)	1:A:11:LEU:HB2	1:A:12:LYS:H	8	0.07
(1,572)	1:A:96:LYS:HA	1:A:96:LYS:HE3	5	0.07
(1,556)	1:A:51:LYS:HA	1:A:51:LYS:HE3	14	0.07
(1,506)	1:A:25:GLN:HA	1:A:26:THR:HB	7	0.07
(1,492)	1:A:81:VAL:HB	1:A:82:GLU:H	1	0.07
(1,43)	1:A:98:ALA:O	1:A:153:LEU:H	18	0.07
(1,43)	1:A:98:ALA:O	1:A:153:LEU:H	19	0.07
(1,41)	1:A:57:PRO:O	1:A:135:TYR:H	15	0.07
(1,386)	1:A:144:PRO:HD2	1:A:145:ASP:H	10	0.07
(1,385)	1:A:144:PRO:HG3	1:A:145:ASP:H	7	0.07
(1,355)	1:A:140:ALA:H	1:A:142:THR:H	8	0.07
(1,343)	1:A:97:ALA:HA	1:A:155:LEU:H	17	0.07
(1,341)	1:A:127:LEU:HB2	1:A:129:GLY:H	12	0.07
(1,341)	1:A:127:LEU:HB2	1:A:129:GLY:H	20	0.07
(1,333)	1:A:84:SER:H	1:A:87:VAL:HB	19	0.07
(1,329)	1:A:46:LEU:HA	1:A:51:LYS:H	13	0.07
(1,328)	1:A:47:ALA:HA	1:A:51:LYS:H	10	0.07
(1,327)	1:A:44:GLN:HA	1:A:47:ALA:H	4	0.07
(1,320)	1:A:145:ASP:H	1:A:146:GLN:H	20	0.07
(1,292)	1:A:30:GLU:H	1:A:31:LEU:H	18	0.07
(1,286)	1:A:6:GLN:H	1:A:7:PHE:H	4	0.07
(1,285)	1:A:160:GLU:H	1:A:160:GLU:HA	1	0.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,285)	1:A:160:GLU:H	1:A:160:GLU:HA	5	0.07
(1,285)	1:A:160:GLU:H	1:A:160:GLU:HA	9	0.07
(1,285)	1:A:160:GLU:H	1:A:160:GLU:HA	11	0.07
(1,21)	1:A:62:PHE:O	1:A:70:GLU:H	1	0.07
(1,21)	1:A:62:PHE:O	1:A:70:GLU:H	10	0.07
(1,202)	1:A:142:THR:HA	1:A:143:ALA:H	6	0.07
(1,202)	1:A:142:THR:HA	1:A:143:ALA:H	8	0.07
(1,201)	1:A:141:GLU:HB3	1:A:142:THR:H	16	0.07
(1,199)	1:A:140:ALA:H	1:A:141:GLU:H	11	0.07
(1,198)	1:A:139:PRO:HB3	1:A:140:ALA:H	11	0.07
(1,184)	1:A:125:PHE:HB2	1:A:126:ASP:H	2	0.07
(1,13)	1:A:58:PHE:H	1:A:74:GLY:O	20	0.07
(1,1194)	1:A:141:GLU:HB2	1:A:142:THR:H	1	0.07
(1,1181)	1:A:121:ASP:HB2	1:A:122:ASP:H	18	0.07
(1,1181)	1:A:121:ASP:HB2	1:A:122:ASP:H	20	0.07
(1,1173)	1:A:114:ASP:HB2	1:A:115:ALA:H	18	0.07
(1,1135)	1:A:64:MET:HG2	1:A:154:MET:H	4	0.07
(1,1121)	1:A:52:SER:H	1:A:52:SER:HB2	12	0.07
(1,1121)	1:A:52:SER:H	1:A:52:SER:HB2	19	0.07
(1,110)	1:A:51:LYS:HB2	1:A:52:SER:H	9	0.07
(1,1097)	1:A:45:LEU:HB3	1:A:84:SER:HB2	15	0.07
(1,1038)	1:A:13:GLU:HB2	1:A:14:LEU:H	6	0.07
(1,1031)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:13:GLU:H	3	0.07
(1,1027)	1:A:12:LYS:H	1:A:12:LYS:HB2	16	0.07
(1,1019)	1:A:9:CYS:HB2	1:A:100:SER:HA	12	0.07
(1,9)	1:A:26:THR:H	1:A:69:PHE:O	9	0.06
(1,666)	1:A:131:ALA:HA	1:A:153:LEU:HB2	10	0.06
(1,63)	1:A:11:LEU:HB2	1:A:12:LYS:H	9	0.06
(1,596)	1:A:13:GLU:HG3	1:A:14:LEU:H	15	0.06
(1,556)	1:A:51:LYS:HA	1:A:51:LYS:HE3	18	0.06
(1,553)	1:A:51:LYS:HA	1:A:51:LYS:HE2	11	0.06
(1,492)	1:A:81:VAL:HB	1:A:82:GLU:H	4	0.06
(1,492)	1:A:81:VAL:HB	1:A:82:GLU:H	10	0.06
(1,492)	1:A:81:VAL:HB	1:A:82:GLU:H	12	0.06
(1,492)	1:A:81:VAL:HB	1:A:82:GLU:H	15	0.06
(1,492)	1:A:81:VAL:HB	1:A:82:GLU:H	17	0.06
(1,43)	1:A:98:ALA:O	1:A:153:LEU:H	17	0.06
(1,417)	1:A:123:ASN:H	1:A:123:ASN:HD22	10	0.06
(1,387)	1:A:144:PRO:HD3	1:A:145:ASP:H	6	0.06
(1,385)	1:A:144:PRO:HG3	1:A:145:ASP:H	16	0.06
(1,378)	1:A:96:LYS:HD3	1:A:97:ALA:H	9	0.06
(1,374)	1:A:53:PRO:HG3	1:A:54:SER:H	11	0.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,371)	1:A:51:LYS:HD2	1:A:52:SER:H	8	0.06
(1,371)	1:A:51:LYS:HD2	1:A:52:SER:H	16	0.06
(1,35)	1:A:61:TYR:O	1:A:131:ALA:H	17	0.06
(1,35)	1:A:61:TYR:O	1:A:131:ALA:H	19	0.06
(1,343)	1:A:97:ALA:HA	1:A:155:LEU:H	10	0.06
(1,341)	1:A:127:LEU:HB2	1:A:129:GLY:H	1	0.06
(1,341)	1:A:127:LEU:HB2	1:A:129:GLY:H	15	0.06
(1,333)	1:A:84:SER:H	1:A:87:VAL:HB	9	0.06
(1,27)	1:A:21:LEU:O	1:A:88:VAL:H	13	0.06
(1,243)	1:A:64:MET:H	1:A:64:MET:HB3	11	0.06
(1,229)	1:A:31:LEU:H	1:A:31:LEU:HB3	9	0.06
(1,217)	1:A:160:GLU:HA	1:A:161:HIS:H	17	0.06
(1,21)	1:A:62:PHE:O	1:A:70:GLU:H	2	0.06
(1,21)	1:A:62:PHE:O	1:A:70:GLU:H	8	0.06
(1,201)	1:A:141:GLU:HB3	1:A:142:THR:H	13	0.06
(1,184)	1:A:125:PHE:HB2	1:A:126:ASP:H	6	0.06
(1,184)	1:A:125:PHE:HB2	1:A:126:ASP:H	19	0.06
(1,143)	1:A:89:THR:HB	1:A:90:GLY:H	12	0.06
(1,135)	1:A:82:GLU:H	1:A:83:GLY:H	6	0.06
(1,13)	1:A:58:PHE:H	1:A:74:GLY:O	7	0.06
(1,13)	1:A:58:PHE:H	1:A:74:GLY:O	12	0.06
(1,123)	1:A:69:PHE:HB2	1:A:70:GLU:H	4	0.06
(1,123)	1:A:69:PHE:HB2	1:A:70:GLU:H	5	0.06
(1,123)	1:A:69:PHE:HB2	1:A:70:GLU:H	11	0.06
(1,123)	1:A:69:PHE:HB2	1:A:70:GLU:H	13	0.06
(1,1201)	1:A:146:GLN:H	1:A:146:GLN:HB2	16	0.06
(1,1200)	1:A:145:ASP:H	1:A:145:ASP:HB2	2	0.06
(1,1193)	1:A:141:GLU:H	1:A:141:GLU:HB2	9	0.06
(1,1173)	1:A:114:ASP:HB2	1:A:115:ALA:H	4	0.06
(1,1173)	1:A:114:ASP:HB2	1:A:115:ALA:H	13	0.06
(1,1173)	1:A:114:ASP:HB2	1:A:115:ALA:H	16	0.06
(1,1165)	1:A:109:ILE:HG12	1:A:113:TYR:HE1	20	0.06
(1,1138)	1:A:70:GLU:HG2	1:A:71:VAL:HA	15	0.06
(1,1133)	1:A:61:TYR:HA	1:A:70:GLU:HG2	6	0.06
(1,1122)	1:A:53:PRO:HB2	1:A:54:SER:H	7	0.06
(1,1121)	1:A:52:SER:H	1:A:52:SER:HB2	17	0.06
(1,1093)	1:A:40:HIS:H	1:A:40:HIS:HB2	13	0.06
(1,108)	1:A:48:GLY:H	1:A:49:GLN:H	17	0.06
(1,85)	1:A:24:THR:HB	1:A:25:GLN:H	12	0.05
(1,85)	1:A:24:THR:HB	1:A:25:GLN:H	19	0.05
(1,665)	1:A:131:ALA:HA	1:A:153:LEU:HB3	7	0.05
(1,665)	1:A:131:ALA:HA	1:A:153:LEU:HB3	15	0.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,664)	1:A:134:ILE:HB	1:A:149:THR:HA	20	0.05
(1,633)	1:A:102:TYR:HA	1:A:149:THR:HB	18	0.05
(1,63)	1:A:11:LEU:HB2	1:A:12:LYS:H	7	0.05
(1,63)	1:A:11:LEU:HB2	1:A:12:LYS:H	14	0.05
(1,615)	1:A:108:GLU:HG3	1:A:109:ILE:H	5	0.05
(1,612)	1:A:96:LYS:HG3	1:A:97:ALA:H	14	0.05
(1,565)	1:A:96:LYS:H	1:A:96:LYS:HD2	17	0.05
(1,492)	1:A:81:VAL:HB	1:A:82:GLU:H	6	0.05
(1,492)	1:A:81:VAL:HB	1:A:82:GLU:H	7	0.05
(1,473)	1:A:103:ILE:H	1:A:103:ILE:HB	17	0.05
(1,470)	1:A:31:LEU:H	1:A:31:LEU:HB2	11	0.05
(1,43)	1:A:98:ALA:O	1:A:153:LEU:H	16	0.05
(1,41)	1:A:57:PRO:O	1:A:135:TYR:H	7	0.05
(1,41)	1:A:57:PRO:O	1:A:135:TYR:H	9	0.05
(1,41)	1:A:57:PRO:O	1:A:135:TYR:H	12	0.05
(1,41)	1:A:57:PRO:O	1:A:135:TYR:H	14	0.05
(1,387)	1:A:144:PRO:HD3	1:A:145:ASP:H	13	0.05
(1,386)	1:A:144:PRO:HD2	1:A:145:ASP:H	3	0.05
(1,386)	1:A:144:PRO:HD2	1:A:145:ASP:H	16	0.05
(1,385)	1:A:144:PRO:HG3	1:A:145:ASP:H	10	0.05
(1,374)	1:A:53:PRO:HG3	1:A:54:SER:H	18	0.05
(1,372)	1:A:51:LYS:HD3	1:A:52:SER:H	1	0.05
(1,368)	1:A:25:GLN:HG3	1:A:26:THR:H	7	0.05
(1,35)	1:A:61:TYR:O	1:A:131:ALA:H	5	0.05
(1,35)	1:A:61:TYR:O	1:A:131:ALA:H	7	0.05
(1,35)	1:A:61:TYR:O	1:A:131:ALA:H	12	0.05
(1,35)	1:A:61:TYR:O	1:A:131:ALA:H	13	0.05
(1,35)	1:A:61:TYR:O	1:A:131:ALA:H	15	0.05
(1,346)	1:A:26:THR:H	1:A:69:PHE:H	18	0.05
(1,341)	1:A:127:LEU:HB2	1:A:129:GLY:H	16	0.05
(1,33)	1:A:110:GLU:O	1:A:114:ASP:H	15	0.05
(1,33)	1:A:110:GLU:O	1:A:114:ASP:H	19	0.05
(1,328)	1:A:47:ALA:HA	1:A:51:LYS:H	17	0.05
(1,327)	1:A:44:GLN:HA	1:A:47:ALA:H	13	0.05
(1,323)	1:A:27:ALA:H	1:A:30:GLU:HB2	8	0.05
(1,31)	1:A:12:LYS:O	1:A:97:ALA:H	20	0.05
(1,29)	1:A:19:ALA:O	1:A:90:GLY:H	8	0.05
(1,29)	1:A:19:ALA:O	1:A:90:GLY:H	16	0.05
(1,27)	1:A:21:LEU:O	1:A:88:VAL:H	12	0.05
(1,265)	1:A:125:PHE:H	1:A:125:PHE:HB2	20	0.05
(1,25)	1:A:20:LEU:O	1:A:75:PHE:H	2	0.05
(1,249)	1:A:101:LEU:H	1:A:101:LEU:HB3	16	0.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,248)	1:A:101:LEU:H	1:A:101:LEU:HB2	18	0.05
(1,23)	1:A:60:ARG:O	1:A:72:GLU:H	18	0.05
(1,229)	1:A:31:LEU:H	1:A:31:LEU:HB3	14	0.05
(1,220)	1:A:7:PHE:H	1:A:7:PHE:HB2	15	0.05
(1,217)	1:A:160:GLU:HA	1:A:161:HIS:H	7	0.05
(1,21)	1:A:62:PHE:O	1:A:70:GLU:H	16	0.05
(1,198)	1:A:139:PRO:HB3	1:A:140:ALA:H	3	0.05
(1,184)	1:A:125:PHE:HB2	1:A:126:ASP:H	7	0.05
(1,17)	1:A:60:ARG:H	1:A:72:GLU:O	8	0.05
(1,14)	1:A:58:PHE:N	1:A:74:GLY:O	7	0.05
(1,14)	1:A:58:PHE:N	1:A:74:GLY:O	12	0.05
(1,14)	1:A:58:PHE:N	1:A:74:GLY:O	20	0.05
(1,13)	1:A:58:PHE:H	1:A:74:GLY:O	3	0.05
(1,13)	1:A:58:PHE:H	1:A:74:GLY:O	18	0.05
(1,123)	1:A:69:PHE:HB2	1:A:70:GLU:H	12	0.05
(1,123)	1:A:69:PHE:HB2	1:A:70:GLU:H	15	0.05
(1,1193)	1:A:141:GLU:H	1:A:141:GLU:HB2	1	0.05
(1,1181)	1:A:121:ASP:HB2	1:A:122:ASP:H	2	0.05
(1,1142)	1:A:82:GLU:H	1:A:82:GLU:HB2	13	0.05
(1,111)	1:A:51:LYS:HB3	1:A:52:SER:H	1	0.05
(1,1109)	1:A:49:GLN:HE21	1:A:82:GLU:HB2	1	0.05
(1,110)	1:A:51:LYS:HB2	1:A:52:SER:H	10	0.05
(1,1050)	1:A:17:VAL:HB	1:A:76:PRO:HB2	3	0.05
(1,1018)	1:A:9:CYS:HB2	1:A:10:GLU:H	11	0.05
(1,85)	1:A:24:THR:HB	1:A:25:GLN:H	8	0.04
(1,7)	1:A:24:THR:H	1:A:71:VAL:O	5	0.04
(1,666)	1:A:131:ALA:HA	1:A:153:LEU:HB2	5	0.04
(1,664)	1:A:134:ILE:HB	1:A:149:THR:HA	5	0.04
(1,664)	1:A:134:ILE:HB	1:A:149:THR:HA	10	0.04
(1,642)	1:A:109:ILE:HG13	1:A:113:TYR:HD1	18	0.04
(1,638)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:132:TYR:HE1	4	0.04
(1,636)	1:A:11:LEU:HG	1:A:119:TRP:HH2	14	0.04
(1,63)	1:A:11:LEU:HB2	1:A:12:LYS:H	5	0.04
(1,60)	1:A:10:GLU:HB2	1:A:11:LEU:H	6	0.04
(1,60)	1:A:10:GLU:HB2	1:A:11:LEU:H	11	0.04
(1,572)	1:A:96:LYS:HA	1:A:96:LYS:HE3	10	0.04
(1,506)	1:A:25:GLN:HA	1:A:26:THR:HB	1	0.04
(1,470)	1:A:31:LEU:H	1:A:31:LEU:HB2	4	0.04
(1,41)	1:A:57:PRO:O	1:A:135:TYR:H	11	0.04
(1,41)	1:A:57:PRO:O	1:A:135:TYR:H	17	0.04
(1,387)	1:A:144:PRO:HD3	1:A:145:ASP:H	3	0.04
(1,387)	1:A:144:PRO:HD3	1:A:145:ASP:H	17	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,387)	1:A:144:PRO:HD3	1:A:145:ASP:H	19	0.04
(1,384)	1:A:144:PRO:HG2	1:A:145:ASP:H	8	0.04
(1,377)	1:A:96:LYS:HD2	1:A:97:ALA:H	11	0.04
(1,373)	1:A:53:PRO:HG2	1:A:54:SER:H	15	0.04
(1,371)	1:A:51:LYS:HD2	1:A:52:SER:H	4	0.04
(1,360)	1:A:84:SER:H	1:A:87:VAL:H	18	0.04
(1,357)	1:A:49:GLN:H	1:A:51:LYS:H	4	0.04
(1,357)	1:A:49:GLN:H	1:A:51:LYS:H	5	0.04
(1,351)	1:A:10:GLU:H	1:A:99:SER:H	8	0.04
(1,35)	1:A:61:TYR:O	1:A:131:ALA:H	8	0.04
(1,346)	1:A:26:THR:H	1:A:69:PHE:H	4	0.04
(1,343)	1:A:97:ALA:HA	1:A:155:LEU:H	14	0.04
(1,341)	1:A:127:LEU:HB2	1:A:129:GLY:H	14	0.04
(1,33)	1:A:110:GLU:O	1:A:114:ASP:H	1	0.04
(1,33)	1:A:110:GLU:O	1:A:114:ASP:H	2	0.04
(1,33)	1:A:110:GLU:O	1:A:114:ASP:H	14	0.04
(1,320)	1:A:145:ASP:H	1:A:146:GLN:H	11	0.04
(1,318)	1:A:129:GLY:H	1:A:130:GLU:H	16	0.04
(1,292)	1:A:30:GLU:H	1:A:31:LEU:H	16	0.04
(1,29)	1:A:19:ALA:O	1:A:90:GLY:H	4	0.04
(1,273)	1:A:142:THR:H	1:A:142:THR:HB	12	0.04
(1,27)	1:A:21:LEU:O	1:A:88:VAL:H	2	0.04
(1,27)	1:A:21:LEU:O	1:A:88:VAL:H	18	0.04
(1,266)	1:A:125:PHE:H	1:A:125:PHE:HB3	8	0.04
(1,25)	1:A:20:LEU:O	1:A:75:PHE:H	15	0.04
(1,25)	1:A:20:LEU:O	1:A:75:PHE:H	18	0.04
(1,248)	1:A:101:LEU:H	1:A:101:LEU:HB2	9	0.04
(1,248)	1:A:101:LEU:H	1:A:101:LEU:HB2	11	0.04
(1,248)	1:A:101:LEU:H	1:A:101:LEU:HB2	20	0.04
(1,229)	1:A:31:LEU:H	1:A:31:LEU:HB3	6	0.04
(1,216)	1:A:159:LEU:H	1:A:160:GLU:H	12	0.04
(1,202)	1:A:142:THR:HA	1:A:143:ALA:H	16	0.04
(1,202)	1:A:142:THR:HA	1:A:143:ALA:H	20	0.04
(1,173)	1:A:114:ASP:HB2	1:A:115:ALA:H	10	0.04
(1,17)	1:A:60:ARG:H	1:A:72:GLU:O	17	0.04
(1,13)	1:A:58:PHE:H	1:A:74:GLY:O	2	0.04
(1,13)	1:A:58:PHE:H	1:A:74:GLY:O	6	0.04
(1,13)	1:A:58:PHE:H	1:A:74:GLY:O	15	0.04
(1,13)	1:A:58:PHE:H	1:A:74:GLY:O	16	0.04
(1,123)	1:A:69:PHE:HB2	1:A:70:GLU:H	18	0.04
(1,1204)	1:A:153:LEU:H	1:A:153:LEU:HB2	1	0.04
(1,1204)	1:A:153:LEU:H	1:A:153:LEU:HB2	17	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1201)	1:A:146:GLN:H	1:A:146:GLN:HB2	18	0.04
(1,120)	1:A:68:THR:HB	1:A:69:PHE:H	14	0.04
(1,1153)	1:A:96:LYS:HB2	1:A:97:ALA:H	2	0.04
(1,1115)	1:A:51:LYS:HB2	1:A:52:SER:H	2	0.04
(1,1115)	1:A:51:LYS:HB2	1:A:52:SER:H	14	0.04
(1,111)	1:A:51:LYS:HB3	1:A:52:SER:H	8	0.04
(1,111)	1:A:51:LYS:HB3	1:A:52:SER:H	13	0.04
(1,1109)	1:A:49:GLN:HE21	1:A:82:GLU:HB2	18	0.04
(1,1094)	1:A:40:HIS:HB2	1:A:41:ASP:H	19	0.04
(1,1031)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:13:GLU:H	6	0.04
(1,1031)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:13:GLU:H	10	0.04
(1,1013)	1:A:6:GLN:HB2	1:A:7:PHE:H	9	0.04
(1,9)	1:A:26:THR:H	1:A:69:PHE:O	10	0.03
(1,7)	1:A:24:THR:H	1:A:71:VAL:O	6	0.03
(1,665)	1:A:131:ALA:HA	1:A:153:LEU:HB3	2	0.03
(1,663)	1:A:120:VAL:HA	1:A:125:PHE:HB3	10	0.03
(1,657)	1:A:45:LEU:HB3	1:A:84:SER:HB3	4	0.03
(1,657)	1:A:45:LEU:HB3	1:A:84:SER:HB3	12	0.03
(1,63)	1:A:11:LEU:HB2	1:A:12:LYS:H	4	0.03
(1,63)	1:A:11:LEU:HB2	1:A:12:LYS:H	13	0.03
(1,612)	1:A:96:LYS:HG3	1:A:97:ALA:H	6	0.03
(1,60)	1:A:10:GLU:HB2	1:A:11:LEU:H	19	0.03
(1,556)	1:A:51:LYS:HA	1:A:51:LYS:HE3	8	0.03
(1,517)	1:A:28:MET:HA	1:A:30:GLU:H	7	0.03
(1,5)	1:A:21:LEU:H	1:A:88:VAL:O	10	0.03
(1,493)	1:A:82:GLU:HB2	1:A:83:GLY:H	8	0.03
(1,492)	1:A:81:VAL:HB	1:A:82:GLU:H	16	0.03
(1,488)	1:A:69:PHE:HB3	1:A:70:GLU:H	19	0.03
(1,473)	1:A:103:ILE:H	1:A:103:ILE:HB	20	0.03
(1,43)	1:A:98:ALA:O	1:A:153:LEU:H	9	0.03
(1,43)	1:A:98:ALA:O	1:A:153:LEU:H	10	0.03
(1,43)	1:A:98:ALA:O	1:A:153:LEU:H	12	0.03
(1,420)	1:A:119:TRP:HE1	1:A:123:ASN:HD22	4	0.03
(1,420)	1:A:119:TRP:HE1	1:A:123:ASN:HD22	12	0.03
(1,420)	1:A:119:TRP:HE1	1:A:123:ASN:HD22	18	0.03
(1,41)	1:A:57:PRO:O	1:A:135:TYR:H	1	0.03
(1,41)	1:A:57:PRO:O	1:A:135:TYR:H	18	0.03
(1,386)	1:A:144:PRO:HD2	1:A:145:ASP:H	13	0.03
(1,377)	1:A:96:LYS:HD2	1:A:97:ALA:H	20	0.03
(1,372)	1:A:51:LYS:HD3	1:A:52:SER:H	18	0.03
(1,371)	1:A:51:LYS:HD2	1:A:52:SER:H	5	0.03
(1,371)	1:A:51:LYS:HD2	1:A:52:SER:H	12	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,37)	1:A:132:TYR:H	1:A:152:SER:O	16	0.03
(1,360)	1:A:84:SER:H	1:A:87:VAL:H	20	0.03
(1,36)	1:A:61:TYR:O	1:A:131:ALA:N	8	0.03
(1,36)	1:A:61:TYR:O	1:A:131:ALA:N	17	0.03
(1,351)	1:A:10:GLU:H	1:A:99:SER:H	7	0.03
(1,35)	1:A:61:TYR:O	1:A:131:ALA:H	3	0.03
(1,341)	1:A:127:LEU:HB2	1:A:129:GLY:H	10	0.03
(1,331)	1:A:53:PRO:HB3	1:A:55:GLY:H	8	0.03
(1,331)	1:A:53:PRO:HB3	1:A:55:GLY:H	20	0.03
(1,33)	1:A:110:GLU:O	1:A:114:ASP:H	4	0.03
(1,33)	1:A:110:GLU:O	1:A:114:ASP:H	10	0.03
(1,324)	1:A:27:ALA:H	1:A:30:GLU:HB3	19	0.03
(1,322)	1:A:149:THR:H	1:A:150:ARG:H	2	0.03
(1,322)	1:A:149:THR:H	1:A:150:ARG:H	15	0.03
(1,3)	1:A:19:ALA:H	1:A:90:GLY:O	7	0.03
(1,29)	1:A:19:ALA:O	1:A:90:GLY:H	9	0.03
(1,288)	1:A:13:GLU:H	1:A:14:LEU:H	8	0.03
(1,288)	1:A:13:GLU:H	1:A:14:LEU:H	10	0.03
(1,286)	1:A:6:GLN:H	1:A:7:PHE:H	20	0.03
(1,26)	1:A:20:LEU:O	1:A:75:PHE:N	10	0.03
(1,257)	1:A:118:LYS:H	1:A:118:LYS:HB3	5	0.03
(1,25)	1:A:20:LEU:O	1:A:75:PHE:H	4	0.03
(1,25)	1:A:20:LEU:O	1:A:75:PHE:H	5	0.03
(1,25)	1:A:20:LEU:O	1:A:75:PHE:H	6	0.03
(1,25)	1:A:20:LEU:O	1:A:75:PHE:H	11	0.03
(1,25)	1:A:20:LEU:O	1:A:75:PHE:H	12	0.03
(1,25)	1:A:20:LEU:O	1:A:75:PHE:H	13	0.03
(1,25)	1:A:20:LEU:O	1:A:75:PHE:H	14	0.03
(1,25)	1:A:20:LEU:O	1:A:75:PHE:H	16	0.03
(1,249)	1:A:101:LEU:H	1:A:101:LEU:HB3	17	0.03
(1,23)	1:A:60:ARG:O	1:A:72:GLU:H	9	0.03
(1,21)	1:A:62:PHE:O	1:A:70:GLU:H	3	0.03
(1,21)	1:A:62:PHE:O	1:A:70:GLU:H	17	0.03
(1,199)	1:A:140:ALA:H	1:A:141:GLU:H	13	0.03
(1,199)	1:A:140:ALA:H	1:A:141:GLU:H	19	0.03
(1,184)	1:A:125:PHE:HB2	1:A:126:ASP:H	4	0.03
(1,184)	1:A:125:PHE:HB2	1:A:126:ASP:H	8	0.03
(1,17)	1:A:60:ARG:H	1:A:72:GLU:O	1	0.03
(1,17)	1:A:60:ARG:H	1:A:72:GLU:O	7	0.03
(1,143)	1:A:89:THR:HB	1:A:90:GLY:H	1	0.03
(1,143)	1:A:89:THR:HB	1:A:90:GLY:H	18	0.03
(1,141)	1:A:88:VAL:HB	1:A:89:THR:H	17	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,120)	1:A:68:THR:HB	1:A:69:PHE:H	1	0.03
(1,120)	1:A:68:THR:HB	1:A:69:PHE:H	3	0.03
(1,120)	1:A:68:THR:HB	1:A:69:PHE:H	7	0.03
(1,120)	1:A:68:THR:HB	1:A:69:PHE:H	10	0.03
(1,120)	1:A:68:THR:HB	1:A:69:PHE:H	17	0.03
(1,120)	1:A:68:THR:HB	1:A:69:PHE:H	20	0.03
(1,1173)	1:A:114:ASP:HB2	1:A:115:ALA:H	5	0.03
(1,1128)	1:A:53:PRO:HD2	1:A:54:SER:H	15	0.03
(1,11)	1:A:43:LEU:O	1:A:47:ALA:H	1	0.03
(1,1094)	1:A:40:HIS:HB2	1:A:41:ASP:H	13	0.03
(1,1031)	1:A:12:LYS:HB2	1:A:13:GLU:H	4	0.03
(1,1018)	1:A:9:CYS:HB2	1:A:10:GLU:H	13	0.03
(1,10)	1:A:26:THR:N	1:A:69:PHE:O	9	0.03
(1,927)	1:A:132:TYR:HE1	1:A:134:ILE:HD11	1	0.02
(1,927)	1:A:132:TYR:HE1	1:A:134:ILE:HD12	1	0.02
(1,927)	1:A:132:TYR:HE1	1:A:134:ILE:HD13	1	0.02
(1,9)	1:A:26:THR:H	1:A:69:PHE:O	6	0.02
(1,8)	1:A:24:THR:N	1:A:71:VAL:O	5	0.02
(1,8)	1:A:24:THR:N	1:A:71:VAL:O	11	0.02
(1,74)	1:A:18:PRO:HB3	1:A:19:ALA:H	11	0.02
(1,7)	1:A:24:THR:H	1:A:71:VAL:O	3	0.02
(1,7)	1:A:24:THR:H	1:A:71:VAL:O	12	0.02
(1,7)	1:A:24:THR:H	1:A:71:VAL:O	13	0.02
(1,666)	1:A:131:ALA:HA	1:A:153:LEU:HB2	11	0.02
(1,664)	1:A:134:ILE:HB	1:A:149:THR:HA	6	0.02
(1,664)	1:A:134:ILE:HB	1:A:149:THR:HA	14	0.02
(1,663)	1:A:120:VAL:HA	1:A:125:PHE:HB3	2	0.02
(1,657)	1:A:45:LEU:HB3	1:A:84:SER:HB3	18	0.02
(1,633)	1:A:102:TYR:HA	1:A:149:THR:HB	19	0.02
(1,632)	1:A:125:PHE:HB3	1:A:155:LEU:HG	12	0.02
(1,612)	1:A:96:LYS:HG3	1:A:97:ALA:H	2	0.02
(1,60)	1:A:10:GLU:HB2	1:A:11:LEU:H	15	0.02
(1,6)	1:A:21:LEU:N	1:A:88:VAL:O	10	0.02
(1,598)	1:A:23:ARG:HG3	1:A:24:THR:H	2	0.02
(1,556)	1:A:51:LYS:HA	1:A:51:LYS:HE3	4	0.02
(1,551)	1:A:51:LYS:HA	1:A:51:LYS:HD2	8	0.02
(1,551)	1:A:51:LYS:HA	1:A:51:LYS:HD2	19	0.02
(1,525)	1:A:31:LEU:HA	1:A:34:LEU:HB2	10	0.02
(1,504)	1:A:144:PRO:HB3	1:A:145:ASP:H	2	0.02
(1,5)	1:A:21:LEU:H	1:A:88:VAL:O	3	0.02
(1,491)	1:A:78:GLU:HB3	1:A:79:GLY:H	10	0.02
(1,47)	1:A:4:GLU:HA	1:A:5:CYS:H	1	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,44)	1:A:98:ALA:O	1:A:153:LEU:N	4	0.02
(1,43)	1:A:98:ALA:O	1:A:153:LEU:H	3	0.02
(1,43)	1:A:98:ALA:O	1:A:153:LEU:H	8	0.02
(1,42)	1:A:57:PRO:O	1:A:135:TYR:N	14	0.02
(1,42)	1:A:57:PRO:O	1:A:135:TYR:N	17	0.02
(1,41)	1:A:57:PRO:O	1:A:135:TYR:H	2	0.02
(1,41)	1:A:57:PRO:O	1:A:135:TYR:H	3	0.02
(1,41)	1:A:57:PRO:O	1:A:135:TYR:H	5	0.02
(1,41)	1:A:57:PRO:O	1:A:135:TYR:H	6	0.02
(1,39)	1:A:59:ALA:O	1:A:133:GLU:H	7	0.02
(1,388)	1:A:150:ARG:HG2	1:A:151:VAL:H	15	0.02
(1,374)	1:A:53:PRO:HG3	1:A:54:SER:H	17	0.02
(1,374)	1:A:53:PRO:HG3	1:A:54:SER:H	20	0.02
(1,373)	1:A:53:PRO:HG2	1:A:54:SER:H	12	0.02
(1,36)	1:A:61:TYR:O	1:A:131:ALA:N	2	0.02
(1,36)	1:A:61:TYR:O	1:A:131:ALA:N	5	0.02
(1,36)	1:A:61:TYR:O	1:A:131:ALA:N	12	0.02
(1,36)	1:A:61:TYR:O	1:A:131:ALA:N	16	0.02
(1,357)	1:A:49:GLN:H	1:A:51:LYS:H	13	0.02
(1,355)	1:A:140:ALA:H	1:A:142:THR:H	20	0.02
(1,35)	1:A:61:TYR:O	1:A:131:ALA:H	20	0.02
(1,342)	1:A:127:LEU:HB3	1:A:129:GLY:H	3	0.02
(1,342)	1:A:127:LEU:HB3	1:A:129:GLY:H	10	0.02
(1,33)	1:A:110:GLU:O	1:A:114:ASP:H	8	0.02
(1,33)	1:A:110:GLU:O	1:A:114:ASP:H	12	0.02
(1,33)	1:A:110:GLU:O	1:A:114:ASP:H	16	0.02
(1,328)	1:A:47:ALA:HA	1:A:51:LYS:H	1	0.02
(1,327)	1:A:44:GLN:HA	1:A:47:ALA:H	2	0.02
(1,325)	1:A:31:LEU:HA	1:A:34:LEU:H	5	0.02
(1,321)	1:A:146:GLN:H	1:A:147:LEU:H	19	0.02
(1,318)	1:A:129:GLY:H	1:A:130:GLU:H	10	0.02
(1,318)	1:A:129:GLY:H	1:A:130:GLU:H	12	0.02
(1,292)	1:A:30:GLU:H	1:A:31:LEU:H	13	0.02
(1,29)	1:A:19:ALA:O	1:A:90:GLY:H	14	0.02
(1,285)	1:A:160:GLU:H	1:A:160:GLU:HA	13	0.02
(1,28)	1:A:21:LEU:O	1:A:88:VAL:N	2	0.02
(1,27)	1:A:21:LEU:O	1:A:88:VAL:H	5	0.02
(1,27)	1:A:21:LEU:O	1:A:88:VAL:H	6	0.02
(1,27)	1:A:21:LEU:O	1:A:88:VAL:H	19	0.02
(1,267)	1:A:127:LEU:H	1:A:127:LEU:HB2	5	0.02
(1,25)	1:A:20:LEU:O	1:A:75:PHE:H	8	0.02
(1,243)	1:A:64:MET:H	1:A:64:MET:HB3	6	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,23)	1:A:60:ARG:O	1:A:72:GLU:H	3	0.02
(1,23)	1:A:60:ARG:O	1:A:72:GLU:H	5	0.02
(1,23)	1:A:60:ARG:O	1:A:72:GLU:H	6	0.02
(1,23)	1:A:60:ARG:O	1:A:72:GLU:H	19	0.02
(1,22)	1:A:62:PHE:O	1:A:70:GLU:N	1	0.02
(1,22)	1:A:62:PHE:O	1:A:70:GLU:N	2	0.02
(1,22)	1:A:62:PHE:O	1:A:70:GLU:N	8	0.02
(1,22)	1:A:62:PHE:O	1:A:70:GLU:N	10	0.02
(1,216)	1:A:159:LEU:H	1:A:160:GLU:H	7	0.02
(1,214)	1:A:155:LEU:HB3	1:A:156:HIS:H	12	0.02
(1,21)	1:A:62:PHE:O	1:A:70:GLU:H	7	0.02
(1,201)	1:A:141:GLU:HB3	1:A:142:THR:H	12	0.02
(1,199)	1:A:140:ALA:H	1:A:141:GLU:H	17	0.02
(1,198)	1:A:139:PRO:HB3	1:A:140:ALA:H	19	0.02
(1,19)	1:A:61:TYR:H	1:A:131:ALA:O	14	0.02
(1,184)	1:A:125:PHE:HB2	1:A:126:ASP:H	10	0.02
(1,17)	1:A:60:ARG:H	1:A:72:GLU:O	6	0.02
(1,17)	1:A:60:ARG:H	1:A:72:GLU:O	11	0.02
(1,17)	1:A:60:ARG:H	1:A:72:GLU:O	15	0.02
(1,17)	1:A:60:ARG:H	1:A:72:GLU:O	19	0.02
(1,15)	1:A:59:ALA:H	1:A:133:GLU:O	3	0.02
(1,15)	1:A:59:ALA:H	1:A:133:GLU:O	7	0.02
(1,15)	1:A:59:ALA:H	1:A:133:GLU:O	9	0.02
(1,15)	1:A:59:ALA:H	1:A:133:GLU:O	15	0.02
(1,15)	1:A:59:ALA:H	1:A:133:GLU:O	18	0.02
(1,15)	1:A:59:ALA:H	1:A:133:GLU:O	20	0.02
(1,14)	1:A:58:PHE:N	1:A:74:GLY:O	15	0.02
(1,135)	1:A:82:GLU:H	1:A:83:GLY:H	20	0.02
(1,13)	1:A:58:PHE:H	1:A:74:GLY:O	1	0.02
(1,13)	1:A:58:PHE:H	1:A:74:GLY:O	19	0.02
(1,1204)	1:A:153:LEU:H	1:A:153:LEU:HB2	13	0.02
(1,120)	1:A:68:THR:HB	1:A:69:PHE:H	6	0.02
(1,1181)	1:A:121:ASP:HB2	1:A:122:ASP:H	7	0.02
(1,1143)	1:A:82:GLU:HB2	1:A:83:GLY:H	10	0.02
(1,1115)	1:A:51:LYS:HB2	1:A:52:SER:H	6	0.02
(1,11)	1:A:43:LEU:O	1:A:47:ALA:H	7	0.02
(1,1013)	1:A:6:GLN:HB2	1:A:7:PHE:H	16	0.02
(1,94)	1:A:31:LEU:HB3	1:A:32:GLY:H	4	0.01
(1,9)	1:A:26:THR:H	1:A:69:PHE:O	3	0.01
(1,8)	1:A:24:THR:N	1:A:71:VAL:O	9	0.01
(1,666)	1:A:131:ALA:HA	1:A:153:LEU:HB2	18	0.01
(1,657)	1:A:45:LEU:HB3	1:A:84:SER:HB3	11	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,63)	1:A:11:LEU:HB2	1:A:12:LYS:H	6	0.01
(1,63)	1:A:11:LEU:HB2	1:A:12:LYS:H	16	0.01
(1,597)	1:A:23:ARG:HG2	1:A:24:THR:H	12	0.01
(1,570)	1:A:96:LYS:HB2	1:A:96:LYS:HE2	13	0.01
(1,566)	1:A:96:LYS:HA	1:A:96:LYS:HD2	3	0.01
(1,557)	1:A:51:LYS:HB2	1:A:51:LYS:HE3	9	0.01
(1,556)	1:A:51:LYS:HA	1:A:51:LYS:HE3	12	0.01
(1,551)	1:A:51:LYS:HA	1:A:51:LYS:HD2	4	0.01
(1,509)	1:A:118:LYS:HA	1:A:121:ASP:HB2	3	0.01
(1,50)	1:A:6:GLN:HB3	1:A:7:PHE:H	11	0.01
(1,5)	1:A:21:LEU:H	1:A:88:VAL:O	19	0.01
(1,491)	1:A:78:GLU:HB3	1:A:79:GLY:H	1	0.01
(1,49)	1:A:6:GLN:HB2	1:A:7:PHE:H	15	0.01
(1,46)	1:A:3:PHE:HA	1:A:4:GLU:H	4	0.01
(1,44)	1:A:98:ALA:O	1:A:153:LEU:N	5	0.01
(1,44)	1:A:98:ALA:O	1:A:153:LEU:N	10	0.01
(1,43)	1:A:98:ALA:O	1:A:153:LEU:H	2	0.01
(1,43)	1:A:98:ALA:O	1:A:153:LEU:H	6	0.01
(1,43)	1:A:98:ALA:O	1:A:153:LEU:H	7	0.01
(1,420)	1:A:119:TRP:HE1	1:A:123:ASN:HD22	17	0.01
(1,42)	1:A:57:PRO:O	1:A:135:TYR:N	9	0.01
(1,42)	1:A:57:PRO:O	1:A:135:TYR:N	15	0.01
(1,41)	1:A:57:PRO:O	1:A:135:TYR:H	20	0.01
(1,4)	1:A:19:ALA:N	1:A:90:GLY:O	7	0.01
(1,387)	1:A:144:PRO:HD3	1:A:145:ASP:H	7	0.01
(1,387)	1:A:144:PRO:HD3	1:A:145:ASP:H	10	0.01
(1,387)	1:A:144:PRO:HD3	1:A:145:ASP:H	16	0.01
(1,386)	1:A:144:PRO:HD2	1:A:145:ASP:H	12	0.01
(1,378)	1:A:96:LYS:HD3	1:A:97:ALA:H	10	0.01
(1,378)	1:A:96:LYS:HD3	1:A:97:ALA:H	15	0.01
(1,373)	1:A:53:PRO:HG2	1:A:54:SER:H	1	0.01
(1,373)	1:A:53:PRO:HG2	1:A:54:SER:H	9	0.01
(1,371)	1:A:51:LYS:HD2	1:A:52:SER:H	20	0.01
(1,37)	1:A:132:TYR:H	1:A:152:SER:O	7	0.01
(1,36)	1:A:61:TYR:O	1:A:131:ALA:N	19	0.01
(1,357)	1:A:49:GLN:H	1:A:51:LYS:H	18	0.01
(1,355)	1:A:140:ALA:H	1:A:142:THR:H	3	0.01
(1,351)	1:A:10:GLU:H	1:A:99:SER:H	10	0.01
(1,35)	1:A:61:TYR:O	1:A:131:ALA:H	1	0.01
(1,35)	1:A:61:TYR:O	1:A:131:ALA:H	4	0.01
(1,35)	1:A:61:TYR:O	1:A:131:ALA:H	11	0.01
(1,346)	1:A:26:THR:H	1:A:69:PHE:H	5	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,343)	1:A:97:ALA:HA	1:A:155:LEU:H	3	0.01
(1,343)	1:A:97:ALA:HA	1:A:155:LEU:H	5	0.01
(1,342)	1:A:127:LEU:HB3	1:A:129:GLY:H	4	0.01
(1,342)	1:A:127:LEU:HB3	1:A:129:GLY:H	20	0.01
(1,34)	1:A:110:GLU:O	1:A:114:ASP:N	1	0.01
(1,33)	1:A:110:GLU:O	1:A:114:ASP:H	3	0.01
(1,33)	1:A:110:GLU:O	1:A:114:ASP:H	5	0.01
(1,33)	1:A:110:GLU:O	1:A:114:ASP:H	7	0.01
(1,33)	1:A:110:GLU:O	1:A:114:ASP:H	17	0.01
(1,328)	1:A:47:ALA:HA	1:A:51:LYS:H	6	0.01
(1,327)	1:A:44:GLN:HA	1:A:47:ALA:H	5	0.01
(1,327)	1:A:44:GLN:HA	1:A:47:ALA:H	20	0.01
(1,324)	1:A:27:ALA:H	1:A:30:GLU:HB3	13	0.01
(1,323)	1:A:27:ALA:H	1:A:30:GLU:HB2	11	0.01
(1,319)	1:A:141:GLU:H	1:A:142:THR:H	20	0.01
(1,31)	1:A:12:LYS:O	1:A:97:ALA:H	7	0.01
(1,3)	1:A:19:ALA:H	1:A:90:GLY:O	15	0.01
(1,29)	1:A:19:ALA:O	1:A:90:GLY:H	3	0.01
(1,29)	1:A:19:ALA:O	1:A:90:GLY:H	12	0.01
(1,29)	1:A:19:ALA:O	1:A:90:GLY:H	19	0.01
(1,288)	1:A:13:GLU:H	1:A:14:LEU:H	1	0.01
(1,288)	1:A:13:GLU:H	1:A:14:LEU:H	11	0.01
(1,288)	1:A:13:GLU:H	1:A:14:LEU:H	12	0.01
(1,285)	1:A:160:GLU:H	1:A:160:GLU:HA	2	0.01
(1,285)	1:A:160:GLU:H	1:A:160:GLU:HA	4	0.01
(1,28)	1:A:21:LEU:O	1:A:88:VAL:N	12	0.01
(1,273)	1:A:142:THR:H	1:A:142:THR:HB	6	0.01
(1,27)	1:A:21:LEU:O	1:A:88:VAL:H	4	0.01
(1,27)	1:A:21:LEU:O	1:A:88:VAL:H	10	0.01
(1,27)	1:A:21:LEU:O	1:A:88:VAL:H	14	0.01
(1,27)	1:A:21:LEU:O	1:A:88:VAL:H	15	0.01
(1,27)	1:A:21:LEU:O	1:A:88:VAL:H	16	0.01
(1,26)	1:A:20:LEU:O	1:A:75:PHE:N	18	0.01
(1,251)	1:A:110:GLU:H	1:A:110:GLU:HB2	4	0.01
(1,25)	1:A:20:LEU:O	1:A:75:PHE:H	7	0.01
(1,25)	1:A:20:LEU:O	1:A:75:PHE:H	17	0.01
(1,248)	1:A:101:LEU:H	1:A:101:LEU:HB2	14	0.01
(1,243)	1:A:64:MET:H	1:A:64:MET:HB3	3	0.01
(1,243)	1:A:64:MET:H	1:A:64:MET:HB3	17	0.01
(1,23)	1:A:60:ARG:O	1:A:72:GLU:H	15	0.01
(1,229)	1:A:31:LEU:H	1:A:31:LEU:HB3	13	0.01
(1,220)	1:A:7:PHE:H	1:A:7:PHE:HB2	10	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,22)	1:A:62:PHE:O	1:A:70:GLU:N	18	0.01
(1,213)	1:A:155:LEU:HB2	1:A:156:HIS:H	1	0.01
(1,21)	1:A:62:PHE:O	1:A:70:GLU:H	4	0.01
(1,21)	1:A:62:PHE:O	1:A:70:GLU:H	5	0.01
(1,21)	1:A:62:PHE:O	1:A:70:GLU:H	9	0.01
(1,21)	1:A:62:PHE:O	1:A:70:GLU:H	12	0.01
(1,202)	1:A:142:THR:HA	1:A:143:ALA:H	5	0.01
(1,198)	1:A:139:PRO:HB3	1:A:140:ALA:H	10	0.01
(1,198)	1:A:139:PRO:HB3	1:A:140:ALA:H	12	0.01
(1,19)	1:A:61:TYR:H	1:A:131:ALA:O	1	0.01
(1,184)	1:A:125:PHE:HB2	1:A:126:ASP:H	14	0.01
(1,17)	1:A:60:ARG:H	1:A:72:GLU:O	5	0.01
(1,17)	1:A:60:ARG:H	1:A:72:GLU:O	10	0.01
(1,150)	1:A:93:PRO:HB3	1:A:94:SER:H	9	0.01
(1,15)	1:A:59:ALA:H	1:A:133:GLU:O	16	0.01
(1,149)	1:A:93:PRO:HB2	1:A:94:SER:H	18	0.01
(1,143)	1:A:89:THR:HB	1:A:90:GLY:H	20	0.01
(1,135)	1:A:82:GLU:H	1:A:83:GLY:H	17	0.01
(1,13)	1:A:58:PHE:H	1:A:74:GLY:O	5	0.01
(1,13)	1:A:58:PHE:H	1:A:74:GLY:O	10	0.01
(1,13)	1:A:58:PHE:H	1:A:74:GLY:O	13	0.01
(1,123)	1:A:69:PHE:HB2	1:A:70:GLU:H	6	0.01
(1,123)	1:A:69:PHE:HB2	1:A:70:GLU:H	8	0.01
(1,123)	1:A:69:PHE:HB2	1:A:70:GLU:H	19	0.01
(1,1200)	1:A:145:ASP:H	1:A:145:ASP:HB2	1	0.01
(1,120)	1:A:68:THR:HB	1:A:69:PHE:H	19	0.01
(1,1181)	1:A:121:ASP:HB2	1:A:122:ASP:H	19	0.01
(1,114)	1:A:54:SER:H	1:A:55:GLY:H	7	0.01
(1,1138)	1:A:70:GLU:HG2	1:A:71:VAL:HA	4	0.01
(1,1115)	1:A:51:LYS:HB2	1:A:52:SER:H	11	0.01
(1,110)	1:A:51:LYS:HB2	1:A:52:SER:H	7	0.01
(1,110)	1:A:51:LYS:HB2	1:A:52:SER:H	12	0.01
(1,110)	1:A:51:LYS:HB2	1:A:52:SER:H	15	0.01
(1,110)	1:A:51:LYS:HB2	1:A:52:SER:H	17	0.01
(1,11)	1:A:43:LEU:O	1:A:47:ALA:H	3	0.01
(1,11)	1:A:43:LEU:O	1:A:47:ALA:H	12	0.01
(1,1097)	1:A:45:LEU:HB3	1:A:84:SER:HB2	13	0.01
(1,10)	1:A:26:THR:N	1:A:69:PHE:O	20	0.01
(1,1)	1:A:14:LEU:H	1:A:95:GLY:O	17	0.01
(1,1)	1:A:14:LEU:H	1:A:95:GLY:O	19	0.01

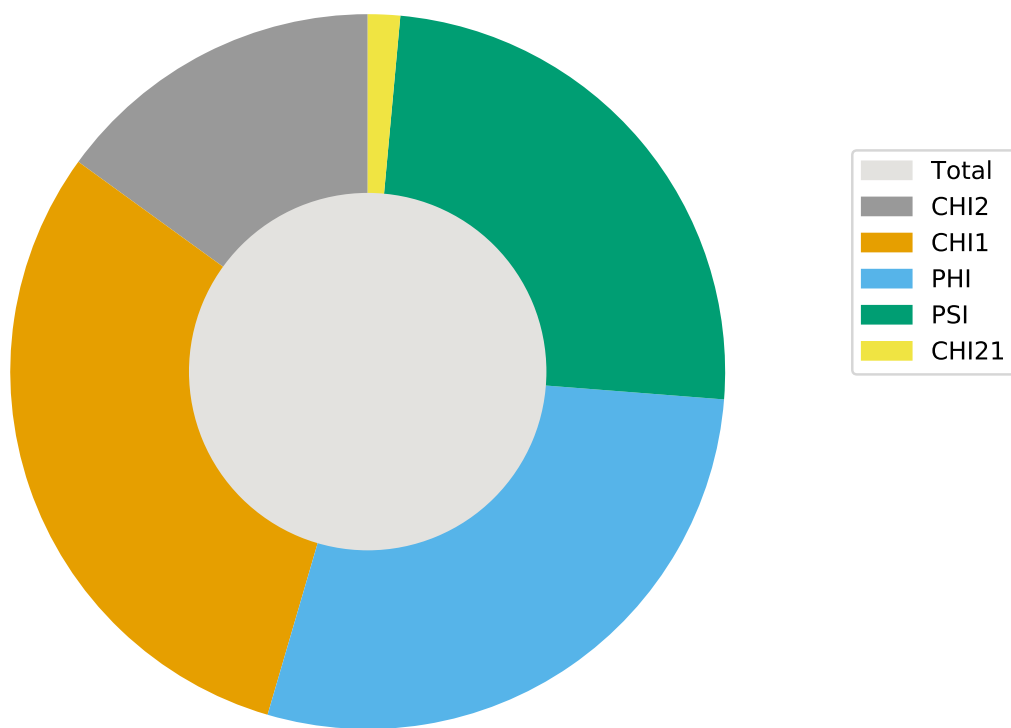
9 Dihedral angle restraints analysis

9.1 Dihedral angle restraints summary

Angle name	Count	%
CHI2	103	15.0
CHI1	209	30.5
PHI	194	28.3
PSI	170	24.8
CHI21	10	1.5
Total	686	100.0

9.1.1 Pie chart : Dihedral angle restraints

There are 0 unmapped restraints



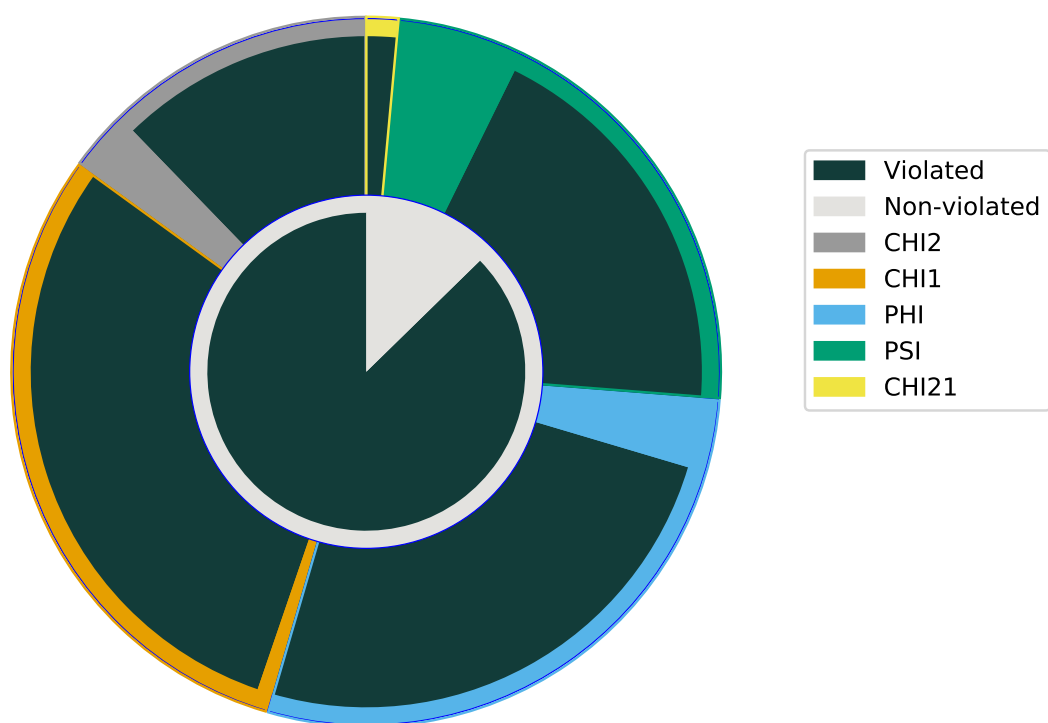
9.2 Dihedral angle violations

The following table provides the summary of violated restraints. Restraints that are violated at least in one model are counted as violated.

Angle name	Count	% ¹	% ²
CHI2	84	81.6	14.0
CHI1	204	97.6	34.1
PHI	171	88.1	28.5
PSI	130	76.5	21.7
CHI21	10	100.0	1.7
Total	599	87.3	100.0

¹percentage of violated restraints in that particular angle type, ²percentage of violation in total violations.

9.2.1 Pie chart : Dihedral angle violations



9.3 Consistent dihedral angle violations

The following table provides the summary of consistently violated restraints. Restraints that are violated all models are counted as violated.

Angle name	Count	% ¹	% ²
CHI2	81	78.6	19.1

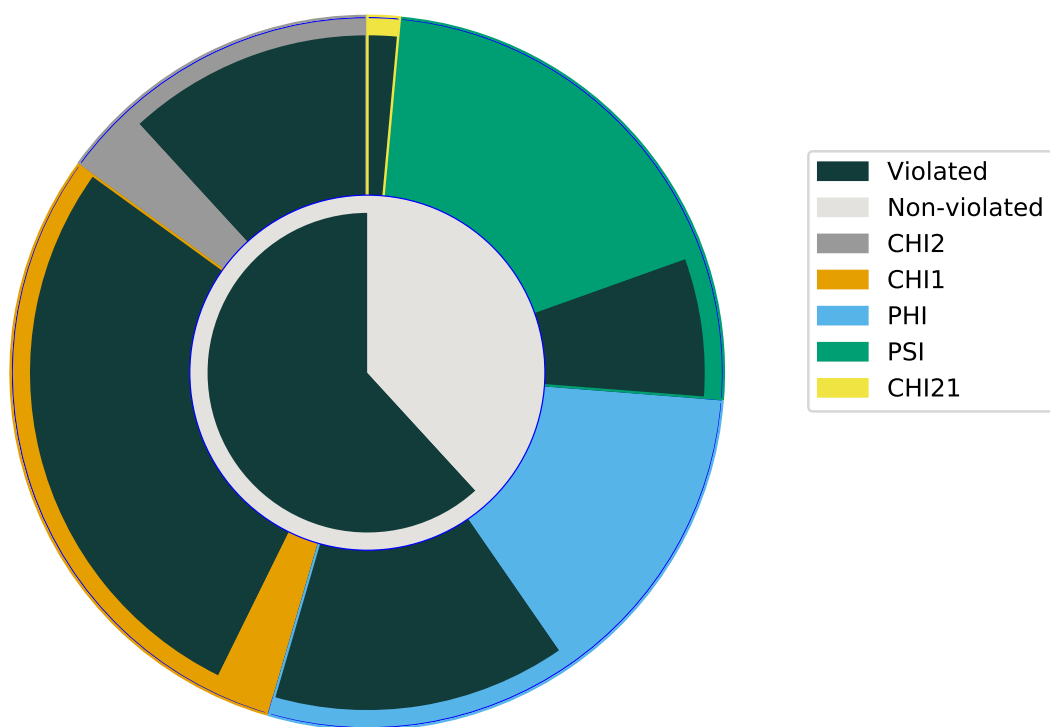
Continued on next page...

Continued from previous page...

Angle name	Count	% ¹	% ²
CHI1	190	90.9	44.8
PHI	97	50.0	22.9
PSI	46	27.1	10.8
CHI21	10	100.0	2.4
Total	424	61.8	100.0

¹percentage of violated restraints in that particular angle type, ²percentage of violation in total violations.

9.3.1 Pie chart : Consistent dihedral angle violations



9.4 Residual dihedral angle violations

Violations are counted in different bin sizes and listed below

Range (°)	No. of violated restraints per model	Max violation (°)
0.0-5.0	33.5	5.0
5.0-10.0	9.6	10.0

Continued on next page...

Continued from previous page...

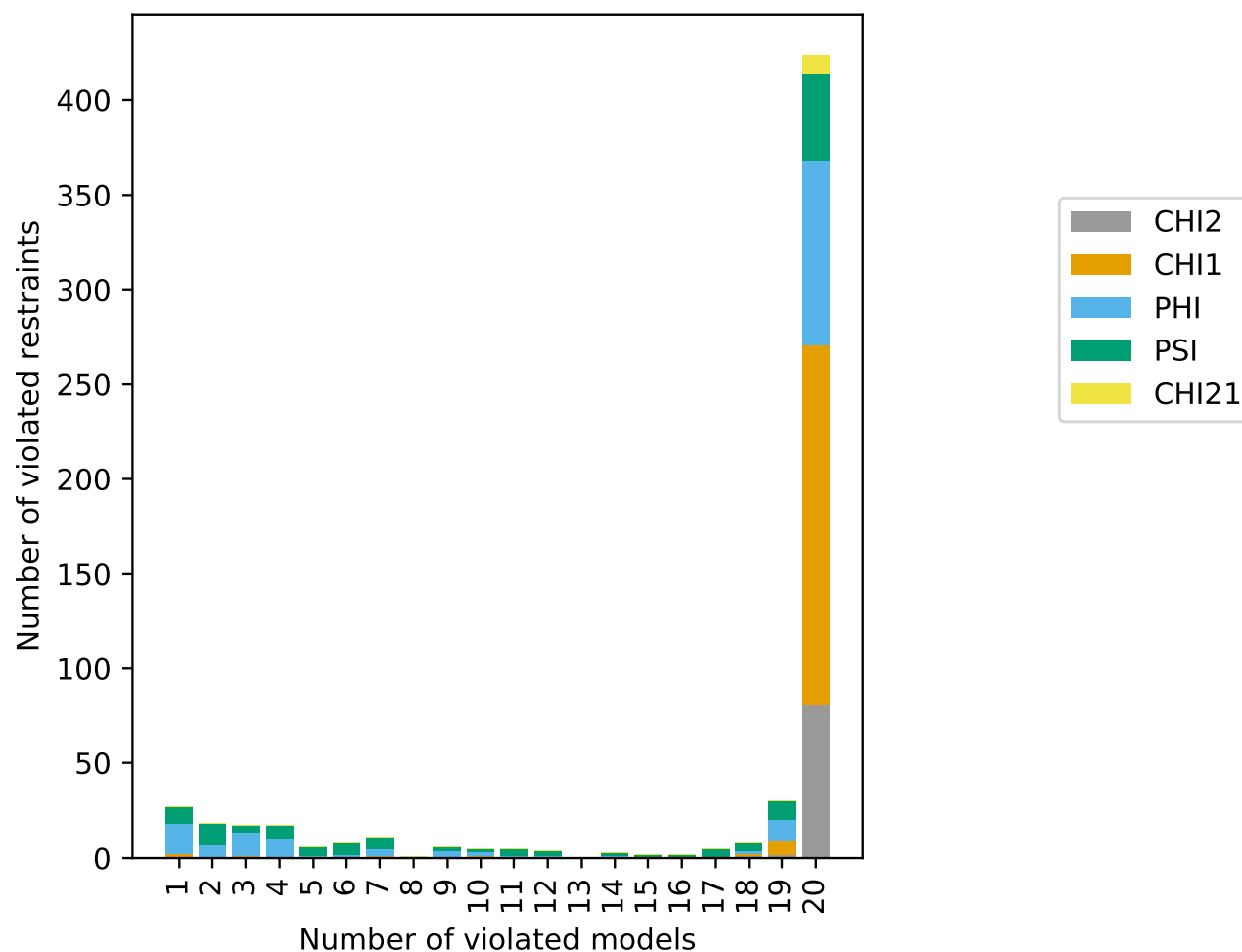
Range (°)	No. of violated restraints per model	Max violation (°)
10.0-20.0	41.5	20.0
20.0-40.0	127.7	40.0
40.0-80.0	116.3	79.95
80.0<	168.3	174.78

9.5 Dihedral angle violations in the ensemble

The restraints are grouped based on the number of violated models and listed here.

No. of violated restraints						No. of violated models
CHI2	CHI1	PHI	PSI	CHI21	Total	
0	2	16	9	0	27	1
0	0	7	11	0	18	2
0	1	12	4	0	17	3
0	0	10	7	0	17	4
0	0	1	5	0	6	5
0	0	2	6	0	8	6
0	1	4	6	0	11	7
0	0	1	0	0	1	8
0	0	4	2	0	6	9
0	1	2	2	0	5	10
0	0	1	4	0	5	11
0	0	1	3	0	4	12
0	0	0	0	0	0	13
0	1	0	2	0	3	14
0	0	0	2	0	2	15
0	0	0	2	0	2	16
0	0	0	5	0	5	17
1	1	2	4	0	8	18
2	7	11	10	0	30	19
81	190	97	46	10	424	20

9.5.1 Bar graph : No. of models vs No. of violations



9.6 Violations in each model

The following table lists the violation count in each model in the ensemble

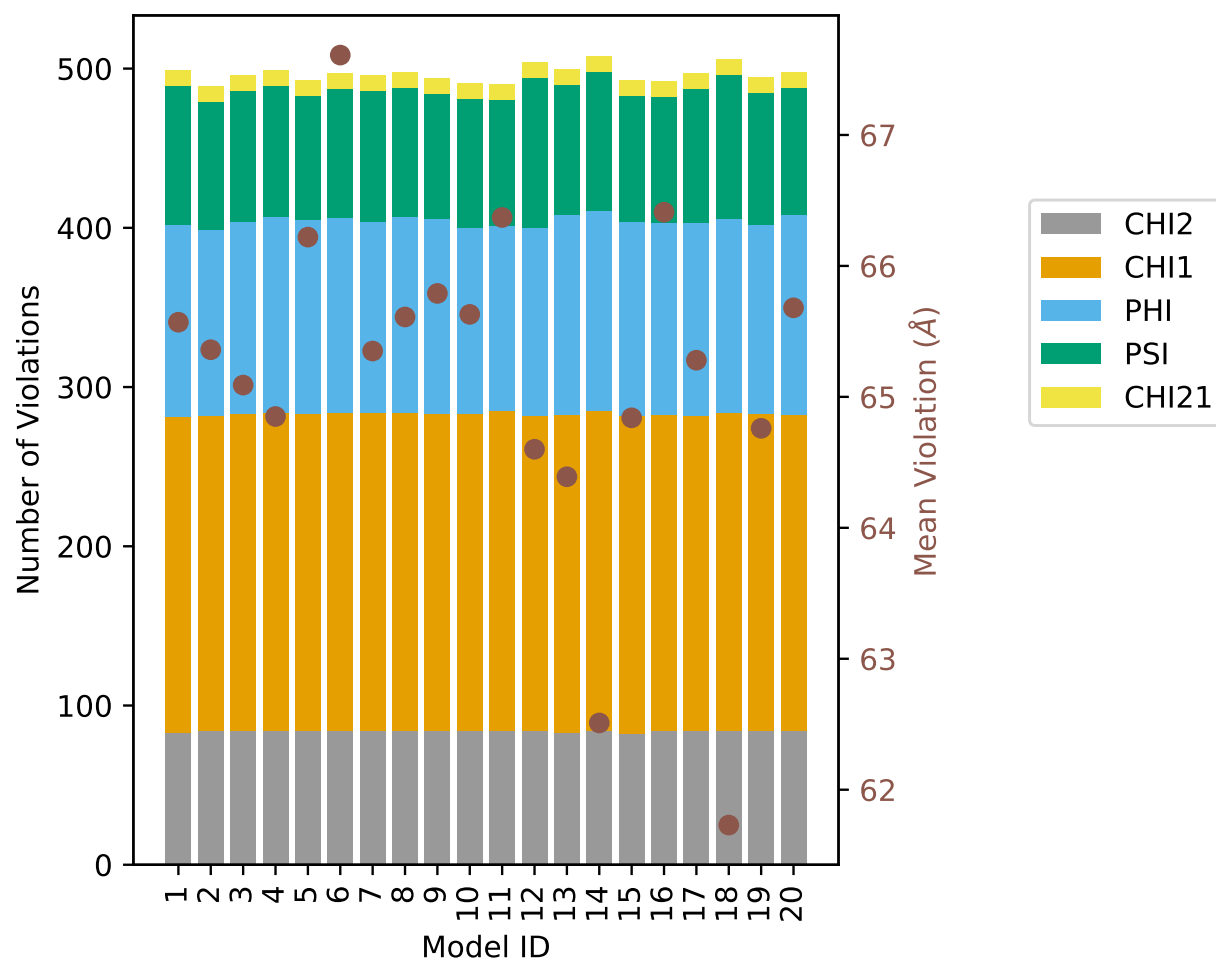
Model ID	No. of violations					Total	Mean (Å)	Max (Å)
	CHI2	CHI1	PHI	PSI	CHI21			
1	83	198	121	87	10	499	65.57	173.69
2	84	198	117	80	10	489	65.36	164.58
3	84	199	121	82	10	496	65.09	170.25
4	84	200	123	82	10	499	64.85	173.71
5	84	199	122	78	10	493	66.22	172.58
6	84	200	122	81	10	497	67.61	173.05
7	84	200	120	82	10	496	65.35	174.78
8	84	200	123	81	10	498	65.61	173.37
9	84	199	123	78	10	494	65.79	168.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Model ID	No. of violations						Mean (Å)	Max (Å)
	CHI2	CHI1	PHI	PSI	CHI21	Total		
10	84	199	117	81	10	491	65.63	173.69
11	84	201	116	79	10	490	66.37	170.46
12	84	198	118	94	10	504	64.6	171.46
13	83	200	125	82	10	500	64.39	170.88
14	84	201	126	87	10	508	62.51	166.81
15	82	200	122	79	10	493	64.84	163.73
16	84	199	120	79	10	492	66.41	174.2
17	84	198	121	84	10	497	65.28	171.05
18	84	200	122	90	10	506	61.73	173.14
19	84	199	119	83	10	495	64.76	169.86
20	84	199	125	80	10	498	65.68	164.42

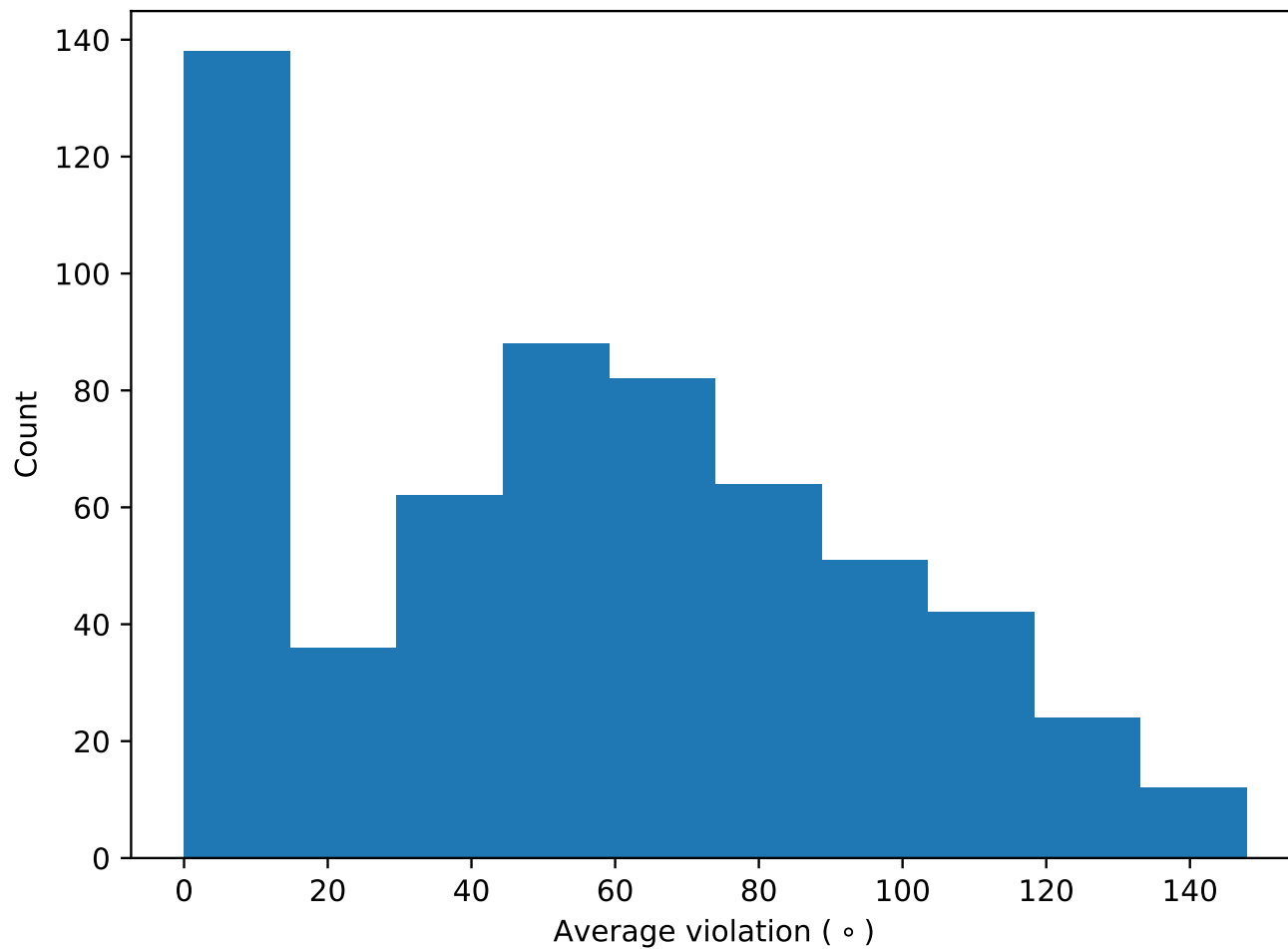
9.6.1 Bar graph : Violations in each model



9.7 Most violated dihedral angle restraints

9.7.1 Histogram : Distribution of mean dihedral angle violations

The following histogram shows the distribution of average violation of each restraint



9.7.2 Table: Most violated dihedral angle restraints

The following table lists the average violation of each restraint sorted by number of violated models

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models	Mean (°)	Max (°)
(1,596)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	18	48.91	140.35
(1,190)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	20	74.13	136.78
(1,467)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	20	105.44	134.98
(1,515)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	1:A:109:ILE:N	20	110.98	134.1
(1,388)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	20	72.91	133.92
(1,179)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	20	64.28	131.85
(1,673)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	20	68.78	130.85
(1,468)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	20	84.56	130.61
(1,678)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	20	63.38	130.02
(1,644)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	1:A:148:ARG:N	20	92.05	129.99

Continued on next page

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models	Mean (°)	Max (°)
(1,394)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	20	56.77	129.27
(1,672)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	18	68.11	127.43
(1,449)	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	20	86.83	127.11
(1,305)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	19	61.57	127.06
(1,268)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	17	71.7	123.98
(1,168)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	20	73.2	123.96
(1,503)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	20	91.58	119.98
(1,500)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	20	95.56	119.64
(1,445)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	20	82.38	118.15
(1,361)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	20	108.31	117.72
(1,391)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	20	67.85	117.58
(1,172)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	17	37.12	117.48
(1,185)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	19	60.69	117.12
(1,665)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	20	75.58	115.29
(1,589)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	20	83.55	113.08
(1,621)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	20	46.8	112.04
(1,320)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	20	60.83	111.19
(1,684)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	17	64.88	111.16
(1,431)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	20	91.05	110.29
(1,313)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	20	70.86	107.11
(1,413)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:PHE:N	20	81.63	106.63
(1,197)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	19	64.09	98.31
(1,365)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	20	84.5	98.26
(1,600)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	20	44.53	97.36
(1,204)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	1:A:8:VAL:N	20	62.33	90.75
(1,444)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	20	47.62	86.4
(1,504)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	19	36.88	84.63
(1,485)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	20	55.68	81.04
(1,214)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	20	53.21	76.4
(1,626)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	20	19.65	70.39
(1,627)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	19	45.13	69.6
(1,423)	1:A:76:PRO:N	1:A:76:PRO:CA	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	20	50.46	64.68
(1,484)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	20	44.32	64.2
(1,231)	1:A:16:PRO:N	1:A:16:PRO:CA	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	20	42.6	64.05
(1,366)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	20	45.5	62.46
(1,164)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	20	28.87	60.49
(1,215)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	20	36.79	58.59
(1,239)	1:A:18:PRO:N	1:A:18:PRO:CA	1:A:18:PRO:C	1:A:19:ALA:N	20	33.42	53.24
(1,501)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	20	44.44	51.34
(1,12)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:C	1:A:15:ALA:N	20	38.98	48.03
(1,363)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	20	21.18	47.84
(1,156)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:C	1:A:150:ARG:N	20	23.73	46.72
(1,30)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:C	1:A:27:ALA:N	17	34.55	46.71
(1,362)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	20	28.83	43.52
(1,477)	1:A:93:PRO:N	1:A:93:PRO:CA	1:A:93:PRO:C	1:A:94:SER:N	20	25.77	38.77
(1,68)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:C	1:A:70:GLU:N	15	13.01	34.36
(1,356)	1:A:53:PRO:N	1:A:53:PRO:CA	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	19	20.14	34.3
(1,32)	1:A:27:ALA:N	1:A:27:ALA:CA	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	18	18.38	31.7
(1,162)	1:A:152:SER:N	1:A:152:SER:CA	1:A:152:SER:C	1:A:153:LEU:N	16	15.04	31.44
(1,502)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	11	10.58	29.64
(1,72)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	20	13.64	28.76

Continued on next page

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models	Mean (°)	Max (°)
(1,84)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:C	1:A:92:THR:N	19	17.46	28.5
(1,56)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ALA:N	7	10.38	27.32
(1,88)	1:A:94:SER:N	1:A:94:SER:CA	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	12	10.39	27.19
(1,80)	1:A:88:VAL:N	1:A:88:VAL:CA	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	20	16.27	27.04
(1,78)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	19	14.61	25.84
(1,16)	1:A:19:ALA:N	1:A:19:ALA:CA	1:A:19:ALA:C	1:A:20:LEU:N	19	16.76	24.89
(1,18)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	14	9.77	22.14
(1,355)	1:A:52:SER:N	1:A:52:SER:CA	1:A:52:SER:C	1:A:53:PRO:N	19	13.11	21.25
(1,52)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:C	1:A:52:SER:N	18	10.79	20.88
(1,607)	1:A:139:PRO:N	1:A:139:PRO:CA	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	12	6.05	19.38
(1,82)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	17	9.62	19.37
(1,476)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	1:A:93:PRO:N	6	9.4	18.75
(1,625)	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	1:A:144:PRO:N	12	7.57	14.81
(1,230)	1:A:15:ALA:N	1:A:15:ALA:CA	1:A:15:ALA:C	1:A:16:PRO:N	11	6.36	14.01
(1,606)	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	1:A:139:PRO:N	6	7.61	13.41
(1,136)	1:A:124:GLY:N	1:A:124:GLY:CA	1:A:124:GLY:C	1:A:125:PHE:N	4	2.26	8.38
(1,76)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:C	1:A:76:PRO:N	15	3.28	5.89
(1,74)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	14	3.3	5.65
(1,148)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:C	1:A:133:GLU:N	7	1.97	4.69
(1,58)	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1:A:60:ARG:N	11	1.26	3.81
(1,22)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:C	1:A:23:ARG:N	4	2.15	3.24
(1,144)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:C	1:A:131:ALA:N	10	1.26	3.19
(1,364)	1:A:56:PRO:N	1:A:56:PRO:CA	1:A:56:PRO:C	1:A:57:PRO:N	11	1.72	3.16
(1,196)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1	3.08	3.08
(1,154)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:C	1:A:149:THR:N	6	1.46	2.89
(1,36)	1:A:33:SER:N	1:A:33:SER:CA	1:A:33:SER:C	1:A:34:LEU:N	7	0.87	2.79
(1,120)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:C	1:A:117:MET:N	3	1.22	2.58
(1,140)	1:A:126:ASP:N	1:A:126:ASP:CA	1:A:126:ASP:C	1:A:127:LEU:N	4	1.14	2.42
(1,46)	1:A:38:GLY:N	1:A:38:GLY:CA	1:A:38:GLY:C	1:A:39:TYR:N	7	0.89	2.41
(1,142)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	6	0.96	2.35
(1,48)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:C	1:A:40:HIS:N	6	1.35	2.2
(1,150)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:C	1:A:134:ILE:N	7	0.8	2.18
(1,50)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	9	0.96	2.12
(1,134)	1:A:123:ASN:N	1:A:123:ASN:CA	1:A:123:ASN:C	1:A:124:GLY:N	7	1.01	2.07
(1,104)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	16	1.05	2.03
(1,122)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:C	1:A:118:LYS:N	5	0.91	2.0
(1,2)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	1:A:9:CYS:N	5	0.72	1.88
(1,34)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:C	1:A:32:GLY:N	5	0.82	1.81
(1,66)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:C	1:A:69:PHE:N	10	0.67	1.67
(1,128)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:C	1:A:121:ASP:N	2	1.24	1.67
(1,98)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:C	1:A:102:TYR:N	1	1.63	1.63
(1,102)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:C	1:A:104:GLY:N	4	0.7	1.6
(1,138)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:C	1:A:126:ASP:N	4	0.87	1.51
(1,112)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	1:A:113:TYR:N	9	0.75	1.33
(1,108)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:C	1:A:111:ALA:N	6	0.72	1.26
(1,54)	1:A:52:SER:N	1:A:52:SER:CA	1:A:52:SER:C	1:A:53:PRO:N	3	0.89	1.25
(1,26)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:C	1:A:25:GLN:N	5	0.85	1.25
(1,152)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1	1.17	1.17
(1,24)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:C	1:A:24:THR:N	5	0.79	1.16
(1,160)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:C	1:A:152:SER:N	2	0.72	1.14
(1,60)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:C	1:A:61:TYR:N	1	0.96	0.96

Continued on next page

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models	Mean (°)	Max (°)
(1,8)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:C	1:A:13:GLU:N	2	0.41	0.82
(1,146)	1:A:131:ALA:N	1:A:131:ALA:CA	1:A:131:ALA:C	1:A:132:TYR:N	3	0.53	0.79
(1,106)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:C	1:A:110:GLU:N	2	0.62	0.73
(1,126)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:C	1:A:120:VAL:N	2	0.65	0.68
(1,118)	1:A:115:ALA:N	1:A:115:ALA:CA	1:A:115:ALA:C	1:A:116:LEU:N	1	0.59	0.59
(1,158)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:C	1:A:151:VAL:N	2	0.44	0.55
(1,6)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:C	1:A:12:LYS:N	4	0.33	0.52
(1,90)	1:A:97:ALA:N	1:A:97:ALA:CA	1:A:97:ALA:C	1:A:98:ALA:N	2	0.43	0.5
(1,62)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:C	1:A:62:PHE:N	2	0.44	0.5
(1,94)	1:A:99:SER:N	1:A:99:SER:CA	1:A:99:SER:C	1:A:100:SER:N	2	0.4	0.44
(1,64)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:C	1:A:63:GLY:N	1	0.44	0.44
(1,10)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:C	1:A:14:LEU:N	3	0.38	0.43
(1,438)	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	2	0.35	0.42
(1,116)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:C	1:A:115:ALA:N	2	0.31	0.39
(1,20)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:C	1:A:22:ILE:N	4	0.18	0.32
(1,124)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:C	1:A:119:TRP:N	1	0.26	0.26
(1,567)	1:A:129:GLY:N	1:A:129:GLY:CA	1:A:129:GLY:C	1:A:130:GLU:N	1	0.24	0.24
(1,96)	1:A:100:SER:N	1:A:100:SER:CA	1:A:100:SER:C	1:A:101:LEU:N	1	0.08	0.08
(1,622)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	19	55.0	134.91
(1,509)	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	1:A:107:GLY:CA	1:A:107:GLY:C	20	110.24	134.9
(1,478)	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	1:A:95:GLY:CA	1:A:95:GLY:C	20	108.21	134.68
(1,597)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	20	53.11	134.6
(1,360)	1:A:54:SER:C	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	20	118.48	134.5
(1,173)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	20	57.35	133.75
(1,408)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	20	89.04	133.7
(1,191)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	20	55.99	133.4
(1,466)	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	20	117.38	132.71
(1,272)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	20	60.8	132.59
(1,169)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	20	63.51	132.41
(1,679)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	20	50.48	131.44
(1,685)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	20	52.56	131.24
(1,389)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	20	73.24	130.48
(1,315)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	20	92.61	129.83
(1,680)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	19	46.94	129.56
(1,322)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	20	120.29	129.55
(1,598)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	20	59.2	129.42
(1,686)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	19	68.13	129.19
(1,433)	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	1:A:79:GLY:CA	1:A:79:GLY:C	20	96.7	128.81
(1,564)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	20	88.93	128.79
(1,314)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	20	30.87	128.71
(1,661)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	20	112.63	128.37
(1,566)	1:A:128:SER:C	1:A:129:GLY:N	1:A:129:GLY:CA	1:A:129:GLY:C	20	63.95	128.02
(1,340)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	20	116.07	127.64
(1,187)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	20	69.64	127.58
(1,591)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	20	92.71	127.49
(1,427)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	20	108.46	127.21
(1,392)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	20	78.79	126.92
(1,264)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	20	72.46	126.52
(1,629)	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:C	10	58.3	126.05
(1,307)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	20	83.11	125.88
(1,181)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	20	59.9	125.24

Continued on next page

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models	Mean (°)	Max (°)
(1,382)	1:A:62:PHE:C	1:A:63:GLY:N	1:A:63:GLY:CA	1:A:63:GLY:C	20	78.97	124.81
(1,384)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	20	85.91	124.39
(1,328)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	20	113.71	124.11
(1,675)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	18	65.4	123.95
(1,303)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	20	91.48	123.92
(1,639)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	20	106.95	123.58
(1,602)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	20	93.52	123.47
(1,273)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	20	79.2	123.32
(1,199)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	20	70.94	123.07
(1,584)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	20	82.91	121.66
(1,390)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	20	60.38	121.18
(1,623)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	19	56.56	120.17
(1,667)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	20	82.96	120.11
(1,452)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	18	101.32	119.86
(1,198)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	19	49.66	119.11
(1,479)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	20	63.27	118.9
(1,344)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	20	46.63	118.58
(1,209)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	20	93.29	118.52
(1,174)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	20	66.02	118.31
(1,499)	1:A:103:ILE:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	20	88.19	118.28
(1,447)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	20	87.54	117.68
(1,270)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	20	49.43	115.83
(1,601)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	20	46.48	114.96
(1,306)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	20	40.39	114.55
(1,186)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	20	48.36	114.29
(1,609)	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	1:A:140:ALA:CA	1:A:140:ALA:C	8	21.74	114.12
(1,590)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	20	41.54	114.01
(1,612)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	20	89.18	113.13
(1,345)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	20	93.37	112.3
(1,393)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	20	44.71	111.42
(1,192)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	20	62.01	111.31
(1,480)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	20	76.73	110.88
(1,511)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	20	93.04	110.6
(1,358)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	20	92.43	110.21
(1,395)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	20	57.65	110.17
(1,617)	1:A:141:GLU:C	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	20	64.94	109.91
(1,439)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	20	76.38	107.86
(1,170)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	20	43.49	107.06
(1,232)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	20	76.24	105.4
(1,446)	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	1:A:83:GLY:CA	1:A:83:GLY:C	20	51.38	104.43
(1,180)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	19	43.83	103.99
(1,450)	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	1:A:85:GLY:CA	1:A:85:GLY:C	20	40.9	103.42
(1,269)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	20	41.07	102.72
(1,563)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	20	51.07	101.19
(1,440)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	20	63.62	100.63
(1,448)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	20	52.46	100.45
(1,632)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	20	56.81	99.79
(1,633)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	20	83.19	99.22
(1,233)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	20	63.76	97.24
(1,666)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	20	40.54	96.43
(1,350)	1:A:49:GLN:C	1:A:50:GLY:N	1:A:50:GLY:CA	1:A:50:GLY:C	20	48.35	95.76

Continued on next page

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models	Mean (°)	Max (°)
(1,611)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	20	44.82	91.74
(1,674)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	19	32.38	90.85
(1,457)	1:A:86:ARG:C	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:C	20	45.27	89.77
(1,434)	1:A:79:GLY:C	1:A:80:GLY:N	1:A:80:GLY:CA	1:A:80:GLY:C	20	43.67	84.82
(1,583)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	20	57.09	83.0
(1,302)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	20	48.52	81.5
(1,409)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	20	50.83	81.11
(1,383)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	20	32.09	76.88
(1,210)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	20	46.71	76.42
(1,426)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	20	30.92	73.45
(1,342)	1:A:47:ALA:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	20	30.22	72.27
(1,334)	1:A:45:LEU:C	1:A:46:LEU:N	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:C	20	36.83	68.85
(1,638)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	20	33.05	66.33
(1,282)	1:A:31:LEU:C	1:A:32:GLY:N	1:A:32:GLY:CA	1:A:32:GLY:C	20	19.57	64.69
(1,357)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	20	47.57	61.9
(1,451)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	20	32.36	61.3
(1,510)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	20	41.46	57.93
(1,660)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	20	27.01	54.2
(1,81)	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	19	21.97	49.22
(1,19)	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:C	20	32.79	48.55
(1,327)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	20	26.29	45.35
(1,339)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	20	23.93	40.34
(1,628)	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:C	20	28.64	38.48
(1,418)	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	1:A:74:GLY:CA	1:A:74:GLY:C	19	19.64	33.31
(1,321)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	20	19.71	32.68
(1,608)	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	1:A:140:ALA:CA	1:A:140:ALA:C	20	27.19	32.01
(1,263)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	19	19.02	31.71
(1,57)	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	4	2.39	4.45
(1,137)	1:A:124:GLY:C	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:C	3	1.84	4.3
(1,155)	1:A:148:ARG:C	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:C	7	1.75	4.13
(1,73)	1:A:72:GLU:C	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:C	9	2.14	3.73
(1,23)	1:A:22:ILE:C	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:C	10	1.61	3.2
(1,145)	1:A:130:GLU:C	1:A:131:ALA:N	1:A:131:ALA:CA	1:A:131:ALA:C	3	1.55	3.17
(1,55)	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	7	1.76	3.17
(1,103)	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	19	1.3	2.99
(1,77)	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:C	12	1.1	2.61
(1,141)	1:A:126:ASP:C	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:C	6	1.19	2.6
(1,91)	1:A:97:ALA:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	6	0.81	2.6
(1,49)	1:A:39:TYR:C	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:C	9	1.22	2.46
(1,45)	1:A:37:ALA:C	1:A:38:GLY:N	1:A:38:GLY:CA	1:A:38:GLY:C	1	2.4	2.4
(1,159)	1:A:150:ARG:C	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:C	7	1.13	2.37
(1,123)	1:A:117:MET:C	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:C	5	1.19	2.19
(1,27)	1:A:24:THR:C	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	4	1.05	2.09
(1,67)	1:A:68:THR:C	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:C	4	1.13	1.74
(1,105)	1:A:108:GLU:C	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:C	9	0.91	1.72
(1,33)	1:A:30:GLU:C	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:C	4	0.84	1.71
(1,75)	1:A:74:GLY:C	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:C	3	0.8	1.69
(1,89)	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	1:A:97:ALA:CA	1:A:97:ALA:C	3	0.83	1.67
(1,131)	1:A:121:ASP:C	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:C	2	1.58	1.61
(1,61)	1:A:60:ARG:C	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:C	1	1.58	1.58
(1,101)	1:A:102:TYR:C	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:C	2	0.85	1.55

Continued on next page

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models	Mean (°)	Max (°)
(1,25)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:C	3	1.19	1.52
(1,63)	1:A:61:TYR:C	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:C	4	0.95	1.48
(1,71)	1:A:70:GLU:C	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:C	4	1.05	1.44
(1,129)	1:A:120:VAL:C	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:C	3	0.74	1.26
(1,5)	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:C	3	1.08	1.26
(1,127)	1:A:119:TRP:C	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:C	2	1.14	1.18
(1,119)	1:A:115:ALA:C	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:C	2	0.68	1.17
(1,85)	1:A:91:LEU:C	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	11	0.59	1.17
(1,143)	1:A:129:GLY:C	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:C	3	0.71	1.15
(1,161)	1:A:151:VAL:C	1:A:152:SER:N	1:A:152:SER:CA	1:A:152:SER:C	4	0.68	1.12
(1,125)	1:A:118:LYS:C	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:C	1	1.06	1.06
(1,147)	1:A:131:ALA:C	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:C	7	0.53	1.05
(1,1)	1:A:7:PHE:C	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	4	0.47	1.02
(1,111)	1:A:111:ALA:C	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	2	0.64	0.92
(1,153)	1:A:147:LEU:C	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:C	3	0.58	0.9
(1,47)	1:A:38:GLY:C	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:C	1	0.88	0.88
(1,135)	1:A:123:ASN:C	1:A:124:GLY:N	1:A:124:GLY:CA	1:A:124:GLY:C	9	0.46	0.75
(1,59)	1:A:59:ALA:C	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:C	1	0.75	0.75
(1,121)	1:A:116:LEU:C	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:C	2	0.39	0.74
(1,133)	1:A:122:ASP:C	1:A:123:ASN:N	1:A:123:ASN:CA	1:A:123:ASN:C	1	0.7	0.7
(1,139)	1:A:125:PHE:C	1:A:126:ASP:N	1:A:126:ASP:CA	1:A:126:ASP:C	1	0.63	0.63
(1,9)	1:A:12:LYS:C	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:C	4	0.3	0.55
(1,87)	1:A:93:PRO:C	1:A:94:SER:N	1:A:94:SER:CA	1:A:94:SER:C	4	0.3	0.52
(1,35)	1:A:32:GLY:C	1:A:33:SER:N	1:A:33:SER:CA	1:A:33:SER:C	1	0.5	0.5
(1,43)	1:A:36:GLU:C	1:A:37:ALA:N	1:A:37:ALA:CA	1:A:37:ALA:C	1	0.48	0.48
(1,107)	1:A:109:ILE:C	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:C	2	0.28	0.42
(1,93)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:SER:N	1:A:99:SER:CA	1:A:99:SER:C	3	0.3	0.41
(1,7)	1:A:11:LEU:C	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:C	1	0.4	0.4
(1,37)	1:A:33:SER:C	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:C	3	0.3	0.39
(1,79)	1:A:87:VAL:C	1:A:88:VAL:N	1:A:88:VAL:CA	1:A:88:VAL:C	1	0.35	0.35
(1,53)	1:A:51:LYS:C	1:A:52:SER:N	1:A:52:SER:CA	1:A:52:SER:C	1	0.3	0.3
(1,83)	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:C	3	0.22	0.3
(1,17)	1:A:19:ALA:C	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:C	1	0.27	0.27
(1,157)	1:A:149:THR:C	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:C	1	0.23	0.23
(1,113)	1:A:112:VAL:C	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:C	1	0.16	0.16
(1,65)	1:A:67:GLY:C	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:C	1	0.02	0.02
(1,311)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	20	108.82	134.57
(1,581)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	20	104.04	134.48
(1,251)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	20	53.62	134.35
(1,497)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	20	65.37	133.85
(1,252)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	20	63.38	133.62
(1,518)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	20	86.07	131.64
(1,312)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	20	29.84	131.51
(1,498)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	20	45.37	129.52
(1,519)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	20	41.93	125.5
(1,582)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	20	34.73	117.25
(1,514)	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	1:A:108:GLU:CD	20	142.4	164.93
(1,225)	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	1:A:13:GLU:CD	20	115.31	164.9
(1,522)	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	1:A:110:GLU:CD	20	121.88	164.81
(1,348)	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	1:A:49:GLN:CD	20	131.78	164.78
(1,195)	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	1:A:6:GLN:CD	20	113.65	164.7

Continued on next page

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models	Mean (°)	Max (°)
(1,184)	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	1:A:4:GLU:CD	20	103.49	164.62
(1,636)	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	1:A:146:GLN:CD	20	137.86	164.61
(1,213)	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	1:A:10:GLU:CD	20	137.91	164.58
(1,615)	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	1:A:141:GLU:CD	20	93.31	164.53
(1,325)	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	1:A:44:GLN:CD	20	99.1	164.36
(1,683)	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	1:A:157:GLU:CD	20	124.86	164.31
(1,430)	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	1:A:78:GLU:CD	20	89.04	164.21
(1,260)	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	1:A:25:GLN:CD	20	116.18	164.12
(1,276)	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	1:A:30:GLU:CD	20	123.64	163.78
(1,295)	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	1:A:36:GLU:CD	20	100.67	163.73
(1,412)	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	1:A:72:GLU:CD	20	133.92	163.39
(1,405)	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	1:A:70:GLU:CD	20	117.51	163.38
(1,577)	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	1:A:133:GLU:CD	20	134.11	163.18
(1,570)	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	1:A:130:GLU:CD	20	117.0	162.81
(1,443)	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	1:A:82:GLU:CD	20	105.35	162.59
(1,332)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	20	95.91	149.85
(1,337)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	20	50.51	146.5
(1,287)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	20	62.13	145.81
(1,243)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	20	82.01	145.74
(1,541)	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	1:A:118:LYS:CD	20	88.78	144.94
(1,455)	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	1:A:86:ARG:CD	20	111.0	144.89
(1,228)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	20	59.05	144.79
(1,483)	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	1:A:96:LYS:CD	20	50.09	144.74
(1,286)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	20	58.2	144.73
(1,642)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	20	85.82	144.71
(1,336)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	20	58.42	144.69
(1,222)	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	1:A:12:LYS:CD	20	86.46	144.63
(1,647)	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	1:A:148:ARG:CD	20	111.7	144.53
(1,561)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	20	64.23	144.42
(1,255)	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	1:A:23:ARG:CD	20	120.38	144.41
(1,373)	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	1:A:60:ARG:CD	20	119.49	144.36
(1,562)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	20	77.44	144.28
(1,471)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	20	71.74	144.2
(1,229)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	20	55.86	144.13
(1,652)	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	1:A:150:ARG:CD	20	126.78	144.04
(1,659)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	20	76.22	143.86
(1,488)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	20	73.0	143.74
(1,534)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	20	87.89	143.63
(1,354)	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	1:A:51:LYS:CD	20	107.94	143.52
(1,535)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	20	49.11	143.12
(1,319)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	20	81.29	143.02
(1,280)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	20	57.22	143.02
(1,670)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	20	82.47	142.73
(1,219)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	20	90.63	142.29
(1,318)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	20	66.13	142.08
(1,472)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	20	81.34	141.54
(1,242)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	20	59.65	141.37
(1,281)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	20	68.78	140.88
(1,658)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	20	60.78	140.79
(1,489)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	20	91.5	140.59
(1,594)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	20	64.83	139.62

Continued on next page

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models	Mean (°)	Max (°)
(1,246)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	20	62.26	138.76
(1,595)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	20	61.17	138.32
(1,167)	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	1:A:1:MET:SD	20	87.26	134.69
(1,267)	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	1:A:28:MET:SD	20	119.05	134.45
(1,538)	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	1:A:117:MET:SD	20	91.17	134.35
(1,331)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	20	46.58	133.99
(1,387)	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	1:A:64:MET:SD	20	56.19	133.29
(1,664)	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	1:A:154:MET:SD	20	84.65	132.57
(1,247)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	20	69.24	131.08
(1,218)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	20	51.87	130.01
(1,671)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	20	36.75	129.33
(1,643)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	20	40.15	123.51
(1,401)	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	1:A:69:PHE:CD1	20	50.02	65.46
(1,573)	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	1:A:132:TYR:CD1	20	54.29	65.41
(1,298)	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	1:A:39:TYR:CD1	20	54.62	65.21
(1,421)	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	1:A:75:PHE:CD1	20	55.02	64.95
(1,202)	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	1:A:7:PHE:CD1	20	57.4	64.84
(1,528)	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	1:A:113:TYR:CD1	20	44.13	64.84
(1,380)	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	1:A:62:PHE:CD1	20	47.49	64.62
(1,376)	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	1:A:61:TYR:CD1	20	56.19	64.57
(1,177)	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	1:A:3:PHE:CD1	20	49.44	64.45
(1,507)	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	1:A:106:TYR:CD1	20	48.49	63.54
(1,492)	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	1:A:102:TYR:CD1	19	51.61	63.41
(1,587)	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	1:A:135:TYR:CD1	19	48.27	63.13
(1,416)	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	1:A:73:PHE:CD1	20	53.36	62.99
(1,369)	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	1:A:58:PHE:CD1	20	49.7	62.76
(1,290)	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	1:A:35:PHE:CD1	18	34.38	62.45
(1,556)	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	1:A:125:PHE:CD1	20	45.5	61.47
(1,316)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	20	127.34	174.78
(1,469)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	20	75.9	173.69
(1,329)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	20	147.86	173.49
(1,656)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	20	82.65	172.28
(1,240)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	20	100.7	171.8
(1,226)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	20	78.92	171.05
(1,552)	1:A:123:ASN:N	1:A:123:ASN:CA	1:A:123:ASN:CB	1:A:123:ASN:CG	20	108.72	169.33
(1,558)	1:A:126:ASP:N	1:A:126:ASP:CA	1:A:126:ASP:CB	1:A:126:ASP:CG	19	60.0	168.94
(1,630)	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:CB	1:A:145:ASP:CG	20	59.98	167.7
(1,304)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:CB	1:A:41:ASP:CG	20	80.32	167.29
(1,599)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:CB	1:A:137:ASP:CG	20	118.96	166.81
(1,171)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:CB	1:A:2:ASP:CG	20	110.56	165.42
(1,668)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	20	75.66	164.88
(1,473)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	20	61.8	164.56
(1,640)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	20	82.37	162.71
(1,486)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	20	64.59	161.13
(1,592)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	20	68.39	160.45
(1,487)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	20	95.69	159.75
(1,216)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	20	132.42	159.6
(1,669)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	20	111.85	159.57
(1,227)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	20	130.17	159.53
(1,657)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	20	94.26	159.07
(1,641)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	20	116.63	158.76

Continued on next page

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models	Mean (°)	Max (°)
(1,317)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	20	77.16	157.03
(1,245)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	20	70.81	156.31
(1,593)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	20	97.61	155.87
(1,531)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	20	66.96	155.77
(1,512)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	20	57.47	155.0
(1,223)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	19	52.69	155.0
(1,253)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	20	43.77	154.99
(1,550)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	20	146.46	154.97
(1,323)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	20	83.59	154.93
(1,505)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	20	123.44	154.8
(1,490)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	20	119.82	154.8
(1,175)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	20	103.58	154.8
(1,285)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	20	76.0	154.74
(1,650)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	20	71.78	154.68
(1,681)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	20	92.2	154.67
(1,410)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	20	58.61	154.64
(1,378)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	20	127.72	154.64
(1,571)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	20	89.78	154.63
(1,578)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	20	56.91	154.63
(1,613)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	20	87.69	154.48
(1,256)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	20	105.45	154.43
(1,453)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	20	83.71	154.26
(1,441)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	20	89.54	154.25
(1,470)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	20	90.1	154.14
(1,648)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	20	141.93	154.07
(1,676)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	20	125.72	154.05
(1,207)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	20	37.29	154.03
(1,165)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	20	69.17	153.87
(1,371)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	20	61.01	153.87
(1,308)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	20	80.83	153.44
(1,265)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	20	71.41	153.4
(1,248)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	20	76.74	153.33
(1,530)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	20	130.22	153.2
(1,645)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	20	44.49	153.13
(1,428)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	18	110.12	153.07
(1,188)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	20	47.4	152.95
(1,560)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	20	133.73	152.86
(1,274)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	20	118.73	152.72
(1,261)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	20	51.19	152.41
(1,193)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	20	57.24	152.27
(1,293)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	20	116.13	152.19
(1,346)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	20	98.12	152.18
(1,399)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	20	92.38	152.03
(1,220)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	20	63.8	151.76
(1,211)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	20	71.06	151.58
(1,403)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	20	112.5	151.4
(1,241)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	20	92.8	151.33
(1,279)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	20	70.0	151.33
(1,533)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	20	117.79	151.32
(1,662)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	20	68.35	150.98
(1,568)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	20	66.85	150.87

Continued on next page

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models	Mean (°)	Max (°)
(1,182)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	20	81.69	150.31
(1,201)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	20	109.66	149.93
(1,411)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	20	113.73	149.92
(1,655)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	20	145.79	149.92
(1,224)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	20	66.85	149.9
(1,569)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	20	67.3	149.87
(1,482)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	20	108.82	149.86
(1,372)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	20	49.98	149.83
(1,324)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	20	89.49	149.74
(1,586)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	20	133.36	149.7
(1,375)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	20	107.5	149.66
(1,236)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	20	67.62	149.63
(1,284)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	20	106.65	149.62
(1,415)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	20	62.02	149.58
(1,296)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	20	76.16	149.54
(1,368)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	20	99.23	149.43
(1,278)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	20	99.5	149.29
(1,176)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	20	59.72	149.22
(1,547)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	20	141.82	149.15
(1,347)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	20	81.6	149.14
(1,259)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	20	71.3	148.86
(1,404)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	20	60.22	148.85
(1,513)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	20	100.38	148.8
(1,254)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	20	64.43	148.76
(1,532)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	20	65.1	148.75
(1,614)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	20	75.12	148.74
(1,521)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	20	88.53	148.73
(1,663)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	20	99.36	148.44
(1,212)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	20	74.54	148.25
(1,221)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	20	87.88	148.23
(1,166)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	20	72.33	148.17
(1,646)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	20	79.06	148.06
(1,576)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	20	104.39	147.92
(1,651)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	20	66.7	147.74
(1,386)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	20	125.66	147.69
(1,442)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	20	78.84	147.26
(1,635)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	20	102.82	147.22
(1,194)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	20	100.11	147.1
(1,294)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	20	79.62	146.92
(1,454)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	20	74.22	146.72
(1,634)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	20	66.18	146.62
(1,429)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	20	52.08	146.45
(1,266)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	20	81.09	145.99
(1,183)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	20	81.81	145.49
(1,526)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	20	86.21	144.97
(1,292)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	20	89.9	144.75
(1,682)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	20	70.56	144.29
(1,539)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	20	112.4	144.18
(1,506)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	20	56.0	143.95
(1,542)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	20	122.9	143.94
(1,300)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	20	108.3	143.89

Continued on next page

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models	Mean (°)	Max (°)
(1,414)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	20	47.44	143.38
(1,536)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	20	97.39	143.35
(1,275)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	20	60.51	142.99
(1,555)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	20	96.05	142.85
(1,189)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	20	108.69	142.79
(1,330)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	20	50.15	142.77
(1,520)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	20	64.46	142.73
(1,527)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	20	82.59	142.37
(1,397)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	20	127.41	142.24
(1,400)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	20	48.82	141.59
(1,208)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	20	91.76	141.49
(1,537)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	20	38.19	141.36
(1,289)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	20	121.98	140.83
(1,379)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	20	45.52	140.68
(1,297)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	20	42.01	140.57
(1,249)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	20	85.83	139.94
(1,310)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	20	59.4	139.54
(1,579)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	20	82.62	139.35
(1,309)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	19	51.13	139.25
(1,525)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	20	113.15	138.98
(1,494)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	20	33.99	138.97
(1,200)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	20	35.56	138.34
(1,580)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	20	48.44	137.11
(1,301)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	20	46.24	137.04
(1,463)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	20	64.21	135.35
(1,374)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	20	33.95	135.3
(1,603)	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:CB	1:A:138:ASN:CG	20	54.8	134.63
(1,495)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	20	100.55	134.03
(1,491)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	20	36.42	133.78
(1,523)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	20	34.82	133.06
(1,262)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	20	36.31	130.42
(1,524)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	20	25.99	130.03
(1,554)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	20	63.95	128.66
(1,677)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	20	35.25	127.72
(1,234)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	20	84.09	126.17
(1,585)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	20	46.23	125.92
(1,496)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	20	43.22	125.46
(1,385)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	20	42.58	122.79
(1,474)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	20	31.95	122.47
(1,398)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	20	32.59	120.16
(1,481)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	20	42.25	118.78
(1,288)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	20	52.02	118.62
(1,559)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	20	68.33	117.23
(1,572)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	20	38.27	116.06
(1,548)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	20	102.18	112.77
(1,620)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	20	30.07	105.64
(1,540)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	20	37.91	105.44
(1,465)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	20	35.79	98.63
(1,257)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	20	25.4	93.54
(1,575)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	20	40.57	91.49
(1,543)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	19	32.03	63.34

Continued on next page

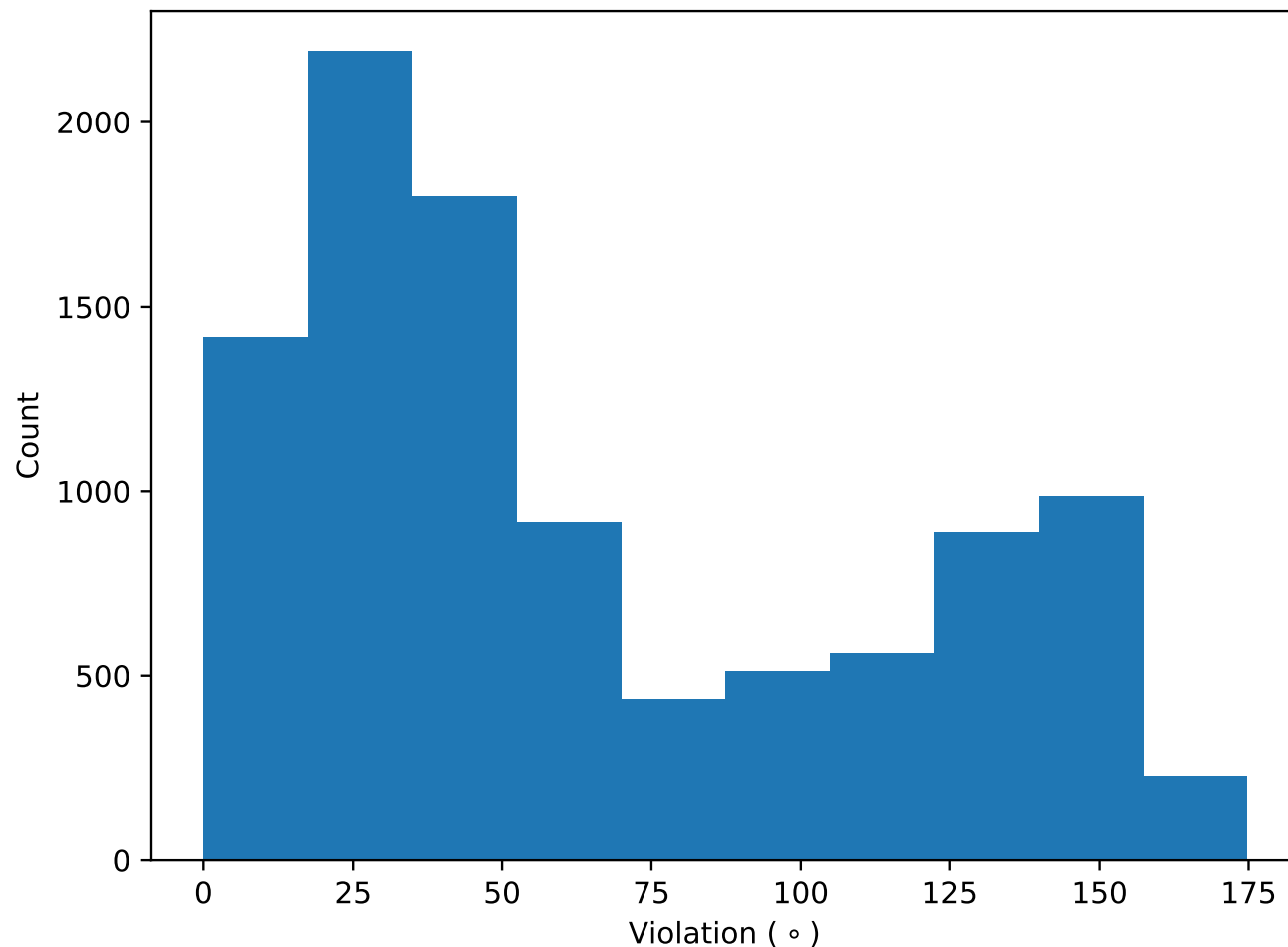
Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models	Mean (°)	Max (°)
(1,244)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	20	51.19	62.68
(1,352)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	20	37.89	56.95
(1,549)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	20	42.18	52.77
(1,551)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	20	41.34	52.45
(1,407)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:CB	1:A:71:VAL:CG1	20	34.29	52.02
(1,217)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	19	35.84	51.09
(1,367)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	20	26.84	47.24
(1,419)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	20	29.71	45.34
(1,258)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	20	29.89	44.21
(1,619)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	20	28.94	43.87
(1,545)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:CB	1:A:120:VAL:CG1	19	13.4	42.35
(1,649)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	19	23.96	38.81
(1,250)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	20	24.07	38.65
(1,425)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:CB	1:A:77:VAL:CG1	20	28.84	37.98
(1,654)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	20	26.93	36.58
(1,460)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	20	25.61	36.46
(1,516)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	20	24.24	33.76
(1,206)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	20	22.93	32.82
(1,205)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	20	17.07	27.3
(1,517)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	20	15.76	25.31
(1,459)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	20	14.39	24.53
(1,653)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	20	13.07	21.87
(1,235)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	14	5.92	11.11
(1,546)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:CB	1:A:120:VAL:CG1	10	4.55	10.2
(1,464)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	7	1.69	2.22
(1,475)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	3	1.28	2.03
(1,406)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:CB	1:A:71:VAL:CG1	1	2.02	2.02
(1,437)	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:CB	1:A:81:VAL:CG1	1	0.04	0.04

9.8 All violated dihedral angle restraints

9.8.1 Histogram : Distribution of violations

The following histogram shows the distribution of violations in the ensemble.



9.8.2 Table: All violated dihedral angle restraints

The following table lists the violations in the ensemble sorted by violation value

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,316)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	7	174.78
(1,316)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	16	174.2
(1,316)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	4	173.71
(1,469)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1	173.69
(1,469)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	10	173.69
(1,329)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	10	173.49
(1,329)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	8	173.37
(1,329)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	18	173.14
(1,329)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	6	173.05
(1,316)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	5	172.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,656)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	16	172.28
(1,329)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	16	172.27
(1,329)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	7	172.1
(1,240)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	4	171.8
(1,329)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	12	171.46
(1,316)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	10	171.17
(1,226)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	17	171.05
(1,316)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	13	170.88
(1,329)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	11	170.46
(1,316)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	8	170.45
(1,329)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	3	170.25
(1,316)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	18	169.9
(1,329)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	19	169.86
(1,656)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	6	169.4
(1,552)	1:A:123:ASN:N	1:A:123:ASN:CA	1:A:123:ASN:CB	1:A:123:ASN:CG	19	169.33
(1,558)	1:A:126:ASP:N	1:A:126:ASP:CA	1:A:126:ASP:CB	1:A:126:ASP:CG	9	168.94
(1,316)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	17	167.87
(1,630)	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:CB	1:A:145:ASP:CG	9	167.7
(1,304)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:CB	1:A:41:ASP:CG	1	167.29
(1,329)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	9	167.12
(1,599)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:CB	1:A:137:ASP:CG	14	166.81
(1,329)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	4	166.79
(1,329)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	13	166.66
(1,558)	1:A:126:ASP:N	1:A:126:ASP:CA	1:A:126:ASP:CB	1:A:126:ASP:CG	18	166.13
(1,240)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	12	165.77
(1,304)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:CB	1:A:41:ASP:CG	7	165.53
(1,171)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:CB	1:A:2:ASP:CG	14	165.42
(1,599)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:CB	1:A:137:ASP:CG	7	165.21
(1,514)	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	1:A:108:GLU:CD	18	164.93
(1,225)	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	1:A:13:GLU:CD	4	164.9
(1,668)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	11	164.88
(1,240)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	17	164.85
(1,522)	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	1:A:110:GLU:CD	10	164.81
(1,348)	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	1:A:49:GLN:CD	5	164.78
(1,195)	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	1:A:6:GLN:CD	7	164.7
(1,184)	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	1:A:4:GLU:CD	4	164.62
(1,636)	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	1:A:146:GLN:CD	14	164.61
(1,213)	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	1:A:10:GLU:CD	2	164.58
(1,473)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	14	164.56
(1,522)	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	1:A:110:GLU:CD	13	164.54
(1,615)	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	1:A:141:GLU:CD	14	164.53
(1,522)	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	1:A:110:GLU:CD	14	164.52
(1,213)	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	1:A:10:GLU:CD	13	164.52
(1,225)	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	1:A:13:GLU:CD	9	164.48
(1,348)	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	1:A:49:GLN:CD	10	164.45
(1,225)	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	1:A:13:GLU:CD	20	164.42
(1,325)	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	1:A:44:GLN:CD	20	164.36
(1,522)	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	1:A:110:GLU:CD	18	164.33
(1,683)	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	1:A:157:GLU:CD	12	164.31
(1,683)	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	1:A:157:GLU:CD	2	164.24
(1,636)	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	1:A:146:GLN:CD	6	164.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,430)	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	1:A:78:GLU:CD	5	164.21
(1,683)	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	1:A:157:GLU:CD	6	164.12
(1,260)	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	1:A:25:GLN:CD	11	164.12
(1,348)	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	1:A:49:GLN:CD	6	164.06
(1,195)	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	1:A:6:GLN:CD	2	163.88
(1,195)	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	1:A:6:GLN:CD	4	163.86
(1,514)	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	1:A:108:GLU:CD	6	163.81
(1,276)	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	1:A:30:GLU:CD	9	163.78
(1,295)	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	1:A:36:GLU:CD	10	163.73
(1,184)	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	1:A:4:GLU:CD	15	163.73
(1,683)	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	1:A:157:GLU:CD	11	163.61
(1,656)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	7	163.57
(1,295)	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	1:A:36:GLU:CD	9	163.55
(1,348)	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	1:A:49:GLN:CD	20	163.53
(1,225)	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	1:A:13:GLU:CD	6	163.53
(1,430)	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	1:A:78:GLU:CD	11	163.48
(1,412)	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	1:A:72:GLU:CD	6	163.39
(1,405)	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	1:A:70:GLU:CD	2	163.38
(1,225)	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	1:A:13:GLU:CD	5	163.25
(1,325)	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	1:A:44:GLN:CD	13	163.19
(1,577)	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	1:A:133:GLU:CD	3	163.18
(1,636)	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	1:A:146:GLN:CD	2	163.05
(1,636)	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	1:A:146:GLN:CD	15	162.94
(1,213)	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	1:A:10:GLU:CD	11	162.9
(1,213)	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	1:A:10:GLU:CD	16	162.84
(1,570)	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	1:A:130:GLU:CD	3	162.81
(1,430)	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	1:A:78:GLU:CD	19	162.8
(1,570)	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	1:A:130:GLU:CD	6	162.75
(1,514)	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	1:A:108:GLU:CD	3	162.74
(1,640)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	13	162.71
(1,577)	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	1:A:133:GLU:CD	17	162.6
(1,443)	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	1:A:82:GLU:CD	17	162.59
(1,276)	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	1:A:30:GLU:CD	20	162.52
(1,514)	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	1:A:108:GLU:CD	20	162.51
(1,213)	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	1:A:10:GLU:CD	3	162.45
(1,213)	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	1:A:10:GLU:CD	10	162.38
(1,348)	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	1:A:49:GLN:CD	12	162.3
(1,636)	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	1:A:146:GLN:CD	11	162.26
(1,260)	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	1:A:25:GLN:CD	8	162.23
(1,316)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	12	162.2
(1,171)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:CB	1:A:2:ASP:CG	8	162.2
(1,577)	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	1:A:133:GLU:CD	12	162.12
(1,577)	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	1:A:133:GLU:CD	1	162.11
(1,599)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:CB	1:A:137:ASP:CG	9	162.02
(1,514)	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	1:A:108:GLU:CD	8	161.99
(1,570)	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	1:A:130:GLU:CD	18	161.98
(1,213)	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	1:A:10:GLU:CD	9	161.97
(1,514)	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	1:A:108:GLU:CD	13	161.85
(1,325)	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	1:A:44:GLN:CD	10	161.84
(1,636)	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	1:A:146:GLN:CD	12	161.81
(1,599)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:CB	1:A:137:ASP:CG	15	161.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,405)	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	1:A:70:GLU:CD	12	161.78
(1,184)	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	1:A:4:GLU:CD	1	161.74
(1,443)	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	1:A:82:GLU:CD	9	161.67
(1,225)	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	1:A:13:GLU:CD	1	161.67
(1,213)	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	1:A:10:GLU:CD	17	161.64
(1,295)	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	1:A:36:GLU:CD	19	161.6
(1,514)	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	1:A:108:GLU:CD	9	161.53
(1,348)	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	1:A:49:GLN:CD	19	161.53
(1,184)	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	1:A:4:GLU:CD	12	161.45
(1,615)	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	1:A:141:GLU:CD	11	161.42
(1,514)	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	1:A:108:GLU:CD	16	161.35
(1,225)	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	1:A:13:GLU:CD	17	161.32
(1,240)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	20	161.25
(1,636)	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	1:A:146:GLN:CD	9	161.24
(1,329)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	17	161.21
(1,195)	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	1:A:6:GLN:CD	9	161.19
(1,683)	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	1:A:157:GLU:CD	10	161.13
(1,486)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	19	161.13
(1,276)	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	1:A:30:GLU:CD	11	161.11
(1,577)	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	1:A:133:GLU:CD	16	161.03
(1,184)	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	1:A:4:GLU:CD	16	161.02
(1,683)	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	1:A:157:GLU:CD	3	161.01
(1,225)	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	1:A:13:GLU:CD	3	161.0
(1,577)	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	1:A:133:GLU:CD	15	160.95
(1,412)	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	1:A:72:GLU:CD	17	160.92
(1,412)	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	1:A:72:GLU:CD	4	160.88
(1,636)	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	1:A:146:GLN:CD	8	160.78
(1,295)	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	1:A:36:GLU:CD	8	160.7
(1,276)	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	1:A:30:GLU:CD	6	160.66
(1,514)	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	1:A:108:GLU:CD	19	160.55
(1,592)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	3	160.45
(1,412)	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	1:A:72:GLU:CD	1	160.45
(1,276)	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	1:A:30:GLU:CD	1	160.4
(1,325)	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	1:A:44:GLN:CD	1	160.39
(1,195)	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	1:A:6:GLN:CD	17	160.38
(1,443)	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	1:A:82:GLU:CD	11	160.36
(1,522)	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	1:A:110:GLU:CD	20	160.31
(1,260)	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	1:A:25:GLN:CD	10	160.3
(1,636)	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	1:A:146:GLN:CD	20	160.29
(1,348)	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	1:A:49:GLN:CD	18	160.29
(1,405)	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	1:A:70:GLU:CD	11	160.26
(1,276)	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	1:A:30:GLU:CD	12	160.26
(1,405)	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	1:A:70:GLU:CD	15	160.21
(1,195)	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	1:A:6:GLN:CD	10	160.12
(1,514)	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	1:A:108:GLU:CD	1	160.1
(1,412)	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	1:A:72:GLU:CD	13	160.1
(1,276)	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	1:A:30:GLU:CD	7	160.07
(1,195)	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	1:A:6:GLN:CD	20	160.04
(1,295)	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	1:A:36:GLU:CD	6	159.97
(1,260)	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	1:A:25:GLN:CD	4	159.88
(1,412)	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	1:A:72:GLU:CD	19	159.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,487)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	15	159.75
(1,260)	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	1:A:25:GLN:CD	17	159.72
(1,213)	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	1:A:10:GLU:CD	20	159.64
(1,216)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	14	159.6
(1,348)	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	1:A:49:GLN:CD	2	159.59
(1,329)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	5	159.58
(1,669)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1	159.57
(1,276)	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	1:A:30:GLU:CD	10	159.56
(1,227)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1	159.53
(1,225)	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	1:A:13:GLU:CD	16	159.51
(1,522)	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	1:A:110:GLU:CD	5	159.49
(1,276)	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	1:A:30:GLU:CD	3	159.46
(1,276)	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	1:A:30:GLU:CD	17	159.44
(1,487)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	17	159.41
(1,171)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:CB	1:A:2:ASP:CG	17	159.39
(1,577)	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	1:A:133:GLU:CD	2	159.38
(1,443)	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	1:A:82:GLU:CD	3	159.31
(1,615)	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	1:A:141:GLU:CD	2	159.29
(1,473)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	10	159.28
(1,443)	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	1:A:82:GLU:CD	13	159.16
(1,430)	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	1:A:78:GLU:CD	4	159.15
(1,577)	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	1:A:133:GLU:CD	10	159.11
(1,552)	1:A:123:ASN:N	1:A:123:ASN:CA	1:A:123:ASN:CB	1:A:123:ASN:CG	20	159.11
(1,657)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	10	159.07
(1,522)	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	1:A:110:GLU:CD	11	159.07
(1,412)	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	1:A:72:GLU:CD	14	159.03
(1,295)	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	1:A:36:GLU:CD	5	159.0
(1,473)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	19	158.91
(1,683)	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	1:A:157:GLU:CD	20	158.81
(1,487)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	3	158.81
(1,260)	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	1:A:25:GLN:CD	13	158.77
(1,641)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	8	158.76
(1,195)	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	1:A:6:GLN:CD	5	158.73
(1,316)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	6	158.66
(1,487)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	16	158.64
(1,325)	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	1:A:44:GLN:CD	17	158.64
(1,636)	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	1:A:146:GLN:CD	17	158.59
(1,577)	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	1:A:133:GLU:CD	13	158.59
(1,184)	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	1:A:4:GLU:CD	5	158.54
(1,599)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:CB	1:A:137:ASP:CG	1	158.53
(1,683)	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	1:A:157:GLU:CD	13	158.52
(1,636)	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	1:A:146:GLN:CD	4	158.41
(1,570)	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	1:A:130:GLU:CD	11	158.4
(1,599)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:CB	1:A:137:ASP:CG	4	158.38
(1,570)	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	1:A:130:GLU:CD	5	158.31
(1,329)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	14	158.29
(1,522)	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	1:A:110:GLU:CD	17	158.23
(1,260)	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	1:A:25:GLN:CD	3	158.22
(1,683)	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	1:A:157:GLU:CD	9	158.17
(1,276)	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	1:A:30:GLU:CD	2	158.17
(1,570)	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	1:A:130:GLU:CD	10	158.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,171)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:CB	1:A:2:ASP:CG	11	158.09
(1,577)	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	1:A:133:GLU:CD	5	158.05
(1,184)	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	1:A:4:GLU:CD	10	158.05
(1,171)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:CB	1:A:2:ASP:CG	19	158.05
(1,473)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	20	157.97
(1,669)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	16	157.96
(1,213)	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	1:A:10:GLU:CD	14	157.84
(1,430)	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	1:A:78:GLU:CD	20	157.69
(1,405)	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	1:A:70:GLU:CD	20	157.65
(1,669)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	20	157.6
(1,636)	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	1:A:146:GLN:CD	7	157.59
(1,195)	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	1:A:6:GLN:CD	12	157.47
(1,656)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	15	157.4
(1,641)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	10	157.4
(1,260)	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	1:A:25:GLN:CD	14	157.37
(1,412)	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	1:A:72:GLU:CD	7	157.29
(1,577)	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	1:A:133:GLU:CD	11	157.25
(1,552)	1:A:123:ASN:N	1:A:123:ASN:CA	1:A:123:ASN:CB	1:A:123:ASN:CG	1	157.24
(1,615)	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	1:A:141:GLU:CD	17	157.23
(1,522)	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	1:A:110:GLU:CD	6	157.18
(1,213)	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	1:A:10:GLU:CD	1	157.16
(1,276)	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	1:A:30:GLU:CD	15	157.12
(1,317)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	15	157.03
(1,348)	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	1:A:49:GLN:CD	8	156.92
(1,570)	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	1:A:130:GLU:CD	7	156.85
(1,570)	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	1:A:130:GLU:CD	12	156.85
(1,412)	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	1:A:72:GLU:CD	15	156.81
(1,552)	1:A:123:ASN:N	1:A:123:ASN:CA	1:A:123:ASN:CB	1:A:123:ASN:CG	3	156.59
(1,486)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	2	156.48
(1,683)	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	1:A:157:GLU:CD	16	156.45
(1,514)	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	1:A:108:GLU:CD	7	156.45
(1,213)	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	1:A:10:GLU:CD	12	156.41
(1,195)	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	1:A:6:GLN:CD	6	156.38
(1,443)	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	1:A:82:GLU:CD	7	156.36
(1,514)	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	1:A:108:GLU:CD	4	156.32
(1,245)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	9	156.31
(1,317)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	2	156.22
(1,443)	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	1:A:82:GLU:CD	1	156.2
(1,412)	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	1:A:72:GLU:CD	5	156.16
(1,577)	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	1:A:133:GLU:CD	20	156.15
(1,216)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	10	156.07
(1,514)	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	1:A:108:GLU:CD	17	156.05
(1,683)	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	1:A:157:GLU:CD	19	156.04
(1,213)	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	1:A:10:GLU:CD	18	156.04
(1,615)	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	1:A:141:GLU:CD	8	156.01
(1,348)	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	1:A:49:GLN:CD	1	155.99
(1,641)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	16	155.94
(1,171)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:CB	1:A:2:ASP:CG	5	155.9
(1,599)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:CB	1:A:137:ASP:CG	11	155.87
(1,593)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	19	155.87
(1,615)	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	1:A:141:GLU:CD	9	155.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,325)	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	1:A:44:GLN:CD	9	155.78
(1,531)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	12	155.77
(1,577)	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	1:A:133:GLU:CD	8	155.72
(1,325)	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	1:A:44:GLN:CD	7	155.69
(1,522)	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	1:A:110:GLU:CD	19	155.63
(1,213)	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	1:A:10:GLU:CD	4	155.57
(1,325)	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	1:A:44:GLN:CD	6	155.42
(1,184)	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	1:A:4:GLU:CD	7	155.4
(1,213)	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	1:A:10:GLU:CD	5	155.37
(1,443)	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	1:A:82:GLU:CD	12	155.31
(1,295)	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	1:A:36:GLU:CD	2	155.29
(1,599)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:CB	1:A:137:ASP:CG	12	155.24
(1,213)	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	1:A:10:GLU:CD	7	155.12
(1,412)	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	1:A:72:GLU:CD	3	155.07
(1,514)	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	1:A:108:GLU:CD	12	155.06
(1,171)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:CB	1:A:2:ASP:CG	18	155.03
(1,512)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	14	155.0
(1,223)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	16	155.0
(1,295)	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	1:A:36:GLU:CD	7	154.99
(1,253)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	1	154.99
(1,550)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	18	154.97
(1,636)	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	1:A:146:GLN:CD	13	154.96
(1,323)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	11	154.93
(1,245)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	15	154.91
(1,184)	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	1:A:4:GLU:CD	9	154.91
(1,505)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	20	154.8
(1,490)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	8	154.8
(1,175)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	4	154.8
(1,599)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:CB	1:A:137:ASP:CG	3	154.74
(1,550)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	9	154.74
(1,285)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	15	154.74
(1,650)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	5	154.68
(1,681)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	14	154.67
(1,550)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	19	154.67
(1,512)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	17	154.65
(1,304)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:CB	1:A:41:ASP:CG	3	154.65
(1,410)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	18	154.64
(1,378)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	9	154.64
(1,578)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	20	154.63
(1,571)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	9	154.63
(1,669)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	13	154.56
(1,505)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	14	154.52
(1,613)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	11	154.48
(1,640)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	11	154.46
(1,412)	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	1:A:72:GLU:CD	11	154.43
(1,256)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	18	154.43
(1,443)	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	1:A:82:GLU:CD	18	154.36
(1,348)	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	1:A:49:GLN:CD	3	154.35
(1,175)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	9	154.35
(1,184)	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	1:A:4:GLU:CD	11	154.32
(1,453)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	13	154.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,227)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	20	154.26
(1,441)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	18	154.25
(1,216)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	5	154.25
(1,216)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1	154.24
(1,550)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	13	154.22
(1,276)	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	1:A:30:GLU:CD	8	154.2
(1,571)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	5	154.18
(1,470)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	7	154.14
(1,490)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	7	154.09
(1,648)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	13	154.07
(1,676)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	11	154.05
(1,630)	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:CB	1:A:145:ASP:CG	14	154.05
(1,207)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	13	154.03
(1,216)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	12	154.02
(1,681)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	9	154.01
(1,490)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	10	154.01
(1,171)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:CB	1:A:2:ASP:CG	12	153.99
(1,578)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	5	153.98
(1,260)	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	1:A:25:GLN:CD	12	153.97
(1,256)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	16	153.97
(1,171)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:CB	1:A:2:ASP:CG	9	153.97
(1,207)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	16	153.95
(1,410)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	20	153.91
(1,378)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	16	153.9
(1,490)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	3	153.89
(1,378)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	10	153.89
(1,371)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	2	153.87
(1,165)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	6	153.87
(1,348)	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	1:A:49:GLN:CD	16	153.84
(1,256)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	14	153.81
(1,571)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	6	153.8
(1,405)	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	1:A:70:GLU:CD	1	153.8
(1,316)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	3	153.8
(1,550)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	2	153.75
(1,260)	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	1:A:25:GLN:CD	18	153.75
(1,348)	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	1:A:49:GLN:CD	9	153.72
(1,175)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	6	153.7
(1,650)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	10	153.65
(1,550)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	12	153.64
(1,681)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	7	153.59
(1,371)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	13	153.59
(1,223)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	6	153.55
(1,641)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	3	153.52
(1,648)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	1	153.49
(1,505)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	4	153.45
(1,227)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	7	153.45
(1,648)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	16	153.44
(1,308)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	13	153.44
(1,265)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	4	153.4
(1,223)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	20	153.39
(1,248)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	2	153.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,657)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	3	153.3
(1,490)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	13	153.24
(1,253)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	15	153.24
(1,412)	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	1:A:72:GLU:CD	8	153.23
(1,676)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	12	153.22
(1,530)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	20	153.2
(1,636)	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	1:A:146:GLN:CD	3	153.15
(1,645)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	9	153.13
(1,552)	1:A:123:ASN:N	1:A:123:ASN:CA	1:A:123:ASN:CB	1:A:123:ASN:CG	5	153.07
(1,428)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	4	153.07
(1,676)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	16	153.06
(1,571)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	11	153.04
(1,405)	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	1:A:70:GLU:CD	8	153.0
(1,227)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	6	152.98
(1,175)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	2	152.98
(1,641)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	6	152.97
(1,412)	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	1:A:72:GLU:CD	2	152.95
(1,188)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	19	152.95
(1,650)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	13	152.89
(1,669)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	2	152.86
(1,613)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	14	152.86
(1,560)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	11	152.86
(1,487)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	4	152.86
(1,657)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	11	152.82
(1,550)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	17	152.82
(1,378)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	5	152.8
(1,216)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	6	152.8
(1,405)	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	1:A:70:GLU:CD	19	152.79
(1,615)	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	1:A:141:GLU:CD	1	152.78
(1,285)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	14	152.73
(1,308)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1	152.72
(1,274)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	20	152.72
(1,676)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	2	152.7
(1,274)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	11	152.58
(1,378)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	3	152.57
(1,378)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	12	152.57
(1,323)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	2	152.51
(1,216)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	2	152.51
(1,578)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1	152.47
(1,530)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	4	152.47
(1,378)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	20	152.45
(1,577)	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	1:A:133:GLU:CD	19	152.43
(1,274)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	2	152.43
(1,261)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	8	152.41
(1,676)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	1	152.39
(1,248)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	5	152.39
(1,378)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	17	152.35
(1,443)	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	1:A:82:GLU:CD	16	152.34
(1,512)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	9	152.33
(1,248)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1	152.33
(1,681)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	17	152.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,505)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	6	152.31
(1,571)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	14	152.29
(1,193)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	16	152.27
(1,577)	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	1:A:133:GLU:CD	4	152.25
(1,216)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	20	152.23
(1,165)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	19	152.23
(1,441)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	1	152.22
(1,248)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	8	152.22
(1,216)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	4	152.22
(1,490)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	17	152.21
(1,293)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	14	152.19
(1,346)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	16	152.18
(1,669)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	12	152.15
(1,348)	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	1:A:49:GLN:CD	7	152.14
(1,165)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	5	152.12
(1,530)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	17	152.05
(1,399)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	19	152.03
(1,171)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:CB	1:A:2:ASP:CG	3	151.95
(1,175)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	13	151.93
(1,428)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	8	151.81
(1,530)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	18	151.79
(1,570)	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	1:A:130:GLU:CD	16	151.78
(1,308)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	19	151.76
(1,220)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	2	151.76
(1,216)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	8	151.75
(1,514)	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	1:A:108:GLU:CD	11	151.7
(1,405)	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	1:A:70:GLU:CD	4	151.7
(1,195)	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	1:A:6:GLN:CD	1	151.7
(1,245)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	8	151.69
(1,681)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	6	151.68
(1,348)	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	1:A:49:GLN:CD	13	151.66
(1,681)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	18	151.64
(1,570)	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	1:A:130:GLU:CD	20	151.63
(1,428)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	17	151.62
(1,550)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	16	151.6
(1,308)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	9	151.58
(1,211)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	3	151.58
(1,412)	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	1:A:72:GLU:CD	20	151.46
(1,225)	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	1:A:13:GLU:CD	19	151.45
(1,560)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	15	151.43
(1,403)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	12	151.4
(1,560)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1	151.38
(1,522)	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	1:A:110:GLU:CD	16	151.38
(1,279)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	9	151.33
(1,241)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	2	151.33
(1,533)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	11	151.32
(1,227)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	15	151.31
(1,676)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	13	151.29
(1,274)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	12	151.24
(1,615)	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	1:A:141:GLU:CD	15	151.15
(1,550)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	11	151.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,530)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	3	151.12
(1,641)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	15	151.09
(1,676)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	8	151.08
(1,650)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	8	151.08
(1,578)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	16	151.05
(1,428)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	11	151.02
(1,378)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	4	151.01
(1,662)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	19	150.98
(1,428)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	6	150.94
(1,175)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	18	150.94
(1,593)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	5	150.93
(1,505)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	9	150.92
(1,599)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:CB	1:A:137:ASP:CG	17	150.89
(1,560)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	7	150.89
(1,568)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	18	150.87
(1,550)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	14	150.87
(1,256)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	12	150.81
(1,323)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	20	150.78
(1,378)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	2	150.73
(1,325)	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	1:A:44:GLN:CD	12	150.73
(1,522)	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	1:A:110:GLU:CD	15	150.62
(1,260)	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	1:A:25:GLN:CD	15	150.59
(1,193)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	9	150.58
(1,676)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	18	150.57
(1,265)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	3	150.57
(1,648)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	17	150.53
(1,403)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	19	150.53
(1,248)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	20	150.51
(1,470)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	5	150.5
(1,378)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	13	150.49
(1,533)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	3	150.41
(1,175)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	17	150.38
(1,570)	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	1:A:130:GLU:CD	8	150.37
(1,648)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	12	150.36
(1,570)	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	1:A:130:GLU:CD	9	150.35
(1,550)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	10	150.35
(1,260)	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	1:A:25:GLN:CD	20	150.34
(1,193)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	8	150.33
(1,490)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	14	150.31
(1,182)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	6	150.31
(1,593)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	13	150.3
(1,441)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	20	150.3
(1,428)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	14	150.29
(1,441)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	9	150.21
(1,593)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	12	150.1
(1,530)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	2	150.1
(1,182)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	5	150.08
(1,378)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	1	150.06
(1,240)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	11	150.06
(1,265)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	14	150.01
(1,216)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	11	149.97

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,676)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	14	149.95
(1,201)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	16	149.93
(1,655)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	17	149.92
(1,411)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	11	149.92
(1,224)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	7	149.9
(1,681)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	15	149.89
(1,569)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	4	149.87
(1,482)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	11	149.86
(1,332)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	7	149.85
(1,550)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	15	149.83
(1,372)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	16	149.83
(1,662)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	2	149.82
(1,274)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	1	149.81
(1,324)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	10	149.74
(1,274)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	15	149.74
(1,669)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	8	149.71
(1,586)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	19	149.7
(1,586)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	3	149.66
(1,375)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	15	149.66
(1,533)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	6	149.65
(1,256)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	20	149.65
(1,236)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	17	149.63
(1,223)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	19	149.63
(1,284)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1	149.62
(1,655)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	19	149.61
(1,490)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	20	149.6
(1,284)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	12	149.6
(1,428)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	20	149.59
(1,453)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	1	149.58
(1,415)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	14	149.58
(1,236)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	13	149.55
(1,182)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	20	149.55
(1,296)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	8	149.54
(1,182)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	16	149.54
(1,655)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	6	149.53
(1,657)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	5	149.52
(1,371)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	5	149.48
(1,681)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	11	149.47
(1,405)	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	1:A:70:GLU:CD	17	149.47
(1,668)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	15	149.46
(1,411)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	7	149.43
(1,368)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	2	149.43
(1,569)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	17	149.42
(1,403)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	17	149.42
(1,453)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	5	149.4
(1,648)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	3	149.36
(1,236)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	20	149.32
(1,278)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	7	149.29
(1,550)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	8	149.28
(1,403)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	2	149.27
(1,236)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	16	149.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,236)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	2	149.26
(1,256)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	3	149.23
(1,176)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	14	149.22
(1,375)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	5	149.19
(1,256)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	8	149.19
(1,216)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	16	149.18
(1,547)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	18	149.15
(1,182)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	19	149.15
(1,347)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	10	149.14
(1,201)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	5	149.14
(1,278)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	3	149.06
(1,403)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	5	149.05
(1,236)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	3	149.05
(1,411)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	4	149.0
(1,641)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	18	148.95
(1,211)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	18	148.94
(1,165)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	4	148.94
(1,640)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	20	148.92
(1,669)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	6	148.88
(1,613)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	15	148.86
(1,259)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	12	148.86
(1,236)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	9	148.86
(1,404)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	11	148.85
(1,224)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	11	148.84
(1,662)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	18	148.83
(1,505)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	7	148.83
(1,513)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	15	148.8
(1,533)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	8	148.78
(1,657)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	20	148.76
(1,522)	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	1:A:110:GLU:CD	3	148.76
(1,254)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	14	148.76
(1,532)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	9	148.75
(1,428)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	3	148.75
(1,614)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	17	148.74
(1,521)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	10	148.73
(1,224)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	3	148.72
(1,655)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	12	148.68
(1,648)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	19	148.68
(1,655)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	16	148.66
(1,655)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	18	148.66
(1,265)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	10	148.66
(1,201)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	14	148.66
(1,530)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	6	148.64
(1,411)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	5	148.64
(1,227)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	14	148.63
(1,648)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	8	148.62
(1,650)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	9	148.59
(1,411)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	3	148.58
(1,323)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	7	148.52
(1,648)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	6	148.5
(1,482)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	1	148.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,411)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	13	148.49
(1,346)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	17	148.49
(1,211)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	19	148.46
(1,663)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	5	148.44
(1,324)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	13	148.35
(1,533)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	20	148.34
(1,521)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	16	148.32
(1,547)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	16	148.29
(1,412)	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	1:A:72:GLU:CD	9	148.29
(1,212)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	4	148.25
(1,368)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	15	148.23
(1,221)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	7	148.23
(1,166)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	9	148.17
(1,405)	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	1:A:70:GLU:CD	7	148.15
(1,650)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	19	148.12
(1,323)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	5	148.12
(1,514)	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	1:A:108:GLU:CD	15	148.11
(1,211)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	15	148.11
(1,655)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	8	148.1
(1,550)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	20	148.07
(1,646)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	4	148.06
(1,655)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	1	148.05
(1,550)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	4	147.99
(1,514)	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	1:A:108:GLU:CD	2	147.99
(1,274)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	9	147.96
(1,224)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	13	147.96
(1,655)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	9	147.95
(1,576)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	10	147.92
(1,371)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	7	147.91
(1,505)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	8	147.85
(1,599)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:CB	1:A:137:ASP:CG	13	147.84
(1,657)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	18	147.79
(1,530)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	10	147.79
(1,410)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	10	147.79
(1,175)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	11	147.79
(1,453)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	6	147.78
(1,441)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	15	147.77
(1,651)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	3	147.74
(1,403)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	6	147.72
(1,487)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	5	147.71
(1,651)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	17	147.7
(1,586)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	10	147.69
(1,560)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	3	147.69
(1,386)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	15	147.69
(1,576)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	12	147.68
(1,265)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	7	147.67
(1,248)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	7	147.66
(1,550)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	5	147.65
(1,375)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	8	147.6
(1,547)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	7	147.59
(1,241)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	14	147.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,552)	1:A:123:ASN:N	1:A:123:ASN:CA	1:A:123:ASN:CB	1:A:123:ASN:CG	15	147.55
(1,550)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	3	147.55
(1,410)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	15	147.55
(1,411)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	1	147.54
(1,346)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	1	147.54
(1,428)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	16	147.53
(1,613)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	19	147.45
(1,403)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	18	147.45
(1,411)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	2	147.42
(1,530)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	16	147.38
(1,368)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	20	147.37
(1,586)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	9	147.35
(1,245)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	2	147.34
(1,323)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	9	147.31
(1,655)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	13	147.28
(1,254)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	18	147.27
(1,482)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	19	147.26
(1,442)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	3	147.26
(1,442)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	6	147.26
(1,547)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	3	147.23
(1,256)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	7	147.23
(1,635)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	6	147.22
(1,317)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	9	147.21
(1,521)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	5	147.2
(1,284)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	20	147.18
(1,552)	1:A:123:ASN:N	1:A:123:ASN:CA	1:A:123:ASN:CB	1:A:123:ASN:CG	13	147.16
(1,375)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	20	147.16
(1,470)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	15	147.15
(1,530)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	9	147.14
(1,256)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	6	147.14
(1,530)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	14	147.11
(1,513)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	6	147.1
(1,194)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	6	147.1
(1,227)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	18	146.98
(1,404)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	15	146.96
(1,212)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	13	146.96
(1,655)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	4	146.95
(1,576)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	4	146.95
(1,294)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	5	146.92
(1,676)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	10	146.85
(1,221)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	17	146.83
(1,386)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	9	146.77
(1,346)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	6	146.75
(1,454)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	12	146.72
(1,662)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	4	146.69
(1,399)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	15	146.65
(1,634)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	8	146.62
(1,182)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	12	146.61
(1,533)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	19	146.59
(1,285)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	16	146.59
(1,487)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	12	146.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,347)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	2	146.53
(1,442)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	12	146.52
(1,324)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	16	146.51
(1,337)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	9	146.5
(1,216)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	7	146.48
(1,513)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	12	146.46
(1,411)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	6	146.46
(1,375)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	13	146.46
(1,429)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	19	146.45
(1,560)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	8	146.43
(1,560)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	20	146.43
(1,284)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	4	146.42
(1,182)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	17	146.42
(1,513)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	8	146.41
(1,212)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	20	146.37
(1,648)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	11	146.32
(1,337)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	1	146.31
(1,278)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	19	146.31
(1,648)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	10	146.29
(1,655)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	20	146.28
(1,386)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	14	146.27
(1,552)	1:A:123:ASN:N	1:A:123:ASN:CA	1:A:123:ASN:CB	1:A:123:ASN:CG	6	146.26
(1,550)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	6	146.24
(1,487)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	8	146.22
(1,221)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	8	146.22
(1,227)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	3	146.21
(1,404)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	4	146.18
(1,296)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	17	146.17
(1,635)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	11	146.15
(1,428)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	7	146.15
(1,571)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	15	146.11
(1,634)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	9	146.1
(1,194)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	4	146.09
(1,227)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	5	146.06
(1,296)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	4	146.04
(1,212)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	14	146.02
(1,176)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	12	146.02
(1,521)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	11	145.99
(1,266)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	5	145.99
(1,641)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	9	145.98
(1,505)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	2	145.98
(1,428)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	9	145.98
(1,259)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	13	145.98
(1,593)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	10	145.95
(1,646)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	16	145.94
(1,399)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	12	145.94
(1,560)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	4	145.92
(1,323)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	6	145.9
(1,227)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	2	145.9
(1,586)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	4	145.89
(1,441)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	16	145.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,411)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	9	145.82
(1,332)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	13	145.82
(1,287)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	4	145.81
(1,593)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	18	145.78
(1,635)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	7	145.77
(1,243)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	17	145.74
(1,375)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	18	145.72
(1,411)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	17	145.71
(1,586)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	12	145.69
(1,513)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	10	145.69
(1,308)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	11	145.67
(1,259)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	2	145.66
(1,482)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	2	145.65
(1,655)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	11	145.62
(1,296)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	19	145.62
(1,613)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	2	145.6
(1,296)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	3	145.58
(1,201)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	18	145.58
(1,569)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	2	145.57
(1,403)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	8	145.56
(1,332)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	18	145.56
(1,648)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	5	145.55
(1,648)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	7	145.55
(1,375)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	9	145.5
(1,259)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	15	145.49
(1,183)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	15	145.49
(1,278)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	16	145.46
(1,183)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	7	145.46
(1,613)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	8	145.41
(1,513)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	11	145.38
(1,482)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	13	145.38
(1,284)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	9	145.38
(1,259)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	8	145.38
(1,403)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	14	145.37
(1,256)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	13	145.35
(1,346)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	20	145.31
(1,332)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	3	145.31
(1,636)	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	1:A:146:GLN:CD	16	145.3
(1,308)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	15	145.21
(1,532)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	13	145.18
(1,521)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	15	145.17
(1,490)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	12	145.12
(1,324)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	17	145.1
(1,547)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	19	144.99
(1,279)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	14	144.99
(1,526)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	14	144.97
(1,216)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	3	144.96
(1,541)	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	1:A:118:LYS:CD	2	144.94
(1,194)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	13	144.91
(1,676)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	6	144.89
(1,455)	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	1:A:86:ARG:CD	17	144.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,521)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	19	144.88
(1,530)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	5	144.84
(1,593)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1	144.82
(1,228)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	15	144.79
(1,411)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	19	144.78
(1,221)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	18	144.77
(1,676)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	9	144.75
(1,292)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	4	144.75
(1,483)	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	1:A:96:LYS:CD	3	144.74
(1,286)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	16	144.73
(1,642)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	15	144.71
(1,292)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	11	144.71
(1,648)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	18	144.7
(1,336)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	14	144.69
(1,663)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	10	144.64
(1,505)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	5	144.64
(1,222)	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	1:A:12:LYS:CD	19	144.63
(1,292)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	15	144.62
(1,586)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	13	144.58
(1,646)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	5	144.54
(1,647)	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	1:A:148:ARG:CD	12	144.53
(1,292)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	16	144.43
(1,256)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	10	144.43
(1,561)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	15	144.42
(1,386)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	18	144.41
(1,255)	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	1:A:23:ARG:CD	1	144.41
(1,647)	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	1:A:148:ARG:CD	10	144.4
(1,486)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	13	144.39
(1,403)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	7	144.37
(1,336)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	15	144.37
(1,373)	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	1:A:60:ARG:CD	5	144.36
(1,547)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	1	144.33
(1,547)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	12	144.33
(1,682)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	19	144.29
(1,663)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	12	144.29
(1,562)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	2	144.28
(1,547)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	6	144.26
(1,399)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	18	144.25
(1,375)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	3	144.25
(1,248)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	6	144.24
(1,482)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	18	144.23
(1,471)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	7	144.2
(1,539)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	15	144.18
(1,513)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	13	144.13
(1,229)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	17	144.13
(1,453)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	14	144.08
(1,368)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	7	144.07
(1,228)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	18	144.05
(1,652)	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	1:A:150:ARG:CD	20	144.04
(1,346)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	13	144.04
(1,399)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	4	144.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,599)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:CB	1:A:137:ASP:CG	19	144.01
(1,454)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	10	143.98
(1,506)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	16	143.95
(1,645)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	19	143.94
(1,542)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	12	143.94
(1,652)	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	1:A:150:ARG:CD	7	143.91
(1,386)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	3	143.91
(1,378)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	6	143.91
(1,211)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	16	143.91
(1,300)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	7	143.89
(1,659)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	4	143.86
(1,550)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	1	143.84
(1,255)	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	1:A:23:ARG:CD	9	143.84
(1,373)	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	1:A:60:ARG:CD	19	143.83
(1,521)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	1	143.82
(1,332)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	4	143.8
(1,368)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	11	143.79
(1,561)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	12	143.78
(1,201)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	13	143.75
(1,488)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	3	143.74
(1,274)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	17	143.74
(1,560)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	9	143.7
(1,300)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	9	143.69
(1,561)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	6	143.65
(1,241)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	16	143.64
(1,534)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	3	143.63
(1,254)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	12	143.63
(1,652)	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	1:A:150:ARG:CD	6	143.62
(1,530)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	13	143.62
(1,294)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	7	143.6
(1,455)	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	1:A:86:ARG:CD	12	143.57
(1,453)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	7	143.57
(1,368)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	6	143.54
(1,266)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	11	143.54
(1,354)	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	1:A:51:LYS:CD	8	143.52
(1,255)	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	1:A:23:ARG:CD	3	143.49
(1,652)	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	1:A:150:ARG:CD	4	143.47
(1,430)	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	1:A:78:GLU:CD	3	143.46
(1,346)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	15	143.46
(1,183)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	1	143.45
(1,324)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	8	143.43
(1,194)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	14	143.43
(1,193)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	10	143.43
(1,655)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	3	143.42
(1,228)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	20	143.41
(1,278)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	2	143.4
(1,414)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	10	143.38
(1,373)	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	1:A:60:ARG:CD	10	143.37
(1,652)	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	1:A:150:ARG:CD	8	143.36
(1,536)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	16	143.35
(1,201)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	19	143.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,368)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	16	143.32
(1,568)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	11	143.3
(1,542)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	17	143.3
(1,571)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	20	143.29
(1,375)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	10	143.28
(1,286)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	15	143.28
(1,482)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	14	143.25
(1,455)	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	1:A:86:ARG:CD	11	143.25
(1,386)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	19	143.25
(1,568)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	5	143.21
(1,568)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	13	143.18
(1,513)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	1	143.18
(1,547)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	8	143.17
(1,576)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	18	143.16
(1,542)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	9	143.14
(1,614)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	4	143.13
(1,194)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	5	143.13
(1,535)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	9	143.12
(1,292)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	19	143.12
(1,248)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	14	143.11
(1,657)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	8	143.1
(1,547)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	9	143.08
(1,542)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	3	143.08
(1,194)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	2	143.08
(1,274)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	7	143.05
(1,212)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	11	143.05
(1,175)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	20	143.04
(1,655)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	15	143.03
(1,319)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	18	143.02
(1,280)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	9	143.02
(1,275)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	10	142.99
(1,646)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	6	142.98
(1,166)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	11	142.98
(1,655)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	7	142.95
(1,319)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	10	142.95
(1,255)	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	1:A:23:ARG:CD	4	142.94
(1,255)	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	1:A:23:ARG:CD	11	142.94
(1,354)	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	1:A:51:LYS:CD	15	142.93
(1,347)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	3	142.93
(1,488)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	4	142.87
(1,308)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	2	142.87
(1,555)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	7	142.85
(1,403)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	13	142.85
(1,284)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	5	142.85
(1,669)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	14	142.83
(1,274)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	4	142.81
(1,189)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	1	142.79
(1,189)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	6	142.78
(1,330)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1	142.77
(1,560)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	18	142.74
(1,670)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	12	142.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,520)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	13	142.73
(1,411)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	8	142.73
(1,368)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	18	142.73
(1,255)	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	1:A:23:ARG:CD	10	142.67
(1,194)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	20	142.67
(1,614)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	10	142.66
(1,642)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	3	142.65
(1,455)	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	1:A:86:ARG:CD	9	142.63
(1,332)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	10	142.62
(1,222)	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	1:A:12:LYS:CD	9	142.62
(1,336)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	17	142.59
(1,561)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	4	142.58
(1,295)	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	1:A:36:GLU:CD	15	142.57
(1,542)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	7	142.55
(1,536)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	9	142.53
(1,266)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	6	142.53
(1,265)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	15	142.53
(1,533)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	18	142.52
(1,332)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	9	142.52
(1,279)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	6	142.46
(1,183)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	4	142.45
(1,189)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	9	142.44
(1,576)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	5	142.43
(1,593)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	17	142.42
(1,526)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	15	142.4
(1,189)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	5	142.4
(1,175)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	10	142.4
(1,189)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	4	142.39
(1,386)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	8	142.38
(1,373)	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	1:A:60:ARG:CD	18	142.38
(1,266)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	20	142.38
(1,648)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	4	142.37
(1,527)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	18	142.37
(1,243)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	19	142.35
(1,526)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	13	142.34
(1,194)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	19	142.3
(1,652)	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	1:A:150:ARG:CD	18	142.29
(1,219)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	14	142.29
(1,347)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	19	142.27
(1,319)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	8	142.26
(1,635)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	17	142.25
(1,536)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	1	142.25
(1,530)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	19	142.25
(1,397)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	8	142.24
(1,275)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	3	142.23
(1,225)	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	1:A:13:GLU:CD	14	142.23
(1,542)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	5	142.2
(1,659)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	7	142.15
(1,189)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	2	142.15
(1,482)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	8	142.14
(1,319)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	13	142.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,520)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	6	142.12
(1,228)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	6	142.12
(1,483)	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	1:A:96:LYS:CD	11	142.11
(1,531)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	1	142.09
(1,527)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	6	142.09
(1,670)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	1	142.08
(1,318)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	15	142.08
(1,560)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	19	142.06
(1,292)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	6	142.06
(1,284)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	7	142.06
(1,255)	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	1:A:23:ARG:CD	5	142.04
(1,278)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	20	142.03
(1,634)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	20	141.99
(1,455)	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	1:A:86:ARG:CD	6	141.96
(1,378)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	15	141.95
(1,221)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	20	141.94
(1,552)	1:A:123:ASN:N	1:A:123:ASN:CA	1:A:123:ASN:CB	1:A:123:ASN:CG	7	141.93
(1,536)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	15	141.92
(1,354)	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	1:A:51:LYS:CD	19	141.89
(1,547)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	17	141.88
(1,642)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	10	141.87
(1,541)	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	1:A:118:LYS:CD	19	141.85
(1,397)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	3	141.83
(1,201)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	2	141.8
(1,547)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	2	141.79
(1,317)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	20	141.79
(1,542)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	4	141.78
(1,319)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	16	141.78
(1,346)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	14	141.76
(1,681)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	8	141.75
(1,636)	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	1:A:146:GLN:CD	10	141.73
(1,536)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	17	141.73
(1,222)	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	1:A:12:LYS:CD	1	141.72
(1,490)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	1	141.71
(1,201)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	6	141.71
(1,676)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	15	141.68
(1,659)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	15	141.67
(1,183)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	11	141.67
(1,318)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	2	141.66
(1,663)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	14	141.65
(1,324)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	12	141.64
(1,568)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	19	141.63
(1,375)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	7	141.61
(1,400)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	8	141.59
(1,652)	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	1:A:150:ARG:CD	3	141.57
(1,635)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	14	141.55
(1,520)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	9	141.54
(1,472)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	11	141.54
(1,337)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	13	141.54
(1,287)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	20	141.54
(1,176)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	7	141.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,648)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	14	141.53
(1,208)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	20	141.49
(1,347)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	18	141.47
(1,296)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	9	141.45
(1,534)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	6	141.41
(1,513)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	19	141.41
(1,683)	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	1:A:157:GLU:CD	5	141.4
(1,454)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	16	141.38
(1,292)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	20	141.37
(1,242)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	16	141.37
(1,642)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	18	141.36
(1,541)	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	1:A:118:LYS:CD	11	141.36
(1,537)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	18	141.36
(1,488)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	16	141.36
(1,641)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	7	141.34
(1,166)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	16	141.34
(1,259)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	3	141.33
(1,642)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	9	141.32
(1,219)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	6	141.32
(1,222)	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	1:A:12:LYS:CD	8	141.3
(1,176)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	1	141.29
(1,635)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	12	141.28
(1,576)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	8	141.28
(1,513)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	4	141.28
(1,228)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	7	141.27
(1,533)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	15	141.26
(1,222)	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	1:A:12:LYS:CD	15	141.23
(1,194)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	17	141.22
(1,266)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	16	141.21
(1,536)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	19	141.17
(1,386)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	1	141.17
(1,655)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	2	141.15
(1,403)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	3	141.14
(1,663)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	7	141.13
(1,655)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	14	141.11
(1,166)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	8	141.11
(1,482)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	20	141.09
(1,354)	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	1:A:51:LYS:CD	14	141.09
(1,539)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	2	141.06
(1,166)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	10	141.05
(1,255)	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	1:A:23:ARG:CD	8	141.03
(1,635)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	13	141.02
(1,227)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	10	140.99
(1,670)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	6	140.98
(1,254)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	6	140.98
(1,256)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	2	140.96
(1,512)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	2	140.95
(1,635)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	10	140.94
(1,488)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	15	140.93
(1,652)	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	1:A:150:ARG:CD	9	140.92
(1,319)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	5	140.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,281)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	16	140.88
(1,560)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	16	140.87
(1,663)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	3	140.84
(1,289)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	5	140.83
(1,655)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	10	140.81
(1,281)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	5	140.81
(1,471)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	15	140.8
(1,227)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	9	140.8
(1,658)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	10	140.79
(1,373)	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	1:A:60:ARG:CD	7	140.77
(1,614)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	12	140.76
(1,397)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	18	140.76
(1,289)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	11	140.76
(1,576)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	20	140.75
(1,455)	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	1:A:86:ARG:CD	20	140.75
(1,647)	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	1:A:148:ARG:CD	11	140.73
(1,490)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	5	140.72
(1,211)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	5	140.71
(1,318)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	14	140.7
(1,216)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	13	140.7
(1,379)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	18	140.68
(1,647)	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	1:A:148:ARG:CD	16	140.66
(1,520)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	17	140.65
(1,490)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	6	140.65
(1,470)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	20	140.65
(1,539)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	18	140.63
(1,189)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	8	140.6
(1,489)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	19	140.59
(1,297)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	1	140.57
(1,676)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	19	140.55
(1,560)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	14	140.51
(1,294)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	13	140.5
(1,442)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	19	140.49
(1,547)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	15	140.43
(1,318)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	9	140.42
(1,319)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	7	140.4
(1,560)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	10	140.36
(1,375)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	12	140.36
(1,596)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	16	140.35
(1,346)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	12	140.34
(1,569)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	20	140.32
(1,642)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	16	140.29
(1,281)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	3	140.25
(1,189)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	18	140.25
(1,586)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	5	140.24
(1,471)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	5	140.24
(1,219)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	1	140.24
(1,539)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	14	140.23
(1,242)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	2	140.21
(1,663)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	1	140.2
(1,534)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	20	140.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,188)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	15	140.2
(1,278)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	10	140.18
(1,182)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	2	140.18
(1,547)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	5	140.17
(1,536)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	5	140.16
(1,216)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	9	140.16
(1,490)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	19	140.13
(1,332)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	11	140.1
(1,261)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	12	140.08
(1,682)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	4	140.07
(1,682)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	20	140.06
(1,332)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	16	140.05
(1,274)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	6	140.0
(1,441)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	11	139.98
(1,330)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	15	139.98
(1,212)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	10	139.98
(1,642)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	6	139.97
(1,455)	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	1:A:86:ARG:CD	1	139.96
(1,547)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	10	139.95
(1,670)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	16	139.94
(1,249)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	15	139.94
(1,296)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	6	139.93
(1,242)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	14	139.93
(1,227)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	16	139.93
(1,375)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	6	139.91
(1,249)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	13	139.88
(1,614)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	13	139.87
(1,300)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	11	139.87
(1,586)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	14	139.86
(1,222)	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	1:A:12:LYS:CD	16	139.86
(1,659)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	16	139.85
(1,319)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	4	139.85
(1,287)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	9	139.84
(1,489)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	7	139.82
(1,536)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	13	139.8
(1,399)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	11	139.76
(1,294)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	10	139.74
(1,208)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	12	139.74
(1,208)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	11	139.71
(1,614)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	7	139.64
(1,594)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	19	139.62
(1,454)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	15	139.62
(1,336)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	11	139.62
(1,227)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	12	139.59
(1,470)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	16	139.56
(1,266)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	17	139.55
(1,536)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	8	139.54
(1,310)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	6	139.54
(1,201)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	1	139.52
(1,541)	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	1:A:118:LYS:CD	20	139.51
(1,208)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	6	139.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,249)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	4	139.46
(1,682)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	2	139.44
(1,208)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	17	139.44
(1,646)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	17	139.43
(1,166)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	7	139.39
(1,651)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	4	139.38
(1,579)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	12	139.35
(1,300)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	20	139.33
(1,289)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	15	139.33
(1,189)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	11	139.32
(1,533)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	14	139.3
(1,646)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	13	139.27
(1,317)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	11	139.25
(1,310)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	10	139.25
(1,309)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	7	139.25
(1,346)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	9	139.23
(1,646)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	20	139.21
(1,318)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	1	139.19
(1,534)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	15	139.14
(1,255)	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	1:A:23:ARG:CD	7	139.13
(1,397)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	2	139.11
(1,278)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	12	139.1
(1,659)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	6	139.05
(1,513)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	18	139.04
(1,375)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	11	139.04
(1,189)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	7	139.01
(1,472)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	1	139.0
(1,525)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	3	138.98
(1,647)	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	1:A:148:ARG:CD	19	138.97
(1,494)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	13	138.97
(1,614)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	18	138.96
(1,663)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	16	138.95
(1,266)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	12	138.94
(1,472)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	4	138.93
(1,586)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	6	138.92
(1,534)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	8	138.91
(1,399)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	6	138.91
(1,216)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	18	138.91
(1,527)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	3	138.89
(1,571)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	3	138.87
(1,547)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	14	138.87
(1,542)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	10	138.87
(1,332)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	8	138.85
(1,560)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	12	138.84
(1,219)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	7	138.8
(1,642)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	8	138.79
(1,539)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	16	138.78
(1,246)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	15	138.76
(1,579)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	7	138.74
(1,541)	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	1:A:118:LYS:CD	18	138.74
(1,530)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	8	138.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,300)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	1	138.74
(1,194)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	7	138.73
(1,300)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	10	138.71
(1,287)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	1	138.71
(1,525)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	6	138.69
(1,208)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	9	138.68
(1,373)	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	1:A:60:ARG:CD	16	138.67
(1,189)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	12	138.67
(1,592)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	15	138.62
(1,525)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	5	138.59
(1,536)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	10	138.57
(1,278)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	18	138.56
(1,175)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	19	138.56
(1,175)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	8	138.55
(1,525)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	14	138.54
(1,249)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	3	138.53
(1,579)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	18	138.49
(1,219)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	2	138.49
(1,201)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	9	138.48
(1,541)	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	1:A:118:LYS:CD	14	138.46
(1,569)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	12	138.45
(1,189)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	10	138.45
(1,354)	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	1:A:51:LYS:CD	12	138.41
(1,386)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	20	138.38
(1,227)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	19	138.38
(1,310)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	18	138.36
(1,183)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	18	138.36
(1,652)	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	1:A:150:ARG:CD	16	138.34
(1,200)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	7	138.34
(1,595)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	15	138.32
(1,646)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	3	138.28
(1,534)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	11	138.27
(1,647)	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	1:A:148:ARG:CD	6	138.22
(1,536)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	20	138.21
(1,635)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	4	138.17
(1,212)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	12	138.17
(1,201)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	3	138.17
(1,663)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	9	138.16
(1,663)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	6	138.15
(1,561)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	17	138.14
(1,397)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	14	138.14
(1,655)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	5	138.13
(1,294)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	1	138.13
(1,165)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	18	138.08
(1,354)	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	1:A:51:LYS:CD	10	138.05
(1,635)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	2	138.02
(1,613)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	20	138.02
(1,371)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	17	138.01
(1,397)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	6	137.99
(1,194)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	15	137.98
(1,255)	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	1:A:23:ARG:CD	13	137.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,542)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	13	137.9
(1,539)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	1	137.89
(1,525)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	8	137.89
(1,397)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	1	137.88
(1,490)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	4	137.87
(1,488)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	17	137.87
(1,415)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	19	137.87
(1,294)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	9	137.87
(1,208)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	19	137.87
(1,243)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	6	137.85
(1,521)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	2	137.84
(1,346)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	7	137.82
(1,542)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	6	137.81
(1,647)	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	1:A:148:ARG:CD	3	137.79
(1,404)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	10	137.79
(1,255)	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	1:A:23:ARG:CD	16	137.78
(1,648)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	20	137.75
(1,525)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	12	137.74
(1,470)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	13	137.71
(1,455)	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	1:A:86:ARG:CD	4	137.71
(1,569)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	3	137.7
(1,222)	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	1:A:12:LYS:CD	2	137.69
(1,520)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	20	137.67
(1,373)	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	1:A:60:ARG:CD	9	137.66
(1,300)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	17	137.66
(1,300)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	19	137.65
(1,576)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	17	137.64
(1,319)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	6	137.62
(1,547)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	20	137.59
(1,397)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	17	137.59
(1,670)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	2	137.58
(1,525)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	16	137.53
(1,222)	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	1:A:12:LYS:CD	12	137.52
(1,547)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	13	137.49
(1,525)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	17	137.49
(1,539)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	19	137.48
(1,539)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	8	137.45
(1,243)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	20	137.4
(1,403)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	9	137.38
(1,208)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	1	137.37
(1,651)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	12	137.36
(1,594)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	17	137.36
(1,228)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	1	137.33
(1,526)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	8	137.31
(1,397)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	7	137.31
(1,249)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	16	137.31
(1,682)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	5	137.27
(1,373)	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	1:A:60:ARG:CD	13	137.27
(1,386)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	5	137.24
(1,249)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	17	137.22
(1,309)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	3	137.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,579)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	2	137.18
(1,455)	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	1:A:86:ARG:CD	5	137.18
(1,453)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	20	137.18
(1,219)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	12	137.18
(1,397)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	19	137.17
(1,294)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	2	137.16
(1,580)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	10	137.11
(1,442)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	7	137.1
(1,220)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	3	137.09
(1,249)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	10	137.08
(1,266)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	9	137.06
(1,293)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	17	137.05
(1,301)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	8	137.04
(1,354)	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	1:A:51:LYS:CD	17	137.0
(1,309)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	5	136.99
(1,304)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:CB	1:A:41:ASP:CG	16	136.98
(1,472)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	14	136.96
(1,373)	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	1:A:60:ARG:CD	6	136.95
(1,286)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	14	136.95
(1,255)	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	1:A:23:ARG:CD	18	136.94
(1,414)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	17	136.91
(1,534)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	12	136.9
(1,189)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	20	136.89
(1,641)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	17	136.85
(1,652)	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	1:A:150:ARG:CD	5	136.84
(1,292)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	8	136.84
(1,534)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	19	136.82
(1,555)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	13	136.79
(1,489)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	6	136.78
(1,190)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	2	136.78
(1,521)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	14	136.76
(1,293)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	12	136.76
(1,373)	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	1:A:60:ARG:CD	4	136.74
(1,586)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	1	136.72
(1,579)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	17	136.66
(1,229)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	19	136.63
(1,634)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	15	136.55
(1,505)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	3	136.51
(1,539)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	20	136.49
(1,525)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	9	136.49
(1,386)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	6	136.49
(1,386)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	17	136.48
(1,324)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	1	136.43
(1,274)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	8	136.4
(1,386)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	11	136.39
(1,648)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	9	136.38
(1,287)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	12	136.38
(1,670)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	9	136.36
(1,562)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	5	136.29
(1,284)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	11	136.28
(1,455)	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	1:A:86:ARG:CD	3	136.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,414)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	5	136.22
(1,289)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	10	136.21
(1,278)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	8	136.21
(1,669)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	17	136.2
(1,534)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	18	136.19
(1,373)	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	1:A:60:ARG:CD	1	136.18
(1,176)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	16	136.15
(1,300)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	16	136.14
(1,576)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	11	136.12
(1,586)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	11	136.11
(1,403)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	1	136.05
(1,429)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	5	135.99
(1,560)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	17	135.98
(1,378)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	7	135.93
(1,278)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1	135.92
(1,249)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	9	135.92
(1,527)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	1	135.91
(1,411)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	16	135.86
(1,289)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	8	135.86
(1,194)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	18	135.86
(1,658)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	13	135.71
(1,489)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	1	135.7
(1,219)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	15	135.7
(1,183)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	9	135.67
(1,201)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	4	135.66
(1,482)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	6	135.65
(1,399)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	5	135.65
(1,525)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	4	135.62
(1,555)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	9	135.6
(1,284)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	3	135.58
(1,579)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	13	135.51
(1,308)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	16	135.51
(1,455)	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	1:A:86:ARG:CD	14	135.42
(1,539)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	13	135.39
(1,470)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	14	135.37
(1,463)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	12	135.35
(1,386)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	12	135.33
(1,397)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	11	135.31
(1,397)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	20	135.31
(1,374)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	19	135.3
(1,662)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	11	135.26
(1,513)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	7	135.21
(1,373)	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	1:A:60:ARG:CD	11	135.2
(1,651)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	6	135.12
(1,249)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	11	135.1
(1,525)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	7	135.07
(1,520)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	7	135.06
(1,670)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	13	135.05
(1,586)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	20	135.05
(1,188)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	14	135.02
(1,533)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1	134.99

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,467)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	12	134.98
(1,274)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	16	134.96
(1,219)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	16	134.96
(1,463)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	2	134.95
(1,652)	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	1:A:150:ARG:CD	14	134.91
(1,622)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	16	134.91
(1,530)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	7	134.91
(1,509)	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	1:A:107:GLY:CA	1:A:107:GLY:C	20	134.9
(1,647)	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	1:A:148:ARG:CD	20	134.85
(1,490)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	16	134.73
(1,542)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	15	134.69
(1,167)	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	1:A:1:MET:SD	15	134.69
(1,478)	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	1:A:95:GLY:CA	1:A:95:GLY:C	17	134.68
(1,397)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	4	134.68
(1,536)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	12	134.64
(1,603)	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:CB	1:A:138:ASN:CG	6	134.63
(1,167)	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	1:A:1:MET:SD	16	134.63
(1,597)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	5	134.6
(1,167)	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	1:A:1:MET:SD	11	134.6
(1,311)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	9	134.57
(1,580)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	14	134.55
(1,669)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	3	134.54
(1,311)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	14	134.51
(1,397)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	9	134.5
(1,360)	1:A:54:SER:C	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	18	134.5
(1,222)	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	1:A:12:LYS:CD	7	134.49
(1,581)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	20	134.48
(1,658)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	20	134.46
(1,324)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	19	134.45
(1,267)	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	1:A:28:MET:SD	17	134.45
(1,221)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	6	134.38
(1,289)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	14	134.37
(1,267)	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	1:A:28:MET:SD	6	134.37
(1,471)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	6	134.36
(1,538)	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	1:A:117:MET:SD	9	134.35
(1,251)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	5	134.35
(1,267)	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	1:A:28:MET:SD	16	134.33
(1,652)	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	1:A:150:ARG:CD	1	134.32
(1,622)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	8	134.32
(1,386)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	13	134.31
(1,595)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	10	134.29
(1,560)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	6	134.29
(1,254)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	13	134.29
(1,488)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	13	134.26
(1,183)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	13	134.24
(1,221)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	14	134.23
(1,482)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	4	134.2
(1,255)	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	1:A:23:ARG:CD	6	134.2
(1,414)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	16	134.17
(1,255)	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	1:A:23:ARG:CD	17	134.17
(1,167)	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	1:A:1:MET:SD	5	134.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,189)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	17	134.12
(1,251)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	7	134.11
(1,515)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	1:A:109:ILE:N	6	134.1
(1,597)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	10	134.09
(1,281)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	6	134.09
(1,555)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	15	134.07
(1,525)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	13	134.06
(1,525)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	19	134.03
(1,495)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	14	134.03
(1,360)	1:A:54:SER:C	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	17	134.03
(1,167)	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	1:A:1:MET:SD	3	134.01
(1,552)	1:A:123:ASN:N	1:A:123:ASN:CA	1:A:123:ASN:CB	1:A:123:ASN:CG	9	133.99
(1,331)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	20	133.99
(1,652)	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	1:A:150:ARG:CD	10	133.95
(1,229)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	2	133.94
(1,388)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	7	133.92
(1,663)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	15	133.91
(1,538)	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	1:A:117:MET:SD	12	133.89
(1,535)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	1	133.85
(1,497)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	17	133.85
(1,311)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	13	133.85
(1,229)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	10	133.85
(1,360)	1:A:54:SER:C	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	3	133.82
(1,491)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	15	133.78
(1,495)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	12	133.75
(1,173)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	4	133.75
(1,317)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1	133.73
(1,533)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	12	133.72
(1,538)	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	1:A:117:MET:SD	4	133.71
(1,408)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	12	133.7
(1,219)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	5	133.68
(1,658)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	3	133.67
(1,311)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	8	133.67
(1,525)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	18	133.65
(1,472)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	16	133.64
(1,652)	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	1:A:150:ARG:CD	19	133.63
(1,495)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	2	133.63
(1,252)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	20	133.62
(1,579)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	4	133.6
(1,226)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	11	133.58
(1,267)	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	1:A:28:MET:SD	19	133.57
(1,252)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	2	133.57
(1,267)	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	1:A:28:MET:SD	8	133.54
(1,167)	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	1:A:1:MET:SD	17	133.54
(1,309)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	14	133.52
(1,405)	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	1:A:70:GLU:CD	14	133.51
(1,397)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	10	133.5
(1,251)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	3	133.49
(1,415)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	8	133.47
(1,586)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	2	133.46
(1,183)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	14	133.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,347)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	5	133.41
(1,251)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	1	133.4
(1,191)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	8	133.4
(1,471)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	19	133.37
(1,497)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	1	133.35
(1,255)	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	1:A:23:ARG:CD	15	133.33
(1,470)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	4	133.32
(1,311)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	17	133.32
(1,387)	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	1:A:64:MET:SD	20	133.29
(1,292)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	18	133.29
(1,167)	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	1:A:1:MET:SD	10	133.28
(1,534)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	16	133.25
(1,495)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	6	133.25
(1,294)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	12	133.24
(1,652)	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	1:A:150:ARG:CD	13	133.23
(1,533)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	17	133.21
(1,301)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	6	133.19
(1,360)	1:A:54:SER:C	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	11	133.17
(1,538)	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	1:A:117:MET:SD	19	133.15
(1,581)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	3	133.14
(1,659)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	8	133.12
(1,463)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	5	133.12
(1,289)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	20	133.12
(1,281)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	14	133.11
(1,505)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	18	133.07
(1,523)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	20	133.06
(1,515)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	1:A:109:ILE:N	18	133.06
(1,267)	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	1:A:28:MET:SD	1	133.06
(1,472)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	8	133.03
(1,581)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	11	133.02
(1,547)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	11	133.02
(1,208)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	18	133.02
(1,538)	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	1:A:117:MET:SD	7	133.01
(1,579)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	19	133.0
(1,526)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	9	132.98
(1,495)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	4	132.98
(1,284)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	6	132.96
(1,454)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	19	132.95
(1,495)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	3	132.94
(1,541)	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	1:A:118:LYS:CD	16	132.86
(1,311)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	20	132.86
(1,580)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	3	132.85
(1,249)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	19	132.85
(1,243)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	3	132.85
(1,293)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	2	132.84
(1,310)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	4	132.82
(1,284)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	2	132.82
(1,471)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	9	132.8
(1,581)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	9	132.78
(1,368)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	3	132.76
(1,497)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	8	132.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,466)	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	3	132.71
(1,167)	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	1:A:1:MET:SD	13	132.7
(1,414)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	2	132.69
(1,267)	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	1:A:28:MET:SD	20	132.68
(1,581)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	16	132.63
(1,324)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	14	132.61
(1,267)	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	1:A:28:MET:SD	13	132.6
(1,272)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	1	132.59
(1,267)	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	1:A:28:MET:SD	10	132.59
(1,664)	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	1:A:154:MET:SD	10	132.57
(1,495)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	19	132.57
(1,226)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	13	132.56
(1,310)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	8	132.48
(1,525)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	1	132.44
(1,509)	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	1:A:107:GLY:CA	1:A:107:GLY:C	5	132.42
(1,169)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	2	132.41
(1,652)	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	1:A:150:ARG:CD	12	132.4
(1,286)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	6	132.39
(1,489)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	5	132.37
(1,539)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	11	132.3
(1,226)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	4	132.29
(1,640)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	19	132.28
(1,472)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	13	132.25
(1,454)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	17	132.24
(1,681)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	16	132.2
(1,562)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	18	132.2
(1,586)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	7	132.14
(1,311)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	4	132.14
(1,293)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	9	132.13
(1,201)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	8	132.08
(1,466)	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	14	132.06
(1,300)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	2	132.06
(1,167)	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	1:A:1:MET:SD	4	132.03
(1,613)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	5	132.01
(1,267)	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	1:A:28:MET:SD	18	132.0
(1,472)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	3	131.99
(1,586)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	16	131.98
(1,317)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	14	131.98
(1,471)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	2	131.96
(1,527)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	2	131.94
(1,279)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	13	131.94
(1,311)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	7	131.93
(1,354)	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	1:A:51:LYS:CD	5	131.89
(1,542)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	2	131.87
(1,397)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	16	131.87
(1,293)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	1	131.87
(1,179)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	10	131.85
(1,467)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	9	131.84
(1,311)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	15	131.82
(1,562)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	1	131.81
(1,428)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	12	131.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,467)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	20	131.8
(1,651)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	16	131.78
(1,311)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	18	131.78
(1,664)	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	1:A:154:MET:SD	7	131.76
(1,166)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	14	131.76
(1,219)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	8	131.69
(1,581)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	7	131.68
(1,555)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	11	131.68
(1,518)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	6	131.64
(1,497)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	4	131.64
(1,379)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	11	131.63
(1,495)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	7	131.62
(1,266)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	1	131.62
(1,581)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	17	131.61
(1,509)	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	1:A:107:GLY:CA	1:A:107:GLY:C	1	131.61
(1,304)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:CB	1:A:41:ASP:CG	14	131.61
(1,243)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	8	131.59
(1,311)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	10	131.58
(1,220)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	10	131.58
(1,208)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	4	131.55
(1,579)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	11	131.54
(1,581)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	19	131.53
(1,312)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	1	131.51
(1,251)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	8	131.5
(1,373)	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	1:A:60:ARG:CD	12	131.47
(1,679)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	7	131.44
(1,647)	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	1:A:148:ARG:CD	9	131.43
(1,466)	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	9	131.42
(1,454)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	11	131.39
(1,289)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	12	131.39
(1,489)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	10	131.37
(1,682)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	3	131.33
(1,595)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	5	131.33
(1,497)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	14	131.32
(1,267)	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	1:A:28:MET:SD	15	131.32
(1,561)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	7	131.29
(1,685)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	1	131.24
(1,581)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	2	131.24
(1,167)	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	1:A:1:MET:SD	8	131.23
(1,648)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	2	131.19
(1,368)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	17	131.18
(1,539)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	3	131.16
(1,497)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	10	131.15
(1,472)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	20	131.13
(1,495)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	15	131.12
(1,397)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	5	131.11
(1,386)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	7	131.1
(1,518)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	3	131.09
(1,247)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	1	131.08
(1,664)	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	1:A:154:MET:SD	20	131.05
(1,581)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	12	131.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,219)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	17	130.99
(1,297)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	20	130.96
(1,399)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	13	130.95
(1,664)	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	1:A:154:MET:SD	12	130.93
(1,659)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	18	130.92
(1,360)	1:A:54:SER:C	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	6	130.92
(1,347)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	8	130.91
(1,542)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	20	130.89
(1,470)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	18	130.88
(1,542)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	11	130.86
(1,285)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	13	130.86
(1,673)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	5	130.85
(1,673)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	4	130.82
(1,387)	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	1:A:64:MET:SD	9	130.82
(1,670)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	10	130.79
(1,538)	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	1:A:117:MET:SD	13	130.73
(1,523)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	11	130.71
(1,241)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	3	130.71
(1,518)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	18	130.66
(1,518)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	16	130.65
(1,468)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	13	130.61
(1,495)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	5	130.6
(1,455)	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	1:A:86:ARG:CD	7	130.58
(1,515)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	1:A:109:ILE:N	16	130.57
(1,581)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	5	130.5
(1,389)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	2	130.48
(1,515)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	1:A:109:ILE:N	20	130.45
(1,311)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	11	130.44
(1,262)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	18	130.42
(1,310)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	17	130.4
(1,318)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	19	130.35
(1,354)	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	1:A:51:LYS:CD	3	130.33
(1,247)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	6	130.33
(1,579)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	8	130.29
(1,538)	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	1:A:117:MET:SD	11	130.29
(1,386)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	10	130.27
(1,267)	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	1:A:28:MET:SD	3	130.27
(1,518)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	8	130.26
(1,293)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	10	130.26
(1,300)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	15	130.25
(1,505)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	17	130.13
(1,372)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	20	130.12
(1,658)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	5	130.09
(1,478)	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	1:A:95:GLY:CA	1:A:95:GLY:C	12	130.08
(1,527)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	19	130.04
(1,524)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	2	130.03
(1,678)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	19	130.02
(1,218)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	3	130.01
(1,664)	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	1:A:154:MET:SD	4	129.99
(1,644)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	1:A:148:ARG:N	14	129.99
(1,466)	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	19	129.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,538)	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	1:A:117:MET:SD	1	129.97
(1,267)	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	1:A:28:MET:SD	12	129.95
(1,378)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	19	129.92
(1,505)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	11	129.91
(1,495)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1	129.91
(1,641)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	14	129.89
(1,594)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	20	129.89
(1,533)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	10	129.88
(1,315)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	4	129.83
(1,252)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	6	129.82
(1,505)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	15	129.78
(1,311)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	2	129.78
(1,489)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	12	129.74
(1,255)	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	1:A:23:ARG:CD	14	129.72
(1,372)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	4	129.68
(1,165)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	2	129.68
(1,467)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	3	129.67
(1,603)	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:CB	1:A:138:ASN:CG	20	129.65
(1,289)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	13	129.65
(1,576)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	7	129.62
(1,538)	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	1:A:117:MET:SD	8	129.61
(1,555)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	3	129.6
(1,579)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	15	129.57
(1,680)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	17	129.56
(1,274)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	14	129.56
(1,322)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	8	129.55
(1,289)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	1	129.54
(1,498)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	13	129.52
(1,293)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	13	129.5
(1,555)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	2	129.45
(1,495)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	8	129.43
(1,598)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	17	129.42
(1,593)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	14	129.41
(1,347)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	4	129.4
(1,300)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	5	129.39
(1,594)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	11	129.37
(1,526)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	5	129.36
(1,671)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	11	129.33
(1,246)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	20	129.29
(1,470)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	11	129.28
(1,394)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	10	129.27
(1,289)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	6	129.25
(1,281)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	4	129.23
(1,478)	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	1:A:95:GLY:CA	1:A:95:GLY:C	6	129.2
(1,686)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	2	129.19
(1,682)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	10	129.09
(1,289)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	16	129.07
(1,285)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	19	129.06
(1,657)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	14	128.97
(1,520)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	18	128.88
(1,547)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	4	128.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,433)	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	1:A:79:GLY:CA	1:A:79:GLY:C	13	128.81
(1,564)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	5	128.79
(1,322)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	20	128.77
(1,680)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	12	128.74
(1,301)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	4	128.73
(1,311)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	16	128.72
(1,314)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	7	128.71
(1,466)	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	2	128.7
(1,246)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	12	128.69
(1,218)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	19	128.68
(1,554)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	6	128.66
(1,603)	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:CB	1:A:138:ASN:CG	11	128.6
(1,562)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	9	128.59
(1,509)	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	1:A:107:GLY:CA	1:A:107:GLY:C	7	128.58
(1,495)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	10	128.5
(1,241)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	10	128.49
(1,347)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	11	128.46
(1,246)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	19	128.45
(1,676)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	4	128.44
(1,241)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	6	128.44
(1,169)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	15	128.44
(1,433)	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	1:A:79:GLY:CA	1:A:79:GLY:C	11	128.43
(1,354)	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	1:A:51:LYS:CD	20	128.42
(1,642)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	7	128.41
(1,267)	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	1:A:28:MET:SD	11	128.38
(1,661)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	18	128.37
(1,518)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	1	128.29
(1,595)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	1	128.27
(1,322)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	10	128.27
(1,506)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	1	128.24
(1,322)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	11	128.22
(1,641)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	4	128.2
(1,208)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	8	128.19
(1,322)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	2	128.18
(1,555)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	5	128.17
(1,467)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	8	128.14
(1,354)	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	1:A:51:LYS:CD	16	128.14
(1,661)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	11	128.04
(1,566)	1:A:128:SER:C	1:A:129:GLY:N	1:A:129:GLY:CA	1:A:129:GLY:C	19	128.02
(1,518)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	13	127.99
(1,241)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	8	127.99
(1,527)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	11	127.93
(1,509)	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	1:A:107:GLY:CA	1:A:107:GLY:C	17	127.93
(1,554)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	17	127.87
(1,336)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	2	127.85
(1,227)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	8	127.85
(1,243)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	5	127.79
(1,554)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	4	127.77
(1,647)	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	1:A:148:ARG:CD	15	127.74
(1,677)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	20	127.72
(1,312)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	19	127.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,340)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	6	127.64
(1,613)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	3	127.6
(1,309)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	20	127.58
(1,187)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	17	127.58
(1,523)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	10	127.51
(1,489)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	8	127.51
(1,315)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	5	127.5
(1,591)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	17	127.49
(1,373)	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	1:A:60:ARG:CD	14	127.49
(1,518)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	20	127.48
(1,685)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	18	127.44
(1,672)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	7	127.43
(1,594)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	2	127.4
(1,483)	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	1:A:96:LYS:CD	20	127.39
(1,527)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	7	127.37
(1,221)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	11	127.37
(1,562)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	20	127.36
(1,497)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	20	127.34
(1,542)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	18	127.29
(1,315)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	14	127.23
(1,427)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	9	127.21
(1,449)	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	4	127.11
(1,576)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	6	127.09
(1,311)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	12	127.09
(1,566)	1:A:128:SER:C	1:A:129:GLY:N	1:A:129:GLY:CA	1:A:129:GLY:C	16	127.07
(1,305)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	2	127.06
(1,408)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	18	127.05
(1,360)	1:A:54:SER:C	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	5	127.05
(1,415)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	1	127.03
(1,571)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	18	127.02
(1,354)	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	1:A:51:LYS:CD	4	127.02
(1,661)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	15	126.97
(1,247)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	13	126.93
(1,392)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	2	126.92
(1,526)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	17	126.91
(1,368)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	9	126.89
(1,399)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	16	126.85
(1,360)	1:A:54:SER:C	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	20	126.83
(1,539)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	7	126.76
(1,489)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	11	126.7
(1,262)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	7	126.7
(1,647)	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	1:A:148:ARG:CD	2	126.66
(1,518)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	10	126.6
(1,560)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	13	126.58
(1,531)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	11	126.56
(1,264)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	9	126.52
(1,521)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	12	126.49
(1,167)	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	1:A:1:MET:SD	1	126.49
(1,562)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	11	126.4
(1,293)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	7	126.4
(1,279)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	5	126.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,598)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	14	126.33
(1,264)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	3	126.29
(1,670)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	4	126.28
(1,455)	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	1:A:86:ARG:CD	10	126.24
(1,680)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	13	126.19
(1,453)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	18	126.19
(1,234)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	5	126.17
(1,642)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	12	126.07
(1,629)	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:C	18	126.05
(1,539)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	10	126.01
(1,664)	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	1:A:154:MET:SD	5	125.96
(1,585)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	17	125.92
(1,576)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	1	125.92
(1,275)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	18	125.9
(1,307)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	5	125.88
(1,505)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	19	125.83
(1,221)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	5	125.82
(1,526)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	10	125.75
(1,641)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1	125.74
(1,190)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	11	125.69
(1,622)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	20	125.64
(1,167)	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	1:A:1:MET:SD	18	125.64
(1,680)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	2	125.59
(1,581)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	1	125.58
(1,542)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	16	125.56
(1,322)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	15	125.52
(1,519)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	19	125.5
(1,234)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	8	125.48
(1,496)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	11	125.46
(1,488)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	2	125.42
(1,247)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	8	125.42
(1,397)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	13	125.41
(1,659)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	9	125.38
(1,392)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	18	125.38
(1,598)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	7	125.33
(1,518)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	11	125.33
(1,387)	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	1:A:64:MET:SD	18	125.3
(1,324)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	18	125.26
(1,181)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	20	125.24
(1,234)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	10	125.23
(1,354)	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	1:A:51:LYS:CD	1	125.22
(1,234)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	12	125.17
(1,336)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	6	125.15
(1,586)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	18	125.14
(1,267)	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	1:A:28:MET:SD	2	125.12
(1,591)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	10	125.09
(1,360)	1:A:54:SER:C	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	12	125.05
(1,224)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	10	125.04
(1,496)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	18	125.03
(1,234)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	6	124.97
(1,635)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	1	124.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,622)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	5	124.88
(1,292)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	3	124.88
(1,580)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	6	124.82
(1,382)	1:A:62:PHE:C	1:A:63:GLY:N	1:A:63:GLY:CA	1:A:63:GLY:C	14	124.81
(1,284)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	17	124.8
(1,538)	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	1:A:117:MET:SD	15	124.77
(1,267)	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	1:A:28:MET:SD	4	124.76
(1,234)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	14	124.75
(1,455)	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	1:A:86:ARG:CD	13	124.73
(1,278)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	17	124.73
(1,635)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	5	124.7
(1,247)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	5	124.63
(1,247)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	9	124.57
(1,683)	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	1:A:157:GLU:CD	14	124.4
(1,384)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	13	124.39
(1,181)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	13	124.34
(1,533)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	4	124.32
(1,466)	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	12	124.32
(1,466)	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	17	124.31
(1,531)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	15	124.3
(1,678)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	6	124.29
(1,541)	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	1:A:118:LYS:CD	8	124.29
(1,311)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	6	124.29
(1,519)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	14	124.28
(1,289)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	17	124.28
(1,267)	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	1:A:28:MET:SD	7	124.28
(1,280)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	2	124.25
(1,442)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	14	124.24
(1,652)	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	1:A:150:ARG:CD	17	124.17
(1,354)	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	1:A:51:LYS:CD	11	124.17
(1,509)	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	1:A:107:GLY:CA	1:A:107:GLY:C	4	124.16
(1,264)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	20	124.15
(1,455)	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	1:A:86:ARG:CD	2	124.13
(1,328)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	10	124.11
(1,580)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	9	124.08
(1,509)	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	1:A:107:GLY:CA	1:A:107:GLY:C	6	124.04
(1,268)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	13	123.98
(1,289)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	9	123.96
(1,168)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	2	123.96
(1,675)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	7	123.95
(1,264)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	17	123.94
(1,669)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	7	123.92
(1,534)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	4	123.92
(1,303)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	4	123.92
(1,661)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	6	123.82
(1,482)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	16	123.79
(1,441)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	5	123.79
(1,663)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	8	123.78
(1,427)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	13	123.78
(1,315)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	12	123.77
(1,234)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	4	123.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,515)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	1:A:109:ILE:N	8	123.76
(1,538)	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	1:A:117:MET:SD	20	123.75
(1,247)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	2	123.72
(1,427)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	19	123.61
(1,328)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	9	123.59
(1,639)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	7	123.58
(1,328)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	19	123.56
(1,643)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	5	123.51
(1,466)	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	15	123.51
(1,518)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	9	123.5
(1,602)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	14	123.47
(1,169)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	10	123.47
(1,538)	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	1:A:117:MET:SD	2	123.43
(1,664)	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	1:A:154:MET:SD	2	123.39
(1,515)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	1:A:109:ILE:N	19	123.35
(1,387)	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	1:A:64:MET:SD	2	123.33
(1,285)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	8	123.33
(1,468)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	11	123.32
(1,273)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	10	123.32
(1,218)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	11	123.32
(1,478)	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	1:A:95:GLY:CA	1:A:95:GLY:C	2	123.31
(1,388)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	6	123.31
(1,289)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	3	123.28
(1,300)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	3	123.21
(1,634)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	19	123.17
(1,602)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	7	123.17
(1,293)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	5	123.08
(1,595)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	18	123.07
(1,234)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	18	123.07
(1,199)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	2	123.07
(1,315)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	16	123.06
(1,322)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	13	123.03
(1,392)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	9	123.0
(1,675)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	10	122.99
(1,428)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	13	122.96
(1,234)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	1	122.96
(1,555)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	1	122.88
(1,591)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	13	122.86
(1,554)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	12	122.83
(1,478)	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	1:A:95:GLY:CA	1:A:95:GLY:C	4	122.82
(1,385)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	16	122.79
(1,603)	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:CB	1:A:138:ASN:CG	19	122.67
(1,234)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	15	122.61
(1,581)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	14	122.54
(1,656)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	2	122.53
(1,315)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	15	122.53
(1,249)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	18	122.48
(1,474)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	8	122.47
(1,322)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	14	122.46
(1,322)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	4	122.44
(1,664)	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	1:A:154:MET:SD	16	122.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,384)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	8	122.4
(1,234)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	19	122.4
(1,482)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	9	122.38
(1,515)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	1:A:109:ILE:N	12	122.33
(1,289)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	19	122.24
(1,518)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	15	122.19
(1,661)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	5	122.16
(1,478)	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	1:A:95:GLY:CA	1:A:95:GLY:C	1	122.16
(1,384)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	9	122.13
(1,267)	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	1:A:28:MET:SD	14	122.07
(1,509)	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	1:A:107:GLY:CA	1:A:107:GLY:C	16	122.05
(1,181)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	7	122.03
(1,234)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	7	121.96
(1,275)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	13	121.91
(1,242)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	12	121.89
(1,562)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	16	121.87
(1,535)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	5	121.87
(1,427)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	14	121.84
(1,382)	1:A:62:PHE:C	1:A:63:GLY:N	1:A:63:GLY:CA	1:A:63:GLY:C	11	121.77
(1,243)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	1	121.75
(1,286)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	7	121.74
(1,591)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	5	121.73
(1,537)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	3	121.72
(1,368)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	14	121.7
(1,307)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	19	121.67
(1,584)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	17	121.66
(1,467)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	2	121.62
(1,581)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	10	121.59
(1,243)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	15	121.53
(1,489)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	9	121.52
(1,519)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	17	121.44
(1,661)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	12	121.43
(1,532)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	16	121.38
(1,384)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	1	121.37
(1,249)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	12	121.35
(1,467)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	15	121.19
(1,390)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1	121.18
(1,525)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	15	121.13
(1,315)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	10	121.08
(1,526)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	4	121.06
(1,509)	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	1:A:107:GLY:CA	1:A:107:GLY:C	13	121.06
(1,408)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	10	120.95
(1,661)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	3	120.94
(1,340)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	17	120.93
(1,246)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	16	120.93
(1,387)	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	1:A:64:MET:SD	17	120.91
(1,307)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	13	120.91
(1,360)	1:A:54:SER:C	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1	120.9
(1,683)	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	1:A:157:GLU:CD	7	120.87
(1,340)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	11	120.87
(1,240)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	5	120.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,322)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	5	120.84
(1,328)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	13	120.83
(1,392)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	17	120.8
(1,190)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	3	120.79
(1,644)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	1:A:148:ARG:N	16	120.74
(1,647)	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	1:A:148:ARG:CD	14	120.7
(1,315)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	18	120.62
(1,594)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	4	120.48
(1,581)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	6	120.44
(1,644)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	1:A:148:ARG:N	20	120.41
(1,322)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	9	120.41
(1,661)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	17	120.4
(1,222)	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	1:A:12:LYS:CD	10	120.38
(1,489)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	14	120.28
(1,664)	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	1:A:154:MET:SD	17	120.27
(1,315)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	3	120.21
(1,315)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	13	120.21
(1,220)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	1	120.19
(1,623)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	10	120.17
(1,519)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	12	120.17
(1,398)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	15	120.16
(1,427)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	3	120.13
(1,667)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	14	120.11
(1,641)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	5	120.02
(1,503)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	2	119.98
(1,340)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	19	119.98
(1,639)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	3	119.9
(1,387)	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	1:A:64:MET:SD	4	119.89
(1,533)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	2	119.87
(1,541)	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	1:A:118:LYS:CD	12	119.86
(1,452)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	5	119.86
(1,664)	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	1:A:154:MET:SD	1	119.85
(1,675)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	11	119.74
(1,427)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	20	119.74
(1,310)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	12	119.65
(1,500)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	12	119.64
(1,676)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	7	119.57
(1,442)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	2	119.56
(1,647)	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	1:A:148:ARG:CD	17	119.51
(1,289)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	2	119.46
(1,427)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	16	119.44
(1,541)	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	1:A:118:LYS:CD	10	119.41
(1,661)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	16	119.36
(1,503)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	10	119.34
(1,503)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	13	119.34
(1,340)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	20	119.3
(1,387)	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	1:A:64:MET:SD	13	119.26
(1,527)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	12	119.23
(1,331)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	12	119.21
(1,452)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	8	119.19
(1,433)	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	1:A:79:GLY:CA	1:A:79:GLY:C	7	119.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,427)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	12	119.16
(1,340)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	2	119.11
(1,198)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	10	119.11
(1,173)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	17	119.07
(1,658)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	17	119.06
(1,602)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	15	118.99
(1,555)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	16	118.98
(1,360)	1:A:54:SER:C	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	14	118.92
(1,328)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	14	118.92
(1,479)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	12	118.9
(1,466)	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	7	118.89
(1,234)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	11	118.89
(1,554)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	19	118.86
(1,685)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	4	118.82
(1,481)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	17	118.78
(1,322)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	1	118.77
(1,241)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	9	118.68
(1,264)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	19	118.67
(1,264)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	8	118.66
(1,340)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	8	118.63
(1,288)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	7	118.62
(1,344)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	17	118.58
(1,323)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	4	118.58
(1,322)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	18	118.57
(1,268)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	18	118.52
(1,209)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	3	118.52
(1,670)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	5	118.5
(1,496)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	20	118.36
(1,174)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	14	118.31
(1,499)	1:A:103:ILE:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	11	118.28
(1,663)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	13	118.21
(1,281)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	11	118.19
(1,679)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	11	118.15
(1,445)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	7	118.15
(1,318)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	17	118.09
(1,629)	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:C	14	118.01
(1,466)	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	20	118.0
(1,639)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	13	117.99
(1,433)	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	1:A:79:GLY:CA	1:A:79:GLY:C	14	117.98
(1,322)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	6	117.95
(1,657)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	12	117.94
(1,280)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	7	117.89
(1,307)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	11	117.86
(1,452)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	6	117.85
(1,300)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	18	117.84
(1,294)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	14	117.81
(1,586)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	8	117.77
(1,287)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	10	117.74
(1,322)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	19	117.73
(1,361)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	2	117.72
(1,647)	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	1:A:148:ARG:CD	5	117.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,499)	1:A:103:ILE:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	18	117.7
(1,340)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	13	117.69
(1,447)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	10	117.68
(1,591)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	12	117.61
(1,427)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	6	117.58
(1,391)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	9	117.58
(1,340)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	15	117.56
(1,172)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	17	117.48
(1,661)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	2	117.47
(1,603)	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:CB	1:A:138:ASN:CG	16	117.47
(1,639)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	8	117.44
(1,328)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	8	117.43
(1,340)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	16	117.4
(1,391)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	5	117.39
(1,568)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	15	117.34
(1,328)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	2	117.29
(1,582)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	8	117.25
(1,360)	1:A:54:SER:C	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	15	117.25
(1,252)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	19	117.25
(1,559)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	2	117.23
(1,445)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	13	117.14
(1,185)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	5	117.12
(1,509)	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	1:A:107:GLY:CA	1:A:107:GLY:C	3	117.11
(1,243)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	7	117.1
(1,489)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	20	117.09
(1,361)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	13	117.08
(1,389)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	18	117.07
(1,328)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	18	117.03
(1,433)	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	1:A:79:GLY:CA	1:A:79:GLY:C	8	117.02
(1,639)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	6	117.01
(1,562)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	3	116.95
(1,275)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	5	116.93
(1,399)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	2	116.92
(1,478)	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	1:A:95:GLY:CA	1:A:95:GLY:C	19	116.9
(1,262)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	1	116.9
(1,678)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1	116.86
(1,582)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	4	116.84
(1,324)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	15	116.82
(1,264)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	2	116.82
(1,526)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	20	116.77
(1,252)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	11	116.76
(1,391)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	8	116.73
(1,427)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	4	116.71
(1,305)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	15	116.69
(1,399)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	17	116.63
(1,639)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	9	116.5
(1,427)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	8	116.5
(1,252)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	15	116.49
(1,463)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	20	116.46
(1,478)	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	1:A:95:GLY:CA	1:A:95:GLY:C	10	116.41
(1,478)	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	1:A:95:GLY:CA	1:A:95:GLY:C	20	116.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,172)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	9	116.29
(1,199)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	11	116.26
(1,388)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	3	116.25
(1,174)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	18	116.24
(1,360)	1:A:54:SER:C	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	19	116.2
(1,452)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	16	116.16
(1,361)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	19	116.13
(1,667)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	2	116.12
(1,686)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	8	116.11
(1,572)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	1	116.06
(1,686)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	15	116.01
(1,340)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	5	115.98
(1,264)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	1	115.98
(1,322)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	7	115.88
(1,270)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	19	115.83
(1,639)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	5	115.71
(1,284)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	18	115.71
(1,340)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	14	115.7
(1,384)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	19	115.61
(1,242)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	4	115.59
(1,361)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	11	115.58
(1,555)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	10	115.57
(1,667)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	13	115.56
(1,463)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	18	115.55
(1,664)	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	1:A:154:MET:SD	6	115.44
(1,447)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	7	115.43
(1,340)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	12	115.35
(1,190)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	14	115.35
(1,665)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	4	115.29
(1,503)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	3	115.29
(1,586)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	15	115.12
(1,328)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	17	115.12
(1,293)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	3	115.12
(1,360)	1:A:54:SER:C	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	2	115.09
(1,433)	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	1:A:79:GLY:CA	1:A:79:GLY:C	16	114.97
(1,601)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	2	114.96
(1,328)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	16	114.96
(1,503)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	6	114.86
(1,466)	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	18	114.85
(1,241)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	19	114.74
(1,496)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	17	114.72
(1,515)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	1:A:109:ILE:N	2	114.7
(1,515)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	1:A:109:ILE:N	11	114.68
(1,289)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	4	114.64
(1,379)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	8	114.63
(1,496)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	9	114.62
(1,668)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	19	114.61
(1,340)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	18	114.6
(1,360)	1:A:54:SER:C	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	10	114.58
(1,306)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	15	114.55
(1,466)	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	8	114.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,361)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	10	114.53
(1,303)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	14	114.48
(1,509)	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	1:A:107:GLY:CA	1:A:107:GLY:C	14	114.43
(1,332)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	2	114.39
(1,179)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	11	114.36
(1,447)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	12	114.33
(1,602)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	8	114.29
(1,479)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	10	114.29
(1,186)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	20	114.29
(1,598)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	15	114.28
(1,384)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	15	114.28
(1,433)	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	1:A:79:GLY:CA	1:A:79:GLY:C	17	114.22
(1,361)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	1	114.22
(1,609)	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	1:A:140:ALA:CA	1:A:140:ALA:C	17	114.12
(1,652)	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	1:A:150:ARG:CD	15	114.03
(1,307)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	14	114.03
(1,590)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	11	114.01
(1,328)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	6	114.01
(1,307)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	7	114.01
(1,647)	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	1:A:148:ARG:CD	1	113.98
(1,328)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	1	113.95
(1,315)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	11	113.92
(1,498)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	6	113.9
(1,498)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	15	113.9
(1,404)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	16	113.89
(1,675)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	4	113.88
(1,478)	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	1:A:95:GLY:CA	1:A:95:GLY:C	8	113.88
(1,661)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	1	113.81
(1,495)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	16	113.74
(1,241)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	13	113.72
(1,623)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	15	113.63
(1,303)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	8	113.62
(1,463)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	17	113.59
(1,466)	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	4	113.55
(1,361)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	18	113.5
(1,340)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	3	113.45
(1,686)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	11	113.41
(1,268)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	16	113.37
(1,391)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	13	113.29
(1,623)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	18	113.28
(1,515)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	1:A:109:ILE:N	9	113.25
(1,467)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	19	113.25
(1,667)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	10	113.24
(1,340)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	7	113.2
(1,361)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	4	113.18
(1,602)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	6	113.17
(1,361)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	3	113.14
(1,612)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	11	113.13
(1,589)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	8	113.08
(1,685)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	12	112.97
(1,467)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	16	112.97

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,467)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	17	112.93
(1,392)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	5	112.87
(1,665)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	7	112.81
(1,639)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	11	112.81
(1,548)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	3	112.77
(1,392)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	13	112.74
(1,466)	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	16	112.73
(1,303)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	5	112.56
(1,447)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	1	112.54
(1,644)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	1:A:148:ARG:N	18	112.47
(1,354)	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	1:A:51:LYS:CD	6	112.46
(1,612)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	14	112.38
(1,345)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	16	112.3
(1,591)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	19	112.17
(1,246)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	17	112.16
(1,252)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	16	112.07
(1,361)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	12	112.06
(1,621)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1	112.04
(1,452)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	14	112.02
(1,509)	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	1:A:107:GLY:CA	1:A:107:GLY:C	18	111.98
(1,452)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	9	111.95
(1,360)	1:A:54:SER:C	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	7	111.95
(1,509)	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	1:A:107:GLY:CA	1:A:107:GLY:C	15	111.94
(1,665)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	10	111.86
(1,515)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	1:A:109:ILE:N	17	111.8
(1,503)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	14	111.75
(1,394)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	12	111.75
(1,589)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	9	111.74
(1,273)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	11	111.74
(1,515)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	1:A:109:ILE:N	7	111.6
(1,322)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	16	111.56
(1,340)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	9	111.55
(1,388)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	17	111.5
(1,340)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	10	111.46
(1,340)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	1	111.43
(1,393)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	16	111.42
(1,635)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	3	111.36
(1,191)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	10	111.33
(1,169)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	13	111.33
(1,240)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	18	111.32
(1,664)	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	1:A:154:MET:SD	19	111.31
(1,192)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	15	111.31
(1,192)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	11	111.29
(1,187)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	6	111.27
(1,307)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	8	111.2
(1,320)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	6	111.19
(1,684)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	3	111.16
(1,328)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	5	111.15
(1,382)	1:A:62:PHE:C	1:A:63:GLY:N	1:A:63:GLY:CA	1:A:63:GLY:C	16	111.14
(1,598)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	20	111.06
(1,564)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	15	111.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,639)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	15	110.98
(1,389)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	7	110.98
(1,591)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	3	110.94
(1,360)	1:A:54:SER:C	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	13	110.89
(1,480)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	15	110.88
(1,548)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	18	110.85
(1,498)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	3	110.78
(1,668)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	18	110.66
(1,190)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	4	110.66
(1,667)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	3	110.6
(1,511)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	1	110.6
(1,515)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	1:A:109:ILE:N	15	110.55
(1,209)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	5	110.55
(1,433)	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	1:A:79:GLY:CA	1:A:79:GLY:C	15	110.54
(1,270)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	17	110.54
(1,644)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	1:A:148:ARG:N	19	110.5
(1,328)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	7	110.49
(1,532)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	7	110.43
(1,602)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	5	110.38
(1,185)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	2	110.38
(1,445)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	4	110.34
(1,623)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	2	110.32
(1,678)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	16	110.3
(1,447)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	13	110.29
(1,431)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	11	110.29
(1,602)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	20	110.28
(1,328)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	11	110.27
(1,264)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	6	110.27
(1,322)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	17	110.26
(1,358)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	6	110.21
(1,602)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	16	110.18
(1,395)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	14	110.17
(1,174)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	9	110.15
(1,661)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	10	110.13
(1,328)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	15	110.12
(1,270)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	11	110.1
(1,684)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	15	110.08
(1,322)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	3	110.08
(1,382)	1:A:62:PHE:C	1:A:63:GLY:N	1:A:63:GLY:CA	1:A:63:GLY:C	4	110.06
(1,221)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	13	110.06
(1,345)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	3	110.03
(1,665)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	13	109.99
(1,617)	1:A:141:GLU:C	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	12	109.91
(1,331)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	6	109.82
(1,684)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	19	109.76
(1,498)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	5	109.74
(1,264)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	4	109.67
(1,303)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	9	109.66
(1,179)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1	109.65
(1,644)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	1:A:148:ARG:N	11	109.6
(1,584)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	15	109.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,639)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	18	109.57
(1,328)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	4	109.55
(1,331)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	19	109.51
(1,589)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	3	109.5
(1,252)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	10	109.5
(1,345)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	14	109.49
(1,661)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	7	109.47
(1,468)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	18	109.47
(1,675)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	18	109.46
(1,506)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	12	109.45
(1,466)	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	10	109.36
(1,661)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	4	109.34
(1,673)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	12	109.31
(1,582)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	13	109.28
(1,268)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	14	109.28
(1,211)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	6	109.24
(1,621)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	17	109.18
(1,471)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	10	109.09
(1,564)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	2	109.04
(1,174)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	20	109.03
(1,390)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	3	109.0
(1,453)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	8	108.98
(1,174)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	11	108.97
(1,389)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	4	108.95
(1,452)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	4	108.91
(1,388)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	14	108.9
(1,433)	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	1:A:79:GLY:CA	1:A:79:GLY:C	9	108.89
(1,280)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	1	108.83
(1,187)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	12	108.8
(1,499)	1:A:103:ILE:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	19	108.76
(1,315)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	8	108.71
(1,680)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	8	108.69
(1,280)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	12	108.55
(1,373)	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	1:A:60:ARG:CD	3	108.5
(1,358)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	10	108.47
(1,315)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	17	108.45
(1,447)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	2	108.44
(1,589)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	4	108.42
(1,391)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	15	108.35
(1,548)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	16	108.29
(1,264)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	12	108.29
(1,431)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	7	108.27
(1,468)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	10	108.2
(1,252)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	18	108.15
(1,449)	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	5	108.12
(1,345)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	18	108.11
(1,345)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	2	107.93
(1,439)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	13	107.86
(1,673)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	18	107.85
(1,297)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	14	107.82
(1,361)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	20	107.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,650)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	11	107.77
(1,384)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	12	107.77
(1,511)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	14	107.68
(1,479)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	3	107.67
(1,384)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	5	107.66
(1,452)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	11	107.64
(1,548)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	7	107.59
(1,441)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	10	107.58
(1,389)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	14	107.57
(1,187)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	19	107.55
(1,643)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	2	107.43
(1,361)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	15	107.42
(1,564)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	11	107.4
(1,466)	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	5	107.37
(1,602)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	13	107.36
(1,447)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	9	107.33
(1,500)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	6	107.32
(1,384)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	16	107.32
(1,322)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	12	107.32
(1,629)	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:C	1	107.27
(1,612)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	4	107.27
(1,305)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1	107.27
(1,199)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	12	107.25
(1,463)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	1	107.24
(1,589)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	20	107.23
(1,449)	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	9	107.16
(1,306)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	2	107.12
(1,313)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	7	107.11
(1,170)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	4	107.06
(1,452)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	2	107.04
(1,466)	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1	107.02
(1,360)	1:A:54:SER:C	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	8	106.98
(1,173)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	15	106.95
(1,209)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	16	106.94
(1,466)	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	6	106.87
(1,661)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	9	106.83
(1,452)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	12	106.82
(1,328)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	3	106.8
(1,447)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	17	106.73
(1,293)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	18	106.71
(1,209)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	9	106.7
(1,427)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	17	106.67
(1,542)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	14	106.66
(1,413)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:PHE:N	11	106.63
(1,449)	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	19	106.58
(1,190)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	5	106.57
(1,389)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	13	106.51
(1,431)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	19	106.43
(1,623)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	11	106.42
(1,596)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	2	106.39
(1,452)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	3	106.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,220)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	4	106.34
(1,168)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1	106.34
(1,300)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	12	106.32
(1,413)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:PHE:N	15	106.31
(1,395)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	20	106.28
(1,392)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1	106.28
(1,591)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	20	106.22
(1,679)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	18	106.2
(1,500)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	3	106.17
(1,593)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	6	106.15
(1,667)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	20	106.08
(1,390)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	19	106.08
(1,431)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	16	106.05
(1,511)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	10	106.03
(1,382)	1:A:62:PHE:C	1:A:63:GLY:N	1:A:63:GLY:CA	1:A:63:GLY:C	13	105.97
(1,393)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	12	105.96
(1,515)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	1:A:109:ILE:N	3	105.92
(1,686)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	17	105.91
(1,564)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	8	105.91
(1,480)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	19	105.89
(1,686)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	6	105.81
(1,452)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	15	105.79
(1,413)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:PHE:N	7	105.76
(1,173)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	13	105.74
(1,361)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	5	105.73
(1,679)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	5	105.71
(1,480)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	7	105.69
(1,345)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	11	105.68
(1,620)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	4	105.64
(1,612)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	20	105.58
(1,639)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	19	105.57
(1,320)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	2	105.53
(1,540)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	5	105.44
(1,174)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	7	105.43
(1,232)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	16	105.4
(1,644)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	1:A:148:ARG:N	5	105.37
(1,209)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	7	105.35
(1,382)	1:A:62:PHE:C	1:A:63:GLY:N	1:A:63:GLY:CA	1:A:63:GLY:C	8	105.34
(1,667)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	4	105.33
(1,427)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	2	105.32
(1,639)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	14	105.31
(1,500)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	18	105.31
(1,509)	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	1:A:107:GLY:CA	1:A:107:GLY:C	10	105.29
(1,498)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	7	105.29
(1,358)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	19	105.14
(1,572)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	17	105.12
(1,360)	1:A:54:SER:C	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	16	105.1
(1,629)	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:C	9	105.09
(1,345)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	7	105.09
(1,539)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	4	105.06
(1,548)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	19	104.99

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,467)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	1	104.94
(1,673)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	3	104.87
(1,449)	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	6	104.87
(1,591)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	14	104.85
(1,384)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	18	104.74
(1,209)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	15	104.7
(1,199)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	13	104.66
(1,503)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	16	104.58
(1,644)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	1:A:148:ARG:N	10	104.57
(1,509)	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	1:A:107:GLY:CA	1:A:107:GLY:C	8	104.55
(1,439)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	11	104.53
(1,345)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	5	104.48
(1,602)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	12	104.47
(1,446)	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	1:A:83:GLY:CA	1:A:83:GLY:C	13	104.43
(1,481)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	15	104.4
(1,555)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	8	104.35
(1,187)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	18	104.34
(1,548)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	1	104.33
(1,548)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	12	104.33
(1,548)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	6	104.26
(1,503)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	4	104.24
(1,360)	1:A:54:SER:C	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	9	104.21
(1,191)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	1	104.21
(1,584)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	19	104.2
(1,511)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	20	104.2
(1,589)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	19	104.18
(1,478)	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	1:A:95:GLY:CA	1:A:95:GLY:C	5	104.15
(1,313)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	9	104.15
(1,190)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	9	104.09
(1,639)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	1	104.03
(1,180)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	12	103.99
(1,361)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	8	103.98
(1,199)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	20	103.96
(1,612)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	15	103.95
(1,621)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	3	103.94
(1,303)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	6	103.92
(1,592)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	6	103.85
(1,185)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	4	103.84
(1,273)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	5	103.76
(1,639)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	10	103.72
(1,199)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	7	103.64
(1,686)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	5	103.59
(1,623)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	19	103.46
(1,612)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	1	103.46
(1,450)	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	1:A:85:GLY:CA	1:A:85:GLY:C	3	103.42
(1,431)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	17	103.39
(1,303)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	10	103.38
(1,621)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	9	103.37
(1,398)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	12	103.36
(1,478)	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	1:A:95:GLY:CA	1:A:95:GLY:C	3	103.32
(1,623)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	14	103.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,661)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	13	103.23
(1,186)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	9	103.2
(1,433)	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	1:A:79:GLY:CA	1:A:79:GLY:C	19	103.18
(1,392)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	7	103.18
(1,548)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	8	103.17
(1,675)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	13	103.16
(1,293)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	8	103.16
(1,686)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	3	103.11
(1,452)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	10	103.11
(1,548)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	9	103.08
(1,272)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	4	103.07
(1,601)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	3	103.04
(1,686)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	10	102.99
(1,292)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	17	102.95
(1,468)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	14	102.83
(1,672)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	16	102.8
(1,639)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	20	102.77
(1,564)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	13	102.75
(1,511)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	15	102.72
(1,269)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	6	102.72
(1,358)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	1	102.65
(1,388)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	2	102.61
(1,667)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	6	102.59
(1,591)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	8	102.57
(1,395)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	17	102.54
(1,307)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	10	102.47
(1,303)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	7	102.44
(1,384)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	7	102.41
(1,511)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	11	102.4
(1,612)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	10	102.17
(1,361)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	16	102.16
(1,679)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	10	102.13
(1,622)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	6	102.12
(1,684)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	8	102.06
(1,391)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	7	102.06
(1,644)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	1:A:148:ARG:N	2	101.91
(1,209)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	2	101.91
(1,548)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	17	101.88
(1,591)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	7	101.83
(1,612)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	9	101.79
(1,548)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	2	101.79
(1,447)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	20	101.79
(1,413)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:PHE:N	13	101.74
(1,447)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	4	101.73
(1,589)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	16	101.66
(1,187)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	14	101.62
(1,675)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	6	101.61
(1,168)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	10	101.61
(1,467)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	6	101.55
(1,629)	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:C	2	101.52
(1,467)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	7	101.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,388)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	20	101.44
(1,174)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	1	101.44
(1,313)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	17	101.42
(1,180)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	11	101.4
(1,591)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	16	101.39
(1,589)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	13	101.35
(1,478)	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	1:A:95:GLY:CA	1:A:95:GLY:C	13	101.32
(1,361)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	7	101.3
(1,503)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	20	101.25
(1,511)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	3	101.24
(1,185)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	20	101.23
(1,563)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	3	101.19
(1,500)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	7	101.15
(1,468)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	5	101.12
(1,620)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	13	101.01
(1,273)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	16	101.01
(1,644)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	1:A:148:ARG:N	6	100.99
(1,665)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	5	100.94
(1,511)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	18	100.91
(1,170)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	5	100.85
(1,427)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	7	100.81
(1,564)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	18	100.75
(1,639)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	2	100.71
(1,673)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1	100.66
(1,440)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	6	100.63
(1,268)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	7	100.61
(1,617)	1:A:141:GLU:C	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	11	100.58
(1,612)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	12	100.53
(1,452)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	19	100.51
(1,448)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	3	100.45
(1,389)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	6	100.45
(1,555)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	14	100.43
(1,548)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	15	100.43
(1,345)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	9	100.41
(1,328)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	20	100.41
(1,431)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	13	100.34
(1,466)	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	11	100.32
(1,447)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	11	100.32
(1,548)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	5	100.17
(1,667)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	16	100.16
(1,667)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	19	100.08
(1,393)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	6	100.07
(1,173)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	5	100.02
(1,511)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	19	99.98
(1,548)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	10	99.95
(1,506)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	13	99.89
(1,527)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	16	99.88
(1,617)	1:A:141:GLU:C	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	7	99.83
(1,632)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	15	99.79
(1,192)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	4	99.74
(1,270)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	8	99.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,499)	1:A:103:ILE:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	10	99.72
(1,195)	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	1:A:6:GLN:CD	16	99.7
(1,442)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	8	99.68
(1,340)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	4	99.66
(1,199)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	14	99.62
(1,172)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	5	99.57
(1,644)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	1:A:148:ARG:N	15	99.52
(1,361)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	6	99.52
(1,345)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	8	99.41
(1,499)	1:A:103:ILE:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	15	99.4
(1,669)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	18	99.34
(1,564)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	9	99.33
(1,307)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	4	99.32
(1,431)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	8	99.24
(1,633)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	20	99.22
(1,500)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	1	99.22
(1,413)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:PHE:N	9	99.21
(1,552)	1:A:123:ASN:N	1:A:123:ASN:CA	1:A:123:ASN:CB	1:A:123:ASN:CG	16	99.17
(1,684)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	20	99.16
(1,303)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	16	99.12
(1,307)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	6	99.11
(1,452)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	17	99.05
(1,589)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	12	99.04
(1,564)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	19	99.02
(1,303)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	20	98.93
(1,548)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	14	98.87
(1,563)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	4	98.75
(1,190)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	19	98.75
(1,675)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	20	98.7
(1,384)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	14	98.68
(1,241)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	18	98.68
(1,179)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	5	98.67
(1,465)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	6	98.63
(1,427)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	11	98.6
(1,500)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	10	98.58
(1,449)	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	8	98.49
(1,672)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	11	98.46
(1,480)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	9	98.37
(1,559)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	5	98.36
(1,197)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	6	98.31
(1,390)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	16	98.26
(1,365)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	18	98.26
(1,661)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	14	98.24
(1,511)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	2	98.22
(1,541)	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	1:A:118:LYS:CD	6	98.16
(1,511)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	16	98.12
(1,431)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	14	98.08
(1,612)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	7	98.07
(1,467)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	4	98.07
(1,361)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	17	98.05
(1,633)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	5	98.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,449)	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	12	98.01
(1,413)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:PHE:N	5	97.95
(1,293)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	6	97.94
(1,345)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	19	97.88
(1,179)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	9	97.88
(1,358)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	9	97.85
(1,187)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	7	97.83
(1,449)	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	14	97.74
(1,320)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	19	97.67
(1,269)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	15	97.64
(1,548)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	20	97.59
(1,274)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	19	97.59
(1,564)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	10	97.55
(1,209)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	19	97.53
(1,408)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	15	97.52
(1,548)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	13	97.49
(1,389)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	8	97.49
(1,190)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1	97.49
(1,633)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	12	97.47
(1,358)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	20	97.45
(1,480)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	17	97.44
(1,600)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	8	97.36
(1,617)	1:A:141:GLU:C	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	6	97.26
(1,233)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	7	97.24
(1,209)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	17	97.22
(1,672)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	17	97.2
(1,449)	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	15	97.16
(1,466)	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	13	97.13
(1,480)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1	97.1
(1,503)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	18	96.97
(1,197)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	5	96.92
(1,478)	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	1:A:95:GLY:CA	1:A:95:GLY:C	7	96.9
(1,293)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	19	96.88
(1,209)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	18	96.83
(1,440)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	4	96.81
(1,452)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	7	96.74
(1,413)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:PHE:N	6	96.68
(1,675)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	17	96.6
(1,449)	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	17	96.6
(1,361)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	9	96.54
(1,391)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	12	96.48
(1,361)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	14	96.48
(1,449)	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	10	96.46
(1,666)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	15	96.43
(1,174)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	6	96.38
(1,447)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	18	96.36
(1,270)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	1	96.33
(1,594)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	3	96.32
(1,240)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	13	96.28
(1,439)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	16	96.27
(1,612)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	2	96.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,667)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	12	96.19
(1,639)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	16	96.16
(1,511)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	6	96.03
(1,408)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	14	95.98
(1,499)	1:A:103:ILE:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	8	95.96
(1,639)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	17	95.91
(1,313)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1	95.87
(1,433)	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	1:A:79:GLY:CA	1:A:79:GLY:C	1	95.85
(1,268)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	4	95.81
(1,350)	1:A:49:GLN:C	1:A:50:GLY:N	1:A:50:GLY:CA	1:A:50:GLY:C	4	95.76
(1,273)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	13	95.71
(1,427)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	10	95.7
(1,303)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	13	95.57
(1,584)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	8	95.55
(1,480)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	14	95.55
(1,307)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	3	95.51
(1,566)	1:A:128:SER:C	1:A:129:GLY:N	1:A:129:GLY:CA	1:A:129:GLY:C	4	95.5
(1,313)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	18	95.49
(1,448)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	6	95.48
(1,566)	1:A:128:SER:C	1:A:129:GLY:N	1:A:129:GLY:CA	1:A:129:GLY:C	1	95.44
(1,307)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	16	95.4
(1,669)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	19	95.39
(1,358)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	8	95.39
(1,293)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	15	95.38
(1,633)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	7	95.33
(1,240)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	19	95.26
(1,511)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	8	95.25
(1,445)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	14	95.25
(1,447)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	19	95.24
(1,612)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	8	95.11
(1,612)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	19	95.09
(1,511)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	17	95.06
(1,591)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	4	95.02
(1,232)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	3	95.02
(1,373)	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	1:A:60:ARG:CD	17	95.01
(1,185)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	13	95.01
(1,633)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	17	95.0
(1,598)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	6	94.99
(1,448)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	15	94.99
(1,315)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	2	94.98
(1,303)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	3	94.97
(1,672)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	19	94.95
(1,613)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	6	94.76
(1,679)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	4	94.75
(1,293)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	4	94.75
(1,500)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	13	94.74
(1,293)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	11	94.71
(1,328)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	12	94.65
(1,633)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	19	94.62
(1,465)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	7	94.56
(1,269)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	5	94.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,293)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	16	94.43
(1,307)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	9	94.42
(1,623)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	12	94.4
(1,199)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	6	94.38
(1,365)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	12	94.36
(1,433)	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	1:A:79:GLY:CA	1:A:79:GLY:C	20	94.33
(1,515)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	1:A:109:ILE:N	14	94.3
(1,365)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	7	94.27
(1,431)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	15	94.19
(1,478)	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	1:A:95:GLY:CA	1:A:95:GLY:C	18	94.17
(1,209)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	20	94.17
(1,197)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	4	94.13
(1,515)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	1:A:109:ILE:N	13	94.09
(1,633)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	11	94.08
(1,576)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	9	93.96
(1,564)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	12	93.92
(1,413)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:PHE:N	20	93.75
(1,199)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	18	93.73
(1,408)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	3	93.71
(1,503)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	1	93.68
(1,358)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	11	93.56
(1,257)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	4	93.54
(1,465)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	3	93.53
(1,181)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	16	93.53
(1,358)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	7	93.51
(1,515)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	1:A:109:ILE:N	1	93.45
(1,661)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	20	93.41
(1,600)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	19	93.41
(1,661)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	19	93.31
(1,597)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	13	93.3
(1,382)	1:A:62:PHE:C	1:A:63:GLY:N	1:A:63:GLY:CA	1:A:63:GLY:C	5	93.25
(1,373)	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	1:A:60:ARG:CD	8	93.21
(1,433)	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	1:A:79:GLY:CA	1:A:79:GLY:C	10	93.17
(1,679)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	1	93.15
(1,596)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1	93.09
(1,192)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	14	93.06
(1,499)	1:A:103:ILE:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	14	93.05
(1,548)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	11	93.02
(1,307)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	18	93.02
(1,427)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	18	93.01
(1,270)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	9	92.74
(1,433)	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	1:A:79:GLY:CA	1:A:79:GLY:C	3	92.7
(1,602)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	11	92.62
(1,584)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	3	92.61
(1,478)	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	1:A:95:GLY:CA	1:A:95:GLY:C	14	92.59
(1,446)	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	1:A:83:GLY:CA	1:A:83:GLY:C	4	92.53
(1,169)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	9	92.48
(1,564)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	1	92.43
(1,232)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	20	92.38
(1,499)	1:A:103:ILE:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	3	92.37
(1,173)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	10	92.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,665)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	9	92.25
(1,410)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	12	92.22
(1,439)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	2	92.18
(1,185)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	3	92.16
(1,656)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	12	92.06
(1,358)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	15	91.99
(1,358)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	14	91.97
(1,390)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	12	91.96
(1,431)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	20	91.94
(1,468)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	4	91.93
(1,345)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	4	91.93
(1,168)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	8	91.92
(1,540)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	17	91.91
(1,391)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1	91.86
(1,441)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	4	91.85
(1,590)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	2	91.82
(1,445)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	6	91.82
(1,591)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	9	91.79
(1,611)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	5	91.74
(1,209)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	10	91.74
(1,505)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	10	91.73
(1,647)	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	1:A:148:ARG:CD	18	91.72
(1,602)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	19	91.7
(1,413)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:PHE:N	4	91.63
(1,218)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	10	91.63
(1,500)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	8	91.62
(1,391)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	18	91.56
(1,168)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	7	91.56
(1,500)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	17	91.51
(1,433)	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	1:A:79:GLY:CA	1:A:79:GLY:C	2	91.51
(1,575)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	14	91.49
(1,384)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	20	91.49
(1,358)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	16	91.46
(1,465)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	19	91.44
(1,365)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	15	91.42
(1,345)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	12	91.42
(1,611)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	3	91.38
(1,293)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	20	91.37
(1,448)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	14	91.35
(1,392)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	14	91.34
(1,617)	1:A:141:GLU:C	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	18	91.32
(1,240)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	9	91.32
(1,602)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	18	91.3
(1,449)	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	16	91.17
(1,500)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	2	91.14
(1,479)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	8	91.11
(1,439)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	5	91.11
(1,232)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	2	91.0
(1,232)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	17	90.97
(1,390)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	17	90.94
(1,394)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	19	90.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,365)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	4	90.88
(1,674)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	5	90.85
(1,612)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	18	90.8
(1,313)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	4	90.8
(1,204)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	1:A:8:VAL:N	9	90.75
(1,511)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	9	90.72
(1,358)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	18	90.71
(1,209)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	8	90.67
(1,667)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1	90.62
(1,427)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	15	90.51
(1,358)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	17	90.51
(1,408)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	20	90.45
(1,185)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	15	90.41
(1,499)	1:A:103:ILE:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	20	90.21
(1,273)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	9	90.19
(1,197)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	11	90.17
(1,270)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	3	90.15
(1,305)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	19	90.03
(1,345)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	1	90.0
(1,640)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	5	89.98
(1,644)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	1:A:148:ARG:N	7	89.95
(1,358)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	5	89.92
(1,500)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	20	89.9
(1,500)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	5	89.86
(1,564)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	17	89.85
(1,478)	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	1:A:95:GLY:CA	1:A:95:GLY:C	16	89.83
(1,413)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:PHE:N	3	89.8
(1,499)	1:A:103:ILE:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	9	89.78
(1,457)	1:A:86:ARG:C	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:C	15	89.77
(1,591)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	1	89.72
(1,181)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	4	89.72
(1,639)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	4	89.71
(1,187)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	16	89.71
(1,181)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	18	89.68
(1,500)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	4	89.67
(1,633)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	14	89.61
(1,500)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	16	89.61
(1,204)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	1:A:8:VAL:N	5	89.61
(1,500)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	14	89.59
(1,503)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	8	89.54
(1,431)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	5	89.54
(1,197)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	15	89.54
(1,500)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	9	89.45
(1,449)	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	2	89.45
(1,480)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	6	89.25
(1,589)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	7	89.23
(1,633)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	9	89.21
(1,186)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	3	89.17
(1,241)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	5	89.14
(1,500)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	15	89.09
(1,566)	1:A:128:SER:C	1:A:129:GLY:N	1:A:129:GLY:CA	1:A:129:GLY:C	2	89.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,509)	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	1:A:107:GLY:CA	1:A:107:GLY:C	12	89.03
(1,500)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	19	89.01
(1,273)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	3	89.0
(1,686)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	20	88.96
(1,179)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	3	88.9
(1,467)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	5	88.88
(1,548)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	4	88.83
(1,584)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	12	88.77
(1,273)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	19	88.73
(1,365)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	10	88.72
(1,597)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	11	88.68
(1,499)	1:A:103:ILE:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1	88.67
(1,515)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	1:A:109:ILE:N	4	88.66
(1,500)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	11	88.66
(1,273)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	20	88.58
(1,589)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1	88.57
(1,345)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	13	88.57
(1,468)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	7	88.55
(1,576)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	14	88.51
(1,478)	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	1:A:95:GLY:CA	1:A:95:GLY:C	15	88.51
(1,584)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	4	88.48
(1,468)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	6	88.45
(1,365)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	2	88.44
(1,187)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	15	88.42
(1,388)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	4	88.35
(1,232)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	9	88.35
(1,667)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	17	88.34
(1,392)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	15	88.29
(1,506)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	10	88.27
(1,442)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	4	88.15
(1,602)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	10	88.14
(1,589)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	5	88.14
(1,633)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	2	88.11
(1,584)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	13	88.0
(1,382)	1:A:62:PHE:C	1:A:63:GLY:N	1:A:63:GLY:CA	1:A:63:GLY:C	12	87.97
(1,673)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	14	87.96
(1,174)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	16	87.88
(1,623)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	13	87.85
(1,204)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	1:A:8:VAL:N	6	87.85
(1,633)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	8	87.82
(1,411)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	12	87.78
(1,345)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	20	87.78
(1,198)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	19	87.73
(1,678)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	17	87.72
(1,685)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	7	87.68
(1,170)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	1	87.64
(1,511)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	4	87.63
(1,365)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	9	87.58
(1,315)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	19	87.57
(1,612)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	13	87.56
(1,320)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1	87.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,657)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	2	87.47
(1,683)	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	1:A:157:GLU:CD	17	87.46
(1,233)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	15	87.41
(1,440)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	20	87.37
(1,365)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	13	87.36
(1,199)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	4	87.36
(1,192)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	12	87.36
(1,612)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	6	87.34
(1,445)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	11	87.32
(1,672)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	20	87.27
(1,672)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	9	87.24
(1,499)	1:A:103:ILE:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	2	87.21
(1,445)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	12	87.19
(1,467)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	14	87.17
(1,393)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	10	87.15
(1,192)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	5	87.08
(1,678)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	13	86.92
(1,408)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1	86.82
(1,564)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	20	86.73
(1,190)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	15	86.66
(1,197)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	2	86.62
(1,313)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	8	86.59
(1,672)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	2	86.52
(1,633)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	6	86.49
(1,621)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	4	86.48
(1,365)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	17	86.47
(1,644)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	1:A:148:ARG:N	1	86.46
(1,665)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	19	86.45
(1,431)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	3	86.44
(1,444)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	19	86.4
(1,480)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	16	86.35
(1,168)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	14	86.35
(1,427)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	1	86.33
(1,345)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	15	86.29
(1,667)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	5	86.23
(1,511)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	5	86.15
(1,209)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	12	86.15
(1,668)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	7	86.08
(1,575)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	9	86.04
(1,168)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	13	86.01
(1,503)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	11	85.93
(1,197)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	3	85.92
(1,408)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	17	85.91
(1,445)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	17	85.84
(1,661)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	8	85.8
(1,499)	1:A:103:ILE:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	12	85.76
(1,209)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	13	85.71
(1,439)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	10	85.68
(1,602)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	1	85.53
(1,204)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	1:A:8:VAL:N	15	85.51
(1,584)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	2	85.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,449)	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	7	85.32
(1,179)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	6	85.31
(1,209)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	6	85.27
(1,614)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	6	85.24
(1,181)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	1	85.24
(1,597)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	12	85.12
(1,313)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	10	85.11
(1,305)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	3	85.1
(1,468)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	1	85.06
(1,395)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	16	85.05
(1,390)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	11	85.0
(1,303)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	18	85.0
(1,503)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	7	84.91
(1,389)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	15	84.91
(1,589)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	10	84.86
(1,445)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	10	84.83
(1,434)	1:A:79:GLY:C	1:A:80:GLY:N	1:A:80:GLY:CA	1:A:80:GLY:C	18	84.82
(1,192)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	16	84.76
(1,439)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1	84.73
(1,192)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	3	84.71
(1,449)	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	11	84.69
(1,504)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	5	84.63
(1,515)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	1:A:109:ILE:N	5	84.59
(1,204)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	1:A:8:VAL:N	12	84.57
(1,684)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	10	84.5
(1,448)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	16	84.5
(1,480)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	4	84.45
(1,306)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	1	84.4
(1,515)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	1:A:109:ILE:N	10	84.36
(1,511)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	12	84.36
(1,617)	1:A:141:GLU:C	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	9	84.35
(1,602)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	17	84.32
(1,504)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	9	84.31
(1,439)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	8	84.27
(1,640)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1	84.26
(1,478)	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	1:A:95:GLY:CA	1:A:95:GLY:C	11	84.19
(1,204)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	1:A:8:VAL:N	13	84.17
(1,448)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	8	84.09
(1,633)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	16	84.04
(1,276)	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	1:A:30:GLU:CD	14	83.79
(1,598)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	2	83.78
(1,408)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	4	83.74
(1,305)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	11	83.71
(1,170)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	7	83.68
(1,673)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	6	83.64
(1,198)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	5	83.63
(1,394)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	20	83.5
(1,389)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	5	83.5
(1,272)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	8	83.5
(1,559)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	13	83.42
(1,478)	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	1:A:95:GLY:CA	1:A:95:GLY:C	9	83.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,445)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	9	83.42
(1,392)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	11	83.36
(1,405)	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	1:A:70:GLU:CD	9	83.25
(1,434)	1:A:79:GLY:C	1:A:80:GLY:N	1:A:80:GLY:CA	1:A:80:GLY:C	6	83.22
(1,181)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	15	83.21
(1,684)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	13	83.2
(1,365)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	8	83.11
(1,583)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	14	83.01
(1,187)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	8	82.99
(1,197)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	13	82.97
(1,365)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	5	82.91
(1,633)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	4	82.87
(1,365)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	16	82.87
(1,431)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	9	82.79
(1,439)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	18	82.78
(1,408)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	19	82.75
(1,563)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	16	82.74
(1,303)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	11	82.71
(1,408)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	9	82.61
(1,413)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:PHE:N	2	82.6
(1,192)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	13	82.55
(1,275)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	19	82.41
(1,601)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	9	82.36
(1,169)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	3	82.36
(1,433)	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	1:A:79:GLY:CA	1:A:79:GLY:C	18	82.28
(1,204)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	1:A:8:VAL:N	11	82.27
(1,360)	1:A:54:SER:C	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	4	82.22
(1,431)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	12	82.17
(1,226)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	8	82.15
(1,511)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	7	82.07
(1,186)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	4	82.07
(1,240)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	8	82.01
(1,440)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	19	81.84
(1,408)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	6	81.82
(1,640)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	4	81.8
(1,467)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	10	81.8
(1,395)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	10	81.73
(1,240)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	6	81.56
(1,240)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	10	81.51
(1,197)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1	81.51
(1,302)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	19	81.5
(1,487)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	7	81.47
(1,365)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	20	81.38
(1,233)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	5	81.38
(1,597)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	8	81.35
(1,566)	1:A:128:SER:C	1:A:129:GLY:N	1:A:129:GLY:CA	1:A:129:GLY:C	17	81.34
(1,665)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	14	81.33
(1,602)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	4	81.31
(1,392)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	8	81.3
(1,181)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	8	81.29
(1,445)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	20	81.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,584)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	18	81.23
(1,345)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	6	81.23
(1,644)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	1:A:148:ARG:N	3	81.14
(1,409)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	16	81.11
(1,589)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	2	81.09
(1,233)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	13	81.09
(1,181)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	10	81.08
(1,485)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	15	81.04
(1,656)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	14	81.03
(1,446)	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	1:A:83:GLY:CA	1:A:83:GLY:C	7	81.03
(1,358)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	4	81.01
(1,314)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	9	81.0
(1,617)	1:A:141:GLU:C	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	14	80.91
(1,445)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	15	80.89
(1,439)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	3	80.89
(1,273)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	12	80.87
(1,479)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	11	80.83
(1,632)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	13	80.82
(1,469)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	11	80.72
(1,389)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	20	80.72
(1,665)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	2	80.66
(1,365)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	3	80.65
(1,480)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	18	80.61
(1,592)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	14	80.59
(1,509)	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	1:A:107:GLY:CA	1:A:107:GLY:C	9	80.53
(1,467)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	18	80.53
(1,192)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	17	80.52
(1,190)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	6	80.48
(1,197)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	9	80.46
(1,272)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	15	80.43
(1,431)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	4	80.38
(1,358)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	13	80.38
(1,391)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	16	80.33
(1,441)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	8	80.32
(1,678)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	15	80.3
(1,232)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	6	80.21
(1,620)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	16	80.18
(1,640)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	14	80.11
(1,505)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	13	80.11
(1,552)	1:A:123:ASN:N	1:A:123:ASN:CA	1:A:123:ASN:CB	1:A:123:ASN:CG	11	80.05
(1,684)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	12	79.95
(1,169)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	12	79.95
(1,503)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	17	79.93
(1,273)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	6	79.78
(1,439)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	9	79.72
(1,204)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	1:A:8:VAL:N	18	79.67
(1,665)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	15	79.63
(1,198)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	8	79.62
(1,302)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	12	79.61
(1,408)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	11	79.58
(1,533)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	7	79.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,440)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	17	79.49
(1,384)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	4	79.49
(1,408)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	8	79.47
(1,487)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1	79.44
(1,358)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	2	79.3
(1,240)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	3	79.29
(1,232)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	12	79.25
(1,633)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	10	79.19
(1,469)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	18	79.12
(1,632)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	3	79.07
(1,358)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	12	79.06
(1,509)	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	1:A:107:GLY:CA	1:A:107:GLY:C	11	78.96
(1,584)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	11	78.89
(1,617)	1:A:141:GLU:C	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	1	78.86
(1,191)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	19	78.85
(1,273)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	2	78.77
(1,365)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	14	78.71
(1,452)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	1	78.7
(1,485)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	17	78.68
(1,584)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	5	78.58
(1,480)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	20	78.58
(1,465)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	10	78.51
(1,390)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	9	78.43
(1,219)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	10	78.37
(1,365)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	19	78.32
(1,168)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	12	78.29
(1,391)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	19	78.26
(1,358)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	3	78.1
(1,539)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	17	78.09
(1,316)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	14	78.02
(1,382)	1:A:62:PHE:C	1:A:63:GLY:N	1:A:63:GLY:CA	1:A:63:GLY:C	1	78.01
(1,583)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	10	77.96
(1,232)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	1	77.92
(1,583)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	20	77.81
(1,169)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	14	77.77
(1,641)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	19	77.72
(1,227)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	4	77.71
(1,408)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	2	77.69
(1,179)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	8	77.69
(1,227)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	13	77.44
(1,171)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:CB	1:A:2:ASP:CG	10	77.44
(1,388)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	19	77.43
(1,431)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	18	77.32
(1,273)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	7	77.29
(1,644)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	1:A:148:ARG:N	9	77.28
(1,431)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	2	77.27
(1,174)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	2	77.26
(1,485)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	16	77.24
(1,168)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	17	77.16
(1,198)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	17	77.14
(1,440)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	15	77.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,468)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	17	77.07
(1,394)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	17	77.07
(1,209)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	11	77.06
(1,468)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	16	77.03
(1,503)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	15	76.97
(1,499)	1:A:103:ILE:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	16	76.97
(1,383)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	10	76.88
(1,468)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	19	76.75
(1,633)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	18	76.69
(1,469)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	4	76.68
(1,295)	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	1:A:36:GLU:CD	4	76.66
(1,446)	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	1:A:83:GLY:CA	1:A:83:GLY:C	17	76.64
(1,598)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	19	76.6
(1,480)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	2	76.56
(1,198)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	9	76.51
(1,584)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	7	76.48
(1,408)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	5	76.46
(1,256)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	4	76.46
(1,273)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	17	76.45
(1,227)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	11	76.42
(1,210)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	14	76.42
(1,552)	1:A:123:ASN:N	1:A:123:ASN:CA	1:A:123:ASN:CB	1:A:123:ASN:CG	2	76.41
(1,365)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	6	76.4
(1,214)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	8	76.4
(1,431)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	6	76.27
(1,316)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1	76.27
(1,302)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	15	76.18
(1,673)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	10	76.17
(1,395)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	4	76.11
(1,168)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	3	76.11
(1,408)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	7	76.08
(1,439)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	12	76.06
(1,577)	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	1:A:133:GLU:CD	7	76.05
(1,171)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:CB	1:A:2:ASP:CG	1	76.02
(1,174)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	3	75.99
(1,445)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	1	75.98
(1,559)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	6	75.71
(1,530)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	15	75.7
(1,170)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	18	75.61
(1,482)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	15	75.6
(1,617)	1:A:141:GLU:C	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	13	75.54
(1,668)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	3	75.46
(1,431)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	10	75.36
(1,388)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	15	75.33
(1,431)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	1	75.25
(1,388)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	5	75.23
(1,445)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	16	75.19
(1,584)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	1	75.17
(1,269)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	10	75.1
(1,382)	1:A:62:PHE:C	1:A:63:GLY:N	1:A:63:GLY:CA	1:A:63:GLY:C	18	75.02
(1,564)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	6	74.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,197)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	7	74.92
(1,571)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	17	74.88
(1,430)	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	1:A:78:GLU:CD	17	74.83
(1,457)	1:A:86:ARG:C	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:C	8	74.69
(1,187)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	13	74.69
(1,232)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	19	74.67
(1,469)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	14	74.63
(1,382)	1:A:62:PHE:C	1:A:63:GLY:N	1:A:63:GLY:CA	1:A:63:GLY:C	20	74.58
(1,190)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	13	74.56
(1,181)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	3	74.54
(1,600)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	12	74.37
(1,214)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	10	74.37
(1,285)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	18	74.29
(1,209)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1	74.25
(1,632)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	1	74.22
(1,232)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	11	74.22
(1,382)	1:A:62:PHE:C	1:A:63:GLY:N	1:A:63:GLY:CA	1:A:63:GLY:C	19	74.12
(1,192)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	6	74.12
(1,232)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	4	74.11
(1,445)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	5	74.07
(1,559)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	17	74.02
(1,168)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	4	74.01
(1,439)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	7	73.88
(1,668)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	17	73.8
(1,302)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	17	73.76
(1,276)	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	1:A:30:GLU:CD	4	73.73
(1,683)	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	1:A:157:GLU:CD	4	73.69
(1,595)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	3	73.68
(1,639)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	12	73.67
(1,221)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	4	73.66
(1,666)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	9	73.59
(1,405)	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	1:A:70:GLU:CD	18	73.56
(1,447)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	5	73.52
(1,590)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	6	73.51
(1,393)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	20	73.51
(1,485)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	14	73.47
(1,593)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	16	73.46
(1,446)	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	1:A:83:GLY:CA	1:A:83:GLY:C	20	73.46
(1,426)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	5	73.45
(1,530)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	11	73.44
(1,522)	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	1:A:110:GLU:CD	2	73.41
(1,599)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:CB	1:A:137:ASP:CG	10	73.35
(1,615)	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	1:A:141:GLU:CD	16	73.34
(1,260)	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	1:A:25:GLN:CD	6	73.33
(1,313)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	16	73.32
(1,672)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	8	73.29
(1,413)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:PHE:N	1	73.28
(1,405)	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	1:A:70:GLU:CD	5	73.28
(1,382)	1:A:62:PHE:C	1:A:63:GLY:N	1:A:63:GLY:CA	1:A:63:GLY:C	9	73.23
(1,599)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:CB	1:A:137:ASP:CG	20	73.21
(1,640)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	17	73.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,268)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	20	73.02
(1,232)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	10	72.88
(1,499)	1:A:103:ILE:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	4	72.86
(1,304)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:CB	1:A:41:ASP:CG	20	72.85
(1,232)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	8	72.74
(1,564)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	7	72.73
(1,450)	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	1:A:85:GLY:CA	1:A:85:GLY:C	16	72.72
(1,320)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	20	72.69
(1,499)	1:A:103:ILE:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	13	72.68
(1,469)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	19	72.67
(1,204)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	1:A:8:VAL:N	19	72.5
(1,442)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	10	72.42
(1,685)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	16	72.3
(1,469)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	13	72.29
(1,509)	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	1:A:107:GLY:CA	1:A:107:GLY:C	19	72.28
(1,342)	1:A:47:ALA:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	1	72.27
(1,589)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	14	72.24
(1,651)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	11	72.23
(1,590)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	18	72.23
(1,597)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	18	72.18
(1,296)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	14	72.18
(1,480)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	13	72.17
(1,499)	1:A:103:ILE:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	6	72.03
(1,413)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:PHE:N	8	72.03
(1,344)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	10	72.0
(1,584)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	9	71.99
(1,509)	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	1:A:107:GLY:CA	1:A:107:GLY:C	2	71.96
(1,430)	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	1:A:78:GLU:CD	6	71.78
(1,584)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	16	71.76
(1,232)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	14	71.68
(1,612)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	16	71.65
(1,226)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	19	71.62
(1,272)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	18	71.54
(1,197)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	12	71.5
(1,583)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	6	71.47
(1,479)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	5	71.47
(1,593)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	15	71.38
(1,429)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	1	71.37
(1,190)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	17	71.22
(1,433)	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	1:A:79:GLY:CA	1:A:79:GLY:C	4	71.18
(1,600)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	7	71.16
(1,559)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	12	71.16
(1,499)	1:A:103:ILE:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	5	71.14
(1,232)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	18	71.11
(1,444)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	18	71.06
(1,384)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	2	71.06
(1,454)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	8	71.02
(1,209)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	4	71.02
(1,563)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	14	71.01
(1,667)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	8	70.96
(1,439)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	14	70.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,186)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	5	70.79
(1,303)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	2	70.78
(1,450)	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	1:A:85:GLY:CA	1:A:85:GLY:C	15	70.77
(1,212)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	6	70.76
(1,316)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	11	70.75
(1,640)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	12	70.72
(1,430)	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	1:A:78:GLU:CD	14	70.69
(1,487)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	6	70.64
(1,505)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	12	70.55
(1,675)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	12	70.53
(1,170)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	17	70.49
(1,469)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	16	70.44
(1,409)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	13	70.44
(1,504)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	19	70.42
(1,413)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:PHE:N	17	70.42
(1,226)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	12	70.41
(1,626)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	17	70.39
(1,224)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	12	70.35
(1,365)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	1	70.32
(1,302)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	1	70.32
(1,245)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	6	70.23
(1,412)	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	1:A:72:GLU:CD	16	70.16
(1,532)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	2	70.13
(1,526)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	16	70.12
(1,272)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	14	70.11
(1,192)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	9	70.1
(1,226)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	16	70.07
(1,304)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:CB	1:A:41:ASP:CG	11	70.05
(1,329)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	15	70.02
(1,429)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	10	70.01
(1,665)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	3	69.94
(1,220)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	13	69.94
(1,304)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:CB	1:A:41:ASP:CG	19	69.9
(1,191)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	9	69.9
(1,273)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	14	69.89
(1,391)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	3	69.84
(1,320)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	11	69.84
(1,566)	1:A:128:SER:C	1:A:129:GLY:N	1:A:129:GLY:CA	1:A:129:GLY:C	10	69.82
(1,405)	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	1:A:70:GLU:CD	13	69.69
(1,171)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:CB	1:A:2:ASP:CG	6	69.69
(1,303)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	1	69.68
(1,559)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	10	69.64
(1,627)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	5	69.6
(1,554)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	14	69.57
(1,408)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	13	69.56
(1,169)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	17	69.51
(1,559)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	14	69.49
(1,224)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	18	69.48
(1,674)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	12	69.47
(1,371)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	14	69.4
(1,225)	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	1:A:13:GLU:CD	10	69.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,195)	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	1:A:6:GLN:CD	11	69.37
(1,469)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	20	69.35
(1,449)	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	3	69.35
(1,302)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	2	69.22
(1,187)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	5	69.21
(1,226)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	9	69.2
(1,276)	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	1:A:30:GLU:CD	18	69.1
(1,440)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	14	69.08
(1,644)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	1:A:148:ARG:N	4	69.07
(1,666)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	8	69.04
(1,600)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	15	69.02
(1,226)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	10	69.01
(1,564)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	14	68.99
(1,210)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	4	68.98
(1,383)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	2	68.94
(1,233)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	18	68.89
(1,334)	1:A:45:LEU:C	1:A:46:LEU:N	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:C	9	68.85
(1,468)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	15	68.81
(1,640)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	7	68.66
(1,325)	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	1:A:44:GLN:CD	18	68.66
(1,634)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	3	68.64
(1,533)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	16	68.62
(1,413)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:PHE:N	16	68.6
(1,584)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	6	68.53
(1,480)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	5	68.53
(1,273)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	18	68.46
(1,443)	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	1:A:82:GLU:CD	5	68.43
(1,469)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	6	68.41
(1,468)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	2	68.38
(1,611)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	16	68.35
(1,320)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	15	68.35
(1,429)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	18	68.33
(1,233)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	14	68.32
(1,596)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	8	68.27
(1,171)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:CB	1:A:2:ASP:CG	16	68.26
(1,583)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	16	68.24
(1,445)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	8	68.21
(1,316)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	20	68.21
(1,485)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	4	68.12
(1,204)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	1:A:8:VAL:N	8	68.12
(1,600)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	13	68.1
(1,672)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	15	68.05
(1,583)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	9	68.01
(1,345)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	10	68.0
(1,394)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	6	67.99
(1,559)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	19	67.94
(1,593)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	7	67.93
(1,320)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	8	67.9
(1,617)	1:A:141:GLU:C	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	2	67.89
(1,479)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	13	67.83
(1,598)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	18	67.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,197)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	8	67.78
(1,591)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	18	67.77
(1,485)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	2	67.76
(1,566)	1:A:128:SER:C	1:A:129:GLY:N	1:A:129:GLY:CA	1:A:129:GLY:C	8	67.74
(1,686)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	16	67.7
(1,457)	1:A:86:ARG:C	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:C	16	67.69
(1,168)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	18	67.63
(1,592)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	17	67.58
(1,413)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:PHE:N	19	67.58
(1,365)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	11	67.54
(1,446)	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	1:A:83:GLY:CA	1:A:83:GLY:C	11	67.48
(1,552)	1:A:123:ASN:N	1:A:123:ASN:CA	1:A:123:ASN:CB	1:A:123:ASN:CG	10	67.46
(1,599)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:CB	1:A:137:ASP:CG	5	67.36
(1,395)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	11	67.35
(1,563)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	7	67.27
(1,559)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	18	67.26
(1,233)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	8	67.26
(1,329)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1	67.23
(1,668)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	14	67.17
(1,225)	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	1:A:13:GLU:CD	7	67.17
(1,168)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	6	67.17
(1,233)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	10	67.12
(1,294)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	17	67.05
(1,373)	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	1:A:60:ARG:CD	15	67.03
(1,656)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	8	66.9
(1,552)	1:A:123:ASN:N	1:A:123:ASN:CA	1:A:123:ASN:CB	1:A:123:ASN:CG	14	66.86
(1,636)	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	1:A:146:GLN:CD	18	66.81
(1,668)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	9	66.8
(1,673)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	13	66.74
(1,467)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	11	66.68
(1,284)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	8	66.67
(1,499)	1:A:103:ILE:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	7	66.61
(1,427)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	5	66.55
(1,591)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	6	66.49
(1,392)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	20	66.49
(1,448)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	5	66.48
(1,372)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	9	66.47
(1,566)	1:A:128:SER:C	1:A:129:GLY:N	1:A:129:GLY:CA	1:A:129:GLY:C	5	66.45
(1,667)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	9	66.41
(1,644)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	1:A:148:ARG:N	8	66.41
(1,171)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:CB	1:A:2:ASP:CG	2	66.39
(1,240)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	16	66.36
(1,638)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	12	66.33
(1,559)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	9	66.3
(1,444)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	3	66.27
(1,303)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	17	66.24
(1,334)	1:A:45:LEU:C	1:A:46:LEU:N	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:C	15	66.22
(1,446)	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	1:A:83:GLY:CA	1:A:83:GLY:C	1	66.16
(1,682)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	1	66.15
(1,440)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	7	66.12
(1,403)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	16	66.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,570)	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	1:A:130:GLU:CD	15	65.99
(1,429)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	2	65.9
(1,233)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	4	65.89
(1,550)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	7	65.88
(1,191)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	6	65.88
(1,589)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	15	65.87
(1,678)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	2	65.86
(1,382)	1:A:62:PHE:C	1:A:63:GLY:N	1:A:63:GLY:CA	1:A:63:GLY:C	6	65.86
(1,589)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	18	65.82
(1,469)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	9	65.79
(1,633)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	1	65.78
(1,233)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	11	65.78
(1,210)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1	65.75
(1,225)	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	1:A:13:GLU:CD	2	65.7
(1,225)	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	1:A:13:GLU:CD	15	65.69
(1,532)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	4	65.68
(1,554)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	8	65.65
(1,627)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	6	65.62
(1,487)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	13	65.61
(1,430)	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	1:A:78:GLU:CD	16	65.61
(1,434)	1:A:79:GLY:C	1:A:80:GLY:N	1:A:80:GLY:CA	1:A:80:GLY:C	10	65.59
(1,329)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	20	65.59
(1,444)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	2	65.58
(1,350)	1:A:49:GLN:C	1:A:50:GLY:N	1:A:50:GLY:CA	1:A:50:GLY:C	18	65.54
(1,195)	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	1:A:6:GLN:CD	3	65.53
(1,429)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	15	65.51
(1,268)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	19	65.51
(1,599)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:CB	1:A:137:ASP:CG	6	65.48
(1,486)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	18	65.47
(1,401)	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	1:A:69:PHE:CD1	19	65.46
(1,225)	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	1:A:13:GLU:CD	8	65.46
(1,180)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	3	65.46
(1,678)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	9	65.45
(1,573)	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	1:A:132:TYR:CD1	5	65.41
(1,204)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	1:A:8:VAL:N	14	65.41
(1,378)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	8	65.37
(1,288)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	4	65.36
(1,305)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	16	65.35
(1,656)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	13	65.33
(1,233)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	19	65.33
(1,186)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	13	65.31
(1,279)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	17	65.27
(1,298)	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	1:A:39:TYR:CD1	10	65.21
(1,285)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	17	65.2
(1,592)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1	65.18
(1,531)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	7	65.09
(1,563)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	6	65.02
(1,421)	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	1:A:75:PHE:CD1	12	64.95
(1,540)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	4	64.94
(1,401)	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	1:A:69:PHE:CD1	4	64.91
(1,270)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	10	64.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,665)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	16	64.89
(1,585)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	15	64.88
(1,528)	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	1:A:113:TYR:CD1	6	64.84
(1,202)	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	1:A:7:PHE:CD1	4	64.84
(1,583)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	1	64.83
(1,304)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:CB	1:A:41:ASP:CG	17	64.78
(1,325)	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	1:A:44:GLN:CD	3	64.76
(1,350)	1:A:49:GLN:C	1:A:50:GLY:N	1:A:50:GLY:CA	1:A:50:GLY:C	15	64.71
(1,430)	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	1:A:78:GLU:CD	8	64.69
(1,282)	1:A:31:LEU:C	1:A:32:GLY:N	1:A:32:GLY:CA	1:A:32:GLY:C	5	64.69
(1,423)	1:A:76:PRO:N	1:A:76:PRO:CA	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	20	64.68
(1,304)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:CB	1:A:41:ASP:CG	4	64.68
(1,202)	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	1:A:7:PHE:CD1	7	64.66
(1,499)	1:A:103:ILE:C	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	17	64.63
(1,380)	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	1:A:62:PHE:CD1	18	64.62
(1,394)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	8	64.59
(1,665)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	8	64.57
(1,376)	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	1:A:61:TYR:CD1	1	64.57
(1,539)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	5	64.56
(1,202)	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	1:A:7:PHE:CD1	14	64.54
(1,486)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	9	64.52
(1,421)	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	1:A:75:PHE:CD1	17	64.51
(1,245)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1	64.51
(1,558)	1:A:126:ASP:N	1:A:126:ASP:CA	1:A:126:ASP:CB	1:A:126:ASP:CG	15	64.47
(1,177)	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	1:A:3:PHE:CD1	16	64.45
(1,445)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	2	64.42
(1,168)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	19	64.42
(1,573)	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	1:A:132:TYR:CD1	2	64.41
(1,169)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	18	64.39
(1,485)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	1	64.38
(1,168)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	11	64.37
(1,657)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1	64.33
(1,394)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	11	64.33
(1,665)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	6	64.31
(1,592)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	18	64.22
(1,202)	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	1:A:7:PHE:CD1	18	64.22
(1,484)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	8	64.2
(1,573)	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	1:A:132:TYR:CD1	19	64.12
(1,226)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	2	64.1
(1,559)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	4	64.08
(1,225)	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	1:A:13:GLU:CD	13	64.08
(1,592)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	10	64.05
(1,231)	1:A:16:PRO:N	1:A:16:PRO:CA	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	20	64.05
(1,376)	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	1:A:61:TYR:CD1	10	64.03
(1,640)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	9	64.02
(1,173)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	3	64.01
(1,571)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	1	63.94
(1,440)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	12	63.94
(1,226)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	5	63.94
(1,570)	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	1:A:130:GLU:CD	4	63.93
(1,421)	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	1:A:75:PHE:CD1	16	63.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,409)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	7	63.92
(1,316)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	19	63.91
(1,298)	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	1:A:39:TYR:CD1	7	63.9
(1,648)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	15	63.85
(1,303)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	15	63.82
(1,226)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	3	63.79
(1,678)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	12	63.78
(1,486)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	8	63.78
(1,599)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:CB	1:A:137:ASP:CG	18	63.75
(1,445)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	3	63.73
(1,301)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	12	63.68
(1,240)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1	63.66
(1,603)	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:CB	1:A:138:ASN:CG	17	63.65
(1,421)	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	1:A:75:PHE:CD1	2	63.63
(1,278)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	5	63.61
(1,484)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	3	63.6
(1,423)	1:A:76:PRO:N	1:A:76:PRO:CA	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	19	63.6
(1,209)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	14	63.58
(1,559)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	8	63.57
(1,559)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	20	63.57
(1,272)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	17	63.55
(1,507)	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	1:A:106:TYR:CD1	7	63.54
(1,409)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	5	63.54
(1,583)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	7	63.52
(1,298)	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	1:A:39:TYR:CD1	13	63.51
(1,298)	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	1:A:39:TYR:CD1	16	63.51
(1,199)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	9	63.49
(1,486)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	12	63.47
(1,298)	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	1:A:39:TYR:CD1	5	63.46
(1,479)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	2	63.44
(1,185)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	18	63.44
(1,492)	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	1:A:102:TYR:CD1	19	63.41
(1,597)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	19	63.4
(1,577)	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	1:A:133:GLU:CD	9	63.4
(1,401)	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	1:A:69:PHE:CD1	1	63.39
(1,400)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	17	63.37
(1,570)	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	1:A:130:GLU:CD	17	63.34
(1,543)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	14	63.34
(1,632)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	18	63.31
(1,672)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	13	63.26
(1,507)	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	1:A:106:TYR:CD1	1	63.26
(1,380)	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	1:A:62:PHE:CD1	11	63.25
(1,313)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	12	63.22
(1,323)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	15	63.18
(1,313)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	11	63.18
(1,446)	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	1:A:83:GLY:CA	1:A:83:GLY:C	15	63.17
(1,376)	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	1:A:61:TYR:CD1	16	63.15
(1,587)	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	1:A:135:TYR:CD1	11	63.13
(1,384)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	10	63.12
(1,400)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	2	63.08
(1,274)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	5	63.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,226)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	18	63.02
(1,202)	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	1:A:7:PHE:CD1	20	63.01
(1,416)	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	1:A:73:PHE:CD1	13	62.99
(1,214)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	17	62.96
(1,210)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	11	62.94
(1,201)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	17	62.93
(1,439)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	15	62.9
(1,421)	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	1:A:75:PHE:CD1	13	62.86
(1,199)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	17	62.86
(1,469)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	15	62.85
(1,657)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	4	62.82
(1,316)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	9	62.79
(1,369)	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	1:A:58:PHE:CD1	2	62.76
(1,599)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:CB	1:A:137:ASP:CG	16	62.74
(1,173)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	2	62.74
(1,630)	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:CB	1:A:145:ASP:CG	16	62.72
(1,272)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	7	62.71
(1,644)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	1:A:148:ARG:N	13	62.68
(1,244)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	12	62.68
(1,569)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	15	62.66
(1,244)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	2	62.66
(1,202)	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	1:A:7:PHE:CD1	8	62.61
(1,642)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	2	62.57
(1,202)	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	1:A:7:PHE:CD1	2	62.53
(1,366)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	11	62.46
(1,587)	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	1:A:135:TYR:CD1	7	62.45
(1,290)	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	1:A:35:PHE:CD1	7	62.45
(1,484)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	12	62.43
(1,240)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	14	62.42
(1,503)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	12	62.39
(1,409)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	2	62.31
(1,486)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	5	62.29
(1,369)	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	1:A:58:PHE:CD1	13	62.29
(1,585)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	8	62.23
(1,313)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	2	62.23
(1,170)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	14	62.23
(1,656)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	18	62.21
(1,584)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	20	62.19
(1,298)	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	1:A:39:TYR:CD1	9	62.19
(1,388)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	12	62.12
(1,233)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	1	62.08
(1,584)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	10	62.04
(1,313)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	15	62.0
(1,673)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	15	61.95
(1,558)	1:A:126:ASP:N	1:A:126:ASP:CA	1:A:126:ASP:CB	1:A:126:ASP:CG	7	61.91
(1,357)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	3	61.9
(1,485)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	6	61.89
(1,468)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	8	61.86
(1,213)	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	1:A:10:GLU:CD	8	61.85
(1,487)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	10	61.82
(1,662)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	13	61.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,444)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	8	61.79
(1,401)	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	1:A:69:PHE:CD1	10	61.76
(1,202)	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	1:A:7:PHE:CD1	10	61.62
(1,627)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	7	61.59
(1,573)	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	1:A:132:TYR:CD1	10	61.59
(1,492)	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	1:A:102:TYR:CD1	12	61.57
(1,389)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	9	61.57
(1,320)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	18	61.52
(1,463)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	10	61.49
(1,202)	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	1:A:7:PHE:CD1	6	61.49
(1,556)	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	1:A:125:PHE:CD1	10	61.47
(1,281)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	12	61.45
(1,244)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	20	61.44
(1,583)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	5	61.42
(1,479)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	20	61.42
(1,324)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	4	61.42
(1,177)	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	1:A:3:PHE:CD1	14	61.41
(1,376)	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	1:A:61:TYR:CD1	17	61.4
(1,214)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	2	61.4
(1,325)	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	1:A:44:GLN:CD	16	61.39
(1,245)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	13	61.39
(1,289)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	7	61.38
(1,226)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	14	61.37
(1,573)	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	1:A:132:TYR:CD1	20	61.36
(1,380)	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	1:A:62:PHE:CD1	14	61.36
(1,542)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	19	61.32
(1,451)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	1	61.3
(1,531)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	8	61.26
(1,656)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	20	61.24
(1,272)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	2	61.23
(1,482)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	10	61.22
(1,482)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	17	61.22
(1,220)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	12	61.22
(1,577)	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	1:A:133:GLU:CD	14	61.21
(1,395)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	2	61.21
(1,369)	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	1:A:58:PHE:CD1	7	61.18
(1,350)	1:A:49:GLN:C	1:A:50:GLY:N	1:A:50:GLY:CA	1:A:50:GLY:C	10	61.18
(1,281)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	1	61.17
(1,192)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	19	61.15
(1,668)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	6	61.12
(1,583)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	11	61.11
(1,416)	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	1:A:73:PHE:CD1	12	61.11
(1,485)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	19	61.1
(1,641)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	20	61.08
(1,416)	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	1:A:73:PHE:CD1	9	61.06
(1,640)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	18	61.05
(1,492)	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	1:A:102:TYR:CD1	16	61.05
(1,443)	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	1:A:82:GLU:CD	10	61.05
(1,204)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	1:A:8:VAL:N	7	61.05
(1,636)	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	1:A:146:GLN:CD	5	60.99
(1,244)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	10	60.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,376)	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	1:A:61:TYR:CD1	5	60.97
(1,350)	1:A:49:GLN:C	1:A:50:GLY:N	1:A:50:GLY:CA	1:A:50:GLY:C	6	60.97
(1,413)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:PHE:N	18	60.95
(1,313)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	14	60.95
(1,376)	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	1:A:61:TYR:CD1	20	60.94
(1,357)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	12	60.94
(1,284)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	19	60.94
(1,214)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	7	60.94
(1,633)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	3	60.93
(1,472)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	10	60.91
(1,433)	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	1:A:79:GLY:CA	1:A:79:GLY:C	6	60.91
(1,231)	1:A:16:PRO:N	1:A:16:PRO:CA	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	2	60.88
(1,179)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	14	60.87
(1,632)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	10	60.81
(1,268)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	12	60.81
(1,416)	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	1:A:73:PHE:CD1	3	60.76
(1,233)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	12	60.75
(1,376)	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	1:A:61:TYR:CD1	8	60.7
(1,357)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	2	60.7
(1,202)	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	1:A:7:PHE:CD1	15	60.7
(1,587)	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	1:A:135:TYR:CD1	10	60.67
(1,171)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:CB	1:A:2:ASP:CG	4	60.64
(1,684)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	2	60.62
(1,423)	1:A:76:PRO:N	1:A:76:PRO:CA	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	3	60.62
(1,644)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	1:A:148:ARG:N	12	60.61
(1,416)	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	1:A:73:PHE:CD1	20	60.56
(1,669)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	15	60.54
(1,484)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	11	60.54
(1,288)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	2	60.54
(1,421)	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	1:A:75:PHE:CD1	15	60.53
(1,409)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	8	60.53
(1,376)	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	1:A:61:TYR:CD1	7	60.53
(1,439)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	17	60.51
(1,383)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	4	60.51
(1,401)	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	1:A:69:PHE:CD1	7	60.49
(1,332)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	19	60.49
(1,164)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	15	60.49
(1,656)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	5	60.48
(1,556)	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	1:A:125:PHE:CD1	8	60.48
(1,507)	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	1:A:106:TYR:CD1	18	60.47
(1,268)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	2	60.46
(1,441)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	2	60.44
(1,677)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	7	60.43
(1,592)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	11	60.43
(1,617)	1:A:141:GLU:C	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	15	60.42
(1,409)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	11	60.42
(1,617)	1:A:141:GLU:C	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	10	60.4
(1,303)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	12	60.39
(1,199)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	8	60.38
(1,308)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	12	60.35
(1,468)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	3	60.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,350)	1:A:49:GLN:C	1:A:50:GLY:N	1:A:50:GLY:CA	1:A:50:GLY:C	16	60.32
(1,469)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	2	60.3
(1,668)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	8	60.29
(1,440)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	9	60.28
(1,272)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	6	60.22
(1,332)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	6	60.18
(1,532)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	10	60.12
(1,528)	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	1:A:113:TYR:CD1	4	60.08
(1,443)	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	1:A:82:GLU:CD	14	60.06
(1,421)	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	1:A:75:PHE:CD1	14	60.06
(1,528)	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	1:A:113:TYR:CD1	3	60.05
(1,170)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	12	60.05
(1,469)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	17	60.02
(1,492)	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	1:A:102:TYR:CD1	18	59.99
(1,587)	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	1:A:135:TYR:CD1	12	59.98
(1,376)	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	1:A:61:TYR:CD1	12	59.94
(1,241)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	11	59.94
(1,592)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	12	59.9
(1,570)	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	1:A:130:GLU:CD	1	59.89
(1,596)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	17	59.87
(1,492)	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	1:A:102:TYR:CD1	11	59.85
(1,350)	1:A:49:GLN:C	1:A:50:GLY:N	1:A:50:GLY:CA	1:A:50:GLY:C	14	59.83
(1,376)	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	1:A:61:TYR:CD1	14	59.82
(1,221)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	1	59.81
(1,201)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	11	59.8
(1,233)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	6	59.79
(1,290)	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	1:A:35:PHE:CD1	8	59.77
(1,528)	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	1:A:113:TYR:CD1	5	59.75
(1,592)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	13	59.7
(1,366)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	1	59.68
(1,528)	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	1:A:113:TYR:CD1	16	59.67
(1,394)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	16	59.65
(1,357)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	13	59.62
(1,484)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	18	59.6
(1,592)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	8	59.59
(1,503)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	19	59.58
(1,298)	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	1:A:39:TYR:CD1	14	59.57
(1,273)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	15	59.57
(1,570)	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	1:A:130:GLU:CD	14	59.5
(1,469)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	5	59.5
(1,430)	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	1:A:78:GLU:CD	15	59.49
(1,191)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	17	59.48
(1,492)	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	1:A:102:TYR:CD1	9	59.42
(1,514)	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	1:A:108:GLU:CD	5	59.4
(1,479)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	18	59.39
(1,467)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	13	59.39
(1,240)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	7	59.31
(1,390)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	20	59.28
(1,268)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	17	59.24
(1,668)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	4	59.19
(1,573)	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	1:A:132:TYR:CD1	8	59.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,450)	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	1:A:85:GLY:CA	1:A:85:GLY:C	14	59.19
(1,633)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	13	59.18
(1,480)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	11	59.17
(1,369)	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	1:A:58:PHE:CD1	12	59.17
(1,573)	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	1:A:132:TYR:CD1	16	59.15
(1,298)	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	1:A:39:TYR:CD1	19	59.15
(1,284)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	13	59.14
(1,272)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	12	59.13
(1,559)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	7	59.11
(1,440)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	3	59.11
(1,552)	1:A:123:ASN:N	1:A:123:ASN:CA	1:A:123:ASN:CB	1:A:123:ASN:CG	18	59.09
(1,298)	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	1:A:39:TYR:CD1	12	59.09
(1,592)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	5	59.07
(1,507)	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	1:A:106:TYR:CD1	17	59.07
(1,276)	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	1:A:30:GLU:CD	13	59.04
(1,259)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	5	59.01
(1,315)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	9	59.0
(1,357)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	4	58.99
(1,521)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	8	58.97
(1,627)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	16	58.95
(1,485)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	13	58.95
(1,445)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	18	58.94
(1,180)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	10	58.92
(1,640)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	15	58.91
(1,593)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	9	58.91
(1,232)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	13	58.91
(1,408)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	16	58.89
(1,470)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	8	58.78
(1,583)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	18	58.77
(1,344)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	6	58.77
(1,469)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	12	58.76
(1,202)	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	1:A:7:PHE:CD1	1	58.75
(1,382)	1:A:62:PHE:C	1:A:63:GLY:N	1:A:63:GLY:CA	1:A:63:GLY:C	3	58.71
(1,180)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	8	58.71
(1,393)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	8	58.7
(1,601)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	4	58.69
(1,552)	1:A:123:ASN:N	1:A:123:ASN:CA	1:A:123:ASN:CB	1:A:123:ASN:CG	17	58.69
(1,259)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	6	58.68
(1,240)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	2	58.67
(1,202)	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	1:A:7:PHE:CD1	11	58.66
(1,598)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	8	58.65
(1,484)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	5	58.65
(1,434)	1:A:79:GLY:C	1:A:80:GLY:N	1:A:80:GLY:CA	1:A:80:GLY:C	12	58.63
(1,559)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1	58.62
(1,232)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	5	58.62
(1,215)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	11	58.59
(1,552)	1:A:123:ASN:N	1:A:123:ASN:CA	1:A:123:ASN:CB	1:A:123:ASN:CG	4	58.58
(1,323)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	3	58.58
(1,668)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	10	58.55
(1,603)	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:CB	1:A:138:ASN:CG	4	58.55
(1,184)	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	1:A:4:GLU:CD	8	58.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,405)	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	1:A:70:GLU:CD	3	58.54
(1,320)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	10	58.53
(1,303)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	19	58.5
(1,202)	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	1:A:7:PHE:CD1	12	58.48
(1,507)	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	1:A:106:TYR:CD1	13	58.41
(1,401)	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	1:A:69:PHE:CD1	5	58.39
(1,244)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	19	58.37
(1,627)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	10	58.35
(1,492)	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	1:A:102:TYR:CD1	14	58.32
(1,279)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	4	58.32
(1,244)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	8	58.31
(1,376)	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	1:A:61:TYR:CD1	3	58.21
(1,468)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	20	58.2
(1,409)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	6	58.18
(1,572)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	19	58.17
(1,528)	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	1:A:113:TYR:CD1	14	58.17
(1,468)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	9	58.16
(1,439)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	19	58.16
(1,600)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	11	58.12
(1,678)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	14	58.11
(1,434)	1:A:79:GLY:C	1:A:80:GLY:N	1:A:80:GLY:CA	1:A:80:GLY:C	2	58.11
(1,369)	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	1:A:58:PHE:CD1	1	58.09
(1,274)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	13	58.09
(1,171)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:CB	1:A:2:ASP:CG	15	58.07
(1,278)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	13	58.06
(1,627)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	8	57.99
(1,400)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	9	57.98
(1,470)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	3	57.94
(1,510)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	7	57.93
(1,187)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	4	57.93
(1,530)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	1	57.91
(1,225)	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	1:A:13:GLU:CD	11	57.89
(1,492)	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	1:A:102:TYR:CD1	17	57.86
(1,668)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	12	57.85
(1,247)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	17	57.84
(1,556)	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	1:A:125:PHE:CD1	12	57.78
(1,288)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	19	57.76
(1,657)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	17	57.75
(1,531)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	19	57.75
(1,413)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:PHE:N	14	57.75
(1,380)	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	1:A:62:PHE:CD1	13	57.75
(1,416)	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	1:A:73:PHE:CD1	18	57.74
(1,245)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	5	57.71
(1,630)	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:CB	1:A:145:ASP:CG	3	57.68
(1,592)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	20	57.66
(1,245)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	17	57.65
(1,602)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	9	57.64
(1,507)	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	1:A:106:TYR:CD1	16	57.64
(1,170)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	3	57.64
(1,481)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	9	57.62
(1,592)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	2	57.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,395)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	9	57.58
(1,244)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	3	57.57
(1,416)	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	1:A:73:PHE:CD1	6	57.49
(1,457)	1:A:86:ARG:C	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:C	9	57.45
(1,191)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	13	57.45
(1,587)	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	1:A:135:TYR:CD1	9	57.44
(1,415)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	20	57.39
(1,409)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	9	57.39
(1,507)	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	1:A:106:TYR:CD1	6	57.38
(1,214)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	20	57.37
(1,295)	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	1:A:36:GLU:CD	18	57.34
(1,304)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:CB	1:A:41:ASP:CG	12	57.33
(1,423)	1:A:76:PRO:N	1:A:76:PRO:CA	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	9	57.31
(1,394)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	18	57.31
(1,302)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	11	57.29
(1,564)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	16	57.26
(1,177)	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	1:A:3:PHE:CD1	20	57.26
(1,409)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	19	57.25
(1,560)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	2	57.23
(1,440)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	18	57.22
(1,386)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	16	57.21
(1,656)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	11	57.18
(1,285)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	2	57.18
(1,320)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	13	57.15
(1,668)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	2	57.14
(1,559)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	11	57.14
(1,486)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	4	57.14
(1,415)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	3	57.14
(1,632)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	4	57.13
(1,214)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	9	57.13
(1,528)	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	1:A:113:TYR:CD1	17	57.12
(1,168)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	5	57.08
(1,429)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	13	57.04
(1,285)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	6	57.04
(1,640)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	6	57.03
(1,380)	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	1:A:62:PHE:CD1	16	57.02
(1,226)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	6	57.02
(1,528)	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	1:A:113:TYR:CD1	8	57.01
(1,186)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	8	57.01
(1,405)	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	1:A:70:GLU:CD	6	57.0
(1,376)	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	1:A:61:TYR:CD1	11	57.0
(1,584)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	14	56.99
(1,665)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	20	56.95
(1,352)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	13	56.95
(1,268)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	8	56.95
(1,313)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	3	56.9
(1,571)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	13	56.87
(1,665)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1	56.85
(1,369)	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	1:A:58:PHE:CD1	14	56.85
(1,635)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	19	56.83
(1,190)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	12	56.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,532)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	17	56.79
(1,180)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	15	56.79
(1,423)	1:A:76:PRO:N	1:A:76:PRO:CA	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	1	56.78
(1,305)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	18	56.78
(1,304)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:CB	1:A:41:ASP:CG	9	56.78
(1,630)	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:CB	1:A:145:ASP:CG	1	56.76
(1,298)	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	1:A:39:TYR:CD1	11	56.76
(1,376)	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	1:A:61:TYR:CD1	6	56.75
(1,376)	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	1:A:61:TYR:CD1	9	56.75
(1,288)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	3	56.72
(1,673)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	8	56.71
(1,656)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	3	56.7
(1,397)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	12	56.64
(1,393)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	11	56.64
(1,202)	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	1:A:7:PHE:CD1	3	56.63
(1,541)	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	1:A:118:LYS:CD	15	56.62
(1,254)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	7	56.62
(1,245)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	11	56.6
(1,369)	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	1:A:58:PHE:CD1	4	56.57
(1,226)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	7	56.55
(1,416)	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	1:A:73:PHE:CD1	4	56.54
(1,244)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	18	56.54
(1,390)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	5	56.5
(1,273)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	8	56.5
(1,640)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	3	56.48
(1,260)	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	1:A:25:GLN:CD	19	56.41
(1,514)	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	1:A:108:GLU:CD	10	56.39
(1,199)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	5	56.37
(1,646)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	11	56.32
(1,169)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	7	56.32
(1,532)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	12	56.28
(1,376)	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	1:A:61:TYR:CD1	4	56.28
(1,484)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	10	56.27
(1,409)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	4	56.26
(1,201)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	15	56.23
(1,662)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	8	56.22
(1,597)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	2	56.22
(1,487)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	11	56.21
(1,481)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	16	56.21
(1,442)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	5	56.21
(1,317)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	3	56.2
(1,416)	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	1:A:73:PHE:CD1	17	56.19
(1,214)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	5	56.17
(1,416)	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	1:A:73:PHE:CD1	11	56.15
(1,482)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	7	56.06
(1,255)	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	1:A:23:ARG:CD	12	56.06
(1,295)	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	1:A:36:GLU:CD	13	56.04
(1,288)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	9	56.04
(1,401)	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	1:A:69:PHE:CD1	8	56.02
(1,449)	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	20	56.0
(1,433)	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	1:A:79:GLY:CA	1:A:79:GLY:C	12	55.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,632)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	16	55.96
(1,684)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	5	55.95
(1,444)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	5	55.93
(1,552)	1:A:123:ASN:N	1:A:123:ASN:CA	1:A:123:ASN:CB	1:A:123:ASN:CG	12	55.92
(1,447)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	8	55.91
(1,449)	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	1	55.89
(1,260)	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	1:A:25:GLN:CD	9	55.87
(1,469)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	7	55.86
(1,647)	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	1:A:148:ARG:CD	4	55.76
(1,441)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	14	55.76
(1,421)	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	1:A:75:PHE:CD1	1	55.76
(1,226)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	20	55.74
(1,440)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	8	55.73
(1,288)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	17	55.72
(1,202)	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	1:A:7:PHE:CD1	19	55.7
(1,601)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	17	55.68
(1,304)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:CB	1:A:41:ASP:CG	5	55.68
(1,510)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	12	55.64
(1,507)	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	1:A:106:TYR:CD1	14	55.64
(1,331)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	2	55.61
(1,307)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	1	55.6
(1,213)	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	1:A:10:GLU:CD	6	55.59
(1,369)	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	1:A:58:PHE:CD1	10	55.57
(1,479)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	4	55.55
(1,415)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	9	55.55
(1,641)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	11	55.54
(1,600)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	17	55.54
(1,507)	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	1:A:106:TYR:CD1	10	55.54
(1,443)	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	1:A:82:GLU:CD	6	55.54
(1,204)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	1:A:8:VAL:N	4	55.54
(1,375)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	17	55.51
(1,185)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	7	55.51
(1,573)	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	1:A:132:TYR:CD1	7	55.5
(1,447)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	16	55.5
(1,171)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:CB	1:A:2:ASP:CG	13	55.5
(1,380)	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	1:A:62:PHE:CD1	4	55.48
(1,668)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	13	55.44
(1,592)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	4	55.43
(1,423)	1:A:76:PRO:N	1:A:76:PRO:CA	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	4	55.38
(1,295)	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	1:A:36:GLU:CD	14	55.37
(1,634)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	5	55.3
(1,191)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	3	55.29
(1,440)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1	55.27
(1,380)	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	1:A:62:PHE:CD1	7	55.25
(1,369)	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	1:A:58:PHE:CD1	8	55.25
(1,577)	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	1:A:133:GLU:CD	18	55.24
(1,570)	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	1:A:130:GLU:CD	13	55.24
(1,191)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	16	55.24
(1,421)	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	1:A:75:PHE:CD1	3	55.23
(1,313)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	5	55.2
(1,578)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	6	55.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,329)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	2	55.17
(1,531)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	5	55.16
(1,304)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:CB	1:A:41:ASP:CG	18	55.15
(1,449)	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	18	55.13
(1,430)	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	1:A:78:GLU:CD	13	55.1
(1,641)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	2	55.09
(1,421)	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	1:A:75:PHE:CD1	4	55.09
(1,390)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	15	55.09
(1,244)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	15	55.09
(1,634)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	1	55.07
(1,369)	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	1:A:58:PHE:CD1	5	55.06
(1,468)	1:A:90:GLY:N	1:A:90:GLY:CA	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	12	55.02
(1,224)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	15	55.02
(1,532)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1	55.01
(1,389)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	11	55.0
(1,302)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	18	55.0
(1,615)	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	1:A:141:GLU:CD	7	54.97
(1,372)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	1	54.93
(1,430)	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	1:A:78:GLU:CD	18	54.91
(1,598)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	12	54.88
(1,585)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	18	54.86
(1,305)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	7	54.86
(1,568)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	14	54.85
(1,444)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	16	54.81
(1,348)	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	1:A:49:GLN:CD	14	54.76
(1,180)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	1	54.76
(1,323)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	18	54.74
(1,210)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	6	54.73
(1,395)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	13	54.71
(1,369)	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	1:A:58:PHE:CD1	19	54.71
(1,556)	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	1:A:125:PHE:CD1	16	54.65
(1,401)	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	1:A:69:PHE:CD1	15	54.65
(1,522)	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	1:A:110:GLU:CD	1	54.63
(1,184)	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	1:A:4:GLU:CD	3	54.62
(1,583)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	2	54.61
(1,214)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	12	54.61
(1,177)	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	1:A:3:PHE:CD1	3	54.6
(1,573)	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	1:A:132:TYR:CD1	14	54.58
(1,376)	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	1:A:61:TYR:CD1	19	54.55
(1,298)	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	1:A:39:TYR:CD1	4	54.55
(1,401)	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	1:A:69:PHE:CD1	9	54.53
(1,566)	1:A:128:SER:C	1:A:129:GLY:N	1:A:129:GLY:CA	1:A:129:GLY:C	6	54.52
(1,416)	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	1:A:73:PHE:CD1	10	54.52
(1,615)	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	1:A:141:GLU:CD	6	54.51
(1,484)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	7	54.51
(1,298)	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	1:A:39:TYR:CD1	2	54.48
(1,601)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	1	54.47
(1,541)	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	1:A:118:LYS:CD	9	54.47
(1,554)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	10	54.43
(1,334)	1:A:45:LEU:C	1:A:46:LEU:N	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:C	16	54.43
(1,556)	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	1:A:125:PHE:CD1	3	54.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,285)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	3	54.42
(1,243)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	4	54.41
(1,179)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	16	54.39
(1,522)	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	1:A:110:GLU:CD	4	54.32
(1,440)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	10	54.32
(1,541)	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	1:A:118:LYS:CD	13	54.31
(1,210)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	13	54.29
(1,573)	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	1:A:132:TYR:CD1	4	54.22
(1,660)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	8	54.2
(1,220)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	5	54.18
(1,506)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	19	54.17
(1,295)	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	1:A:36:GLU:CD	12	54.17
(1,592)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	19	54.13
(1,290)	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	1:A:35:PHE:CD1	2	54.13
(1,313)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	13	54.12
(1,274)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	18	54.1
(1,409)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	17	54.09
(1,586)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	17	54.08
(1,575)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	1	54.08
(1,430)	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	1:A:78:GLU:CD	12	54.08
(1,255)	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	1:A:23:ARG:CD	19	54.08
(1,640)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	16	54.06
(1,348)	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	1:A:49:GLN:CD	15	54.04
(1,528)	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	1:A:113:TYR:CD1	18	54.03
(1,444)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	1	54.02
(1,676)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	3	53.98
(1,430)	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	1:A:78:GLU:CD	2	53.97
(1,430)	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	1:A:78:GLU:CD	7	53.94
(1,486)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	20	53.93
(1,492)	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	1:A:102:TYR:CD1	1	53.92
(1,423)	1:A:76:PRO:N	1:A:76:PRO:CA	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	10	53.91
(1,320)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	5	53.87
(1,510)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	5	53.85
(1,210)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	12	53.85
(1,421)	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	1:A:75:PHE:CD1	6	53.84
(1,672)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	10	53.83
(1,401)	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	1:A:69:PHE:CD1	13	53.82
(1,454)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	18	53.81
(1,507)	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	1:A:106:TYR:CD1	3	53.8
(1,195)	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	1:A:6:GLN:CD	18	53.8
(1,482)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	5	53.79
(1,279)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	8	53.79
(1,316)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	2	53.78
(1,666)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	5	53.77
(1,376)	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	1:A:61:TYR:CD1	2	53.77
(1,295)	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	1:A:36:GLU:CD	3	53.75
(1,423)	1:A:76:PRO:N	1:A:76:PRO:CA	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	17	53.74
(1,285)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	11	53.72
(1,344)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	15	53.71
(1,423)	1:A:76:PRO:N	1:A:76:PRO:CA	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	12	53.7
(1,401)	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	1:A:69:PHE:CD1	16	53.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,295)	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	1:A:36:GLU:CD	20	53.7
(1,421)	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	1:A:75:PHE:CD1	20	53.69
(1,244)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	9	53.69
(1,615)	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	1:A:141:GLU:CD	18	53.68
(1,334)	1:A:45:LEU:C	1:A:46:LEU:N	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:C	20	53.68
(1,426)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	1	53.67
(1,479)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	16	53.65
(1,423)	1:A:76:PRO:N	1:A:76:PRO:CA	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	2	53.62
(1,492)	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	1:A:102:TYR:CD1	20	53.61
(1,421)	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	1:A:75:PHE:CD1	7	53.61
(1,366)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	6	53.6
(1,168)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	16	53.6
(1,401)	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	1:A:69:PHE:CD1	14	53.58
(1,179)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	2	53.56
(1,487)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	2	53.52
(1,244)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	7	53.52
(1,177)	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	1:A:3:PHE:CD1	15	53.52
(1,632)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	6	53.51
(1,630)	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:CB	1:A:145:ASP:CG	11	53.47
(1,171)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:CB	1:A:2:ASP:CG	20	53.43
(1,457)	1:A:86:ARG:C	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:C	6	53.4
(1,179)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	20	53.38
(1,571)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	7	53.34
(1,587)	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	1:A:135:TYR:CD1	17	53.31
(1,421)	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	1:A:75:PHE:CD1	11	53.3
(1,373)	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	1:A:60:ARG:CD	2	53.3
(1,563)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	20	53.27
(1,239)	1:A:18:PRO:N	1:A:18:PRO:CA	1:A:18:PRO:C	1:A:19:ALA:N	9	53.24
(1,527)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	20	53.23
(1,184)	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	1:A:4:GLU:CD	18	53.23
(1,409)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1	53.18
(1,400)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	16	53.15
(1,380)	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	1:A:62:PHE:CD1	2	53.14
(1,350)	1:A:49:GLN:C	1:A:50:GLY:N	1:A:50:GLY:CA	1:A:50:GLY:C	13	53.14
(1,423)	1:A:76:PRO:N	1:A:76:PRO:CA	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	8	53.11
(1,261)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	1	53.1
(1,561)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	3	53.05
(1,416)	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	1:A:73:PHE:CD1	7	53.04
(1,185)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	12	53.04
(1,168)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	15	53.04
(1,504)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	15	53.03
(1,195)	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	1:A:6:GLN:CD	19	52.99
(1,572)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	18	52.98
(1,316)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	15	52.97
(1,492)	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	1:A:102:TYR:CD1	13	52.95
(1,573)	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	1:A:132:TYR:CD1	3	52.94
(1,430)	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	1:A:78:GLU:CD	9	52.92
(1,191)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	5	52.92
(1,575)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	6	52.91
(1,488)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	20	52.91
(1,242)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	7	52.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,651)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	7	52.86
(1,531)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	9	52.86
(1,376)	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	1:A:61:TYR:CD1	13	52.86
(1,392)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	10	52.85
(1,492)	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	1:A:102:TYR:CD1	3	52.84
(1,185)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1	52.81
(1,556)	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	1:A:125:PHE:CD1	20	52.79
(1,245)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	4	52.79
(1,542)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	8	52.78
(1,549)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	3	52.77
(1,621)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	7	52.76
(1,401)	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	1:A:69:PHE:CD1	20	52.7
(1,630)	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:CB	1:A:145:ASP:CG	8	52.68
(1,279)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	11	52.68
(1,678)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	18	52.66
(1,611)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	6	52.66
(1,198)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	4	52.64
(1,191)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	12	52.64
(1,439)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	20	52.63
(1,220)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	11	52.63
(1,531)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	16	52.62
(1,657)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	15	52.6
(1,640)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	10	52.6
(1,232)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	15	52.59
(1,443)	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	1:A:82:GLU:CD	2	52.57
(1,382)	1:A:62:PHE:C	1:A:63:GLY:N	1:A:63:GLY:CA	1:A:63:GLY:C	17	52.55
(1,380)	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	1:A:62:PHE:CD1	20	52.52
(1,485)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	9	52.51
(1,558)	1:A:126:ASP:N	1:A:126:ASP:CA	1:A:126:ASP:CB	1:A:126:ASP:CG	8	52.47
(1,551)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	3	52.45
(1,611)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	13	52.44
(1,416)	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	1:A:73:PHE:CD1	2	52.44
(1,314)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	19	52.43
(1,614)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	3	52.4
(1,510)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	4	52.37
(1,169)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	1	52.36
(1,686)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	7	52.32
(1,676)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	20	52.28
(1,199)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	19	52.27
(1,286)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	10	52.26
(1,596)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	13	52.24
(1,423)	1:A:76:PRO:N	1:A:76:PRO:CA	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	15	52.23
(1,344)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	20	52.22
(1,531)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	10	52.21
(1,298)	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	1:A:39:TYR:CD1	8	52.21
(1,244)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	16	52.2
(1,630)	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:CB	1:A:145:ASP:CG	5	52.19
(1,292)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	14	52.19
(1,632)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	8	52.18
(1,621)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	5	52.18
(1,301)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	18	52.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,622)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	13	52.15
(1,214)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	14	52.12
(1,173)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	16	52.12
(1,281)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	7	52.11
(1,290)	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	1:A:35:PHE:CD1	18	52.09
(1,416)	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	1:A:73:PHE:CD1	14	52.06
(1,279)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	15	52.06
(1,407)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:CB	1:A:71:VAL:CG1	12	52.02
(1,583)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	13	52.0
(1,573)	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	1:A:132:TYR:CD1	1	51.97
(1,551)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	20	51.93
(1,636)	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	1:A:146:GLN:CD	19	51.92
(1,369)	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	1:A:58:PHE:CD1	18	51.92
(1,177)	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	1:A:3:PHE:CD1	17	51.92
(1,319)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	17	51.91
(1,632)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	2	51.89
(1,566)	1:A:128:SER:C	1:A:129:GLY:N	1:A:129:GLY:CA	1:A:129:GLY:C	9	51.87
(1,601)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	10	51.86
(1,348)	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	1:A:49:GLN:CD	11	51.81
(1,280)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	11	51.81
(1,505)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	1	51.76
(1,171)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:CB	1:A:2:ASP:CG	7	51.74
(1,380)	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	1:A:62:PHE:CD1	6	51.73
(1,393)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	15	51.71
(1,330)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	14	51.71
(1,484)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	20	51.7
(1,443)	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	1:A:82:GLU:CD	8	51.7
(1,430)	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	1:A:78:GLU:CD	10	51.7
(1,260)	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	1:A:25:GLN:CD	2	51.69
(1,366)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	19	51.68
(1,666)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	17	51.66
(1,395)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	12	51.66
(1,558)	1:A:126:ASP:N	1:A:126:ASP:CA	1:A:126:ASP:CB	1:A:126:ASP:CG	3	51.65
(1,233)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	9	51.65
(1,214)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	6	51.65
(1,630)	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:CB	1:A:145:ASP:CG	15	51.63
(1,214)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	16	51.62
(1,587)	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	1:A:135:TYR:CD1	8	51.61
(1,186)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	15	51.58
(1,677)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	4	51.56
(1,587)	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	1:A:135:TYR:CD1	4	51.54
(1,346)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	11	51.54
(1,244)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	14	51.54
(1,583)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	4	51.52
(1,348)	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	1:A:49:GLN:CD	4	51.52
(1,671)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	5	51.5
(1,656)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	9	51.48
(1,492)	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	1:A:102:TYR:CD1	2	51.47
(1,481)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	12	51.44
(1,279)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	18	51.44
(1,559)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	15	51.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,344)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	13	51.43
(1,272)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	20	51.42
(1,558)	1:A:126:ASP:N	1:A:126:ASP:CA	1:A:126:ASP:CB	1:A:126:ASP:CG	11	51.38
(1,177)	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	1:A:3:PHE:CD1	5	51.37
(1,531)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	6	51.36
(1,450)	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	1:A:85:GLY:CA	1:A:85:GLY:C	8	51.35
(1,573)	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	1:A:132:TYR:CD1	17	51.34
(1,501)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	11	51.34
(1,317)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	6	51.34
(1,304)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:CB	1:A:41:ASP:CG	8	51.34
(1,268)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1	51.33
(1,598)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	11	51.32
(1,298)	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	1:A:39:TYR:CD1	3	51.3
(1,366)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	14	51.29
(1,272)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	19	51.27
(1,640)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	8	51.24
(1,583)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	12	51.23
(1,600)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	14	51.19
(1,573)	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	1:A:132:TYR:CD1	12	51.19
(1,486)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	3	51.19
(1,555)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	19	51.14
(1,382)	1:A:62:PHE:C	1:A:63:GLY:N	1:A:63:GLY:CA	1:A:63:GLY:C	15	51.13
(1,222)	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	1:A:12:LYS:CD	13	51.12
(1,215)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	1	51.1
(1,217)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	18	51.09
(1,587)	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	1:A:135:TYR:CD1	19	51.06
(1,685)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	20	51.04
(1,554)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	16	51.02
(1,394)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	5	51.02
(1,401)	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	1:A:69:PHE:CD1	3	51.01
(1,657)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	19	51.0
(1,272)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	3	51.0
(1,501)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	19	50.99
(1,298)	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	1:A:39:TYR:CD1	17	50.99
(1,627)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	20	50.96
(1,400)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	14	50.95
(1,659)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	17	50.94
(1,288)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	16	50.93
(1,681)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	10	50.91
(1,501)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	15	50.91
(1,473)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	16	50.91
(1,627)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	15	50.87
(1,415)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	12	50.86
(1,298)	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	1:A:39:TYR:CD1	6	50.86
(1,549)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	18	50.85
(1,177)	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	1:A:3:PHE:CD1	7	50.85
(1,260)	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	1:A:25:GLN:CD	1	50.83
(1,187)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	3	50.83
(1,371)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	3	50.81
(1,632)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	9	50.79
(1,558)	1:A:126:ASP:N	1:A:126:ASP:CA	1:A:126:ASP:CB	1:A:126:ASP:CG	12	50.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,332)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	12	50.79
(1,526)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	12	50.77
(1,479)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	6	50.75
(1,288)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	6	50.75
(1,320)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	17	50.71
(1,556)	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	1:A:125:PHE:CD1	17	50.7
(1,532)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	14	50.7
(1,421)	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	1:A:75:PHE:CD1	18	50.68
(1,305)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	6	50.67
(1,558)	1:A:126:ASP:N	1:A:126:ASP:CA	1:A:126:ASP:CB	1:A:126:ASP:CG	20	50.66
(1,483)	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	1:A:96:LYS:CD	17	50.63
(1,415)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	7	50.62
(1,401)	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	1:A:69:PHE:CD1	18	50.62
(1,202)	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	1:A:7:PHE:CD1	9	50.61
(1,346)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	4	50.6
(1,231)	1:A:16:PRO:N	1:A:16:PRO:CA	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	3	50.6
(1,423)	1:A:76:PRO:N	1:A:76:PRO:CA	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	16	50.57
(1,501)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	9	50.55
(1,231)	1:A:16:PRO:N	1:A:16:PRO:CA	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	9	50.5
(1,214)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	13	50.5
(1,288)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	1	50.46
(1,240)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	15	50.46
(1,669)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	5	50.45
(1,275)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	14	50.44
(1,330)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	5	50.42
(1,501)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	14	50.41
(1,313)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	19	50.41
(1,632)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	14	50.39
(1,501)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	16	50.39
(1,528)	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	1:A:113:TYR:CD1	13	50.36
(1,334)	1:A:45:LEU:C	1:A:46:LEU:N	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:C	6	50.36
(1,214)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	4	50.36
(1,288)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	13	50.35
(1,501)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	4	50.33
(1,180)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	18	50.32
(1,166)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	2	50.32
(1,434)	1:A:79:GLY:C	1:A:80:GLY:N	1:A:80:GLY:CA	1:A:80:GLY:C	13	50.31
(1,665)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	12	50.29
(1,638)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	4	50.29
(1,615)	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	1:A:141:GLU:CD	20	50.29
(1,186)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	16	50.29
(1,590)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	1	50.28
(1,180)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	4	50.28
(1,587)	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	1:A:135:TYR:CD1	1	50.26
(1,487)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	14	50.26
(1,528)	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	1:A:113:TYR:CD1	10	50.23
(1,506)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	15	50.22
(1,570)	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	1:A:130:GLU:CD	2	50.21
(1,563)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	17	50.15
(1,501)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	5	50.14
(1,501)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	20	50.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,506)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	11	50.09
(1,446)	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	1:A:83:GLY:CA	1:A:83:GLY:C	12	50.09
(1,379)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	19	50.08
(1,357)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	5	50.08
(1,572)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	8	50.07
(1,504)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	17	50.07
(1,573)	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	1:A:132:TYR:CD1	18	50.06
(1,298)	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	1:A:39:TYR:CD1	18	50.01
(1,344)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	1	50.0
(1,573)	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	1:A:132:TYR:CD1	13	49.99
(1,369)	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	1:A:58:PHE:CD1	16	49.98
(1,295)	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	1:A:36:GLU:CD	16	49.98
(1,413)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:PHE:N	10	49.96
(1,369)	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	1:A:58:PHE:CD1	9	49.94
(1,446)	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	1:A:83:GLY:CA	1:A:83:GLY:C	9	49.91
(1,531)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	2	49.9
(1,522)	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	1:A:110:GLU:CD	12	49.9
(1,254)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	10	49.89
(1,177)	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	1:A:3:PHE:CD1	6	49.89
(1,371)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	20	49.88
(1,202)	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	1:A:7:PHE:CD1	17	49.88
(1,506)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	17	49.87
(1,352)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	2	49.85
(1,269)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	3	49.85
(1,217)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	9	49.84
(1,279)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	10	49.82
(1,272)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	9	49.81
(1,350)	1:A:49:GLN:C	1:A:50:GLY:N	1:A:50:GLY:CA	1:A:50:GLY:C	17	49.77
(1,630)	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:CB	1:A:145:ASP:CG	20	49.76
(1,558)	1:A:126:ASP:N	1:A:126:ASP:CA	1:A:126:ASP:CB	1:A:126:ASP:CG	1	49.76
(1,400)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	1	49.76
(1,486)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	15	49.75
(1,486)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	14	49.74
(1,421)	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	1:A:75:PHE:CD1	10	49.73
(1,385)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	10	49.73
(1,488)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	14	49.72
(1,184)	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	1:A:4:GLU:CD	20	49.71
(1,683)	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	1:A:157:GLU:CD	1	49.69
(1,308)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	17	49.6
(1,202)	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	1:A:7:PHE:CD1	16	49.6
(1,668)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1	49.57
(1,668)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	5	49.55
(1,593)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	3	49.55
(1,409)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	20	49.55
(1,241)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	15	49.54
(1,615)	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	1:A:141:GLU:CD	3	49.53
(1,226)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1	49.53
(1,595)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	4	49.52
(1,426)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	15	49.49
(1,357)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	17	49.49
(1,197)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	20	49.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,215)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	15	49.42
(1,486)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	17	49.41
(1,666)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1	49.38
(1,366)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	3	49.35
(1,210)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	8	49.33
(1,325)	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	1:A:44:GLN:CD	11	49.32
(1,305)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	4	49.3
(1,217)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	13	49.3
(1,357)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	18	49.29
(1,510)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	9	49.28
(1,421)	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	1:A:75:PHE:CD1	8	49.27
(1,215)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	19	49.24
(1,81)	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	4	49.22
(1,611)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	18	49.2
(1,522)	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	1:A:110:GLU:CD	8	49.2
(1,675)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	5	49.15
(1,350)	1:A:49:GLN:C	1:A:50:GLY:N	1:A:50:GLY:CA	1:A:50:GLY:C	7	49.15
(1,444)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	15	49.11
(1,346)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	8	49.09
(1,183)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	8	49.08
(1,656)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	10	49.07
(1,247)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	16	49.07
(1,389)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	17	49.06
(1,400)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	13	49.05
(1,177)	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	1:A:3:PHE:CD1	18	49.05
(1,566)	1:A:128:SER:C	1:A:129:GLY:N	1:A:129:GLY:CA	1:A:129:GLY:C	12	49.04
(1,296)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	20	49.04
(1,233)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	17	49.03
(1,388)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	16	49.02
(1,260)	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	1:A:25:GLN:CD	16	49.01
(1,656)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	19	49.0
(1,233)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	2	49.0
(1,260)	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	1:A:25:GLN:CD	5	48.98
(1,224)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	2	48.98
(1,527)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	4	48.94
(1,522)	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	1:A:110:GLU:CD	7	48.92
(1,443)	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	1:A:82:GLU:CD	19	48.91
(1,385)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	7	48.9
(1,627)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	12	48.89
(1,480)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	8	48.89
(1,440)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	5	48.89
(1,487)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	19	48.87
(1,372)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	19	48.87
(1,501)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	2	48.86
(1,325)	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	1:A:44:GLN:CD	2	48.86
(1,473)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	1	48.82
(1,177)	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	1:A:3:PHE:CD1	4	48.82
(1,457)	1:A:86:ARG:C	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:C	1	48.8
(1,330)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	17	48.79
(1,683)	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	1:A:157:GLU:CD	8	48.78
(1,444)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	20	48.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,177)	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	1:A:3:PHE:CD1	13	48.76
(1,241)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	20	48.75
(1,556)	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	1:A:125:PHE:CD1	19	48.74
(1,532)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	15	48.74
(1,380)	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	1:A:62:PHE:CD1	9	48.74
(1,177)	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	1:A:3:PHE:CD1	12	48.74
(1,665)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	17	48.7
(1,601)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	18	48.7
(1,229)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	14	48.7
(1,681)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	3	48.67
(1,393)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	14	48.66
(1,447)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	14	48.65
(1,492)	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	1:A:102:TYR:CD1	8	48.64
(1,486)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	16	48.64
(1,434)	1:A:79:GLY:C	1:A:80:GLY:N	1:A:80:GLY:CA	1:A:80:GLY:C	15	48.63
(1,375)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	2	48.63
(1,612)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	3	48.62
(1,366)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	20	48.62
(1,453)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	11	48.61
(1,288)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	12	48.61
(1,344)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	12	48.58
(1,463)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	19	48.56
(1,305)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	8	48.56
(1,239)	1:A:18:PRO:N	1:A:18:PRO:CA	1:A:18:PRO:C	1:A:19:ALA:N	19	48.55
(1,19)	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:C	17	48.55
(1,184)	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	1:A:4:GLU:CD	13	48.55
(1,357)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	16	48.54
(1,657)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	9	48.52
(1,304)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:CB	1:A:41:ASP:CG	10	48.52
(1,383)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	20	48.51
(1,501)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	17	48.49
(1,488)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	9	48.48
(1,242)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	15	48.47
(1,245)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	14	48.46
(1,646)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	15	48.42
(1,221)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	10	48.42
(1,501)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	8	48.38
(1,265)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	1	48.38
(1,378)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	11	48.37
(1,645)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	7	48.34
(1,380)	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	1:A:62:PHE:CD1	5	48.34
(1,231)	1:A:16:PRO:N	1:A:16:PRO:CA	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	17	48.33
(1,446)	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	1:A:83:GLY:CA	1:A:83:GLY:C	5	48.32
(1,522)	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	1:A:110:GLU:CD	9	48.31
(1,659)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	11	48.3
(1,601)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	19	48.3
(1,485)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	20	48.3
(1,549)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	16	48.29
(1,260)	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	1:A:25:GLN:CD	7	48.29
(1,536)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	3	48.28
(1,421)	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	1:A:75:PHE:CD1	5	48.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,612)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	5	48.26
(1,369)	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	1:A:58:PHE:CD1	17	48.26
(1,287)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	7	48.26
(1,210)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	10	48.26
(1,242)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	1	48.25
(1,165)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	14	48.24
(1,535)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	14	48.23
(1,590)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	9	48.21
(1,587)	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	1:A:135:TYR:CD1	13	48.21
(1,528)	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	1:A:113:TYR:CD1	15	48.2
(1,429)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	12	48.19
(1,591)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	2	48.18
(1,231)	1:A:16:PRO:N	1:A:16:PRO:CA	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	15	48.14
(1,561)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	16	48.13
(1,534)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	5	48.13
(1,325)	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	1:A:44:GLN:CD	14	48.11
(1,243)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	12	48.11
(1,304)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:CB	1:A:41:ASP:CG	2	48.1
(1,573)	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	1:A:132:TYR:CD1	9	48.08
(1,528)	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	1:A:113:TYR:CD1	9	48.07
(1,344)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	4	48.07
(1,389)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	12	48.04
(1,615)	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	1:A:141:GLU:CD	4	48.03
(1,357)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	14	48.03
(1,12)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:C	1:A:15:ALA:N	14	48.03
(1,585)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	16	48.02
(1,357)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	15	48.01
(1,596)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	3	48.0
(1,614)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	5	47.99
(1,457)	1:A:86:ARG:C	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:C	2	47.97
(1,279)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	20	47.97
(1,668)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	16	47.96
(1,201)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	12	47.96
(1,531)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	17	47.95
(1,259)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	14	47.95
(1,285)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	7	47.94
(1,379)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	14	47.92
(1,200)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	8	47.92
(1,268)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	6	47.89
(1,646)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	10	47.87
(1,558)	1:A:126:ASP:N	1:A:126:ASP:CA	1:A:126:ASP:CB	1:A:126:ASP:CG	2	47.87
(1,585)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	7	47.86
(1,407)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:CB	1:A:71:VAL:CG1	8	47.86
(1,363)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	16	47.84
(1,507)	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	1:A:106:TYR:CD1	20	47.83
(1,440)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	2	47.82
(1,642)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	13	47.81
(1,682)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	16	47.8
(1,317)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	12	47.8
(1,245)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	16	47.8
(1,380)	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	1:A:62:PHE:CD1	3	47.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,483)	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	1:A:96:LYS:CD	8	47.76
(1,453)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	17	47.76
(1,174)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	10	47.71
(1,214)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	18	47.7
(1,559)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	3	47.69
(1,401)	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	1:A:69:PHE:CD1	11	47.67
(1,222)	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	1:A:12:LYS:CD	3	47.67
(1,12)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:C	1:A:15:ALA:N	3	47.64
(1,233)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	20	47.62
(1,376)	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	1:A:61:TYR:CD1	15	47.61
(1,184)	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	1:A:4:GLU:CD	2	47.61
(1,668)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	20	47.6
(1,549)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	7	47.59
(1,556)	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	1:A:125:PHE:CD1	14	47.58
(1,563)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	1	47.57
(1,416)	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	1:A:73:PHE:CD1	16	47.56
(1,164)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	9	47.55
(1,278)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	6	47.54
(1,531)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	4	47.53
(1,617)	1:A:141:GLU:C	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	19	47.52
(1,177)	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	1:A:3:PHE:CD1	10	47.52
(1,170)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	9	47.52
(1,630)	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:CB	1:A:145:ASP:CG	13	47.51
(1,484)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	9	47.49
(1,532)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	18	47.48
(1,491)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	2	47.46
(1,576)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	16	47.45
(1,19)	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:C	14	47.42
(1,682)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	12	47.41
(1,304)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:CB	1:A:41:ASP:CG	13	47.4
(1,583)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	3	47.39
(1,323)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	14	47.39
(1,225)	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	1:A:13:GLU:CD	18	47.39
(1,601)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	11	47.38
(1,368)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	4	47.36
(1,641)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	13	47.29
(1,296)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	7	47.26
(1,269)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	9	47.26
(1,280)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	19	47.25
(1,254)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	3	47.25
(1,367)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	3	47.24
(1,231)	1:A:16:PRO:N	1:A:16:PRO:CA	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	12	47.22
(1,244)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	4	47.21
(1,214)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	3	47.19
(1,416)	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	1:A:73:PHE:CD1	19	47.18
(1,576)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	19	47.17
(1,555)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	12	47.17
(1,395)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	18	47.16
(1,285)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	5	47.15
(1,366)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	16	47.13
(1,554)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	1	47.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,366)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	5	47.09
(1,298)	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	1:A:39:TYR:CD1	15	47.09
(1,350)	1:A:49:GLN:C	1:A:50:GLY:N	1:A:50:GLY:CA	1:A:50:GLY:C	11	47.08
(1,587)	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	1:A:135:TYR:CD1	6	47.05
(1,453)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	19	47.05
(1,615)	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	1:A:141:GLU:CD	19	47.04
(1,19)	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:C	19	47.01
(1,426)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	18	46.99
(1,306)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	18	46.98
(1,354)	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	1:A:51:LYS:CD	18	46.94
(1,191)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	14	46.94
(1,594)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	18	46.93
(1,506)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	18	46.93
(1,630)	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:CB	1:A:145:ASP:CG	2	46.92
(1,391)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	6	46.92
(1,325)	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	1:A:44:GLN:CD	4	46.92
(1,662)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	20	46.89
(1,489)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	18	46.89
(1,366)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	8	46.89
(1,288)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	20	46.88
(1,415)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	18	46.86
(1,680)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	1	46.85
(1,566)	1:A:128:SER:C	1:A:129:GLY:N	1:A:129:GLY:CA	1:A:129:GLY:C	11	46.84
(1,334)	1:A:45:LEU:C	1:A:46:LEU:N	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:C	4	46.79
(1,301)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	3	46.79
(1,261)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	9	46.79
(1,627)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	4	46.78
(1,630)	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:CB	1:A:145:ASP:CG	10	46.77
(1,595)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	13	46.74
(1,304)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:CB	1:A:41:ASP:CG	15	46.72
(1,156)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:C	1:A:150:ARG:N	9	46.72
(1,30)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:C	1:A:27:ALA:N	5	46.71
(1,598)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	13	46.7
(1,660)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	19	46.69
(1,219)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	11	46.68
(1,290)	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	1:A:35:PHE:CD1	9	46.63
(1,12)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:C	1:A:15:ALA:N	8	46.62
(1,30)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:C	1:A:27:ALA:N	11	46.61
(1,279)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	2	46.6
(1,660)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	20	46.59
(1,346)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	5	46.59
(1,444)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	9	46.58
(1,195)	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	1:A:6:GLN:CD	15	46.58
(1,194)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	11	46.58
(1,556)	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	1:A:125:PHE:CD1	11	46.56
(1,457)	1:A:86:ARG:C	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:C	4	46.55
(1,182)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	14	46.55
(1,585)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	2	46.54
(1,651)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	15	46.53
(1,636)	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	1:A:146:GLN:CD	1	46.51
(1,642)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	5	46.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,357)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	7	46.49
(1,245)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	7	46.48
(1,463)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	3	46.47
(1,180)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	16	46.47
(1,208)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	5	46.46
(1,357)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	11	46.44
(1,657)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	7	46.43
(1,30)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:C	1:A:27:ALA:N	6	46.43
(1,290)	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	1:A:35:PHE:CD1	20	46.42
(1,430)	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	1:A:78:GLU:CD	1	46.37
(1,208)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	15	46.37
(1,177)	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	1:A:3:PHE:CD1	8	46.37
(1,672)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	6	46.36
(1,19)	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:C	2	46.36
(1,599)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:CB	1:A:137:ASP:CG	8	46.34
(1,298)	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	1:A:39:TYR:CD1	20	46.33
(1,204)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	1:A:8:VAL:N	2	46.33
(1,296)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	2	46.32
(1,254)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	8	46.32
(1,12)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:C	1:A:15:ALA:N	2	46.3
(1,409)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	3	46.29
(1,246)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	2	46.28
(1,473)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	3	46.27
(1,198)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	18	46.27
(1,558)	1:A:126:ASP:N	1:A:126:ASP:CA	1:A:126:ASP:CB	1:A:126:ASP:CG	5	46.24
(1,558)	1:A:126:ASP:N	1:A:126:ASP:CA	1:A:126:ASP:CB	1:A:126:ASP:CG	14	46.22
(1,490)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	15	46.22
(1,332)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	15	46.21
(1,630)	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:CB	1:A:145:ASP:CG	4	46.19
(1,562)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	19	46.18
(1,558)	1:A:126:ASP:N	1:A:126:ASP:CA	1:A:126:ASP:CB	1:A:126:ASP:CG	16	46.17
(1,164)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	13	46.16
(1,630)	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:CB	1:A:145:ASP:CG	12	46.14
(1,662)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	15	46.09
(1,490)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	18	46.09
(1,563)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	12	46.08
(1,535)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	4	46.08
(1,487)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	20	46.07
(1,423)	1:A:76:PRO:N	1:A:76:PRO:CA	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	13	46.06
(1,405)	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	1:A:70:GLU:CD	16	46.06
(1,562)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	14	46.04
(1,455)	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	1:A:86:ARG:CD	15	46.04
(1,416)	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	1:A:73:PHE:CD1	15	46.04
(1,164)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	19	46.03
(1,569)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	9	45.93
(1,632)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	11	45.92
(1,596)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	4	45.91
(1,558)	1:A:126:ASP:N	1:A:126:ASP:CA	1:A:126:ASP:CB	1:A:126:ASP:CG	13	45.88
(1,210)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	20	45.83
(1,634)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	16	45.82
(1,372)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	8	45.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,261)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	13	45.81
(1,481)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	4	45.8
(1,229)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	5	45.77
(1,220)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	14	45.77
(1,225)	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	1:A:13:GLU:CD	12	45.76
(1,182)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	13	45.76
(1,281)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	2	45.75
(1,446)	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	1:A:83:GLY:CA	1:A:83:GLY:C	10	45.72
(1,253)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	13	45.71
(1,295)	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	1:A:36:GLU:CD	1	45.7
(1,587)	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	1:A:135:TYR:CD1	3	45.69
(1,503)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	9	45.69
(1,385)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	13	45.69
(1,457)	1:A:86:ARG:C	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:C	3	45.67
(1,295)	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	1:A:36:GLU:CD	17	45.65
(1,646)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	2	45.64
(1,423)	1:A:76:PRO:N	1:A:76:PRO:CA	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	11	45.64
(1,352)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	10	45.64
(1,288)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	14	45.63
(1,231)	1:A:16:PRO:N	1:A:16:PRO:CA	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	18	45.63
(1,220)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	6	45.62
(1,198)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	6	45.62
(1,622)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	12	45.6
(1,599)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:CB	1:A:137:ASP:CG	2	45.6
(1,416)	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	1:A:73:PHE:CD1	8	45.6
(1,239)	1:A:18:PRO:N	1:A:18:PRO:CA	1:A:18:PRO:C	1:A:19:ALA:N	17	45.6
(1,81)	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	8	45.59
(1,306)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	9	45.58
(1,556)	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	1:A:125:PHE:CD1	1	45.57
(1,323)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	19	45.55
(1,270)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	5	45.54
(1,485)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	7	45.49
(1,630)	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:CB	1:A:145:ASP:CG	6	45.44
(1,463)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	7	45.44
(1,211)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	8	45.44
(1,576)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	2	45.43
(1,246)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	9	45.43
(1,577)	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	1:A:133:GLU:CD	6	45.39
(1,632)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	19	45.38
(1,300)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	13	45.38
(1,503)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	5	45.37
(1,472)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	17	45.37
(1,246)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	5	45.37
(1,164)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	16	45.37
(1,684)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	6	45.36
(1,562)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	10	45.36
(1,327)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	12	45.35
(1,12)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:C	1:A:15:ALA:N	18	45.35
(1,434)	1:A:79:GLY:C	1:A:80:GLY:N	1:A:80:GLY:CA	1:A:80:GLY:C	9	45.34
(1,419)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	4	45.34
(1,551)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	19	45.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,645)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	18	45.32
(1,319)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	20	45.31
(1,375)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	16	45.3
(1,491)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	16	45.27
(1,501)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	13	45.26
(1,680)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	4	45.25
(1,239)	1:A:18:PRO:N	1:A:18:PRO:CA	1:A:18:PRO:C	1:A:19:ALA:N	6	45.24
(1,12)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:C	1:A:15:ALA:N	13	45.23
(1,229)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	3	45.22
(1,573)	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	1:A:132:TYR:CD1	11	45.18
(1,444)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	10	45.17
(1,320)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	12	45.16
(1,394)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	9	45.15
(1,241)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	17	45.15
(1,669)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	11	45.12
(1,294)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	3	45.12
(1,534)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	13	45.11
(1,504)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	7	45.09
(1,275)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	16	45.04
(1,217)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	3	45.04
(1,302)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	3	45.03
(1,314)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	2	45.02
(1,597)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	6	45.01
(1,447)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	15	45.01
(1,395)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	6	45.01
(1,278)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	14	45.01
(1,632)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	17	45.0
(1,549)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	19	44.99
(1,380)	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	1:A:62:PHE:CD1	10	44.99
(1,590)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	4	44.98
(1,233)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	3	44.98
(1,189)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	14	44.98
(1,551)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	18	44.97
(1,585)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	20	44.95
(1,510)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	17	44.94
(1,483)	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	1:A:96:LYS:CD	15	44.93
(1,450)	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	1:A:85:GLY:CA	1:A:85:GLY:C	13	44.93
(1,640)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	2	44.91
(1,611)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	19	44.91
(1,595)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	12	44.9
(1,611)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	8	44.89
(1,400)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	7	44.89
(1,369)	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	1:A:58:PHE:CD1	11	44.89
(1,650)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	6	44.88
(1,615)	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	1:A:141:GLU:CD	12	44.86
(1,337)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	6	44.85
(1,372)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	18	44.83
(1,330)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	2	44.83
(1,566)	1:A:128:SER:C	1:A:129:GLY:N	1:A:129:GLY:CA	1:A:129:GLY:C	13	44.81
(1,415)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	4	44.81
(1,512)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	7	44.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,443)	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	1:A:82:GLU:CD	15	44.78
(1,256)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	11	44.78
(1,587)	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	1:A:135:TYR:CD1	5	44.76
(1,448)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	19	44.76
(1,596)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	10	44.75
(1,510)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	8	44.75
(1,663)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	11	44.74
(1,551)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	9	44.74
(1,497)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	7	44.71
(1,184)	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	1:A:4:GLU:CD	14	44.71
(1,30)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:C	1:A:27:ALA:N	12	44.7
(1,30)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:C	1:A:27:ALA:N	15	44.7
(1,156)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:C	1:A:150:ARG:N	2	44.7
(1,318)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	12	44.69
(1,632)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	7	44.67
(1,385)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	12	44.67
(1,446)	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	1:A:83:GLY:CA	1:A:83:GLY:C	14	44.66
(1,658)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	9	44.62
(1,600)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	16	44.62
(1,615)	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	1:A:141:GLU:CD	10	44.61
(1,357)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	8	44.61
(1,306)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	16	44.6
(1,489)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	2	44.58
(1,415)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	11	44.58
(1,246)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	8	44.58
(1,593)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	4	44.57
(1,195)	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	1:A:6:GLN:CD	14	44.56
(1,279)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	16	44.54
(1,454)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	2	44.52
(1,447)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	6	44.52
(1,306)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	3	44.49
(1,513)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	3	44.47
(1,558)	1:A:126:ASP:N	1:A:126:ASP:CA	1:A:126:ASP:CB	1:A:126:ASP:CG	19	44.46
(1,583)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	8	44.45
(1,479)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	14	44.45
(1,204)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	1:A:8:VAL:N	16	44.45
(1,646)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	12	44.44
(1,643)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	17	44.44
(1,543)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	16	44.44
(1,204)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	1:A:8:VAL:N	20	44.44
(1,302)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	13	44.43
(1,664)	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	1:A:154:MET:SD	18	44.41
(1,400)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	5	44.35
(1,224)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	9	44.34
(1,200)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	4	44.34
(1,549)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	1	44.33
(1,549)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	12	44.33
(1,182)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	9	44.33
(1,426)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	10	44.3
(1,348)	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	1:A:49:GLN:CD	17	44.29
(1,272)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	13	44.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,538)	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	1:A:117:MET:SD	3	44.28
(1,571)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	2	44.26
(1,549)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	6	44.26
(1,325)	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	1:A:44:GLN:CD	19	44.26
(1,527)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	10	44.25
(1,568)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	8	44.24
(1,587)	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	1:A:135:TYR:CD1	14	44.23
(1,530)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	12	44.23
(1,241)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	12	44.23
(1,551)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	13	44.22
(1,258)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	1	44.21
(1,218)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	20	44.18
(1,615)	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	1:A:141:GLU:CD	13	44.17
(1,444)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	17	44.16
(1,410)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	16	44.14
(1,288)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	8	44.14
(1,193)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	18	44.14
(1,319)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	11	44.11
(1,638)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	17	44.09
(1,504)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	11	44.07
(1,386)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	2	44.07
(1,379)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	7	44.07
(1,409)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	14	44.02
(1,177)	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	1:A:3:PHE:CD1	11	44.02
(1,434)	1:A:79:GLY:C	1:A:80:GLY:N	1:A:80:GLY:CA	1:A:80:GLY:C	1	44.01
(1,428)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	5	44.01
(1,562)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	8	44.0
(1,540)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	10	43.99
(1,204)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	1:A:8:VAL:N	17	43.99
(1,202)	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	1:A:7:PHE:CD1	5	43.99
(1,510)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	6	43.97
(1,404)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	1	43.95
(1,621)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	6	43.94
(1,643)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	12	43.93
(1,434)	1:A:79:GLY:C	1:A:80:GLY:N	1:A:80:GLY:CA	1:A:80:GLY:C	14	43.92
(1,662)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	17	43.91
(1,415)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	6	43.91
(1,380)	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	1:A:62:PHE:CD1	1	43.91
(1,585)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	11	43.89
(1,513)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	20	43.89
(1,575)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	11	43.88
(1,619)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	19	43.87
(1,286)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	5	43.86
(1,175)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	16	43.85
(1,638)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	16	43.84
(1,12)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:C	1:A:15:ALA:N	1	43.84
(1,666)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	12	43.81
(1,486)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	11	43.79
(1,288)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	10	43.79
(1,611)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	2	43.77
(1,443)	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	1:A:82:GLU:CD	4	43.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,261)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	20	43.76
(1,551)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	2	43.75
(1,483)	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	1:A:96:LYS:CD	2	43.74
(1,12)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:C	1:A:15:ALA:N	17	43.74
(1,485)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	10	43.73
(1,440)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	16	43.73
(1,671)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	4	43.72
(1,627)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	19	43.72
(1,231)	1:A:16:PRO:N	1:A:16:PRO:CA	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	19	43.71
(1,279)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	19	43.69
(1,295)	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	1:A:36:GLU:CD	11	43.68
(1,269)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	1	43.67
(1,12)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:C	1:A:15:ALA:N	4	43.66
(1,551)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	12	43.64
(1,448)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	18	43.64
(1,368)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	1	43.62
(1,173)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	6	43.62
(1,385)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	11	43.61
(1,561)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	11	43.6
(1,445)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	19	43.6
(1,275)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	8	43.6
(1,285)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	4	43.58
(1,177)	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	1:A:3:PHE:CD1	9	43.58
(1,667)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	15	43.57
(1,323)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	1	43.57
(1,189)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	13	43.54
(1,366)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	17	43.53
(1,556)	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	1:A:125:PHE:CD1	13	43.52
(1,385)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	17	43.52
(1,362)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	14	43.52
(1,217)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	7	43.52
(1,573)	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	1:A:132:TYR:CD1	15	43.51
(1,520)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	12	43.51
(1,442)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	13	43.51
(1,385)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	6	43.51
(1,506)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	3	43.49
(1,673)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	2	43.48
(1,216)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	19	43.47
(1,596)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	12	43.46
(1,362)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	9	43.46
(1,245)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	18	43.46
(1,635)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	15	43.45
(1,481)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	3	43.44
(1,532)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	19	43.41
(1,284)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	16	43.41
(1,674)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	17	43.4
(1,450)	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	1:A:85:GLY:CA	1:A:85:GLY:C	9	43.4
(1,244)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	11	43.4
(1,352)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	14	43.39
(1,659)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	14	43.36
(1,488)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	11	43.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,337)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	7	43.3
(1,261)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	7	43.3
(1,179)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	4	43.3
(1,247)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	10	43.29
(1,585)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	1	43.28
(1,635)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	18	43.27
(1,451)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	7	43.26
(1,325)	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	1:A:44:GLN:CD	8	43.25
(1,621)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	20	43.24
(1,540)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	7	43.24
(1,395)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	8	43.24
(1,619)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	3	43.23
(1,229)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	12	43.22
(1,330)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	4	43.21
(1,177)	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	1:A:3:PHE:CD1	19	43.21
(1,531)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	20	43.2
(1,439)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	4	43.19
(1,179)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	18	43.18
(1,12)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:C	1:A:15:ALA:N	15	43.18
(1,549)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	8	43.17
(1,210)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	18	43.17
(1,684)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	4	43.16
(1,671)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	20	43.15
(1,220)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	19	43.15
(1,490)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	11	43.13
(1,388)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	10	43.13
(1,535)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	10	43.12
(1,194)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	3	43.11
(1,188)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	20	43.11
(1,527)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	17	43.09
(1,549)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	9	43.08
(1,246)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	13	43.07
(1,507)	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	1:A:106:TYR:CD1	11	43.05
(1,405)	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	1:A:70:GLU:CD	10	43.02
(1,266)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	2	43.02
(1,615)	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	1:A:141:GLU:CD	5	43.01
(1,414)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	1	42.97
(1,208)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	14	42.97
(1,265)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	9	42.94
(1,280)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	10	42.91
(1,221)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	3	42.91
(1,479)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1	42.9
(1,472)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	12	42.9
(1,441)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	7	42.9
(1,81)	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	13	42.89
(1,578)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	10	42.89
(1,330)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	9	42.88
(1,213)	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	1:A:10:GLU:CD	19	42.87
(1,401)	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	1:A:69:PHE:CD1	2	42.86
(1,551)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	17	42.82
(1,454)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	20	42.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,444)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	12	42.81
(1,215)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	3	42.81
(1,210)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	17	42.78
(1,673)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	9	42.76
(1,385)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	5	42.76
(1,232)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	7	42.76
(1,261)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	5	42.74
(1,681)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	5	42.73
(1,673)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	20	42.73
(1,543)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	18	42.71
(1,535)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	7	42.7
(1,239)	1:A:18:PRO:N	1:A:18:PRO:CA	1:A:18:PRO:C	1:A:19:ALA:N	3	42.7
(1,454)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	9	42.68
(1,444)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	11	42.68
(1,650)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	12	42.64
(1,561)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	20	42.64
(1,366)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	13	42.64
(1,526)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	7	42.63
(1,404)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	9	42.62
(1,388)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	13	42.62
(1,195)	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	1:A:6:GLN:CD	8	42.61
(1,595)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	2	42.6
(1,375)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	4	42.6
(1,280)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	20	42.6
(1,507)	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	1:A:106:TYR:CD1	9	42.59
(1,479)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	17	42.56
(1,357)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	20	42.55
(1,683)	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	1:A:157:GLU:CD	15	42.54
(1,556)	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	1:A:125:PHE:CD1	18	42.54
(1,632)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	12	42.53
(1,390)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	8	42.51
(1,488)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	8	42.49
(1,409)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	15	42.48
(1,210)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	19	42.47
(1,443)	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	1:A:82:GLU:CD	20	42.46
(1,563)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	10	42.45
(1,342)	1:A:47:ALA:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	6	42.43
(1,245)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	3	42.43
(1,593)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	2	42.42
(1,366)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	9	42.42
(1,30)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:C	1:A:27:ALA:N	7	42.42
(1,261)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	17	42.41
(1,454)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	3	42.38
(1,218)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	4	42.37
(1,575)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	17	42.36
(1,270)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	15	42.36
(1,545)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:CB	1:A:120:VAL:CG1	18	42.35
(1,513)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	16	42.35
(1,244)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	17	42.35
(1,593)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	20	42.34
(1,568)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	3	42.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,215)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	18	42.3
(1,244)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	5	42.29
(1,12)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:C	1:A:15:ALA:N	10	42.29
(1,325)	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	1:A:44:GLN:CD	5	42.28
(1,421)	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	1:A:75:PHE:CD1	9	42.26
(1,656)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	17	42.25
(1,369)	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	1:A:58:PHE:CD1	20	42.25
(1,261)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	11	42.24
(1,555)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	4	42.23
(1,242)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	5	42.21
(1,682)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	13	42.2
(1,347)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	7	42.18
(1,186)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	7	42.17
(1,276)	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	1:A:30:GLU:CD	16	42.16
(1,357)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	9	42.15
(1,337)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	2	42.15
(1,352)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	15	42.14
(1,229)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	9	42.14
(1,630)	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:CB	1:A:145:ASP:CG	18	42.13
(1,555)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	17	42.13
(1,491)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	4	42.13
(1,317)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	17	42.13
(1,305)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	5	42.13
(1,259)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	4	42.13
(1,344)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	19	42.12
(1,643)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	4	42.1
(1,368)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	19	42.1
(1,595)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	8	42.09
(1,526)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	11	42.07
(1,573)	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	1:A:132:TYR:CD1	6	42.06
(1,469)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	3	42.06
(1,337)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	19	42.05
(1,672)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	14	42.04
(1,193)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	15	42.02
(1,617)	1:A:141:GLU:C	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	3	42.0
(1,632)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	5	41.99
(1,372)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	17	41.99
(1,367)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	13	41.99
(1,634)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	2	41.98
(1,614)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	20	41.98
(1,166)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	12	41.97
(1,473)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	12	41.96
(1,362)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	17	41.95
(1,474)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	13	41.94
(1,611)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	7	41.93
(1,166)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	18	41.92
(1,261)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	3	41.91
(1,683)	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	1:A:157:GLU:CD	18	41.9
(1,658)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	1	41.9
(1,492)	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	1:A:102:TYR:CD1	6	41.89
(1,556)	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	1:A:125:PHE:CD1	15	41.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,549)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	17	41.88
(1,510)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	16	41.88
(1,662)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	6	41.85
(1,251)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	18	41.85
(1,662)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	9	41.84
(1,634)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	4	41.83
(1,562)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	13	41.83
(1,554)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	5	41.83
(1,211)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	12	41.83
(1,200)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	3	41.83
(1,320)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	16	41.8
(1,549)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	2	41.79
(1,531)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	18	41.79
(1,510)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	2	41.78
(1,660)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	14	41.76
(1,389)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	16	41.74
(1,594)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	1	41.73
(1,570)	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	1:A:130:GLU:CD	19	41.73
(1,645)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	3	41.72
(1,532)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	20	41.66
(1,201)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	7	41.66
(1,182)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	18	41.64
(1,479)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	9	41.63
(1,245)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	19	41.63
(1,385)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	20	41.62
(1,538)	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	1:A:117:MET:SD	14	41.61
(1,551)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	16	41.6
(1,204)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	1:A:8:VAL:N	10	41.6
(1,643)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	7	41.59
(1,400)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	10	41.59
(1,645)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	8	41.57
(1,366)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	2	41.56
(1,630)	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:CB	1:A:145:ASP:CG	19	41.55
(1,568)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	12	41.55
(1,247)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	19	41.55
(1,571)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	10	41.54
(1,587)	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	1:A:135:TYR:CD1	16	41.5
(1,576)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	13	41.5
(1,483)	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	1:A:96:LYS:CD	5	41.5
(1,382)	1:A:62:PHE:C	1:A:63:GLY:N	1:A:63:GLY:CA	1:A:63:GLY:C	2	41.49
(1,19)	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:C	20	41.49
(1,575)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	3	41.46
(1,201)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	10	41.46
(1,669)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	10	41.45
(1,213)	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	1:A:10:GLU:CD	15	41.45
(1,176)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	8	41.45
(1,176)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	19	41.44
(1,566)	1:A:128:SER:C	1:A:129:GLY:N	1:A:129:GLY:CA	1:A:129:GLY:C	7	41.43
(1,542)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	1	41.43
(1,407)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:CB	1:A:71:VAL:CG1	6	41.43
(1,30)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:C	1:A:27:ALA:N	2	41.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,501)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	10	41.42
(1,561)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	9	41.41
(1,426)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	11	41.4
(1,450)	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	1:A:85:GLY:CA	1:A:85:GLY:C	2	41.39
(1,296)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	16	41.38
(1,463)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	6	41.37
(1,485)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	5	41.35
(1,194)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	1	41.35
(1,555)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	6	41.34
(1,383)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	14	41.32
(1,219)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	19	41.32
(1,419)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	8	41.31
(1,265)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	8	41.31
(1,247)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	12	41.31
(1,226)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	15	41.31
(1,674)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	20	41.3
(1,254)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	2	41.3
(1,366)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	10	41.28
(1,179)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	17	41.28
(1,300)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	4	41.27
(1,193)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	7	41.27
(1,395)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	5	41.26
(1,564)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	4	41.25
(1,575)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	15	41.24
(1,470)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	12	41.24
(1,532)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	8	41.22
(1,469)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	8	41.22
(1,212)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	1	41.21
(1,613)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	9	41.2
(1,156)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:C	1:A:150:ARG:N	8	41.2
(1,194)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	12	41.19
(1,600)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	18	41.18
(1,617)	1:A:141:GLU:C	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	4	41.17
(1,254)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	5	41.17
(1,320)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	7	41.16
(1,197)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	18	41.16
(1,551)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	11	41.14
(1,572)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	3	41.13
(1,531)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	3	41.12
(1,521)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	18	41.12
(1,592)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	9	41.09
(1,400)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	6	41.09
(1,254)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	16	41.09
(1,585)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	6	41.08
(1,156)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:C	1:A:150:ARG:N	13	41.08
(1,302)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	20	41.07
(1,265)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	12	41.06
(1,259)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	18	41.06
(1,662)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	16	41.05
(1,484)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	13	41.05
(1,453)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	4	41.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,434)	1:A:79:GLY:C	1:A:80:GLY:N	1:A:80:GLY:CA	1:A:80:GLY:C	20	41.05
(1,334)	1:A:45:LEU:C	1:A:46:LEU:N	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:C	10	41.05
(1,261)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	2	41.05
(1,613)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	18	41.04
(1,671)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	14	41.03
(1,645)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	1	41.02
(1,337)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	16	41.02
(1,289)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	18	41.01
(1,304)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:CB	1:A:41:ASP:CG	6	40.99
(1,247)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	3	40.99
(1,184)	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	1:A:4:GLU:CD	19	40.99
(1,563)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	19	40.98
(1,336)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	12	40.98
(1,512)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	18	40.96
(1,451)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	17	40.95
(1,279)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	3	40.94
(1,81)	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	12	40.93
(1,176)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	3	40.93
(1,268)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	3	40.92
(1,208)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	10	40.91
(1,306)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	6	40.89
(1,302)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	16	40.88
(1,559)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	16	40.87
(1,551)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	14	40.87
(1,217)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	16	40.82
(1,669)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	4	40.81
(1,261)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	16	40.8
(1,645)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	20	40.79
(1,632)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	20	40.78
(1,501)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	1	40.78
(1,347)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	9	40.77
(1,280)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	4	40.77
(1,164)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	11	40.77
(1,214)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	19	40.76
(1,416)	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	1:A:73:PHE:CD1	1	40.75
(1,581)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	13	40.72
(1,279)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	7	40.71
(1,247)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	20	40.71
(1,241)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	7	40.69
(1,391)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	4	40.68
(1,306)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	4	40.68
(1,670)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	11	40.67
(1,613)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	1	40.67
(1,563)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	9	40.67
(1,473)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	17	40.67
(1,288)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	15	40.67
(1,527)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	5	40.64
(1,595)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	11	40.63
(1,650)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	4	40.62
(1,342)	1:A:47:ALA:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	15	40.61
(1,301)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	5	40.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,165)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	7	40.61
(1,657)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	6	40.6
(1,344)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	8	40.59
(1,184)	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	1:A:4:GLU:CD	6	40.59
(1,214)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	15	40.58
(1,645)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	17	40.57
(1,507)	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	1:A:106:TYR:CD1	8	40.57
(1,681)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	2	40.56
(1,423)	1:A:76:PRO:N	1:A:76:PRO:CA	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	14	40.56
(1,554)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	2	40.55
(1,554)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	18	40.54
(1,251)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	10	40.5
(1,474)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	6	40.49
(1,362)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	6	40.48
(1,200)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	1	40.48
(1,212)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	2	40.47
(1,504)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	8	40.46
(1,308)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	6	40.46
(1,265)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	17	40.45
(1,549)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	15	40.43
(1,373)	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	1:A:60:ARG:CD	20	40.42
(1,261)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	6	40.42
(1,593)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	8	40.41
(1,554)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	3	40.4
(1,485)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	18	40.4
(1,286)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	3	40.4
(1,545)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:CB	1:A:120:VAL:CG1	16	40.38
(1,453)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	15	40.38
(1,229)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	16	40.38
(1,198)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	14	40.38
(1,380)	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	1:A:62:PHE:CD1	17	40.37
(1,613)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	7	40.36
(1,342)	1:A:47:ALA:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	10	40.36
(1,551)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	10	40.35
(1,532)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	6	40.35
(1,457)	1:A:86:ARG:C	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:C	11	40.35
(1,419)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	19	40.35
(1,407)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:CB	1:A:71:VAL:CG1	15	40.35
(1,30)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:C	1:A:27:ALA:N	13	40.35
(1,258)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	16	40.35
(1,339)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	4	40.34
(1,457)	1:A:86:ARG:C	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:C	5	40.32
(1,572)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	4	40.29
(1,269)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	8	40.27
(1,497)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	5	40.26
(1,488)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	12	40.26
(1,191)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	4	40.26
(1,400)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	11	40.24
(1,231)	1:A:16:PRO:N	1:A:16:PRO:CA	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	11	40.24
(1,423)	1:A:76:PRO:N	1:A:76:PRO:CA	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	18	40.23
(1,633)	1:A:145:ASP:C	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:C	15	40.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,81)	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	11	40.19
(1,407)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:CB	1:A:71:VAL:CG1	1	40.18
(1,549)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	5	40.17
(1,265)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	18	40.16
(1,221)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	15	40.16
(1,585)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	14	40.14
(1,330)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	19	40.14
(1,627)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	11	40.13
(1,613)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	13	40.13
(1,166)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	13	40.12
(1,595)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	20	40.11
(1,647)	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	1:A:148:ARG:CD	8	40.1
(1,317)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	18	40.1
(1,388)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	8	40.09
(1,386)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	4	40.09
(1,374)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	6	40.09
(1,350)	1:A:49:GLN:C	1:A:50:GLY:N	1:A:50:GLY:CA	1:A:50:GLY:C	12	40.08
(1,305)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	13	40.05
(1,217)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	11	40.03
(1,510)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	19	40.02
(1,442)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	11	40.02
(1,594)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	7	40.0
(1,552)	1:A:123:ASN:N	1:A:123:ASN:CA	1:A:123:ASN:CB	1:A:123:ASN:CG	8	40.0
(1,457)	1:A:86:ARG:C	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:C	14	40.0
(1,275)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	6	40.0
(1,246)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	11	40.0
(1,571)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	16	39.99
(1,538)	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	1:A:117:MET:SD	5	39.99
(1,219)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	3	39.99
(1,470)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	17	39.98
(1,174)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	5	39.98
(1,382)	1:A:62:PHE:C	1:A:63:GLY:N	1:A:63:GLY:CA	1:A:63:GLY:C	7	39.97
(1,526)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	19	39.96
(1,549)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	10	39.95
(1,413)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:PHE:N	12	39.95
(1,681)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	20	39.94
(1,681)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	4	39.93
(1,507)	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	1:A:106:TYR:CD1	4	39.93
(1,450)	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	1:A:85:GLY:CA	1:A:85:GLY:C	20	39.93
(1,392)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	6	39.93
(1,175)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	15	39.93
(1,666)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	19	39.92
(1,659)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	5	39.91
(1,305)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	10	39.9
(1,491)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	19	39.87
(1,350)	1:A:49:GLN:C	1:A:50:GLY:N	1:A:50:GLY:CA	1:A:50:GLY:C	19	39.85
(1,320)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	14	39.85
(1,666)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	16	39.84
(1,397)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	15	39.84
(1,352)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	17	39.84
(1,551)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	15	39.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,183)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	2	39.82
(1,662)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	1	39.8
(1,189)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	15	39.8
(1,166)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	17	39.79
(1,585)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	5	39.76
(1,330)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	3	39.75
(1,301)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	15	39.75
(1,297)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	18	39.75
(1,434)	1:A:79:GLY:C	1:A:80:GLY:N	1:A:80:GLY:CA	1:A:80:GLY:C	4	39.74
(1,578)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	8	39.71
(1,594)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	16	39.7
(1,470)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	2	39.7
(1,568)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	20	39.68
(1,448)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	11	39.68
(1,246)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	6	39.67
(1,352)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	20	39.66
(1,347)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	12	39.66
(1,319)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	19	39.65
(1,619)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	7	39.64
(1,492)	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	1:A:102:TYR:CD1	7	39.64
(1,215)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	4	39.64
(1,231)	1:A:16:PRO:N	1:A:16:PRO:CA	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	8	39.63
(1,285)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1	39.62
(1,229)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	8	39.62
(1,12)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:C	1:A:15:ALA:N	9	39.62
(1,285)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	12	39.6
(1,532)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	3	39.59
(1,344)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	9	39.59
(1,327)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	20	39.59
(1,533)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	5	39.58
(1,261)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	18	39.58
(1,593)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	11	39.57
(1,352)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	11	39.56
(1,224)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	1	39.56
(1,447)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	3	39.55
(1,390)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	6	39.55
(1,317)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	8	39.55
(1,330)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	11	39.54
(1,441)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	19	39.51
(1,215)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	13	39.5
(1,451)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	19	39.49
(1,611)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	12	39.47
(1,485)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	11	39.46
(1,677)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	19	39.45
(1,368)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	8	39.45
(1,253)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	17	39.45
(1,556)	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	1:A:125:PHE:CD1	9	39.43
(1,296)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	1	39.43
(1,276)	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	1:A:30:GLU:CD	19	39.41
(1,473)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	18	39.39
(1,394)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	2	39.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,439)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	6	39.37
(1,558)	1:A:126:ASP:N	1:A:126:ASP:CA	1:A:126:ASP:CB	1:A:126:ASP:CG	4	39.34
(1,195)	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	1:A:6:GLN:CD	13	39.33
(1,378)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	18	39.32
(1,638)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	2	39.29
(1,212)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	5	39.29
(1,630)	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:CB	1:A:145:ASP:CG	17	39.28
(1,551)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	8	39.28
(1,491)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	5	39.28
(1,575)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	20	39.25
(1,563)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	18	39.25
(1,308)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	10	39.25
(1,613)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	12	39.24
(1,288)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	11	39.24
(1,566)	1:A:128:SER:C	1:A:129:GLY:N	1:A:129:GLY:CA	1:A:129:GLY:C	20	39.23
(1,497)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	3	39.22
(1,380)	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	1:A:62:PHE:CD1	12	39.22
(1,671)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	10	39.21
(1,224)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	17	39.2
(1,426)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	7	39.19
(1,627)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	3	39.17
(1,288)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	5	39.17
(1,662)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	3	39.16
(1,651)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	18	39.16
(1,169)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	5	39.15
(1,543)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	11	39.14
(1,421)	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	1:A:75:PHE:CD1	19	39.13
(1,165)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	20	39.13
(1,366)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	4	39.12
(1,317)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	13	39.12
(1,543)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	20	39.11
(1,165)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	1	39.1
(1,514)	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	1:A:108:GLU:CD	14	39.09
(1,510)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	18	39.09
(1,658)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	18	39.08
(1,556)	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	1:A:125:PHE:CD1	4	39.08
(1,541)	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	1:A:118:LYS:CD	3	39.07
(1,634)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	10	39.06
(1,630)	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:CB	1:A:145:ASP:CG	7	39.06
(1,513)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	2	39.05
(1,352)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	1	39.04
(1,218)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	13	39.04
(1,253)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	6	39.02
(1,245)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	10	39.02
(1,218)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	17	39.01
(1,337)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	8	38.99
(1,272)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	16	38.99
(1,256)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	1	38.99
(1,634)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	13	38.98
(1,332)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	1	38.96
(1,227)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	17	38.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,165)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	10	38.95
(1,246)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	1	38.92
(1,481)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	20	38.91
(1,224)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	14	38.91
(1,484)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	19	38.9
(1,231)	1:A:16:PRO:N	1:A:16:PRO:CA	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	16	38.9
(1,214)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	1	38.9
(1,165)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	8	38.89
(1,494)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	15	38.88
(1,662)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	7	38.87
(1,619)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	10	38.87
(1,549)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	14	38.87
(1,524)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	15	38.87
(1,471)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	20	38.87
(1,404)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	3	38.86
(1,501)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	7	38.85
(1,540)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	3	38.84
(1,385)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	1	38.83
(1,317)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	10	38.83
(1,619)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	2	38.82
(1,649)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	2	38.81
(1,564)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	3	38.81
(1,265)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	16	38.79
(1,193)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	17	38.78
(1,12)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:C	1:A:15:ALA:N	16	38.78
(1,477)	1:A:93:PRO:N	1:A:93:PRO:CA	1:A:93:PRO:C	1:A:94:SER:N	14	38.77
(1,510)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	3	38.76
(1,533)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	9	38.75
(1,261)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	19	38.75
(1,650)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	14	38.74
(1,371)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	15	38.74
(1,634)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	12	38.72
(1,575)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	8	38.72
(1,512)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	4	38.72
(1,562)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	7	38.71
(1,528)	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	1:A:113:TYR:CD1	11	38.71
(1,221)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	16	38.71
(1,175)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	1	38.71
(1,362)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	7	38.7
(1,532)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	11	38.68
(1,594)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	5	38.67
(1,278)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	9	38.67
(1,165)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	16	38.66
(1,250)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	12	38.65
(1,488)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	10	38.63
(1,453)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	16	38.62
(1,590)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	16	38.61
(1,244)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	13	38.61
(1,181)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	11	38.6
(1,512)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	19	38.59
(1,366)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	15	38.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,245)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	20	38.56
(1,173)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	1	38.56
(1,297)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	9	38.55
(1,239)	1:A:18:PRO:N	1:A:18:PRO:CA	1:A:18:PRO:C	1:A:19:ALA:N	14	38.55
(1,334)	1:A:45:LEU:C	1:A:46:LEU:N	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:C	12	38.54
(1,331)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	17	38.54
(1,330)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	12	38.54
(1,346)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	18	38.53
(1,652)	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	1:A:150:ARG:CD	2	38.5
(1,670)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	15	38.48
(1,628)	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:C	2	38.48
(1,423)	1:A:76:PRO:N	1:A:76:PRO:CA	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	5	38.48
(1,280)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	8	38.48
(1,578)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	11	38.46
(1,268)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	9	38.46
(1,175)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	7	38.46
(1,634)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	14	38.45
(1,399)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	8	38.41
(1,242)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	8	38.41
(1,223)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	5	38.4
(1,674)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	6	38.39
(1,569)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	10	38.39
(1,374)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	7	38.39
(1,239)	1:A:18:PRO:N	1:A:18:PRO:CA	1:A:18:PRO:C	1:A:19:ALA:N	2	38.38
(1,215)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	16	38.38
(1,186)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	14	38.38
(1,30)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:C	1:A:27:ALA:N	20	38.37
(1,560)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	5	38.36
(1,483)	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	1:A:96:LYS:CD	14	38.36
(1,323)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	12	38.36
(1,308)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	18	38.36
(1,676)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	5	38.35
(1,662)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	14	38.35
(1,215)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	6	38.35
(1,286)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	11	38.34
(1,182)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	11	38.33
(1,677)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	15	38.32
(1,554)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	11	38.32
(1,521)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	3	38.32
(1,477)	1:A:93:PRO:N	1:A:93:PRO:CA	1:A:93:PRO:C	1:A:94:SER:N	19	38.32
(1,375)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	14	38.31
(1,218)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	8	38.31
(1,212)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	17	38.3
(1,491)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	1	38.29
(1,200)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	6	38.29
(1,448)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	4	38.27
(1,682)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	8	38.25
(1,217)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	8	38.25
(1,621)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	2	38.24
(1,347)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	14	38.24
(1,164)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	6	38.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,611)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	9	38.21
(1,448)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	20	38.21
(1,241)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	4	38.2
(1,200)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	2	38.2
(1,561)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	1	38.19
(1,337)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	20	38.19
(1,486)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	10	38.18
(1,444)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	6	38.18
(1,590)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	7	38.17
(1,325)	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	1:A:44:GLN:CD	15	38.16
(1,352)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	16	38.15
(1,281)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	13	38.14
(1,543)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	2	38.13
(1,484)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	6	38.11
(1,652)	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	1:A:150:ARG:CD	11	38.09
(1,210)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	2	38.09
(1,290)	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	1:A:35:PHE:CD1	10	38.08
(1,526)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	2	38.06
(1,231)	1:A:16:PRO:N	1:A:16:PRO:CA	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1	38.06
(1,220)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	20	38.06
(1,379)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	15	38.05
(1,472)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	2	38.04
(1,635)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	20	38.01
(1,471)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	3	38.01
(1,551)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	4	37.99
(1,425)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:CB	1:A:77:VAL:CG1	7	37.98
(1,368)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	12	37.98
(1,354)	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	1:A:51:LYS:CD	2	37.98
(1,594)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	9	37.97
(1,423)	1:A:76:PRO:N	1:A:76:PRO:CA	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	7	37.95
(1,363)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	12	37.94
(1,301)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	2	37.94
(1,507)	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	1:A:106:TYR:CD1	15	37.93
(1,251)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	16	37.93
(1,254)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	11	37.92
(1,231)	1:A:16:PRO:N	1:A:16:PRO:CA	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	10	37.92
(1,330)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	7	37.9
(1,407)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:CB	1:A:71:VAL:CG1	14	37.89
(1,623)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	6	37.88
(1,538)	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	1:A:117:MET:SD	6	37.88
(1,455)	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	1:A:86:ARG:CD	18	37.88
(1,215)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	14	37.88
(1,680)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	10	37.87
(1,481)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	8	37.86
(1,218)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	18	37.86
(1,611)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	10	37.83
(1,646)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	14	37.82
(1,561)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	18	37.8
(1,259)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	17	37.8
(1,651)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	1	37.78
(1,217)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	4	37.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,596)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	11	37.77
(1,274)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	3	37.77
(1,634)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	17	37.75
(1,507)	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	1:A:106:TYR:CD1	12	37.75
(1,471)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	13	37.75
(1,368)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	10	37.73
(1,346)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	19	37.73
(1,330)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	16	37.73
(1,657)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	16	37.72
(1,256)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	9	37.72
(1,287)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	19	37.71
(1,540)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	11	37.7
(1,400)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	20	37.7
(1,193)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	19	37.7
(1,551)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	5	37.65
(1,488)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	5	37.63
(1,265)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	20	37.62
(1,415)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	15	37.61
(1,287)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	6	37.61
(1,510)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	11	37.6
(1,176)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	10	37.6
(1,549)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	20	37.59
(1,535)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	17	37.59
(1,383)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	7	37.59
(1,253)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	20	37.59
(1,614)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	16	37.58
(1,411)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	14	37.58
(1,575)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	5	37.57
(1,485)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	12	37.57
(1,650)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	20	37.56
(1,302)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	7	37.56
(1,239)	1:A:18:PRO:N	1:A:18:PRO:CA	1:A:18:PRO:C	1:A:19:ALA:N	15	37.56
(1,188)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	9	37.56
(1,182)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	4	37.55
(1,306)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	10	37.53
(1,261)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	14	37.53
(1,250)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	18	37.52
(1,416)	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	1:A:73:PHE:CD1	5	37.51
(1,549)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	13	37.49
(1,217)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	2	37.49
(1,290)	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	1:A:35:PHE:CD1	6	37.47
(1,266)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	15	37.47
(1,265)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	6	37.47
(1,473)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	7	37.46
(1,617)	1:A:141:GLU:C	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	8	37.43
(1,590)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	8	37.43
(1,175)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	5	37.43
(1,317)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	5	37.42
(1,666)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	6	37.41
(1,643)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	14	37.41
(1,671)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	8	37.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,184)	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	1:A:4:GLU:CD	17	37.39
(1,357)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	1	37.35
(1,613)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	10	37.34
(1,253)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	4	37.33
(1,193)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	20	37.33
(1,245)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	12	37.32
(1,457)	1:A:86:ARG:C	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:C	20	37.31
(1,415)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	2	37.31
(1,337)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	4	37.3
(1,510)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	15	37.28
(1,270)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	6	37.28
(1,410)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	8	37.27
(1,284)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	14	37.27
(1,224)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	8	37.26
(1,563)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	13	37.25
(1,166)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	3	37.24
(1,638)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	20	37.23
(1,239)	1:A:18:PRO:N	1:A:18:PRO:CA	1:A:18:PRO:C	1:A:19:ALA:N	8	37.23
(1,211)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	9	37.22
(1,472)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	9	37.2
(1,217)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	6	37.2
(1,404)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	20	37.19
(1,342)	1:A:47:ALA:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	7	37.19
(1,275)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	4	37.19
(1,177)	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	1:A:3:PHE:CD1	1	37.19
(1,656)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	4	37.18
(1,569)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	16	37.18
(1,285)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	20	37.18
(1,404)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	13	37.15
(1,248)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	19	37.15
(1,242)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	3	37.15
(1,531)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	14	37.11
(1,569)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	7	37.08
(1,346)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	3	37.07
(1,494)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	3	37.06
(1,256)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	17	37.05
(1,388)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	9	37.04
(1,603)	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:CB	1:A:138:ASN:CG	7	37.03
(1,555)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	20	37.03
(1,645)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	6	37.02
(1,165)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	11	37.02
(1,685)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	10	37.01
(1,274)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	10	37.01
(1,521)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	4	37.0
(1,30)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:C	1:A:27:ALA:N	8	36.99
(1,419)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	14	36.98
(1,471)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	8	36.97
(1,602)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	3	36.96
(1,253)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	9	36.96
(1,176)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	20	36.96
(1,330)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	6	36.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,275)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	7	36.95
(1,211)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	11	36.95
(1,337)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	3	36.94
(1,273)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	4	36.93
(1,193)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	2	36.92
(1,685)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	3	36.89
(1,451)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	10	36.89
(1,280)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	14	36.89
(1,658)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	8	36.88
(1,425)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:CB	1:A:77:VAL:CG1	13	36.87
(1,193)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	5	36.87
(1,330)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	18	36.86
(1,334)	1:A:45:LEU:C	1:A:46:LEU:N	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:C	18	36.85
(1,674)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	13	36.84
(1,575)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	18	36.84
(1,569)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	13	36.82
(1,512)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	1	36.82
(1,393)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	7	36.82
(1,222)	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	1:A:12:LYS:CD	6	36.82
(1,342)	1:A:47:ALA:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	17	36.81
(1,300)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	6	36.81
(1,187)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	9	36.8
(1,569)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	5	36.79
(1,255)	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	1:A:23:ARG:CD	2	36.79
(1,221)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	9	36.79
(1,660)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	13	36.77
(1,182)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	3	36.77
(1,394)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	7	36.76
(1,292)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	12	36.76
(1,247)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	18	36.76
(1,535)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	16	36.75
(1,481)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	14	36.75
(1,385)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	19	36.75
(1,622)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	14	36.73
(1,367)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	5	36.73
(1,172)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	13	36.72
(1,30)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:C	1:A:27:ALA:N	16	36.71
(1,294)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	18	36.71
(1,569)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	11	36.7
(1,367)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	16	36.68
(1,259)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	10	36.65
(1,200)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	19	36.65
(1,477)	1:A:93:PRO:N	1:A:93:PRO:CA	1:A:93:PRO:C	1:A:94:SER:N	15	36.64
(1,472)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	19	36.63
(1,302)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	10	36.62
(1,286)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	2	36.62
(1,654)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	3	36.58
(1,401)	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	1:A:69:PHE:CD1	17	36.58
(1,477)	1:A:93:PRO:N	1:A:93:PRO:CA	1:A:93:PRO:C	1:A:94:SER:N	20	36.57
(1,352)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	12	36.57
(1,194)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	10	36.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,507)	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	1:A:106:TYR:CD1	19	36.56
(1,182)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	1	36.55
(1,622)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	19	36.54
(1,611)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	1	36.54
(1,434)	1:A:79:GLY:C	1:A:80:GLY:N	1:A:80:GLY:CA	1:A:80:GLY:C	19	36.54
(1,347)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	15	36.54
(1,414)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	8	36.53
(1,330)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	10	36.51
(1,223)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	4	36.51
(1,12)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:C	1:A:15:ALA:N	5	36.5
(1,372)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	10	36.49
(1,308)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	14	36.48
(1,231)	1:A:16:PRO:N	1:A:16:PRO:CA	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	6	36.48
(1,222)	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	1:A:12:LYS:CD	11	36.48
(1,497)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	9	36.47
(1,231)	1:A:16:PRO:N	1:A:16:PRO:CA	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	7	36.47
(1,460)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	4	36.46
(1,415)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	13	36.46
(1,265)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	11	36.46
(1,474)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	5	36.44
(1,400)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	3	36.44
(1,454)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	7	36.43
(1,685)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	5	36.41
(1,578)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	4	36.4
(1,485)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	3	36.4
(1,296)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	10	36.4
(1,494)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	2	36.37
(1,253)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	12	36.37
(1,471)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	16	36.36
(1,198)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	7	36.36
(1,684)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	11	36.35
(1,513)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	5	36.34
(1,241)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1	36.34
(1,659)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	3	36.33
(1,231)	1:A:16:PRO:N	1:A:16:PRO:CA	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	5	36.33
(1,504)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	1	36.32
(1,218)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	5	36.32
(1,470)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1	36.31
(1,470)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	10	36.31
(1,258)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	20	36.31
(1,317)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	4	36.29
(1,638)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	10	36.28
(1,177)	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	1:A:3:PHE:CD1	2	36.28
(1,496)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	16	36.26
(1,371)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	6	36.26
(1,275)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	17	36.26
(1,551)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	6	36.24
(1,272)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	5	36.24
(1,287)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	18	36.22
(1,492)	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	1:A:102:TYR:CD1	5	36.21
(1,619)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	1	36.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,473)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	9	36.17
(1,259)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	7	36.17
(1,534)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	1	36.15
(1,228)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	10	36.15
(1,296)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	13	36.14
(1,571)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	12	36.1
(1,497)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	6	36.1
(1,497)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	15	36.1
(1,385)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	3	36.09
(1,379)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	6	36.09
(1,317)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	19	36.09
(1,212)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	16	36.09
(1,302)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	6	36.08
(1,646)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	19	36.06
(1,228)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	2	36.06
(1,611)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	15	36.05
(1,505)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	16	36.05
(1,473)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	4	36.05
(1,290)	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	1:A:35:PHE:CD1	5	36.04
(1,287)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	13	36.04
(1,198)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	20	36.04
(1,453)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	10	36.02
(1,362)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	8	36.02
(1,320)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	4	36.02
(1,332)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	20	36.01
(1,181)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	12	36.01
(1,217)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	12	35.98
(1,638)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	1	35.97
(1,400)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	4	35.97
(1,259)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	9	35.97
(1,347)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	13	35.96
(1,617)	1:A:141:GLU:C	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	20	35.95
(1,261)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	4	35.95
(1,554)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	15	35.93
(1,331)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	14	35.93
(1,579)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	9	35.92
(1,454)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	14	35.92
(1,569)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	1	35.91
(1,280)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	6	35.91
(1,512)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	13	35.87
(1,566)	1:A:128:SER:C	1:A:129:GLY:N	1:A:129:GLY:CA	1:A:129:GLY:C	18	35.85
(1,415)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	16	35.83
(1,350)	1:A:49:GLN:C	1:A:50:GLY:N	1:A:50:GLY:CA	1:A:50:GLY:C	1	35.82
(1,583)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	19	35.8
(1,510)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	20	35.8
(1,485)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	8	35.8
(1,317)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	16	35.8
(1,19)	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:C	3	35.8
(1,407)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:CB	1:A:71:VAL:CG1	16	35.79
(1,192)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	1	35.79
(1,481)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	18	35.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,474)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	2	35.77
(1,318)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	3	35.76
(1,250)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	6	35.76
(1,217)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1	35.76
(1,400)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	18	35.75
(1,217)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	5	35.75
(1,489)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	13	35.74
(1,366)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	7	35.73
(1,258)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	19	35.73
(1,681)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	19	35.71
(1,662)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	12	35.71
(1,594)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	10	35.71
(1,627)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	13	35.7
(1,305)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	9	35.7
(1,651)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	2	35.68
(1,371)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	11	35.68
(1,212)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	7	35.68
(1,656)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1	35.67
(1,556)	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	1:A:125:PHE:CD1	7	35.66
(1,186)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	18	35.66
(1,472)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	6	35.64
(1,366)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	12	35.64
(1,404)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	7	35.63
(1,218)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	9	35.63
(1,484)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	1	35.62
(1,372)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	12	35.62
(1,185)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	19	35.62
(1,394)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	4	35.61
(1,258)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	11	35.61
(1,385)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	18	35.59
(1,266)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	19	35.59
(1,202)	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	1:A:7:PHE:CD1	13	35.58
(1,659)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	20	35.54
(1,569)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	6	35.54
(1,477)	1:A:93:PRO:N	1:A:93:PRO:CA	1:A:93:PRO:C	1:A:94:SER:N	10	35.54
(1,601)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	12	35.53
(1,344)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	5	35.52
(1,535)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	2	35.51
(1,183)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	10	35.5
(1,244)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1	35.49
(1,678)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	3	35.48
(1,487)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	9	35.48
(1,474)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	15	35.47
(1,440)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	11	35.47
(1,247)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	7	35.47
(1,645)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	5	35.46
(1,179)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	7	35.46
(1,507)	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	1:A:106:TYR:CD1	5	35.43
(1,201)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	20	35.43
(1,585)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	13	35.42
(1,215)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	12	35.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,495)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	9	35.38
(1,285)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	9	35.38
(1,265)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	13	35.38
(1,662)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	10	35.36
(1,537)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	12	35.36
(1,506)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	5	35.36
(1,490)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	9	35.36
(1,374)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	1	35.36
(1,677)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	17	35.35
(1,617)	1:A:141:GLU:C	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	17	35.35
(1,198)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	13	35.34
(1,229)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	11	35.32
(1,543)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	15	35.31
(1,210)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	15	35.3
(1,495)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	17	35.28
(1,383)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	18	35.26
(1,305)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	14	35.26
(1,165)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	15	35.26
(1,254)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	19	35.25
(1,208)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	7	35.24
(1,434)	1:A:79:GLY:C	1:A:80:GLY:N	1:A:80:GLY:CA	1:A:80:GLY:C	7	35.23
(1,220)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	18	35.23
(1,317)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	7	35.22
(1,472)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	18	35.2
(1,156)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:C	1:A:150:ARG:N	19	35.2
(1,473)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	11	35.19
(1,670)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	19	35.18
(1,533)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	13	35.18
(1,30)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:C	1:A:27:ALA:N	3	35.18
(1,172)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	7	35.18
(1,590)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	14	35.15
(1,208)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	2	35.12
(1,677)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	6	35.11
(1,441)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	17	35.11
(1,587)	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	1:A:135:TYR:CD1	2	35.09
(1,193)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	13	35.09
(1,566)	1:A:128:SER:C	1:A:129:GLY:N	1:A:129:GLY:CA	1:A:129:GLY:C	15	35.07
(1,179)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	13	35.06
(1,673)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	19	35.05
(1,218)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	16	35.04
(1,647)	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	1:A:148:ARG:CD	13	35.01
(1,457)	1:A:86:ARG:C	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:C	10	35.01
(1,342)	1:A:47:ALA:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	13	35.0
(1,419)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	16	34.96
(1,231)	1:A:16:PRO:N	1:A:16:PRO:CA	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	4	34.96
(1,521)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	7	34.94
(1,387)	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	1:A:64:MET:SD	7	34.94
(1,457)	1:A:86:ARG:C	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:C	19	34.93
(1,419)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	10	34.92
(1,628)	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:C	9	34.91
(1,350)	1:A:49:GLN:C	1:A:50:GLY:N	1:A:50:GLY:CA	1:A:50:GLY:C	8	34.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,344)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	7	34.91
(1,323)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	17	34.9
(1,248)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	11	34.9
(1,442)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	17	34.89
(1,491)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	12	34.88
(1,357)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	19	34.86
(1,643)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	1	34.82
(1,474)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	11	34.81
(1,678)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	5	34.8
(1,412)	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	1:A:72:GLU:CD	12	34.78
(1,444)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	14	34.75
(1,253)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	19	34.75
(1,538)	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	1:A:117:MET:SD	16	34.74
(1,284)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	15	34.74
(1,166)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	15	34.74
(1,19)	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:C	8	34.71
(1,638)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	14	34.69
(1,501)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	18	34.69
(1,347)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	20	34.69
(1,426)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	2	34.68
(1,666)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	4	34.67
(1,657)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	13	34.67
(1,334)	1:A:45:LEU:C	1:A:46:LEU:N	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:C	8	34.66
(1,231)	1:A:16:PRO:N	1:A:16:PRO:CA	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	14	34.66
(1,676)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	17	34.65
(1,210)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	7	34.65
(1,491)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	9	34.64
(1,375)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	1	34.64
(1,619)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	12	34.63
(1,404)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	14	34.63
(1,512)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	11	34.62
(1,481)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	13	34.62
(1,266)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	13	34.62
(1,258)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	8	34.62
(1,540)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	13	34.61
(1,257)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	19	34.6
(1,233)	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:C	16	34.6
(1,614)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	8	34.59
(1,398)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	13	34.59
(1,670)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	18	34.58
(1,200)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	20	34.57
(1,173)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	7	34.57
(1,425)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:CB	1:A:77:VAL:CG1	14	34.56
(1,578)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	14	34.55
(1,182)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	7	34.54
(1,487)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	18	34.53
(1,473)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	15	34.53
(1,678)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	8	34.51
(1,258)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	15	34.51
(1,182)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	15	34.51
(1,382)	1:A:62:PHE:C	1:A:63:GLY:N	1:A:63:GLY:CA	1:A:63:GLY:C	10	34.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,374)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	9	34.5
(1,182)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	10	34.5
(1,309)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	16	34.49
(1,568)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	6	34.46
(1,404)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	8	34.44
(1,638)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	19	34.43
(1,611)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	20	34.42
(1,419)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	7	34.42
(1,200)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	18	34.42
(1,330)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	20	34.41
(1,265)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	19	34.41
(1,614)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	2	34.4
(1,554)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	9	34.4
(1,352)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	9	34.4
(1,259)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	11	34.39
(1,371)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	12	34.38
(1,297)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	19	34.38
(1,600)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	20	34.37
(1,68)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:C	1:A:70:GLU:N	14	34.36
(1,492)	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	1:A:102:TYR:CD1	4	34.35
(1,481)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	2	34.35
(1,650)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	2	34.32
(1,596)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	19	34.32
(1,372)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	11	34.32
(1,344)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	11	34.32
(1,211)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	7	34.32
(1,585)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	12	34.31
(1,512)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	10	34.31
(1,479)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	7	34.31
(1,626)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	13	34.3
(1,488)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	1	34.3
(1,356)	1:A:53:PRO:N	1:A:53:PRO:CA	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	16	34.3
(1,218)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	15	34.3
(1,680)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	5	34.29
(1,659)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	13	34.29
(1,457)	1:A:86:ARG:C	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:C	17	34.28
(1,374)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	18	34.28
(1,185)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	6	34.28
(1,362)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	5	34.27
(1,259)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	19	34.27
(1,19)	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:C	7	34.27
(1,394)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	13	34.26
(1,174)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	13	34.26
(1,352)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	7	34.25
(1,634)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	7	34.23
(1,473)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	2	34.23
(1,12)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:C	1:A:15:ALA:N	7	34.23
(1,352)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	8	34.22
(1,470)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	9	34.21
(1,451)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	15	34.21
(1,407)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:CB	1:A:71:VAL:CG1	2	34.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,256)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	5	34.21
(1,685)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	6	34.19
(1,410)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	9	34.18
(1,665)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	11	34.16
(1,442)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	16	34.14
(1,352)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	6	34.14
(1,168)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	9	34.13
(1,356)	1:A:53:PRO:N	1:A:53:PRO:CA	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	6	34.12
(1,479)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	19	34.11
(1,324)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	6	34.1
(1,685)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	17	34.09
(1,568)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	1	34.09
(1,563)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	8	34.09
(1,526)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	1	34.09
(1,248)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	9	34.08
(1,645)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	16	34.06
(1,400)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	12	34.06
(1,392)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	12	34.04
(1,494)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	14	34.03
(1,258)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	9	34.03
(1,255)	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	1:A:23:ARG:CD	20	34.03
(1,506)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	2	34.02
(1,429)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	9	34.02
(1,369)	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	1:A:58:PHE:CD1	6	34.02
(1,265)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	5	34.01
(1,175)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	12	33.98
(1,510)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	10	33.97
(1,497)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	11	33.96
(1,297)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	4	33.96
(1,684)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1	33.95
(1,474)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	4	33.95
(1,460)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	1	33.94
(1,666)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	20	33.92
(1,389)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	19	33.92
(1,193)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	4	33.91
(1,635)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	9	33.9
(1,572)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	12	33.9
(1,334)	1:A:45:LEU:C	1:A:46:LEU:N	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:C	19	33.9
(1,337)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	5	33.87
(1,301)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	16	33.86
(1,280)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	18	33.86
(1,659)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	19	33.85
(1,634)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	11	33.85
(1,429)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	7	33.85
(1,551)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	1	33.84
(1,501)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	3	33.83
(1,474)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	9	33.83
(1,258)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	7	33.83
(1,215)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	5	33.83
(1,403)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	4	33.82
(1,19)	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:C	15	33.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,189)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	3	33.82
(1,535)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	18	33.81
(1,680)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	18	33.8
(1,463)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	8	33.79
(1,590)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	20	33.78
(1,415)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	5	33.78
(1,220)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	8	33.78
(1,516)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	5	33.76
(1,460)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	11	33.76
(1,494)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	12	33.75
(1,372)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	6	33.74
(1,385)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	14	33.73
(1,393)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1	33.72
(1,561)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	5	33.71
(1,539)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	12	33.69
(1,259)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	20	33.69
(1,619)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	11	33.67
(1,512)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	5	33.66
(1,290)	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	1:A:35:PHE:CD1	4	33.66
(1,239)	1:A:18:PRO:N	1:A:18:PRO:CA	1:A:18:PRO:C	1:A:19:ALA:N	20	33.65
(1,671)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	9	33.64
(1,419)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	3	33.64
(1,642)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	20	33.63
(1,451)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	3	33.63
(1,211)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	20	33.63
(1,649)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	9	33.62
(1,531)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:CB	1:A:114:ASP:CG	13	33.62
(1,286)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	12	33.62
(1,483)	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	1:A:96:LYS:CD	6	33.61
(1,222)	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	1:A:12:LYS:CD	4	33.61
(1,512)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	8	33.59
(1,622)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	11	33.58
(1,183)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	17	33.58
(1,473)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	5	33.56
(1,399)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	3	33.56
(1,407)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:CB	1:A:71:VAL:CG1	11	33.55
(1,185)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	16	33.55
(1,512)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	12	33.54
(1,410)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	6	33.54
(1,374)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	13	33.54
(1,457)	1:A:86:ARG:C	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:C	7	33.53
(1,492)	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	1:A:102:TYR:CD1	10	33.51
(1,371)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	10	33.51
(1,251)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	15	33.51
(1,407)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:CB	1:A:71:VAL:CG1	19	33.5
(1,188)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	16	33.5
(1,390)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	13	33.49
(1,323)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	16	33.49
(1,224)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	4	33.49
(1,346)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	2	33.47
(1,647)	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	1:A:148:ARG:CD	7	33.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,541)	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	1:A:118:LYS:CD	7	33.44
(1,183)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	12	33.39
(1,635)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	8	33.38
(1,330)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	8	33.37
(1,228)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	19	33.37
(1,407)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:CB	1:A:71:VAL:CG1	13	33.36
(1,536)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	7	33.35
(1,400)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	15	33.35
(1,258)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	10	33.35
(1,578)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	17	33.34
(1,446)	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	1:A:83:GLY:CA	1:A:83:GLY:C	8	33.33
(1,426)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	17	33.33
(1,663)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	4	33.31
(1,595)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	6	33.31
(1,556)	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	1:A:125:PHE:CD1	6	33.31
(1,418)	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	1:A:74:GLY:CA	1:A:74:GLY:C	3	33.31
(1,210)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	9	33.3
(1,453)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	12	33.28
(1,448)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	17	33.27
(1,368)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	5	33.27
(1,494)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	6	33.25
(1,347)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	6	33.25
(1,520)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	14	33.24
(1,251)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	11	33.24
(1,385)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	9	33.23
(1,183)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	3	33.23
(1,488)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	6	33.22
(1,554)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	13	33.21
(1,220)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	9	33.21
(1,669)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	9	33.2
(1,327)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	3	33.2
(1,538)	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	1:A:117:MET:SD	10	33.18
(1,535)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	19	33.18
(1,451)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	12	33.18
(1,660)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	9	33.17
(1,581)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	4	33.16
(1,294)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	8	33.16
(1,539)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	9	33.12
(1,251)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	14	33.12
(1,350)	1:A:49:GLN:C	1:A:50:GLY:N	1:A:50:GLY:CA	1:A:50:GLY:C	5	33.11
(1,535)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	12	33.1
(1,415)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	17	33.09
(1,210)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	16	33.06
(1,654)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	4	33.05
(1,575)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	4	33.05
(1,287)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	14	33.05
(1,174)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	15	33.05
(1,471)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	14	33.04
(1,403)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	15	33.04
(1,254)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	9	33.04
(1,211)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	13	33.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,504)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	18	33.03
(1,549)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	11	33.02
(1,497)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	18	33.02
(1,483)	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	1:A:96:LYS:CD	7	33.01
(1,262)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	10	33.0
(1,164)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	18	32.99
(1,494)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	4	32.98
(1,216)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	17	32.98
(1,554)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	20	32.97
(1,451)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	2	32.96
(1,169)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	4	32.94
(1,568)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	7	32.92
(1,363)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	13	32.92
(1,658)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	2	32.91
(1,512)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	6	32.9
(1,334)	1:A:45:LEU:C	1:A:46:LEU:N	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:C	17	32.9
(1,193)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	6	32.9
(1,356)	1:A:53:PRO:N	1:A:53:PRO:CA	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	14	32.89
(1,307)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	2	32.88
(1,215)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	9	32.87
(1,578)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	3	32.85
(1,433)	1:A:78:GLU:C	1:A:79:GLY:N	1:A:79:GLY:CA	1:A:79:GLY:C	5	32.85
(1,374)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	20	32.84
(1,292)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	2	32.84
(1,568)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	16	32.82
(1,308)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	4	32.82
(1,218)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	12	32.82
(1,206)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	14	32.82
(1,403)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	20	32.81
(1,673)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	17	32.8
(1,308)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	3	32.8
(1,188)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	1	32.79
(1,634)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	6	32.78
(1,290)	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	1:A:35:PHE:CD1	3	32.78
(1,212)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	9	32.78
(1,188)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	6	32.78
(1,465)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	1	32.76
(1,165)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	3	32.76
(1,581)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	8	32.75
(1,251)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	19	32.75
(1,198)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	12	32.75
(1,481)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	19	32.74
(1,441)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	6	32.74
(1,223)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	8	32.74
(1,628)	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:C	1	32.73
(1,611)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	4	32.73
(1,425)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:CB	1:A:77:VAL:CG1	1	32.73
(1,253)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	18	32.73
(1,356)	1:A:53:PRO:N	1:A:53:PRO:CA	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	3	32.7
(1,527)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	8	32.69
(1,419)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	18	32.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,352)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	18	32.69
(1,248)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	16	32.69
(1,501)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	6	32.68
(1,383)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	16	32.68
(1,321)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	12	32.68
(1,280)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	17	32.68
(1,589)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	11	32.67
(1,448)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	9	32.67
(1,254)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	4	32.67
(1,229)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	1	32.67
(1,387)	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	1:A:64:MET:SD	8	32.66
(1,585)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	9	32.65
(1,601)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	13	32.64
(1,595)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	17	32.64
(1,287)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	8	32.64
(1,246)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	4	32.64
(1,215)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	20	32.63
(1,563)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	11	32.6
(1,242)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	20	32.6
(1,410)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	2	32.58
(1,362)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	15	32.58
(1,494)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	19	32.57
(1,176)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	5	32.57
(1,614)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	19	32.55
(1,404)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	18	32.55
(1,474)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	7	32.54
(1,425)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:CB	1:A:77:VAL:CG1	2	32.54
(1,460)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	19	32.49
(1,352)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	3	32.48
(1,308)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	8	32.48
(1,247)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	14	32.48
(1,429)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	16	32.47
(1,455)	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	1:A:86:ARG:CD	8	32.46
(1,410)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	1	32.46
(1,347)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	1	32.46
(1,411)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	15	32.45
(1,186)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	19	32.45
(1,651)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	20	32.44
(1,243)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	10	32.44
(1,179)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	15	32.44
(1,390)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	14	32.43
(1,671)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	2	32.42
(1,613)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	16	32.42
(1,410)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	14	32.42
(1,310)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	20	32.42
(1,254)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	20	32.41
(1,407)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:CB	1:A:71:VAL:CG1	18	32.4
(1,188)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	5	32.4
(1,188)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	4	32.39
(1,318)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	6	32.38
(1,296)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	11	32.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,451)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	11	32.36
(1,350)	1:A:49:GLN:C	1:A:50:GLY:N	1:A:50:GLY:CA	1:A:50:GLY:C	20	32.36
(1,383)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	5	32.34
(1,250)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	7	32.34
(1,521)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	20	32.33
(1,480)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	3	32.33
(1,266)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	7	32.33
(1,575)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	12	32.32
(1,540)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	6	32.32
(1,510)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	14	32.32
(1,585)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	10	32.31
(1,385)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	15	32.31
(1,650)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	17	32.3
(1,603)	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:CB	1:A:138:ASN:CG	9	32.3
(1,399)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	20	32.3
(1,404)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	6	32.28
(1,477)	1:A:93:PRO:N	1:A:93:PRO:CA	1:A:93:PRO:C	1:A:94:SER:N	6	32.27
(1,367)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	10	32.27
(1,650)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	3	32.26
(1,678)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	10	32.25
(1,649)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	20	32.25
(1,483)	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	1:A:96:LYS:CD	1	32.25
(1,484)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	2	32.24
(1,442)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	15	32.23
(1,383)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	12	32.23
(1,650)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	1	32.22
(1,454)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	6	32.22
(1,362)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	20	32.22
(1,176)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	11	32.21
(1,172)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	12	32.21
(1,258)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	17	32.2
(1,543)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	6	32.19
(1,645)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	14	32.18
(1,199)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	15	32.18
(1,520)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	2	32.16
(1,506)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	8	32.15
(1,483)	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	1:A:96:LYS:CD	10	32.15
(1,242)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	6	32.15
(1,188)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	2	32.15
(1,440)	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	13	32.14
(1,489)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	17	32.13
(1,414)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	19	32.13
(1,292)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	9	32.13
(1,621)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	11	32.11
(1,540)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	1	32.11
(1,543)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	13	32.1
(1,575)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	10	32.08
(1,253)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	11	32.08
(1,19)	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:C	9	32.08
(1,592)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	7	32.07
(1,344)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	2	32.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,275)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	9	32.04
(1,223)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	13	32.04
(1,536)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	2	32.02
(1,367)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	12	32.02
(1,620)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	20	32.01
(1,608)	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	1:A:140:ALA:CA	1:A:140:ALA:C	16	32.01
(1,603)	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:CB	1:A:138:ASN:CG	10	31.94
(1,395)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	19	31.94
(1,257)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	15	31.9
(1,344)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	18	31.89
(1,212)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	15	31.89
(1,651)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	19	31.88
(1,484)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	4	31.88
(1,324)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	5	31.88
(1,297)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	15	31.88
(1,292)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	1	31.87
(1,425)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:CB	1:A:77:VAL:CG1	10	31.86
(1,19)	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:C	16	31.85
(1,407)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:CB	1:A:71:VAL:CG1	7	31.83
(1,165)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	9	31.83
(1,674)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	14	31.79
(1,537)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	20	31.79
(1,229)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	4	31.79
(1,367)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	15	31.77
(1,262)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	15	31.77
(1,211)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	4	31.75
(1,366)	1:A:57:PRO:N	1:A:57:PRO:CA	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	18	31.74
(1,535)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	11	31.73
(1,628)	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:C	4	31.72
(1,558)	1:A:126:ASP:N	1:A:126:ASP:CA	1:A:126:ASP:CB	1:A:126:ASP:CG	10	31.71
(1,263)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	12	31.71
(1,32)	1:A:27:ALA:N	1:A:27:ALA:CA	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	19	31.7
(1,211)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	17	31.7
(1,374)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	14	31.69
(1,594)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	15	31.68
(1,412)	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	1:A:72:GLU:CD	18	31.67
(1,677)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	5	31.65
(1,323)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	13	31.65
(1,536)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	11	31.64
(1,495)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	20	31.64
(1,494)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	7	31.62
(1,287)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	17	31.62
(1,568)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	10	31.61
(1,224)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	5	31.6
(1,470)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	6	31.59
(1,412)	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	1:A:72:GLU:CD	10	31.59
(1,242)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	9	31.58
(1,208)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	3	31.58
(1,448)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	2	31.56
(1,314)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	17	31.55
(1,673)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	11	31.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,212)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	19	31.54
(1,357)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	10	31.53
(1,659)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	12	31.52
(1,578)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	18	31.51
(1,481)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	1	31.51
(1,410)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	13	31.51
(1,347)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	17	31.51
(1,218)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	2	31.51
(1,450)	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	1:A:85:GLY:CA	1:A:85:GLY:C	5	31.49
(1,207)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	20	31.49
(1,324)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	7	31.48
(1,248)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	3	31.47
(1,162)	1:A:152:SER:N	1:A:152:SER:CA	1:A:152:SER:C	1:A:153:LEU:N	18	31.44
(1,537)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	10	31.43
(1,477)	1:A:93:PRO:N	1:A:93:PRO:CA	1:A:93:PRO:C	1:A:94:SER:N	8	31.42
(1,242)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	11	31.42
(1,214)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	11	31.41
(1,644)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	1:A:148:ARG:N	17	31.4
(1,290)	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	1:A:35:PHE:CD1	12	31.39
(1,450)	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	1:A:85:GLY:CA	1:A:85:GLY:C	18	31.37
(1,654)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	16	31.34
(1,627)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	14	31.34
(1,608)	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	1:A:140:ALA:CA	1:A:140:ALA:C	9	31.34
(1,342)	1:A:47:ALA:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	12	31.34
(1,282)	1:A:31:LEU:C	1:A:32:GLY:N	1:A:32:GLY:CA	1:A:32:GLY:C	18	31.34
(1,266)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	10	31.34
(1,200)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	14	31.34
(1,679)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	8	31.31
(1,239)	1:A:18:PRO:N	1:A:18:PRO:CA	1:A:18:PRO:C	1:A:19:ALA:N	16	31.31
(1,314)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	8	31.29
(1,301)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	10	31.29
(1,286)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	1	31.29
(1,220)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	16	31.29
(1,223)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	3	31.28
(1,229)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	13	31.27
(1,651)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	14	31.26
(1,613)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	17	31.26
(1,578)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	7	31.26
(1,372)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	15	31.26
(1,301)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	1	31.26
(1,247)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	15	31.24
(1,540)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	16	31.22
(1,450)	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	1:A:85:GLY:CA	1:A:85:GLY:C	17	31.22
(1,643)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	8	31.21
(1,425)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:CB	1:A:77:VAL:CG1	19	31.2
(1,218)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	7	31.2
(1,186)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	12	31.2
(1,506)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	7	31.17
(1,670)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	7	31.16
(1,331)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	8	31.15
(1,614)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	15	31.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,628)	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:C	5	31.13
(1,543)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	10	31.13
(1,281)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	15	31.13
(1,243)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	18	31.12
(1,526)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	3	31.11
(1,434)	1:A:79:GLY:C	1:A:80:GLY:N	1:A:80:GLY:CA	1:A:80:GLY:C	8	31.11
(1,535)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	8	31.09
(1,451)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	4	31.09
(1,332)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	5	31.09
(1,223)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	14	31.09
(1,313)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	6	31.08
(1,471)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	4	31.07
(1,212)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	18	31.06
(1,166)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	4	31.06
(1,390)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	4	31.05
(1,446)	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	1:A:83:GLY:CA	1:A:83:GLY:C	16	31.04
(1,566)	1:A:128:SER:C	1:A:129:GLY:N	1:A:129:GLY:CA	1:A:129:GLY:C	3	31.03
(1,495)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	13	31.03
(1,173)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	11	31.03
(1,628)	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:C	11	31.01
(1,608)	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	1:A:140:ALA:CA	1:A:140:ALA:C	20	31.01
(1,674)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	2	31.0
(1,471)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	1	31.0
(1,410)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	4	31.0
(1,389)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	3	31.0
(1,173)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	20	30.97
(1,563)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	2	30.96
(1,658)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	6	30.95
(1,423)	1:A:76:PRO:N	1:A:76:PRO:CA	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	6	30.95
(1,404)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	5	30.95
(1,222)	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	1:A:12:LYS:CD	14	30.94
(1,166)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	1	30.9
(1,460)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	15	30.89
(1,166)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	20	30.87
(1,643)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	19	30.86
(1,535)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	15	30.86
(1,346)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	10	30.86
(1,200)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	5	30.86
(1,608)	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	1:A:140:ALA:CA	1:A:140:ALA:C	15	30.85
(1,300)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	14	30.85
(1,183)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	19	30.85
(1,650)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	18	30.84
(1,594)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	14	30.84
(1,628)	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:C	12	30.83
(1,626)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	3	30.83
(1,374)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	5	30.81
(1,337)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	10	30.81
(1,223)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	17	30.8
(1,185)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	8	30.8
(1,425)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:CB	1:A:77:VAL:CG1	8	30.79
(1,175)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	14	30.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,308)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	7	30.75
(1,185)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	17	30.75
(1,419)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	1	30.73
(1,404)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	2	30.73
(1,670)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	17	30.71
(1,181)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	5	30.71
(1,483)	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	1:A:96:LYS:CD	12	30.7
(1,354)	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	1:A:51:LYS:CD	9	30.69
(1,623)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	7	30.67
(1,660)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	4	30.66
(1,628)	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:C	13	30.65
(1,578)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	12	30.65
(1,516)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	4	30.64
(1,264)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	13	30.62
(1,608)	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	1:A:140:ALA:CA	1:A:140:ALA:C	10	30.61
(1,474)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	18	30.61
(1,494)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	5	30.6
(1,454)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	5	30.6
(1,188)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	8	30.6
(1,451)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	18	30.59
(1,404)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	17	30.58
(1,350)	1:A:49:GLN:C	1:A:50:GLY:N	1:A:50:GLY:CA	1:A:50:GLY:C	2	30.57
(1,162)	1:A:152:SER:N	1:A:152:SER:CA	1:A:152:SER:C	1:A:153:LEU:N	8	30.56
(1,367)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	8	30.55
(1,254)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	17	30.55
(1,156)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:C	1:A:150:ARG:N	17	30.55
(1,674)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	18	30.54
(1,434)	1:A:79:GLY:C	1:A:80:GLY:N	1:A:80:GLY:CA	1:A:80:GLY:C	3	30.54
(1,248)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	4	30.54
(1,682)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	11	30.53
(1,660)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	7	30.53
(1,372)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	5	30.52
(1,344)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	14	30.51
(1,664)	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	1:A:154:MET:SD	3	30.49
(1,537)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	6	30.47
(1,608)	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	1:A:140:ALA:CA	1:A:140:ALA:C	1	30.46
(1,297)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	8	30.46
(1,183)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	16	30.46
(1,536)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	14	30.45
(1,327)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	4	30.45
(1,285)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	10	30.45
(1,242)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	13	30.45
(1,183)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	20	30.45
(1,541)	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	1:A:118:LYS:CD	5	30.44
(1,223)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	1	30.44
(1,162)	1:A:152:SER:N	1:A:152:SER:CA	1:A:152:SER:C	1:A:153:LEU:N	11	30.44
(1,638)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	18	30.43
(1,580)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	15	30.43
(1,454)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	1	30.42
(1,608)	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	1:A:140:ALA:CA	1:A:140:ALA:C	14	30.41
(1,429)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	20	30.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,583)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	15	30.4
(1,491)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	20	30.4
(1,654)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	19	30.39
(1,595)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	19	30.38
(1,407)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:CB	1:A:71:VAL:CG1	3	30.38
(1,224)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	19	30.37
(1,608)	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	1:A:140:ALA:CA	1:A:140:ALA:C	13	30.36
(1,455)	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	1:A:86:ARG:CD	16	30.35
(1,585)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	3	30.34
(1,302)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	9	30.34
(1,263)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	4	30.33
(1,585)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	19	30.3
(1,608)	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	1:A:140:ALA:CA	1:A:140:ALA:C	18	30.27
(1,323)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	10	30.26
(1,292)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	10	30.26
(1,275)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	15	30.26
(1,164)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	2	30.26
(1,188)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	18	30.25
(1,352)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	4	30.24
(1,451)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	20	30.23
(1,297)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	5	30.23
(1,608)	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	1:A:140:ALA:CA	1:A:140:ALA:C	12	30.21
(1,425)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:CB	1:A:77:VAL:CG1	3	30.21
(1,296)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	12	30.21
(1,165)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	17	30.21
(1,537)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	13	30.2
(1,628)	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:C	8	30.19
(1,488)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	7	30.18
(1,477)	1:A:93:PRO:N	1:A:93:PRO:CA	1:A:93:PRO:C	1:A:94:SER:N	3	30.18
(1,19)	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:C	18	30.17
(1,608)	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	1:A:140:ALA:CA	1:A:140:ALA:C	2	30.16
(1,387)	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	1:A:64:MET:SD	1	30.16
(1,286)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	9	30.16
(1,671)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	3	30.15
(1,658)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	16	30.15
(1,318)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	4	30.15
(1,545)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:CB	1:A:120:VAL:CG1	13	30.14
(1,481)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	11	30.14
(1,248)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	13	30.12
(1,682)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	15	30.11
(1,628)	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:C	3	30.11
(1,407)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:CB	1:A:71:VAL:CG1	5	30.1
(1,223)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	7	30.1
(1,628)	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:C	7	30.09
(1,608)	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	1:A:140:ALA:CA	1:A:140:ALA:C	19	30.09
(1,642)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	11	30.08
(1,536)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	4	30.08
(1,679)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	14	30.07
(1,622)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	3	30.07
(1,243)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	14	30.07
(1,200)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	16	30.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,176)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	15	30.07
(1,671)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	16	30.06
(1,628)	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:C	17	30.06
(1,677)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	14	30.05
(1,628)	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:C	10	30.05
(1,12)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:C	1:A:15:ALA:N	6	30.04
(1,643)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	6	30.03
(1,337)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	18	30.03
(1,572)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	16	30.01
(1,450)	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	1:A:85:GLY:CA	1:A:85:GLY:C	19	30.0
(1,19)	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:C	6	30.0
(1,266)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	14	29.99
(1,525)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	2	29.97
(1,344)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	3	29.97
(1,336)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	18	29.97
(1,331)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	16	29.95
(1,379)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	1	29.94
(1,248)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	15	29.94
(1,418)	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	1:A:74:GLY:CA	1:A:74:GLY:C	11	29.93
(1,654)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	17	29.92
(1,643)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	11	29.92
(1,537)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	4	29.92
(1,410)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	11	29.92
(1,321)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	3	29.92
(1,262)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	12	29.92
(1,183)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	5	29.92
(1,494)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1	29.91
(1,385)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	4	29.91
(1,528)	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	1:A:113:TYR:CD1	1	29.9
(1,331)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	11	29.9
(1,269)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	11	29.9
(1,327)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	15	29.88
(1,165)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	13	29.88
(1,660)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	10	29.87
(1,626)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	11	29.87
(1,568)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	4	29.87
(1,206)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	9	29.86
(1,670)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	3	29.85
(1,173)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	9	29.85
(1,537)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	5	29.84
(1,369)	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	1:A:58:PHE:CD1	3	29.84
(1,266)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	18	29.84
(1,220)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	15	29.84
(1,518)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	12	29.83
(1,371)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	16	29.83
(1,190)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	8	29.83
(1,619)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	16	29.82
(1,601)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	16	29.82
(1,587)	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	1:A:135:TYR:CD1	20	29.82
(1,483)	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	1:A:96:LYS:CD	4	29.81
(1,419)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	9	29.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,222)	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	1:A:12:LYS:CD	18	29.81
(1,535)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	20	29.8
(1,442)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	9	29.79
(1,357)	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	6	29.79
(1,297)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	12	29.79
(1,206)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	3	29.79
(1,540)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	14	29.77
(1,296)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	5	29.77
(1,244)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	6	29.77
(1,472)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	5	29.76
(1,218)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	1	29.76
(1,280)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	3	29.75
(1,425)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:CB	1:A:77:VAL:CG1	5	29.74
(1,321)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	17	29.74
(1,207)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	12	29.74
(1,665)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	18	29.73
(1,327)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	11	29.73
(1,263)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	6	29.73
(1,601)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	20	29.72
(1,643)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	16	29.71
(1,571)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	4	29.71
(1,448)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	13	29.71
(1,429)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	14	29.71
(1,207)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	11	29.71
(1,442)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	20	29.7
(1,491)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	14	29.69
(1,183)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	6	29.69
(1,622)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	2	29.68
(1,194)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	8	29.67
(1,374)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	15	29.66
(1,334)	1:A:45:LEU:C	1:A:46:LEU:N	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:C	1	29.66
(1,259)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	16	29.65
(1,502)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	12	29.64
(1,601)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	5	29.62
(1,419)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	15	29.62
(1,19)	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:C	10	29.62
(1,176)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	17	29.62
(1,516)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	17	29.61
(1,318)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	7	29.6
(1,217)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	14	29.6
(1,319)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	9	29.58
(1,679)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	9	29.56
(1,582)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	6	29.56
(1,537)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	14	29.55
(1,352)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	19	29.55
(1,284)	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	10	29.55
(1,243)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	13	29.55
(1,407)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:CB	1:A:71:VAL:CG1	9	29.54
(1,654)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	6	29.53
(1,536)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	6	29.53
(1,211)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	2	29.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,473)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	6	29.51
(1,425)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:CB	1:A:77:VAL:CG1	11	29.51
(1,327)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	7	29.51
(1,597)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	16	29.5
(1,292)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	13	29.5
(1,250)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	20	29.49
(1,207)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	6	29.48
(1,627)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	18	29.46
(1,555)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	18	29.46
(1,269)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	17	29.46
(1,210)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	5	29.45
(1,463)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	4	29.44
(1,207)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	17	29.44
(1,677)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	18	29.43
(1,556)	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	1:A:125:PHE:CD1	2	29.43
(1,494)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	8	29.43
(1,410)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	7	29.43
(1,367)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	2	29.43
(1,266)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	3	29.43
(1,180)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	19	29.43
(1,568)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	17	29.42
(1,425)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:CB	1:A:77:VAL:CG1	12	29.42
(1,194)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	9	29.42
(1,488)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	19	29.41
(1,666)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	3	29.4
(1,510)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	1	29.4
(1,418)	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	1:A:74:GLY:CA	1:A:74:GLY:C	7	29.39
(1,486)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	6	29.36
(1,600)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	2	29.35
(1,521)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	17	29.35
(1,350)	1:A:49:GLN:C	1:A:50:GLY:N	1:A:50:GLY:CA	1:A:50:GLY:C	3	29.35
(1,672)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1	29.34
(1,614)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	1	29.33
(1,474)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	17	29.33
(1,222)	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	1:A:12:LYS:CD	20	29.32
(1,188)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	11	29.32
(1,319)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	14	29.3
(1,671)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	17	29.29
(1,641)	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	12	29.28
(1,419)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	12	29.22
(1,324)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	20	29.22
(1,659)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	10	29.21
(1,336)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	10	29.19
(1,280)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	5	29.19
(1,595)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	14	29.16
(1,642)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	19	29.14
(1,457)	1:A:86:ARG:C	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:C	18	29.14
(1,569)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	18	29.13
(1,479)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	15	29.12
(1,280)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	16	29.12
(1,318)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	5	29.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,279)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	12	29.1
(1,620)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	8	29.07
(1,489)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	15	29.07
(1,175)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	3	29.07
(1,590)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	3	29.06
(1,429)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	6	29.06
(1,215)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	7	29.06
(1,176)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	18	29.06
(1,463)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	14	29.04
(1,434)	1:A:79:GLY:C	1:A:80:GLY:N	1:A:80:GLY:CA	1:A:80:GLY:C	16	29.04
(1,257)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	2	29.04
(1,269)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	2	29.03
(1,671)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	6	29.02
(1,663)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	19	29.02
(1,638)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	15	29.02
(1,390)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	7	29.02
(1,188)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	7	29.01
(1,664)	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	1:A:154:MET:SD	15	29.0
(1,379)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	4	28.99
(1,646)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	1	28.98
(1,563)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	15	28.98
(1,172)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	18	28.97
(1,621)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	14	28.96
(1,32)	1:A:27:ALA:N	1:A:27:ALA:CA	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	17	28.96
(1,580)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	16	28.95
(1,454)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	4	28.95
(1,239)	1:A:18:PRO:N	1:A:18:PRO:CA	1:A:18:PRO:C	1:A:19:ALA:N	12	28.95
(1,597)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	20	28.94
(1,258)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	18	28.94
(1,677)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	8	28.92
(1,603)	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:CB	1:A:138:ASN:CG	5	28.92
(1,12)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:C	1:A:15:ALA:N	11	28.92
(1,477)	1:A:93:PRO:N	1:A:93:PRO:CA	1:A:93:PRO:C	1:A:94:SER:N	4	28.91
(1,331)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	5	28.91
(1,253)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	16	28.91
(1,566)	1:A:128:SER:C	1:A:129:GLY:N	1:A:129:GLY:CA	1:A:129:GLY:C	14	28.9
(1,398)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	5	28.89
(1,242)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	18	28.88
(1,280)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	15	28.87
(1,664)	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	1:A:154:MET:SD	11	28.86
(1,258)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	12	28.86
(1,627)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	2	28.85
(1,403)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	11	28.85
(1,327)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	5	28.85
(1,671)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	7	28.84
(1,223)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	11	28.84
(1,549)	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:CB	1:A:121:ASP:CG	4	28.83
(1,253)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	5	28.83
(1,477)	1:A:93:PRO:N	1:A:93:PRO:CA	1:A:93:PRO:C	1:A:94:SER:N	12	28.81
(1,276)	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	1:A:30:GLU:CD	5	28.81
(1,193)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	12	28.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,614)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	9	28.8
(1,512)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	15	28.8
(1,306)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	8	28.8
(1,211)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	1	28.79
(1,72)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1	28.76
(1,576)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	15	28.76
(1,275)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	12	28.76
(1,253)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	14	28.76
(1,180)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	17	28.76
(1,504)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	20	28.75
(1,229)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	7	28.73
(1,228)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	13	28.73
(1,186)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	6	28.73
(1,677)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	13	28.71
(1,674)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	8	28.71
(1,622)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	4	28.71
(1,407)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:CB	1:A:71:VAL:CG1	17	28.71
(1,191)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	11	28.71
(1,253)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	2	28.7
(1,266)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	8	28.69
(1,191)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	15	28.69
(1,654)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	12	28.68
(1,643)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	9	28.68
(1,218)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	6	28.68
(1,207)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	9	28.68
(1,192)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	10	28.67
(1,188)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	12	28.67
(1,170)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	13	28.67
(1,68)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:C	1:A:70:GLU:N	9	28.66
(1,654)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	18	28.66
(1,193)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	1	28.65
(1,643)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	18	28.64
(1,536)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	18	28.64
(1,489)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	16	28.64
(1,410)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	5	28.64
(1,404)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	12	28.6
(1,215)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	2	28.6
(1,535)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	6	28.59
(1,30)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:C	1:A:27:ALA:N	18	28.59
(1,169)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	20	28.59
(1,410)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	3	28.58
(1,392)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	16	28.58
(1,243)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	11	28.58
(1,339)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	1	28.57
(1,518)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	17	28.56
(1,206)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	2	28.56
(1,576)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	3	28.54
(1,339)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	10	28.54
(1,200)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	10	28.54
(1,32)	1:A:27:ALA:N	1:A:27:ALA:CA	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	7	28.52
(1,608)	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	1:A:140:ALA:CA	1:A:140:ALA:C	7	28.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,84)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:C	1:A:92:THR:N	17	28.5
(1,575)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	13	28.5
(1,494)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	10	28.5
(1,658)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	12	28.48
(1,649)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	14	28.47
(1,572)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	10	28.46
(1,521)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	9	28.46
(1,471)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	11	28.46
(1,336)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	13	28.46
(1,286)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	20	28.46
(1,339)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	9	28.45
(1,188)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	10	28.45
(1,662)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	5	28.44
(1,321)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	16	28.44
(1,646)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	8	28.43
(1,483)	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	1:A:96:LYS:CD	16	28.43
(1,310)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	9	28.42
(1,243)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	9	28.42
(1,212)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	3	28.42
(1,207)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	3	28.42
(1,582)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	10	28.41
(1,399)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	10	28.41
(1,619)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	6	28.38
(1,477)	1:A:93:PRO:N	1:A:93:PRO:CA	1:A:93:PRO:C	1:A:94:SER:N	11	28.38
(1,429)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	17	28.38
(1,286)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	17	28.38
(1,537)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	11	28.36
(1,483)	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	1:A:96:LYS:CD	19	28.35
(1,319)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	2	28.34
(1,658)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	15	28.33
(1,682)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	6	28.32
(1,392)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	4	28.27
(1,272)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	11	28.26
(1,239)	1:A:18:PRO:N	1:A:18:PRO:CA	1:A:18:PRO:C	1:A:19:ALA:N	13	28.24
(1,32)	1:A:27:ALA:N	1:A:27:ALA:CA	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	11	28.23
(1,261)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	15	28.23
(1,220)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	7	28.23
(1,543)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	4	28.22
(1,318)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	16	28.22
(1,228)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	4	28.21
(1,167)	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	1:A:1:MET:SD	12	28.21
(1,619)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	15	28.19
(1,463)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	16	28.19
(1,429)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	8	28.19
(1,621)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	18	28.17
(1,628)	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:C	20	28.16
(1,643)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	10	28.13
(1,398)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	16	28.13
(1,296)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	15	28.12
(1,84)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:C	1:A:92:THR:N	6	28.1
(1,654)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	8	28.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,256)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	15	28.1
(1,537)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	15	28.08
(1,425)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:CB	1:A:77:VAL:CG1	9	28.08
(1,176)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	13	28.07
(1,645)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	4	28.06
(1,473)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	13	28.06
(1,654)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	1	28.05
(1,451)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	9	28.05
(1,395)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	15	28.05
(1,474)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	12	28.04
(1,619)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	5	28.03
(1,165)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	12	28.03
(1,425)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:CB	1:A:77:VAL:CG1	16	28.01
(1,368)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	13	28.01
(1,537)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	2	27.98
(1,451)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	14	27.98
(1,654)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	9	27.95
(1,407)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:CB	1:A:71:VAL:CG1	20	27.95
(1,465)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	11	27.94
(1,294)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	6	27.94
(1,239)	1:A:18:PRO:N	1:A:18:PRO:CA	1:A:18:PRO:C	1:A:19:ALA:N	5	27.93
(1,319)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	15	27.92
(1,526)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	6	27.91
(1,465)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	9	27.9
(1,367)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	19	27.9
(1,460)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	8	27.88
(1,229)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	6	27.88
(1,166)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	5	27.88
(1,465)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	13	27.87
(1,388)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1	27.87
(1,318)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	13	27.87
(1,258)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	4	27.87
(1,207)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	19	27.87
(1,19)	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:C	12	27.87
(1,658)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	7	27.85
(1,603)	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:CB	1:A:138:ASN:CG	13	27.85
(1,628)	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:C	19	27.84
(1,190)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	20	27.84
(1,590)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	19	27.83
(1,282)	1:A:31:LEU:C	1:A:32:GLY:N	1:A:32:GLY:CA	1:A:32:GLY:C	10	27.83
(1,450)	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	1:A:85:GLY:CA	1:A:85:GLY:C	6	27.82
(1,519)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	15	27.81
(1,32)	1:A:27:ALA:N	1:A:27:ALA:CA	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	5	27.81
(1,681)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	13	27.8
(1,543)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	5	27.8
(1,622)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	1	27.79
(1,491)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	17	27.79
(1,463)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	15	27.78
(1,442)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	1	27.78
(1,250)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	8	27.78
(1,342)	1:A:47:ALA:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	20	27.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,166)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	19	27.77
(1,537)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	1	27.75
(1,541)	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	1:A:118:LYS:CD	17	27.74
(1,318)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	8	27.74
(1,194)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	16	27.73
(1,363)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	2	27.72
(1,218)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	14	27.71
(1,206)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	5	27.71
(1,344)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	16	27.7
(1,506)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	6	27.69
(1,539)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	6	27.68
(1,513)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	9	27.67
(1,250)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1	27.67
(1,527)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	13	27.66
(1,512)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	16	27.65
(1,379)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	17	27.65
(1,242)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	19	27.65
(1,649)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	4	27.63
(1,526)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	18	27.63
(1,516)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	7	27.63
(1,297)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	11	27.63
(1,611)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	14	27.62
(1,453)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	3	27.62
(1,677)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	1	27.61
(1,250)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	5	27.61
(1,527)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	15	27.6
(1,374)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	8	27.6
(1,275)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	2	27.57
(1,523)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	1	27.56
(1,242)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	10	27.56
(1,379)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	20	27.55
(1,12)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:C	1:A:15:ALA:N	12	27.55
(1,309)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	8	27.52
(1,246)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	14	27.52
(1,156)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:C	1:A:150:ARG:N	11	27.51
(1,679)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	6	27.49
(1,324)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	2	27.49
(1,603)	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:CB	1:A:138:ASN:CG	14	27.48
(1,331)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	9	27.48
(1,537)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	9	27.47
(1,264)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	18	27.47
(1,582)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	14	27.46
(1,448)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	1	27.46
(1,425)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:CB	1:A:77:VAL:CG1	4	27.44
(1,302)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	5	27.44
(1,379)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	3	27.43
(1,562)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	4	27.42
(1,337)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	17	27.41
(1,374)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	4	27.4
(1,331)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	10	27.38
(1,603)	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:CB	1:A:138:ASN:CG	3	27.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,367)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	20	27.37
(1,207)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	1	27.37
(1,286)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	8	27.36
(1,269)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	20	27.36
(1,247)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	4	27.36
(1,643)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	3	27.35
(1,380)	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	1:A:62:PHE:CD1	15	27.34
(1,470)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	19	27.33
(1,56)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ALA:N	13	27.32
(1,453)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	9	27.32
(1,281)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	17	27.32
(1,205)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	8	27.3
(1,342)	1:A:47:ALA:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	16	27.29
(1,654)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	13	27.28
(1,310)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1	27.28
(1,275)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	20	27.28
(1,671)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	12	27.27
(1,441)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	3	27.26
(1,425)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:CB	1:A:77:VAL:CG1	6	27.26
(1,393)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	13	27.26
(1,666)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	11	27.25
(1,528)	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	1:A:113:TYR:CD1	12	27.23
(1,394)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	3	27.22
(1,248)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	17	27.22
(1,673)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	16	27.2
(1,379)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	5	27.2
(1,88)	1:A:94:SER:N	1:A:94:SER:CA	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	3	27.19
(1,638)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	11	27.19
(1,674)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	9	27.18
(1,578)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	2	27.18
(1,309)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	4	27.18
(1,579)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	3	27.15
(1,554)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	7	27.15
(1,614)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	14	27.14
(1,489)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	4	27.13
(1,393)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	5	27.13
(1,309)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	2	27.13
(1,305)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	12	27.12
(1,651)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	13	27.11
(1,12)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:C	1:A:15:ALA:N	20	27.1
(1,659)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	2	27.09
(1,685)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	13	27.08
(1,248)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	10	27.08
(1,206)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	19	27.08
(1,156)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:C	1:A:150:ARG:N	18	27.07
(1,318)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	10	27.05
(1,80)	1:A:88:VAL:N	1:A:88:VAL:CA	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	14	27.04
(1,215)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	17	27.04
(1,686)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	12	27.03
(1,176)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	2	27.02
(1,580)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	19	27.0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,261)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	10	27.0
(1,308)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	5	26.99
(1,318)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	18	26.98
(1,281)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	9	26.98
(1,265)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	2	26.98
(1,572)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	11	26.96
(1,525)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	20	26.94
(1,597)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	3	26.93
(1,516)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	9	26.93
(1,429)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	4	26.93
(1,543)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	3	26.92
(1,516)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	10	26.91
(1,249)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	14	26.89
(1,193)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	3	26.89
(1,540)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	9	26.88
(1,534)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	9	26.88
(1,294)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	19	26.88
(1,611)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	11	26.87
(1,491)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	11	26.87
(1,543)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	9	26.86
(1,362)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	3	26.86
(1,221)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	19	26.85
(1,72)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	17	26.84
(1,601)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	6	26.83
(1,460)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	9	26.83
(1,220)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	17	26.83
(1,362)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	4	26.82
(1,582)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	15	26.81
(1,206)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	16	26.81
(1,339)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	7	26.8
(1,354)	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	1:A:51:LYS:CD	7	26.79
(1,356)	1:A:53:PRO:N	1:A:53:PRO:CA	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	2	26.78
(1,180)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	6	26.77
(1,666)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	10	26.76
(1,491)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	13	26.76
(1,619)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	18	26.74
(1,634)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	18	26.73
(1,622)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	18	26.72
(1,543)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	17	26.7
(1,594)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	6	26.69
(1,600)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	4	26.67
(1,250)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	2	26.67
(1,450)	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	1:A:85:GLY:CA	1:A:85:GLY:C	12	26.66
(1,330)	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	13	26.66
(1,205)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	17	26.66
(1,537)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	7	26.65
(1,679)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	20	26.62
(1,415)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	10	26.62
(1,619)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	14	26.61
(1,224)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	20	26.61
(1,266)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	4	26.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,685)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	11	26.59
(1,229)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	20	26.59
(1,482)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	3	26.56
(1,222)	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	1:A:12:LYS:CD	17	26.56
(1,339)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	3	26.55
(1,32)	1:A:27:ALA:N	1:A:27:ALA:CA	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	13	26.55
(1,592)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	16	26.54
(1,484)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	14	26.53
(1,425)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:CB	1:A:77:VAL:CG1	20	26.53
(1,441)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	12	26.52
(1,498)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	12	26.51
(1,239)	1:A:18:PRO:N	1:A:18:PRO:CA	1:A:18:PRO:C	1:A:19:ALA:N	10	26.51
(1,519)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	9	26.5
(1,398)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	10	26.5
(1,362)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	18	26.5
(1,189)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	16	26.5
(1,441)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	13	26.49
(1,425)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:CB	1:A:77:VAL:CG1	17	26.48
(1,428)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	19	26.45
(1,356)	1:A:53:PRO:N	1:A:53:PRO:CA	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	4	26.45
(1,224)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	6	26.45
(1,269)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	4	26.43
(1,465)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	17	26.41
(1,292)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	7	26.4
(1,56)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ALA:N	5	26.38
(1,418)	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	1:A:74:GLY:CA	1:A:74:GLY:C	20	26.38
(1,367)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	1	26.38
(1,302)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	8	26.38
(1,206)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	7	26.38
(1,643)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	20	26.37
(1,622)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	15	26.37
(1,535)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	3	26.37
(1,523)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	18	26.35
(1,628)	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:C	6	26.34
(1,206)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	11	26.32
(1,540)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	12	26.31
(1,395)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	1	26.31
(1,301)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	9	26.31
(1,334)	1:A:45:LEU:C	1:A:46:LEU:N	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:C	14	26.3
(1,392)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	3	26.29
(1,654)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	20	26.28
(1,626)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	19	26.28
(1,320)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	3	26.27
(1,489)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	3	26.26
(1,674)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	15	26.22
(1,562)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	12	26.22
(1,460)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	18	26.21
(1,331)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	4	26.2
(1,678)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	11	26.19
(1,660)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	1	26.19
(1,520)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	1	26.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,188)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	3	26.18
(1,297)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	17	26.17
(1,236)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	5	26.17
(1,658)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	19	26.15
(1,658)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	4	26.14
(1,281)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	18	26.14
(1,363)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	19	26.13
(1,336)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	5	26.13
(1,166)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	6	26.13
(1,674)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	4	26.12
(1,512)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	20	26.11
(1,379)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	10	26.11
(1,663)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	17	26.09
(1,617)	1:A:141:GLU:C	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	5	26.08
(1,314)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	11	26.08
(1,217)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	10	26.07
(1,543)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	12	26.06
(1,516)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	19	26.06
(1,327)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	1	26.05
(1,603)	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:CB	1:A:138:ASN:CG	12	26.04
(1,617)	1:A:141:GLU:C	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	16	26.03
(1,580)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	5	26.02
(1,239)	1:A:18:PRO:N	1:A:18:PRO:CA	1:A:18:PRO:C	1:A:19:ALA:N	1	26.02
(1,211)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	14	26.02
(1,682)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	9	25.99
(1,591)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	11	25.99
(1,327)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	6	25.99
(1,306)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	7	25.99
(1,516)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	13	25.98
(1,258)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	13	25.98
(1,678)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	20	25.97
(1,523)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	19	25.97
(1,306)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	14	25.97
(1,208)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	13	25.97
(1,84)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:C	1:A:92:THR:N	8	25.95
(1,524)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	13	25.94
(1,354)	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	1:A:51:LYS:CD	13	25.94
(1,385)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	2	25.93
(1,279)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1	25.92
(1,164)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	10	25.91
(1,585)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	4	25.89
(1,608)	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	1:A:140:ALA:CA	1:A:140:ALA:C	17	25.88
(1,228)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	17	25.87
(1,620)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	17	25.86
(1,156)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:C	1:A:150:ARG:N	10	25.85
(1,78)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	16	25.84
(1,434)	1:A:79:GLY:C	1:A:80:GLY:N	1:A:80:GLY:CA	1:A:80:GLY:C	11	25.84
(1,572)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	5	25.82
(1,540)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	15	25.82
(1,608)	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	1:A:140:ALA:CA	1:A:140:ALA:C	11	25.81
(1,460)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	10	25.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,472)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	7	25.8
(1,450)	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	1:A:85:GLY:CA	1:A:85:GLY:C	11	25.79
(1,259)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	1	25.79
(1,257)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	5	25.79
(1,407)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:CB	1:A:71:VAL:CG1	10	25.78
(1,362)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	1	25.78
(1,569)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	8	25.76
(1,504)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	4	25.76
(1,442)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:CB	1:A:82:GLU:CG	18	25.75
(1,572)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	2	25.74
(1,597)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	15	25.72
(1,561)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	2	25.72
(1,518)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	14	25.72
(1,383)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	15	25.72
(1,601)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	8	25.71
(1,480)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	10	25.71
(1,410)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	17	25.71
(1,312)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	6	25.71
(1,187)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	20	25.71
(1,666)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	7	25.69
(1,448)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	12	25.67
(1,19)	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:C	13	25.67
(1,258)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	2	25.66
(1,223)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	9	25.66
(1,519)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	4	25.64
(1,337)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	15	25.63
(1,654)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	11	25.62
(1,84)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:C	1:A:92:THR:N	19	25.59
(1,619)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	9	25.59
(1,562)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	15	25.58
(1,363)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	11	25.58
(1,297)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	3	25.58
(1,80)	1:A:88:VAL:N	1:A:88:VAL:CA	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	1	25.57
(1,568)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	2	25.57
(1,257)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	10	25.57
(1,645)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	12	25.56
(1,622)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	17	25.54
(1,516)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	12	25.53
(1,512)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	3	25.53
(1,614)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	11	25.52
(1,302)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	14	25.52
(1,172)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	2	25.52
(1,578)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	13	25.51
(1,460)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	17	25.51
(1,172)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	15	25.51
(1,425)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:CB	1:A:77:VAL:CG1	15	25.5
(1,398)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	9	25.5
(1,506)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	14	25.48
(1,453)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	2	25.48
(1,236)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	8	25.48
(1,362)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	10	25.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,222)	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	1:A:12:LYS:CD	5	25.47
(1,494)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	11	25.46
(1,395)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	7	25.46
(1,579)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	14	25.45
(1,307)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	15	25.45
(1,671)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	18	25.42
(1,504)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	16	25.42
(1,339)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	18	25.4
(1,256)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	19	25.4
(1,294)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	15	25.38
(1,572)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	9	25.37
(1,72)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	14	25.33
(1,682)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	14	25.33
(1,191)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	2	25.33
(1,398)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	4	25.32
(1,517)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	2	25.31
(1,649)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	18	25.3
(1,498)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	16	25.3
(1,342)	1:A:47:ALA:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	11	25.3
(1,419)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	13	25.29
(1,287)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	16	25.27
(1,172)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	3	25.27
(1,312)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	3	25.26
(1,80)	1:A:88:VAL:N	1:A:88:VAL:CA	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	18	25.23
(1,236)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	10	25.23
(1,229)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	15	25.21
(1,206)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	20	25.21
(1,506)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	20	25.2
(1,176)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	4	25.2
(1,642)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	1	25.18
(1,516)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	16	25.17
(1,371)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	18	25.17
(1,236)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	12	25.17
(1,672)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	3	25.13
(1,520)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	19	25.12
(1,399)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	7	25.11
(1,596)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	9	25.07
(1,324)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	11	25.07
(1,483)	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	1:A:96:LYS:CD	9	25.06
(1,602)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	2	25.04
(1,327)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	16	25.04
(1,527)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	14	25.03
(1,494)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	18	25.03
(1,621)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	8	25.02
(1,254)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	1	25.01
(1,513)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	14	25.0
(1,224)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	16	25.0
(1,80)	1:A:88:VAL:N	1:A:88:VAL:CA	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	13	24.99
(1,352)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:CB	1:A:51:LYS:CG	5	24.98
(1,342)	1:A:47:ALA:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	3	24.98
(1,495)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	18	24.97

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,236)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	6	24.97
(1,81)	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	9	24.96
(1,597)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	1	24.94
(1,523)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	7	24.93
(1,589)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	17	24.9
(1,16)	1:A:19:ALA:N	1:A:19:ALA:CA	1:A:19:ALA:C	1:A:20:LEU:N	6	24.89
(1,327)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	17	24.88
(1,207)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	2	24.88
(1,516)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	3	24.84
(1,520)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	15	24.83
(1,457)	1:A:86:ARG:C	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:C	13	24.83
(1,314)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	20	24.83
(1,671)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	19	24.82
(1,608)	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	1:A:140:ALA:CA	1:A:140:ALA:C	4	24.82
(1,205)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	1	24.81
(1,491)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	8	24.8
(1,471)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	18	24.8
(1,309)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	15	24.79
(1,410)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	19	24.78
(1,164)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	8	24.78
(1,207)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	7	24.76
(1,294)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	4	24.75
(1,236)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	14	24.75
(1,387)	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	1:A:64:MET:SD	16	24.72
(1,643)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	15	24.71
(1,294)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	11	24.71
(1,374)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	16	24.7
(1,398)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	11	24.69
(1,398)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	20	24.69
(1,337)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	14	24.69
(1,331)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	3	24.69
(1,651)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	5	24.68
(1,646)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	18	24.68
(1,228)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	11	24.68
(1,519)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	11	24.67
(1,513)	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:CB	1:A:108:GLU:CG	17	24.65
(1,339)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	12	24.65
(1,257)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	13	24.65
(1,411)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	18	24.64
(1,379)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	9	24.64
(1,580)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	20	24.63
(1,81)	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	3	24.62
(1,685)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	9	24.62
(1,518)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	2	24.6
(1,679)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	15	24.59
(1,575)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	2	24.57
(1,448)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	7	24.57
(1,212)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	8	24.56
(1,495)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	11	24.54
(1,459)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	6	24.53
(1,363)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	10	24.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,246)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	7	24.53
(1,519)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	5	24.51
(1,518)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	19	24.5
(1,580)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	13	24.49
(1,534)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	2	24.49
(1,342)	1:A:47:ALA:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	14	24.48
(1,251)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	9	24.46
(1,649)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	5	24.45
(1,649)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	7	24.45
(1,465)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	18	24.45
(1,666)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	13	24.44
(1,331)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	18	24.44
(1,294)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	16	24.43
(1,582)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	1	24.42
(1,362)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	11	24.42
(1,620)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	9	24.41
(1,383)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	19	24.39
(1,524)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	4	24.38
(1,556)	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:CB	1:A:125:PHE:CG	1:A:125:PHE:CD1	5	24.37
(1,219)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	9	24.37
(1,645)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	2	24.36
(1,176)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	9	24.35
(1,446)	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	1:A:83:GLY:CA	1:A:83:GLY:C	19	24.33
(1,309)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	11	24.33
(1,339)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	14	24.3
(1,638)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	5	24.29
(1,454)	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	13	24.26
(1,242)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	17	24.26
(1,374)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	3	24.25
(1,483)	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	1:A:96:LYS:CD	18	24.24
(1,477)	1:A:93:PRO:N	1:A:93:PRO:CA	1:A:93:PRO:C	1:A:94:SER:N	1	24.24
(1,319)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	3	24.24
(1,363)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	1	24.22
(1,186)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	10	24.2
(1,460)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	20	24.19
(1,286)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	4	24.19
(1,635)	1:A:146:GLN:N	1:A:146:GLN:CA	1:A:146:GLN:CB	1:A:146:GLN:CG	16	24.18
(1,371)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	8	24.18
(1,331)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	13	24.18
(1,269)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	19	24.17
(1,16)	1:A:19:ALA:N	1:A:19:ALA:CA	1:A:19:ALA:C	1:A:20:LEU:N	7	24.17
(1,619)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	17	24.14
(1,239)	1:A:18:PRO:N	1:A:18:PRO:CA	1:A:18:PRO:C	1:A:19:ALA:N	18	24.14
(1,551)	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:CB	1:A:122:ASP:CG	7	24.12
(1,321)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	7	24.12
(1,188)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	17	24.12
(1,450)	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	1:A:85:GLY:CA	1:A:85:GLY:C	1	24.11
(1,164)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	12	24.11
(1,491)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	7	24.09
(1,578)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	9	24.08
(1,568)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	9	24.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,367)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	7	24.07
(1,332)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	14	24.07
(1,677)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	11	24.05
(1,262)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	4	24.05
(1,229)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	18	24.05
(1,460)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	7	24.04
(1,455)	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:CB	1:A:86:ARG:CG	1:A:86:ARG:CD	19	24.02
(1,339)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	5	24.02
(1,263)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	1	24.02
(1,520)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	11	24.01
(1,491)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	10	24.01
(1,451)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	13	24.0
(1,685)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	15	23.99
(1,450)	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	1:A:85:GLY:CA	1:A:85:GLY:C	10	23.98
(1,191)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	20	23.98
(1,286)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	13	23.96
(1,167)	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	1:A:1:MET:SD	9	23.96
(1,498)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	19	23.95
(1,208)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	16	23.95
(1,320)	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	9	23.94
(1,491)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	18	23.91
(1,411)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	20	23.91
(1,558)	1:A:126:ASP:N	1:A:126:ASP:CA	1:A:126:ASP:CB	1:A:126:ASP:CG	6	23.9
(1,379)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	16	23.9
(1,685)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	8	23.89
(1,491)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	3	23.89
(1,446)	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	1:A:83:GLY:CA	1:A:83:GLY:C	3	23.89
(1,301)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	7	23.89
(1,666)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	2	23.88
(1,372)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	2	23.87
(1,362)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	19	23.87
(1,297)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	13	23.86
(1,451)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	16	23.84
(1,392)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	19	23.83
(1,572)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	6	23.8
(1,367)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	11	23.79
(1,286)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	18	23.78
(1,162)	1:A:152:SER:N	1:A:152:SER:CA	1:A:152:SER:C	1:A:153:LEU:N	17	23.78
(1,460)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	16	23.77
(1,236)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	4	23.77
(1,252)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	4	23.76
(1,173)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	18	23.76
(1,200)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	13	23.75
(1,198)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	11	23.74
(1,474)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	3	23.73
(1,457)	1:A:86:ARG:C	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:C	12	23.72
(1,649)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	10	23.71
(1,176)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:CB	1:A:3:PHE:CG	6	23.7
(1,88)	1:A:94:SER:N	1:A:94:SER:CA	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	14	23.69
(1,336)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	1	23.69
(1,649)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	11	23.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,253)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	8	23.68
(1,206)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	4	23.68
(1,290)	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	1:A:35:PHE:CD1	19	23.67
(1,651)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	10	23.65
(1,562)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	6	23.65
(1,297)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	10	23.6
(1,682)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	7	23.59
(1,372)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	13	23.59
(1,465)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	20	23.54
(1,414)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	13	23.54
(1,367)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	6	23.54
(1,477)	1:A:93:PRO:N	1:A:93:PRO:CA	1:A:93:PRO:C	1:A:94:SER:N	17	23.53
(1,622)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	9	23.51
(1,524)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	9	23.51
(1,638)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	9	23.5
(1,426)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	8	23.5
(1,363)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	18	23.5
(1,336)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	9	23.5
(1,269)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	12	23.49
(1,19)	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:C	1	23.48
(1,650)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	15	23.47
(1,19)	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:C	11	23.47
(1,685)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	19	23.46
(1,16)	1:A:19:ALA:N	1:A:19:ALA:CA	1:A:19:ALA:C	1:A:20:LEU:N	3	23.46
(1,84)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:C	1:A:92:THR:N	12	23.45
(1,506)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	4	23.45
(1,310)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	13	23.44
(1,323)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	8	23.43
(1,193)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	14	23.43
(1,350)	1:A:49:GLN:C	1:A:50:GLY:N	1:A:50:GLY:CA	1:A:50:GLY:C	9	23.42
(1,193)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:CB	1:A:6:GLN:CG	11	23.42
(1,603)	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:CB	1:A:138:ASN:CG	2	23.4
(1,519)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	10	23.4
(1,620)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	14	23.39
(1,418)	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	1:A:74:GLY:CA	1:A:74:GLY:C	5	23.39
(1,187)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	2	23.39
(1,287)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	2	23.38
(1,342)	1:A:47:ALA:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	5	23.36
(1,537)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	16	23.35
(1,507)	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	1:A:106:TYR:CD1	2	23.35
(1,608)	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	1:A:140:ALA:CA	1:A:140:ALA:C	5	23.34
(1,180)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	14	23.3
(1,426)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	4	23.29
(1,374)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	10	23.28
(1,287)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	15	23.28
(1,19)	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:C	4	23.28
(1,88)	1:A:94:SER:N	1:A:94:SER:CA	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	15	23.27
(1,516)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1	23.27
(1,620)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	18	23.26
(1,16)	1:A:19:ALA:N	1:A:19:ALA:CA	1:A:19:ALA:C	1:A:20:LEU:N	9	23.26
(1,78)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	13	23.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,254)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	15	23.24
(1,246)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	18	23.24
(1,603)	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:CB	1:A:138:ASN:CG	1	23.23
(1,677)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	12	23.22
(1,626)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	4	23.22
(1,600)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1	23.2
(1,363)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	4	23.18
(1,263)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	2	23.18
(1,68)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:C	1:A:70:GLU:N	7	23.17
(1,363)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	3	23.14
(1,646)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	9	23.13
(1,613)	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:CB	1:A:141:GLU:CG	4	23.13
(1,663)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	20	23.11
(1,477)	1:A:93:PRO:N	1:A:93:PRO:CA	1:A:93:PRO:C	1:A:94:SER:N	5	23.09
(1,292)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	5	23.08
(1,236)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	18	23.07
(1,677)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	16	23.06
(1,342)	1:A:47:ALA:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	19	23.06
(1,336)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	3	23.06
(1,80)	1:A:88:VAL:N	1:A:88:VAL:CA	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	20	23.05
(1,654)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	15	23.03
(1,207)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	18	23.02
(1,310)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	5	23.01
(1,578)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	19	23.0
(1,520)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	4	23.0
(1,387)	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	1:A:64:MET:SD	14	23.0
(1,638)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	6	22.99
(1,327)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	18	22.97
(1,236)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	1	22.96
(1,654)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	7	22.95
(1,257)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	17	22.95
(1,189)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	19	22.95
(1,483)	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	1:A:96:LYS:CD	13	22.94
(1,390)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	18	22.93
(1,250)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	10	22.92
(1,312)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	12	22.91
(1,80)	1:A:88:VAL:N	1:A:88:VAL:CA	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	3	22.9
(1,257)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	6	22.86
(1,582)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	18	22.85
(1,205)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	18	22.85
(1,380)	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	1:A:62:PHE:CD1	8	22.84
(1,575)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	19	22.83
(1,398)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	19	22.83
(1,263)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	7	22.83
(1,580)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	2	22.82
(1,520)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	5	22.8
(1,250)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	17	22.78
(1,388)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	18	22.77
(1,257)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	7	22.77
(1,484)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	16	22.76
(1,253)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	3	22.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,521)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	13	22.73
(1,367)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	18	22.73
(1,460)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	2	22.72
(1,327)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	2	22.71
(1,677)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	2	22.7
(1,460)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	3	22.7
(1,336)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	4	22.7
(1,398)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	7	22.69
(1,518)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	7	22.68
(1,172)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	14	22.68
(1,684)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	9	22.67
(1,367)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	4	22.64
(1,236)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	15	22.61
(1,670)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	8	22.6
(1,339)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	16	22.6
(1,681)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	12	22.59
(1,642)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	14	22.59
(1,275)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	11	22.58
(1,379)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	12	22.57
(1,327)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	8	22.57
(1,205)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	6	22.57
(1,638)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	8	22.56
(1,575)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	16	22.55
(1,543)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	7	22.55
(1,664)	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	1:A:154:MET:SD	14	22.54
(1,490)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	2	22.54
(1,660)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	2	22.53
(1,519)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	20	22.52
(1,251)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	12	22.52
(1,524)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	17	22.51
(1,524)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	10	22.49
(1,580)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1	22.47
(1,523)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	16	22.47
(1,473)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	8	22.47
(1,262)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	14	22.47
(1,252)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	17	22.47
(1,339)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	15	22.44
(1,426)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	6	22.42
(1,418)	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	1:A:74:GLY:CA	1:A:74:GLY:C	18	22.42
(1,534)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	17	22.41
(1,398)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	17	22.41
(1,205)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	13	22.41
(1,236)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	19	22.4
(1,590)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	12	22.39
(1,414)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	15	22.39
(1,385)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	8	22.38
(1,448)	1:A:83:GLY:C	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	10	22.32
(1,682)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	17	22.31
(1,339)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	13	22.31
(1,334)	1:A:45:LEU:C	1:A:46:LEU:N	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:C	2	22.3
(1,572)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	14	22.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,418)	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	1:A:74:GLY:CA	1:A:74:GLY:C	2	22.29
(1,286)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	19	22.29
(1,362)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	2	22.28
(1,311)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	19	22.28
(1,257)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	9	22.28
(1,321)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	19	22.27
(1,524)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	12	22.26
(1,32)	1:A:27:ALA:N	1:A:27:ALA:CA	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	3	22.26
(1,383)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	11	22.24
(1,217)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	20	22.23
(1,446)	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	1:A:83:GLY:CA	1:A:83:GLY:C	6	22.21
(1,347)	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:CB	1:A:49:GLN:CG	16	22.18
(1,672)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	18	22.15
(1,451)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	6	22.15
(1,306)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	11	22.14
(1,219)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	18	22.14
(1,18)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	1	22.14
(1,645)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	10	22.13
(1,521)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	6	22.12
(1,398)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	1	22.12
(1,524)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	8	22.11
(1,671)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	1	22.08
(1,378)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	14	22.08
(1,334)	1:A:45:LEU:C	1:A:46:LEU:N	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:C	3	22.06
(1,321)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	6	22.05
(1,258)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	14	22.05
(1,200)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	12	22.04
(1,595)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	9	22.03
(1,400)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	19	22.03
(1,418)	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	1:A:74:GLY:CA	1:A:74:GLY:C	19	22.02
(1,638)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	13	22.01
(1,519)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	13	22.01
(1,398)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	6	22.01
(1,628)	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:C	14	21.99
(1,620)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	5	21.97
(1,236)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	7	21.96
(1,596)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	6	21.94
(1,394)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	14	21.94
(1,387)	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	1:A:64:MET:SD	10	21.92
(1,653)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	5	21.87
(1,398)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	14	21.86
(1,280)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	13	21.86
(1,680)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	11	21.85
(1,356)	1:A:53:PRO:N	1:A:53:PRO:CA	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	13	21.85
(1,216)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	15	21.83
(1,80)	1:A:88:VAL:N	1:A:88:VAL:CA	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	19	21.82
(1,620)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	15	21.81
(1,516)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	8	21.81
(1,336)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	20	21.81
(1,267)	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	1:A:28:MET:SD	9	21.8
(1,169)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	6	21.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,156)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:C	1:A:150:ARG:N	12	21.79
(1,84)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:C	1:A:92:THR:N	3	21.78
(1,68)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:C	1:A:70:GLU:N	20	21.76
(1,310)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	19	21.76
(1,221)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	2	21.76
(1,537)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	17	21.73
(1,519)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	1	21.71
(1,290)	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	1:A:35:PHE:CD1	14	21.7
(1,418)	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	1:A:74:GLY:CA	1:A:74:GLY:C	12	21.69
(1,173)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	14	21.69
(1,520)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	3	21.68
(1,520)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	16	21.68
(1,282)	1:A:31:LEU:C	1:A:32:GLY:N	1:A:32:GLY:CA	1:A:32:GLY:C	20	21.67
(1,646)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	7	21.66
(1,287)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	11	21.66
(1,682)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	18	21.64
(1,309)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	18	21.64
(1,167)	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	1:A:1:MET:SD	20	21.63
(1,620)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	6	21.62
(1,169)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	19	21.6
(1,645)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	15	21.58
(1,207)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	4	21.55
(1,459)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	12	21.54
(1,460)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	13	21.53
(1,671)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	15	21.52
(1,281)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	8	21.52
(1,391)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	2	21.51
(1,72)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	19	21.5
(1,649)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	6	21.5
(1,496)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	10	21.5
(1,210)	1:A:9:CYS:C	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	3	21.48
(1,524)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	14	21.46
(1,332)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	17	21.46
(1,497)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	2	21.43
(1,321)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	18	21.43
(1,32)	1:A:27:ALA:N	1:A:27:ALA:CA	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1	21.43
(1,589)	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	6	21.42
(1,345)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:GLN:N	1:A:49:GLN:CA	1:A:49:GLN:C	17	21.42
(1,312)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	5	21.42
(1,524)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	5	21.41
(1,628)	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:C	16	21.4
(1,649)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	8	21.38
(1,626)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	9	21.38
(1,374)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	2	21.37
(1,339)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	8	21.37
(1,294)	1:A:36:GLU:N	1:A:36:GLU:CA	1:A:36:GLU:CB	1:A:36:GLU:CG	20	21.37
(1,243)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	16	21.37
(1,263)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	8	21.34
(1,342)	1:A:47:ALA:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	2	21.33
(1,263)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	19	21.33
(1,258)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	3	21.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,649)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	19	21.32
(1,484)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	17	21.32
(1,523)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	6	21.31
(1,312)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	16	21.28
(1,679)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	3	21.27
(1,520)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	10	21.27
(1,355)	1:A:52:SER:N	1:A:52:SER:CA	1:A:52:SER:C	1:A:53:PRO:N	8	21.25
(1,32)	1:A:27:ALA:N	1:A:27:ALA:CA	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	8	21.25
(1,262)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	19	21.25
(1,321)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	1	21.23
(1,628)	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:C	15	21.2
(1,686)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	4	21.18
(1,474)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	1	21.18
(1,537)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	19	21.17
(1,78)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	4	21.16
(1,516)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	20	21.16
(1,654)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	2	21.15
(1,342)	1:A:47:ALA:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	18	21.15
(1,72)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	8	21.13
(1,371)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	19	21.13
(1,252)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	13	21.13
(1,80)	1:A:88:VAL:N	1:A:88:VAL:CA	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	10	21.12
(1,654)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	14	21.11
(1,626)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	12	21.11
(1,480)	1:A:95:GLY:C	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	12	21.1
(1,651)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	8	21.08
(1,327)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	14	21.08
(1,540)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	2	21.06
(1,331)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	1	21.04
(1,524)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	3	21.02
(1,429)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	11	21.02
(1,355)	1:A:52:SER:N	1:A:52:SER:CA	1:A:52:SER:C	1:A:53:PRO:N	18	21.02
(1,223)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	2	21.02
(1,601)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	15	21.01
(1,336)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	8	21.01
(1,257)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	1	21.01
(1,206)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	10	20.98
(1,219)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	13	20.96
(1,12)	1:A:14:LEU:N	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:C	1:A:15:ALA:N	19	20.96
(1,419)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	6	20.94
(1,619)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	8	20.93
(1,516)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	6	20.93
(1,174)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	17	20.93
(1,506)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:CB	1:A:106:TYR:CG	9	20.92
(1,334)	1:A:45:LEU:C	1:A:46:LEU:N	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:C	11	20.92
(1,182)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:CB	1:A:4:GLU:CG	8	20.92
(1,627)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1	20.89
(1,398)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	2	20.89
(1,339)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	2	20.89
(1,199)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	10	20.89
(1,52)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:C	1:A:52:SER:N	12	20.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,84)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:C	1:A:92:THR:N	7	20.86
(1,52)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:C	1:A:52:SER:N	17	20.85
(1,426)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	12	20.84
(1,419)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	20	20.84
(1,654)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	10	20.81
(1,451)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	8	20.81
(1,257)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	8	20.81
(1,472)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	15	20.8
(1,257)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	3	20.77
(1,206)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	12	20.77
(1,16)	1:A:19:ALA:N	1:A:19:ALA:CA	1:A:19:ALA:C	1:A:20:LEU:N	4	20.77
(1,309)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	10	20.75
(1,419)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	17	20.74
(1,379)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	2	20.73
(1,525)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	11	20.71
(1,16)	1:A:19:ALA:N	1:A:19:ALA:CA	1:A:19:ALA:C	1:A:20:LEU:N	19	20.71
(1,459)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	5	20.7
(1,339)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	20	20.7
(1,672)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	12	20.69
(1,517)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	18	20.69
(1,205)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	15	20.69
(1,16)	1:A:19:ALA:N	1:A:19:ALA:CA	1:A:19:ALA:C	1:A:20:LEU:N	18	20.69
(1,516)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	15	20.68
(1,418)	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	1:A:74:GLY:CA	1:A:74:GLY:C	13	20.65
(1,660)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	16	20.64
(1,649)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	3	20.64
(1,540)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	18	20.63
(1,517)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	11	20.63
(1,181)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	2	20.6
(1,516)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	14	20.57
(1,496)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	8	20.57
(1,486)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1	20.56
(1,426)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	16	20.56
(1,384)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	17	20.56
(1,185)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	9	20.55
(1,167)	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	1:A:1:MET:SD	7	20.55
(1,404)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	19	20.53
(1,379)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	13	20.49
(1,497)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	13	20.48
(1,419)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	5	20.47
(1,164)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1	20.47
(1,596)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	20	20.46
(1,307)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	17	20.43
(1,532)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	5	20.42
(1,355)	1:A:52:SER:N	1:A:52:SER:CA	1:A:52:SER:C	1:A:53:PRO:N	17	20.41
(1,228)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	8	20.38
(1,16)	1:A:19:ALA:N	1:A:19:ALA:CA	1:A:19:ALA:C	1:A:20:LEU:N	5	20.37
(1,501)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	12	20.36
(1,374)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	12	20.36
(1,173)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	12	20.35
(1,156)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:C	1:A:150:ARG:N	3	20.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,603)	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:CB	1:A:138:ASN:CG	18	20.33
(1,684)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	17	20.32
(1,460)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	14	20.31
(1,595)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	16	20.3
(1,282)	1:A:31:LEU:C	1:A:32:GLY:N	1:A:32:GLY:CA	1:A:32:GLY:C	19	20.3
(1,426)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	20	20.26
(1,296)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	18	20.25
(1,399)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	1	20.24
(1,312)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	2	20.22
(1,162)	1:A:152:SER:N	1:A:152:SER:CA	1:A:152:SER:C	1:A:153:LEU:N	1	20.22
(1,243)	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:CB	1:A:20:LEU:CG	1:A:20:LEU:CD1	2	20.21
(1,678)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	4	20.19
(1,52)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:C	1:A:52:SER:N	7	20.19
(1,541)	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	1:A:118:LYS:CD	4	20.18
(1,251)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	6	20.18
(1,477)	1:A:93:PRO:N	1:A:93:PRO:CA	1:A:93:PRO:C	1:A:94:SER:N	13	20.17
(1,451)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	5	20.14
(1,253)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	10	20.11
(1,638)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	3	20.1
(1,496)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1	20.09
(1,16)	1:A:19:ALA:N	1:A:19:ALA:CA	1:A:19:ALA:C	1:A:20:LEU:N	14	20.09
(1,597)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	4	20.07
(1,250)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	15	20.06
(1,339)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	19	20.02
(1,84)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:C	1:A:92:THR:N	18	20.0
(1,621)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	15	20.0
(1,595)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	7	20.0
(1,282)	1:A:31:LEU:C	1:A:32:GLY:N	1:A:32:GLY:CA	1:A:32:GLY:C	8	20.0
(1,247)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	11	20.0
(1,211)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:CB	1:A:10:GLU:CG	10	19.98
(1,167)	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	1:A:1:MET:SD	2	19.96
(1,198)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	1	19.94
(1,571)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	8	19.93
(1,541)	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	1:A:118:LYS:CD	1	19.93
(1,334)	1:A:45:LEU:C	1:A:46:LEU:N	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:C	7	19.93
(1,297)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	6	19.93
(1,239)	1:A:18:PRO:N	1:A:18:PRO:CA	1:A:18:PRO:C	1:A:19:ALA:N	4	19.91
(1,667)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	18	19.9
(1,666)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	14	19.89
(1,263)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	10	19.88
(1,250)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	13	19.88
(1,426)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	3	19.87
(1,301)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	11	19.87
(1,331)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	7	19.85
(1,663)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	2	19.82
(1,275)	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:CB	1:A:30:GLU:CG	1	19.81
(1,314)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	3	19.79
(1,314)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	13	19.79
(1,16)	1:A:19:ALA:N	1:A:19:ALA:CA	1:A:19:ALA:C	1:A:20:LEU:N	12	19.79
(1,450)	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	1:A:85:GLY:CA	1:A:85:GLY:C	7	19.78
(1,72)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	10	19.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,519)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	8	19.74
(1,81)	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	15	19.72
(1,355)	1:A:52:SER:N	1:A:52:SER:CA	1:A:52:SER:C	1:A:53:PRO:N	4	19.71
(1,169)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	11	19.71
(1,459)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	14	19.69
(1,78)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	7	19.68
(1,444)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	4	19.66
(1,538)	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	1:A:117:MET:SD	18	19.65
(1,649)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	12	19.64
(1,180)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	9	19.64
(1,337)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	11	19.62
(1,228)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	16	19.62
(1,356)	1:A:53:PRO:N	1:A:53:PRO:CA	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	19	19.61
(1,660)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	17	19.6
(1,287)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	3	19.6
(1,321)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	9	19.59
(1,414)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	14	19.58
(1,263)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	11	19.58
(1,262)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	6	19.58
(1,578)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	15	19.57
(1,80)	1:A:88:VAL:N	1:A:88:VAL:CA	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	2	19.56
(1,394)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	1	19.56
(1,355)	1:A:52:SER:N	1:A:52:SER:CA	1:A:52:SER:C	1:A:53:PRO:N	11	19.56
(1,312)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	11	19.56
(1,169)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	16	19.56
(1,537)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	8	19.54
(1,309)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	6	19.54
(1,282)	1:A:31:LEU:C	1:A:32:GLY:N	1:A:32:GLY:CA	1:A:32:GLY:C	1	19.53
(1,582)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	5	19.5
(1,446)	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	1:A:83:GLY:CA	1:A:83:GLY:C	2	19.49
(1,675)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	19	19.48
(1,649)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	17	19.47
(1,356)	1:A:53:PRO:N	1:A:53:PRO:CA	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	10	19.47
(1,250)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	4	19.46
(1,517)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	14	19.43
(1,496)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	5	19.4
(1,607)	1:A:139:PRO:N	1:A:139:PRO:CA	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	15	19.38
(1,477)	1:A:93:PRO:N	1:A:93:PRO:CA	1:A:93:PRO:C	1:A:94:SER:N	16	19.38
(1,314)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	18	19.38
(1,82)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	14	19.37
(1,516)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	11	19.37
(1,580)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	12	19.35
(1,519)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	16	19.35
(1,519)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	18	19.34
(1,301)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	20	19.33
(1,517)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	15	19.32
(1,334)	1:A:45:LEU:C	1:A:46:LEU:N	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:C	13	19.32
(1,516)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	18	19.31
(1,206)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	15	19.31
(1,460)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	5	19.3
(1,524)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	11	19.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,388)	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	11	19.28
(1,645)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	13	19.27
(1,192)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	7	19.27
(1,84)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:C	1:A:92:THR:N	5	19.26
(1,355)	1:A:52:SER:N	1:A:52:SER:CA	1:A:52:SER:C	1:A:53:PRO:N	20	19.26
(1,587)	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:CB	1:A:135:TYR:CG	1:A:135:TYR:CD1	18	19.25
(1,310)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	7	19.25
(1,398)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	18	19.24
(1,231)	1:A:16:PRO:N	1:A:16:PRO:CA	1:A:16:PRO:C	1:A:17:VAL:N	13	19.24
(1,172)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	20	19.24
(1,30)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:C	1:A:27:ALA:N	1	19.23
(1,205)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	12	19.23
(1,306)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	12	19.22
(1,84)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:C	1:A:92:THR:N	15	19.2
(1,393)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	17	19.2
(1,262)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	16	19.2
(1,653)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	10	19.19
(1,372)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	3	19.19
(1,319)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	1	19.19
(1,257)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	12	19.19
(1,600)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	10	19.18
(1,327)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	13	19.17
(1,164)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	4	19.17
(1,78)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	8	19.16
(1,321)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	5	19.16
(1,301)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	14	19.15
(1,626)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	15	19.13
(1,339)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	11	19.13
(1,626)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1	19.11
(1,80)	1:A:88:VAL:N	1:A:88:VAL:CA	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	6	19.1
(1,474)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	16	19.09
(1,306)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	13	19.09
(1,207)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	10	19.09
(1,384)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	6	19.08
(1,517)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	6	19.07
(1,339)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	17	19.07
(1,660)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	3	19.06
(1,409)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	10	19.05
(1,399)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	14	19.05
(1,626)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	20	19.04
(1,374)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	11	19.04
(1,337)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	12	19.02
(1,205)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	10	19.02
(1,246)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	3	19.01
(1,582)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	12	18.99
(1,288)	1:A:35:PHE:N	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	18	18.99
(1,523)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	3	18.98
(1,336)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	16	18.98
(1,670)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	14	18.97
(1,52)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:C	1:A:52:SER:N	10	18.96
(1,484)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	15	18.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,262)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	2	18.95
(1,407)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:CB	1:A:71:VAL:CG1	4	18.94
(1,314)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	10	18.92
(1,519)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	3	18.91
(1,653)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	14	18.89
(1,236)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	11	18.89
(1,198)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	3	18.89
(1,418)	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	1:A:74:GLY:CA	1:A:74:GLY:C	16	18.87
(1,251)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	13	18.87
(1,653)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	2	18.85
(1,498)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	10	18.85
(1,517)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	20	18.84
(1,663)	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	18	18.83
(1,78)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	11	18.82
(1,78)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	17	18.82
(1,173)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	19	18.79
(1,418)	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	1:A:74:GLY:CA	1:A:74:GLY:C	15	18.78
(1,52)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:C	1:A:52:SER:N	15	18.77
(1,582)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	2	18.76
(1,450)	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	1:A:85:GLY:CA	1:A:85:GLY:C	4	18.76
(1,476)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	1:A:93:PRO:N	15	18.75
(1,429)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	3	18.75
(1,580)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	7	18.74
(1,524)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	6	18.69
(1,498)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	14	18.68
(1,282)	1:A:31:LEU:C	1:A:32:GLY:N	1:A:32:GLY:CA	1:A:32:GLY:C	17	18.68
(1,510)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	13	18.66
(1,78)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	20	18.64
(1,383)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	1	18.63
(1,627)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	9	18.62
(1,297)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	16	18.62
(1,651)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	9	18.59
(1,523)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	5	18.59
(1,311)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	5	18.58
(1,660)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	12	18.57
(1,543)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	1	18.57
(1,498)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	2	18.57
(1,482)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	12	18.56
(1,523)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	14	18.54
(1,191)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	18	18.54
(1,81)	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	5	18.53
(1,486)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	7	18.53
(1,250)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	3	18.53
(1,252)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	8	18.5
(1,580)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	18	18.49
(1,311)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	1	18.49
(1,355)	1:A:52:SER:N	1:A:52:SER:CA	1:A:52:SER:C	1:A:53:PRO:N	14	18.48
(1,200)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	9	18.48
(1,603)	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:CB	1:A:138:ASN:CG	8	18.47
(1,582)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	19	18.47
(1,459)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	13	18.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,460)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	12	18.46
(1,269)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	18	18.45
(1,582)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	17	18.39
(1,496)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	7	18.38
(1,519)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	6	18.36
(1,498)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	4	18.36
(1,494)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	20	18.36
(1,583)	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	1:A:135:TYR:CA	1:A:135:TYR:C	17	18.34
(1,528)	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	1:A:113:TYR:CD1	20	18.34
(1,306)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	19	18.33
(1,80)	1:A:88:VAL:N	1:A:88:VAL:CA	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	8	18.32
(1,582)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	7	18.32
(1,590)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	5	18.27
(1,504)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	14	18.25
(1,674)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	1	18.24
(1,309)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	19	18.24
(1,312)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	18	18.22
(1,82)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	15	18.21
(1,298)	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	1:A:39:TYR:CD1	1	18.2
(1,517)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	8	18.19
(1,207)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	8	18.19
(1,186)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	1	18.19
(1,312)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	15	18.18
(1,561)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	13	18.17
(1,398)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	3	18.17
(1,217)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	15	18.17
(1,426)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	14	18.16
(1,562)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	17	18.14
(1,654)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	5	18.13
(1,282)	1:A:31:LEU:C	1:A:32:GLY:N	1:A:32:GLY:CA	1:A:32:GLY:C	13	18.12
(1,621)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	12	18.11
(1,659)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	1	18.1
(1,164)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	7	18.1
(1,262)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	3	18.09
(1,394)	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	15	18.08
(1,312)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	7	18.07
(1,16)	1:A:19:ALA:N	1:A:19:ALA:CA	1:A:19:ALA:C	1:A:20:LEU:N	11	18.05
(1,313)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	20	18.04
(1,52)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:C	1:A:52:SER:N	8	18.02
(1,619)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	20	17.99
(1,334)	1:A:45:LEU:C	1:A:46:LEU:N	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:C	5	17.98
(1,180)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	7	17.97
(1,680)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	19	17.96
(1,264)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	15	17.96
(1,336)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	19	17.95
(1,278)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	15	17.94
(1,594)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	8	17.91
(1,372)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	7	17.91
(1,32)	1:A:27:ALA:N	1:A:27:ALA:CA	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	2	17.91
(1,642)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	4	17.9
(1,523)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	8	17.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,383)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	9	17.87
(1,418)	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	1:A:74:GLY:CA	1:A:74:GLY:C	6	17.86
(1,312)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	4	17.86
(1,228)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	9	17.86
(1,660)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	5	17.84
(1,342)	1:A:47:ALA:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	8	17.84
(1,78)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	3	17.83
(1,306)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	20	17.81
(1,608)	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	1:A:140:ALA:CA	1:A:140:ALA:C	8	17.8
(1,411)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:CB	1:A:72:GLU:CG	10	17.79
(1,403)	1:A:70:GLU:N	1:A:70:GLU:CA	1:A:70:GLU:CB	1:A:70:GLU:CG	10	17.79
(1,363)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	20	17.78
(1,391)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	14	17.77
(1,398)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:CB	1:A:68:THR:OG1	8	17.76
(1,262)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	11	17.76
(1,523)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	12	17.74
(1,387)	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	1:A:64:MET:SD	19	17.73
(1,81)	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	6	17.72
(1,264)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	14	17.69
(1,185)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	14	17.69
(1,301)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	17	17.66
(1,164)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	20	17.66
(1,301)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	19	17.65
(1,686)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	14	17.63
(1,219)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	4	17.63
(1,383)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	8	17.6
(1,262)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	8	17.59
(1,262)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	17	17.59
(1,206)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	13	17.59
(1,81)	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	19	17.58
(1,308)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	20	17.58
(1,321)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	4	17.56
(1,239)	1:A:18:PRO:N	1:A:18:PRO:CA	1:A:18:PRO:C	1:A:19:ALA:N	7	17.55
(1,321)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	14	17.54
(1,579)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1	17.53
(1,524)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	16	17.53
(1,251)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	17	17.53
(1,525)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	10	17.51
(1,68)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:C	1:A:70:GLU:N	1	17.5
(1,269)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	14	17.5
(1,523)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	17	17.49
(1,540)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	19	17.48
(1,252)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	12	17.48
(1,314)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	15	17.47
(1,282)	1:A:31:LEU:C	1:A:32:GLY:N	1:A:32:GLY:CA	1:A:32:GLY:C	9	17.47
(1,540)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	8	17.45
(1,82)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	16	17.43
(1,496)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	19	17.43
(1,206)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	6	17.43
(1,363)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	15	17.42
(1,281)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	20	17.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,80)	1:A:88:VAL:N	1:A:88:VAL:CA	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	7	17.39
(1,519)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	7	17.32
(1,502)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	6	17.32
(1,278)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	11	17.32
(1,324)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	9	17.31
(1,250)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	16	17.31
(1,534)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	7	17.3
(1,459)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	3	17.3
(1,459)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	2	17.28
(1,498)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	8	17.26
(1,262)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	5	17.26
(1,18)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	7	17.26
(1,582)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	9	17.22
(1,355)	1:A:52:SER:N	1:A:52:SER:CA	1:A:52:SER:C	1:A:53:PRO:N	15	17.22
(1,239)	1:A:18:PRO:N	1:A:18:PRO:CA	1:A:18:PRO:C	1:A:19:ALA:N	11	17.21
(1,310)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	3	17.2
(1,282)	1:A:31:LEU:C	1:A:32:GLY:N	1:A:32:GLY:CA	1:A:32:GLY:C	3	17.19
(1,581)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	18	17.15
(1,206)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	18	17.15
(1,173)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	8	17.15
(1,650)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	7	17.14
(1,590)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	13	17.14
(1,312)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	20	17.14
(1,579)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	10	17.11
(1,471)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	12	17.1
(1,281)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	10	17.09
(1,362)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	13	17.08
(1,84)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:C	1:A:92:THR:N	2	17.06
(1,653)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	7	17.05
(1,300)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	8	17.04
(1,207)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	14	17.03
(1,496)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	4	17.02
(1,674)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	10	17.01
(1,393)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	9	17.0
(1,582)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	11	16.98
(1,653)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	15	16.97
(1,321)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	13	16.97
(1,314)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	16	16.94
(1,198)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	2	16.93
(1,384)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	3	16.9
(1,534)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	10	16.88
(1,167)	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	1:A:1:MET:SD	14	16.87
(1,16)	1:A:19:ALA:N	1:A:19:ALA:CA	1:A:19:ALA:C	1:A:20:LEU:N	10	16.87
(1,582)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	3	16.86
(1,677)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	10	16.85
(1,670)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	20	16.85
(1,270)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	16	16.85
(1,172)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	10	16.84
(1,601)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	7	16.83
(1,314)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	1	16.83
(1,434)	1:A:79:GLY:C	1:A:80:GLY:N	1:A:80:GLY:CA	1:A:80:GLY:C	17	16.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,356)	1:A:53:PRO:N	1:A:53:PRO:CA	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	8	16.78
(1,228)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	12	16.78
(1,282)	1:A:31:LEU:C	1:A:32:GLY:N	1:A:32:GLY:CA	1:A:32:GLY:C	11	16.76
(1,496)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	6	16.75
(1,18)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	4	16.74
(1,517)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1	16.73
(1,246)	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:CB	1:A:21:LEU:CG	1:A:21:LEU:CD1	10	16.71
(1,528)	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	1:A:113:TYR:CD1	2	16.7
(1,336)	1:A:46:LEU:CA	1:A:46:LEU:CB	1:A:46:LEU:CG	1:A:46:LEU:CD1	7	16.7
(1,312)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	17	16.68
(1,272)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	10	16.68
(1,580)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	17	16.66
(1,572)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	7	16.66
(1,498)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	1	16.65
(1,658)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	14	16.64
(1,609)	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	1:A:140:ALA:CA	1:A:140:ALA:C	3	16.62
(1,679)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	16	16.6
(1,252)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	1	16.6
(1,621)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	10	16.58
(1,608)	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	1:A:140:ALA:CA	1:A:140:ALA:C	6	16.57
(1,649)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	16	16.56
(1,309)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	13	16.56
(1,187)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	11	16.55
(1,601)	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	14	16.53
(1,170)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	10	16.53
(1,649)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	1	16.51
(1,252)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	3	16.51
(1,164)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	5	16.51
(1,603)	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:CB	1:A:138:ASN:CG	15	16.5
(1,540)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:CB	1:A:118:LYS:CG	20	16.49
(1,523)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	9	16.49
(1,188)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:CB	1:A:5:CYS:SG	13	16.46
(1,327)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	19	16.44
(1,251)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	2	16.43
(1,638)	1:A:146:GLN:C	1:A:147:LEU:N	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:C	7	16.42
(1,327)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	9	16.41
(1,426)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	19	16.39
(1,179)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	19	16.39
(1,282)	1:A:31:LEU:C	1:A:32:GLY:N	1:A:32:GLY:CA	1:A:32:GLY:C	16	16.38
(1,251)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	20	16.38
(1,418)	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	1:A:74:GLY:CA	1:A:74:GLY:C	17	16.37
(1,342)	1:A:47:ALA:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	4	16.37
(1,419)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	11	16.34
(1,620)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	11	16.33
(1,312)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	8	16.33
(1,205)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	4	16.32
(1,496)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	12	16.25
(1,263)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	16	16.25
(1,262)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	20	16.24
(1,251)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	4	16.24
(1,459)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	16	16.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,314)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	12	16.23
(1,80)	1:A:88:VAL:N	1:A:88:VAL:CA	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	4	16.22
(1,481)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	5	16.21
(1,660)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	6	16.18
(1,502)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	3	16.17
(1,172)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1	16.16
(1,498)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	17	16.15
(1,312)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	13	16.15
(1,287)	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:CB	1:A:34:LEU:CG	1:A:34:LEU:CD1	5	16.14
(1,607)	1:A:139:PRO:N	1:A:139:PRO:CA	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	14	16.13
(1,572)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	15	16.11
(1,414)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	6	16.09
(1,81)	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	14	16.08
(1,302)	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	4	16.08
(1,269)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	7	16.07
(1,263)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	17	16.06
(1,674)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	7	16.05
(1,497)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	19	16.05
(1,282)	1:A:31:LEU:C	1:A:32:GLY:N	1:A:32:GLY:CA	1:A:32:GLY:C	2	16.05
(1,257)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	16	16.03
(1,677)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	3	16.02
(1,561)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	8	16.0
(1,314)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	6	16.0
(1,664)	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	1:A:154:MET:SD	8	15.99
(1,169)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	8	15.99
(1,496)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	14	15.97
(1,674)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	16	15.96
(1,459)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	7	15.96
(1,678)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	7	15.94
(1,649)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:CB	1:A:149:THR:OG1	13	15.93
(1,290)	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	1:A:35:PHE:CD1	16	15.92
(1,250)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	9	15.92
(1,391)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	20	15.89
(1,327)	1:A:44:GLN:C	1:A:45:LEU:N	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:C	10	15.89
(1,318)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	11	15.89
(1,252)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	7	15.89
(1,30)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:C	1:A:27:ALA:N	14	15.87
(1,88)	1:A:94:SER:N	1:A:94:SER:CA	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	10	15.86
(1,84)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:C	1:A:92:THR:N	14	15.86
(1,263)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	20	15.85
(1,219)	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	1:A:11:LEU:CD1	20	15.82
(1,459)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	20	15.81
(1,363)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	5	15.73
(1,528)	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	1:A:113:TYR:CD1	19	15.71
(1,674)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	3	15.7
(1,387)	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	1:A:64:MET:SD	11	15.69
(1,310)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	11	15.67
(1,180)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	13	15.66
(1,481)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	6	15.65
(1,252)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	5	15.65
(1,215)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	10	15.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,523)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	4	15.62
(1,419)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:CB	1:A:75:PHE:CG	2	15.62
(1,383)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	13	15.61
(1,598)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	9	15.6
(1,257)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	18	15.57
(1,78)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	14	15.56
(1,642)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	17	15.56
(1,72)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	5	15.55
(1,342)	1:A:47:ALA:C	1:A:48:GLY:N	1:A:48:GLY:CA	1:A:48:GLY:C	9	15.54
(1,252)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	9	15.54
(1,68)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:C	1:A:70:GLU:N	6	15.53
(1,590)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	15	15.53
(1,582)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	20	15.52
(1,518)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	5	15.49
(1,312)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	14	15.49
(1,460)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	6	15.47
(1,476)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	1:A:93:PRO:N	11	15.46
(1,312)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	9	15.43
(1,414)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	11	15.42
(1,519)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	2	15.4
(1,620)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	12	15.37
(1,579)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	20	15.37
(1,390)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	10	15.32
(1,269)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	13	15.32
(1,502)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	18	15.31
(1,319)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	12	15.31
(1,82)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	9	15.29
(1,257)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	11	15.22
(1,310)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	15	15.21
(1,414)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	4	15.19
(1,356)	1:A:53:PRO:N	1:A:53:PRO:CA	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	9	15.19
(1,263)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	5	15.19
(1,206)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	1	15.19
(1,199)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	16	15.19
(1,356)	1:A:53:PRO:N	1:A:53:PRO:CA	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	1	15.17
(1,517)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	3	15.16
(1,569)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	14	15.15
(1,504)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	6	15.14
(1,623)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	5	15.12
(1,356)	1:A:53:PRO:N	1:A:53:PRO:CA	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	12	15.11
(1,594)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	12	15.1
(1,250)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	11	15.1
(1,524)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	7	15.07
(1,371)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	1	15.07
(1,671)	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:CB	1:A:155:LEU:CG	1:A:155:LEU:CD1	13	15.05
(1,162)	1:A:152:SER:N	1:A:152:SER:CA	1:A:152:SER:C	1:A:153:LEU:N	3	15.02
(1,185)	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	11	15.0
(1,223)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	15	14.98
(1,156)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:C	1:A:150:ARG:N	15	14.98
(1,590)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	10	14.91
(1,68)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:C	1:A:70:GLU:N	3	14.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,535)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	13	14.89
(1,356)	1:A:53:PRO:N	1:A:53:PRO:CA	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	20	14.89
(1,82)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	12	14.88
(1,596)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	5	14.83
(1,517)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	16	14.83
(1,625)	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	1:A:144:PRO:N	17	14.81
(1,264)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	5	14.81
(1,198)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	16	14.81
(1,282)	1:A:31:LEU:C	1:A:32:GLY:N	1:A:32:GLY:CA	1:A:32:GLY:C	12	14.79
(1,205)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	20	14.79
(1,167)	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	1:A:1:MET:SD	19	14.79
(1,228)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	3	14.78
(1,356)	1:A:53:PRO:N	1:A:53:PRO:CA	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	17	14.76
(1,180)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	20	14.76
(1,677)	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:CB	1:A:156:HIS:CG	9	14.75
(1,72)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	6	14.74
(1,311)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	3	14.74
(1,476)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	1:A:93:PRO:N	18	14.73
(1,494)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	17	14.72
(1,504)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	3	14.71
(1,497)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	16	14.7
(1,516)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	2	14.69
(1,477)	1:A:93:PRO:N	1:A:93:PRO:CA	1:A:93:PRO:C	1:A:94:SER:N	7	14.69
(1,318)	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:CB	1:A:43:LEU:CG	1:A:43:LEU:CD1	20	14.69
(1,156)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:C	1:A:150:ARG:N	16	14.69
(1,612)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	17	14.68
(1,389)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	10	14.68
(1,270)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	13	14.68
(1,597)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	7	14.67
(1,561)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	10	14.64
(1,471)	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:CB	1:A:91:LEU:CG	1:A:91:LEU:CD1	17	14.63
(1,494)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	9	14.62
(1,393)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	18	14.62
(1,18)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	3	14.62
(1,81)	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	16	14.61
(1,156)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:C	1:A:150:ARG:N	6	14.6
(1,16)	1:A:19:ALA:N	1:A:19:ALA:CA	1:A:19:ALA:C	1:A:20:LEU:N	17	14.55
(1,16)	1:A:19:ALA:N	1:A:19:ALA:CA	1:A:19:ALA:C	1:A:20:LEU:N	20	14.51
(1,459)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	17	14.49
(1,374)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	17	14.49
(1,156)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:C	1:A:150:ARG:N	7	14.49
(1,321)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	15	14.48
(1,591)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	15	14.47
(1,517)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	12	14.47
(1,190)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	7	14.43
(1,597)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	9	14.4
(1,653)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	11	14.38
(1,282)	1:A:31:LEU:C	1:A:32:GLY:N	1:A:32:GLY:CA	1:A:32:GLY:C	15	14.38
(1,162)	1:A:152:SER:N	1:A:152:SER:CA	1:A:152:SER:C	1:A:153:LEU:N	16	14.38
(1,305)	1:A:41:ASP:N	1:A:41:ASP:CA	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	20	14.37
(1,623)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	20	14.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,518)	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	1:A:109:ILE:CD1	4	14.36
(1,675)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	3	14.3
(1,380)	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:CB	1:A:62:PHE:CG	1:A:62:PHE:CD1	19	14.24
(1,228)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	5	14.23
(1,30)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:C	1:A:27:ALA:N	4	14.22
(1,459)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	10	14.19
(1,262)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	13	14.19
(1,306)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	5	14.12
(1,355)	1:A:52:SER:N	1:A:52:SER:CA	1:A:52:SER:C	1:A:53:PRO:N	10	14.09
(1,18)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	15	14.09
(1,523)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	13	14.06
(1,675)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	16	14.04
(1,524)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	19	14.03
(1,664)	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	1:A:154:MET:SD	9	14.02
(1,517)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	13	14.02
(1,156)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:C	1:A:150:ARG:N	5	14.02
(1,72)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	4	14.01
(1,230)	1:A:15:ALA:N	1:A:15:ALA:CA	1:A:15:ALA:C	1:A:16:PRO:N	8	14.01
(1,170)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	8	14.01
(1,315)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	6	14.0
(1,579)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	5	13.98
(1,363)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	8	13.98
(1,561)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	14	13.96
(1,628)	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:C	18	13.95
(1,517)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	19	13.94
(1,481)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	7	13.94
(1,270)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	7	13.93
(1,80)	1:A:88:VAL:N	1:A:88:VAL:CA	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	9	13.9
(1,52)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:C	1:A:52:SER:N	9	13.9
(1,376)	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	1:A:61:TYR:CD1	18	13.87
(1,230)	1:A:15:ALA:N	1:A:15:ALA:CA	1:A:15:ALA:C	1:A:16:PRO:N	10	13.87
(1,78)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	5	13.84
(1,561)	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:CB	1:A:127:LEU:CG	1:A:127:LEU:CD1	19	13.82
(1,679)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	13	13.81
(1,257)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	14	13.81
(1,620)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	1	13.8
(1,459)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	18	13.79
(1,331)	1:A:45:LEU:CA	1:A:45:LEU:CB	1:A:45:LEU:CG	1:A:45:LEU:CD1	15	13.79
(1,84)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:C	1:A:92:THR:N	9	13.77
(1,200)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	15	13.77
(1,282)	1:A:31:LEU:C	1:A:32:GLY:N	1:A:32:GLY:CA	1:A:32:GLY:C	6	13.75
(1,264)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	16	13.75
(1,72)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	20	13.74
(1,494)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	16	13.74
(1,204)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	1:A:8:VAL:N	1	13.74
(1,653)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	20	13.72
(1,263)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	3	13.71
(1,596)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	18	13.69
(1,645)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:CB	1:A:148:ARG:CG	11	13.68
(1,297)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	2	13.68
(1,205)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	11	13.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,597)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	14	13.67
(1,18)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	12	13.66
(1,524)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	18	13.65
(1,496)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	2	13.63
(1,207)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	15	13.63
(1,205)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	7	13.62
(1,580)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	4	13.6
(1,215)	1:A:10:GLU:N	1:A:10:GLU:CA	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	8	13.6
(1,356)	1:A:53:PRO:N	1:A:53:PRO:CA	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	15	13.59
(1,84)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:C	1:A:92:THR:N	4	13.56
(1,32)	1:A:27:ALA:N	1:A:27:ALA:CA	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	20	13.54
(1,207)	1:A:9:CYS:N	1:A:9:CYS:CA	1:A:9:CYS:CB	1:A:9:CYS:SG	5	13.54
(1,310)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	14	13.52
(1,497)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	12	13.49
(1,263)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	9	13.48
(1,186)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	11	13.45
(1,625)	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	1:A:144:PRO:N	16	13.44
(1,609)	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	1:A:140:ALA:CA	1:A:140:ALA:C	6	13.43
(1,606)	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	1:A:139:PRO:N	11	13.41
(1,680)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	16	13.4
(1,387)	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	1:A:64:MET:SD	6	13.4
(1,608)	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	1:A:140:ALA:CA	1:A:140:ALA:C	3	13.38
(1,253)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:CB	1:A:23:ARG:CG	7	13.38
(1,32)	1:A:27:ALA:N	1:A:27:ALA:CA	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	18	13.35
(1,418)	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	1:A:74:GLY:CA	1:A:74:GLY:C	1	13.34
(1,206)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	17	13.34
(1,249)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	2	13.33
(1,52)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:C	1:A:52:SER:N	1	13.32
(1,290)	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	1:A:35:PHE:CD1	11	13.32
(1,572)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	20	13.29
(1,32)	1:A:27:ALA:N	1:A:27:ALA:CA	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	9	13.28
(1,594)	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:CB	1:A:136:LEU:CG	1:A:136:LEU:CD1	13	13.26
(1,262)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:CB	1:A:26:THR:OG1	9	13.21
(1,78)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	9	13.2
(1,581)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	15	13.19
(1,205)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	16	13.19
(1,459)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	9	13.17
(1,315)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	1	13.17
(1,269)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	16	13.15
(1,78)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	15	13.14
(1,414)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	18	13.14
(1,572)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	13	13.13
(1,488)	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:CB	1:A:101:LEU:CG	1:A:101:LEU:CD1	18	13.11
(1,250)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	14	13.11
(1,383)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	3	13.1
(1,517)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	10	13.09
(1,393)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	2	13.08
(1,197)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	10	13.08
(1,517)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	9	13.07
(1,524)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	20	13.06
(1,660)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	15	13.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,527)	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	9	12.98
(1,81)	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	20	12.96
(1,409)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	18	12.95
(1,88)	1:A:94:SER:N	1:A:94:SER:CA	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	13	12.94
(1,496)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	3	12.94
(1,205)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	19	12.92
(1,310)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	2	12.87
(1,156)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:C	1:A:150:ARG:N	1	12.87
(1,72)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	9	12.86
(1,444)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	13	12.86
(1,250)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	19	12.85
(1,174)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	8	12.85
(1,72)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	12	12.83
(1,625)	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	1:A:144:PRO:N	12	12.83
(1,426)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	9	12.79
(1,664)	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:CB	1:A:154:MET:CG	1:A:154:MET:SD	13	12.77
(1,314)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	14	12.77
(1,281)	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	1:A:31:LEU:CD1	19	12.75
(1,297)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:CB	1:A:39:TYR:CG	7	12.74
(1,653)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	13	12.72
(1,309)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1	12.72
(1,206)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	8	12.7
(1,391)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	17	12.68
(1,582)	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	1:A:134:ILE:CD1	16	12.63
(1,314)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	5	12.5
(1,270)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	14	12.5
(1,248)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	18	12.48
(1,162)	1:A:152:SER:N	1:A:152:SER:CA	1:A:152:SER:C	1:A:153:LEU:N	4	12.45
(1,524)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	1	12.44
(1,186)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	17	12.42
(1,249)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	5	12.39
(1,685)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	14	12.37
(1,517)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	7	12.37
(1,339)	1:A:46:LEU:C	1:A:47:ALA:N	1:A:47:ALA:CA	1:A:47:ALA:C	6	12.36
(1,249)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1	12.33
(1,263)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	14	12.31
(1,205)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	5	12.29
(1,167)	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:CB	1:A:1:MET:CG	1:A:1:MET:SD	6	12.28
(1,356)	1:A:53:PRO:N	1:A:53:PRO:CA	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	11	12.25
(1,82)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	11	12.22
(1,465)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	15	12.22
(1,249)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	8	12.22
(1,600)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	3	12.21
(1,609)	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	1:A:140:ALA:CA	1:A:140:ALA:C	8	12.2
(1,607)	1:A:139:PRO:N	1:A:139:PRO:CA	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	5	12.2
(1,643)	1:A:147:LEU:CA	1:A:147:LEU:CB	1:A:147:LEU:CG	1:A:147:LEU:CD1	13	12.19
(1,307)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	20	12.19
(1,418)	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	1:A:74:GLY:CA	1:A:74:GLY:C	10	12.14
(1,463)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	13	12.13
(1,459)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	8	12.12
(1,463)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	9	12.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,190)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	16	12.08
(1,463)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	11	12.06
(1,362)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	12	12.06
(1,653)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	9	12.05
(1,679)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	19	12.04
(1,263)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	15	12.04
(1,474)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	20	12.03
(1,399)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	9	12.02
(1,626)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	8	12.01
(1,653)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	1	11.95
(1,179)	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	12	11.94
(1,72)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	11	11.91
(1,653)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	8	11.9
(1,355)	1:A:52:SER:N	1:A:52:SER:CA	1:A:52:SER:C	1:A:53:PRO:N	19	11.89
(1,444)	1:A:82:GLU:N	1:A:82:GLU:CA	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	7	11.85
(1,571)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:CB	1:A:132:TYR:CG	19	11.83
(1,321)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	2	11.82
(1,465)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	16	11.81
(1,187)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	1	11.81
(1,650)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:CB	1:A:150:ARG:CG	16	11.78
(1,321)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	11	11.78
(1,162)	1:A:152:SER:N	1:A:152:SER:CA	1:A:152:SER:C	1:A:153:LEU:N	14	11.78
(1,534)	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:CB	1:A:116:LEU:CG	1:A:116:LEU:CD1	14	11.77
(1,675)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	1	11.76
(1,82)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	4	11.75
(1,321)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	10	11.73
(1,72)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	18	11.72
(1,658)	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:CB	1:A:153:LEU:CG	1:A:153:LEU:CD1	11	11.7
(1,278)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:CB	1:A:31:LEU:CG	4	11.68
(1,545)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:CB	1:A:120:VAL:CG1	20	11.67
(1,626)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	10	11.65
(1,569)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:CB	1:A:130:GLU:CG	19	11.63
(1,312)	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	1:A:42:ILE:CD1	10	11.58
(1,309)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	9	11.58
(1,391)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	11	11.56
(1,170)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	15	11.56
(1,270)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	18	11.55
(1,606)	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	1:A:139:PRO:N	20	11.54
(1,580)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	11	11.54
(1,82)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	5	11.53
(1,192)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	18	11.46
(1,205)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	2	11.44
(1,324)	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:CB	1:A:44:GLN:CG	3	11.42
(1,538)	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:CB	1:A:117:MET:CG	1:A:117:MET:SD	17	11.41
(1,282)	1:A:31:LEU:C	1:A:32:GLY:N	1:A:32:GLY:CA	1:A:32:GLY:C	4	11.38
(1,606)	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	1:A:139:PRO:N	7	11.36
(1,248)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	12	11.35
(1,653)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	18	11.34
(1,511)	1:A:107:GLY:C	1:A:108:GLU:N	1:A:108:GLU:CA	1:A:108:GLU:C	13	11.34
(1,653)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	12	11.32
(1,258)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	6	11.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,164)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	17	11.32
(1,625)	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	1:A:144:PRO:N	13	11.3
(1,363)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	7	11.3
(1,228)	1:A:14:LEU:CA	1:A:14:LEU:CB	1:A:14:LEU:CG	1:A:14:LEU:CD1	14	11.3
(1,315)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	7	11.29
(1,545)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:CB	1:A:120:VAL:CG1	17	11.23
(1,321)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	20	11.23
(1,401)	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	1:A:69:PHE:CD1	6	11.22
(1,162)	1:A:152:SER:N	1:A:152:SER:CA	1:A:152:SER:C	1:A:153:LEU:N	10	11.22
(1,563)	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	1:A:128:SER:CA	1:A:128:SER:C	5	11.21
(1,545)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:CB	1:A:120:VAL:CG1	12	11.21
(1,174)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	19	11.21
(1,449)	1:A:84:SER:N	1:A:84:SER:CA	1:A:84:SER:C	1:A:85:GLY:N	13	11.2
(1,620)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	2	11.18
(1,367)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	17	11.18
(1,626)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	2	11.15
(1,502)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	7	11.15
(1,234)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	9	11.14
(1,620)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	10	11.13
(1,162)	1:A:152:SER:N	1:A:152:SER:CA	1:A:152:SER:C	1:A:153:LEU:N	13	11.13
(1,496)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	15	11.12
(1,235)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	11	11.11
(1,199)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	3	11.11
(1,474)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	19	11.09
(1,387)	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	1:A:64:MET:SD	5	11.08
(1,621)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	13	11.06
(1,626)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	16	11.05
(1,579)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	16	11.05
(1,258)	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:CB	1:A:25:GLN:CG	5	10.99
(1,156)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:C	1:A:150:ARG:N	4	10.99
(1,465)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	14	10.96
(1,16)	1:A:19:ALA:N	1:A:19:ALA:CA	1:A:19:ALA:C	1:A:20:LEU:N	13	10.96
(1,234)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	3	10.95
(1,545)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:CB	1:A:120:VAL:CG1	5	10.92
(1,383)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	6	10.92
(1,545)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:CB	1:A:120:VAL:CG1	4	10.82
(1,78)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	18	10.79
(1,307)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	12	10.78
(1,234)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	2	10.74
(1,234)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	16	10.73
(1,191)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	7	10.73
(1,474)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	10	10.72
(1,230)	1:A:15:ALA:N	1:A:15:ALA:CA	1:A:15:ALA:C	1:A:16:PRO:N	12	10.72
(1,16)	1:A:19:ALA:N	1:A:19:ALA:CA	1:A:19:ALA:C	1:A:20:LEU:N	8	10.69
(1,234)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	20	10.68
(1,545)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:CB	1:A:120:VAL:CG1	9	10.66
(1,504)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	10	10.66
(1,504)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	13	10.66
(1,491)	1:A:102:TYR:N	1:A:102:TYR:CA	1:A:102:TYR:CB	1:A:102:TYR:CG	6	10.65
(1,621)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	19	10.59
(1,465)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	4	10.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,626)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	18	10.54
(1,674)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	19	10.52
(1,355)	1:A:52:SER:N	1:A:52:SER:CA	1:A:52:SER:C	1:A:53:PRO:N	12	10.52
(1,249)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	20	10.51
(1,52)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:C	1:A:52:SER:N	6	10.48
(1,653)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	6	10.47
(1,545)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:CB	1:A:120:VAL:CG1	10	10.46
(1,321)	1:A:43:LEU:C	1:A:44:GLN:N	1:A:44:GLN:CA	1:A:44:GLN:C	8	10.45
(1,234)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	13	10.45
(1,679)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	17	10.44
(1,170)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	16	10.44
(1,264)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	11	10.42
(1,309)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	17	10.4
(1,517)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	17	10.39
(1,477)	1:A:93:PRO:N	1:A:93:PRO:CA	1:A:93:PRO:C	1:A:94:SER:N	18	10.37
(1,620)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	7	10.36
(1,181)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	9	10.36
(1,190)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	10	10.33
(1,545)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:CB	1:A:120:VAL:CG1	2	10.31
(1,580)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	8	10.29
(1,170)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	11	10.29
(1,355)	1:A:52:SER:N	1:A:52:SER:CA	1:A:52:SER:C	1:A:53:PRO:N	16	10.26
(1,205)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	3	10.21
(1,546)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:CB	1:A:120:VAL:CG1	1	10.2
(1,200)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	11	10.2
(1,395)	1:A:66:ALA:C	1:A:67:GLY:N	1:A:67:GLY:CA	1:A:67:GLY:C	3	10.19
(1,56)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ALA:N	3	10.18
(1,205)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	9	10.14
(1,78)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	6	10.12
(1,264)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	10	10.12
(1,666)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	18	10.1
(1,653)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	17	10.08
(1,199)	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	1	10.06
(1,84)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:C	1:A:92:THR:N	20	10.05
(1,162)	1:A:152:SER:N	1:A:152:SER:CA	1:A:152:SER:C	1:A:153:LEU:N	12	10.04
(1,88)	1:A:94:SER:N	1:A:94:SER:CA	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	1	10.02
(1,504)	1:A:105:PRO:N	1:A:105:PRO:CA	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	2	10.02
(1,596)	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	7	10.0
(1,32)	1:A:27:ALA:N	1:A:27:ALA:CA	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	12	9.96
(1,355)	1:A:52:SER:N	1:A:52:SER:CA	1:A:52:SER:C	1:A:53:PRO:N	1	9.95
(1,267)	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:CB	1:A:28:MET:CG	1:A:28:MET:SD	5	9.94
(1,598)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	4	9.93
(1,625)	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	1:A:144:PRO:N	19	9.92
(1,546)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:CB	1:A:120:VAL:CG1	13	9.86
(1,356)	1:A:53:PRO:N	1:A:53:PRO:CA	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	18	9.83
(1,314)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	4	9.83
(1,418)	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	1:A:74:GLY:CA	1:A:74:GLY:C	8	9.74
(1,78)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	2	9.72
(1,387)	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	1:A:64:MET:SD	3	9.69
(1,371)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	4	9.68
(1,257)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:CB	1:A:24:THR:OG1	20	9.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,174)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	12	9.65
(1,446)	1:A:82:GLU:C	1:A:83:GLY:N	1:A:83:GLY:CA	1:A:83:GLY:C	18	9.63
(1,234)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	17	9.63
(1,575)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:CB	1:A:133:GLU:CG	7	9.62
(1,653)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	19	9.61
(1,387)	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	1:A:64:MET:SD	15	9.61
(1,306)	1:A:41:ASP:C	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:C	17	9.57
(1,390)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	2	9.52
(1,363)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	6	9.52
(1,355)	1:A:52:SER:N	1:A:52:SER:CA	1:A:52:SER:C	1:A:53:PRO:N	5	9.5
(1,383)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	17	9.44
(1,68)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:C	1:A:70:GLU:N	2	9.42
(1,597)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	17	9.42
(1,180)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	2	9.4
(1,414)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	7	9.38
(1,80)	1:A:88:VAL:N	1:A:88:VAL:CA	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	5	9.36
(1,517)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	4	9.36
(1,52)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:C	1:A:52:SER:N	19	9.3
(1,545)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:CB	1:A:120:VAL:CG1	11	9.28
(1,418)	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	1:A:74:GLY:CA	1:A:74:GLY:C	14	9.28
(1,82)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	13	9.25
(1,502)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	1	9.22
(1,685)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	2	9.19
(1,81)	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	17	9.17
(1,168)	1:A:1:MET:N	1:A:1:MET:CA	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	20	9.17
(1,18)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	5	9.16
(1,162)	1:A:152:SER:N	1:A:152:SER:CA	1:A:152:SER:C	1:A:153:LEU:N	20	9.15
(1,414)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	12	9.14
(1,459)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	15	9.11
(1,156)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:C	1:A:150:ARG:N	20	9.04
(1,619)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	13	8.99
(1,496)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	13	8.97
(1,30)	1:A:26:THR:N	1:A:26:THR:CA	1:A:26:THR:C	1:A:27:ALA:N	9	8.9
(1,19)	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:C	5	8.88
(1,32)	1:A:27:ALA:N	1:A:27:ALA:CA	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	14	8.87
(1,68)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:C	1:A:70:GLU:N	13	8.85
(1,545)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:CB	1:A:120:VAL:CG1	15	8.85
(1,629)	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:C	15	8.8
(1,481)	1:A:96:LYS:N	1:A:96:LYS:CA	1:A:96:LYS:CB	1:A:96:LYS:CG	10	8.78
(1,221)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:CB	1:A:12:LYS:CG	12	8.78
(1,164)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	14	8.78
(1,686)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	1	8.76
(1,679)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	12	8.74
(1,680)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	3	8.73
(1,653)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	16	8.66
(1,626)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	14	8.66
(1,290)	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	1:A:35:PHE:CD1	17	8.63
(1,629)	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:C	16	8.6
(1,502)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	10	8.58
(1,82)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	2	8.54
(1,355)	1:A:52:SER:N	1:A:52:SER:CA	1:A:52:SER:C	1:A:53:PRO:N	3	8.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,528)	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:CB	1:A:113:TYR:CG	1:A:113:TYR:CD1	7	8.45
(1,600)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	6	8.43
(1,626)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	7	8.41
(1,170)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	19	8.4
(1,136)	1:A:124:GLY:N	1:A:124:GLY:CA	1:A:124:GLY:C	1:A:125:PHE:N	20	8.38
(1,660)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	18	8.37
(1,545)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:CB	1:A:120:VAL:CG1	19	8.21
(1,170)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	6	8.21
(1,84)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:C	1:A:92:THR:N	1	8.2
(1,363)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	17	8.05
(1,660)	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	1:A:154:MET:CA	1:A:154:MET:C	11	8.04
(1,235)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	7	8.04
(1,72)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	13	7.97
(1,82)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	20	7.95
(1,18)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	8	7.95
(1,81)	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	10	7.92
(1,545)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:CB	1:A:120:VAL:CG1	6	7.85
(1,172)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	6	7.85
(1,52)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:C	1:A:52:SER:N	4	7.81
(1,84)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:C	1:A:92:THR:N	11	7.79
(1,384)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:MET:N	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:C	11	7.76
(1,84)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:C	1:A:92:THR:N	16	7.75
(1,546)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:CB	1:A:120:VAL:CG1	7	7.71
(1,249)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	7	7.66
(1,235)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	19	7.6
(1,170)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	2	7.59
(1,459)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	19	7.51
(1,16)	1:A:19:ALA:N	1:A:19:ALA:CA	1:A:19:ALA:C	1:A:20:LEU:N	15	7.51
(1,600)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	5	7.49
(1,590)	1:A:135:TYR:C	1:A:136:LEU:N	1:A:136:LEU:CA	1:A:136:LEU:C	17	7.49
(1,68)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:C	1:A:70:GLU:N	10	7.48
(1,273)	1:A:29:SER:C	1:A:30:GLU:N	1:A:30:GLU:CA	1:A:30:GLU:C	1	7.41
(1,235)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	15	7.39
(1,477)	1:A:93:PRO:N	1:A:93:PRO:CA	1:A:93:PRO:C	1:A:94:SER:N	9	7.37
(1,498)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	20	7.34
(1,80)	1:A:88:VAL:N	1:A:88:VAL:CA	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	16	7.31
(1,625)	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	1:A:144:PRO:N	4	7.28
(1,355)	1:A:52:SER:N	1:A:52:SER:CA	1:A:52:SER:C	1:A:53:PRO:N	9	7.24
(1,543)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:CB	1:A:119:TRP:CG	8	7.22
(1,205)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:CB	1:A:8:VAL:CG1	14	7.18
(1,264)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	7	7.17
(1,200)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:CB	1:A:7:PHE:CG	17	7.07
(1,235)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	1	7.04
(1,545)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:CB	1:A:120:VAL:CG1	14	7.02
(1,217)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:CB	1:A:11:LEU:CG	17	7.02
(1,625)	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	1:A:144:PRO:N	9	7.01
(1,401)	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:CB	1:A:69:PHE:CG	1:A:69:PHE:CD1	12	7.0
(1,230)	1:A:15:ALA:N	1:A:15:ALA:CA	1:A:15:ALA:C	1:A:16:PRO:N	5	7.0
(1,498)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	18	6.98
(1,607)	1:A:139:PRO:N	1:A:139:PRO:CA	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	12	6.97
(1,156)	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:C	1:A:150:ARG:N	14	6.97

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,82)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	8	6.96
(1,16)	1:A:19:ALA:N	1:A:19:ALA:CA	1:A:19:ALA:C	1:A:20:LEU:N	2	6.96
(1,653)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	4	6.95
(1,235)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	18	6.93
(1,356)	1:A:53:PRO:N	1:A:53:PRO:CA	1:A:53:PRO:C	1:A:54:SER:N	5	6.9
(1,367)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	9	6.89
(1,465)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	5	6.88
(1,252)	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	1:A:22:ILE:CD1	14	6.88
(1,477)	1:A:93:PRO:N	1:A:93:PRO:CA	1:A:93:PRO:C	1:A:94:SER:N	2	6.79
(1,620)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	3	6.77
(1,181)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	14	6.7
(1,476)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	1:A:93:PRO:N	9	6.68
(1,609)	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	1:A:140:ALA:CA	1:A:140:ALA:C	5	6.66
(1,186)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	2	6.61
(1,192)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	8	6.6
(1,686)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	19	6.54
(1,363)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	9	6.54
(1,230)	1:A:15:ALA:N	1:A:15:ALA:CA	1:A:15:ALA:C	1:A:16:PRO:N	7	6.54
(1,270)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	12	6.51
(1,623)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	9	6.49
(1,363)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	14	6.48
(1,197)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	16	6.47
(1,625)	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	1:A:144:PRO:N	7	6.37
(1,387)	1:A:64:MET:CA	1:A:64:MET:CB	1:A:64:MET:CG	1:A:64:MET:SD	12	6.34
(1,607)	1:A:139:PRO:N	1:A:139:PRO:CA	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	13	6.26
(1,517)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:CB	1:A:109:ILE:CG1	5	6.24
(1,459)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	11	6.24
(1,235)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	4	6.23
(1,465)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	8	6.21
(1,391)	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	10	6.19
(1,393)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	19	6.17
(1,81)	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	1	6.13
(1,620)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	19	6.13
(1,52)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:C	1:A:52:SER:N	11	6.11
(1,32)	1:A:27:ALA:N	1:A:27:ALA:CA	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	16	6.07
(1,459)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	1	6.06
(1,81)	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	7	6.05
(1,498)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	11	6.04
(1,192)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	20	6.02
(1,452)	1:A:85:GLY:C	1:A:86:ARG:N	1:A:86:ARG:CA	1:A:86:ARG:C	13	6.0
(1,230)	1:A:15:ALA:N	1:A:15:ALA:CA	1:A:15:ALA:C	1:A:16:PRO:N	19	5.93
(1,18)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	10	5.91
(1,76)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:C	1:A:76:PRO:N	1	5.89
(1,282)	1:A:31:LEU:C	1:A:32:GLY:N	1:A:32:GLY:CA	1:A:32:GLY:C	14	5.89
(1,187)	1:A:4:GLU:C	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	10	5.8
(1,32)	1:A:27:ALA:N	1:A:27:ALA:CA	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	6	5.77
(1,74)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	16	5.65
(1,679)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	2	5.59
(1,600)	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	1:A:138:ASN:N	9	5.54
(1,74)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	3	5.53
(1,545)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:CB	1:A:120:VAL:CG1	3	5.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,545)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:CB	1:A:120:VAL:CG1	8	5.51
(1,310)	1:A:42:ILE:N	1:A:42:ILE:CA	1:A:42:ILE:CB	1:A:42:ILE:CG1	16	5.51
(1,18)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	2	5.48
(1,474)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	14	5.44
(1,369)	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	1:A:58:PHE:CD1	15	5.44
(1,32)	1:A:27:ALA:N	1:A:27:ALA:CA	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	4	5.43
(1,80)	1:A:88:VAL:N	1:A:88:VAL:CA	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	12	5.41
(1,680)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	15	5.41
(1,72)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	15	5.38
(1,686)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	9	5.38
(1,611)	1:A:140:ALA:C	1:A:141:GLU:N	1:A:141:GLU:CA	1:A:141:GLU:C	17	5.32
(1,375)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:CB	1:A:61:TYR:CG	19	5.3
(1,235)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	14	5.25
(1,418)	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	1:A:74:GLY:CA	1:A:74:GLY:C	4	5.23
(1,88)	1:A:94:SER:N	1:A:94:SER:CA	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	7	5.19
(1,282)	1:A:31:LEU:C	1:A:32:GLY:N	1:A:32:GLY:CA	1:A:32:GLY:C	7	5.19
(1,609)	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	1:A:140:ALA:CA	1:A:140:ALA:C	4	5.18
(1,315)	1:A:42:ILE:C	1:A:43:LEU:N	1:A:43:LEU:CA	1:A:43:LEU:C	20	5.17
(1,623)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	16	5.09
(1,84)	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:C	1:A:92:THR:N	13	5.06
(1,598)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	1	5.06
(1,465)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	2	5.05
(1,223)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	10	5.04
(1,235)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	6	5.03
(1,204)	1:A:7:PHE:N	1:A:7:PHE:CA	1:A:7:PHE:C	1:A:8:VAL:N	3	5.01
(1,434)	1:A:79:GLY:C	1:A:80:GLY:N	1:A:80:GLY:CA	1:A:80:GLY:C	5	5.0
(1,68)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:C	1:A:70:GLU:N	8	4.99
(1,235)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	12	4.83
(1,579)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:CB	1:A:134:ILE:CG1	6	4.82
(1,76)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:C	1:A:76:PRO:N	14	4.81
(1,197)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	14	4.78
(1,235)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	10	4.77
(1,162)	1:A:152:SER:N	1:A:152:SER:CA	1:A:152:SER:C	1:A:153:LEU:N	5	4.76
(1,502)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	13	4.74
(1,148)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:C	1:A:133:GLU:N	6	4.69
(1,355)	1:A:52:SER:N	1:A:52:SER:CA	1:A:52:SER:C	1:A:53:PRO:N	6	4.67
(1,290)	1:A:35:PHE:CA	1:A:35:PHE:CB	1:A:35:PHE:CG	1:A:35:PHE:CD1	15	4.67
(1,192)	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	2	4.67
(1,80)	1:A:88:VAL:N	1:A:88:VAL:CA	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	15	4.65
(1,52)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:C	1:A:52:SER:N	5	4.65
(1,465)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	12	4.65
(1,74)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	2	4.64
(1,684)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	14	4.64
(1,301)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:CB	1:A:40:HIS:CG	13	4.62
(1,76)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:C	1:A:76:PRO:N	19	4.6
(1,606)	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	1:A:139:PRO:N	10	4.6
(1,598)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	5	4.6
(1,82)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	19	4.59
(1,18)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	13	4.53
(1,235)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	8	4.52
(1,546)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:CB	1:A:120:VAL:CG1	8	4.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,428)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	15	4.49
(1,546)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:CB	1:A:120:VAL:CG1	3	4.48
(1,623)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	17	4.46
(1,74)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	6	4.45
(1,57)	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	10	4.45
(1,414)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	9	4.45
(1,76)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:C	1:A:76:PRO:N	8	4.42
(1,626)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	6	4.38
(1,230)	1:A:15:ALA:N	1:A:15:ALA:CA	1:A:15:ALA:C	1:A:16:PRO:N	17	4.37
(1,619)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:CB	1:A:142:THR:OG1	4	4.36
(1,623)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	8	4.32
(1,667)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	7	4.31
(1,76)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:C	1:A:76:PRO:N	4	4.3
(1,137)	1:A:124:GLY:C	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:C	20	4.3
(1,249)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:CB	1:A:22:ILE:CG1	6	4.24
(1,609)	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	1:A:140:ALA:CA	1:A:140:ALA:C	11	4.19
(1,78)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	12	4.16
(1,155)	1:A:148:ARG:C	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:C	16	4.13
(1,82)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	18	4.12
(1,428)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	2	4.1
(1,598)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	10	4.09
(1,56)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ALA:N	15	4.06
(1,74)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	15	4.05
(1,74)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	20	4.05
(1,607)	1:A:139:PRO:N	1:A:139:PRO:CA	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	16	4.05
(1,52)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:C	1:A:52:SER:N	14	4.02
(1,172)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	19	3.9
(1,681)	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:CB	1:A:157:GLU:CG	1	3.85
(1,235)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	5	3.83
(1,58)	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1:A:60:ARG:N	16	3.81
(1,675)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	15	3.78
(1,426)	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:C	13	3.78
(1,56)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ALA:N	10	3.77
(1,230)	1:A:15:ALA:N	1:A:15:ALA:CA	1:A:15:ALA:C	1:A:16:PRO:N	6	3.77
(1,174)	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	1:A:3:PHE:CA	1:A:3:PHE:C	4	3.75
(1,73)	1:A:72:GLU:C	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:C	11	3.73
(1,78)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	10	3.72
(1,393)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	3	3.71
(1,409)	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	12	3.7
(1,74)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	13	3.69
(1,629)	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:C	6	3.66
(1,625)	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	1:A:144:PRO:N	14	3.64
(1,76)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:C	1:A:76:PRO:N	3	3.63
(1,74)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	12	3.61
(1,355)	1:A:52:SER:N	1:A:52:SER:CA	1:A:52:SER:C	1:A:53:PRO:N	7	3.61
(1,73)	1:A:72:GLU:C	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:C	5	3.59
(1,270)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	4	3.57
(1,459)	1:A:87:VAL:N	1:A:87:VAL:CA	1:A:87:VAL:CB	1:A:87:VAL:CG1	4	3.54
(1,498)	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:CB	1:A:103:ILE:CG1	1:A:103:ILE:CD1	9	3.53
(1,371)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	9	3.53
(1,653)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:CB	1:A:151:VAL:CG1	3	3.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,625)	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	1:A:144:PRO:N	11	3.4
(1,680)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	20	3.38
(1,76)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:C	1:A:76:PRO:N	10	3.33
(1,68)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:C	1:A:70:GLU:N	16	3.32
(1,58)	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1:A:60:ARG:N	2	3.29
(1,22)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:C	1:A:23:ARG:N	18	3.24
(1,181)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	6	3.23
(1,23)	1:A:22:ILE:C	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:C	6	3.2
(1,144)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:C	1:A:131:ALA:N	13	3.19
(1,55)	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	3	3.17
(1,145)	1:A:130:GLU:C	1:A:131:ALA:N	1:A:131:ALA:CA	1:A:131:ALA:C	13	3.17
(1,364)	1:A:56:PRO:N	1:A:56:PRO:CA	1:A:56:PRO:C	1:A:57:PRO:N	10	3.16
(1,68)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:C	1:A:70:GLU:N	5	3.14
(1,55)	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	15	3.14
(1,72)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	3	3.11
(1,76)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:C	1:A:76:PRO:N	9	3.1
(1,196)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	10	3.08
(1,162)	1:A:152:SER:N	1:A:152:SER:CA	1:A:152:SER:C	1:A:153:LEU:N	19	3.08
(1,598)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	3	3.07
(1,18)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	19	3.04
(1,103)	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	6	2.99
(1,546)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:CB	1:A:120:VAL:CG1	14	2.98
(1,22)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:C	1:A:23:ARG:N	12	2.96
(1,76)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:C	1:A:76:PRO:N	17	2.95
(1,686)	1:A:157:GLU:C	1:A:158:SER:N	1:A:158:SER:CA	1:A:158:SER:C	13	2.92
(1,72)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	2	2.91
(1,76)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:C	1:A:76:PRO:N	20	2.89
(1,606)	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	1:A:139:PRO:N	2	2.89
(1,154)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:C	1:A:149:THR:N	2	2.89
(1,154)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:C	1:A:149:THR:N	14	2.87
(1,148)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:C	1:A:133:GLU:N	3	2.87
(1,414)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	3	2.86
(1,73)	1:A:72:GLU:C	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:C	6	2.85
(1,103)	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	7	2.85
(1,74)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	7	2.83
(1,76)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:C	1:A:76:PRO:N	7	2.82
(1,675)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	9	2.82
(1,36)	1:A:33:SER:N	1:A:33:SER:CA	1:A:33:SER:C	1:A:34:LEU:N	12	2.79
(1,268)	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	10	2.77
(1,667)	1:A:154:MET:C	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	11	2.75
(1,74)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	11	2.72
(1,164)	1:A:153:LEU:N	1:A:153:LEU:CA	1:A:153:LEU:C	1:A:154:MET:N	3	2.67
(1,52)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:C	1:A:52:SER:N	13	2.66
(1,270)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	20	2.64
(1,77)	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:C	4	2.61
(1,414)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:CB	1:A:73:PHE:CG	20	2.61
(1,155)	1:A:148:ARG:C	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:C	17	2.61
(1,91)	1:A:97:ALA:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	20	2.6
(1,141)	1:A:126:ASP:C	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:C	5	2.6
(1,76)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:C	1:A:76:PRO:N	2	2.59
(1,120)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:C	1:A:117:MET:N	1	2.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,673)	1:A:155:LEU:N	1:A:155:LEU:CA	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	7	2.57
(1,73)	1:A:72:GLU:C	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:C	12	2.56
(1,81)	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	18	2.53
(1,263)	1:A:27:ALA:C	1:A:28:MET:N	1:A:28:MET:CA	1:A:28:MET:C	18	2.53
(1,103)	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	9	2.52
(1,680)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	6	2.51
(1,364)	1:A:56:PRO:N	1:A:56:PRO:CA	1:A:56:PRO:C	1:A:57:PRO:N	4	2.5
(1,57)	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	17	2.46
(1,49)	1:A:39:TYR:C	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:C	8	2.46
(1,140)	1:A:126:ASP:N	1:A:126:ASP:CA	1:A:126:ASP:C	1:A:127:LEU:N	14	2.42
(1,46)	1:A:38:GLY:N	1:A:38:GLY:CA	1:A:38:GLY:C	1:A:39:TYR:N	18	2.41
(1,45)	1:A:37:ALA:C	1:A:38:GLY:N	1:A:38:GLY:CA	1:A:38:GLY:C	13	2.4
(1,159)	1:A:150:ARG:C	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:C	15	2.37
(1,144)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:C	1:A:131:ALA:N	19	2.37
(1,142)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	16	2.35
(1,77)	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:C	13	2.31
(1,545)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:CB	1:A:120:VAL:CG1	7	2.29
(1,74)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	5	2.28
(1,607)	1:A:139:PRO:N	1:A:139:PRO:CA	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	9	2.24
(1,464)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	15	2.22
(1,623)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	1	2.21
(1,48)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:C	1:A:40:HIS:N	12	2.2
(1,123)	1:A:117:MET:C	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:C	11	2.19
(1,607)	1:A:139:PRO:N	1:A:139:PRO:CA	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	2	2.18
(1,23)	1:A:22:ILE:C	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:C	8	2.18
(1,190)	1:A:5:CYS:N	1:A:5:CYS:CA	1:A:5:CYS:C	1:A:6:GLN:N	18	2.18
(1,150)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:C	1:A:134:ILE:N	17	2.18
(1,72)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	16	2.17
(1,629)	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:C	19	2.16
(1,362)	1:A:55:GLY:N	1:A:55:GLY:CA	1:A:55:GLY:C	1:A:56:PRO:N	16	2.16
(1,23)	1:A:22:ILE:C	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:C	5	2.16
(1,546)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:CB	1:A:120:VAL:CG1	6	2.15
(1,155)	1:A:148:ARG:C	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:C	5	2.15
(1,230)	1:A:15:ALA:N	1:A:15:ALA:CA	1:A:15:ALA:C	1:A:16:PRO:N	4	2.14
(1,464)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	13	2.13
(1,364)	1:A:56:PRO:N	1:A:56:PRO:CA	1:A:56:PRO:C	1:A:57:PRO:N	18	2.13
(1,76)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:C	1:A:76:PRO:N	18	2.12
(1,50)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	9	2.12
(1,464)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	9	2.1
(1,27)	1:A:24:THR:C	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	20	2.09
(1,364)	1:A:56:PRO:N	1:A:56:PRO:CA	1:A:56:PRO:C	1:A:57:PRO:N	2	2.08
(1,88)	1:A:94:SER:N	1:A:94:SER:CA	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	2	2.07
(1,134)	1:A:123:ASN:N	1:A:123:ASN:CA	1:A:123:ASN:C	1:A:124:GLY:N	14	2.07
(1,73)	1:A:72:GLU:C	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:C	18	2.06
(1,464)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	11	2.06
(1,77)	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:C	14	2.03
(1,475)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	20	2.03
(1,104)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	18	2.03
(1,103)	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	8	2.03
(1,50)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	4	2.02
(1,406)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:CB	1:A:71:VAL:CG1	12	2.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,73)	1:A:72:GLU:C	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:C	15	2.01
(1,122)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:C	1:A:118:LYS:N	14	2.0
(1,197)	1:A:6:GLN:N	1:A:6:GLN:CA	1:A:6:GLN:C	1:A:7:PHE:N	19	1.97
(1,23)	1:A:22:ILE:C	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:C	20	1.96
(1,52)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:C	1:A:52:SER:N	16	1.95
(1,23)	1:A:22:ILE:C	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:C	7	1.95
(1,607)	1:A:139:PRO:N	1:A:139:PRO:CA	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	1	1.92
(1,355)	1:A:52:SER:N	1:A:52:SER:CA	1:A:52:SER:C	1:A:53:PRO:N	2	1.91
(1,104)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	16	1.91
(1,55)	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	16	1.89
(1,606)	1:A:138:ASN:N	1:A:138:ASN:CA	1:A:138:ASN:C	1:A:139:PRO:N	6	1.88
(1,2)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	1:A:9:CYS:N	15	1.88
(1,88)	1:A:94:SER:N	1:A:94:SER:CA	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	4	1.87
(1,148)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:C	1:A:133:GLU:N	11	1.87
(1,73)	1:A:72:GLU:C	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:C	13	1.85
(1,103)	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	3	1.85
(1,629)	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	1:A:145:ASP:CA	1:A:145:ASP:C	20	1.84
(1,23)	1:A:22:ILE:C	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:C	4	1.84
(1,134)	1:A:123:ASN:N	1:A:123:ASN:CA	1:A:123:ASN:C	1:A:124:GLY:N	4	1.83
(1,464)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	16	1.81
(1,34)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:C	1:A:32:GLY:N	18	1.81
(1,546)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:CB	1:A:120:VAL:CG1	19	1.79
(1,155)	1:A:148:ARG:C	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:C	3	1.79
(1,74)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	18	1.77
(1,104)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	17	1.77
(1,48)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:C	1:A:40:HIS:N	11	1.75
(1,67)	1:A:68:THR:C	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:C	13	1.74
(1,393)	1:A:65:SER:C	1:A:66:ALA:N	1:A:66:ALA:CA	1:A:66:ALA:C	4	1.73
(1,105)	1:A:108:GLU:C	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:C	20	1.72
(1,33)	1:A:30:GLU:C	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:C	13	1.71
(1,367)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:CB	1:A:58:PHE:CG	14	1.7
(1,75)	1:A:74:GLY:C	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:C	6	1.69
(1,148)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:C	1:A:133:GLU:N	18	1.69
(1,89)	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	1:A:97:ALA:CA	1:A:97:ALA:C	3	1.67
(1,66)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:C	1:A:69:PHE:N	10	1.67
(1,428)	1:A:78:GLU:N	1:A:78:GLU:CA	1:A:78:GLU:CB	1:A:78:GLU:CG	18	1.67
(1,128)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:C	1:A:121:ASP:N	19	1.67
(1,144)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:C	1:A:131:ALA:N	1	1.66
(1,364)	1:A:56:PRO:N	1:A:56:PRO:CA	1:A:56:PRO:C	1:A:57:PRO:N	12	1.64
(1,98)	1:A:101:LEU:N	1:A:101:LEU:CA	1:A:101:LEU:C	1:A:102:TYR:N	4	1.63
(1,18)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	18	1.63
(1,105)	1:A:108:GLU:C	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:C	4	1.63
(1,502)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	8	1.62
(1,46)	1:A:38:GLY:N	1:A:38:GLY:CA	1:A:38:GLY:C	1:A:39:TYR:N	10	1.62
(1,131)	1:A:121:ASP:C	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:C	14	1.61
(1,364)	1:A:56:PRO:N	1:A:56:PRO:CA	1:A:56:PRO:C	1:A:57:PRO:N	1	1.6
(1,23)	1:A:22:ILE:C	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:C	13	1.6
(1,102)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:C	1:A:104:GLY:N	17	1.6
(1,159)	1:A:150:ARG:C	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:C	1	1.59
(1,148)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:C	1:A:133:GLU:N	9	1.59
(1,61)	1:A:60:ARG:C	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:C	19	1.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,172)	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	1:A:3:PHE:N	11	1.58
(1,141)	1:A:126:ASP:C	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:C	1	1.56
(1,154)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:C	1:A:149:THR:N	9	1.55
(1,144)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:C	1:A:131:ALA:N	6	1.55
(1,131)	1:A:121:ASP:C	1:A:122:ASP:N	1:A:122:ASP:CA	1:A:122:ASP:C	17	1.55
(1,101)	1:A:102:TYR:C	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:C	4	1.55
(1,50)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	13	1.53
(1,49)	1:A:39:TYR:C	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:C	1	1.52
(1,25)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:C	17	1.52
(1,103)	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	19	1.52
(1,502)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	17	1.51
(1,138)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:C	1:A:126:ASP:N	18	1.51
(1,123)	1:A:117:MET:C	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:C	1	1.5
(1,103)	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	17	1.5
(1,609)	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	1:A:140:ALA:CA	1:A:140:ALA:C	7	1.49
(1,52)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:C	1:A:52:SER:N	20	1.49
(1,63)	1:A:61:TYR:C	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:C	16	1.48
(1,49)	1:A:39:TYR:C	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:C	20	1.48
(1,364)	1:A:56:PRO:N	1:A:56:PRO:CA	1:A:56:PRO:C	1:A:57:PRO:N	14	1.48
(1,103)	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	2	1.48
(1,104)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	8	1.47
(1,49)	1:A:39:TYR:C	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:C	6	1.45
(1,71)	1:A:70:GLU:C	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:C	8	1.44
(1,680)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	7	1.44
(1,58)	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1:A:60:ARG:N	5	1.44
(1,55)	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	2	1.44
(1,22)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:C	1:A:23:ARG:N	11	1.44
(1,364)	1:A:56:PRO:N	1:A:56:PRO:CA	1:A:56:PRO:C	1:A:57:PRO:N	8	1.43
(1,159)	1:A:150:ARG:C	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:C	19	1.43
(1,66)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:C	1:A:69:PHE:N	20	1.42
(1,58)	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1:A:60:ARG:N	7	1.42
(1,170)	1:A:1:MET:C	1:A:2:ASP:N	1:A:2:ASP:CA	1:A:2:ASP:C	20	1.41
(1,88)	1:A:94:SER:N	1:A:94:SER:CA	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	16	1.39
(1,63)	1:A:61:TYR:C	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:C	2	1.39
(1,57)	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	4	1.37
(1,142)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	11	1.36
(1,103)	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	20	1.36
(1,48)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:C	1:A:40:HIS:N	7	1.35
(1,122)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:C	1:A:118:LYS:N	4	1.34
(1,49)	1:A:39:TYR:C	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:C	4	1.33
(1,112)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	1:A:113:TYR:N	4	1.33
(1,80)	1:A:88:VAL:N	1:A:88:VAL:CA	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	11	1.32
(1,364)	1:A:56:PRO:N	1:A:56:PRO:CA	1:A:56:PRO:C	1:A:57:PRO:N	19	1.32
(1,25)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:C	9	1.32
(1,48)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:C	1:A:40:HIS:N	15	1.31
(1,230)	1:A:15:ALA:N	1:A:15:ALA:CA	1:A:15:ALA:C	1:A:16:PRO:N	1	1.31
(1,104)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	12	1.31
(1,105)	1:A:108:GLU:C	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:C	7	1.3
(1,68)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:C	1:A:70:GLU:N	15	1.29
(1,675)	1:A:155:LEU:C	1:A:156:HIS:N	1:A:156:HIS:CA	1:A:156:HIS:C	8	1.29
(1,623)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	4	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,112)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	1:A:113:TYR:N	2	1.29
(1,57)	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1	1.27
(1,5)	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:C	18	1.26
(1,49)	1:A:39:TYR:C	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:C	10	1.26
(1,129)	1:A:120:VAL:C	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:C	2	1.26
(1,108)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:C	1:A:111:ALA:N	18	1.26
(1,104)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	3	1.26
(1,54)	1:A:52:SER:N	1:A:52:SER:CA	1:A:52:SER:C	1:A:53:PRO:N	8	1.25
(1,26)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:C	1:A:25:GLN:N	9	1.25
(1,150)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:C	1:A:134:ILE:N	15	1.25
(1,71)	1:A:70:GLU:C	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:C	14	1.24
(1,181)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	17	1.24
(1,80)	1:A:88:VAL:N	1:A:88:VAL:CA	1:A:88:VAL:C	1:A:89:THR:N	17	1.23
(1,134)	1:A:123:ASN:N	1:A:123:ASN:CA	1:A:123:ASN:C	1:A:124:GLY:N	17	1.22
(1,36)	1:A:33:SER:N	1:A:33:SER:CA	1:A:33:SER:C	1:A:34:LEU:N	3	1.21
(1,145)	1:A:130:GLU:C	1:A:131:ALA:N	1:A:131:ALA:CA	1:A:131:ALA:C	19	1.2
(1,112)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	1:A:113:TYR:N	14	1.19
(1,389)	1:A:64:MET:C	1:A:65:SER:N	1:A:65:SER:CA	1:A:65:SER:C	1	1.18
(1,127)	1:A:119:TRP:C	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:C	19	1.18
(1,85)	1:A:91:LEU:C	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	9	1.17
(1,152)	1:A:134:ILE:N	1:A:134:ILE:CA	1:A:134:ILE:C	1:A:135:TYR:N	8	1.17
(1,119)	1:A:115:ALA:C	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:C	14	1.17
(1,24)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:C	1:A:24:THR:N	12	1.16
(1,546)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:CB	1:A:120:VAL:CG1	15	1.15
(1,143)	1:A:129:GLY:C	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:C	8	1.15
(1,141)	1:A:126:ASP:C	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:C	6	1.15
(1,104)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	15	1.15
(1,502)	1:A:104:GLY:N	1:A:104:GLY:CA	1:A:104:GLY:C	1:A:105:PRO:N	2	1.14
(1,160)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:C	1:A:152:SER:N	16	1.14
(1,105)	1:A:108:GLU:C	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:C	9	1.14
(1,77)	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:C	7	1.13
(1,76)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:C	1:A:76:PRO:N	16	1.13
(1,523)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	15	1.13
(1,5)	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:C	20	1.13
(1,162)	1:A:152:SER:N	1:A:152:SER:CA	1:A:152:SER:C	1:A:153:LEU:N	7	1.13
(1,161)	1:A:151:VAL:C	1:A:152:SER:N	1:A:152:SER:CA	1:A:152:SER:C	14	1.12
(1,66)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:C	1:A:69:PHE:N	7	1.11
(1,55)	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	18	1.11
(1,77)	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:C	3	1.09
(1,67)	1:A:68:THR:C	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:C	5	1.09
(1,475)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	19	1.09
(1,127)	1:A:119:TRP:C	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:C	14	1.09
(1,24)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:C	1:A:24:THR:N	1	1.07
(1,104)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	13	1.07
(1,77)	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:C	12	1.06
(1,138)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:C	1:A:126:ASP:N	20	1.06
(1,125)	1:A:118:LYS:C	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:C	17	1.06
(1,147)	1:A:131:ALA:C	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:C	2	1.05
(1,123)	1:A:117:MET:C	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:C	2	1.05
(1,34)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:C	1:A:32:GLY:N	13	1.04
(1,159)	1:A:150:ARG:C	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:C	12	1.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,71)	1:A:70:GLU:C	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:C	7	1.03
(1,520)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:CB	1:A:110:GLU:CG	8	1.03
(1,85)	1:A:91:LEU:C	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	7	1.02
(1,54)	1:A:52:SER:N	1:A:52:SER:CA	1:A:52:SER:C	1:A:53:PRO:N	18	1.02
(1,103)	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	11	1.02
(1,1)	1:A:7:PHE:C	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	20	1.02
(1,58)	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1:A:60:ARG:N	13	0.99
(1,27)	1:A:24:THR:C	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	6	0.99
(1,26)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:C	1:A:25:GLN:N	4	0.99
(1,137)	1:A:124:GLY:C	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:C	4	0.99
(1,150)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:C	1:A:134:ILE:N	19	0.98
(1,270)	1:A:28:MET:C	1:A:29:SER:N	1:A:29:SER:CA	1:A:29:SER:C	2	0.97
(1,60)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:C	1:A:61:TYR:N	16	0.96
(1,464)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	14	0.96
(1,104)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	7	0.96
(1,46)	1:A:38:GLY:N	1:A:38:GLY:CA	1:A:38:GLY:C	1:A:39:TYR:N	12	0.95
(1,364)	1:A:56:PRO:N	1:A:56:PRO:CA	1:A:56:PRO:C	1:A:57:PRO:N	7	0.95
(1,22)	1:A:22:ILE:N	1:A:22:ILE:CA	1:A:22:ILE:C	1:A:23:ARG:N	16	0.95
(1,159)	1:A:150:ARG:C	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:C	9	0.95
(1,112)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	1:A:113:TYR:N	19	0.95
(1,50)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	12	0.94
(1,123)	1:A:117:MET:C	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:C	6	0.94
(1,108)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:C	1:A:111:ALA:N	14	0.93
(1,103)	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	14	0.93
(1,111)	1:A:111:ALA:C	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	4	0.92
(1,153)	1:A:147:LEU:C	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:C	9	0.9
(1,88)	1:A:94:SER:N	1:A:94:SER:CA	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	12	0.89
(1,26)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:C	1:A:25:GLN:N	19	0.89
(1,24)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:C	1:A:24:THR:N	10	0.89
(1,144)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:C	1:A:131:ALA:N	17	0.89
(1,120)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:C	1:A:117:MET:N	5	0.89
(1,47)	1:A:38:GLY:C	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:C	15	0.88
(1,144)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:C	1:A:131:ALA:N	16	0.88
(1,67)	1:A:68:THR:C	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:C	8	0.86
(1,5)	1:A:10:GLU:C	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:C	3	0.86
(1,46)	1:A:38:GLY:N	1:A:38:GLY:CA	1:A:38:GLY:C	1:A:39:TYR:N	16	0.86
(1,141)	1:A:126:ASP:C	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:C	16	0.86
(1,138)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:C	1:A:126:ASP:N	11	0.86
(1,103)	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	16	0.86
(1,105)	1:A:108:GLU:C	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:C	14	0.85
(1,67)	1:A:68:THR:C	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:C	18	0.84
(1,55)	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	20	0.84
(1,104)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	1	0.84
(1,103)	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	1	0.84
(1,48)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:C	1:A:40:HIS:N	17	0.83
(1,91)	1:A:97:ALA:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	18	0.82
(1,8)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:C	1:A:13:GLU:N	18	0.82
(1,142)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	12	0.82
(1,142)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	14	0.82
(1,77)	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:C	6	0.81
(1,128)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:C	1:A:121:ASP:N	17	0.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,104)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	9	0.81
(1,82)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	7	0.8
(1,52)	1:A:51:LYS:N	1:A:51:LYS:CA	1:A:51:LYS:C	1:A:52:SER:N	18	0.8
(1,140)	1:A:126:ASP:N	1:A:126:ASP:CA	1:A:126:ASP:C	1:A:127:LEU:N	20	0.8
(1,63)	1:A:61:TYR:C	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:C	14	0.79
(1,146)	1:A:131:ALA:N	1:A:131:ALA:CA	1:A:131:ALA:C	1:A:132:TYR:N	1	0.79
(1,154)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:C	1:A:149:THR:N	13	0.78
(1,91)	1:A:97:ALA:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	15	0.77
(1,85)	1:A:91:LEU:C	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	2	0.76
(1,134)	1:A:123:ASN:N	1:A:123:ASN:CA	1:A:123:ASN:C	1:A:124:GLY:N	1	0.76
(1,59)	1:A:59:ALA:C	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:C	18	0.75
(1,135)	1:A:123:ASN:C	1:A:124:GLY:N	1:A:124:GLY:CA	1:A:124:GLY:C	18	0.75
(1,23)	1:A:22:ILE:C	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:C	3	0.74
(1,161)	1:A:151:VAL:C	1:A:152:SER:N	1:A:152:SER:CA	1:A:152:SER:C	15	0.74
(1,121)	1:A:116:LEU:C	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:C	14	0.74
(1,68)	1:A:69:PHE:N	1:A:69:PHE:CA	1:A:69:PHE:C	1:A:70:GLU:N	18	0.73
(1,55)	1:A:57:PRO:C	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	7	0.73
(1,33)	1:A:30:GLU:C	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:C	14	0.73
(1,25)	1:A:23:ARG:C	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:C	11	0.73
(1,155)	1:A:148:ARG:C	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:C	15	0.73
(1,106)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:C	1:A:110:GLU:N	9	0.73
(1,546)	1:A:120:VAL:N	1:A:120:VAL:CA	1:A:120:VAL:CB	1:A:120:VAL:CG1	11	0.72
(1,475)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:CB	1:A:92:THR:OG1	10	0.72
(1,27)	1:A:24:THR:C	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	5	0.72
(1,103)	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	18	0.72
(1,58)	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1:A:60:ARG:N	18	0.71
(1,147)	1:A:131:ALA:C	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:C	16	0.71
(1,140)	1:A:126:ASP:N	1:A:126:ASP:CA	1:A:126:ASP:C	1:A:127:LEU:N	12	0.71
(1,77)	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:C	9	0.7
(1,2)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	1:A:9:CYS:N	12	0.7
(1,135)	1:A:123:ASN:C	1:A:124:GLY:N	1:A:124:GLY:CA	1:A:124:GLY:C	7	0.7
(1,135)	1:A:123:ASN:C	1:A:124:GLY:N	1:A:124:GLY:CA	1:A:124:GLY:C	8	0.7
(1,133)	1:A:122:ASP:C	1:A:123:ASN:N	1:A:123:ASN:CA	1:A:123:ASN:C	1	0.7
(1,625)	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	1:A:144:PRO:N	8	0.69
(1,49)	1:A:39:TYR:C	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:C	5	0.69
(1,144)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:C	1:A:131:ALA:N	4	0.69
(1,607)	1:A:139:PRO:N	1:A:139:PRO:CA	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	19	0.68
(1,126)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:C	1:A:120:VAL:N	3	0.68
(1,103)	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	13	0.68
(1,48)	1:A:39:TYR:N	1:A:39:TYR:CA	1:A:39:TYR:C	1:A:40:HIS:N	2	0.67
(1,24)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:C	1:A:24:THR:N	18	0.67
(1,108)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:C	1:A:111:ALA:N	3	0.67
(1,72)	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:C	1:A:72:GLU:N	7	0.66
(1,56)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ALA:N	2	0.66
(1,112)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	1:A:113:TYR:N	15	0.66
(1,108)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:C	1:A:111:ALA:N	19	0.66
(1,104)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	14	0.66
(1,49)	1:A:39:TYR:C	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:C	9	0.65
(1,85)	1:A:91:LEU:C	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	20	0.64
(1,364)	1:A:56:PRO:N	1:A:56:PRO:CA	1:A:56:PRO:C	1:A:57:PRO:N	17	0.64
(1,153)	1:A:147:LEU:C	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:C	14	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,144)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:C	1:A:131:ALA:N	10	0.64
(1,104)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	6	0.64
(1,75)	1:A:74:GLY:C	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:C	14	0.63
(1,74)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	19	0.63
(1,50)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	6	0.63
(1,147)	1:A:131:ALA:C	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:C	3	0.63
(1,139)	1:A:125:PHE:C	1:A:126:ASP:N	1:A:126:ASP:CA	1:A:126:ASP:C	13	0.63
(1,85)	1:A:91:LEU:C	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	12	0.62
(1,58)	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1:A:60:ARG:N	12	0.62
(1,126)	1:A:119:TRP:N	1:A:119:TRP:CA	1:A:119:TRP:C	1:A:120:VAL:N	18	0.62
(1,85)	1:A:91:LEU:C	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	13	0.61
(1,141)	1:A:126:ASP:C	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:C	12	0.61
(1,140)	1:A:126:ASP:N	1:A:126:ASP:CA	1:A:126:ASP:C	1:A:127:LEU:N	10	0.61
(1,102)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:C	1:A:104:GLY:N	12	0.61
(1,89)	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	1:A:97:ALA:CA	1:A:97:ALA:C	12	0.6
(1,372)	1:A:60:ARG:N	1:A:60:ARG:CA	1:A:60:ARG:CB	1:A:60:ARG:CG	14	0.6
(1,161)	1:A:151:VAL:C	1:A:152:SER:N	1:A:152:SER:CA	1:A:152:SER:C	5	0.6
(1,155)	1:A:148:ARG:C	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:C	6	0.6
(1,122)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:C	1:A:118:LYS:N	20	0.6
(1,76)	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:C	1:A:76:PRO:N	12	0.59
(1,36)	1:A:33:SER:N	1:A:33:SER:CA	1:A:33:SER:C	1:A:34:LEU:N	6	0.59
(1,143)	1:A:129:GLY:C	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:C	14	0.59
(1,118)	1:A:115:ALA:N	1:A:115:ALA:CA	1:A:115:ALA:C	1:A:116:LEU:N	1	0.59
(1,36)	1:A:33:SER:N	1:A:33:SER:CA	1:A:33:SER:C	1:A:34:LEU:N	15	0.58
(1,147)	1:A:131:ALA:C	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:C	10	0.58
(1,129)	1:A:120:VAL:C	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:C	17	0.58
(1,104)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	20	0.58
(1,1)	1:A:7:PHE:C	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	10	0.58
(1,77)	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:C	2	0.57
(1,26)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:C	1:A:25:GLN:N	11	0.57
(1,181)	1:A:3:PHE:C	1:A:4:GLU:N	1:A:4:GLU:CA	1:A:4:GLU:C	19	0.57
(1,464)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:CB	1:A:89:THR:OG1	4	0.56
(1,26)	1:A:24:THR:N	1:A:24:THR:CA	1:A:24:THR:C	1:A:25:GLN:N	7	0.56
(1,103)	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	4	0.56
(1,9)	1:A:12:LYS:C	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:C	18	0.55
(1,77)	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:C	10	0.55
(1,158)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:C	1:A:151:VAL:N	17	0.55
(1,148)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:C	1:A:133:GLU:N	5	0.55
(1,122)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:C	1:A:118:LYS:N	7	0.55
(1,66)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:C	1:A:69:PHE:N	17	0.54
(1,18)	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:C	1:A:21:LEU:N	17	0.54
(1,146)	1:A:131:ALA:N	1:A:131:ALA:CA	1:A:131:ALA:C	1:A:132:TYR:N	11	0.54
(1,85)	1:A:91:LEU:C	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	11	0.53
(1,85)	1:A:91:LEU:C	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	18	0.53
(1,87)	1:A:93:PRO:C	1:A:94:SER:N	1:A:94:SER:CA	1:A:94:SER:C	13	0.52
(1,6)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:C	1:A:12:LYS:N	14	0.52
(1,223)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:CB	1:A:13:GLU:CG	18	0.52
(1,154)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:C	1:A:149:THR:N	16	0.52
(1,50)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	18	0.51
(1,144)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:C	1:A:131:ALA:N	12	0.51
(1,135)	1:A:123:ASN:C	1:A:124:GLY:N	1:A:124:GLY:CA	1:A:124:GLY:C	4	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,106)	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:C	1:A:110:GLU:N	3	0.51
(1,90)	1:A:97:ALA:N	1:A:97:ALA:CA	1:A:97:ALA:C	1:A:98:ALA:N	10	0.5
(1,62)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:C	1:A:62:PHE:N	20	0.5
(1,598)	1:A:136:LEU:C	1:A:137:ASP:N	1:A:137:ASP:CA	1:A:137:ASP:C	16	0.5
(1,35)	1:A:32:GLY:C	1:A:33:SER:N	1:A:33:SER:CA	1:A:33:SER:C	5	0.5
(1,148)	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:C	1:A:133:GLU:N	14	0.5
(1,105)	1:A:108:GLU:C	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:C	16	0.5
(1,33)	1:A:30:GLU:C	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:C	18	0.49
(1,134)	1:A:123:ASN:N	1:A:123:ASN:CA	1:A:123:ASN:C	1:A:124:GLY:N	18	0.49
(1,105)	1:A:108:GLU:C	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:C	15	0.49
(1,73)	1:A:72:GLU:C	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:C	3	0.48
(1,71)	1:A:70:GLU:C	1:A:71:VAL:N	1:A:71:VAL:CA	1:A:71:VAL:C	1	0.48
(1,58)	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1:A:60:ARG:N	1	0.48
(1,43)	1:A:36:GLU:C	1:A:37:ALA:N	1:A:37:ALA:CA	1:A:37:ALA:C	13	0.48
(1,147)	1:A:131:ALA:C	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:C	12	0.48
(1,34)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:C	1:A:32:GLY:N	4	0.47
(1,9)	1:A:12:LYS:C	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:C	17	0.46
(1,34)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:C	1:A:32:GLY:N	5	0.46
(1,136)	1:A:124:GLY:N	1:A:124:GLY:CA	1:A:124:GLY:C	1:A:125:PHE:N	2	0.46
(1,103)	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	15	0.46
(1,58)	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1:A:60:ARG:N	15	0.45
(1,23)	1:A:22:ILE:C	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:C	1	0.45
(1,112)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	1:A:113:TYR:N	1	0.45
(1,108)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:C	1:A:111:ALA:N	8	0.45
(1,105)	1:A:108:GLU:C	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:C	8	0.45
(1,94)	1:A:99:SER:N	1:A:99:SER:CA	1:A:99:SER:C	1:A:100:SER:N	11	0.44
(1,680)	1:A:156:HIS:C	1:A:157:GLU:N	1:A:157:GLU:CA	1:A:157:GLU:C	9	0.44
(1,64)	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:C	1:A:63:GLY:N	12	0.44
(1,50)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	17	0.44
(1,159)	1:A:150:ARG:C	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:C	13	0.44
(1,103)	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	10	0.44
(1,66)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:C	1:A:69:PHE:N	9	0.43
(1,33)	1:A:30:GLU:C	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:C	5	0.43
(1,10)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:C	1:A:14:LEU:N	1	0.43
(1,607)	1:A:139:PRO:N	1:A:139:PRO:CA	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	10	0.42
(1,438)	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	14	0.42
(1,27)	1:A:24:THR:C	1:A:25:GLN:N	1:A:25:GLN:CA	1:A:25:GLN:C	12	0.42
(1,150)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:C	1:A:134:ILE:N	1	0.42
(1,135)	1:A:123:ASN:C	1:A:124:GLY:N	1:A:124:GLY:CA	1:A:124:GLY:C	11	0.42
(1,107)	1:A:109:ILE:C	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:C	14	0.42
(1,93)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:SER:N	1:A:99:SER:CA	1:A:99:SER:C	8	0.41
(1,54)	1:A:52:SER:N	1:A:52:SER:CA	1:A:52:SER:C	1:A:53:PRO:N	17	0.41
(1,476)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	1:A:93:PRO:N	20	0.41
(1,112)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	1:A:113:TYR:N	16	0.41
(1,82)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	17	0.4
(1,7)	1:A:11:LEU:C	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:C	15	0.4
(1,626)	1:A:144:PRO:N	1:A:144:PRO:CA	1:A:144:PRO:C	1:A:145:ASP:N	5	0.4
(1,2)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	1:A:9:CYS:N	8	0.4
(1,10)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:C	1:A:14:LEU:N	12	0.4
(1,37)	1:A:33:SER:C	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:C	13	0.39
(1,116)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:C	1:A:115:ALA:N	6	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,93)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:SER:N	1:A:99:SER:CA	1:A:99:SER:C	10	0.38
(1,91)	1:A:97:ALA:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	8	0.38
(1,77)	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:C	11	0.38
(1,62)	1:A:61:TYR:N	1:A:61:TYR:CA	1:A:61:TYR:C	1:A:62:PHE:N	10	0.38
(1,6)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:C	1:A:12:LYS:N	19	0.38
(1,58)	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1:A:60:ARG:N	6	0.38
(1,143)	1:A:129:GLY:C	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:C	13	0.38
(1,102)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:C	1:A:104:GLY:N	13	0.38
(1,90)	1:A:97:ALA:N	1:A:97:ALA:CA	1:A:97:ALA:C	1:A:98:ALA:N	3	0.37
(1,66)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:C	1:A:69:PHE:N	6	0.37
(1,66)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:C	1:A:69:PHE:N	12	0.37
(1,235)	1:A:17:VAL:N	1:A:17:VAL:CA	1:A:17:VAL:CB	1:A:17:VAL:CG1	17	0.37
(1,141)	1:A:126:ASP:C	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:C	17	0.37
(1,134)	1:A:123:ASN:N	1:A:123:ASN:CA	1:A:123:ASN:C	1:A:124:GLY:N	5	0.37
(1,129)	1:A:120:VAL:C	1:A:121:ASP:N	1:A:121:ASP:CA	1:A:121:ASP:C	15	0.37
(1,94)	1:A:99:SER:N	1:A:99:SER:CA	1:A:99:SER:C	1:A:100:SER:N	17	0.36
(1,79)	1:A:87:VAL:C	1:A:88:VAL:N	1:A:88:VAL:CA	1:A:88:VAL:C	3	0.35
(1,476)	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	1:A:93:PRO:N	3	0.35
(1,230)	1:A:15:ALA:N	1:A:15:ALA:CA	1:A:15:ALA:C	1:A:16:PRO:N	3	0.35
(1,111)	1:A:111:ALA:C	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	14	0.35
(1,2)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	1:A:9:CYS:N	6	0.34
(1,36)	1:A:33:SER:N	1:A:33:SER:CA	1:A:33:SER:C	1:A:34:LEU:N	1	0.33
(1,36)	1:A:33:SER:N	1:A:33:SER:CA	1:A:33:SER:C	1:A:34:LEU:N	19	0.33
(1,158)	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:C	1:A:151:VAL:N	15	0.33
(1,108)	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:C	1:A:111:ALA:N	6	0.33
(1,88)	1:A:94:SER:N	1:A:94:SER:CA	1:A:94:SER:C	1:A:95:GLY:N	19	0.32
(1,66)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:C	1:A:69:PHE:N	14	0.32
(1,20)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:C	1:A:22:ILE:N	9	0.32
(1,150)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:C	1:A:134:ILE:N	6	0.32
(1,112)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	1:A:113:TYR:N	5	0.32
(1,34)	1:A:31:LEU:N	1:A:31:LEU:CA	1:A:31:LEU:C	1:A:32:GLY:N	10	0.31
(1,135)	1:A:123:ASN:C	1:A:124:GLY:N	1:A:124:GLY:CA	1:A:124:GLY:C	9	0.31
(1,10)	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:C	1:A:14:LEU:N	18	0.31
(1,83)	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:C	18	0.3
(1,56)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ALA:N	7	0.3
(1,53)	1:A:51:LYS:C	1:A:52:SER:N	1:A:52:SER:CA	1:A:52:SER:C	13	0.3
(1,160)	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:C	1:A:152:SER:N	4	0.3
(1,134)	1:A:123:ASN:N	1:A:123:ASN:CA	1:A:123:ASN:C	1:A:124:GLY:N	2	0.3
(1,58)	1:A:59:ALA:N	1:A:59:ALA:CA	1:A:59:ALA:C	1:A:60:ARG:N	20	0.29
(1,36)	1:A:33:SER:N	1:A:33:SER:CA	1:A:33:SER:C	1:A:34:LEU:N	18	0.29
(1,145)	1:A:130:GLU:C	1:A:131:ALA:N	1:A:131:ALA:CA	1:A:131:ALA:C	20	0.29
(1,74)	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:C	1:A:74:GLY:N	17	0.28
(1,438)	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:C	1:A:82:GLU:N	8	0.28
(1,66)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:C	1:A:69:PHE:N	19	0.27
(1,17)	1:A:19:ALA:C	1:A:20:LEU:N	1:A:20:LEU:CA	1:A:20:LEU:C	1	0.27
(1,161)	1:A:151:VAL:C	1:A:152:SER:N	1:A:152:SER:CA	1:A:152:SER:C	20	0.27
(1,150)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:C	1:A:134:ILE:N	12	0.27
(1,146)	1:A:131:ALA:N	1:A:131:ALA:CA	1:A:131:ALA:C	1:A:132:TYR:N	13	0.27
(1,135)	1:A:123:ASN:C	1:A:124:GLY:N	1:A:124:GLY:CA	1:A:124:GLY:C	19	0.27
(1,91)	1:A:97:ALA:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	19	0.26
(1,87)	1:A:93:PRO:C	1:A:94:SER:N	1:A:94:SER:CA	1:A:94:SER:C	12	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,85)	1:A:91:LEU:C	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	3	0.26
(1,6)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:C	1:A:12:LYS:N	1	0.26
(1,37)	1:A:33:SER:C	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:C	7	0.26
(1,2)	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	1:A:9:CYS:N	14	0.26
(1,155)	1:A:148:ARG:C	1:A:149:THR:N	1:A:149:THR:CA	1:A:149:THR:C	20	0.26
(1,124)	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:C	1:A:119:TRP:N	12	0.26
(1,1)	1:A:7:PHE:C	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	9	0.26
(1,50)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	14	0.25
(1,37)	1:A:33:SER:C	1:A:34:LEU:N	1:A:34:LEU:CA	1:A:34:LEU:C	4	0.25
(1,142)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	18	0.25
(1,135)	1:A:123:ASN:C	1:A:124:GLY:N	1:A:124:GLY:CA	1:A:124:GLY:C	10	0.25
(1,123)	1:A:117:MET:C	1:A:118:LYS:N	1:A:118:LYS:CA	1:A:118:LYS:C	15	0.25
(1,85)	1:A:91:LEU:C	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	5	0.24
(1,567)	1:A:129:GLY:N	1:A:129:GLY:CA	1:A:129:GLY:C	1:A:130:GLU:N	17	0.24
(1,89)	1:A:96:LYS:C	1:A:97:ALA:N	1:A:97:ALA:CA	1:A:97:ALA:C	20	0.23
(1,83)	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:C	4	0.23
(1,157)	1:A:149:THR:C	1:A:150:ARG:N	1:A:150:ARG:CA	1:A:150:ARG:C	15	0.23
(1,116)	1:A:114:ASP:N	1:A:114:ASP:CA	1:A:114:ASP:C	1:A:115:ALA:N	12	0.23
(1,87)	1:A:93:PRO:C	1:A:94:SER:N	1:A:94:SER:CA	1:A:94:SER:C	8	0.22
(1,607)	1:A:139:PRO:N	1:A:139:PRO:CA	1:A:139:PRO:C	1:A:140:ALA:N	20	0.22
(1,46)	1:A:38:GLY:N	1:A:38:GLY:CA	1:A:38:GLY:C	1:A:39:TYR:N	7	0.22
(1,137)	1:A:124:GLY:C	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:C	7	0.22
(1,135)	1:A:123:ASN:C	1:A:124:GLY:N	1:A:124:GLY:CA	1:A:124:GLY:C	3	0.22
(1,87)	1:A:93:PRO:C	1:A:94:SER:N	1:A:94:SER:CA	1:A:94:SER:C	2	0.21
(1,66)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:C	1:A:69:PHE:N	1	0.21
(1,16)	1:A:19:ALA:N	1:A:19:ALA:CA	1:A:19:ALA:C	1:A:20:LEU:N	1	0.21
(1,153)	1:A:147:LEU:C	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:C	16	0.21
(1,50)	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:C	1:A:41:ASP:N	15	0.2
(1,119)	1:A:115:ALA:C	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:C	5	0.2
(1,82)	1:A:89:THR:N	1:A:89:THR:CA	1:A:89:THR:C	1:A:90:GLY:N	1	0.19
(1,20)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:C	1:A:22:ILE:N	12	0.19
(1,120)	1:A:116:LEU:N	1:A:116:LEU:CA	1:A:116:LEU:C	1:A:117:MET:N	6	0.19
(1,102)	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:C	1:A:104:GLY:N	15	0.19
(1,144)	1:A:130:GLU:N	1:A:130:GLU:CA	1:A:130:GLU:C	1:A:131:ALA:N	14	0.18
(1,112)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:C	1:A:113:TYR:N	18	0.18
(1,622)	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	10	0.17
(1,142)	1:A:127:LEU:N	1:A:127:LEU:CA	1:A:127:LEU:C	1:A:128:SER:N	4	0.17
(1,63)	1:A:61:TYR:C	1:A:62:PHE:N	1:A:62:PHE:CA	1:A:62:PHE:C	19	0.16
(1,625)	1:A:143:ALA:N	1:A:143:ALA:CA	1:A:143:ALA:C	1:A:144:PRO:N	3	0.16
(1,46)	1:A:38:GLY:N	1:A:38:GLY:CA	1:A:38:GLY:C	1:A:39:TYR:N	5	0.16
(1,136)	1:A:124:GLY:N	1:A:124:GLY:CA	1:A:124:GLY:C	1:A:125:PHE:N	3	0.16
(1,113)	1:A:112:VAL:C	1:A:113:TYR:N	1:A:113:TYR:CA	1:A:113:TYR:C	18	0.16
(1,104)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	4	0.16
(1,101)	1:A:102:TYR:C	1:A:103:ILE:N	1:A:103:ILE:CA	1:A:103:ILE:C	7	0.16
(1,9)	1:A:12:LYS:C	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:C	14	0.15
(1,6)	1:A:11:LEU:N	1:A:11:LEU:CA	1:A:11:LEU:C	1:A:12:LYS:N	17	0.15
(1,20)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:C	1:A:22:ILE:N	8	0.15
(1,150)	1:A:133:GLU:N	1:A:133:GLU:CA	1:A:133:GLU:C	1:A:134:ILE:N	8	0.15
(1,105)	1:A:108:GLU:C	1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:CA	1:A:109:ILE:C	19	0.15
(1,104)	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	1:A:107:GLY:N	10	0.15
(1,78)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:C	1:A:78:GLU:N	19	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,73)	1:A:72:GLU:C	1:A:73:PHE:N	1:A:73:PHE:CA	1:A:73:PHE:C	9	0.14
(1,24)	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:C	1:A:24:THR:N	4	0.14
(1,147)	1:A:131:ALA:C	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:C	20	0.14
(1,107)	1:A:109:ILE:C	1:A:110:GLU:N	1:A:110:GLU:CA	1:A:110:GLU:C	9	0.14
(1,85)	1:A:91:LEU:C	1:A:92:THR:N	1:A:92:THR:CA	1:A:92:THR:C	8	0.13
(1,83)	1:A:90:GLY:C	1:A:91:LEU:N	1:A:91:LEU:CA	1:A:91:LEU:C	16	0.13
(1,154)	1:A:148:ARG:N	1:A:148:ARG:CA	1:A:148:ARG:C	1:A:149:THR:N	19	0.13
(1,103)	1:A:105:PRO:C	1:A:106:TYR:N	1:A:106:TYR:CA	1:A:106:TYR:C	5	0.13
(1,49)	1:A:39:TYR:C	1:A:40:HIS:N	1:A:40:HIS:CA	1:A:40:HIS:C	16	0.12
(1,93)	1:A:98:ALA:C	1:A:99:SER:N	1:A:99:SER:CA	1:A:99:SER:C	14	0.11
(1,147)	1:A:131:ALA:C	1:A:132:TYR:N	1:A:132:TYR:CA	1:A:132:TYR:C	6	0.11
(1,96)	1:A:100:SER:N	1:A:100:SER:CA	1:A:100:SER:C	1:A:101:LEU:N	8	0.08
(1,159)	1:A:150:ARG:C	1:A:151:VAL:N	1:A:151:VAL:CA	1:A:151:VAL:C	8	0.08
(1,75)	1:A:74:GLY:C	1:A:75:PHE:N	1:A:75:PHE:CA	1:A:75:PHE:C	9	0.07
(1,23)	1:A:22:ILE:C	1:A:23:ARG:N	1:A:23:ARG:CA	1:A:23:ARG:C	9	0.07
(1,122)	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:C	1:A:118:LYS:N	13	0.07
(1,425)	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:CB	1:A:77:VAL:CG1	18	0.06
(1,20)	1:A:21:LEU:N	1:A:21:LEU:CA	1:A:21:LEU:C	1:A:22:ILE:N	11	0.06
(1,138)	1:A:125:PHE:N	1:A:125:PHE:CA	1:A:125:PHE:C	1:A:126:ASP:N	14	0.05
(1,9)	1:A:12:LYS:C	1:A:13:GLU:N	1:A:13:GLU:CA	1:A:13:GLU:C	4	0.04
(1,437)	1:A:81:VAL:N	1:A:81:VAL:CA	1:A:81:VAL:CB	1:A:81:VAL:CG1	18	0.04
(1,621)	1:A:142:THR:N	1:A:142:THR:CA	1:A:142:THR:C	1:A:143:ALA:N	16	0.03
(1,523)	1:A:112:VAL:N	1:A:112:VAL:CA	1:A:112:VAL:CB	1:A:112:VAL:CG1	2	0.03
(1,46)	1:A:38:GLY:N	1:A:38:GLY:CA	1:A:38:GLY:C	1:A:39:TYR:N	17	0.03
(1,121)	1:A:116:LEU:C	1:A:117:MET:N	1:A:117:MET:CA	1:A:117:MET:C	13	0.03
(1,91)	1:A:97:ALA:C	1:A:98:ALA:N	1:A:98:ALA:CA	1:A:98:ALA:C	17	0.02
(1,77)	1:A:76:PRO:C	1:A:77:VAL:N	1:A:77:VAL:CA	1:A:77:VAL:C	18	0.02
(1,65)	1:A:67:GLY:C	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:C	17	0.02
(1,136)	1:A:124:GLY:N	1:A:124:GLY:CA	1:A:124:GLY:C	1:A:125:PHE:N	5	0.02
(1,1)	1:A:7:PHE:C	1:A:8:VAL:N	1:A:8:VAL:CA	1:A:8:VAL:C	1	0.02
(1,8)	1:A:12:LYS:N	1:A:12:LYS:CA	1:A:12:LYS:C	1:A:13:GLU:N	11	0.01