



wwPDB NMR Structure Validation Summary Report ⓘ

Apr 2, 2020 – 11:20 AM CDT

PDB ID : 2KZN
Title : Solution NMR Structure of Peptide methionine sulfoxide reductase msrB from Bacillus subtilis, Northeast Structural Genomics Consortium Target SR10
Authors : Ertekin, A.; Maglaqui, M.; Janjua, H.; Cooper, B.; Ciccocanti, C.; Rost, B.; Acton, T.B.; Xiao, R.; Everett, J.K.; Prestegard, J.; Lee, H.; Aramini, J.M.; Rossi, P.; Montelione, G.T.; Northeast Structural Genomics Consortium (NESG)
Deposited on : 2010-06-18

This is a wwPDB NMR Structure Validation Summary Report for a publicly released PDB entry.

We welcome your comments at validation@mail.wwpdb.org

A user guide is available at

<https://www.wwpdb.org/validation/2017/NMRValidationReportHelp>

with specific help available everywhere you see the ⓘ symbol.

The following versions of software and data (see [references ⓘ](#)) were used in the production of this report:

Cyrange	:	Kirchner and Güntert (2011)
NmrClust	:	Kelley et al. (1996)
MolProbity	:	4.02b-467
Percentile statistics	:	20171227.v01 (using entries in the PDB archive December 27th 2017)
RCI	:	v_1n_11_5_13_A (Berjanski et al., 2005)
PANAV	:	Wang et al. (2010)
ShiftChecker	:	2.6.dev1
BMRB Restraints Analysis	:	v1.2
Ideal geometry (proteins)	:	Engh & Huber (2001)
Ideal geometry (DNA, RNA)	:	Parkinson et al. (1996)
Validation Pipeline (wwPDB-VP)	:	2.6.dev1

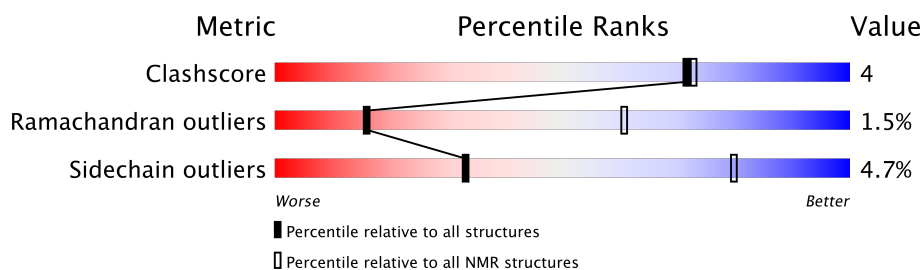
1 Overall quality at a glance

The following experimental techniques were used to determine the structure:

SOLUTION NMR

The overall completeness of chemical shifts assignment is 41%.

Percentile scores (ranging between 0-100) for global validation metrics of the entry are shown in the following graphic. The table shows the number of entries on which the scores are based.



Metric	Whole archive (#Entries)	NMR archive (#Entries)
Clashscore	136327	12091
Ramachandran outliers	132723	10835
Sidechain outliers	132532	10811

The table below summarises the geometric issues observed across the polymeric chains and their fit to the experimental data. The red, orange, yellow and green segments indicate the fraction of residues that contain outliers for ≥ 3 , 2, 1 and 0 types of geometric quality criteria. A cyan segment indicates the fraction of residues that are not part of the well-defined cores, and a grey segment represents the fraction of residues that are not modelled. The numeric value for each fraction is indicated below the corresponding segment, with a dot representing fractions $\leq 5\%$.

Mol	Chain	Length	Quality of chain
1	A	151	 78% 7% 13% •

2 Ensemble composition and analysis

This entry contains 20 models. Model 8 is the overall representative, medoid model (most similar to other models). The authors have identified model 1 as representative, based on the following criterion: *lowest energy*.

The following residues are included in the computation of the global validation metrics.

Well-defined (core) protein residues			
Well-defined core	Residue range (total)	Backbone RMSD (Å)	Medoid model
1	A:6-A:27, A:37-A:142 (128)	0.98	8

Ill-defined regions of proteins are excluded from the global statistics.

Ligands and non-protein polymers are included in the analysis.

The models can be grouped into 3 clusters and 4 single-model clusters were found.

Cluster number	Models
1	2, 4, 5, 7, 8, 9, 10, 12, 14, 19, 20
2	1, 6, 11
3	3, 13
Single-model clusters	15; 16; 17; 18

3 Entry composition

There is only 1 type of molecule in this entry. The entry contains 2363 atoms, of which 1156 are hydrogens and 0 are deuteriums.

- Molecule 1 is a protein called Peptide methionine sulfoxide reductase msrB.

Mol	Chain	Residues	Atoms						Trace
1	A	147	Total	C	H	N	O	S	0
			2363	761	1156	209	232	5	

There are 8 discrepancies between the modelled and reference sequences:


Chain	Residue	Modelled	Actual	Comment	Reference
A	144	LEU	-	EXPRESSION TAG	UNP P54155
A	145	GLU	-	EXPRESSION TAG	UNP P54155
A	146	HIS	-	EXPRESSION TAG	UNP P54155
A	147	HIS	-	EXPRESSION TAG	UNP P54155
A	148	HIS	-	EXPRESSION TAG	UNP P54155
A	149	HIS	-	EXPRESSION TAG	UNP P54155
A	150	HIS	-	EXPRESSION TAG	UNP P54155
A	151	HIS	-	EXPRESSION TAG	UNP P54155

4 Residue-property plots

4.1 Average score per residue in the NMR ensemble

These plots are provided for all protein, RNA and DNA chains in the entry. The first graphic is the same as shown in the summary in section 1 of this report. The second graphic shows the sequence where residues are colour-coded according to the number of geometric quality criteria for which they contain at least one outlier: green = 0, yellow = 1, orange = 2 and red = 3 or more. Stretches of 2 or more consecutive residues without any outliers are shown as green connectors. Residues which are classified as ill-defined in the NMR ensemble, are shown in cyan with an underline colour-coded according to the previous scheme. Residues which were present in the experimental sample, but not modelled in the final structure are shown in grey.

- Molecule 1: Peptide methionine sulfoxide reductase msrB

Chain A: 



4.2 Residue scores for the representative (medoid) model from the NMR ensemble

The representative model is number 8. Colouring as in section 4.1 above.

- Molecule 1: Peptide methionine sulfoxide reductase msrB

Chain A: 



5 Refinement protocol and experimental data overview

The models were refined using the following method: *molecular dynamics*.

Of the 100 calculated structures, 20 were deposited, based on the following criterion: *target function*.

The following table shows the software used for structure solution, optimisation and refinement.

Software name	Classification	Version
CYANA	structure solution	3.0
CYANA	geometry optimization	3.0
TALOS+	geometry optimization	
PALES	geometry optimization	
CYANA	refinement	3.0

The following table shows chemical shift validation statistics as aggregates over all chemical shift files. Detailed validation can be found in section 7 of this report.

Chemical shift file(s)	2kzn_nmr.cif
Number of chemical shift lists	1
Total number of shifts	869
Number of shifts mapped to atoms	732
Number of unparsed shifts	82
Number of shifts with mapping errors	0
Number of shifts with mapping warnings	55
Assignment completeness (well-defined parts)	41%

No validations of the models with respect to experimental NMR restraints is performed at this time.

6 Model quality [i](#)

6.1 Standard geometry [i](#)

There are no covalent bond-length or bond-angle outliers.

Chiral center outliers are detected by calculating the chiral volume of a chiral center and verifying if the center is modelled as a planar moiety or with the opposite hand. A planarity outlier is detected by checking planarity of atoms in a peptide group, atoms in a mainchain group or atoms of a sidechain that are expected to be planar.

Mol	Chain	Chirality	Planarity
1	A	0.0±0.0	0.1±0.2
All	All	0	1

There are no bond-length outliers.

There are no bond-angle outliers.

There are no chirality outliers.

All unique planar outliers are listed below.

Mol	Chain	Res	Type	Group	Models (Total)
1	A	97	SER	Peptide	1

6.2 Too-close contacts [i](#)

In the following table, the Non-H and H(model) columns list the number of non-hydrogen atoms and hydrogen atoms in each chain respectively. The H(added) column lists the number of hydrogen atoms added and optimized by MolProbity. The Clashes column lists the number of clashes averaged over the ensemble.

Mol	Chain	Non-H	H(model)	H(added)	Clashes
1	A	1031	999	994	8±2
All	All	20620	19980	19880	154

The all-atom clashscore is defined as the number of clashes found per 1000 atoms (including hydrogen atoms). The all-atom clashscore for this structure is 4.

5 of 69 unique clashes are listed below, sorted by their clash magnitude.

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:102:VAL:HG12	1:A:114:TYR:HA	0.69	1.65	16	20
1:A:45:ILE:HG12	1:A:122:ARG:HB2	0.66	1.66	4	10

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:49:LYS:HB2	1:A:49:LYS:HZ2	0.65	1.52	7	1
1:A:92:SER:HB3	1:A:96:ASP:HB2	0.65	1.67	9	7
1:A:106:GLY:HA3	1:A:113:ARG:HB2	0.64	1.69	5	5

6.3 Torsion angles [i](#)

6.3.1 Protein backbone [i](#)

In the following table, the Percentiles column shows the percent Ramachandran outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR entries. The Analysed column shows the number of residues for which the backbone conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Favoured	Allowed	Outliers	Percentiles	
1	A	128/151 (85%)	116±3 (90±2%)	10±3 (8±2%)	2±1 (1±1%)	16	61
All	All	2560/3020 (85%)	2315 (90%)	207 (8%)	38 (1%)	16	61

5 of 15 unique Ramachandran outliers are listed below. They are sorted by the frequency of occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	99	LEU	12
1	A	134	TYR	9
1	A	96	ASP	3
1	A	142	ASN	3
1	A	71	ILE	1

6.3.2 Protein sidechains [i](#)

In the following table, the Percentiles column shows the percent sidechain outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR entries. The Analysed column shows the number of residues for which the sidechain conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Rotameric	Outliers	Percentiles	
1	A	115/137 (84%)	110±2 (95±2%)	5±2 (5±2%)	33	80
All	All	2300/2740 (84%)	2192 (95%)	108 (5%)	33	80

5 of 45 unique residues with a non-rotameric sidechain are listed below. They are sorted by the

frequency of occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	13	ASN	15
1	A	77	GLU	6
1	A	87	ARG	5
1	A	57	LYS	5
1	A	42	TYR	4

6.3.3 RNA [i](#)

There are no RNA molecules in this entry.

6.4 Non-standard residues in protein, DNA, RNA chains [i](#)

There are no non-standard protein/DNA/RNA residues in this entry.

6.5 Carbohydrates [i](#)

There are no carbohydrates in this entry.

6.6 Ligand geometry [i](#)

There are no ligands in this entry.

6.7 Other polymers [i](#)

There are no such molecules in this entry.

6.8 Polymer linkage issues [i](#)

There are no chain breaks in this entry.

7 Chemical shift validation

The completeness of assignment taking into account all chemical shift lists is 41% for the well-defined parts and 39% for the entire structure.

7.1 Chemical shift list 1

File name: 2kzn_nmr.cif

Chemical shift list name: *nef_chemical_shift_list_2kzn.mr*

7.1.1 Bookkeeping

The following table shows the results of parsing the chemical shift list and reports the number of nuclei with statistically unusual chemical shifts.

Total number of shifts	869
Number of shifts mapped to atoms	732
Number of unparsed shifts	82
Number of shifts with mapping errors	0
Number of shifts with mapping warnings	55
Number of shift outliers (ShiftChecker)	2

The following errors were found when reading this chemical shift list.

- Chemical shift has been reported more than once. First 5 (of 82) occurrences are reported below.

Shift ID	Chain	Res	Type	Atom	Shift Data		
					Value	Uncertainty	Ambiguity
31	A	9	ILE	HD1%	0.822	0.030	1
32	A	9	ILE	HD1%	0.822	0.030	1
50	A	12	LEU	HD1%	0.822	0.030	1
51	A	12	LEU	HD1%	0.822	0.030	1
53	A	12	LEU	HD2%	0.744	0.030	1

The following assigned chemical shifts were not mapped to the molecules present in the coordinate file.

- No matching atoms found in structure. First 5 (of 55) occurrences are reported below.

Chain	Res	Type	Atom	Shift Data		
				Value	Uncertainty	Ambiguity
A	16	GLN	HE2y	7.862	0.03	2
A	22	ASN	HD2y	6.892	0.03	2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Chain	Res	Type	Atom	Shift Data		
				Value	Uncertainty	Ambiguity
A	121	LEU	HD1%	0.626	0.03	1
A	129	LEU	HD2%	0.431	0.03	1
A	99	LEU	HD1%	0.723	0.03	1

7.1.2 Chemical shift referencing ⓘ

The following table shows the suggested chemical shift referencing corrections.

Nucleus	# values	Correction \pm precision, ppm	Suggested action
$^{13}\text{C}_\alpha$	142	-0.18 ± 0.18	None needed (< 0.5 ppm)
$^{13}\text{C}_\beta$	132	0.47 ± 0.23	None needed (< 0.5 ppm)
$^{13}\text{C}'$	141	-0.49 ± 0.18	None needed (< 0.5 ppm)
^{15}N	131	1.13 ± 0.45	Should be applied

7.1.3 Completeness of resonance assignments ⓘ

The following table shows the completeness of the chemical shift assignments for the well-defined regions of the structure. The overall completeness is 41%, i.e. 654 atoms were assigned a chemical shift out of a possible 1608. 17 out of 17 assigned methyl groups (LEU and VAL) were assigned stereospecifically.

	Total	^1H	^{13}C	^{15}N
Backbone	489/626 (78%)	118/249 (47%)	253/256 (99%)	118/121 (98%)
Sidechain	163/836 (19%)	0/495 (0%)	156/302 (52%)	7/39 (18%)
Aromatic	2/146 (1%)	1/76 (1%)	0/59 (0%)	1/11 (9%)
Overall	654/1608 (41%)	119/820 (15%)	409/617 (66%)	126/171 (74%)

7.1.4 Statistically unusual chemical shifts ⓘ

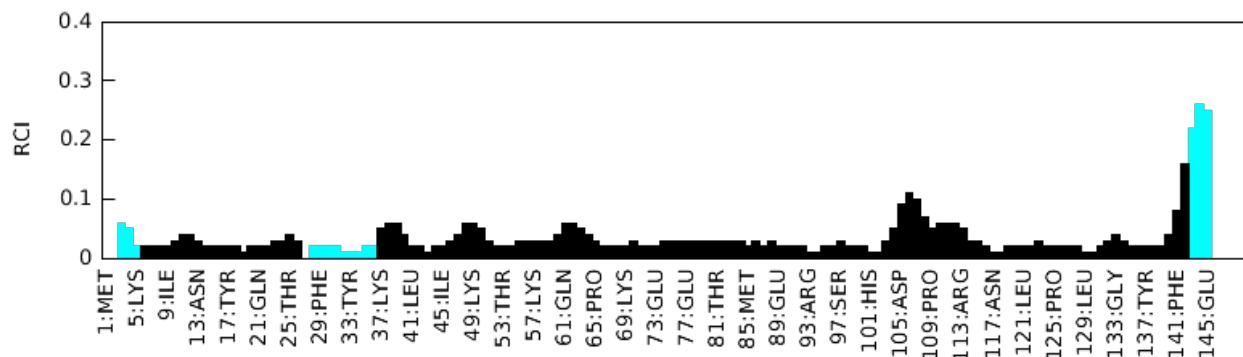
The following table lists the statistically unusual chemical shifts. These are statistical measures, and large deviations from the mean do not necessarily imply incorrect assignments. Molecules containing paramagnetic centres or hemes are expected to give rise to anomalous chemical shifts.

Mol	Chain	Res	Type	Atom	Shift, ppm	Expected range, ppm	Z-score
1	A	118	SER	H	13.13	11.23 – 5.33	8.2
1	A	38	GLU	H	5.26	11.34 – 5.34	-5.1

7.1.5 Random Coil Index (RCI) plots [i](#)

The image below reports *random coil index* values for the protein chains in the structure. The height of each bar gives a probability of a given residue to be disordered, as predicted from the available chemical shifts and the amino acid sequence. A value above 0.2 is an indication of significant predicted disorder. The colour of the bar shows whether the residue is in the well-defined core (black) or in the ill-defined residue ranges (cyan), as described in section 2 on ensemble composition.

Random coil index (RCI) for chain A:



8 Distance restraints analysis

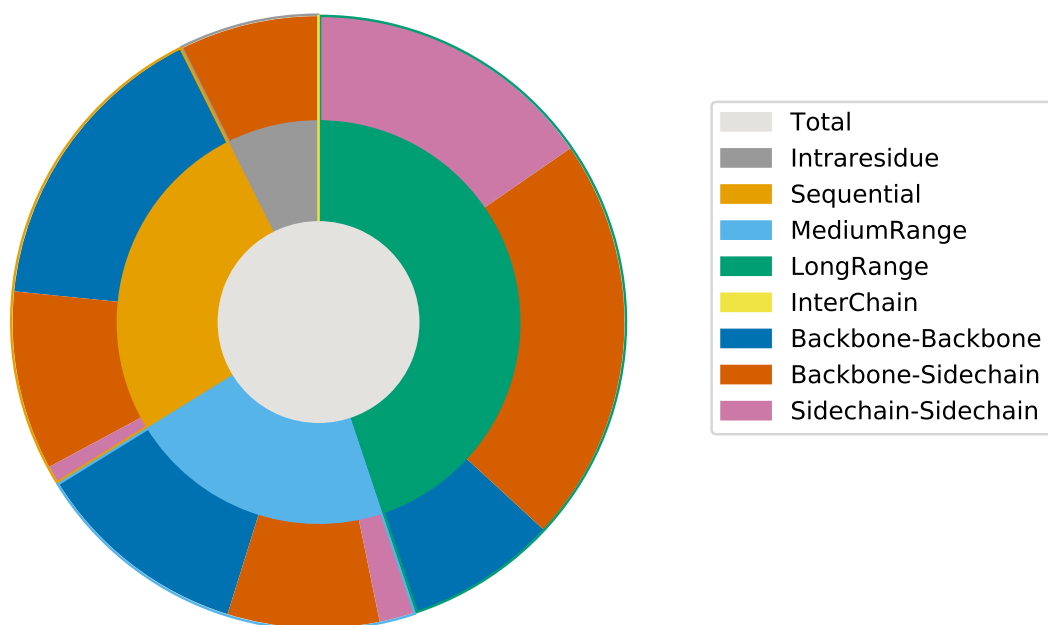
8.1 Distance restraints summary

Restraints are counted in different categories based on the atoms involved in each restraint.

Restraints type	B-B ¹ (H ⁴)	B-S ² (H ⁴)	S-S ³ (H ⁴)	Total		
				Total(H ⁴)	RR ⁵	% ⁶
Intraresidue ($ i-j =0$)	0(0)	46(0)	0(0)	46(0)	0.3	7.4
Sequential ($ i-j =1$)	100(0)	59(0)	6(0)	165(0)	1.2	26.4
Medium range ($ i-j >1$ and $ i-j <5$)	71(0)	50(0)	12(0)	133(0)	0.9	21.3
Long range ($ i-j \geq 5$)	50(0)	134(0)	96(0)	280(0)	2.0	44.9
Inter chain	0(0)	0(0)	0(0)	0(0)	0.0	0.0
Total	221(0)	289(0)	114(0)	624(0)	4.4	100.0

¹number of backbone to backbone restraints, ²number of backbone to sidechain restraints, ³number of sidechain to sidechain restraints, ⁴number of hydrogen bonds in that category, ⁵number of restraints per residue, ⁶percentage of restraints in that category. There are 0 unmapped restraints

8.1.1 Pie chart : Distance restraints summary



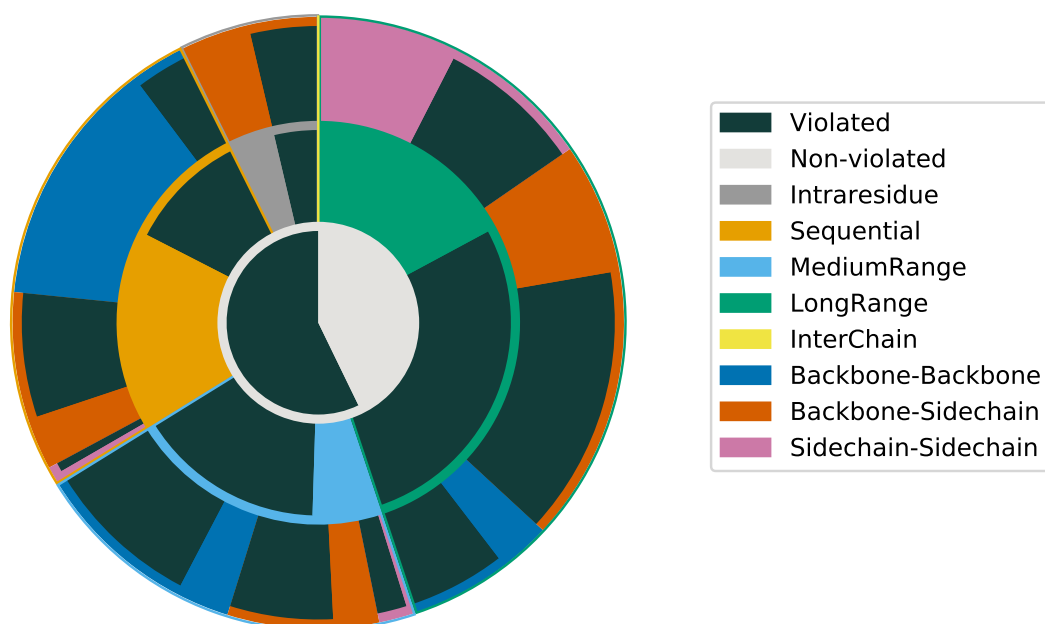
8.2 Distance violations summary

The following table provides the summary of violated restraints. Restraints that are violated at least in one model are counted as violated.

Restrains type	B-B ¹ (% ⁴)	B-S ² (% ⁴)	S-S ³ (% ⁴)	Total		
				Total(% ⁴)	RR ⁵	% ⁶
Intraresidue ($ i-j =0$)	0(0.0)	23(50.0)	0(0.0)	23(50.0)	0.2	6.4
Sequential ($ i-j =1$)	18(18.0)	42(71.2)	3(50.0)	63(38.2)	0.4	17.6
Medium range ($ i-j >1$ and $ i-j <5$)	53(74.6)	35(70.0)	10(83.3)	98(73.7)	0.7	27.5
Long range ($ i-j \geq 5$)	33(66.0)	91(67.9)	49(51.0)	173(61.8)	1.2	48.5
Inter chain	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0.0	0.0
Total	104(47.1)	191(66.1)	62(54.4)	357(57.2)	2.5	100.0

¹number of backbone to backbone restraints, ²number of backbone to sidechain restraints, ³number of sidechain to sidechain restraints, ⁴percentage of violations with respect to total restrains in that category, ⁵number of restraints per residue, ⁶percentage of violation with respect to total violations.

8.2.1 Pie-chart : Distance violations summary



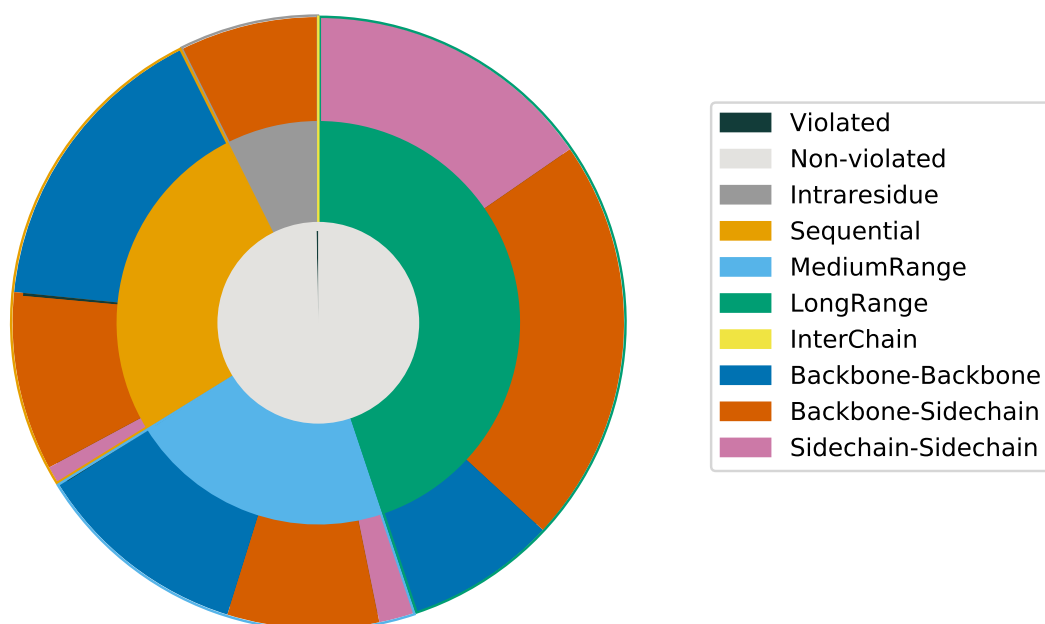
8.3 Consistent distance violations summary

The following table provides the summary of consistently violated restraints. Restraints that are violated in all models are counted as consistently violated.

Restrains type	B-B ¹ (% ⁴)	B-S ² (% ⁴)	S-S ³ (% ⁴)	Total		
				Total(% ⁴)	RR ⁵	% ⁶
Intraresidue ($ i-j =0$)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0.0	0.0
Sequential ($ i-j =1$)	0(0.0)	1(1.7)	0(0.0)	1(0.6)	0.0	50.0
Medium range ($ i-j >1$ and $ i-j <5$)	1(1.4)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.8)	0.0	50.0
Long range ($ i-j \geq 5$)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0.0	0.0
Inter chain	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0.0	0.0
Total	1(0.5)	1(0.3)	0(0.0)	2(0.3)	0.0	100.0

¹number of backbone to backbone restraints, ²number of backbone to sidechain restraints, ³number of sidechain to sidechain restraints, ⁴percentage of violations with respect to total restrains in that category, ⁵number of restraints per residue, ⁶percentage of violation with respect to total violations

8.3.1 Pie-chart : Consistent distance violations



8.4 Residual distance violations

Violations are counted in different bin sizes and listed below

Range (Å)	Avg. No. of violated restraints per model	Max violation (Å)
0-0.2	98.7	0.2
0.2-0.5	8.9	0.48
0.5-1.0	0.1	0.58
1.0-2.0	0.3	1.85
2.0-5.0	None	None
5.0<	None	None

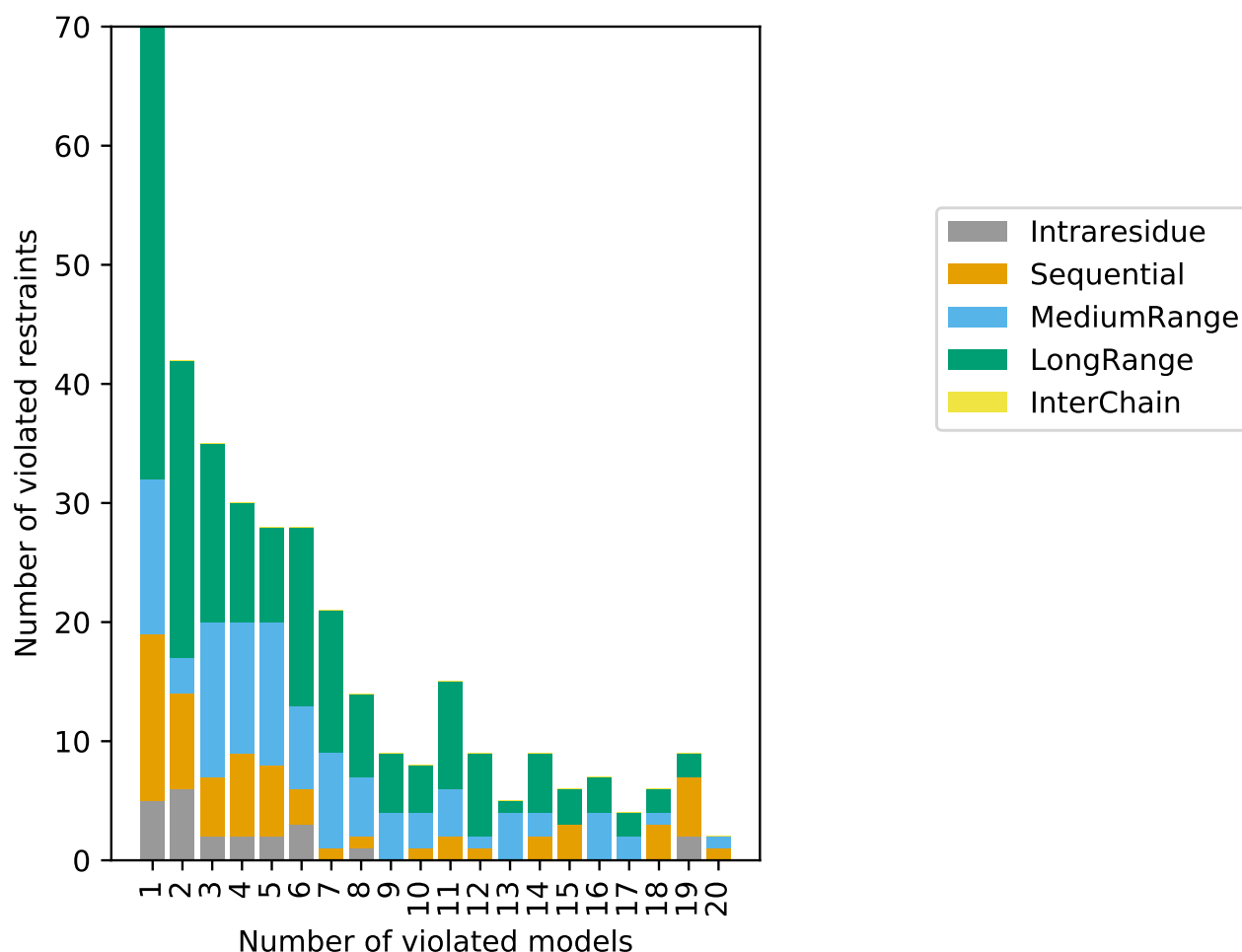
8.5 Distance violations in ensemble

The restraints are grouped based on the number of violated models and listed here.

No. of violated restraints						No. of violated models
IR ¹	SQ ²	MR ³	LR ⁴	IC ⁵	Total	
5	14	13	38	0	70	1
6	8	3	25	0	42	2
2	5	13	15	0	35	3
2	7	11	10	0	30	4
2	6	12	8	0	28	5
3	3	7	15	0	28	6
0	1	8	12	0	21	7
1	1	5	7	0	14	8
0	0	4	5	0	9	9
0	1	3	4	0	8	10
0	2	4	9	0	15	11
0	1	1	7	0	9	12
0	0	4	1	0	5	13
0	2	2	5	0	9	14
0	3	0	3	0	6	15
0	0	4	3	0	7	16
0	0	2	2	0	4	17
0	3	1	2	0	6	18
2	5	0	2	0	9	19
0	1	1	0	0	2	20

¹intraresidue restraints, ²sequential restraints, ³medium range restraints, ⁴long range restraints, ⁵inter chain restraints

8.5.1 Bar graph : No. of models vs No. of violations



23 intraresidue restraints, 102 sequential restraints, 35 medium range restraints, 107 long range restraints and 0 inter chain restraints are not violated. In total, 267 restraints are not violated in any of the models

8.6 Violations in each model

The following table lists the violation count in each model in the ensemble

Model ID	No. of violations						Mean (Å)	Max (Å)
	IR ¹	SQ ²	MR ³	LR ⁴	IC ⁵	Total		
1	4	26	27	42	0	99	0.1	0.28
2	6	26	30	49	0	111	0.08	0.28
3	3	14	32	49	0	98	0.11	1.39
4	6	21	37	50	0	114	0.09	0.34
5	6	17	32	56	0	111	0.09	0.41

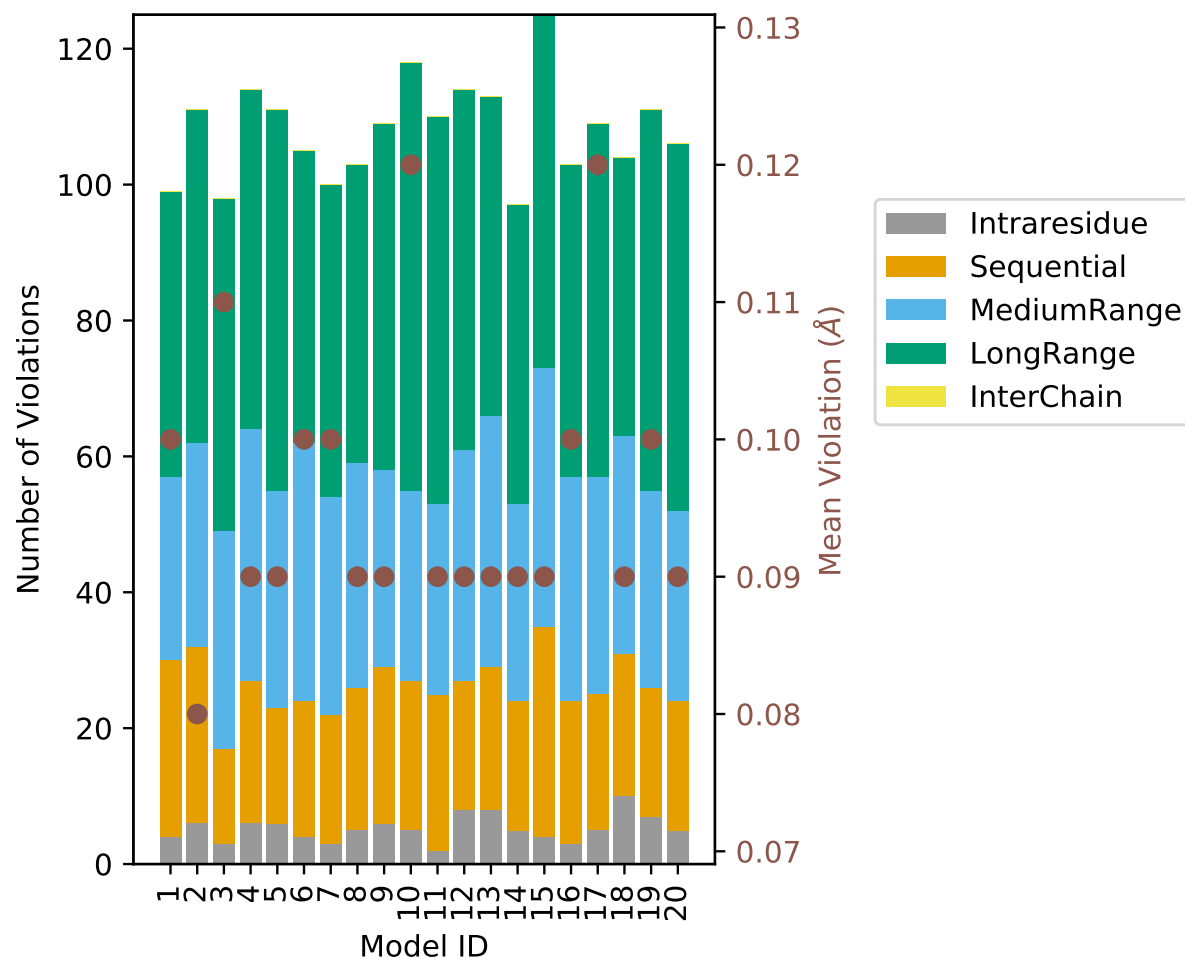
Continued on next page...

Continued from previous page...

Model ID	No. of violations						Mean (Å)	Max (Å)
	IR ¹	SQ ²	MR ³	LR ⁴	IC ⁵	Total		
6	4	20	38	43	0	105	0.1	0.35
7	3	19	32	46	0	100	0.1	0.42
8	5	21	33	44	0	103	0.09	0.48
9	6	23	29	51	0	109	0.09	0.37
10	5	22	28	63	0	118	0.12	1.82
11	2	23	28	57	0	110	0.09	0.36
12	8	19	34	53	0	114	0.09	0.58
13	8	21	37	47	0	113	0.09	0.35
14	5	19	29	44	0	97	0.09	0.32
15	4	31	38	52	0	125	0.09	1.04
16	3	21	33	46	0	103	0.1	0.33
17	5	20	32	52	0	109	0.12	1.85
18	10	21	32	41	0	104	0.09	0.39
19	7	19	29	56	0	111	0.1	1.2
20	5	19	28	54	0	106	0.09	0.37

¹intraresidue restraints, ²iequential restraints, ³iedium range restraints, ⁴long range restraints,
⁵inter chain restraints

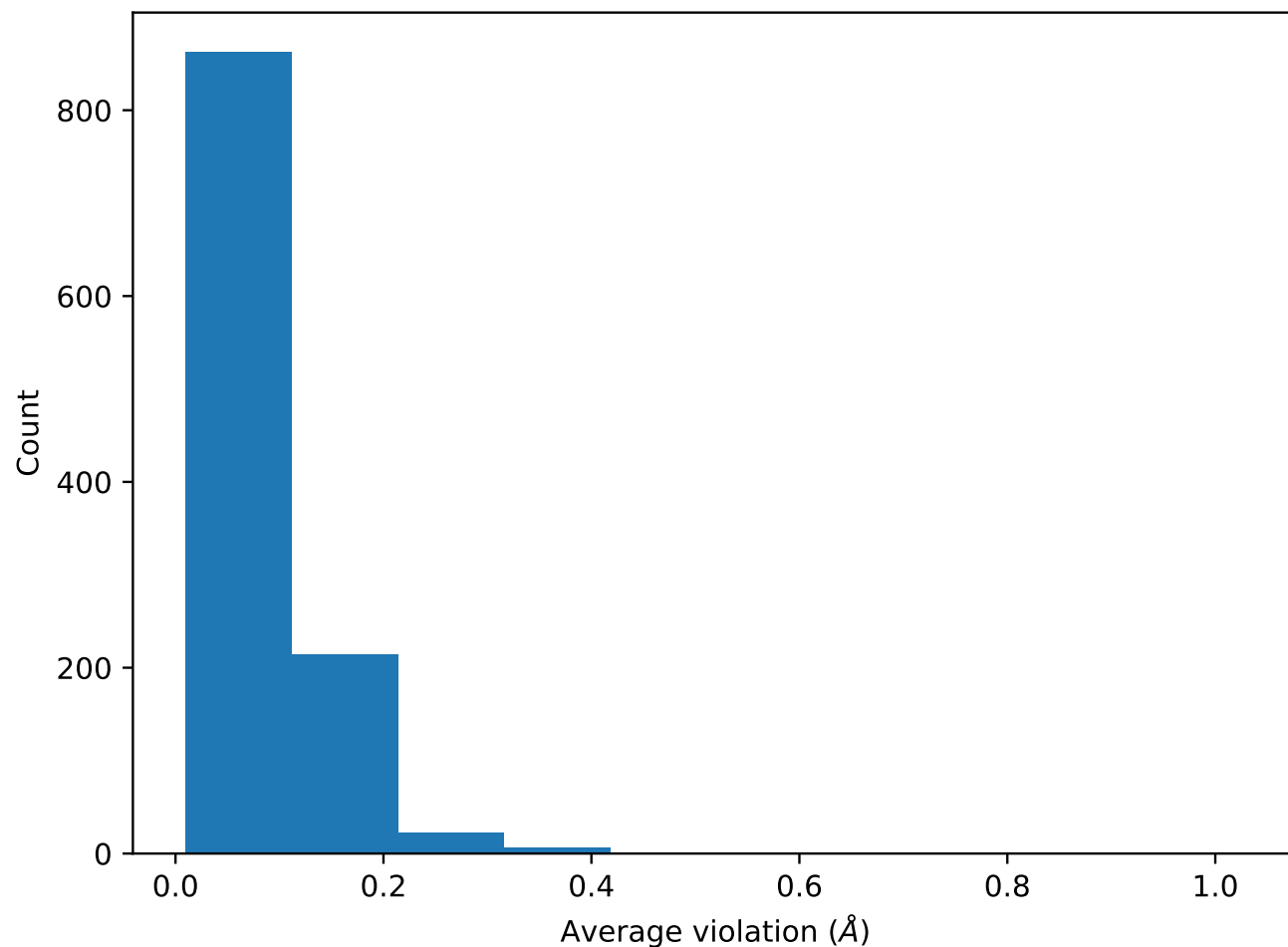
8.6.1 Bar graph : Violations in each model



8.7 Most violated distance restraints

8.7.1 Histogram : Distribution of mean distance violations

The following histogram shows the distribution of average violations of each restraint.



8.7.2 Table: Most violated distance restraints

The following table lists the average violation of each restraint sorted by number of violated models

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,266)	1:A:19:VAL:H	1:A:21:GLN:H	20	0.11	0.18
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD11	20	0.13	0.23
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD12	20	0.13	0.23
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD13	20	0.13	0.23
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG11	19	0.15	0.25
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG12	19	0.15	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG13	19	0.15	0.25
(1,571)	1:A:140:LEU:HD11	1:A:141:PHE:H	19	0.08	0.22
(1,571)	1:A:140:LEU:HD12	1:A:141:PHE:H	19	0.08	0.22
(1,571)	1:A:140:LEU:HD13	1:A:141:PHE:H	19	0.08	0.22
(1,505)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:76:GLU:H	19	0.08	0.21
(1,505)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:76:GLU:H	19	0.08	0.21
(1,505)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:76:GLU:H	19	0.08	0.21
(1,493)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:52:PHE:H	19	0.15	0.32
(1,493)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:52:PHE:H	19	0.15	0.32
(1,493)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:52:PHE:H	19	0.15	0.32
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD11	19	0.08	0.18
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD12	19	0.08	0.18
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD13	19	0.08	0.18
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD21	19	0.06	0.1
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD22	19	0.06	0.1
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD23	19	0.06	0.1
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD21	19	0.19	0.29
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD22	19	0.19	0.29
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD23	19	0.19	0.29
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD21	19	0.19	0.29
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD22	19	0.19	0.29
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD23	19	0.19	0.29
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD21	19	0.19	0.29
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD22	19	0.19	0.29
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD23	19	0.19	0.29
(1,247)	1:A:121:LEU:HD11	1:A:122:ARG:H	19	0.14	0.28
(1,247)	1:A:121:LEU:HD12	1:A:122:ARG:H	19	0.14	0.28
(1,247)	1:A:121:LEU:HD13	1:A:122:ARG:H	19	0.14	0.28
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD21	19	0.14	0.24
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD22	19	0.14	0.24
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD23	19	0.14	0.24
(1,458)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:10:LYS:H	18	0.07	0.13
(1,458)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:10:LYS:H	18	0.07	0.13
(1,458)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:10:LYS:H	18	0.07	0.13
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD21	18	0.18	0.37
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD22	18	0.18	0.37
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD23	18	0.18	0.37
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD11	18	0.12	0.24
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD12	18	0.12	0.24
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD13	18	0.12	0.24
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD11	18	0.12	0.24
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD12	18	0.12	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD13	18	0.12	0.24
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD11	18	0.12	0.24
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD12	18	0.12	0.24
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD13	18	0.12	0.24
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD11	18	0.16	0.31
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD12	18	0.16	0.31
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD13	18	0.16	0.31
(1,192)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:117:ASN:H	18	0.13	0.22
(1,192)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:117:ASN:H	18	0.13	0.22
(1,192)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:117:ASN:H	18	0.13	0.22
(1,131)	1:A:17:TYR:H	1:A:19:VAL:H	18	0.12	0.23
(1,468)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:23:ASN:H	17	0.12	0.27
(1,468)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:23:ASN:H	17	0.12	0.27
(1,468)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:23:ASN:H	17	0.12	0.27
(1,451)	1:A:75:VAL:HG11	1:A:91:ARG:H	17	0.13	0.37
(1,451)	1:A:75:VAL:HG12	1:A:91:ARG:H	17	0.13	0.37
(1,451)	1:A:75:VAL:HG13	1:A:91:ARG:H	17	0.13	0.37
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD11	17	0.23	0.58
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD12	17	0.23	0.58
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD13	17	0.23	0.58
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD11	17	0.23	0.58
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD12	17	0.23	0.58
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD13	17	0.23	0.58
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD11	17	0.23	0.58
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD12	17	0.23	0.58
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD13	17	0.23	0.58
(1,267)	1:A:21:GLN:H	1:A:24:GLY:H	17	0.08	0.16
(1,84)	1:A:10:LYS:H	1:A:12:LEU:H	16	0.14	0.25
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD21	16	0.16	0.29
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD22	16	0.16	0.29
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD23	16	0.16	0.29
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD21	16	0.16	0.29
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD22	16	0.16	0.29
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD23	16	0.16	0.29
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD21	16	0.16	0.29
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD22	16	0.16	0.29
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD23	16	0.16	0.29
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG21	16	0.12	0.35
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG22	16	0.12	0.35
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG23	16	0.12	0.35
(1,445)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:113:ARG:H	16	0.1	0.22
(1,445)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:113:ARG:H	16	0.1	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,445)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:113:ARG:H	16	0.1	0.22
(1,329)	1:A:79:LEU:H	1:A:89:GLU:H	16	0.12	0.22
(1,299)	1:A:15:MET:H	1:A:18:GLU:H	16	0.09	0.24
(1,298)	1:A:14:ARG:H	1:A:17:TYR:H	16	0.11	0.19
(1,8)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:42:TYR:H	15	0.1	0.28
(1,8)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:42:TYR:H	15	0.1	0.28
(1,8)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:42:TYR:H	15	0.1	0.28
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD11	15	0.13	0.31
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD12	15	0.13	0.31
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD13	15	0.13	0.31
(1,609)	1:A:102:VAL:H	1:A:88:THR:H	15	0.11	0.28
(1,57)	1:A:112:LEU:HD11	1:A:113:ARG:H	15	0.09	0.16
(1,57)	1:A:112:LEU:HD12	1:A:113:ARG:H	15	0.09	0.16
(1,57)	1:A:112:LEU:HD13	1:A:113:ARG:H	15	0.09	0.16
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD11	15	0.05	0.12
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD12	15	0.05	0.12
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD13	15	0.05	0.12
(1,115)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:H	15	0.09	0.22
(1,610)	1:A:115:CYS:H	1:A:101:HIS:H	14	0.11	0.26
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD21	14	0.11	0.29
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD22	14	0.11	0.29
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD23	14	0.11	0.29
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG21	14	0.13	0.36
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG22	14	0.13	0.36
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG23	14	0.13	0.36
(1,536)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:102:VAL:H	14	0.08	0.19
(1,536)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:102:VAL:H	14	0.08	0.19
(1,536)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:102:VAL:H	14	0.08	0.19
(1,462)	1:A:45:ILE:HD11	1:A:46:VAL:H	14	0.07	0.14
(1,462)	1:A:45:ILE:HD12	1:A:46:VAL:H	14	0.07	0.14
(1,462)	1:A:45:ILE:HD13	1:A:46:VAL:H	14	0.07	0.14
(1,4)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:H	14	0.09	0.21
(1,4)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:H	14	0.09	0.21
(1,4)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:H	14	0.09	0.21
(1,24)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:134:TYR:H	14	0.14	0.25
(1,24)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:134:TYR:H	14	0.14	0.25
(1,24)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:134:TYR:H	14	0.14	0.25
(1,19)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:127:HIS:H	14	0.08	0.17
(1,19)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:127:HIS:H	14	0.08	0.17
(1,19)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:127:HIS:H	14	0.08	0.17
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG11	14	0.07	0.26
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG12	14	0.07	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG13	14	0.07	0.26
(1,63)	1:A:54:SER:HG	1:A:57:LYS:H	13	0.09	0.29
(1,512)	1:A:79:LEU:HD21	1:A:87:ARG:H	13	0.09	0.17
(1,512)	1:A:79:LEU:HD22	1:A:87:ARG:H	13	0.09	0.17
(1,512)	1:A:79:LEU:HD23	1:A:87:ARG:H	13	0.09	0.17
(1,375)	1:A:131:GLU:H	1:A:133:GLY:H	13	0.09	0.18
(1,147)	1:A:130:LYS:H	1:A:134:TYR:H	13	0.15	0.28
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD21	13	0.06	0.14
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD22	13	0.06	0.14
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD23	13	0.06	0.14
(1,488)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:51:LEU:H	12	0.06	0.14
(1,488)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:51:LEU:H	12	0.06	0.14
(1,488)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:51:LEU:H	12	0.06	0.14
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD11	12	0.07	0.19
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD12	12	0.07	0.19
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD13	12	0.07	0.19
(1,47)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:115:CYS:H	12	0.13	0.22
(1,47)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:115:CYS:H	12	0.13	0.22
(1,47)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:115:CYS:H	12	0.13	0.22
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG11	12	0.13	0.26
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG12	12	0.13	0.26
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG13	12	0.13	0.26
(1,431)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:103:PHE:H	12	0.11	0.21
(1,431)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:103:PHE:H	12	0.11	0.21
(1,431)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:103:PHE:H	12	0.11	0.21
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG21	12	0.06	0.17
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG22	12	0.06	0.17
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG23	12	0.06	0.17
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG21	12	0.06	0.17
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG22	12	0.06	0.17
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG23	12	0.06	0.17
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG21	12	0.06	0.17
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG22	12	0.06	0.17
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG23	12	0.06	0.17
(1,374)	1:A:132:GLU:H	1:A:134:TYR:H	12	0.1	0.22
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD11	12	0.15	0.29
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD12	12	0.15	0.29
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD13	12	0.15	0.29
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD11	12	0.15	0.29
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD12	12	0.15	0.29
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD13	12	0.15	0.29
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD11	12	0.15	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD12	12	0.15	0.29
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD13	12	0.15	0.29
(1,148)	1:A:44:ASP:H	1:A:122:ARG:H	12	0.07	0.21
(1,608)	1:A:100:GLY:H	1:A:90:VAL:H	11	0.09	0.2
(1,565)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:H	11	0.09	0.19
(1,565)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:H	11	0.09	0.19
(1,565)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:H	11	0.09	0.19
(1,564)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:137:TYR:H	11	0.07	0.13
(1,564)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:137:TYR:H	11	0.07	0.13
(1,564)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:137:TYR:H	11	0.07	0.13
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD21	11	0.08	0.16
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD22	11	0.08	0.16
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD23	11	0.08	0.16
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD21	11	0.15	0.33
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD22	11	0.15	0.33
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD23	11	0.15	0.33
(1,472)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:42:TYR:H	11	0.07	0.17
(1,472)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:42:TYR:H	11	0.07	0.17
(1,472)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:42:TYR:H	11	0.07	0.17
(1,469)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:24:GLY:H	11	0.1	0.19
(1,469)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:24:GLY:H	11	0.1	0.19
(1,469)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:24:GLY:H	11	0.1	0.19
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG21	11	0.07	0.23
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG22	11	0.07	0.23
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG23	11	0.07	0.23
(1,440)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:100:GLY:H	11	0.08	0.14
(1,440)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:100:GLY:H	11	0.08	0.14
(1,440)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:100:GLY:H	11	0.08	0.14
(1,438)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:120:ALA:H	11	0.1	0.21
(1,438)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:120:ALA:H	11	0.1	0.21
(1,438)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:120:ALA:H	11	0.1	0.21
(1,303)	1:A:18:GLU:H	1:A:20:THR:H	11	0.08	0.18
(1,219)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:74:GLU:H	11	0.12	0.26
(1,219)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:74:GLU:H	11	0.12	0.26
(1,219)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:74:GLU:H	11	0.12	0.26
(1,172)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:20:THR:H	11	0.04	0.13
(1,172)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:20:THR:H	11	0.04	0.13
(1,172)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:20:THR:H	11	0.04	0.13
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD21	11	0.06	0.13
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD22	11	0.06	0.13
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD23	11	0.06	0.13
(1,13)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:131:GLU:H	11	0.11	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,13)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:131:GLU:H	11	0.11	0.26
(1,13)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:131:GLU:H	11	0.11	0.26
(1,81)	1:A:47:SER:H	1:A:48:GLY:H	10	0.04	0.1
(1,443)	1:A:90:VAL:HG21	1:A:101:HIS:H	10	0.08	0.17
(1,443)	1:A:90:VAL:HG22	1:A:101:HIS:H	10	0.08	0.17
(1,443)	1:A:90:VAL:HG23	1:A:101:HIS:H	10	0.08	0.17
(1,435)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:26:GLU:H	10	0.1	0.2
(1,435)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:26:GLU:H	10	0.1	0.2
(1,435)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:26:GLU:H	10	0.1	0.2
(1,368)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:H	10	0.07	0.23
(1,361)	1:A:45:ILE:H	1:A:122:ARG:H	10	0.08	0.21
(1,176)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:45:ILE:HD11	10	0.11	0.27
(1,176)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:45:ILE:HD12	10	0.11	0.27
(1,176)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:45:ILE:HD13	10	0.11	0.27
(1,176)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:45:ILE:HD11	10	0.11	0.27
(1,176)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:45:ILE:HD12	10	0.11	0.27
(1,176)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:45:ILE:HD13	10	0.11	0.27
(1,176)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:45:ILE:HD11	10	0.11	0.27
(1,176)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:45:ILE:HD12	10	0.11	0.27
(1,176)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:45:ILE:HD13	10	0.11	0.27
(1,15)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG11	10	0.07	0.17
(1,15)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG12	10	0.07	0.17
(1,15)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG13	10	0.07	0.17
(1,139)	1:A:46:VAL:H	1:A:48:GLY:H	10	0.05	0.17
(1,83)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:H	9	0.08	0.17
(1,70)	1:A:16:GLN:HE21	1:A:46:VAL:H	9	0.1	0.19
(1,497)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:H	9	0.12	0.31
(1,497)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:H	9	0.12	0.31
(1,497)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:H	9	0.12	0.31
(1,44)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:48:GLY:H	9	0.06	0.1
(1,44)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:48:GLY:H	9	0.06	0.1
(1,44)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:48:GLY:H	9	0.06	0.1
(1,407)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:46:VAL:HG21	9	0.1	0.21
(1,407)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:46:VAL:HG22	9	0.1	0.21
(1,407)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:46:VAL:HG23	9	0.1	0.21
(1,407)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:46:VAL:HG21	9	0.1	0.21
(1,407)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:46:VAL:HG22	9	0.1	0.21
(1,407)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:46:VAL:HG23	9	0.1	0.21
(1,407)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:46:VAL:HG21	9	0.1	0.21
(1,407)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:46:VAL:HG22	9	0.1	0.21
(1,407)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:46:VAL:HG23	9	0.1	0.21
(1,337)	1:A:76:GLU:H	1:A:91:ARG:H	9	0.08	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,308)	1:A:30:GLN:H	1:A:34:TRP:HE1	9	0.06	0.15
(1,184)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:112:LEU:HD11	9	0.04	0.07
(1,184)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:112:LEU:HD12	9	0.04	0.07
(1,184)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:112:LEU:HD13	9	0.04	0.07
(1,184)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:112:LEU:HD11	9	0.04	0.07
(1,184)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:112:LEU:HD12	9	0.04	0.07
(1,184)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:112:LEU:HD13	9	0.04	0.07
(1,184)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:112:LEU:HD11	9	0.04	0.07
(1,184)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:112:LEU:HD12	9	0.04	0.07
(1,184)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:112:LEU:HD13	9	0.04	0.07
(1,161)	1:A:133:GLY:H	1:A:135:GLU:H	9	0.1	0.24
(1,60)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD11	8	0.08	0.14
(1,60)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD12	8	0.08	0.14
(1,60)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD13	8	0.08	0.14
(1,572)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:141:PHE:H	8	0.19	0.48
(1,572)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:141:PHE:H	8	0.19	0.48
(1,572)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:141:PHE:H	8	0.19	0.48
(1,549)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD21	8	0.12	0.22
(1,549)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD22	8	0.12	0.22
(1,549)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD23	8	0.12	0.22
(1,513)	1:A:79:LEU:HD11	1:A:87:ARG:H	8	0.11	0.27
(1,513)	1:A:79:LEU:HD12	1:A:87:ARG:H	8	0.11	0.27
(1,513)	1:A:79:LEU:HD13	1:A:87:ARG:H	8	0.11	0.27
(1,437)	1:A:46:VAL:HG11	1:A:48:GLY:H	8	0.05	0.13
(1,437)	1:A:46:VAL:HG12	1:A:48:GLY:H	8	0.05	0.13
(1,437)	1:A:46:VAL:HG13	1:A:48:GLY:H	8	0.05	0.13
(1,41)	1:A:45:ILE:H	1:A:46:VAL:HG21	8	0.06	0.11
(1,41)	1:A:45:ILE:H	1:A:46:VAL:HG22	8	0.06	0.11
(1,41)	1:A:45:ILE:H	1:A:46:VAL:HG23	8	0.06	0.11
(1,40)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:97:SER:H	8	0.19	0.37
(1,40)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:97:SER:H	8	0.19	0.37
(1,40)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:97:SER:H	8	0.19	0.37
(1,32)	1:A:103:PHE:H	1:A:112:LEU:HD21	8	0.05	0.15
(1,32)	1:A:103:PHE:H	1:A:112:LEU:HD22	8	0.05	0.15
(1,32)	1:A:103:PHE:H	1:A:112:LEU:HD23	8	0.05	0.15
(1,283)	1:A:131:GLU:H	1:A:134:TYR:H	8	0.13	0.21
(1,279)	1:A:26:GLU:H	1:A:64:TRP:HE1	8	0.08	0.17
(1,225)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:71:ILE:HD11	8	0.08	0.12
(1,225)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:71:ILE:HD12	8	0.08	0.12
(1,225)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:71:ILE:HD13	8	0.08	0.12
(1,225)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:71:ILE:HD11	8	0.08	0.12
(1,225)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:71:ILE:HD12	8	0.08	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,225)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:71:ILE:HD13	8	0.08	0.12
(1,225)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:71:ILE:HD11	8	0.08	0.12
(1,225)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:71:ILE:HD12	8	0.08	0.12
(1,225)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:71:ILE:HD13	8	0.08	0.12
(1,162)	1:A:92:SER:H	1:A:96:ASP:H	8	0.28	1.04
(1,16)	1:A:102:VAL:H	1:A:102:VAL:HG11	8	0.04	0.05
(1,16)	1:A:102:VAL:H	1:A:102:VAL:HG12	8	0.04	0.05
(1,16)	1:A:102:VAL:H	1:A:102:VAL:HG13	8	0.04	0.05
(1,127)	1:A:21:GLN:H	1:A:23:ASN:H	8	0.06	0.13
(1,99)	1:A:20:THR:H	1:A:23:ASN:H	7	0.07	0.11
(1,9)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:138:LEU:H	7	0.12	0.18
(1,9)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:138:LEU:H	7	0.12	0.18
(1,9)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:138:LEU:H	7	0.12	0.18
(1,89)	1:A:55:LYS:H	1:A:57:LYS:H	7	0.07	0.14
(1,581)	1:A:102:VAL:HG11	1:A:113:ARG:H	7	0.05	0.11
(1,581)	1:A:102:VAL:HG12	1:A:113:ARG:H	7	0.05	0.11
(1,581)	1:A:102:VAL:HG13	1:A:113:ARG:H	7	0.05	0.11
(1,544)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:120:ALA:H	7	0.1	0.15
(1,544)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:120:ALA:H	7	0.1	0.15
(1,544)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:120:ALA:H	7	0.1	0.15
(1,517)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:HG21	7	0.08	0.11
(1,517)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:HG22	7	0.08	0.11
(1,517)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:HG23	7	0.08	0.11
(1,503)	1:A:76:GLU:H	1:A:99:LEU:HD21	7	0.08	0.23
(1,503)	1:A:76:GLU:H	1:A:99:LEU:HD22	7	0.08	0.23
(1,503)	1:A:76:GLU:H	1:A:99:LEU:HD23	7	0.08	0.23
(1,464)	1:A:16:GLN:H	1:A:46:VAL:HG11	7	0.11	0.22
(1,464)	1:A:16:GLN:H	1:A:46:VAL:HG12	7	0.11	0.22
(1,464)	1:A:16:GLN:H	1:A:46:VAL:HG13	7	0.11	0.22
(1,456)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:HD21	7	0.05	0.15
(1,456)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:HD22	7	0.05	0.15
(1,456)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:HD23	7	0.05	0.15
(1,455)	1:A:8:LYS:H	1:A:9:ILE:HD11	7	0.06	0.13
(1,455)	1:A:8:LYS:H	1:A:9:ILE:HD12	7	0.06	0.13
(1,455)	1:A:8:LYS:H	1:A:9:ILE:HD13	7	0.06	0.13
(1,454)	1:A:134:TYR:H	1:A:138:LEU:HD21	7	0.17	0.32
(1,454)	1:A:134:TYR:H	1:A:138:LEU:HD22	7	0.17	0.32
(1,454)	1:A:134:TYR:H	1:A:138:LEU:HD23	7	0.17	0.32
(1,393)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:46:VAL:HG11	7	0.14	0.26
(1,393)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:46:VAL:HG12	7	0.14	0.26
(1,393)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:46:VAL:HG13	7	0.14	0.26
(1,393)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:46:VAL:HG11	7	0.14	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,393)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:46:VAL:HG12	7	0.14	0.26
(1,393)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:46:VAL:HG13	7	0.14	0.26
(1,393)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:46:VAL:HG11	7	0.14	0.26
(1,393)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:46:VAL:HG12	7	0.14	0.26
(1,393)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:46:VAL:HG13	7	0.14	0.26
(1,384)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:99:LEU:HD21	7	0.12	0.29
(1,384)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:99:LEU:HD22	7	0.12	0.29
(1,384)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:99:LEU:HD23	7	0.12	0.29
(1,384)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:99:LEU:HD21	7	0.12	0.29
(1,384)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:99:LEU:HD22	7	0.12	0.29
(1,384)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:99:LEU:HD23	7	0.12	0.29
(1,384)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:99:LEU:HD21	7	0.12	0.29
(1,384)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:99:LEU:HD22	7	0.12	0.29
(1,384)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:99:LEU:HD23	7	0.12	0.29
(1,331)	1:A:80:ASP:H	1:A:88:THR:H	7	0.04	0.07
(1,31)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:49:LYS:H	7	0.06	0.11
(1,31)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:49:LYS:H	7	0.06	0.11
(1,31)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:49:LYS:H	7	0.06	0.11
(1,285)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:H	7	0.05	0.12
(1,25)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:123:PHE:H	7	0.11	0.22
(1,25)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:123:PHE:H	7	0.11	0.22
(1,25)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:123:PHE:H	7	0.11	0.22
(1,21)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD11	7	0.04	0.08
(1,21)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD12	7	0.04	0.08
(1,21)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD13	7	0.04	0.08
(1,163)	1:A:15:MET:H	1:A:17:TYR:H	7	0.05	0.08
(1,146)	1:A:130:LYS:H	1:A:132:GLU:H	7	0.06	0.12
(1,119)	1:A:88:THR:H	1:A:102:VAL:H	7	0.07	0.17
(1,78)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:H	6	0.06	0.13
(1,7)	1:A:41:LEU:H	1:A:41:LEU:HD11	6	0.04	0.07
(1,7)	1:A:41:LEU:H	1:A:41:LEU:HD12	6	0.04	0.07
(1,7)	1:A:41:LEU:H	1:A:41:LEU:HD13	6	0.04	0.07
(1,68)	1:A:34:TRP:H	1:A:36:HIS:H	6	0.12	0.19
(1,561)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:134:TYR:H	6	0.08	0.17
(1,561)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:134:TYR:H	6	0.08	0.17
(1,561)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:134:TYR:H	6	0.08	0.17
(1,558)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:132:GLU:H	6	0.1	0.25
(1,558)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:132:GLU:H	6	0.1	0.25
(1,558)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:132:GLU:H	6	0.1	0.25
(1,556)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD11	6	0.06	0.14
(1,556)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD12	6	0.06	0.14
(1,556)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD13	6	0.06	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,551)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD11	6	0.08	0.12
(1,551)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD12	6	0.08	0.12
(1,551)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD13	6	0.08	0.12
(1,548)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD11	6	0.11	0.21
(1,548)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD12	6	0.11	0.21
(1,548)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD13	6	0.11	0.21
(1,499)	1:A:71:ILE:H	1:A:71:ILE:HD11	6	0.06	0.09
(1,499)	1:A:71:ILE:H	1:A:71:ILE:HD12	6	0.06	0.09
(1,499)	1:A:71:ILE:H	1:A:71:ILE:HD13	6	0.06	0.09
(1,491)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:52:PHE:H	6	0.06	0.1
(1,491)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:52:PHE:H	6	0.06	0.1
(1,491)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:52:PHE:H	6	0.06	0.1
(1,483)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:49:LYS:H	6	0.13	0.24
(1,483)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:49:LYS:H	6	0.13	0.24
(1,483)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:49:LYS:H	6	0.13	0.24
(1,430)	1:A:46:VAL:HG11	1:A:47:SER:H	6	0.06	0.14
(1,430)	1:A:46:VAL:HG12	1:A:47:SER:H	6	0.06	0.14
(1,430)	1:A:46:VAL:HG13	1:A:47:SER:H	6	0.06	0.14
(1,416)	1:A:86:ILE:H	1:A:86:ILE:HD11	6	0.12	0.19
(1,416)	1:A:86:ILE:H	1:A:86:ILE:HD12	6	0.12	0.19
(1,416)	1:A:86:ILE:H	1:A:86:ILE:HD13	6	0.12	0.19
(1,37)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:13:ASN:HD21	6	0.14	0.27
(1,37)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:13:ASN:HD21	6	0.14	0.27
(1,37)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:13:ASN:HD21	6	0.14	0.27
(1,366)	1:A:41:LEU:H	1:A:126:LYS:H	6	0.1	0.14
(1,355)	1:A:67:PHE:H	1:A:114:TYR:H	6	0.07	0.16
(1,33)	1:A:92:SER:H	1:A:99:LEU:HD11	6	0.39	1.2
(1,33)	1:A:92:SER:H	1:A:99:LEU:HD12	6	0.39	1.2
(1,33)	1:A:92:SER:H	1:A:99:LEU:HD13	6	0.39	1.2
(1,327)	1:A:78:LYS:H	1:A:89:GLU:H	6	0.06	0.1
(1,312)	1:A:41:LEU:H	1:A:124:VAL:H	6	0.06	0.12
(1,307)	1:A:32:GLU:H	1:A:34:TRP:H	6	0.09	0.24
(1,30)	1:A:106:GLY:H	1:A:112:LEU:HD21	6	0.06	0.11
(1,30)	1:A:106:GLY:H	1:A:112:LEU:HD22	6	0.06	0.11
(1,30)	1:A:106:GLY:H	1:A:112:LEU:HD23	6	0.06	0.11
(1,235)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:13:ASN:HD21	6	0.11	0.36
(1,235)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:13:ASN:HD21	6	0.11	0.36
(1,235)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:13:ASN:HD21	6	0.11	0.36
(1,211)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:138:LEU:HD11	6	0.09	0.23
(1,211)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:138:LEU:HD12	6	0.09	0.23
(1,211)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:138:LEU:HD13	6	0.09	0.23
(1,211)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:138:LEU:HD11	6	0.09	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,211)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:138:LEU:HD12	6	0.09	0.23
(1,211)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:138:LEU:HD13	6	0.09	0.23
(1,211)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:138:LEU:HD11	6	0.09	0.23
(1,211)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:138:LEU:HD12	6	0.09	0.23
(1,211)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:138:LEU:HD13	6	0.09	0.23
(1,201)	1:A:88:THR:H	1:A:102:VAL:HG11	6	0.08	0.19
(1,201)	1:A:88:THR:H	1:A:102:VAL:HG12	6	0.08	0.19
(1,201)	1:A:88:THR:H	1:A:102:VAL:HG13	6	0.08	0.19
(1,194)	1:A:42:TYR:H	1:A:43:VAL:HG11	6	0.06	0.11
(1,194)	1:A:42:TYR:H	1:A:43:VAL:HG12	6	0.06	0.11
(1,194)	1:A:42:TYR:H	1:A:43:VAL:HG13	6	0.06	0.11
(1,160)	1:A:54:SER:H	1:A:56:ASP:H	6	0.06	0.13
(1,111)	1:A:92:SER:H	1:A:97:SER:H	6	1.03	1.85
(1,106)	1:A:105:ASP:H	1:A:113:ARG:H	6	0.09	0.2
(1,98)	1:A:31:ASN:H	1:A:34:TRP:H	5	0.15	0.3
(1,64)	1:A:47:SER:HG	1:A:49:LYS:H	5	0.04	0.07
(1,59)	1:A:132:GLU:H	1:A:138:LEU:HD11	5	0.06	0.11
(1,59)	1:A:132:GLU:H	1:A:138:LEU:HD12	5	0.06	0.11
(1,59)	1:A:132:GLU:H	1:A:138:LEU:HD13	5	0.06	0.11
(1,584)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD11	5	0.08	0.11
(1,584)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD12	5	0.08	0.11
(1,584)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD13	5	0.08	0.11
(1,577)	1:A:111:GLY:H	1:A:112:LEU:HD21	5	0.07	0.12
(1,577)	1:A:111:GLY:H	1:A:112:LEU:HD22	5	0.07	0.12
(1,577)	1:A:111:GLY:H	1:A:112:LEU:HD23	5	0.07	0.12
(1,507)	1:A:75:VAL:HG11	1:A:77:GLU:H	5	0.07	0.18
(1,507)	1:A:75:VAL:HG12	1:A:77:GLU:H	5	0.07	0.18
(1,507)	1:A:75:VAL:HG13	1:A:77:GLU:H	5	0.07	0.18
(1,501)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG21	5	0.05	0.09
(1,501)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG22	5	0.05	0.09
(1,501)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG23	5	0.05	0.09
(1,496)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:54:SER:H	5	0.05	0.08
(1,496)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:54:SER:H	5	0.05	0.08
(1,496)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:54:SER:H	5	0.05	0.08
(1,448)	1:A:79:LEU:HD11	1:A:89:GLU:H	5	0.05	0.07
(1,448)	1:A:79:LEU:HD12	1:A:89:GLU:H	5	0.05	0.07
(1,448)	1:A:79:LEU:HD13	1:A:89:GLU:H	5	0.05	0.07
(1,447)	1:A:41:LEU:H	1:A:124:VAL:HG21	5	0.06	0.09
(1,447)	1:A:41:LEU:H	1:A:124:VAL:HG22	5	0.06	0.09
(1,447)	1:A:41:LEU:H	1:A:124:VAL:HG23	5	0.06	0.09
(1,420)	1:A:19:VAL:H	1:A:19:VAL:HG11	5	0.02	0.04
(1,420)	1:A:19:VAL:H	1:A:19:VAL:HG12	5	0.02	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,420)	1:A:19:VAL:H	1:A:19:VAL:HG13	5	0.02	0.04
(1,39)	1:A:140:LEU:H	1:A:140:LEU:HD11	5	0.04	0.08
(1,39)	1:A:140:LEU:H	1:A:140:LEU:HD12	5	0.04	0.08
(1,39)	1:A:140:LEU:H	1:A:140:LEU:HD13	5	0.04	0.08
(1,379)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:H	5	0.07	0.17
(1,357)	1:A:119:ALA:H	1:A:121:LEU:H	5	0.03	0.06
(1,351)	1:A:108:GLY:H	1:A:112:LEU:H	5	0.06	0.07
(1,341)	1:A:99:LEU:H	1:A:100:GLY:H	5	0.03	0.07
(1,339)	1:A:92:SER:H	1:A:98:HIS:H	5	0.15	0.29
(1,332)	1:A:85:MET:H	1:A:86:ILE:H	5	0.06	0.1
(1,305)	1:A:25:THR:H	1:A:26:GLU:H	5	0.04	0.07
(1,281)	1:A:110:ASN:HD22	1:A:112:LEU:H	5	0.1	0.2
(1,274)	1:A:80:ASP:H	1:A:89:GLU:H	5	0.07	0.09
(1,244)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:130:LYS:H	5	0.03	0.05
(1,244)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:130:LYS:H	5	0.03	0.05
(1,244)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:130:LYS:H	5	0.03	0.05
(1,22)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:137:TYR:H	5	0.05	0.11
(1,22)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:137:TYR:H	5	0.05	0.11
(1,22)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:137:TYR:H	5	0.05	0.11
(1,212)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:129:LEU:HD11	5	0.07	0.1
(1,212)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:129:LEU:HD12	5	0.07	0.1
(1,212)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:129:LEU:HD13	5	0.07	0.1
(1,212)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:129:LEU:HD11	5	0.07	0.1
(1,212)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:129:LEU:HD12	5	0.07	0.1
(1,212)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:129:LEU:HD13	5	0.07	0.1
(1,212)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:129:LEU:HD11	5	0.07	0.1
(1,212)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:129:LEU:HD12	5	0.07	0.1
(1,212)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:129:LEU:HD13	5	0.07	0.1
(1,145)	1:A:128:LYS:H	1:A:130:LYS:H	5	0.06	0.18
(1,132)	1:A:16:GLN:H	1:A:19:VAL:H	5	0.07	0.14
(1,114)	1:A:29:PHE:H	1:A:31:ASN:H	5	0.11	0.28
(1,104)	1:A:73:GLU:H	1:A:75:VAL:H	5	0.02	0.04
(1,87)	1:A:31:ASN:H	1:A:34:TRP:HE1	4	0.06	0.15
(1,65)	1:A:118:SER:HG	1:A:119:ALA:H	4	0.04	0.09
(1,614)	1:A:86:ILE:HD11	1:A:80:ASP:H	4	0.04	0.08
(1,614)	1:A:86:ILE:HD12	1:A:80:ASP:H	4	0.04	0.08
(1,614)	1:A:86:ILE:HD13	1:A:80:ASP:H	4	0.04	0.08
(1,601)	1:A:142:ASN:HD21	1:A:144:LEU:HD11	4	0.09	0.19
(1,601)	1:A:142:ASN:HD21	1:A:144:LEU:HD12	4	0.09	0.19
(1,601)	1:A:142:ASN:HD21	1:A:144:LEU:HD13	4	0.09	0.19
(1,601)	1:A:142:ASN:HD21	1:A:144:LEU:HD21	4	0.09	0.19
(1,601)	1:A:142:ASN:HD21	1:A:144:LEU:HD22	4	0.09	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,601)	1:A:142:ASN:HD21	1:A:144:LEU:HD23	4	0.09	0.19
(1,601)	1:A:142:ASN:HD22	1:A:144:LEU:HD11	4	0.09	0.19
(1,601)	1:A:142:ASN:HD22	1:A:144:LEU:HD12	4	0.09	0.19
(1,601)	1:A:142:ASN:HD22	1:A:144:LEU:HD13	4	0.09	0.19
(1,601)	1:A:142:ASN:HD22	1:A:144:LEU:HD21	4	0.09	0.19
(1,601)	1:A:142:ASN:HD22	1:A:144:LEU:HD22	4	0.09	0.19
(1,601)	1:A:142:ASN:HD22	1:A:144:LEU:HD23	4	0.09	0.19
(1,595)	1:A:104:ASN:HD21	1:A:112:LEU:HD11	4	0.05	0.07
(1,595)	1:A:104:ASN:HD21	1:A:112:LEU:HD12	4	0.05	0.07
(1,595)	1:A:104:ASN:HD21	1:A:112:LEU:HD13	4	0.05	0.07
(1,595)	1:A:104:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD11	4	0.05	0.07
(1,595)	1:A:104:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD12	4	0.05	0.07
(1,595)	1:A:104:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD13	4	0.05	0.07
(1,588)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:22:ASN:H	4	0.11	0.19
(1,588)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:22:ASN:H	4	0.11	0.19
(1,588)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:22:ASN:H	4	0.11	0.19
(1,583)	1:A:90:VAL:H	1:A:102:VAL:HG21	4	0.07	0.16
(1,583)	1:A:90:VAL:H	1:A:102:VAL:HG22	4	0.07	0.16
(1,583)	1:A:90:VAL:H	1:A:102:VAL:HG23	4	0.07	0.16
(1,552)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD21	4	0.03	0.07
(1,552)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD22	4	0.03	0.07
(1,552)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD23	4	0.03	0.07
(1,534)	1:A:101:HIS:H	1:A:102:VAL:HG11	4	0.06	0.09
(1,534)	1:A:101:HIS:H	1:A:102:VAL:HG12	4	0.06	0.09
(1,534)	1:A:101:HIS:H	1:A:102:VAL:HG13	4	0.06	0.09
(1,500)	1:A:73:GLU:H	1:A:75:VAL:HG21	4	0.02	0.03
(1,500)	1:A:73:GLU:H	1:A:75:VAL:HG22	4	0.02	0.03
(1,500)	1:A:73:GLU:H	1:A:75:VAL:HG23	4	0.02	0.03
(1,50)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:64:TRP:HE1	4	0.04	0.08
(1,50)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:64:TRP:HE1	4	0.04	0.08
(1,50)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:64:TRP:HE1	4	0.04	0.08
(1,49)	1:A:78:LYS:H	1:A:90:VAL:HG11	4	0.06	0.11
(1,49)	1:A:78:LYS:H	1:A:90:VAL:HG12	4	0.06	0.11
(1,49)	1:A:78:LYS:H	1:A:90:VAL:HG13	4	0.06	0.11
(1,48)	1:A:79:LEU:HD11	1:A:88:THR:H	4	0.08	0.17
(1,48)	1:A:79:LEU:HD12	1:A:88:THR:H	4	0.08	0.17
(1,48)	1:A:79:LEU:HD13	1:A:88:THR:H	4	0.08	0.17
(1,442)	1:A:71:ILE:H	1:A:75:VAL:HG11	4	0.06	0.14
(1,442)	1:A:71:ILE:H	1:A:75:VAL:HG12	4	0.06	0.14
(1,442)	1:A:71:ILE:H	1:A:75:VAL:HG13	4	0.06	0.14
(1,421)	1:A:43:VAL:H	1:A:43:VAL:HG11	4	0.03	0.05
(1,421)	1:A:43:VAL:H	1:A:43:VAL:HG12	4	0.03	0.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,421)	1:A:43:VAL:H	1:A:43:VAL:HG13	4	0.03	0.05
(1,414)	1:A:12:LEU:H	1:A:12:LEU:HD21	4	0.03	0.06
(1,414)	1:A:12:LEU:H	1:A:12:LEU:HD22	4	0.03	0.06
(1,414)	1:A:12:LEU:H	1:A:12:LEU:HD23	4	0.03	0.06
(1,377)	1:A:134:TYR:H	1:A:135:GLU:H	4	0.14	0.31
(1,365)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:H	4	0.03	0.06
(1,353)	1:A:104:ASN:H	1:A:106:GLY:H	4	0.14	0.3
(1,345)	1:A:103:PHE:H	1:A:105:ASP:H	4	0.09	0.13
(1,322)	1:A:54:SER:H	1:A:57:LYS:H	4	0.09	0.15
(1,284)	1:A:6:GLU:H	1:A:8:LYS:H	4	0.1	0.24
(1,269)	1:A:22:ASN:HD22	1:A:24:GLY:H	4	0.04	0.04
(1,207)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:124:VAL:HG11	4	0.03	0.04
(1,207)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:124:VAL:HG12	4	0.03	0.04
(1,207)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:124:VAL:HG13	4	0.03	0.04
(1,207)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:124:VAL:HG11	4	0.03	0.04
(1,207)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:124:VAL:HG12	4	0.03	0.04
(1,207)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:124:VAL:HG13	4	0.03	0.04
(1,207)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:124:VAL:HG11	4	0.03	0.04
(1,207)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:124:VAL:HG12	4	0.03	0.04
(1,207)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:124:VAL:HG13	4	0.03	0.04
(1,2)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:114:TYR:H	4	0.08	0.12
(1,2)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:114:TYR:H	4	0.08	0.12
(1,2)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:114:TYR:H	4	0.08	0.12
(1,180)	1:A:90:VAL:HG21	1:A:91:ARG:H	4	0.03	0.05
(1,180)	1:A:90:VAL:HG22	1:A:91:ARG:H	4	0.03	0.05
(1,180)	1:A:90:VAL:HG23	1:A:91:ARG:H	4	0.03	0.05
(1,18)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:128:LYS:H	4	0.03	0.06
(1,18)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:128:LYS:H	4	0.03	0.06
(1,18)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:128:LYS:H	4	0.03	0.06
(1,158)	1:A:77:GLU:H	1:A:78:LYS:H	4	0.02	0.04
(1,150)	1:A:81:THR:H	1:A:82:SER:H	4	0.03	0.05
(1,102)	1:A:52:PHE:H	1:A:71:ILE:H	4	0.05	0.09
(1,93)	1:A:8:LYS:H	1:A:10:LYS:H	3	0.11	0.16
(1,79)	1:A:45:ILE:H	1:A:47:SER:H	3	0.06	0.08
(1,580)	1:A:112:LEU:HD21	1:A:113:ARG:H	3	0.11	0.19
(1,580)	1:A:112:LEU:HD22	1:A:113:ARG:H	3	0.11	0.19
(1,580)	1:A:112:LEU:HD23	1:A:113:ARG:H	3	0.11	0.19
(1,570)	1:A:140:LEU:H	1:A:140:LEU:HD21	3	0.04	0.06
(1,570)	1:A:140:LEU:H	1:A:140:LEU:HD22	3	0.04	0.06
(1,570)	1:A:140:LEU:H	1:A:140:LEU:HD23	3	0.04	0.06
(1,56)	1:A:110:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD11	3	0.36	1.04
(1,56)	1:A:110:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD12	3	0.36	1.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,56)	1:A:110:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD13	3	0.36	1.04
(1,559)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:132:GLU:H	3	0.06	0.12
(1,559)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:132:GLU:H	3	0.06	0.12
(1,559)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:132:GLU:H	3	0.06	0.12
(1,557)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:131:GLU:H	3	0.07	0.11
(1,557)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:131:GLU:H	3	0.07	0.11
(1,557)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:131:GLU:H	3	0.07	0.11
(1,555)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD11	3	0.1	0.12
(1,555)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD12	3	0.1	0.12
(1,555)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD13	3	0.1	0.12
(1,535)	1:A:101:HIS:H	1:A:116:ILE:HD11	3	0.05	0.07
(1,535)	1:A:101:HIS:H	1:A:116:ILE:HD12	3	0.05	0.07
(1,535)	1:A:101:HIS:H	1:A:116:ILE:HD13	3	0.05	0.07
(1,528)	1:A:105:ASP:H	1:A:112:LEU:HD21	3	0.05	0.07
(1,528)	1:A:105:ASP:H	1:A:112:LEU:HD22	3	0.05	0.07
(1,528)	1:A:105:ASP:H	1:A:112:LEU:HD23	3	0.05	0.07
(1,526)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:98:HIS:H	3	0.11	0.15
(1,526)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:98:HIS:H	3	0.11	0.15
(1,526)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:98:HIS:H	3	0.11	0.15
(1,525)	1:A:98:HIS:H	1:A:99:LEU:HD21	3	0.11	0.17
(1,525)	1:A:98:HIS:H	1:A:99:LEU:HD22	3	0.11	0.17
(1,525)	1:A:98:HIS:H	1:A:99:LEU:HD23	3	0.11	0.17
(1,520)	1:A:90:VAL:H	1:A:90:VAL:HG11	3	0.04	0.07
(1,520)	1:A:90:VAL:H	1:A:90:VAL:HG12	3	0.04	0.07
(1,520)	1:A:90:VAL:H	1:A:90:VAL:HG13	3	0.04	0.07
(1,511)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:122:ARG:H	3	0.03	0.05
(1,511)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:122:ARG:H	3	0.03	0.05
(1,511)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:122:ARG:H	3	0.03	0.05
(1,463)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:16:GLN:H	3	0.04	0.07
(1,463)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:16:GLN:H	3	0.04	0.07
(1,463)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:16:GLN:H	3	0.04	0.07
(1,42)	1:A:15:MET:H	1:A:19:VAL:HG21	3	0.07	0.11
(1,42)	1:A:15:MET:H	1:A:19:VAL:HG22	3	0.07	0.11
(1,42)	1:A:15:MET:H	1:A:19:VAL:HG23	3	0.07	0.11
(1,412)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:138:LEU:HD21	3	0.02	0.02
(1,412)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:138:LEU:HD22	3	0.02	0.02
(1,412)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:138:LEU:HD23	3	0.02	0.02
(1,412)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:138:LEU:HD21	3	0.02	0.02
(1,412)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:138:LEU:HD22	3	0.02	0.02
(1,412)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:138:LEU:HD23	3	0.02	0.02
(1,412)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:138:LEU:HD21	3	0.02	0.02
(1,412)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:138:LEU:HD22	3	0.02	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,412)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:138:LEU:HD23	3	0.02	0.02
(1,399)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:129:LEU:HD21	3	0.09	0.13
(1,399)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:129:LEU:HD22	3	0.09	0.13
(1,399)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:129:LEU:HD23	3	0.09	0.13
(1,399)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:129:LEU:HD21	3	0.09	0.13
(1,399)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:129:LEU:HD22	3	0.09	0.13
(1,399)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:129:LEU:HD23	3	0.09	0.13
(1,399)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:129:LEU:HD21	3	0.09	0.13
(1,399)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:129:LEU:HD22	3	0.09	0.13
(1,399)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:129:LEU:HD23	3	0.09	0.13
(1,381)	1:A:140:LEU:H	1:A:142:ASN:H	3	0.04	0.08
(1,38)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:13:ASN:HD22	3	0.05	0.1
(1,38)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:13:ASN:HD22	3	0.05	0.1
(1,38)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:13:ASN:HD22	3	0.05	0.1
(1,370)	1:A:129:LEU:H	1:A:130:LYS:H	3	0.04	0.05
(1,336)	1:A:90:VAL:H	1:A:101:HIS:H	3	0.09	0.12
(1,334)	1:A:89:GLU:H	1:A:90:VAL:H	3	0.02	0.02
(1,318)	1:A:44:ASP:H	1:A:48:GLY:H	3	0.06	0.08
(1,309)	1:A:33:TYR:H	1:A:36:HIS:H	3	0.17	0.3
(1,29)	1:A:78:LYS:H	1:A:90:VAL:HG21	3	0.03	0.04
(1,29)	1:A:78:LYS:H	1:A:90:VAL:HG22	3	0.03	0.04
(1,29)	1:A:78:LYS:H	1:A:90:VAL:HG23	3	0.03	0.04
(1,250)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:25:THR:H	3	0.07	0.16
(1,250)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:25:THR:H	3	0.07	0.16
(1,250)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:25:THR:H	3	0.07	0.16
(1,236)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:140:LEU:HD11	3	0.02	0.03
(1,236)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:140:LEU:HD12	3	0.02	0.03
(1,236)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:140:LEU:HD13	3	0.02	0.03
(1,236)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:140:LEU:HD11	3	0.02	0.03
(1,236)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:140:LEU:HD12	3	0.02	0.03
(1,236)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:140:LEU:HD13	3	0.02	0.03
(1,236)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:140:LEU:HD11	3	0.02	0.03
(1,236)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:140:LEU:HD12	3	0.02	0.03
(1,236)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:140:LEU:HD13	3	0.02	0.03
(1,222)	1:A:71:ILE:HD11	1:A:140:LEU:HD21	3	0.17	0.24
(1,222)	1:A:71:ILE:HD11	1:A:140:LEU:HD22	3	0.17	0.24
(1,222)	1:A:71:ILE:HD11	1:A:140:LEU:HD23	3	0.17	0.24
(1,222)	1:A:71:ILE:HD12	1:A:140:LEU:HD21	3	0.17	0.24
(1,222)	1:A:71:ILE:HD12	1:A:140:LEU:HD22	3	0.17	0.24
(1,222)	1:A:71:ILE:HD12	1:A:140:LEU:HD23	3	0.17	0.24
(1,222)	1:A:71:ILE:HD13	1:A:140:LEU:HD21	3	0.17	0.24
(1,222)	1:A:71:ILE:HD13	1:A:140:LEU:HD22	3	0.17	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,222)	1:A:71:ILE:HD13	1:A:140:LEU:HD23	3	0.17	0.24
(1,221)	1:A:71:ILE:HD11	1:A:140:LEU:HD11	3	0.03	0.04
(1,221)	1:A:71:ILE:HD11	1:A:140:LEU:HD12	3	0.03	0.04
(1,221)	1:A:71:ILE:HD11	1:A:140:LEU:HD13	3	0.03	0.04
(1,221)	1:A:71:ILE:HD12	1:A:140:LEU:HD11	3	0.03	0.04
(1,221)	1:A:71:ILE:HD12	1:A:140:LEU:HD12	3	0.03	0.04
(1,221)	1:A:71:ILE:HD12	1:A:140:LEU:HD13	3	0.03	0.04
(1,221)	1:A:71:ILE:HD13	1:A:140:LEU:HD11	3	0.03	0.04
(1,221)	1:A:71:ILE:HD13	1:A:140:LEU:HD12	3	0.03	0.04
(1,221)	1:A:71:ILE:HD13	1:A:140:LEU:HD13	3	0.03	0.04
(1,213)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:43:VAL:HG11	3	0.02	0.03
(1,213)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:43:VAL:HG12	3	0.02	0.03
(1,213)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:43:VAL:HG13	3	0.02	0.03
(1,213)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:43:VAL:HG11	3	0.02	0.03
(1,213)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:43:VAL:HG12	3	0.02	0.03
(1,213)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:43:VAL:HG13	3	0.02	0.03
(1,213)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:43:VAL:HG11	3	0.02	0.03
(1,213)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:43:VAL:HG12	3	0.02	0.03
(1,213)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:43:VAL:HG13	3	0.02	0.03
(1,189)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:HG21	3	0.07	0.09
(1,189)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:HG22	3	0.07	0.09
(1,189)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:HG23	3	0.07	0.09
(1,189)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:HG21	3	0.07	0.09
(1,189)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:HG22	3	0.07	0.09
(1,189)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:HG23	3	0.07	0.09
(1,189)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:HG21	3	0.07	0.09
(1,189)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:HG22	3	0.07	0.09
(1,189)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:HG23	3	0.07	0.09
(1,164)	1:A:76:GLU:H	1:A:77:GLU:H	3	0.03	0.05
(1,133)	1:A:7:GLU:H	1:A:9:ILE:H	3	0.07	0.1
(1,124)	1:A:5:LYS:H	1:A:7:GLU:H	3	0.07	0.13
(1,75)	1:A:29:PHE:H	1:A:30:GLN:H	2	0.08	0.09
(1,74)	1:A:30:GLN:H	1:A:31:ASN:H	2	0.19	0.27
(1,67)	1:A:117:ASN:H	1:A:117:ASN:HD22	2	0.08	0.13
(1,605)	1:A:54:SER:H	1:A:40:GLY:H	2	0.16	0.18
(1,600)	1:A:142:ASN:H	1:A:142:ASN:HD21	2	0.16	0.18
(1,600)	1:A:142:ASN:H	1:A:142:ASN:HD22	2	0.16	0.18
(1,598)	1:A:110:ASN:HD21	1:A:112:LEU:HD11	2	0.22	0.4
(1,598)	1:A:110:ASN:HD21	1:A:112:LEU:HD12	2	0.22	0.4
(1,598)	1:A:110:ASN:HD21	1:A:112:LEU:HD13	2	0.22	0.4
(1,598)	1:A:110:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD11	2	0.22	0.4
(1,598)	1:A:110:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD12	2	0.22	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,598)	1:A:110:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD13	2	0.22	0.4
(1,592)	1:A:22:ASN:H	1:A:22:ASN:HD21	2	0.06	0.07
(1,592)	1:A:22:ASN:H	1:A:22:ASN:HD22	2	0.06	0.07
(1,575)	1:A:144:LEU:HD21	1:A:145:GLU:H	2	0.06	0.06
(1,575)	1:A:144:LEU:HD22	1:A:145:GLU:H	2	0.06	0.06
(1,575)	1:A:144:LEU:HD23	1:A:145:GLU:H	2	0.06	0.06
(1,568)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:140:LEU:H	2	0.31	0.33
(1,568)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:140:LEU:H	2	0.31	0.33
(1,568)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:140:LEU:H	2	0.31	0.33
(1,553)	1:A:124:VAL:H	1:A:124:VAL:HG11	2	0.02	0.02
(1,553)	1:A:124:VAL:H	1:A:124:VAL:HG12	2	0.02	0.02
(1,553)	1:A:124:VAL:H	1:A:124:VAL:HG13	2	0.02	0.02
(1,55)	1:A:110:ASN:HD21	1:A:112:LEU:HD11	2	0.05	0.07
(1,55)	1:A:110:ASN:HD21	1:A:112:LEU:HD12	2	0.05	0.07
(1,55)	1:A:110:ASN:HD21	1:A:112:LEU:HD13	2	0.05	0.07
(1,546)	1:A:121:LEU:H	1:A:121:LEU:HD21	2	0.15	0.19
(1,546)	1:A:121:LEU:H	1:A:121:LEU:HD22	2	0.15	0.19
(1,546)	1:A:121:LEU:H	1:A:121:LEU:HD23	2	0.15	0.19
(1,529)	1:A:99:LEU:H	1:A:116:ILE:HD11	2	0.1	0.13
(1,529)	1:A:99:LEU:H	1:A:116:ILE:HD12	2	0.1	0.13
(1,529)	1:A:99:LEU:H	1:A:116:ILE:HD13	2	0.1	0.13
(1,52)	1:A:16:GLN:HE21	1:A:46:VAL:HG11	2	0.07	0.11
(1,52)	1:A:16:GLN:HE21	1:A:46:VAL:HG12	2	0.07	0.11
(1,52)	1:A:16:GLN:HE21	1:A:46:VAL:HG13	2	0.07	0.11
(1,516)	1:A:89:GLU:H	1:A:90:VAL:HG11	2	0.04	0.06
(1,516)	1:A:89:GLU:H	1:A:90:VAL:HG12	2	0.04	0.06
(1,516)	1:A:89:GLU:H	1:A:90:VAL:HG13	2	0.04	0.06
(1,494)	1:A:52:PHE:H	1:A:71:ILE:HD11	2	0.03	0.04
(1,494)	1:A:52:PHE:H	1:A:71:ILE:HD12	2	0.03	0.04
(1,494)	1:A:52:PHE:H	1:A:71:ILE:HD13	2	0.03	0.04
(1,490)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:52:PHE:H	2	0.1	0.11
(1,490)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:52:PHE:H	2	0.1	0.11
(1,490)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:52:PHE:H	2	0.1	0.11
(1,475)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:44:ASP:H	2	0.06	0.08
(1,475)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:44:ASP:H	2	0.06	0.08
(1,475)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:44:ASP:H	2	0.06	0.08
(1,446)	1:A:45:ILE:H	1:A:121:LEU:HD21	2	0.04	0.04
(1,446)	1:A:45:ILE:H	1:A:121:LEU:HD22	2	0.04	0.04
(1,446)	1:A:45:ILE:H	1:A:121:LEU:HD23	2	0.04	0.04
(1,441)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:124:VAL:H	2	0.04	0.06
(1,441)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:124:VAL:H	2	0.04	0.06
(1,441)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:124:VAL:H	2	0.04	0.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,428)	1:A:79:LEU:HD21	1:A:80:ASP:H	2	0.03	0.03
(1,428)	1:A:79:LEU:HD22	1:A:80:ASP:H	2	0.03	0.03
(1,428)	1:A:79:LEU:HD23	1:A:80:ASP:H	2	0.03	0.03
(1,424)	1:A:90:VAL:HG21	1:A:115:CYS:H	2	0.04	0.05
(1,424)	1:A:90:VAL:HG22	1:A:115:CYS:H	2	0.04	0.05
(1,424)	1:A:90:VAL:HG23	1:A:115:CYS:H	2	0.04	0.05
(1,413)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:121:LEU:HD11	2	0.03	0.06
(1,413)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:121:LEU:HD12	2	0.03	0.06
(1,413)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:121:LEU:HD13	2	0.03	0.06
(1,413)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:121:LEU:HD11	2	0.03	0.06
(1,413)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:121:LEU:HD12	2	0.03	0.06
(1,413)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:121:LEU:HD13	2	0.03	0.06
(1,413)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:121:LEU:HD11	2	0.03	0.06
(1,413)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:121:LEU:HD12	2	0.03	0.06
(1,413)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:121:LEU:HD13	2	0.03	0.06
(1,360)	1:A:43:VAL:H	1:A:122:ARG:H	2	0.06	0.08
(1,328)	1:A:78:LYS:H	1:A:79:LEU:H	2	0.05	0.08
(1,275)	1:A:92:SER:H	1:A:99:LEU:H	2	0.17	0.24
(1,270)	1:A:42:TYR:H	1:A:54:SER:H	2	0.14	0.23
(1,261)	1:A:99:LEU:HD21	1:A:116:ILE:HD11	2	0.04	0.05
(1,261)	1:A:99:LEU:HD21	1:A:116:ILE:HD12	2	0.04	0.05
(1,261)	1:A:99:LEU:HD21	1:A:116:ILE:HD13	2	0.04	0.05
(1,261)	1:A:99:LEU:HD22	1:A:116:ILE:HD11	2	0.04	0.05
(1,261)	1:A:99:LEU:HD22	1:A:116:ILE:HD12	2	0.04	0.05
(1,261)	1:A:99:LEU:HD22	1:A:116:ILE:HD13	2	0.04	0.05
(1,261)	1:A:99:LEU:HD23	1:A:116:ILE:HD11	2	0.04	0.05
(1,261)	1:A:99:LEU:HD23	1:A:116:ILE:HD12	2	0.04	0.05
(1,261)	1:A:99:LEU:HD23	1:A:116:ILE:HD13	2	0.04	0.05
(1,258)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:116:ILE:HD11	2	0.03	0.03
(1,258)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:116:ILE:HD12	2	0.03	0.03
(1,258)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:116:ILE:HD13	2	0.03	0.03
(1,258)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:116:ILE:HD11	2	0.03	0.03
(1,258)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:116:ILE:HD12	2	0.03	0.03
(1,258)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:116:ILE:HD13	2	0.03	0.03
(1,258)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:116:ILE:HD11	2	0.03	0.03
(1,258)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:116:ILE:HD12	2	0.03	0.03
(1,258)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:116:ILE:HD13	2	0.03	0.03
(1,257)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:75:VAL:HG21	2	0.05	0.07
(1,257)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:75:VAL:HG22	2	0.05	0.07
(1,257)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:75:VAL:HG23	2	0.05	0.07
(1,257)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:75:VAL:HG21	2	0.05	0.07
(1,257)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:75:VAL:HG22	2	0.05	0.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,257)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:75:VAL:HG23	2	0.05	0.07
(1,257)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:75:VAL:HG21	2	0.05	0.07
(1,257)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:75:VAL:HG22	2	0.05	0.07
(1,257)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:75:VAL:HG23	2	0.05	0.07
(1,252)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:99:LEU:HD11	2	0.05	0.06
(1,252)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:99:LEU:HD12	2	0.05	0.06
(1,252)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:99:LEU:HD13	2	0.05	0.06
(1,252)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:99:LEU:HD11	2	0.05	0.06
(1,252)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:99:LEU:HD12	2	0.05	0.06
(1,252)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:99:LEU:HD13	2	0.05	0.06
(1,252)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:99:LEU:HD11	2	0.05	0.06
(1,252)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:99:LEU:HD12	2	0.05	0.06
(1,252)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:99:LEU:HD13	2	0.05	0.06
(1,240)	1:A:75:VAL:H	1:A:99:LEU:HD11	2	0.11	0.2
(1,240)	1:A:75:VAL:H	1:A:99:LEU:HD12	2	0.11	0.2
(1,240)	1:A:75:VAL:H	1:A:99:LEU:HD13	2	0.11	0.2
(1,237)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:129:LEU:HD11	2	0.14	0.19
(1,237)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:129:LEU:HD12	2	0.14	0.19
(1,237)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:129:LEU:HD13	2	0.14	0.19
(1,237)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:129:LEU:HD11	2	0.14	0.19
(1,237)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:129:LEU:HD12	2	0.14	0.19
(1,237)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:129:LEU:HD13	2	0.14	0.19
(1,237)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:129:LEU:HD11	2	0.14	0.19
(1,237)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:129:LEU:HD12	2	0.14	0.19
(1,237)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:129:LEU:HD13	2	0.14	0.19
(1,230)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:129:LEU:HD21	2	0.01	0.02
(1,230)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:129:LEU:HD22	2	0.01	0.02
(1,230)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:129:LEU:HD23	2	0.01	0.02
(1,230)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:129:LEU:HD21	2	0.01	0.02
(1,230)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:129:LEU:HD22	2	0.01	0.02
(1,230)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:129:LEU:HD23	2	0.01	0.02
(1,230)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:129:LEU:HD21	2	0.01	0.02
(1,230)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:129:LEU:HD22	2	0.01	0.02
(1,230)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:129:LEU:HD23	2	0.01	0.02
(1,226)	1:A:92:SER:H	1:A:99:LEU:HD21	2	0.15	0.27
(1,226)	1:A:92:SER:H	1:A:99:LEU:HD22	2	0.15	0.27
(1,226)	1:A:92:SER:H	1:A:99:LEU:HD23	2	0.15	0.27
(1,220)	1:A:42:TYR:H	1:A:71:ILE:HD11	2	0.03	0.03
(1,220)	1:A:42:TYR:H	1:A:71:ILE:HD12	2	0.03	0.03
(1,220)	1:A:42:TYR:H	1:A:71:ILE:HD13	2	0.03	0.03
(1,210)	1:A:41:LEU:H	1:A:41:LEU:HD21	2	0.05	0.09
(1,210)	1:A:41:LEU:H	1:A:41:LEU:HD22	2	0.05	0.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,210)	1:A:41:LEU:H	1:A:41:LEU:HD23	2	0.05	0.09
(1,206)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:HG11	2	0.03	0.04
(1,206)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:HG12	2	0.03	0.04
(1,206)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:HG13	2	0.03	0.04
(1,206)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:HG11	2	0.03	0.04
(1,206)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:HG12	2	0.03	0.04
(1,206)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:HG13	2	0.03	0.04
(1,206)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:HG11	2	0.03	0.04
(1,206)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:HG12	2	0.03	0.04
(1,206)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:HG13	2	0.03	0.04
(1,195)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:124:VAL:HG21	2	0.05	0.06
(1,195)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:124:VAL:HG22	2	0.05	0.06
(1,195)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:124:VAL:HG23	2	0.05	0.06
(1,195)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:124:VAL:HG21	2	0.05	0.06
(1,195)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:124:VAL:HG22	2	0.05	0.06
(1,195)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:124:VAL:HG23	2	0.05	0.06
(1,195)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:124:VAL:HG21	2	0.05	0.06
(1,195)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:124:VAL:HG22	2	0.05	0.06
(1,195)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:124:VAL:HG23	2	0.05	0.06
(1,190)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:26:GLU:H	2	0.06	0.11
(1,190)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:26:GLU:H	2	0.06	0.11
(1,190)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:26:GLU:H	2	0.06	0.11
(1,177)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:43:VAL:HG21	2	0.02	0.03
(1,177)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:43:VAL:HG22	2	0.02	0.03
(1,177)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:43:VAL:HG23	2	0.02	0.03
(1,177)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:43:VAL:HG21	2	0.02	0.03
(1,177)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:43:VAL:HG22	2	0.02	0.03
(1,177)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:43:VAL:HG23	2	0.02	0.03
(1,177)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:43:VAL:HG21	2	0.02	0.03
(1,177)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:43:VAL:HG22	2	0.02	0.03
(1,177)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:43:VAL:HG23	2	0.02	0.03
(1,166)	1:A:40:GLY:H	1:A:54:SER:H	2	0.04	0.05
(1,90)	1:A:63:GLY:H	1:A:64:TRP:H	1	0.04	0.04
(1,82)	1:A:13:ASN:H	1:A:13:ASN:HD21	1	0.01	0.01
(1,72)	1:A:22:ASN:H	1:A:23:ASN:H	1	0.06	0.06
(1,622)	1:A:13:ASN:HD22	1:A:12:LEU:HD11	1	0.03	0.03
(1,622)	1:A:13:ASN:HD22	1:A:12:LEU:HD12	1	0.03	0.03
(1,622)	1:A:13:ASN:HD22	1:A:12:LEU:HD13	1	0.03	0.03
(1,62)	1:A:54:SER:HG	1:A:56:ASP:H	1	0.02	0.02
(1,619)	1:A:34:TRP:HE1	1:A:31:ASN:H	1	0.01	0.01
(1,617)	1:A:116:ILE:HD11	1:A:99:LEU:HD11	1	0.03	0.03
(1,617)	1:A:116:ILE:HD11	1:A:99:LEU:HD12	1	0.03	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,617)	1:A:116:ILE:HD11	1:A:99:LEU:HD13	1	0.03	0.03
(1,617)	1:A:116:ILE:HD12	1:A:99:LEU:HD11	1	0.03	0.03
(1,617)	1:A:116:ILE:HD12	1:A:99:LEU:HD12	1	0.03	0.03
(1,617)	1:A:116:ILE:HD12	1:A:99:LEU:HD13	1	0.03	0.03
(1,617)	1:A:116:ILE:HD13	1:A:99:LEU:HD11	1	0.03	0.03
(1,617)	1:A:116:ILE:HD13	1:A:99:LEU:HD12	1	0.03	0.03
(1,617)	1:A:116:ILE:HD13	1:A:99:LEU:HD13	1	0.03	0.03
(1,61)	1:A:54:SER:HG	1:A:55:LYS:H	1	0.16	0.16
(1,603)	1:A:144:LEU:HD11	1:A:145:GLU:H	1	0.09	0.09
(1,603)	1:A:144:LEU:HD12	1:A:145:GLU:H	1	0.09	0.09
(1,603)	1:A:144:LEU:HD13	1:A:145:GLU:H	1	0.09	0.09
(1,603)	1:A:144:LEU:HD21	1:A:145:GLU:H	1	0.09	0.09
(1,603)	1:A:144:LEU:HD22	1:A:145:GLU:H	1	0.09	0.09
(1,603)	1:A:144:LEU:HD23	1:A:145:GLU:H	1	0.09	0.09
(1,593)	1:A:22:ASN:HD21	1:A:23:ASN:H	1	0.01	0.01
(1,593)	1:A:22:ASN:HD22	1:A:23:ASN:H	1	0.01	0.01
(1,590)	1:A:16:GLN:HE21	1:A:45:ILE:HD11	1	0.08	0.08
(1,590)	1:A:16:GLN:HE21	1:A:45:ILE:HD12	1	0.08	0.08
(1,590)	1:A:16:GLN:HE21	1:A:45:ILE:HD13	1	0.08	0.08
(1,590)	1:A:16:GLN:HE22	1:A:45:ILE:HD11	1	0.08	0.08
(1,590)	1:A:16:GLN:HE22	1:A:45:ILE:HD12	1	0.08	0.08
(1,590)	1:A:16:GLN:HE22	1:A:45:ILE:HD13	1	0.08	0.08
(1,578)	1:A:112:LEU:H	1:A:112:LEU:HD11	1	0.01	0.01
(1,578)	1:A:112:LEU:H	1:A:112:LEU:HD12	1	0.01	0.01
(1,578)	1:A:112:LEU:H	1:A:112:LEU:HD13	1	0.01	0.01
(1,574)	1:A:144:LEU:HD11	1:A:145:GLU:H	1	0.14	0.14
(1,574)	1:A:144:LEU:HD12	1:A:145:GLU:H	1	0.14	0.14
(1,574)	1:A:144:LEU:HD13	1:A:145:GLU:H	1	0.14	0.14
(1,567)	1:A:138:LEU:H	1:A:138:LEU:HD21	1	0.02	0.02
(1,567)	1:A:138:LEU:H	1:A:138:LEU:HD22	1	0.02	0.02
(1,567)	1:A:138:LEU:H	1:A:138:LEU:HD23	1	0.02	0.02
(1,563)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:137:TYR:H	1	0.08	0.08
(1,563)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:137:TYR:H	1	0.08	0.08
(1,563)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:137:TYR:H	1	0.08	0.08
(1,560)	1:A:134:TYR:H	1:A:138:LEU:HD11	1	0.13	0.13
(1,560)	1:A:134:TYR:H	1:A:138:LEU:HD12	1	0.13	0.13
(1,560)	1:A:134:TYR:H	1:A:138:LEU:HD13	1	0.13	0.13
(1,547)	1:A:45:ILE:HD11	1:A:121:LEU:H	1	0.03	0.03
(1,547)	1:A:45:ILE:HD12	1:A:121:LEU:H	1	0.03	0.03
(1,547)	1:A:45:ILE:HD13	1:A:121:LEU:H	1	0.03	0.03
(1,545)	1:A:121:LEU:H	1:A:121:LEU:HD11	1	0.02	0.02
(1,545)	1:A:121:LEU:H	1:A:121:LEU:HD12	1	0.02	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,545)	1:A:121:LEU:H	1:A:121:LEU:HD13	1	0.02	0.02
(1,531)	1:A:99:LEU:HD21	1:A:100:GLY:H	1	0.02	0.02
(1,531)	1:A:99:LEU:HD22	1:A:100:GLY:H	1	0.02	0.02
(1,531)	1:A:99:LEU:HD23	1:A:100:GLY:H	1	0.02	0.02
(1,524)	1:A:91:ARG:H	1:A:99:LEU:HD11	1	0.25	0.25
(1,524)	1:A:91:ARG:H	1:A:99:LEU:HD12	1	0.25	0.25
(1,524)	1:A:91:ARG:H	1:A:99:LEU:HD13	1	0.25	0.25
(1,514)	1:A:86:ILE:HD11	1:A:87:ARG:H	1	0.17	0.17
(1,514)	1:A:86:ILE:HD12	1:A:87:ARG:H	1	0.17	0.17
(1,514)	1:A:86:ILE:HD13	1:A:87:ARG:H	1	0.17	0.17
(1,508)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG21	1	0.03	0.03
(1,508)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG22	1	0.03	0.03
(1,508)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG23	1	0.03	0.03
(1,498)	1:A:71:ILE:H	1:A:75:VAL:HG21	1	0.02	0.02
(1,498)	1:A:71:ILE:H	1:A:75:VAL:HG22	1	0.02	0.02
(1,498)	1:A:71:ILE:H	1:A:75:VAL:HG23	1	0.02	0.02
(1,489)	1:A:51:LEU:H	1:A:71:ILE:HD11	1	0.03	0.03
(1,489)	1:A:51:LEU:H	1:A:71:ILE:HD12	1	0.03	0.03
(1,489)	1:A:51:LEU:H	1:A:71:ILE:HD13	1	0.03	0.03
(1,480)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:48:GLY:H	1	0.02	0.02
(1,480)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:48:GLY:H	1	0.02	0.02
(1,480)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:48:GLY:H	1	0.02	0.02
(1,476)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:44:ASP:H	1	0.04	0.04
(1,476)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:44:ASP:H	1	0.04	0.04
(1,476)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:44:ASP:H	1	0.04	0.04
(1,471)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:25:THR:H	1	0.04	0.04
(1,471)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:25:THR:H	1	0.04	0.04
(1,471)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:25:THR:H	1	0.04	0.04
(1,470)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:24:GLY:H	1	0.09	0.09
(1,470)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:24:GLY:H	1	0.09	0.09
(1,470)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:24:GLY:H	1	0.09	0.09
(1,459)	1:A:12:LEU:H	1:A:12:LEU:HD11	1	0.01	0.01
(1,459)	1:A:12:LEU:H	1:A:12:LEU:HD12	1	0.01	0.01
(1,459)	1:A:12:LEU:H	1:A:12:LEU:HD13	1	0.01	0.01
(1,436)	1:A:13:ASN:HD22	1:A:46:VAL:HG11	1	0.05	0.05
(1,436)	1:A:13:ASN:HD22	1:A:46:VAL:HG12	1	0.05	0.05
(1,436)	1:A:13:ASN:HD22	1:A:46:VAL:HG13	1	0.05	0.05
(1,426)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:13:ASN:H	1	0.04	0.04
(1,426)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:13:ASN:H	1	0.04	0.04
(1,426)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:13:ASN:H	1	0.04	0.04
(1,425)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:119:ALA:H	1	0.15	0.15
(1,425)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:119:ALA:H	1	0.15	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,425)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:119:ALA:H	1	0.15	0.15
(1,404)	1:A:102:VAL:HG11	1:A:112:LEU:HD21	1	0.11	0.11
(1,404)	1:A:102:VAL:HG11	1:A:112:LEU:HD22	1	0.11	0.11
(1,404)	1:A:102:VAL:HG11	1:A:112:LEU:HD23	1	0.11	0.11
(1,404)	1:A:102:VAL:HG12	1:A:112:LEU:HD21	1	0.11	0.11
(1,404)	1:A:102:VAL:HG12	1:A:112:LEU:HD22	1	0.11	0.11
(1,404)	1:A:102:VAL:HG12	1:A:112:LEU:HD23	1	0.11	0.11
(1,404)	1:A:102:VAL:HG13	1:A:112:LEU:HD21	1	0.11	0.11
(1,404)	1:A:102:VAL:HG13	1:A:112:LEU:HD22	1	0.11	0.11
(1,404)	1:A:102:VAL:HG13	1:A:112:LEU:HD23	1	0.11	0.11
(1,398)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:46:VAL:HG21	1	0.01	0.01
(1,398)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:46:VAL:HG22	1	0.01	0.01
(1,398)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:46:VAL:HG23	1	0.01	0.01
(1,398)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:46:VAL:HG21	1	0.01	0.01
(1,398)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:46:VAL:HG22	1	0.01	0.01
(1,398)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:46:VAL:HG23	1	0.01	0.01
(1,398)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:46:VAL:HG21	1	0.01	0.01
(1,398)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:46:VAL:HG22	1	0.01	0.01
(1,398)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:46:VAL:HG23	1	0.01	0.01
(1,397)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:12:LEU:HD21	1	0.04	0.04
(1,397)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:12:LEU:HD22	1	0.04	0.04
(1,397)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:12:LEU:HD23	1	0.04	0.04
(1,397)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:12:LEU:HD21	1	0.04	0.04
(1,397)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:12:LEU:HD22	1	0.04	0.04
(1,397)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:12:LEU:HD23	1	0.04	0.04
(1,397)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:12:LEU:HD21	1	0.04	0.04
(1,397)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:12:LEU:HD22	1	0.04	0.04
(1,397)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:12:LEU:HD23	1	0.04	0.04
(1,364)	1:A:43:VAL:H	1:A:124:VAL:H	1	0.09	0.09
(1,36)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:47:SER:H	1	0.07	0.07
(1,36)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:47:SER:H	1	0.07	0.07
(1,36)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:47:SER:H	1	0.07	0.07
(1,352)	1:A:104:ASN:H	1:A:113:ARG:H	1	0.02	0.02
(1,350)	1:A:108:GLY:H	1:A:111:GLY:H	1	0.09	0.09
(1,349)	1:A:106:GLY:H	1:A:113:ARG:H	1	0.07	0.07
(1,347)	1:A:103:PHE:H	1:A:114:TYR:H	1	0.13	0.13
(1,34)	1:A:104:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD21	1	0.15	0.15
(1,34)	1:A:104:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD22	1	0.15	0.15
(1,34)	1:A:104:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD23	1	0.15	0.15
(1,335)	1:A:90:VAL:H	1:A:100:GLY:H	1	0.01	0.01
(1,330)	1:A:80:ASP:H	1:A:87:ARG:H	1	0.03	0.03
(1,319)	1:A:45:ILE:H	1:A:48:GLY:H	1	0.02	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,317)	1:A:46:VAL:H	1:A:49:LYS:H	1	0.06	0.06
(1,306)	1:A:31:ASN:H	1:A:32:GLU:H	1	0.05	0.05
(1,302)	1:A:17:TYR:H	1:A:20:THR:H	1	0.02	0.02
(1,291)	1:A:8:LYS:H	1:A:11:SER:H	1	0.14	0.14
(1,290)	1:A:10:LYS:H	1:A:13:ASN:H	1	0.13	0.13
(1,277)	1:A:103:PHE:H	1:A:106:GLY:H	1	0.21	0.21
(1,273)	1:A:78:LYS:H	1:A:91:ARG:H	1	0.02	0.02
(1,260)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:99:LEU:HD21	1	0.06	0.06
(1,260)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:99:LEU:HD22	1	0.06	0.06
(1,260)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:99:LEU:HD23	1	0.06	0.06
(1,260)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:99:LEU:HD21	1	0.06	0.06
(1,260)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:99:LEU:HD22	1	0.06	0.06
(1,260)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:99:LEU:HD23	1	0.06	0.06
(1,260)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:99:LEU:HD21	1	0.06	0.06
(1,260)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:99:LEU:HD22	1	0.06	0.06
(1,260)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:99:LEU:HD23	1	0.06	0.06
(1,254)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:46:VAL:HG11	1	0.08	0.08
(1,254)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:46:VAL:HG12	1	0.08	0.08
(1,254)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:46:VAL:HG13	1	0.08	0.08
(1,254)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:46:VAL:HG11	1	0.08	0.08
(1,254)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:46:VAL:HG12	1	0.08	0.08
(1,254)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:46:VAL:HG13	1	0.08	0.08
(1,254)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:46:VAL:HG11	1	0.08	0.08
(1,254)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:46:VAL:HG12	1	0.08	0.08
(1,254)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:46:VAL:HG13	1	0.08	0.08
(1,245)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:129:LEU:HD11	1	0.02	0.02
(1,245)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:129:LEU:HD12	1	0.02	0.02
(1,245)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:129:LEU:HD13	1	0.02	0.02
(1,245)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:129:LEU:HD11	1	0.02	0.02
(1,245)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:129:LEU:HD12	1	0.02	0.02
(1,245)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:129:LEU:HD13	1	0.02	0.02
(1,245)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:129:LEU:HD11	1	0.02	0.02
(1,245)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:129:LEU:HD12	1	0.02	0.02
(1,245)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:129:LEU:HD13	1	0.02	0.02
(1,239)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:99:LEU:HD21	1	0.01	0.01
(1,239)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:99:LEU:HD22	1	0.01	0.01
(1,239)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:99:LEU:HD23	1	0.01	0.01
(1,239)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:99:LEU:HD21	1	0.01	0.01
(1,239)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:99:LEU:HD22	1	0.01	0.01
(1,239)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:99:LEU:HD23	1	0.01	0.01
(1,239)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:99:LEU:HD21	1	0.01	0.01
(1,239)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:99:LEU:HD22	1	0.01	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,239)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:99:LEU:HD23	1	0.01	0.01
(1,232)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:13:ASN:HD22	1	0.17	0.17
(1,232)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:13:ASN:HD22	1	0.17	0.17
(1,232)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:13:ASN:HD22	1	0.17	0.17
(1,215)	1:A:16:GLN:HE21	1:A:45:ILE:HD11	1	0.03	0.03
(1,215)	1:A:16:GLN:HE21	1:A:45:ILE:HD12	1	0.03	0.03
(1,215)	1:A:16:GLN:HE21	1:A:45:ILE:HD13	1	0.03	0.03
(1,214)	1:A:16:GLN:HE22	1:A:45:ILE:HD11	1	0.04	0.04
(1,214)	1:A:16:GLN:HE22	1:A:45:ILE:HD12	1	0.04	0.04
(1,214)	1:A:16:GLN:HE22	1:A:45:ILE:HD13	1	0.04	0.04
(1,200)	1:A:75:VAL:HG11	1:A:102:VAL:HG21	1	0.12	0.12
(1,200)	1:A:75:VAL:HG11	1:A:102:VAL:HG22	1	0.12	0.12
(1,200)	1:A:75:VAL:HG11	1:A:102:VAL:HG23	1	0.12	0.12
(1,200)	1:A:75:VAL:HG12	1:A:102:VAL:HG21	1	0.12	0.12
(1,200)	1:A:75:VAL:HG12	1:A:102:VAL:HG22	1	0.12	0.12
(1,200)	1:A:75:VAL:HG12	1:A:102:VAL:HG23	1	0.12	0.12
(1,200)	1:A:75:VAL:HG13	1:A:102:VAL:HG21	1	0.12	0.12
(1,200)	1:A:75:VAL:HG13	1:A:102:VAL:HG22	1	0.12	0.12
(1,200)	1:A:75:VAL:HG13	1:A:102:VAL:HG23	1	0.12	0.12
(1,197)	1:A:13:ASN:HD21	1:A:46:VAL:HG11	1	0.08	0.08
(1,197)	1:A:13:ASN:HD21	1:A:46:VAL:HG12	1	0.08	0.08
(1,197)	1:A:13:ASN:HD21	1:A:46:VAL:HG13	1	0.08	0.08
(1,193)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:117:ASN:HD22	1	0.05	0.05
(1,193)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:117:ASN:HD22	1	0.05	0.05
(1,193)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:117:ASN:HD22	1	0.05	0.05
(1,191)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:117:ASN:HD21	1	0.17	0.17
(1,191)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:117:ASN:HD21	1	0.17	0.17
(1,191)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:117:ASN:HD21	1	0.17	0.17
(1,187)	1:A:42:TYR:H	1:A:124:VAL:HG21	1	0.04	0.04
(1,187)	1:A:42:TYR:H	1:A:124:VAL:HG22	1	0.04	0.04
(1,187)	1:A:42:TYR:H	1:A:124:VAL:HG23	1	0.04	0.04
(1,186)	1:A:43:VAL:H	1:A:124:VAL:HG21	1	0.04	0.04
(1,186)	1:A:43:VAL:H	1:A:124:VAL:HG22	1	0.04	0.04
(1,186)	1:A:43:VAL:H	1:A:124:VAL:HG23	1	0.04	0.04
(1,183)	1:A:90:VAL:HG21	1:A:102:VAL:HG21	1	0.06	0.06
(1,183)	1:A:90:VAL:HG21	1:A:102:VAL:HG22	1	0.06	0.06
(1,183)	1:A:90:VAL:HG21	1:A:102:VAL:HG23	1	0.06	0.06
(1,183)	1:A:90:VAL:HG22	1:A:102:VAL:HG21	1	0.06	0.06
(1,183)	1:A:90:VAL:HG22	1:A:102:VAL:HG22	1	0.06	0.06
(1,183)	1:A:90:VAL:HG22	1:A:102:VAL:HG23	1	0.06	0.06
(1,183)	1:A:90:VAL:HG23	1:A:102:VAL:HG21	1	0.06	0.06
(1,183)	1:A:90:VAL:HG23	1:A:102:VAL:HG22	1	0.06	0.06

Continued on next page...

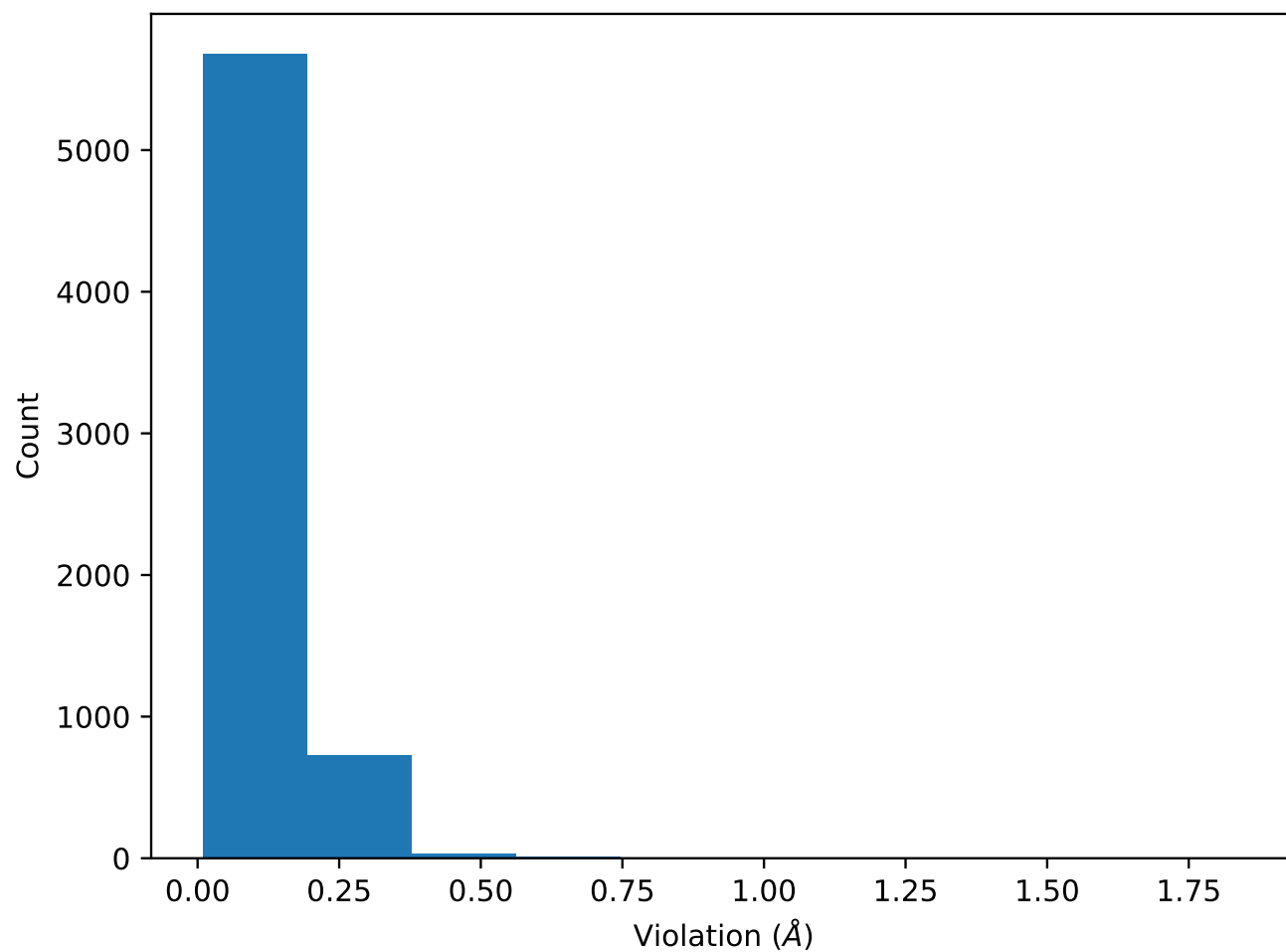
Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,183)	1:A:90:VAL:HG23	1:A:102:VAL:HG23	1	0.06	0.06
(1,182)	1:A:90:VAL:HG21	1:A:99:LEU:H	1	0.18	0.18
(1,182)	1:A:90:VAL:HG22	1:A:99:LEU:H	1	0.18	0.18
(1,182)	1:A:90:VAL:HG23	1:A:99:LEU:H	1	0.18	0.18
(1,167)	1:A:101:HIS:H	1:A:115:CYS:H	1	0.02	0.02
(1,144)	1:A:130:LYS:H	1:A:133:GLY:H	1	0.03	0.03
(1,110)	1:A:95:ALA:H	1:A:96:ASP:H	1	0.04	0.04

8.8 All distance violations

8.8.1 Histogram : Distribution of distance violations

The following histogram shows the distribution of violations in the ensemble.



8.8.2 Table : All distance violations

The following table lists the violations in the ensemble sorted by violation value

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,111)	1:A:92:SER:H	1:A:97:SER:H	17	1.85
(1,111)	1:A:92:SER:H	1:A:97:SER:H	10	1.82
(1,111)	1:A:92:SER:H	1:A:97:SER:H	3	1.39
(1,33)	1:A:92:SER:H	1:A:99:LEU:HD11	19	1.2
(1,33)	1:A:92:SER:H	1:A:99:LEU:HD12	19	1.2
(1,33)	1:A:92:SER:H	1:A:99:LEU:HD13	19	1.2
(1,56)	1:A:110:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD11	15	1.04
(1,56)	1:A:110:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD12	15	1.04
(1,56)	1:A:110:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD13	15	1.04
(1,162)	1:A:92:SER:H	1:A:96:ASP:H	10	1.04
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD11	12	0.58
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD12	12	0.58
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD13	12	0.58
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD11	12	0.58
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD12	12	0.58
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD13	12	0.58
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD11	12	0.58
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD12	12	0.58
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD13	12	0.58
(1,572)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:141:PHE:H	8	0.48
(1,572)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:141:PHE:H	8	0.48
(1,572)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:141:PHE:H	8	0.48
(1,162)	1:A:92:SER:H	1:A:96:ASP:H	17	0.43
(1,111)	1:A:92:SER:H	1:A:97:SER:H	7	0.42
(1,111)	1:A:92:SER:H	1:A:97:SER:H	5	0.41
(1,598)	1:A:110:ASN:HD21	1:A:112:LEU:HD11	15	0.4
(1,598)	1:A:110:ASN:HD21	1:A:112:LEU:HD12	15	0.4
(1,598)	1:A:110:ASN:HD21	1:A:112:LEU:HD13	15	0.4
(1,598)	1:A:110:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD11	15	0.4
(1,598)	1:A:110:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD12	15	0.4
(1,598)	1:A:110:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD13	15	0.4
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD11	3	0.4
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD12	3	0.4
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD13	3	0.4
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD11	3	0.4
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD12	3	0.4
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD13	3	0.4
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD11	3	0.4
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD12	3	0.4
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD13	3	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD11	18	0.39
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD12	18	0.39
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD13	18	0.39
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD11	18	0.39
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD12	18	0.39
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD13	18	0.39
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD11	18	0.39
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD12	18	0.39
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD13	18	0.39
(1,572)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:141:PHE:H	9	0.37
(1,572)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:141:PHE:H	9	0.37
(1,572)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:141:PHE:H	9	0.37
(1,451)	1:A:75:VAL:HG11	1:A:91:ARG:H	17	0.37
(1,451)	1:A:75:VAL:HG12	1:A:91:ARG:H	17	0.37
(1,451)	1:A:75:VAL:HG13	1:A:91:ARG:H	17	0.37
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD21	19	0.37
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD22	19	0.37
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD23	19	0.37
(1,40)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:97:SER:H	20	0.37
(1,40)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:97:SER:H	20	0.37
(1,40)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:97:SER:H	20	0.37
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG21	11	0.36
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG22	11	0.36
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG23	11	0.36
(1,235)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:13:ASN:HD21	9	0.36
(1,235)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:13:ASN:HD21	9	0.36
(1,235)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:13:ASN:HD21	9	0.36
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG21	6	0.35
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG22	6	0.35
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG23	6	0.35
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD11	13	0.35
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD12	13	0.35
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD13	13	0.35
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD11	13	0.35
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD12	13	0.35
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD13	13	0.35
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD11	13	0.35
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD12	13	0.35
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD13	13	0.35
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD11	4	0.34
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD12	4	0.34
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD13	4	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD11	4	0.34
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD12	4	0.34
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD13	4	0.34
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD11	4	0.34
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD12	4	0.34
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD13	4	0.34
(1,572)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:141:PHE:H	10	0.33
(1,572)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:141:PHE:H	10	0.33
(1,572)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:141:PHE:H	10	0.33
(1,568)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:140:LEU:H	10	0.33
(1,568)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:140:LEU:H	10	0.33
(1,568)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:140:LEU:H	10	0.33
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD21	16	0.33
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD22	16	0.33
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD23	16	0.33
(1,493)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:52:PHE:H	14	0.32
(1,493)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:52:PHE:H	14	0.32
(1,493)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:52:PHE:H	14	0.32
(1,454)	1:A:134:TYR:H	1:A:138:LEU:HD21	14	0.32
(1,454)	1:A:134:TYR:H	1:A:138:LEU:HD22	14	0.32
(1,454)	1:A:134:TYR:H	1:A:138:LEU:HD23	14	0.32
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD11	5	0.32
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD12	5	0.32
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD13	5	0.32
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD11	5	0.32
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD12	5	0.32
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD13	5	0.32
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD11	5	0.32
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD12	5	0.32
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD13	5	0.32
(1,33)	1:A:92:SER:H	1:A:99:LEU:HD11	17	0.32
(1,33)	1:A:92:SER:H	1:A:99:LEU:HD12	17	0.32
(1,33)	1:A:92:SER:H	1:A:99:LEU:HD13	17	0.32
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD11	20	0.31
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD12	20	0.31
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD13	20	0.31
(1,497)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:H	3	0.31
(1,497)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:H	3	0.31
(1,497)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:H	3	0.31
(1,377)	1:A:134:TYR:H	1:A:135:GLU:H	5	0.31
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD11	7	0.31
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD12	7	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD13	7	0.31
(1,98)	1:A:31:ASN:H	1:A:34:TRP:H	6	0.3
(1,493)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:52:PHE:H	6	0.3
(1,493)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:52:PHE:H	6	0.3
(1,493)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:52:PHE:H	6	0.3
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD21	12	0.3
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD22	12	0.3
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD23	12	0.3
(1,353)	1:A:104:ASN:H	1:A:106:GLY:H	15	0.3
(1,309)	1:A:33:TYR:H	1:A:36:HIS:H	6	0.3
(1,63)	1:A:54:SER:HG	1:A:57:LYS:H	11	0.29
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD21	17	0.29
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD22	17	0.29
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD23	17	0.29
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD21	17	0.29
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD22	17	0.29
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD23	17	0.29
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD21	17	0.29
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD22	17	0.29
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD23	17	0.29
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD21	13	0.29
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD22	13	0.29
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD23	13	0.29
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD21	16	0.29
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD22	16	0.29
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD23	16	0.29
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD21	16	0.29
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD22	16	0.29
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD23	16	0.29
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD21	16	0.29
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD22	16	0.29
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD23	16	0.29
(1,384)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:99:LEU:HD21	3	0.29
(1,384)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:99:LEU:HD22	3	0.29
(1,384)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:99:LEU:HD23	3	0.29
(1,384)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:99:LEU:HD21	3	0.29
(1,384)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:99:LEU:HD22	3	0.29
(1,384)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:99:LEU:HD23	3	0.29
(1,384)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:99:LEU:HD21	3	0.29
(1,384)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:99:LEU:HD22	3	0.29
(1,384)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:99:LEU:HD23	3	0.29
(1,339)	1:A:92:SER:H	1:A:98:HIS:H	10	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD11	18	0.29
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD12	18	0.29
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD13	18	0.29
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD11	18	0.29
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD12	18	0.29
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD13	18	0.29
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD11	18	0.29
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD12	18	0.29
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD13	18	0.29
(1,8)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:42:TYR:H	2	0.28
(1,8)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:42:TYR:H	2	0.28
(1,8)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:42:TYR:H	2	0.28
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD21	14	0.28
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD22	14	0.28
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD23	14	0.28
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD21	14	0.28
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD22	14	0.28
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD23	14	0.28
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD21	14	0.28
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD22	14	0.28
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD23	14	0.28
(1,609)	1:A:102:VAL:H	1:A:88:THR:H	15	0.28
(1,568)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:140:LEU:H	9	0.28
(1,568)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:140:LEU:H	9	0.28
(1,568)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:140:LEU:H	9	0.28
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD21	13	0.28
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD22	13	0.28
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD23	13	0.28
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD21	13	0.28
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD22	13	0.28
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD23	13	0.28
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD21	13	0.28
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD22	13	0.28
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD23	13	0.28
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD11	15	0.28
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD12	15	0.28
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD13	15	0.28
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD11	15	0.28
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD12	15	0.28
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD13	15	0.28
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD11	15	0.28
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD12	15	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD13	15	0.28
(1,247)	1:A:121:LEU:HD11	1:A:122:ARG:H	6	0.28
(1,247)	1:A:121:LEU:HD12	1:A:122:ARG:H	6	0.28
(1,247)	1:A:121:LEU:HD13	1:A:122:ARG:H	6	0.28
(1,147)	1:A:130:LYS:H	1:A:134:TYR:H	10	0.28
(1,114)	1:A:29:PHE:H	1:A:31:ASN:H	1	0.28
(1,111)	1:A:92:SER:H	1:A:97:SER:H	4	0.28
(1,74)	1:A:30:GLN:H	1:A:31:ASN:H	1	0.27
(1,513)	1:A:79:LEU:HD11	1:A:87:ARG:H	9	0.27
(1,513)	1:A:79:LEU:HD12	1:A:87:ARG:H	9	0.27
(1,513)	1:A:79:LEU:HD13	1:A:87:ARG:H	9	0.27
(1,468)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:23:ASN:H	7	0.27
(1,468)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:23:ASN:H	7	0.27
(1,468)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:23:ASN:H	7	0.27
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD21	5	0.27
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD22	5	0.27
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD23	5	0.27
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD21	5	0.27
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD22	5	0.27
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD23	5	0.27
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD21	5	0.27
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD22	5	0.27
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD23	5	0.27
(1,40)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:97:SER:H	2	0.27
(1,40)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:97:SER:H	2	0.27
(1,40)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:97:SER:H	2	0.27
(1,37)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:13:ASN:HD21	7	0.27
(1,37)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:13:ASN:HD21	7	0.27
(1,37)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:13:ASN:HD21	7	0.27
(1,339)	1:A:92:SER:H	1:A:98:HIS:H	17	0.27
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD11	4	0.27
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD12	4	0.27
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD13	4	0.27
(1,226)	1:A:92:SER:H	1:A:99:LEU:HD21	19	0.27
(1,226)	1:A:92:SER:H	1:A:99:LEU:HD22	19	0.27
(1,226)	1:A:92:SER:H	1:A:99:LEU:HD23	19	0.27
(1,176)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:45:ILE:HD11	5	0.27
(1,176)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:45:ILE:HD12	5	0.27
(1,176)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:45:ILE:HD13	5	0.27
(1,176)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:45:ILE:HD11	5	0.27
(1,176)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:45:ILE:HD12	5	0.27
(1,176)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:45:ILE:HD13	5	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,176)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:45:ILE:HD11	5	0.27
(1,176)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:45:ILE:HD12	5	0.27
(1,176)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:45:ILE:HD13	5	0.27
(1,147)	1:A:130:LYS:H	1:A:134:TYR:H	2	0.27
(1,147)	1:A:130:LYS:H	1:A:134:TYR:H	14	0.27
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD11	19	0.26
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD12	19	0.26
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD13	19	0.26
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD21	6	0.26
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD22	6	0.26
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD23	6	0.26
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD21	6	0.26
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD22	6	0.26
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD23	6	0.26
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD21	6	0.26
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD22	6	0.26
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD23	6	0.26
(1,610)	1:A:115:CYS:H	1:A:101:HIS:H	20	0.26
(1,497)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:H	7	0.26
(1,497)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:H	7	0.26
(1,497)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:H	7	0.26
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG11	8	0.26
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG12	8	0.26
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG13	8	0.26
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD21	8	0.26
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD22	8	0.26
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD23	8	0.26
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD21	8	0.26
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD22	8	0.26
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD23	8	0.26
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD21	8	0.26
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD22	8	0.26
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD23	8	0.26
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD21	20	0.26
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD22	20	0.26
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD23	20	0.26
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD21	20	0.26
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD22	20	0.26
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD23	20	0.26
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD21	20	0.26
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD22	20	0.26
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD23	20	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,393)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:46:VAL:HG11	19	0.26
(1,393)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:46:VAL:HG12	19	0.26
(1,393)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:46:VAL:HG13	19	0.26
(1,393)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:46:VAL:HG11	19	0.26
(1,393)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:46:VAL:HG12	19	0.26
(1,393)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:46:VAL:HG13	19	0.26
(1,393)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:46:VAL:HG11	19	0.26
(1,393)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:46:VAL:HG12	19	0.26
(1,393)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:46:VAL:HG13	19	0.26
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD11	1	0.26
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD12	1	0.26
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD13	1	0.26
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD11	1	0.26
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD12	1	0.26
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD13	1	0.26
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD11	1	0.26
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD12	1	0.26
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD13	1	0.26
(1,219)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:74:GLU:H	16	0.26
(1,219)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:74:GLU:H	16	0.26
(1,219)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:74:GLU:H	16	0.26
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG11	5	0.26
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG12	5	0.26
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG13	5	0.26
(1,13)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:131:GLU:H	17	0.26
(1,13)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:131:GLU:H	17	0.26
(1,13)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:131:GLU:H	17	0.26
(1,84)	1:A:10:LYS:H	1:A:12:LEU:H	18	0.25
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG11	13	0.25
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG12	13	0.25
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG13	13	0.25
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD21	16	0.25
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD22	16	0.25
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD23	16	0.25
(1,558)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:132:GLU:H	2	0.25
(1,558)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:132:GLU:H	2	0.25
(1,558)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:132:GLU:H	2	0.25
(1,524)	1:A:91:ARG:H	1:A:99:LEU:HD11	19	0.25
(1,524)	1:A:91:ARG:H	1:A:99:LEU:HD12	19	0.25
(1,524)	1:A:91:ARG:H	1:A:99:LEU:HD13	19	0.25
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD21	1	0.25
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD22	1	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD23	1	0.25
(1,33)	1:A:92:SER:H	1:A:99:LEU:HD11	10	0.25
(1,33)	1:A:92:SER:H	1:A:99:LEU:HD12	10	0.25
(1,33)	1:A:92:SER:H	1:A:99:LEU:HD13	10	0.25
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD11	6	0.25
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD12	6	0.25
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD13	6	0.25
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD11	6	0.25
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD12	6	0.25
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD13	6	0.25
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD11	6	0.25
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD12	6	0.25
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD13	6	0.25
(1,24)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:134:TYR:H	17	0.25
(1,24)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:134:TYR:H	17	0.25
(1,24)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:134:TYR:H	17	0.25
(1,24)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:134:TYR:H	19	0.25
(1,24)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:134:TYR:H	19	0.25
(1,24)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:134:TYR:H	19	0.25
(1,98)	1:A:31:ASN:H	1:A:34:TRP:H	13	0.24
(1,84)	1:A:10:LYS:H	1:A:12:LEU:H	3	0.24
(1,84)	1:A:10:LYS:H	1:A:12:LEU:H	14	0.24
(1,610)	1:A:115:CYS:H	1:A:101:HIS:H	5	0.24
(1,609)	1:A:102:VAL:H	1:A:88:THR:H	2	0.24
(1,483)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:49:LYS:H	9	0.24
(1,483)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:49:LYS:H	9	0.24
(1,483)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:49:LYS:H	9	0.24
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD21	8	0.24
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD22	8	0.24
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD23	8	0.24
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD11	9	0.24
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD12	9	0.24
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD13	9	0.24
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD11	9	0.24
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD12	9	0.24
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD13	9	0.24
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD11	9	0.24
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD12	9	0.24
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD13	9	0.24
(1,40)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:97:SER:H	10	0.24
(1,40)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:97:SER:H	10	0.24
(1,40)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:97:SER:H	10	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,307)	1:A:32:GLU:H	1:A:34:TRP:H	14	0.24
(1,299)	1:A:15:MET:H	1:A:18:GLU:H	6	0.24
(1,284)	1:A:6:GLU:H	1:A:8:LYS:H	12	0.24
(1,275)	1:A:92:SER:H	1:A:99:LEU:H	17	0.24
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD11	20	0.24
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD12	20	0.24
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD13	20	0.24
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD11	20	0.24
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD12	20	0.24
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD13	20	0.24
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD11	20	0.24
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD12	20	0.24
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD13	20	0.24
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD11	11	0.24
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD12	11	0.24
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD13	11	0.24
(1,247)	1:A:121:LEU:HD11	1:A:122:ARG:H	1	0.24
(1,247)	1:A:121:LEU:HD12	1:A:122:ARG:H	1	0.24
(1,247)	1:A:121:LEU:HD13	1:A:122:ARG:H	1	0.24
(1,247)	1:A:121:LEU:HD11	1:A:122:ARG:H	16	0.24
(1,247)	1:A:121:LEU:HD12	1:A:122:ARG:H	16	0.24
(1,247)	1:A:121:LEU:HD13	1:A:122:ARG:H	16	0.24
(1,222)	1:A:71:ILE:HD11	1:A:140:LEU:HD21	12	0.24
(1,222)	1:A:71:ILE:HD11	1:A:140:LEU:HD22	12	0.24
(1,222)	1:A:71:ILE:HD11	1:A:140:LEU:HD23	12	0.24
(1,222)	1:A:71:ILE:HD12	1:A:140:LEU:HD21	12	0.24
(1,222)	1:A:71:ILE:HD12	1:A:140:LEU:HD22	12	0.24
(1,222)	1:A:71:ILE:HD12	1:A:140:LEU:HD23	12	0.24
(1,222)	1:A:71:ILE:HD13	1:A:140:LEU:HD21	12	0.24
(1,222)	1:A:71:ILE:HD13	1:A:140:LEU:HD22	12	0.24
(1,222)	1:A:71:ILE:HD13	1:A:140:LEU:HD23	12	0.24
(1,161)	1:A:133:GLY:H	1:A:135:GLU:H	5	0.24
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD21	2	0.24
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD22	2	0.24
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD23	2	0.24
(1,8)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:42:TYR:H	11	0.23
(1,8)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:42:TYR:H	11	0.23
(1,8)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:42:TYR:H	11	0.23
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD21	18	0.23
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD22	18	0.23
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD23	18	0.23
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD21	18	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD22	18	0.23
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD23	18	0.23
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD21	18	0.23
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD22	18	0.23
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD23	18	0.23
(1,503)	1:A:76:GLU:H	1:A:99:LEU:HD21	10	0.23
(1,503)	1:A:76:GLU:H	1:A:99:LEU:HD22	10	0.23
(1,503)	1:A:76:GLU:H	1:A:99:LEU:HD23	10	0.23
(1,483)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:49:LYS:H	6	0.23
(1,483)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:49:LYS:H	6	0.23
(1,483)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:49:LYS:H	6	0.23
(1,454)	1:A:134:TYR:H	1:A:138:LEU:HD21	17	0.23
(1,454)	1:A:134:TYR:H	1:A:138:LEU:HD22	17	0.23
(1,454)	1:A:134:TYR:H	1:A:138:LEU:HD23	17	0.23
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG21	5	0.23
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG22	5	0.23
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG23	5	0.23
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD21	18	0.23
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD22	18	0.23
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD23	18	0.23
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD21	6	0.23
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD22	6	0.23
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD23	6	0.23
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD21	6	0.23
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD22	6	0.23
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD23	6	0.23
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD21	6	0.23
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD22	6	0.23
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD23	6	0.23
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD21	12	0.23
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD22	12	0.23
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD23	12	0.23
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD21	12	0.23
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD22	12	0.23
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD23	12	0.23
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD21	12	0.23
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD22	12	0.23
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD23	12	0.23
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD21	15	0.23
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD22	15	0.23
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD23	15	0.23
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD21	15	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD22	15	0.23
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD23	15	0.23
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD21	15	0.23
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD22	15	0.23
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD23	15	0.23
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD11	8	0.23
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD12	8	0.23
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD13	8	0.23
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD11	8	0.23
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD12	8	0.23
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD13	8	0.23
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD11	8	0.23
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD12	8	0.23
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD13	8	0.23
(1,40)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:97:SER:H	12	0.23
(1,40)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:97:SER:H	12	0.23
(1,40)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:97:SER:H	12	0.23
(1,368)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:H	3	0.23
(1,270)	1:A:42:TYR:H	1:A:54:SER:H	17	0.23
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD11	16	0.23
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD12	16	0.23
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD13	16	0.23
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD11	12	0.23
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD12	12	0.23
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD13	12	0.23
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD11	12	0.23
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD12	12	0.23
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD13	12	0.23
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD11	12	0.23
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD12	12	0.23
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD13	12	0.23
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD11	1	0.23
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD12	1	0.23
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD13	1	0.23
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD11	8	0.23
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD12	8	0.23
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD13	8	0.23
(1,247)	1:A:121:LEU:HD11	1:A:122:ARG:H	17	0.23
(1,247)	1:A:121:LEU:HD12	1:A:122:ARG:H	17	0.23
(1,247)	1:A:121:LEU:HD13	1:A:122:ARG:H	17	0.23
(1,211)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:138:LEU:HD11	2	0.23
(1,211)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:138:LEU:HD12	2	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,211)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:138:LEU:HD13	2	0.23
(1,211)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:138:LEU:HD11	2	0.23
(1,211)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:138:LEU:HD12	2	0.23
(1,211)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:138:LEU:HD13	2	0.23
(1,211)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:138:LEU:HD11	2	0.23
(1,211)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:138:LEU:HD12	2	0.23
(1,211)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:138:LEU:HD13	2	0.23
(1,131)	1:A:17:TYR:H	1:A:19:VAL:H	8	0.23
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG11	9	0.22
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG12	9	0.22
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG13	9	0.22
(1,571)	1:A:140:LEU:HD11	1:A:141:PHE:H	16	0.22
(1,571)	1:A:140:LEU:HD12	1:A:141:PHE:H	16	0.22
(1,571)	1:A:140:LEU:HD13	1:A:141:PHE:H	16	0.22
(1,549)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD21	11	0.22
(1,549)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD22	11	0.22
(1,549)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD23	11	0.22
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD21	11	0.22
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD22	11	0.22
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD23	11	0.22
(1,47)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:115:CYS:H	15	0.22
(1,47)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:115:CYS:H	15	0.22
(1,47)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:115:CYS:H	15	0.22
(1,468)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:23:ASN:H	15	0.22
(1,468)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:23:ASN:H	15	0.22
(1,468)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:23:ASN:H	15	0.22
(1,464)	1:A:16:GLN:H	1:A:46:VAL:HG11	4	0.22
(1,464)	1:A:16:GLN:H	1:A:46:VAL:HG12	4	0.22
(1,464)	1:A:16:GLN:H	1:A:46:VAL:HG13	4	0.22
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG21	8	0.22
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG22	8	0.22
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG23	8	0.22
(1,445)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:113:ARG:H	14	0.22
(1,445)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:113:ARG:H	14	0.22
(1,445)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:113:ARG:H	14	0.22
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD21	9	0.22
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD22	9	0.22
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD23	9	0.22
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD21	15	0.22
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD22	15	0.22
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD23	15	0.22
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD11	11	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD12	11	0.22
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD13	11	0.22
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD11	11	0.22
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD12	11	0.22
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD13	11	0.22
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD11	11	0.22
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD12	11	0.22
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD13	11	0.22
(1,384)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:99:LEU:HD21	2	0.22
(1,384)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:99:LEU:HD22	2	0.22
(1,384)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:99:LEU:HD23	2	0.22
(1,384)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:99:LEU:HD21	2	0.22
(1,384)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:99:LEU:HD22	2	0.22
(1,384)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:99:LEU:HD23	2	0.22
(1,384)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:99:LEU:HD21	2	0.22
(1,384)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:99:LEU:HD22	2	0.22
(1,384)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:99:LEU:HD23	2	0.22
(1,374)	1:A:132:GLU:H	1:A:134:TYR:H	20	0.22
(1,329)	1:A:79:LEU:H	1:A:89:GLU:H	3	0.22
(1,25)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:123:PHE:H	5	0.22
(1,25)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:123:PHE:H	5	0.22
(1,25)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:123:PHE:H	5	0.22
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD11	15	0.22
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD12	15	0.22
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD13	15	0.22
(1,24)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:134:TYR:H	11	0.22
(1,24)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:134:TYR:H	11	0.22
(1,24)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:134:TYR:H	11	0.22
(1,192)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:117:ASN:H	10	0.22
(1,192)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:117:ASN:H	10	0.22
(1,192)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:117:ASN:H	10	0.22
(1,161)	1:A:133:GLY:H	1:A:135:GLU:H	17	0.22
(1,115)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:H	16	0.22
(1,610)	1:A:115:CYS:H	1:A:101:HIS:H	7	0.21
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG11	5	0.21
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG12	5	0.21
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG13	5	0.21
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG11	6	0.21
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG12	6	0.21
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG13	6	0.21
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG11	7	0.21
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG12	7	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG13	7	0.21
(1,548)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD11	4	0.21
(1,548)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD12	4	0.21
(1,548)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD13	4	0.21
(1,505)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:76:GLU:H	10	0.21
(1,505)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:76:GLU:H	10	0.21
(1,505)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:76:GLU:H	10	0.21
(1,493)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:52:PHE:H	16	0.21
(1,493)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:52:PHE:H	16	0.21
(1,493)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:52:PHE:H	16	0.21
(1,468)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:23:ASN:H	19	0.21
(1,468)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:23:ASN:H	19	0.21
(1,468)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:23:ASN:H	19	0.21
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG21	16	0.21
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG22	16	0.21
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG23	16	0.21
(1,445)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:113:ARG:H	15	0.21
(1,445)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:113:ARG:H	15	0.21
(1,445)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:113:ARG:H	15	0.21
(1,438)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:120:ALA:H	11	0.21
(1,438)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:120:ALA:H	11	0.21
(1,438)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:120:ALA:H	11	0.21
(1,431)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:103:PHE:H	4	0.21
(1,431)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:103:PHE:H	4	0.21
(1,431)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:103:PHE:H	4	0.21
(1,431)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:103:PHE:H	10	0.21
(1,431)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:103:PHE:H	10	0.21
(1,431)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:103:PHE:H	10	0.21
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD21	7	0.21
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD22	7	0.21
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD23	7	0.21
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD21	11	0.21
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD22	11	0.21
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD23	11	0.21
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD21	3	0.21
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD22	3	0.21
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD23	3	0.21
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD21	3	0.21
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD22	3	0.21
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD23	3	0.21
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD21	3	0.21
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD22	3	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD23	3	0.21
(1,407)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:46:VAL:HG21	19	0.21
(1,407)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:46:VAL:HG22	19	0.21
(1,407)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:46:VAL:HG23	19	0.21
(1,407)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:46:VAL:HG21	19	0.21
(1,407)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:46:VAL:HG22	19	0.21
(1,407)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:46:VAL:HG23	19	0.21
(1,407)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:46:VAL:HG21	19	0.21
(1,407)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:46:VAL:HG22	19	0.21
(1,407)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:46:VAL:HG23	19	0.21
(1,4)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:H	20	0.21
(1,4)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:H	20	0.21
(1,4)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:H	20	0.21
(1,393)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:46:VAL:HG11	11	0.21
(1,393)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:46:VAL:HG12	11	0.21
(1,393)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:46:VAL:HG13	11	0.21
(1,393)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:46:VAL:HG11	11	0.21
(1,393)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:46:VAL:HG12	11	0.21
(1,393)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:46:VAL:HG13	11	0.21
(1,393)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:46:VAL:HG11	11	0.21
(1,393)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:46:VAL:HG12	11	0.21
(1,393)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:46:VAL:HG13	11	0.21
(1,361)	1:A:45:ILE:H	1:A:122:ARG:H	15	0.21
(1,337)	1:A:76:GLU:H	1:A:91:ARG:H	16	0.21
(1,33)	1:A:92:SER:H	1:A:99:LEU:HD11	16	0.21
(1,33)	1:A:92:SER:H	1:A:99:LEU:HD12	16	0.21
(1,33)	1:A:92:SER:H	1:A:99:LEU:HD13	16	0.21
(1,329)	1:A:79:LEU:H	1:A:89:GLU:H	10	0.21
(1,299)	1:A:15:MET:H	1:A:18:GLU:H	19	0.21
(1,283)	1:A:131:GLU:H	1:A:134:TYR:H	8	0.21
(1,277)	1:A:103:PHE:H	1:A:106:GLY:H	15	0.21
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD11	10	0.21
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD12	10	0.21
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD13	10	0.21
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD11	9	0.21
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD12	9	0.21
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD13	9	0.21
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD11	9	0.21
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD12	9	0.21
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD13	9	0.21
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD11	9	0.21
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD12	9	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD13	9	0.21
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD11	16	0.21
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD12	16	0.21
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD13	16	0.21
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD11	16	0.21
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD12	16	0.21
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD13	16	0.21
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD11	16	0.21
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD12	16	0.21
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD13	16	0.21
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD11	17	0.21
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD12	17	0.21
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD13	17	0.21
(1,148)	1:A:44:ASP:H	1:A:122:ARG:H	1	0.21
(1,131)	1:A:17:TYR:H	1:A:19:VAL:H	13	0.21
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD21	12	0.21
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD22	12	0.21
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD23	12	0.21
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD21	14	0.21
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD22	14	0.21
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD23	14	0.21
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD11	5	0.2
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD12	5	0.2
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD13	5	0.2
(1,609)	1:A:102:VAL:H	1:A:88:THR:H	19	0.2
(1,608)	1:A:100:GLY:H	1:A:90:VAL:H	19	0.2
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG11	16	0.2
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG12	16	0.2
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG13	16	0.2
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG21	3	0.2
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG22	3	0.2
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG23	3	0.2
(1,493)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:52:PHE:H	12	0.2
(1,493)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:52:PHE:H	12	0.2
(1,493)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:52:PHE:H	12	0.2
(1,493)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:52:PHE:H	17	0.2
(1,493)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:52:PHE:H	17	0.2
(1,493)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:52:PHE:H	17	0.2
(1,468)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:23:ASN:H	16	0.2
(1,468)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:23:ASN:H	16	0.2
(1,468)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:23:ASN:H	16	0.2
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG11	1	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG12	1	0.2
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG13	1	0.2
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG11	16	0.2
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG12	16	0.2
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG13	16	0.2
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG11	18	0.2
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG12	18	0.2
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG13	18	0.2
(1,435)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:26:GLU:H	5	0.2
(1,435)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:26:GLU:H	5	0.2
(1,435)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:26:GLU:H	5	0.2
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD21	6	0.2
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD22	6	0.2
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD23	6	0.2
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD21	1	0.2
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD22	1	0.2
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD23	1	0.2
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD21	1	0.2
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD22	1	0.2
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD23	1	0.2
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD21	1	0.2
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD22	1	0.2
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD23	1	0.2
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD21	18	0.2
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD22	18	0.2
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD23	18	0.2
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD21	18	0.2
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD22	18	0.2
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD23	18	0.2
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD21	18	0.2
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD22	18	0.2
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD23	18	0.2
(1,33)	1:A:92:SER:H	1:A:99:LEU:HD11	14	0.2
(1,33)	1:A:92:SER:H	1:A:99:LEU:HD12	14	0.2
(1,33)	1:A:92:SER:H	1:A:99:LEU:HD13	14	0.2
(1,281)	1:A:110:ASN:HD22	1:A:112:LEU:H	4	0.2
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD11	6	0.2
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD12	6	0.2
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD13	6	0.2
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD11	11	0.2
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD12	11	0.2
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD13	11	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,25)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:123:PHE:H	1	0.2
(1,25)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:123:PHE:H	1	0.2
(1,25)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:123:PHE:H	1	0.2
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD11	20	0.2
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD12	20	0.2
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD13	20	0.2
(1,240)	1:A:75:VAL:H	1:A:99:LEU:HD11	19	0.2
(1,240)	1:A:75:VAL:H	1:A:99:LEU:HD12	19	0.2
(1,240)	1:A:75:VAL:H	1:A:99:LEU:HD13	19	0.2
(1,219)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:74:GLU:H	4	0.2
(1,219)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:74:GLU:H	4	0.2
(1,219)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:74:GLU:H	4	0.2
(1,192)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:117:ASN:H	3	0.2
(1,192)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:117:ASN:H	3	0.2
(1,192)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:117:ASN:H	3	0.2
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD21	9	0.2
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD22	9	0.2
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD23	9	0.2
(1,106)	1:A:105:ASP:H	1:A:113:ARG:H	14	0.2
(1,84)	1:A:10:LYS:H	1:A:12:LEU:H	5	0.19
(1,84)	1:A:10:LYS:H	1:A:12:LEU:H	6	0.19
(1,70)	1:A:16:GLN:HE21	1:A:46:VAL:H	17	0.19
(1,68)	1:A:34:TRP:H	1:A:36:HIS:H	19	0.19
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD11	10	0.19
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD12	10	0.19
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD13	10	0.19
(1,601)	1:A:142:ASN:HD21	1:A:144:LEU:HD11	3	0.19
(1,601)	1:A:142:ASN:HD21	1:A:144:LEU:HD12	3	0.19
(1,601)	1:A:142:ASN:HD21	1:A:144:LEU:HD13	3	0.19
(1,601)	1:A:142:ASN:HD21	1:A:144:LEU:HD21	3	0.19
(1,601)	1:A:142:ASN:HD21	1:A:144:LEU:HD22	3	0.19
(1,601)	1:A:142:ASN:HD21	1:A:144:LEU:HD23	3	0.19
(1,601)	1:A:142:ASN:HD22	1:A:144:LEU:HD11	3	0.19
(1,601)	1:A:142:ASN:HD22	1:A:144:LEU:HD12	3	0.19
(1,601)	1:A:142:ASN:HD22	1:A:144:LEU:HD13	3	0.19
(1,601)	1:A:142:ASN:HD22	1:A:144:LEU:HD21	3	0.19
(1,601)	1:A:142:ASN:HD22	1:A:144:LEU:HD22	3	0.19
(1,601)	1:A:142:ASN:HD22	1:A:144:LEU:HD23	3	0.19
(1,588)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:22:ASN:H	7	0.19
(1,588)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:22:ASN:H	7	0.19
(1,588)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:22:ASN:H	7	0.19
(1,580)	1:A:112:LEU:HD21	1:A:113:ARG:H	15	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,580)	1:A:112:LEU:HD22	1:A:113:ARG:H	15	0.19
(1,580)	1:A:112:LEU:HD23	1:A:113:ARG:H	15	0.19
(1,571)	1:A:140:LEU:HD11	1:A:141:PHE:H	1	0.19
(1,571)	1:A:140:LEU:HD12	1:A:141:PHE:H	1	0.19
(1,571)	1:A:140:LEU:HD13	1:A:141:PHE:H	1	0.19
(1,565)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:H	9	0.19
(1,565)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:H	9	0.19
(1,565)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:H	9	0.19
(1,546)	1:A:121:LEU:H	1:A:121:LEU:HD21	18	0.19
(1,546)	1:A:121:LEU:H	1:A:121:LEU:HD22	18	0.19
(1,546)	1:A:121:LEU:H	1:A:121:LEU:HD23	18	0.19
(1,536)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:102:VAL:H	5	0.19
(1,536)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:102:VAL:H	5	0.19
(1,536)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:102:VAL:H	5	0.19
(1,493)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:52:PHE:H	9	0.19
(1,493)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:52:PHE:H	9	0.19
(1,493)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:52:PHE:H	9	0.19
(1,493)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:52:PHE:H	11	0.19
(1,493)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:52:PHE:H	11	0.19
(1,493)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:52:PHE:H	11	0.19
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD11	20	0.19
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD12	20	0.19
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD13	20	0.19
(1,469)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:24:GLY:H	11	0.19
(1,469)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:24:GLY:H	11	0.19
(1,469)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:24:GLY:H	11	0.19
(1,454)	1:A:134:TYR:H	1:A:138:LEU:HD21	2	0.19
(1,454)	1:A:134:TYR:H	1:A:138:LEU:HD22	2	0.19
(1,454)	1:A:134:TYR:H	1:A:138:LEU:HD23	2	0.19
(1,451)	1:A:75:VAL:HG11	1:A:91:ARG:H	11	0.19
(1,451)	1:A:75:VAL:HG12	1:A:91:ARG:H	11	0.19
(1,451)	1:A:75:VAL:HG13	1:A:91:ARG:H	11	0.19
(1,416)	1:A:86:ILE:H	1:A:86:ILE:HD11	19	0.19
(1,416)	1:A:86:ILE:H	1:A:86:ILE:HD12	19	0.19
(1,416)	1:A:86:ILE:H	1:A:86:ILE:HD13	19	0.19
(1,329)	1:A:79:LEU:H	1:A:89:GLU:H	6	0.19
(1,298)	1:A:14:ARG:H	1:A:17:TYR:H	4	0.19
(1,298)	1:A:14:ARG:H	1:A:17:TYR:H	7	0.19
(1,298)	1:A:14:ARG:H	1:A:17:TYR:H	14	0.19
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD11	8	0.19
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD12	8	0.19
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD13	8	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD11	8	0.19
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD12	8	0.19
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD13	8	0.19
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD11	8	0.19
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD12	8	0.19
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD13	8	0.19
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD11	9	0.19
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD12	9	0.19
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD13	9	0.19
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD11	9	0.19
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD12	9	0.19
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD13	9	0.19
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD11	9	0.19
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD12	9	0.19
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD13	9	0.19
(1,24)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:134:TYR:H	7	0.19
(1,24)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:134:TYR:H	7	0.19
(1,24)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:134:TYR:H	7	0.19
(1,237)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:129:LEU:HD11	3	0.19
(1,237)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:129:LEU:HD12	3	0.19
(1,237)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:129:LEU:HD13	3	0.19
(1,237)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:129:LEU:HD11	3	0.19
(1,237)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:129:LEU:HD12	3	0.19
(1,237)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:129:LEU:HD13	3	0.19
(1,237)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:129:LEU:HD11	3	0.19
(1,237)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:129:LEU:HD12	3	0.19
(1,237)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:129:LEU:HD13	3	0.19
(1,201)	1:A:88:THR:H	1:A:102:VAL:HG11	12	0.19
(1,201)	1:A:88:THR:H	1:A:102:VAL:HG12	12	0.19
(1,201)	1:A:88:THR:H	1:A:102:VAL:HG13	12	0.19
(1,192)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:117:ASN:H	2	0.19
(1,192)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:117:ASN:H	2	0.19
(1,192)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:117:ASN:H	2	0.19
(1,162)	1:A:92:SER:H	1:A:96:ASP:H	20	0.19
(1,131)	1:A:17:TYR:H	1:A:19:VAL:H	12	0.19
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD21	13	0.19
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD22	13	0.19
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD23	13	0.19
(1,9)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:138:LEU:H	8	0.18
(1,9)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:138:LEU:H	8	0.18
(1,9)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:138:LEU:H	8	0.18
(1,70)	1:A:16:GLN:HE21	1:A:46:VAL:H	2	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,70)	1:A:16:GLN:HE21	1:A:46:VAL:H	10	0.18
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD21	1	0.18
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD22	1	0.18
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD23	1	0.18
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD21	1	0.18
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD22	1	0.18
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD23	1	0.18
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD21	1	0.18
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD22	1	0.18
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD23	1	0.18
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD21	11	0.18
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD22	11	0.18
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD23	11	0.18
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD21	11	0.18
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD22	11	0.18
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD23	11	0.18
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD21	11	0.18
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD22	11	0.18
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD23	11	0.18
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD21	13	0.18
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD22	13	0.18
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD23	13	0.18
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD21	13	0.18
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD22	13	0.18
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD23	13	0.18
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD21	13	0.18
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD22	13	0.18
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD23	13	0.18
(1,610)	1:A:115:CYS:H	1:A:101:HIS:H	3	0.18
(1,610)	1:A:115:CYS:H	1:A:101:HIS:H	4	0.18
(1,605)	1:A:54:SER:H	1:A:40:GLY:H	15	0.18
(1,600)	1:A:142:ASN:H	1:A:142:ASN:HD21	2	0.18
(1,600)	1:A:142:ASN:H	1:A:142:ASN:HD22	2	0.18
(1,565)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:H	10	0.18
(1,565)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:H	10	0.18
(1,565)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:H	10	0.18
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG21	4	0.18
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG22	4	0.18
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG23	4	0.18
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG21	10	0.18
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG22	10	0.18
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG23	10	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD21	1	0.18
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD22	1	0.18
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD23	1	0.18
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD21	7	0.18
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD22	7	0.18
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD23	7	0.18
(1,507)	1:A:75:VAL:HG11	1:A:77:GLU:H	4	0.18
(1,507)	1:A:75:VAL:HG12	1:A:77:GLU:H	4	0.18
(1,507)	1:A:75:VAL:HG13	1:A:77:GLU:H	4	0.18
(1,505)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:76:GLU:H	17	0.18
(1,505)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:76:GLU:H	17	0.18
(1,505)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:76:GLU:H	17	0.18
(1,497)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:H	9	0.18
(1,497)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:H	9	0.18
(1,497)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:H	9	0.18
(1,493)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:52:PHE:H	4	0.18
(1,493)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:52:PHE:H	4	0.18
(1,493)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:52:PHE:H	4	0.18
(1,47)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:115:CYS:H	14	0.18
(1,47)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:115:CYS:H	14	0.18
(1,47)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:115:CYS:H	14	0.18
(1,451)	1:A:75:VAL:HG11	1:A:91:ARG:H	3	0.18
(1,451)	1:A:75:VAL:HG12	1:A:91:ARG:H	3	0.18
(1,451)	1:A:75:VAL:HG13	1:A:91:ARG:H	3	0.18
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD11	10	0.18
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD12	10	0.18
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD13	10	0.18
(1,435)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:26:GLU:H	2	0.18
(1,435)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:26:GLU:H	2	0.18
(1,435)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:26:GLU:H	2	0.18
(1,431)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:103:PHE:H	12	0.18
(1,431)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:103:PHE:H	12	0.18
(1,431)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:103:PHE:H	12	0.18
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD21	14	0.18
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD22	14	0.18
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD23	14	0.18
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD21	14	0.18
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD22	14	0.18
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD23	14	0.18
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD21	14	0.18
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD22	14	0.18
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD23	14	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,375)	1:A:131:GLU:H	1:A:133:GLY:H	15	0.18
(1,353)	1:A:104:ASN:H	1:A:106:GLY:H	13	0.18
(1,33)	1:A:92:SER:H	1:A:99:LEU:HD11	20	0.18
(1,33)	1:A:92:SER:H	1:A:99:LEU:HD12	20	0.18
(1,33)	1:A:92:SER:H	1:A:99:LEU:HD13	20	0.18
(1,303)	1:A:18:GLU:H	1:A:20:THR:H	20	0.18
(1,266)	1:A:19:VAL:H	1:A:21:GLN:H	1	0.18
(1,266)	1:A:19:VAL:H	1:A:21:GLN:H	2	0.18
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD11	7	0.18
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD12	7	0.18
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD13	7	0.18
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD11	14	0.18
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD12	14	0.18
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD13	14	0.18
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD11	7	0.18
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD12	7	0.18
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD13	7	0.18
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD11	7	0.18
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD12	7	0.18
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD13	7	0.18
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD11	7	0.18
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD12	7	0.18
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD13	7	0.18
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD11	12	0.18
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD12	12	0.18
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD13	12	0.18
(1,247)	1:A:121:LEU:HD11	1:A:122:ARG:H	20	0.18
(1,247)	1:A:121:LEU:HD12	1:A:122:ARG:H	20	0.18
(1,247)	1:A:121:LEU:HD13	1:A:122:ARG:H	20	0.18
(1,24)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:134:TYR:H	6	0.18
(1,24)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:134:TYR:H	6	0.18
(1,24)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:134:TYR:H	6	0.18
(1,219)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:74:GLU:H	5	0.18
(1,219)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:74:GLU:H	5	0.18
(1,219)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:74:GLU:H	5	0.18
(1,192)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:117:ASN:H	13	0.18
(1,192)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:117:ASN:H	13	0.18
(1,192)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:117:ASN:H	13	0.18
(1,182)	1:A:90:VAL:HG21	1:A:99:LEU:H	19	0.18
(1,182)	1:A:90:VAL:HG22	1:A:99:LEU:H	19	0.18
(1,182)	1:A:90:VAL:HG23	1:A:99:LEU:H	19	0.18
(1,176)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:45:ILE:HD11	12	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,176)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:45:ILE:HD12	12	0.18
(1,176)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:45:ILE:HD13	12	0.18
(1,176)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:45:ILE:HD11	12	0.18
(1,176)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:45:ILE:HD12	12	0.18
(1,176)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:45:ILE:HD13	12	0.18
(1,176)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:45:ILE:HD11	12	0.18
(1,176)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:45:ILE:HD12	12	0.18
(1,176)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:45:ILE:HD13	12	0.18
(1,145)	1:A:128:LYS:H	1:A:130:LYS:H	3	0.18
(1,115)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:H	10	0.18
(1,83)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:H	13	0.17
(1,8)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:42:TYR:H	6	0.17
(1,8)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:42:TYR:H	6	0.17
(1,8)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:42:TYR:H	6	0.17
(1,63)	1:A:54:SER:HG	1:A:57:LYS:H	7	0.17
(1,608)	1:A:100:GLY:H	1:A:90:VAL:H	20	0.17
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG11	3	0.17
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG12	3	0.17
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG13	3	0.17
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG11	19	0.17
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG12	19	0.17
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG13	19	0.17
(1,561)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:134:TYR:H	1	0.17
(1,561)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:134:TYR:H	1	0.17
(1,561)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:134:TYR:H	1	0.17
(1,561)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:134:TYR:H	6	0.17
(1,561)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:134:TYR:H	6	0.17
(1,561)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:134:TYR:H	6	0.17
(1,548)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD11	18	0.17
(1,548)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD12	18	0.17
(1,548)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD13	18	0.17
(1,525)	1:A:98:HIS:H	1:A:99:LEU:HD21	20	0.17
(1,525)	1:A:98:HIS:H	1:A:99:LEU:HD22	20	0.17
(1,525)	1:A:98:HIS:H	1:A:99:LEU:HD23	20	0.17
(1,514)	1:A:86:ILE:HD11	1:A:87:ARG:H	1	0.17
(1,514)	1:A:86:ILE:HD12	1:A:87:ARG:H	1	0.17
(1,514)	1:A:86:ILE:HD13	1:A:87:ARG:H	1	0.17
(1,512)	1:A:79:LEU:HD21	1:A:87:ARG:H	9	0.17
(1,512)	1:A:79:LEU:HD22	1:A:87:ARG:H	9	0.17
(1,512)	1:A:79:LEU:HD23	1:A:87:ARG:H	9	0.17
(1,493)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:52:PHE:H	15	0.17
(1,493)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:52:PHE:H	15	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,493)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:52:PHE:H	15	0.17
(1,48)	1:A:79:LEU:HD11	1:A:88:THR:H	3	0.17
(1,48)	1:A:79:LEU:HD12	1:A:88:THR:H	3	0.17
(1,48)	1:A:79:LEU:HD13	1:A:88:THR:H	3	0.17
(1,472)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:42:TYR:H	5	0.17
(1,472)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:42:TYR:H	5	0.17
(1,472)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:42:TYR:H	5	0.17
(1,47)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:115:CYS:H	3	0.17
(1,47)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:115:CYS:H	3	0.17
(1,47)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:115:CYS:H	3	0.17
(1,47)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:115:CYS:H	13	0.17
(1,47)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:115:CYS:H	13	0.17
(1,47)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:115:CYS:H	13	0.17
(1,468)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:23:ASN:H	8	0.17
(1,468)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:23:ASN:H	8	0.17
(1,468)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:23:ASN:H	8	0.17
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG21	12	0.17
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG22	12	0.17
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG23	12	0.17
(1,443)	1:A:90:VAL:HG21	1:A:101:HIS:H	5	0.17
(1,443)	1:A:90:VAL:HG22	1:A:101:HIS:H	5	0.17
(1,443)	1:A:90:VAL:HG23	1:A:101:HIS:H	5	0.17
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD21	19	0.17
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD22	19	0.17
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD23	19	0.17
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD21	19	0.17
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD22	19	0.17
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD23	19	0.17
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD21	19	0.17
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD22	19	0.17
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD23	19	0.17
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG21	2	0.17
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG22	2	0.17
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG23	2	0.17
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG21	2	0.17
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG22	2	0.17
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG23	2	0.17
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG21	2	0.17
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG22	2	0.17
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG23	2	0.17
(1,384)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:99:LEU:HD21	7	0.17
(1,384)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:99:LEU:HD22	7	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,384)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:99:LEU:HD23	7	0.17
(1,384)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:99:LEU:HD21	7	0.17
(1,384)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:99:LEU:HD22	7	0.17
(1,384)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:99:LEU:HD23	7	0.17
(1,384)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:99:LEU:HD21	7	0.17
(1,384)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:99:LEU:HD22	7	0.17
(1,384)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:99:LEU:HD23	7	0.17
(1,379)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:H	14	0.17
(1,377)	1:A:134:TYR:H	1:A:135:GLU:H	7	0.17
(1,283)	1:A:131:GLU:H	1:A:134:TYR:H	17	0.17
(1,279)	1:A:26:GLU:H	1:A:64:TRP:HE1	18	0.17
(1,266)	1:A:19:VAL:H	1:A:21:GLN:H	5	0.17
(1,266)	1:A:19:VAL:H	1:A:21:GLN:H	10	0.17
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD11	4	0.17
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD12	4	0.17
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD13	4	0.17
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD11	4	0.17
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD12	4	0.17
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD13	4	0.17
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD11	4	0.17
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD12	4	0.17
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD13	4	0.17
(1,247)	1:A:121:LEU:HD11	1:A:122:ARG:H	11	0.17
(1,247)	1:A:121:LEU:HD12	1:A:122:ARG:H	11	0.17
(1,247)	1:A:121:LEU:HD13	1:A:122:ARG:H	11	0.17
(1,232)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:13:ASN:HD22	9	0.17
(1,232)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:13:ASN:HD22	9	0.17
(1,232)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:13:ASN:HD22	9	0.17
(1,201)	1:A:88:THR:H	1:A:102:VAL:HG11	1	0.17
(1,201)	1:A:88:THR:H	1:A:102:VAL:HG12	1	0.17
(1,201)	1:A:88:THR:H	1:A:102:VAL:HG13	1	0.17
(1,192)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:117:ASN:H	6	0.17
(1,192)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:117:ASN:H	6	0.17
(1,192)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:117:ASN:H	6	0.17
(1,191)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:117:ASN:HD21	13	0.17
(1,191)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:117:ASN:HD21	13	0.17
(1,191)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:117:ASN:HD21	13	0.17
(1,19)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:127:HIS:H	11	0.17
(1,19)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:127:HIS:H	11	0.17
(1,19)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:127:HIS:H	11	0.17
(1,15)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG11	20	0.17
(1,15)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG12	20	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,15)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG13	20	0.17
(1,147)	1:A:130:LYS:H	1:A:134:TYR:H	13	0.17
(1,139)	1:A:46:VAL:H	1:A:48:GLY:H	3	0.17
(1,13)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:131:GLU:H	19	0.17
(1,13)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:131:GLU:H	19	0.17
(1,13)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:131:GLU:H	19	0.17
(1,119)	1:A:88:THR:H	1:A:102:VAL:H	15	0.17
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD21	1	0.17
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD22	1	0.17
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD23	1	0.17
(1,98)	1:A:31:ASN:H	1:A:34:TRP:H	12	0.16
(1,93)	1:A:8:LYS:H	1:A:10:LYS:H	12	0.16
(1,9)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:138:LEU:H	9	0.16
(1,9)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:138:LEU:H	9	0.16
(1,9)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:138:LEU:H	9	0.16
(1,9)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:138:LEU:H	10	0.16
(1,9)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:138:LEU:H	10	0.16
(1,9)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:138:LEU:H	10	0.16
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD11	1	0.16
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD12	1	0.16
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD13	1	0.16
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD11	13	0.16
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD12	13	0.16
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD13	13	0.16
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD21	10	0.16
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD22	10	0.16
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD23	10	0.16
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD21	10	0.16
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD22	10	0.16
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD23	10	0.16
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD21	10	0.16
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD22	10	0.16
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD23	10	0.16
(1,61)	1:A:54:SER:HG	1:A:55:LYS:H	17	0.16
(1,609)	1:A:102:VAL:H	1:A:88:THR:H	16	0.16
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG11	11	0.16
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG12	11	0.16
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG13	11	0.16
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG11	18	0.16
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG12	18	0.16
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG13	18	0.16
(1,583)	1:A:90:VAL:H	1:A:102:VAL:HG21	10	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,583)	1:A:90:VAL:H	1:A:102:VAL:HG22	10	0.16
(1,583)	1:A:90:VAL:H	1:A:102:VAL:HG23	10	0.16
(1,57)	1:A:112:LEU:HD11	1:A:113:ARG:H	7	0.16
(1,57)	1:A:112:LEU:HD12	1:A:113:ARG:H	7	0.16
(1,57)	1:A:112:LEU:HD13	1:A:113:ARG:H	7	0.16
(1,57)	1:A:112:LEU:HD11	1:A:113:ARG:H	14	0.16
(1,57)	1:A:112:LEU:HD12	1:A:113:ARG:H	14	0.16
(1,57)	1:A:112:LEU:HD13	1:A:113:ARG:H	14	0.16
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG21	13	0.16
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG22	13	0.16
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG23	13	0.16
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD21	8	0.16
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD22	8	0.16
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD23	8	0.16
(1,512)	1:A:79:LEU:HD21	1:A:87:ARG:H	11	0.16
(1,512)	1:A:79:LEU:HD22	1:A:87:ARG:H	11	0.16
(1,512)	1:A:79:LEU:HD23	1:A:87:ARG:H	11	0.16
(1,493)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:52:PHE:H	1	0.16
(1,493)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:52:PHE:H	1	0.16
(1,493)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:52:PHE:H	1	0.16
(1,47)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:115:CYS:H	5	0.16
(1,47)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:115:CYS:H	5	0.16
(1,47)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:115:CYS:H	5	0.16
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG11	12	0.16
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG12	12	0.16
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG13	12	0.16
(1,454)	1:A:134:TYR:H	1:A:138:LEU:HD21	8	0.16
(1,454)	1:A:134:TYR:H	1:A:138:LEU:HD22	8	0.16
(1,454)	1:A:134:TYR:H	1:A:138:LEU:HD23	8	0.16
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG21	20	0.16
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG22	20	0.16
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG23	20	0.16
(1,451)	1:A:75:VAL:HG11	1:A:91:ARG:H	12	0.16
(1,451)	1:A:75:VAL:HG12	1:A:91:ARG:H	12	0.16
(1,451)	1:A:75:VAL:HG13	1:A:91:ARG:H	12	0.16
(1,451)	1:A:75:VAL:HG11	1:A:91:ARG:H	13	0.16
(1,451)	1:A:75:VAL:HG12	1:A:91:ARG:H	13	0.16
(1,451)	1:A:75:VAL:HG13	1:A:91:ARG:H	13	0.16
(1,443)	1:A:90:VAL:HG21	1:A:101:HIS:H	15	0.16
(1,443)	1:A:90:VAL:HG22	1:A:101:HIS:H	15	0.16
(1,443)	1:A:90:VAL:HG23	1:A:101:HIS:H	15	0.16
(1,431)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:103:PHE:H	20	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,431)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:103:PHE:H	20	0.16
(1,431)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:103:PHE:H	20	0.16
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD11	17	0.16
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD12	17	0.16
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD13	17	0.16
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD11	17	0.16
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD12	17	0.16
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD13	17	0.16
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD11	17	0.16
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD12	17	0.16
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD13	17	0.16
(1,407)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:46:VAL:HG21	11	0.16
(1,407)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:46:VAL:HG22	11	0.16
(1,407)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:46:VAL:HG23	11	0.16
(1,407)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:46:VAL:HG21	11	0.16
(1,407)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:46:VAL:HG22	11	0.16
(1,407)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:46:VAL:HG23	11	0.16
(1,407)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:46:VAL:HG21	11	0.16
(1,407)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:46:VAL:HG22	11	0.16
(1,407)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:46:VAL:HG23	11	0.16
(1,40)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:97:SER:H	16	0.16
(1,40)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:97:SER:H	16	0.16
(1,40)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:97:SER:H	16	0.16
(1,4)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:H	8	0.16
(1,4)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:H	8	0.16
(1,4)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:H	8	0.16
(1,393)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:46:VAL:HG11	3	0.16
(1,393)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:46:VAL:HG12	3	0.16
(1,393)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:46:VAL:HG13	3	0.16
(1,393)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:46:VAL:HG11	3	0.16
(1,393)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:46:VAL:HG12	3	0.16
(1,393)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:46:VAL:HG13	3	0.16
(1,393)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:46:VAL:HG11	3	0.16
(1,393)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:46:VAL:HG12	3	0.16
(1,393)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:46:VAL:HG13	3	0.16
(1,393)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:46:VAL:HG11	20	0.16
(1,393)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:46:VAL:HG12	20	0.16
(1,393)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:46:VAL:HG13	20	0.16
(1,393)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:46:VAL:HG11	20	0.16
(1,393)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:46:VAL:HG12	20	0.16
(1,393)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:46:VAL:HG13	20	0.16
(1,393)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:46:VAL:HG11	20	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,393)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:46:VAL:HG12	20	0.16
(1,393)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:46:VAL:HG13	20	0.16
(1,374)	1:A:132:GLU:H	1:A:134:TYR:H	12	0.16
(1,37)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:13:ASN:HD21	1	0.16
(1,37)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:13:ASN:HD21	1	0.16
(1,37)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:13:ASN:HD21	1	0.16
(1,355)	1:A:67:PHE:H	1:A:114:TYR:H	1	0.16
(1,329)	1:A:79:LEU:H	1:A:89:GLU:H	1	0.16
(1,298)	1:A:14:ARG:H	1:A:17:TYR:H	12	0.16
(1,267)	1:A:21:GLN:H	1:A:24:GLY:H	2	0.16
(1,250)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:25:THR:H	19	0.16
(1,250)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:25:THR:H	19	0.16
(1,250)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:25:THR:H	19	0.16
(1,24)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:134:TYR:H	1	0.16
(1,24)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:134:TYR:H	1	0.16
(1,24)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:134:TYR:H	1	0.16
(1,24)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:134:TYR:H	4	0.16
(1,24)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:134:TYR:H	4	0.16
(1,24)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:134:TYR:H	4	0.16
(1,211)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:138:LEU:HD11	17	0.16
(1,211)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:138:LEU:HD12	17	0.16
(1,211)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:138:LEU:HD13	17	0.16
(1,211)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:138:LEU:HD11	17	0.16
(1,211)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:138:LEU:HD12	17	0.16
(1,211)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:138:LEU:HD13	17	0.16
(1,211)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:138:LEU:HD11	17	0.16
(1,211)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:138:LEU:HD12	17	0.16
(1,211)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:138:LEU:HD13	17	0.16
(1,162)	1:A:92:SER:H	1:A:96:ASP:H	14	0.16
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD21	15	0.16
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD22	15	0.16
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD23	15	0.16
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD21	17	0.16
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD22	17	0.16
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD23	17	0.16
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD21	20	0.16
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD22	20	0.16
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD23	20	0.16
(1,87)	1:A:31:ASN:H	1:A:34:TRP:HE1	7	0.15
(1,84)	1:A:10:LYS:H	1:A:12:LEU:H	12	0.15
(1,84)	1:A:10:LYS:H	1:A:12:LEU:H	19	0.15
(1,68)	1:A:34:TRP:H	1:A:36:HIS:H	16	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,605)	1:A:54:SER:H	1:A:40:GLY:H	3	0.15
(1,572)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:141:PHE:H	12	0.15
(1,572)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:141:PHE:H	12	0.15
(1,572)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:141:PHE:H	12	0.15
(1,57)	1:A:112:LEU:HD11	1:A:113:ARG:H	18	0.15
(1,57)	1:A:112:LEU:HD12	1:A:113:ARG:H	18	0.15
(1,57)	1:A:112:LEU:HD13	1:A:113:ARG:H	18	0.15
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD21	3	0.15
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD22	3	0.15
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD23	3	0.15
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD21	12	0.15
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD22	12	0.15
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD23	12	0.15
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG21	6	0.15
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG22	6	0.15
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG23	6	0.15
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG21	15	0.15
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG22	15	0.15
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG23	15	0.15
(1,549)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD21	7	0.15
(1,549)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD22	7	0.15
(1,549)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD23	7	0.15
(1,544)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:120:ALA:H	16	0.15
(1,544)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:120:ALA:H	16	0.15
(1,544)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:120:ALA:H	16	0.15
(1,536)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:102:VAL:H	17	0.15
(1,536)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:102:VAL:H	17	0.15
(1,536)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:102:VAL:H	17	0.15
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD21	6	0.15
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD22	6	0.15
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD23	6	0.15
(1,526)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:98:HIS:H	7	0.15
(1,526)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:98:HIS:H	7	0.15
(1,526)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:98:HIS:H	7	0.15
(1,513)	1:A:79:LEU:HD11	1:A:87:ARG:H	5	0.15
(1,513)	1:A:79:LEU:HD12	1:A:87:ARG:H	5	0.15
(1,513)	1:A:79:LEU:HD13	1:A:87:ARG:H	5	0.15
(1,505)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:76:GLU:H	1	0.15
(1,505)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:76:GLU:H	1	0.15
(1,505)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:76:GLU:H	1	0.15
(1,493)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:52:PHE:H	18	0.15
(1,493)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:52:PHE:H	18	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,493)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:52:PHE:H	18	0.15
(1,47)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:115:CYS:H	11	0.15
(1,47)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:115:CYS:H	11	0.15
(1,47)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:115:CYS:H	11	0.15
(1,469)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:24:GLY:H	14	0.15
(1,469)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:24:GLY:H	14	0.15
(1,469)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:24:GLY:H	14	0.15
(1,464)	1:A:16:GLN:H	1:A:46:VAL:HG11	6	0.15
(1,464)	1:A:16:GLN:H	1:A:46:VAL:HG12	6	0.15
(1,464)	1:A:16:GLN:H	1:A:46:VAL:HG13	6	0.15
(1,456)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:HD21	7	0.15
(1,456)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:HD22	7	0.15
(1,456)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:HD23	7	0.15
(1,451)	1:A:75:VAL:HG11	1:A:91:ARG:H	6	0.15
(1,451)	1:A:75:VAL:HG12	1:A:91:ARG:H	6	0.15
(1,451)	1:A:75:VAL:HG13	1:A:91:ARG:H	6	0.15
(1,451)	1:A:75:VAL:HG11	1:A:91:ARG:H	19	0.15
(1,451)	1:A:75:VAL:HG12	1:A:91:ARG:H	19	0.15
(1,451)	1:A:75:VAL:HG13	1:A:91:ARG:H	19	0.15
(1,445)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:113:ARG:H	13	0.15
(1,445)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:113:ARG:H	13	0.15
(1,445)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:113:ARG:H	13	0.15
(1,438)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:120:ALA:H	4	0.15
(1,438)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:120:ALA:H	4	0.15
(1,438)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:120:ALA:H	4	0.15
(1,431)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:103:PHE:H	1	0.15
(1,431)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:103:PHE:H	1	0.15
(1,431)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:103:PHE:H	1	0.15
(1,425)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:119:ALA:H	1	0.15
(1,425)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:119:ALA:H	1	0.15
(1,425)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:119:ALA:H	1	0.15
(1,375)	1:A:131:GLU:H	1:A:133:GLY:H	12	0.15
(1,375)	1:A:131:GLU:H	1:A:133:GLY:H	18	0.15
(1,34)	1:A:104:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD21	16	0.15
(1,34)	1:A:104:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD22	16	0.15
(1,34)	1:A:104:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD23	16	0.15
(1,337)	1:A:76:GLU:H	1:A:91:ARG:H	6	0.15
(1,322)	1:A:54:SER:H	1:A:57:LYS:H	9	0.15
(1,32)	1:A:103:PHE:H	1:A:112:LEU:HD21	17	0.15
(1,32)	1:A:103:PHE:H	1:A:112:LEU:HD22	17	0.15
(1,32)	1:A:103:PHE:H	1:A:112:LEU:HD23	17	0.15
(1,309)	1:A:33:TYR:H	1:A:36:HIS:H	5	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,308)	1:A:30:GLN:H	1:A:34:TRP:HE1	13	0.15
(1,283)	1:A:131:GLU:H	1:A:134:TYR:H	16	0.15
(1,267)	1:A:21:GLN:H	1:A:24:GLY:H	8	0.15
(1,266)	1:A:19:VAL:H	1:A:21:GLN:H	9	0.15
(1,266)	1:A:19:VAL:H	1:A:21:GLN:H	17	0.15
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD11	5	0.15
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD12	5	0.15
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD13	5	0.15
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD11	13	0.15
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD12	13	0.15
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD13	13	0.15
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD11	1	0.15
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD12	1	0.15
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD13	1	0.15
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD11	1	0.15
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD12	1	0.15
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD13	1	0.15
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD11	1	0.15
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD12	1	0.15
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD13	1	0.15
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD11	18	0.15
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD12	18	0.15
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD13	18	0.15
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD11	18	0.15
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD12	18	0.15
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD13	18	0.15
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD11	18	0.15
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD12	18	0.15
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD13	18	0.15
(1,247)	1:A:121:LEU:HD11	1:A:122:ARG:H	4	0.15
(1,247)	1:A:121:LEU:HD12	1:A:122:ARG:H	4	0.15
(1,247)	1:A:121:LEU:HD13	1:A:122:ARG:H	4	0.15
(1,147)	1:A:130:LYS:H	1:A:134:TYR:H	8	0.15
(1,115)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:H	2	0.15
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD21	7	0.15
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD22	7	0.15
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD23	7	0.15
(1,89)	1:A:55:LYS:H	1:A:57:LYS:H	9	0.14
(1,84)	1:A:10:LYS:H	1:A:12:LEU:H	11	0.14
(1,8)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:42:TYR:H	15	0.14
(1,8)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:42:TYR:H	15	0.14
(1,8)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:42:TYR:H	15	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,68)	1:A:34:TRP:H	1:A:36:HIS:H	5	0.14
(1,609)	1:A:102:VAL:H	1:A:88:THR:H	17	0.14
(1,608)	1:A:100:GLY:H	1:A:90:VAL:H	14	0.14
(1,600)	1:A:142:ASN:H	1:A:142:ASN:HD21	15	0.14
(1,600)	1:A:142:ASN:H	1:A:142:ASN:HD22	15	0.14
(1,60)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD11	1	0.14
(1,60)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD12	1	0.14
(1,60)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD13	1	0.14
(1,60)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD11	16	0.14
(1,60)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD12	16	0.14
(1,60)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD13	16	0.14
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG11	2	0.14
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG12	2	0.14
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG13	2	0.14
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG11	4	0.14
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG12	4	0.14
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG13	4	0.14
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG11	10	0.14
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG12	10	0.14
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG13	10	0.14
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG11	17	0.14
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG12	17	0.14
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG13	17	0.14
(1,574)	1:A:144:LEU:HD11	1:A:145:GLU:H	9	0.14
(1,574)	1:A:144:LEU:HD12	1:A:145:GLU:H	9	0.14
(1,574)	1:A:144:LEU:HD13	1:A:145:GLU:H	9	0.14
(1,571)	1:A:140:LEU:HD11	1:A:141:PHE:H	17	0.14
(1,571)	1:A:140:LEU:HD12	1:A:141:PHE:H	17	0.14
(1,571)	1:A:140:LEU:HD13	1:A:141:PHE:H	17	0.14
(1,571)	1:A:140:LEU:HD11	1:A:141:PHE:H	20	0.14
(1,571)	1:A:140:LEU:HD12	1:A:141:PHE:H	20	0.14
(1,571)	1:A:140:LEU:HD13	1:A:141:PHE:H	20	0.14
(1,565)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:H	11	0.14
(1,565)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:H	11	0.14
(1,565)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:H	11	0.14
(1,558)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:132:GLU:H	10	0.14
(1,558)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:132:GLU:H	10	0.14
(1,558)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:132:GLU:H	10	0.14
(1,556)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD11	4	0.14
(1,556)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD12	4	0.14
(1,556)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD13	4	0.14
(1,549)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD21	1	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,549)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD22	1	0.14
(1,549)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD23	1	0.14
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD21	19	0.14
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD22	19	0.14
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD23	19	0.14
(1,526)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:98:HIS:H	11	0.14
(1,526)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:98:HIS:H	11	0.14
(1,526)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:98:HIS:H	11	0.14
(1,505)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:76:GLU:H	19	0.14
(1,505)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:76:GLU:H	19	0.14
(1,505)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:76:GLU:H	19	0.14
(1,503)	1:A:76:GLU:H	1:A:99:LEU:HD21	4	0.14
(1,503)	1:A:76:GLU:H	1:A:99:LEU:HD22	4	0.14
(1,503)	1:A:76:GLU:H	1:A:99:LEU:HD23	4	0.14
(1,493)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:52:PHE:H	13	0.14
(1,493)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:52:PHE:H	13	0.14
(1,493)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:52:PHE:H	13	0.14
(1,488)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:51:LEU:H	2	0.14
(1,488)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:51:LEU:H	2	0.14
(1,488)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:51:LEU:H	2	0.14
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD11	19	0.14
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD12	19	0.14
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD13	19	0.14
(1,469)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:24:GLY:H	3	0.14
(1,469)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:24:GLY:H	3	0.14
(1,469)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:24:GLY:H	3	0.14
(1,469)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:24:GLY:H	4	0.14
(1,469)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:24:GLY:H	4	0.14
(1,469)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:24:GLY:H	4	0.14
(1,468)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:23:ASN:H	3	0.14
(1,468)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:23:ASN:H	3	0.14
(1,468)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:23:ASN:H	3	0.14
(1,468)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:23:ASN:H	6	0.14
(1,468)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:23:ASN:H	6	0.14
(1,468)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:23:ASN:H	6	0.14
(1,464)	1:A:16:GLN:H	1:A:46:VAL:HG11	12	0.14
(1,464)	1:A:16:GLN:H	1:A:46:VAL:HG12	12	0.14
(1,464)	1:A:16:GLN:H	1:A:46:VAL:HG13	12	0.14
(1,462)	1:A:45:ILE:HD11	1:A:46:VAL:H	11	0.14
(1,462)	1:A:45:ILE:HD12	1:A:46:VAL:H	11	0.14
(1,462)	1:A:45:ILE:HD13	1:A:46:VAL:H	11	0.14
(1,454)	1:A:134:TYR:H	1:A:138:LEU:HD21	5	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,454)	1:A:134:TYR:H	1:A:138:LEU:HD22	5	0.14
(1,454)	1:A:134:TYR:H	1:A:138:LEU:HD23	5	0.14
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD11	7	0.14
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD12	7	0.14
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD13	7	0.14
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD11	12	0.14
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD12	12	0.14
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD13	12	0.14
(1,442)	1:A:71:ILE:H	1:A:75:VAL:HG11	10	0.14
(1,442)	1:A:71:ILE:H	1:A:75:VAL:HG12	10	0.14
(1,442)	1:A:71:ILE:H	1:A:75:VAL:HG13	10	0.14
(1,440)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:100:GLY:H	4	0.14
(1,440)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:100:GLY:H	4	0.14
(1,440)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:100:GLY:H	4	0.14
(1,440)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:100:GLY:H	5	0.14
(1,440)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:100:GLY:H	5	0.14
(1,440)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:100:GLY:H	5	0.14
(1,438)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:120:ALA:H	14	0.14
(1,438)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:120:ALA:H	14	0.14
(1,438)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:120:ALA:H	14	0.14
(1,438)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:120:ALA:H	16	0.14
(1,438)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:120:ALA:H	16	0.14
(1,438)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:120:ALA:H	16	0.14
(1,430)	1:A:46:VAL:HG11	1:A:47:SER:H	17	0.14
(1,430)	1:A:46:VAL:HG12	1:A:47:SER:H	17	0.14
(1,430)	1:A:46:VAL:HG13	1:A:47:SER:H	17	0.14
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD21	4	0.14
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD22	4	0.14
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD23	4	0.14
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD21	20	0.14
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD22	20	0.14
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD23	20	0.14
(1,416)	1:A:86:ILE:H	1:A:86:ILE:HD11	4	0.14
(1,416)	1:A:86:ILE:H	1:A:86:ILE:HD12	4	0.14
(1,416)	1:A:86:ILE:H	1:A:86:ILE:HD13	4	0.14
(1,416)	1:A:86:ILE:H	1:A:86:ILE:HD11	9	0.14
(1,416)	1:A:86:ILE:H	1:A:86:ILE:HD12	9	0.14
(1,416)	1:A:86:ILE:H	1:A:86:ILE:HD13	9	0.14
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD21	17	0.14
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD22	17	0.14
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD23	17	0.14
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD21	17	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD22	17	0.14
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD23	17	0.14
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD21	17	0.14
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD22	17	0.14
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD23	17	0.14
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD11	7	0.14
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD12	7	0.14
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD13	7	0.14
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD11	7	0.14
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD12	7	0.14
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD13	7	0.14
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD11	7	0.14
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD12	7	0.14
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD13	7	0.14
(1,366)	1:A:41:LEU:H	1:A:126:LYS:H	7	0.14
(1,366)	1:A:41:LEU:H	1:A:126:LYS:H	9	0.14
(1,329)	1:A:79:LEU:H	1:A:89:GLU:H	14	0.14
(1,303)	1:A:18:GLU:H	1:A:20:THR:H	14	0.14
(1,299)	1:A:15:MET:H	1:A:18:GLU:H	11	0.14
(1,298)	1:A:14:ARG:H	1:A:17:TYR:H	8	0.14
(1,291)	1:A:8:LYS:H	1:A:11:SER:H	12	0.14
(1,283)	1:A:131:GLU:H	1:A:134:TYR:H	5	0.14
(1,283)	1:A:131:GLU:H	1:A:134:TYR:H	13	0.14
(1,281)	1:A:110:ASN:HD22	1:A:112:LEU:H	3	0.14
(1,267)	1:A:21:GLN:H	1:A:24:GLY:H	18	0.14
(1,266)	1:A:19:VAL:H	1:A:21:GLN:H	6	0.14
(1,266)	1:A:19:VAL:H	1:A:21:GLN:H	19	0.14
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD11	14	0.14
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD12	14	0.14
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD13	14	0.14
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD11	14	0.14
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD12	14	0.14
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD13	14	0.14
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD11	14	0.14
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD12	14	0.14
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD13	14	0.14
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD11	8	0.14
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD12	8	0.14
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD13	8	0.14
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD11	8	0.14
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD12	8	0.14
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD13	8	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD11	8	0.14
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD12	8	0.14
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD13	8	0.14
(1,25)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:123:PHE:H	10	0.14
(1,25)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:123:PHE:H	10	0.14
(1,25)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:123:PHE:H	10	0.14
(1,247)	1:A:121:LEU:HD11	1:A:122:ARG:H	7	0.14
(1,247)	1:A:121:LEU:HD12	1:A:122:ARG:H	7	0.14
(1,247)	1:A:121:LEU:HD13	1:A:122:ARG:H	7	0.14
(1,222)	1:A:71:ILE:HD11	1:A:140:LEU:HD21	9	0.14
(1,222)	1:A:71:ILE:HD11	1:A:140:LEU:HD22	9	0.14
(1,222)	1:A:71:ILE:HD11	1:A:140:LEU:HD23	9	0.14
(1,222)	1:A:71:ILE:HD12	1:A:140:LEU:HD21	9	0.14
(1,222)	1:A:71:ILE:HD12	1:A:140:LEU:HD22	9	0.14
(1,222)	1:A:71:ILE:HD12	1:A:140:LEU:HD23	9	0.14
(1,222)	1:A:71:ILE:HD13	1:A:140:LEU:HD21	9	0.14
(1,222)	1:A:71:ILE:HD13	1:A:140:LEU:HD22	9	0.14
(1,222)	1:A:71:ILE:HD13	1:A:140:LEU:HD23	9	0.14
(1,219)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:74:GLU:H	8	0.14
(1,219)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:74:GLU:H	8	0.14
(1,219)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:74:GLU:H	8	0.14
(1,192)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:117:ASN:H	8	0.14
(1,192)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:117:ASN:H	8	0.14
(1,192)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:117:ASN:H	8	0.14
(1,192)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:117:ASN:H	15	0.14
(1,192)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:117:ASN:H	15	0.14
(1,192)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:117:ASN:H	15	0.14
(1,192)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:117:ASN:H	17	0.14
(1,192)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:117:ASN:H	17	0.14
(1,192)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:117:ASN:H	17	0.14
(1,19)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:127:HIS:H	4	0.14
(1,19)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:127:HIS:H	4	0.14
(1,19)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:127:HIS:H	4	0.14
(1,148)	1:A:44:ASP:H	1:A:122:ARG:H	6	0.14
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD21	18	0.14
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD22	18	0.14
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD23	18	0.14
(1,132)	1:A:16:GLN:H	1:A:19:VAL:H	18	0.14
(1,131)	1:A:17:TYR:H	1:A:19:VAL:H	10	0.14
(1,131)	1:A:17:TYR:H	1:A:19:VAL:H	16	0.14
(1,131)	1:A:17:TYR:H	1:A:19:VAL:H	20	0.14
(1,84)	1:A:10:LYS:H	1:A:12:LEU:H	4	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,8)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:42:TYR:H	9	0.13
(1,8)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:42:TYR:H	9	0.13
(1,8)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:42:TYR:H	9	0.13
(1,8)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:42:TYR:H	17	0.13
(1,8)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:42:TYR:H	17	0.13
(1,8)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:42:TYR:H	17	0.13
(1,78)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:H	15	0.13
(1,67)	1:A:117:ASN:H	1:A:117:ASN:HD22	18	0.13
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD21	4	0.13
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD22	4	0.13
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD23	4	0.13
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD21	4	0.13
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD22	4	0.13
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD23	4	0.13
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD21	4	0.13
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD22	4	0.13
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD23	4	0.13
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD21	15	0.13
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD22	15	0.13
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD23	15	0.13
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD21	15	0.13
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD22	15	0.13
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD23	15	0.13
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD21	15	0.13
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD22	15	0.13
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD23	15	0.13
(1,610)	1:A:115:CYS:H	1:A:101:HIS:H	17	0.13
(1,609)	1:A:102:VAL:H	1:A:88:THR:H	5	0.13
(1,608)	1:A:100:GLY:H	1:A:90:VAL:H	4	0.13
(1,60)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD11	20	0.13
(1,60)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD12	20	0.13
(1,60)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD13	20	0.13
(1,588)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:22:ASN:H	1	0.13
(1,588)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:22:ASN:H	1	0.13
(1,588)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:22:ASN:H	1	0.13
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG11	8	0.13
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG12	8	0.13
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG13	8	0.13
(1,57)	1:A:112:LEU:HD11	1:A:113:ARG:H	13	0.13
(1,57)	1:A:112:LEU:HD12	1:A:113:ARG:H	13	0.13
(1,57)	1:A:112:LEU:HD13	1:A:113:ARG:H	13	0.13
(1,564)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:137:TYR:H	14	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,564)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:137:TYR:H	14	0.13
(1,564)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:137:TYR:H	14	0.13
(1,560)	1:A:134:TYR:H	1:A:138:LEU:HD11	8	0.13
(1,560)	1:A:134:TYR:H	1:A:138:LEU:HD12	8	0.13
(1,560)	1:A:134:TYR:H	1:A:138:LEU:HD13	8	0.13
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG21	1	0.13
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG22	1	0.13
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG23	1	0.13
(1,549)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD21	19	0.13
(1,549)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD22	19	0.13
(1,549)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD23	19	0.13
(1,544)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:120:ALA:H	1	0.13
(1,544)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:120:ALA:H	1	0.13
(1,544)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:120:ALA:H	1	0.13
(1,544)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:120:ALA:H	4	0.13
(1,544)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:120:ALA:H	4	0.13
(1,544)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:120:ALA:H	4	0.13
(1,544)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:120:ALA:H	15	0.13
(1,544)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:120:ALA:H	15	0.13
(1,544)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:120:ALA:H	15	0.13
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD21	6	0.13
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD22	6	0.13
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD23	6	0.13
(1,536)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:102:VAL:H	3	0.13
(1,536)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:102:VAL:H	3	0.13
(1,536)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:102:VAL:H	3	0.13
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD21	3	0.13
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD22	3	0.13
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD23	3	0.13
(1,529)	1:A:99:LEU:H	1:A:116:ILE:HD11	7	0.13
(1,529)	1:A:99:LEU:H	1:A:116:ILE:HD12	7	0.13
(1,529)	1:A:99:LEU:H	1:A:116:ILE:HD13	7	0.13
(1,513)	1:A:79:LEU:HD11	1:A:87:ARG:H	19	0.13
(1,513)	1:A:79:LEU:HD12	1:A:87:ARG:H	19	0.13
(1,513)	1:A:79:LEU:HD13	1:A:87:ARG:H	19	0.13
(1,493)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:52:PHE:H	2	0.13
(1,493)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:52:PHE:H	2	0.13
(1,493)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:52:PHE:H	2	0.13
(1,488)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:51:LEU:H	15	0.13
(1,488)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:51:LEU:H	15	0.13
(1,488)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:51:LEU:H	15	0.13
(1,472)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:42:TYR:H	17	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,472)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:42:TYR:H	17	0.13
(1,472)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:42:TYR:H	17	0.13
(1,47)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:115:CYS:H	7	0.13
(1,47)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:115:CYS:H	7	0.13
(1,47)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:115:CYS:H	7	0.13
(1,47)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:115:CYS:H	8	0.13
(1,47)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:115:CYS:H	8	0.13
(1,47)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:115:CYS:H	8	0.13
(1,458)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:10:LYS:H	11	0.13
(1,458)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:10:LYS:H	11	0.13
(1,458)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:10:LYS:H	11	0.13
(1,455)	1:A:8:LYS:H	1:A:9:ILE:HD11	18	0.13
(1,455)	1:A:8:LYS:H	1:A:9:ILE:HD12	18	0.13
(1,455)	1:A:8:LYS:H	1:A:9:ILE:HD13	18	0.13
(1,445)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:113:ARG:H	1	0.13
(1,445)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:113:ARG:H	1	0.13
(1,445)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:113:ARG:H	1	0.13
(1,445)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:113:ARG:H	10	0.13
(1,445)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:113:ARG:H	10	0.13
(1,445)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:113:ARG:H	10	0.13
(1,437)	1:A:46:VAL:HG11	1:A:48:GLY:H	7	0.13
(1,437)	1:A:46:VAL:HG12	1:A:48:GLY:H	7	0.13
(1,437)	1:A:46:VAL:HG13	1:A:48:GLY:H	7	0.13
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD21	17	0.13
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD22	17	0.13
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD23	17	0.13
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD21	7	0.13
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD22	7	0.13
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD23	7	0.13
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD21	7	0.13
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD22	7	0.13
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD23	7	0.13
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD21	7	0.13
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD22	7	0.13
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD23	7	0.13
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD21	9	0.13
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD22	9	0.13
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD23	9	0.13
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD21	9	0.13
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD22	9	0.13
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD23	9	0.13
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD21	9	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD22	9	0.13
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD23	9	0.13
(1,40)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:97:SER:H	17	0.13
(1,40)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:97:SER:H	17	0.13
(1,40)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:97:SER:H	17	0.13
(1,4)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:H	1	0.13
(1,4)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:H	1	0.13
(1,4)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:H	1	0.13
(1,4)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:H	5	0.13
(1,4)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:H	5	0.13
(1,4)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:H	5	0.13
(1,399)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:129:LEU:HD21	2	0.13
(1,399)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:129:LEU:HD22	2	0.13
(1,399)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:129:LEU:HD23	2	0.13
(1,399)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:129:LEU:HD21	2	0.13
(1,399)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:129:LEU:HD22	2	0.13
(1,399)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:129:LEU:HD23	2	0.13
(1,399)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:129:LEU:HD21	2	0.13
(1,399)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:129:LEU:HD22	2	0.13
(1,399)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:129:LEU:HD23	2	0.13
(1,375)	1:A:131:GLU:H	1:A:133:GLY:H	20	0.13
(1,374)	1:A:132:GLU:H	1:A:134:TYR:H	18	0.13
(1,37)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:13:ASN:HD21	8	0.13
(1,37)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:13:ASN:HD21	8	0.13
(1,37)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:13:ASN:HD21	8	0.13
(1,366)	1:A:41:LEU:H	1:A:126:LYS:H	11	0.13
(1,361)	1:A:45:ILE:H	1:A:122:ARG:H	2	0.13
(1,347)	1:A:103:PHE:H	1:A:114:TYR:H	9	0.13
(1,345)	1:A:103:PHE:H	1:A:105:ASP:H	5	0.13
(1,307)	1:A:32:GLU:H	1:A:34:TRP:H	1	0.13
(1,303)	1:A:18:GLU:H	1:A:20:THR:H	16	0.13
(1,290)	1:A:10:LYS:H	1:A:13:ASN:H	13	0.13
(1,266)	1:A:19:VAL:H	1:A:21:GLN:H	7	0.13
(1,266)	1:A:19:VAL:H	1:A:21:GLN:H	14	0.13
(1,266)	1:A:19:VAL:H	1:A:21:GLN:H	16	0.13
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD11	1	0.13
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD12	1	0.13
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD13	1	0.13
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD11	8	0.13
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD12	8	0.13
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD13	8	0.13
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD11	19	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD12	19	0.13
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD13	19	0.13
(1,247)	1:A:121:LEU:HD11	1:A:122:ARG:H	18	0.13
(1,247)	1:A:121:LEU:HD12	1:A:122:ARG:H	18	0.13
(1,247)	1:A:121:LEU:HD13	1:A:122:ARG:H	18	0.13
(1,24)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:134:TYR:H	3	0.13
(1,24)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:134:TYR:H	3	0.13
(1,24)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:134:TYR:H	3	0.13
(1,24)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:134:TYR:H	12	0.13
(1,24)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:134:TYR:H	12	0.13
(1,24)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:134:TYR:H	12	0.13
(1,24)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:134:TYR:H	20	0.13
(1,24)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:134:TYR:H	20	0.13
(1,24)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:134:TYR:H	20	0.13
(1,235)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:13:ASN:HD21	7	0.13
(1,235)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:13:ASN:HD21	7	0.13
(1,235)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:13:ASN:HD21	7	0.13
(1,222)	1:A:71:ILE:HD11	1:A:140:LEU:HD21	18	0.13
(1,222)	1:A:71:ILE:HD11	1:A:140:LEU:HD22	18	0.13
(1,222)	1:A:71:ILE:HD11	1:A:140:LEU:HD23	18	0.13
(1,222)	1:A:71:ILE:HD12	1:A:140:LEU:HD21	18	0.13
(1,222)	1:A:71:ILE:HD12	1:A:140:LEU:HD22	18	0.13
(1,222)	1:A:71:ILE:HD12	1:A:140:LEU:HD23	18	0.13
(1,222)	1:A:71:ILE:HD13	1:A:140:LEU:HD21	18	0.13
(1,222)	1:A:71:ILE:HD13	1:A:140:LEU:HD22	18	0.13
(1,222)	1:A:71:ILE:HD13	1:A:140:LEU:HD23	18	0.13
(1,219)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:74:GLU:H	18	0.13
(1,219)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:74:GLU:H	18	0.13
(1,219)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:74:GLU:H	18	0.13
(1,192)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:117:ASN:H	9	0.13
(1,192)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:117:ASN:H	9	0.13
(1,192)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:117:ASN:H	9	0.13
(1,192)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:117:ASN:H	16	0.13
(1,192)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:117:ASN:H	16	0.13
(1,192)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:117:ASN:H	16	0.13
(1,172)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:20:THR:H	2	0.13
(1,172)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:20:THR:H	2	0.13
(1,172)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:20:THR:H	2	0.13
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD21	2	0.13
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD22	2	0.13
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD23	2	0.13
(1,162)	1:A:92:SER:H	1:A:96:ASP:H	16	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,160)	1:A:54:SER:H	1:A:56:ASP:H	18	0.13
(1,147)	1:A:130:LYS:H	1:A:134:TYR:H	9	0.13
(1,147)	1:A:130:LYS:H	1:A:134:TYR:H	15	0.13
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD21	12	0.13
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD22	12	0.13
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD23	12	0.13
(1,131)	1:A:17:TYR:H	1:A:19:VAL:H	4	0.13
(1,131)	1:A:17:TYR:H	1:A:19:VAL:H	6	0.13
(1,131)	1:A:17:TYR:H	1:A:19:VAL:H	18	0.13
(1,13)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:131:GLU:H	8	0.13
(1,13)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:131:GLU:H	8	0.13
(1,13)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:131:GLU:H	8	0.13
(1,127)	1:A:21:GLN:H	1:A:23:ASN:H	10	0.13
(1,124)	1:A:5:LYS:H	1:A:7:GLU:H	15	0.13
(1,119)	1:A:88:THR:H	1:A:102:VAL:H	2	0.13
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD21	5	0.13
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD22	5	0.13
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD23	5	0.13
(1,84)	1:A:10:LYS:H	1:A:12:LEU:H	15	0.12
(1,83)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:H	17	0.12
(1,83)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:H	20	0.12
(1,8)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:42:TYR:H	16	0.12
(1,8)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:42:TYR:H	16	0.12
(1,8)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:42:TYR:H	16	0.12
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD21	8	0.12
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD22	8	0.12
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD23	8	0.12
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD21	8	0.12
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD22	8	0.12
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD23	8	0.12
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD21	8	0.12
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD22	8	0.12
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD23	8	0.12
(1,609)	1:A:102:VAL:H	1:A:88:THR:H	13	0.12
(1,577)	1:A:111:GLY:H	1:A:112:LEU:HD21	16	0.12
(1,577)	1:A:111:GLY:H	1:A:112:LEU:HD22	16	0.12
(1,577)	1:A:111:GLY:H	1:A:112:LEU:HD23	16	0.12
(1,57)	1:A:112:LEU:HD11	1:A:113:ARG:H	15	0.12
(1,57)	1:A:112:LEU:HD12	1:A:113:ARG:H	15	0.12
(1,57)	1:A:112:LEU:HD13	1:A:113:ARG:H	15	0.12
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD21	4	0.12
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD22	4	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD23	4	0.12
(1,559)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:132:GLU:H	11	0.12
(1,559)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:132:GLU:H	11	0.12
(1,559)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:132:GLU:H	11	0.12
(1,555)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD11	8	0.12
(1,555)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD12	8	0.12
(1,555)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD13	8	0.12
(1,551)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD11	8	0.12
(1,551)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD12	8	0.12
(1,551)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD13	8	0.12
(1,548)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD11	15	0.12
(1,548)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD12	15	0.12
(1,548)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD13	15	0.12
(1,536)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:102:VAL:H	9	0.12
(1,536)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:102:VAL:H	9	0.12
(1,536)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:102:VAL:H	9	0.12
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD21	4	0.12
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD22	4	0.12
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD23	4	0.12
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD11	11	0.12
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD12	11	0.12
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD13	11	0.12
(1,505)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:76:GLU:H	4	0.12
(1,505)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:76:GLU:H	4	0.12
(1,505)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:76:GLU:H	4	0.12
(1,483)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:49:LYS:H	10	0.12
(1,483)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:49:LYS:H	10	0.12
(1,483)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:49:LYS:H	10	0.12
(1,483)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:49:LYS:H	14	0.12
(1,483)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:49:LYS:H	14	0.12
(1,483)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:49:LYS:H	14	0.12
(1,472)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:42:TYR:H	2	0.12
(1,472)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:42:TYR:H	2	0.12
(1,472)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:42:TYR:H	2	0.12
(1,469)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:24:GLY:H	16	0.12
(1,469)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:24:GLY:H	16	0.12
(1,469)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:24:GLY:H	16	0.12
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG11	6	0.12
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG12	6	0.12
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG13	6	0.12
(1,462)	1:A:45:ILE:HD11	1:A:46:VAL:H	5	0.12
(1,462)	1:A:45:ILE:HD12	1:A:46:VAL:H	5	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,462)	1:A:45:ILE:HD13	1:A:46:VAL:H	5	0.12
(1,455)	1:A:8:LYS:H	1:A:9:ILE:HD11	3	0.12
(1,455)	1:A:8:LYS:H	1:A:9:ILE:HD12	3	0.12
(1,455)	1:A:8:LYS:H	1:A:9:ILE:HD13	3	0.12
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG21	9	0.12
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG22	9	0.12
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG23	9	0.12
(1,451)	1:A:75:VAL:HG11	1:A:91:ARG:H	10	0.12
(1,451)	1:A:75:VAL:HG12	1:A:91:ARG:H	10	0.12
(1,451)	1:A:75:VAL:HG13	1:A:91:ARG:H	10	0.12
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD11	3	0.12
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD12	3	0.12
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD13	3	0.12
(1,435)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:26:GLU:H	20	0.12
(1,435)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:26:GLU:H	20	0.12
(1,435)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:26:GLU:H	20	0.12
(1,431)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:103:PHE:H	2	0.12
(1,431)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:103:PHE:H	2	0.12
(1,431)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:103:PHE:H	2	0.12
(1,407)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:46:VAL:HG21	3	0.12
(1,407)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:46:VAL:HG22	3	0.12
(1,407)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:46:VAL:HG23	3	0.12
(1,407)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:46:VAL:HG21	3	0.12
(1,407)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:46:VAL:HG22	3	0.12
(1,407)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:46:VAL:HG23	3	0.12
(1,407)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:46:VAL:HG21	3	0.12
(1,407)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:46:VAL:HG22	3	0.12
(1,407)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:46:VAL:HG23	3	0.12
(1,407)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:46:VAL:HG21	13	0.12
(1,407)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:46:VAL:HG22	13	0.12
(1,407)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:46:VAL:HG23	13	0.12
(1,407)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:46:VAL:HG21	13	0.12
(1,407)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:46:VAL:HG22	13	0.12
(1,407)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:46:VAL:HG23	13	0.12
(1,407)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:46:VAL:HG21	13	0.12
(1,407)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:46:VAL:HG22	13	0.12
(1,407)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:46:VAL:HG23	13	0.12
(1,393)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:46:VAL:HG11	13	0.12
(1,393)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:46:VAL:HG12	13	0.12
(1,393)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:46:VAL:HG13	13	0.12
(1,393)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:46:VAL:HG11	13	0.12
(1,393)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:46:VAL:HG12	13	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,393)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:46:VAL:HG13	13	0.12
(1,393)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:46:VAL:HG11	13	0.12
(1,393)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:46:VAL:HG12	13	0.12
(1,393)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:46:VAL:HG13	13	0.12
(1,368)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:H	8	0.12
(1,339)	1:A:92:SER:H	1:A:98:HIS:H	2	0.12
(1,337)	1:A:76:GLU:H	1:A:91:ARG:H	8	0.12
(1,336)	1:A:90:VAL:H	1:A:101:HIS:H	10	0.12
(1,329)	1:A:79:LEU:H	1:A:89:GLU:H	5	0.12
(1,329)	1:A:79:LEU:H	1:A:89:GLU:H	18	0.12
(1,329)	1:A:79:LEU:H	1:A:89:GLU:H	19	0.12
(1,312)	1:A:41:LEU:H	1:A:124:VAL:H	14	0.12
(1,299)	1:A:15:MET:H	1:A:18:GLU:H	13	0.12
(1,298)	1:A:14:ARG:H	1:A:17:TYR:H	9	0.12
(1,298)	1:A:14:ARG:H	1:A:17:TYR:H	20	0.12
(1,285)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:H	17	0.12
(1,267)	1:A:21:GLN:H	1:A:24:GLY:H	7	0.12
(1,266)	1:A:19:VAL:H	1:A:21:GLN:H	13	0.12
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD11	2	0.12
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD12	2	0.12
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD13	2	0.12
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD11	17	0.12
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD12	17	0.12
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD13	17	0.12
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD11	20	0.12
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD12	20	0.12
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD13	20	0.12
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD11	2	0.12
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD12	2	0.12
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD13	2	0.12
(1,247)	1:A:121:LEU:HD11	1:A:122:ARG:H	8	0.12
(1,247)	1:A:121:LEU:HD12	1:A:122:ARG:H	8	0.12
(1,247)	1:A:121:LEU:HD13	1:A:122:ARG:H	8	0.12
(1,247)	1:A:121:LEU:HD11	1:A:122:ARG:H	9	0.12
(1,247)	1:A:121:LEU:HD12	1:A:122:ARG:H	9	0.12
(1,247)	1:A:121:LEU:HD13	1:A:122:ARG:H	9	0.12
(1,225)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:71:ILE:HD11	10	0.12
(1,225)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:71:ILE:HD12	10	0.12
(1,225)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:71:ILE:HD13	10	0.12
(1,225)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:71:ILE:HD11	10	0.12
(1,225)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:71:ILE:HD12	10	0.12
(1,225)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:71:ILE:HD13	10	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,225)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:71:ILE:HD11	10	0.12
(1,225)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:71:ILE:HD12	10	0.12
(1,225)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:71:ILE:HD13	10	0.12
(1,225)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:71:ILE:HD11	14	0.12
(1,225)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:71:ILE:HD12	14	0.12
(1,225)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:71:ILE:HD13	14	0.12
(1,225)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:71:ILE:HD11	14	0.12
(1,225)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:71:ILE:HD12	14	0.12
(1,225)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:71:ILE:HD13	14	0.12
(1,225)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:71:ILE:HD11	14	0.12
(1,225)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:71:ILE:HD12	14	0.12
(1,225)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:71:ILE:HD13	14	0.12
(1,219)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:74:GLU:H	6	0.12
(1,219)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:74:GLU:H	6	0.12
(1,219)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:74:GLU:H	6	0.12
(1,200)	1:A:75:VAL:HG11	1:A:102:VAL:HG21	5	0.12
(1,200)	1:A:75:VAL:HG11	1:A:102:VAL:HG22	5	0.12
(1,200)	1:A:75:VAL:HG11	1:A:102:VAL:HG23	5	0.12
(1,200)	1:A:75:VAL:HG12	1:A:102:VAL:HG21	5	0.12
(1,200)	1:A:75:VAL:HG12	1:A:102:VAL:HG22	5	0.12
(1,200)	1:A:75:VAL:HG12	1:A:102:VAL:HG23	5	0.12
(1,200)	1:A:75:VAL:HG13	1:A:102:VAL:HG21	5	0.12
(1,200)	1:A:75:VAL:HG13	1:A:102:VAL:HG22	5	0.12
(1,200)	1:A:75:VAL:HG13	1:A:102:VAL:HG23	5	0.12
(1,2)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:114:TYR:H	1	0.12
(1,2)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:114:TYR:H	1	0.12
(1,2)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:114:TYR:H	1	0.12
(1,192)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:117:ASN:H	18	0.12
(1,192)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:117:ASN:H	18	0.12
(1,192)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:117:ASN:H	18	0.12
(1,192)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:117:ASN:H	20	0.12
(1,192)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:117:ASN:H	20	0.12
(1,192)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:117:ASN:H	20	0.12
(1,19)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:127:HIS:H	1	0.12
(1,19)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:127:HIS:H	1	0.12
(1,19)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:127:HIS:H	1	0.12
(1,19)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:127:HIS:H	10	0.12
(1,19)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:127:HIS:H	10	0.12
(1,19)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:127:HIS:H	10	0.12
(1,162)	1:A:92:SER:H	1:A:96:ASP:H	19	0.12
(1,148)	1:A:44:ASP:H	1:A:122:ARG:H	11	0.12
(1,146)	1:A:130:LYS:H	1:A:132:GLU:H	2	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,13)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:131:GLU:H	16	0.12
(1,13)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:131:GLU:H	16	0.12
(1,13)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:131:GLU:H	16	0.12
(1,99)	1:A:20:THR:H	1:A:23:ASN:H	1	0.11
(1,99)	1:A:20:THR:H	1:A:23:ASN:H	20	0.11
(1,89)	1:A:55:LYS:H	1:A:57:LYS:H	17	0.11
(1,84)	1:A:10:LYS:H	1:A:12:LEU:H	2	0.11
(1,74)	1:A:30:GLN:H	1:A:31:ASN:H	11	0.11
(1,63)	1:A:54:SER:HG	1:A:57:LYS:H	10	0.11
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD11	11	0.11
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD12	11	0.11
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD13	11	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD21	2	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD22	2	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD23	2	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD21	2	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD22	2	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD23	2	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD21	2	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD22	2	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD23	2	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD21	9	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD22	9	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD23	9	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD21	9	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD22	9	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD23	9	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD21	9	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD22	9	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD23	9	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD21	12	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD22	12	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD23	12	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD21	12	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD22	12	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD23	12	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD21	12	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD22	12	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD23	12	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD21	20	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD22	20	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD23	20	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD21	20	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD22	20	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD23	20	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD21	20	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD22	20	0.11
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD23	20	0.11
(1,60)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD11	11	0.11
(1,60)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD12	11	0.11
(1,60)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD13	11	0.11
(1,59)	1:A:132:GLU:H	1:A:138:LEU:HD11	8	0.11
(1,59)	1:A:132:GLU:H	1:A:138:LEU:HD12	8	0.11
(1,59)	1:A:132:GLU:H	1:A:138:LEU:HD13	8	0.11
(1,584)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD11	16	0.11
(1,584)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD12	16	0.11
(1,584)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD13	16	0.11
(1,581)	1:A:102:VAL:HG11	1:A:113:ARG:H	8	0.11
(1,581)	1:A:102:VAL:HG12	1:A:113:ARG:H	8	0.11
(1,581)	1:A:102:VAL:HG13	1:A:113:ARG:H	8	0.11
(1,57)	1:A:112:LEU:HD11	1:A:113:ARG:H	2	0.11
(1,57)	1:A:112:LEU:HD12	1:A:113:ARG:H	2	0.11
(1,57)	1:A:112:LEU:HD13	1:A:113:ARG:H	2	0.11
(1,564)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:137:TYR:H	19	0.11
(1,564)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:137:TYR:H	19	0.11
(1,564)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:137:TYR:H	19	0.11
(1,557)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:131:GLU:H	11	0.11
(1,557)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:131:GLU:H	11	0.11
(1,557)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:131:GLU:H	11	0.11
(1,555)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD11	19	0.11
(1,555)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD12	19	0.11
(1,555)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD13	19	0.11
(1,551)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD11	9	0.11
(1,551)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD12	9	0.11
(1,551)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD13	9	0.11
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD21	4	0.11
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD22	4	0.11
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD23	4	0.11
(1,536)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:102:VAL:H	14	0.11
(1,536)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:102:VAL:H	14	0.11
(1,536)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:102:VAL:H	14	0.11
(1,52)	1:A:16:GLN:HE21	1:A:46:VAL:HG11	1	0.11
(1,52)	1:A:16:GLN:HE21	1:A:46:VAL:HG12	1	0.11
(1,52)	1:A:16:GLN:HE21	1:A:46:VAL:HG13	1	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,517)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:HG21	8	0.11
(1,517)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:HG22	8	0.11
(1,517)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:HG23	8	0.11
(1,517)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:HG21	11	0.11
(1,517)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:HG22	11	0.11
(1,517)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:HG23	11	0.11
(1,512)	1:A:79:LEU:HD21	1:A:87:ARG:H	16	0.11
(1,512)	1:A:79:LEU:HD22	1:A:87:ARG:H	16	0.11
(1,512)	1:A:79:LEU:HD23	1:A:87:ARG:H	16	0.11
(1,493)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:52:PHE:H	20	0.11
(1,493)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:52:PHE:H	20	0.11
(1,493)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:52:PHE:H	20	0.11
(1,490)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:52:PHE:H	16	0.11
(1,490)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:52:PHE:H	16	0.11
(1,490)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:52:PHE:H	16	0.11
(1,49)	1:A:78:LYS:H	1:A:90:VAL:HG11	13	0.11
(1,49)	1:A:78:LYS:H	1:A:90:VAL:HG12	13	0.11
(1,49)	1:A:78:LYS:H	1:A:90:VAL:HG13	13	0.11
(1,488)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:51:LEU:H	17	0.11
(1,488)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:51:LEU:H	17	0.11
(1,488)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:51:LEU:H	17	0.11
(1,469)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:24:GLY:H	8	0.11
(1,469)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:24:GLY:H	8	0.11
(1,469)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:24:GLY:H	8	0.11
(1,468)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:23:ASN:H	12	0.11
(1,468)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:23:ASN:H	12	0.11
(1,468)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:23:ASN:H	12	0.11
(1,462)	1:A:45:ILE:HD11	1:A:46:VAL:H	19	0.11
(1,462)	1:A:45:ILE:HD12	1:A:46:VAL:H	19	0.11
(1,462)	1:A:45:ILE:HD13	1:A:46:VAL:H	19	0.11
(1,458)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:10:LYS:H	10	0.11
(1,458)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:10:LYS:H	10	0.11
(1,458)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:10:LYS:H	10	0.11
(1,458)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:10:LYS:H	15	0.11
(1,458)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:10:LYS:H	15	0.11
(1,458)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:10:LYS:H	15	0.11
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG21	1	0.11
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG22	1	0.11
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG23	1	0.11
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG21	4	0.11
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG22	4	0.11
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG23	4	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG21	5	0.11
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG22	5	0.11
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG23	5	0.11
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG21	1	0.11
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG22	1	0.11
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG23	1	0.11
(1,451)	1:A:75:VAL:HG11	1:A:91:ARG:H	18	0.11
(1,451)	1:A:75:VAL:HG12	1:A:91:ARG:H	18	0.11
(1,451)	1:A:75:VAL:HG13	1:A:91:ARG:H	18	0.11
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD11	11	0.11
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD12	11	0.11
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD13	11	0.11
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD11	16	0.11
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD12	16	0.11
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD13	16	0.11
(1,443)	1:A:90:VAL:HG21	1:A:101:HIS:H	10	0.11
(1,443)	1:A:90:VAL:HG22	1:A:101:HIS:H	10	0.11
(1,443)	1:A:90:VAL:HG23	1:A:101:HIS:H	10	0.11
(1,438)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:120:ALA:H	6	0.11
(1,438)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:120:ALA:H	6	0.11
(1,438)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:120:ALA:H	6	0.11
(1,438)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:120:ALA:H	8	0.11
(1,438)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:120:ALA:H	8	0.11
(1,438)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:120:ALA:H	8	0.11
(1,435)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:26:GLU:H	16	0.11
(1,435)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:26:GLU:H	16	0.11
(1,435)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:26:GLU:H	16	0.11
(1,42)	1:A:15:MET:H	1:A:19:VAL:HG21	3	0.11
(1,42)	1:A:15:MET:H	1:A:19:VAL:HG22	3	0.11
(1,42)	1:A:15:MET:H	1:A:19:VAL:HG23	3	0.11
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD21	10	0.11
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD22	10	0.11
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD23	10	0.11
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD21	10	0.11
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD22	10	0.11
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD23	10	0.11
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD21	10	0.11
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD22	10	0.11
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD23	10	0.11
(1,41)	1:A:45:ILE:H	1:A:46:VAL:HG21	18	0.11
(1,41)	1:A:45:ILE:H	1:A:46:VAL:HG22	18	0.11
(1,41)	1:A:45:ILE:H	1:A:46:VAL:HG23	18	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,407)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:46:VAL:HG21	1	0.11
(1,407)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:46:VAL:HG22	1	0.11
(1,407)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:46:VAL:HG23	1	0.11
(1,407)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:46:VAL:HG21	1	0.11
(1,407)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:46:VAL:HG22	1	0.11
(1,407)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:46:VAL:HG23	1	0.11
(1,407)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:46:VAL:HG21	1	0.11
(1,407)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:46:VAL:HG22	1	0.11
(1,407)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:46:VAL:HG23	1	0.11
(1,404)	1:A:102:VAL:HG11	1:A:112:LEU:HD21	4	0.11
(1,404)	1:A:102:VAL:HG11	1:A:112:LEU:HD22	4	0.11
(1,404)	1:A:102:VAL:HG11	1:A:112:LEU:HD23	4	0.11
(1,404)	1:A:102:VAL:HG12	1:A:112:LEU:HD21	4	0.11
(1,404)	1:A:102:VAL:HG12	1:A:112:LEU:HD22	4	0.11
(1,404)	1:A:102:VAL:HG12	1:A:112:LEU:HD23	4	0.11
(1,404)	1:A:102:VAL:HG13	1:A:112:LEU:HD21	4	0.11
(1,404)	1:A:102:VAL:HG13	1:A:112:LEU:HD22	4	0.11
(1,404)	1:A:102:VAL:HG13	1:A:112:LEU:HD23	4	0.11
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG21	9	0.11
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG22	9	0.11
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG23	9	0.11
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG21	9	0.11
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG22	9	0.11
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG23	9	0.11
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG21	9	0.11
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG22	9	0.11
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG23	9	0.11
(1,375)	1:A:131:GLU:H	1:A:133:GLY:H	19	0.11
(1,374)	1:A:132:GLU:H	1:A:134:TYR:H	4	0.11
(1,374)	1:A:132:GLU:H	1:A:134:TYR:H	19	0.11
(1,329)	1:A:79:LEU:H	1:A:89:GLU:H	4	0.11
(1,329)	1:A:79:LEU:H	1:A:89:GLU:H	17	0.11
(1,329)	1:A:79:LEU:H	1:A:89:GLU:H	20	0.11
(1,31)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:49:LYS:H	2	0.11
(1,31)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:49:LYS:H	2	0.11
(1,31)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:49:LYS:H	2	0.11
(1,303)	1:A:18:GLU:H	1:A:20:THR:H	19	0.11
(1,30)	1:A:106:GLY:H	1:A:112:LEU:HD21	8	0.11
(1,30)	1:A:106:GLY:H	1:A:112:LEU:HD22	8	0.11
(1,30)	1:A:106:GLY:H	1:A:112:LEU:HD23	8	0.11
(1,299)	1:A:15:MET:H	1:A:18:GLU:H	10	0.11
(1,299)	1:A:15:MET:H	1:A:18:GLU:H	16	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,298)	1:A:14:ARG:H	1:A:17:TYR:H	13	0.11
(1,267)	1:A:21:GLN:H	1:A:24:GLY:H	16	0.11
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD11	9	0.11
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD12	9	0.11
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD13	9	0.11
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD11	11	0.11
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD12	11	0.11
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD13	11	0.11
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD11	11	0.11
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD12	11	0.11
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD13	11	0.11
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD11	11	0.11
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD12	11	0.11
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD13	11	0.11
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD11	5	0.11
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD12	5	0.11
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD13	5	0.11
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD11	6	0.11
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD12	6	0.11
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD13	6	0.11
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD11	9	0.11
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD12	9	0.11
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD13	9	0.11
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD11	10	0.11
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD12	10	0.11
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD13	10	0.11
(1,247)	1:A:121:LEU:HD11	1:A:122:ARG:H	5	0.11
(1,247)	1:A:121:LEU:HD12	1:A:122:ARG:H	5	0.11
(1,247)	1:A:121:LEU:HD13	1:A:122:ARG:H	5	0.11
(1,247)	1:A:121:LEU:HD11	1:A:122:ARG:H	12	0.11
(1,247)	1:A:121:LEU:HD12	1:A:122:ARG:H	12	0.11
(1,247)	1:A:121:LEU:HD13	1:A:122:ARG:H	12	0.11
(1,247)	1:A:121:LEU:HD11	1:A:122:ARG:H	19	0.11
(1,247)	1:A:121:LEU:HD12	1:A:122:ARG:H	19	0.11
(1,247)	1:A:121:LEU:HD13	1:A:122:ARG:H	19	0.11
(1,22)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:137:TYR:H	11	0.11
(1,22)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:137:TYR:H	11	0.11
(1,22)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:137:TYR:H	11	0.11
(1,194)	1:A:42:TYR:H	1:A:43:VAL:HG11	2	0.11
(1,194)	1:A:42:TYR:H	1:A:43:VAL:HG12	2	0.11
(1,194)	1:A:42:TYR:H	1:A:43:VAL:HG13	2	0.11
(1,194)	1:A:42:TYR:H	1:A:43:VAL:HG11	11	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,194)	1:A:42:TYR:H	1:A:43:VAL:HG12	11	0.11
(1,194)	1:A:42:TYR:H	1:A:43:VAL:HG13	11	0.11
(1,192)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:117:ASN:H	5	0.11
(1,192)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:117:ASN:H	5	0.11
(1,192)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:117:ASN:H	5	0.11
(1,192)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:117:ASN:H	14	0.11
(1,192)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:117:ASN:H	14	0.11
(1,192)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:117:ASN:H	14	0.11
(1,190)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:26:GLU:H	1	0.11
(1,190)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:26:GLU:H	1	0.11
(1,190)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:26:GLU:H	1	0.11
(1,176)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:45:ILE:HD11	9	0.11
(1,176)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:45:ILE:HD12	9	0.11
(1,176)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:45:ILE:HD13	9	0.11
(1,176)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:45:ILE:HD11	9	0.11
(1,176)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:45:ILE:HD12	9	0.11
(1,176)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:45:ILE:HD13	9	0.11
(1,176)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:45:ILE:HD11	9	0.11
(1,176)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:45:ILE:HD12	9	0.11
(1,176)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:45:ILE:HD13	9	0.11
(1,176)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:45:ILE:HD11	13	0.11
(1,176)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:45:ILE:HD12	13	0.11
(1,176)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:45:ILE:HD13	13	0.11
(1,176)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:45:ILE:HD11	13	0.11
(1,176)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:45:ILE:HD12	13	0.11
(1,176)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:45:ILE:HD13	13	0.11
(1,176)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:45:ILE:HD11	13	0.11
(1,176)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:45:ILE:HD12	13	0.11
(1,176)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:45:ILE:HD13	13	0.11
(1,161)	1:A:133:GLY:H	1:A:135:GLU:H	7	0.11
(1,161)	1:A:133:GLY:H	1:A:135:GLU:H	19	0.11
(1,15)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG11	13	0.11
(1,15)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG12	13	0.11
(1,15)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG13	13	0.11
(1,15)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG11	16	0.11
(1,15)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG12	16	0.11
(1,15)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG13	16	0.11
(1,139)	1:A:46:VAL:H	1:A:48:GLY:H	7	0.11
(1,131)	1:A:17:TYR:H	1:A:19:VAL:H	14	0.11
(1,13)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:131:GLU:H	7	0.11
(1,13)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:131:GLU:H	7	0.11
(1,13)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:131:GLU:H	7	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,13)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:131:GLU:H	20	0.11
(1,13)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:131:GLU:H	20	0.11
(1,13)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:131:GLU:H	20	0.11
(1,114)	1:A:29:PHE:H	1:A:31:ASN:H	18	0.11
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD21	8	0.11
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD22	8	0.11
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD23	8	0.11
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD21	16	0.11
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD22	16	0.11
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD23	16	0.11
(1,106)	1:A:105:ASP:H	1:A:113:ARG:H	17	0.11
(1,9)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:138:LEU:H	5	0.1
(1,9)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:138:LEU:H	5	0.1
(1,9)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:138:LEU:H	5	0.1
(1,9)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:138:LEU:H	15	0.1
(1,9)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:138:LEU:H	15	0.1
(1,9)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:138:LEU:H	15	0.1
(1,84)	1:A:10:LYS:H	1:A:12:LEU:H	8	0.1
(1,84)	1:A:10:LYS:H	1:A:12:LEU:H	16	0.1
(1,81)	1:A:47:SER:H	1:A:48:GLY:H	13	0.1
(1,68)	1:A:34:TRP:H	1:A:36:HIS:H	17	0.1
(1,63)	1:A:54:SER:HG	1:A:57:LYS:H	15	0.1
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD11	12	0.1
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD12	12	0.1
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD13	12	0.1
(1,609)	1:A:102:VAL:H	1:A:88:THR:H	12	0.1
(1,588)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:22:ASN:H	19	0.1
(1,588)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:22:ASN:H	19	0.1
(1,588)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:22:ASN:H	19	0.1
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG11	12	0.1
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG12	12	0.1
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG13	12	0.1
(1,577)	1:A:111:GLY:H	1:A:112:LEU:HD21	14	0.1
(1,577)	1:A:111:GLY:H	1:A:112:LEU:HD22	14	0.1
(1,577)	1:A:111:GLY:H	1:A:112:LEU:HD23	14	0.1
(1,571)	1:A:140:LEU:HD11	1:A:141:PHE:H	10	0.1
(1,571)	1:A:140:LEU:HD12	1:A:141:PHE:H	10	0.1
(1,571)	1:A:140:LEU:HD13	1:A:141:PHE:H	10	0.1
(1,571)	1:A:140:LEU:HD11	1:A:141:PHE:H	13	0.1
(1,571)	1:A:140:LEU:HD12	1:A:141:PHE:H	13	0.1
(1,571)	1:A:140:LEU:HD13	1:A:141:PHE:H	13	0.1
(1,57)	1:A:112:LEU:HD11	1:A:113:ARG:H	1	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,57)	1:A:112:LEU:HD12	1:A:113:ARG:H	1	0.1
(1,57)	1:A:112:LEU:HD13	1:A:113:ARG:H	1	0.1
(1,57)	1:A:112:LEU:HD11	1:A:113:ARG:H	10	0.1
(1,57)	1:A:112:LEU:HD12	1:A:113:ARG:H	10	0.1
(1,57)	1:A:112:LEU:HD13	1:A:113:ARG:H	10	0.1
(1,565)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:H	14	0.1
(1,565)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:H	14	0.1
(1,565)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:H	14	0.1
(1,564)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:137:TYR:H	9	0.1
(1,564)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:137:TYR:H	9	0.1
(1,564)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:137:TYR:H	9	0.1
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD21	6	0.1
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD22	6	0.1
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD23	6	0.1
(1,551)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD11	3	0.1
(1,551)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD12	3	0.1
(1,551)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD13	3	0.1
(1,546)	1:A:121:LEU:H	1:A:121:LEU:HD21	19	0.1
(1,546)	1:A:121:LEU:H	1:A:121:LEU:HD22	19	0.1
(1,546)	1:A:121:LEU:H	1:A:121:LEU:HD23	19	0.1
(1,544)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:120:ALA:H	20	0.1
(1,544)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:120:ALA:H	20	0.1
(1,544)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:120:ALA:H	20	0.1
(1,536)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:102:VAL:H	2	0.1
(1,536)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:102:VAL:H	2	0.1
(1,536)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:102:VAL:H	2	0.1
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD11	17	0.1
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD12	17	0.1
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD13	17	0.1
(1,517)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:HG21	13	0.1
(1,517)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:HG22	13	0.1
(1,517)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:HG23	13	0.1
(1,517)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:HG21	19	0.1
(1,517)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:HG22	19	0.1
(1,517)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:HG23	19	0.1
(1,512)	1:A:79:LEU:HD21	1:A:87:ARG:H	5	0.1
(1,512)	1:A:79:LEU:HD22	1:A:87:ARG:H	5	0.1
(1,512)	1:A:79:LEU:HD23	1:A:87:ARG:H	5	0.1
(1,497)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:H	11	0.1
(1,497)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:H	11	0.1
(1,497)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:H	11	0.1
(1,491)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:52:PHE:H	17	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,491)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:52:PHE:H	17	0.1
(1,491)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:52:PHE:H	17	0.1
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG11	19	0.1
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG12	19	0.1
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG13	19	0.1
(1,464)	1:A:16:GLN:H	1:A:46:VAL:HG11	3	0.1
(1,464)	1:A:16:GLN:H	1:A:46:VAL:HG12	3	0.1
(1,464)	1:A:16:GLN:H	1:A:46:VAL:HG13	3	0.1
(1,462)	1:A:45:ILE:HD11	1:A:46:VAL:H	13	0.1
(1,462)	1:A:45:ILE:HD12	1:A:46:VAL:H	13	0.1
(1,462)	1:A:45:ILE:HD13	1:A:46:VAL:H	13	0.1
(1,458)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:10:LYS:H	3	0.1
(1,458)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:10:LYS:H	3	0.1
(1,458)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:10:LYS:H	3	0.1
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD11	8	0.1
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD12	8	0.1
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD13	8	0.1
(1,445)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:113:ARG:H	8	0.1
(1,445)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:113:ARG:H	8	0.1
(1,445)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:113:ARG:H	8	0.1
(1,445)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:113:ARG:H	9	0.1
(1,445)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:113:ARG:H	9	0.1
(1,445)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:113:ARG:H	9	0.1
(1,440)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:100:GLY:H	2	0.1
(1,440)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:100:GLY:H	2	0.1
(1,440)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:100:GLY:H	2	0.1
(1,44)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:48:GLY:H	4	0.1
(1,44)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:48:GLY:H	4	0.1
(1,44)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:48:GLY:H	4	0.1
(1,44)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:48:GLY:H	8	0.1
(1,44)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:48:GLY:H	8	0.1
(1,44)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:48:GLY:H	8	0.1
(1,431)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:103:PHE:H	7	0.1
(1,431)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:103:PHE:H	7	0.1
(1,431)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:103:PHE:H	7	0.1
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD21	3	0.1
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD22	3	0.1
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD23	3	0.1
(1,416)	1:A:86:ILE:H	1:A:86:ILE:HD11	20	0.1
(1,416)	1:A:86:ILE:H	1:A:86:ILE:HD12	20	0.1
(1,416)	1:A:86:ILE:H	1:A:86:ILE:HD13	20	0.1
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD21	18	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD22	18	0.1
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD23	18	0.1
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD21	19	0.1
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD22	19	0.1
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD23	19	0.1
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG21	14	0.1
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG22	14	0.1
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG23	14	0.1
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG21	14	0.1
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG22	14	0.1
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG23	14	0.1
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG21	14	0.1
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG22	14	0.1
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG23	14	0.1
(1,38)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:13:ASN:HD22	7	0.1
(1,38)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:13:ASN:HD22	7	0.1
(1,38)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:13:ASN:HD22	7	0.1
(1,375)	1:A:131:GLU:H	1:A:133:GLY:H	7	0.1
(1,37)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:13:ASN:HD21	4	0.1
(1,37)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:13:ASN:HD21	4	0.1
(1,37)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:13:ASN:HD21	4	0.1
(1,361)	1:A:45:ILE:H	1:A:122:ARG:H	17	0.1
(1,345)	1:A:103:PHE:H	1:A:105:ASP:H	10	0.1
(1,332)	1:A:85:MET:H	1:A:86:ILE:H	11	0.1
(1,327)	1:A:78:LYS:H	1:A:89:GLU:H	5	0.1
(1,322)	1:A:54:SER:H	1:A:57:LYS:H	4	0.1
(1,31)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:49:LYS:H	7	0.1
(1,31)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:49:LYS:H	7	0.1
(1,31)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:49:LYS:H	7	0.1
(1,308)	1:A:30:GLN:H	1:A:34:TRP:HE1	2	0.1
(1,30)	1:A:106:GLY:H	1:A:112:LEU:HD21	14	0.1
(1,30)	1:A:106:GLY:H	1:A:112:LEU:HD22	14	0.1
(1,30)	1:A:106:GLY:H	1:A:112:LEU:HD23	14	0.1
(1,299)	1:A:15:MET:H	1:A:18:GLU:H	17	0.1
(1,279)	1:A:26:GLU:H	1:A:64:TRP:HE1	3	0.1
(1,279)	1:A:26:GLU:H	1:A:64:TRP:HE1	9	0.1
(1,275)	1:A:92:SER:H	1:A:99:LEU:H	10	0.1
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD11	15	0.1
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD12	15	0.1
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD13	15	0.1
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD11	6	0.1
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD12	6	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD13	6	0.1
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD11	6	0.1
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD12	6	0.1
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD13	6	0.1
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD11	6	0.1
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD12	6	0.1
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD13	6	0.1
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD11	14	0.1
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD12	14	0.1
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD13	14	0.1
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD11	14	0.1
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD12	14	0.1
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD13	14	0.1
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD11	14	0.1
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD12	14	0.1
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD13	14	0.1
(1,247)	1:A:121:LEU:HD11	1:A:122:ARG:H	10	0.1
(1,247)	1:A:121:LEU:HD12	1:A:122:ARG:H	10	0.1
(1,247)	1:A:121:LEU:HD13	1:A:122:ARG:H	10	0.1
(1,247)	1:A:121:LEU:HD11	1:A:122:ARG:H	15	0.1
(1,247)	1:A:121:LEU:HD12	1:A:122:ARG:H	15	0.1
(1,247)	1:A:121:LEU:HD13	1:A:122:ARG:H	15	0.1
(1,225)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:71:ILE:HD11	13	0.1
(1,225)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:71:ILE:HD12	13	0.1
(1,225)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:71:ILE:HD13	13	0.1
(1,225)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:71:ILE:HD11	13	0.1
(1,225)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:71:ILE:HD12	13	0.1
(1,225)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:71:ILE:HD13	13	0.1
(1,225)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:71:ILE:HD11	13	0.1
(1,225)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:71:ILE:HD12	13	0.1
(1,225)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:71:ILE:HD13	13	0.1
(1,225)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:71:ILE:HD11	19	0.1
(1,225)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:71:ILE:HD12	19	0.1
(1,225)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:71:ILE:HD13	19	0.1
(1,225)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:71:ILE:HD11	19	0.1
(1,225)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:71:ILE:HD12	19	0.1
(1,225)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:71:ILE:HD13	19	0.1
(1,225)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:71:ILE:HD11	19	0.1
(1,225)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:71:ILE:HD12	19	0.1
(1,225)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:71:ILE:HD13	19	0.1
(1,219)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:74:GLU:H	1	0.1
(1,219)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:74:GLU:H	1	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,219)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:74:GLU:H	1	0.1
(1,212)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:129:LEU:HD11	3	0.1
(1,212)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:129:LEU:HD12	3	0.1
(1,212)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:129:LEU:HD13	3	0.1
(1,212)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:129:LEU:HD11	3	0.1
(1,212)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:129:LEU:HD12	3	0.1
(1,212)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:129:LEU:HD13	3	0.1
(1,212)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:129:LEU:HD11	3	0.1
(1,212)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:129:LEU:HD12	3	0.1
(1,212)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:129:LEU:HD13	3	0.1
(1,212)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:129:LEU:HD11	9	0.1
(1,212)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:129:LEU:HD12	9	0.1
(1,212)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:129:LEU:HD13	9	0.1
(1,212)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:129:LEU:HD11	9	0.1
(1,212)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:129:LEU:HD12	9	0.1
(1,212)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:129:LEU:HD13	9	0.1
(1,212)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:129:LEU:HD11	9	0.1
(1,212)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:129:LEU:HD12	9	0.1
(1,212)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:129:LEU:HD13	9	0.1
(1,2)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:114:TYR:H	7	0.1
(1,2)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:114:TYR:H	7	0.1
(1,2)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:114:TYR:H	7	0.1
(1,192)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:117:ASN:H	7	0.1
(1,192)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:117:ASN:H	7	0.1
(1,192)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:117:ASN:H	7	0.1
(1,19)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:127:HIS:H	3	0.1
(1,19)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:127:HIS:H	3	0.1
(1,19)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:127:HIS:H	3	0.1
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG11	3	0.1
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG12	3	0.1
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG13	3	0.1
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD21	13	0.1
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD22	13	0.1
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD23	13	0.1
(1,162)	1:A:92:SER:H	1:A:96:ASP:H	13	0.1
(1,161)	1:A:133:GLY:H	1:A:135:GLU:H	6	0.1
(1,160)	1:A:54:SER:H	1:A:56:ASP:H	5	0.1
(1,147)	1:A:130:LYS:H	1:A:134:TYR:H	3	0.1
(1,147)	1:A:130:LYS:H	1:A:134:TYR:H	11	0.1
(1,147)	1:A:130:LYS:H	1:A:134:TYR:H	12	0.1
(1,133)	1:A:7:GLU:H	1:A:9:ILE:H	18	0.1
(1,131)	1:A:17:TYR:H	1:A:19:VAL:H	2	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,13)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:131:GLU:H	6	0.1
(1,13)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:131:GLU:H	6	0.1
(1,13)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:131:GLU:H	6	0.1
(1,13)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:131:GLU:H	13	0.1
(1,13)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:131:GLU:H	13	0.1
(1,13)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:131:GLU:H	13	0.1
(1,115)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:H	8	0.1
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD21	19	0.1
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD22	19	0.1
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD23	19	0.1
(1,99)	1:A:20:THR:H	1:A:23:ASN:H	18	0.09
(1,93)	1:A:8:LYS:H	1:A:10:LYS:H	20	0.09
(1,89)	1:A:55:LYS:H	1:A:57:LYS:H	13	0.09
(1,83)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:H	9	0.09
(1,75)	1:A:29:PHE:H	1:A:30:GLN:H	11	0.09
(1,65)	1:A:118:SER:HG	1:A:119:ALA:H	2	0.09
(1,63)	1:A:54:SER:HG	1:A:57:LYS:H	12	0.09
(1,610)	1:A:115:CYS:H	1:A:101:HIS:H	9	0.09
(1,609)	1:A:102:VAL:H	1:A:88:THR:H	6	0.09
(1,609)	1:A:102:VAL:H	1:A:88:THR:H	7	0.09
(1,603)	1:A:144:LEU:HD11	1:A:145:GLU:H	1	0.09
(1,603)	1:A:144:LEU:HD12	1:A:145:GLU:H	1	0.09
(1,603)	1:A:144:LEU:HD13	1:A:145:GLU:H	1	0.09
(1,603)	1:A:144:LEU:HD21	1:A:145:GLU:H	1	0.09
(1,603)	1:A:144:LEU:HD22	1:A:145:GLU:H	1	0.09
(1,603)	1:A:144:LEU:HD23	1:A:145:GLU:H	1	0.09
(1,601)	1:A:142:ASN:HD21	1:A:144:LEU:HD11	2	0.09
(1,601)	1:A:142:ASN:HD21	1:A:144:LEU:HD12	2	0.09
(1,601)	1:A:142:ASN:HD21	1:A:144:LEU:HD13	2	0.09
(1,601)	1:A:142:ASN:HD21	1:A:144:LEU:HD21	2	0.09
(1,601)	1:A:142:ASN:HD21	1:A:144:LEU:HD22	2	0.09
(1,601)	1:A:142:ASN:HD21	1:A:144:LEU:HD23	2	0.09
(1,601)	1:A:142:ASN:HD22	1:A:144:LEU:HD11	2	0.09
(1,601)	1:A:142:ASN:HD22	1:A:144:LEU:HD12	2	0.09
(1,601)	1:A:142:ASN:HD22	1:A:144:LEU:HD13	2	0.09
(1,601)	1:A:142:ASN:HD22	1:A:144:LEU:HD21	2	0.09
(1,601)	1:A:142:ASN:HD22	1:A:144:LEU:HD22	2	0.09
(1,601)	1:A:142:ASN:HD22	1:A:144:LEU:HD23	2	0.09
(1,60)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD11	6	0.09
(1,60)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD12	6	0.09
(1,60)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD13	6	0.09
(1,59)	1:A:132:GLU:H	1:A:138:LEU:HD11	18	0.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,59)	1:A:132:GLU:H	1:A:138:LEU:HD12	18	0.09
(1,59)	1:A:132:GLU:H	1:A:138:LEU:HD13	18	0.09
(1,571)	1:A:140:LEU:HD11	1:A:141:PHE:H	18	0.09
(1,571)	1:A:140:LEU:HD12	1:A:141:PHE:H	18	0.09
(1,571)	1:A:140:LEU:HD13	1:A:141:PHE:H	18	0.09
(1,565)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:H	16	0.09
(1,565)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:H	16	0.09
(1,565)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:H	16	0.09
(1,565)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:H	19	0.09
(1,565)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:H	19	0.09
(1,565)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:H	19	0.09
(1,564)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:137:TYR:H	10	0.09
(1,564)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:137:TYR:H	10	0.09
(1,564)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:137:TYR:H	10	0.09
(1,564)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:137:TYR:H	16	0.09
(1,564)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:137:TYR:H	16	0.09
(1,564)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:137:TYR:H	16	0.09
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD21	18	0.09
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD22	18	0.09
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD23	18	0.09
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD21	19	0.09
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD22	19	0.09
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD23	19	0.09
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG21	16	0.09
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG22	16	0.09
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG23	16	0.09
(1,549)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD21	6	0.09
(1,549)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD22	6	0.09
(1,549)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD23	6	0.09
(1,549)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD21	20	0.09
(1,549)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD22	20	0.09
(1,549)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD23	20	0.09
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD21	1	0.09
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD22	1	0.09
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD23	1	0.09
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD21	10	0.09
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD22	10	0.09
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD23	10	0.09
(1,534)	1:A:101:HIS:H	1:A:102:VAL:HG11	8	0.09
(1,534)	1:A:101:HIS:H	1:A:102:VAL:HG12	8	0.09
(1,534)	1:A:101:HIS:H	1:A:102:VAL:HG13	8	0.09
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD21	20	0.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD22	20	0.09
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD23	20	0.09
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD11	19	0.09
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD12	19	0.09
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD13	19	0.09
(1,517)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:HG21	18	0.09
(1,517)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:HG22	18	0.09
(1,517)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:HG23	18	0.09
(1,512)	1:A:79:LEU:HD21	1:A:87:ARG:H	4	0.09
(1,512)	1:A:79:LEU:HD22	1:A:87:ARG:H	4	0.09
(1,512)	1:A:79:LEU:HD23	1:A:87:ARG:H	4	0.09
(1,512)	1:A:79:LEU:HD21	1:A:87:ARG:H	7	0.09
(1,512)	1:A:79:LEU:HD22	1:A:87:ARG:H	7	0.09
(1,512)	1:A:79:LEU:HD23	1:A:87:ARG:H	7	0.09
(1,505)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:76:GLU:H	7	0.09
(1,505)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:76:GLU:H	7	0.09
(1,505)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:76:GLU:H	7	0.09
(1,505)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:76:GLU:H	13	0.09
(1,505)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:76:GLU:H	13	0.09
(1,505)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:76:GLU:H	13	0.09
(1,501)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG21	13	0.09
(1,501)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG22	13	0.09
(1,501)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG23	13	0.09
(1,501)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG21	16	0.09
(1,501)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG22	16	0.09
(1,501)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG23	16	0.09
(1,499)	1:A:71:ILE:H	1:A:71:ILE:HD11	12	0.09
(1,499)	1:A:71:ILE:H	1:A:71:ILE:HD12	12	0.09
(1,499)	1:A:71:ILE:H	1:A:71:ILE:HD13	12	0.09
(1,48)	1:A:79:LEU:HD11	1:A:88:THR:H	18	0.09
(1,48)	1:A:79:LEU:HD12	1:A:88:THR:H	18	0.09
(1,48)	1:A:79:LEU:HD13	1:A:88:THR:H	18	0.09
(1,472)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:42:TYR:H	7	0.09
(1,472)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:42:TYR:H	7	0.09
(1,472)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:42:TYR:H	7	0.09
(1,470)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:24:GLY:H	7	0.09
(1,470)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:24:GLY:H	7	0.09
(1,470)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:24:GLY:H	7	0.09
(1,47)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:115:CYS:H	6	0.09
(1,47)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:115:CYS:H	6	0.09
(1,47)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:115:CYS:H	6	0.09
(1,468)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:23:ASN:H	18	0.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,468)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:23:ASN:H	18	0.09
(1,468)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:23:ASN:H	18	0.09
(1,462)	1:A:45:ILE:HD11	1:A:46:VAL:H	16	0.09
(1,462)	1:A:45:ILE:HD12	1:A:46:VAL:H	16	0.09
(1,462)	1:A:45:ILE:HD13	1:A:46:VAL:H	16	0.09
(1,458)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:10:LYS:H	9	0.09
(1,458)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:10:LYS:H	9	0.09
(1,458)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:10:LYS:H	9	0.09
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG21	14	0.09
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG22	14	0.09
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG23	14	0.09
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG21	15	0.09
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG22	15	0.09
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG23	15	0.09
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG21	19	0.09
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG22	19	0.09
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG23	19	0.09
(1,451)	1:A:75:VAL:HG11	1:A:91:ARG:H	1	0.09
(1,451)	1:A:75:VAL:HG12	1:A:91:ARG:H	1	0.09
(1,451)	1:A:75:VAL:HG13	1:A:91:ARG:H	1	0.09
(1,451)	1:A:75:VAL:HG11	1:A:91:ARG:H	9	0.09
(1,451)	1:A:75:VAL:HG12	1:A:91:ARG:H	9	0.09
(1,451)	1:A:75:VAL:HG13	1:A:91:ARG:H	9	0.09
(1,451)	1:A:75:VAL:HG11	1:A:91:ARG:H	14	0.09
(1,451)	1:A:75:VAL:HG12	1:A:91:ARG:H	14	0.09
(1,451)	1:A:75:VAL:HG13	1:A:91:ARG:H	14	0.09
(1,451)	1:A:75:VAL:HG11	1:A:91:ARG:H	16	0.09
(1,451)	1:A:75:VAL:HG12	1:A:91:ARG:H	16	0.09
(1,451)	1:A:75:VAL:HG13	1:A:91:ARG:H	16	0.09
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD11	6	0.09
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD12	6	0.09
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD13	6	0.09
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD11	9	0.09
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD12	9	0.09
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD13	9	0.09
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD11	13	0.09
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD12	13	0.09
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD13	13	0.09
(1,447)	1:A:41:LEU:H	1:A:124:VAL:HG21	5	0.09
(1,447)	1:A:41:LEU:H	1:A:124:VAL:HG22	5	0.09
(1,447)	1:A:41:LEU:H	1:A:124:VAL:HG23	5	0.09
(1,447)	1:A:41:LEU:H	1:A:124:VAL:HG21	14	0.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,447)	1:A:41:LEU:H	1:A:124:VAL:HG22	14	0.09
(1,447)	1:A:41:LEU:H	1:A:124:VAL:HG23	14	0.09
(1,445)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:113:ARG:H	4	0.09
(1,445)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:113:ARG:H	4	0.09
(1,445)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:113:ARG:H	4	0.09
(1,445)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:113:ARG:H	11	0.09
(1,445)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:113:ARG:H	11	0.09
(1,445)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:113:ARG:H	11	0.09
(1,443)	1:A:90:VAL:HG21	1:A:101:HIS:H	13	0.09
(1,443)	1:A:90:VAL:HG22	1:A:101:HIS:H	13	0.09
(1,443)	1:A:90:VAL:HG23	1:A:101:HIS:H	13	0.09
(1,440)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:100:GLY:H	17	0.09
(1,440)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:100:GLY:H	17	0.09
(1,440)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:100:GLY:H	17	0.09
(1,440)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:100:GLY:H	19	0.09
(1,440)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:100:GLY:H	19	0.09
(1,440)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:100:GLY:H	19	0.09
(1,44)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:48:GLY:H	17	0.09
(1,44)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:48:GLY:H	17	0.09
(1,44)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:48:GLY:H	17	0.09
(1,435)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:26:GLU:H	1	0.09
(1,435)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:26:GLU:H	1	0.09
(1,435)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:26:GLU:H	1	0.09
(1,435)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:26:GLU:H	13	0.09
(1,435)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:26:GLU:H	13	0.09
(1,435)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:26:GLU:H	13	0.09
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD21	16	0.09
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD22	16	0.09
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD23	16	0.09
(1,416)	1:A:86:ILE:H	1:A:86:ILE:HD11	5	0.09
(1,416)	1:A:86:ILE:H	1:A:86:ILE:HD12	5	0.09
(1,416)	1:A:86:ILE:H	1:A:86:ILE:HD13	5	0.09
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD21	9	0.09
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD22	9	0.09
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD23	9	0.09
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD21	15	0.09
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD22	15	0.09
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD23	15	0.09
(1,41)	1:A:45:ILE:H	1:A:46:VAL:HG21	16	0.09
(1,41)	1:A:45:ILE:H	1:A:46:VAL:HG22	16	0.09
(1,41)	1:A:45:ILE:H	1:A:46:VAL:HG23	16	0.09
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD11	14	0.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD12	14	0.09
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD13	14	0.09
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD11	14	0.09
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD12	14	0.09
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD13	14	0.09
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD11	14	0.09
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD12	14	0.09
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD13	14	0.09
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD11	19	0.09
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD12	19	0.09
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD13	19	0.09
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD11	19	0.09
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD12	19	0.09
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD13	19	0.09
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD11	19	0.09
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD12	19	0.09
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD13	19	0.09
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD11	20	0.09
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD12	20	0.09
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD13	20	0.09
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD11	20	0.09
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD12	20	0.09
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD13	20	0.09
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD11	20	0.09
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD12	20	0.09
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD13	20	0.09
(1,4)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:H	11	0.09
(1,4)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:H	11	0.09
(1,4)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:H	11	0.09
(1,4)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:H	17	0.09
(1,4)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:H	17	0.09
(1,4)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:H	17	0.09
(1,4)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:H	19	0.09
(1,4)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:H	19	0.09
(1,4)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:H	19	0.09
(1,399)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:129:LEU:HD21	11	0.09
(1,399)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:129:LEU:HD22	11	0.09
(1,399)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:129:LEU:HD23	11	0.09
(1,399)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:129:LEU:HD21	11	0.09
(1,399)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:129:LEU:HD22	11	0.09
(1,399)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:129:LEU:HD23	11	0.09
(1,399)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:129:LEU:HD21	11	0.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,399)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:129:LEU:HD22	11	0.09
(1,399)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:129:LEU:HD23	11	0.09
(1,375)	1:A:131:GLU:H	1:A:133:GLY:H	5	0.09
(1,374)	1:A:132:GLU:H	1:A:134:TYR:H	1	0.09
(1,37)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:13:ASN:HD21	2	0.09
(1,37)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:13:ASN:HD21	2	0.09
(1,37)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:13:ASN:HD21	2	0.09
(1,364)	1:A:43:VAL:H	1:A:124:VAL:H	15	0.09
(1,350)	1:A:108:GLY:H	1:A:111:GLY:H	15	0.09
(1,336)	1:A:90:VAL:H	1:A:101:HIS:H	16	0.09
(1,332)	1:A:85:MET:H	1:A:86:ILE:H	6	0.09
(1,329)	1:A:79:LEU:H	1:A:89:GLU:H	8	0.09
(1,322)	1:A:54:SER:H	1:A:57:LYS:H	13	0.09
(1,312)	1:A:41:LEU:H	1:A:124:VAL:H	13	0.09
(1,303)	1:A:18:GLU:H	1:A:20:THR:H	7	0.09
(1,298)	1:A:14:ARG:H	1:A:17:TYR:H	2	0.09
(1,298)	1:A:14:ARG:H	1:A:17:TYR:H	10	0.09
(1,298)	1:A:14:ARG:H	1:A:17:TYR:H	11	0.09
(1,298)	1:A:14:ARG:H	1:A:17:TYR:H	16	0.09
(1,285)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:H	10	0.09
(1,283)	1:A:131:GLU:H	1:A:134:TYR:H	9	0.09
(1,274)	1:A:80:ASP:H	1:A:89:GLU:H	8	0.09
(1,267)	1:A:21:GLN:H	1:A:24:GLY:H	10	0.09
(1,267)	1:A:21:GLN:H	1:A:24:GLY:H	14	0.09
(1,266)	1:A:19:VAL:H	1:A:21:GLN:H	20	0.09
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD11	13	0.09
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD12	13	0.09
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD13	13	0.09
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD11	13	0.09
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD12	13	0.09
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD13	13	0.09
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD11	13	0.09
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD12	13	0.09
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD13	13	0.09
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD11	16	0.09
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD12	16	0.09
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD13	16	0.09
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD11	16	0.09
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD12	16	0.09
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD13	16	0.09
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD11	16	0.09
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD12	16	0.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD13	16	0.09
(1,25)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:123:PHE:H	7	0.09
(1,25)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:123:PHE:H	7	0.09
(1,25)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:123:PHE:H	7	0.09
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD11	3	0.09
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD12	3	0.09
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD13	3	0.09
(1,237)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:129:LEU:HD11	4	0.09
(1,237)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:129:LEU:HD12	4	0.09
(1,237)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:129:LEU:HD13	4	0.09
(1,237)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:129:LEU:HD11	4	0.09
(1,237)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:129:LEU:HD12	4	0.09
(1,237)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:129:LEU:HD13	4	0.09
(1,237)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:129:LEU:HD11	4	0.09
(1,237)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:129:LEU:HD12	4	0.09
(1,237)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:129:LEU:HD13	4	0.09
(1,235)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:13:ASN:HD21	15	0.09
(1,235)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:13:ASN:HD21	15	0.09
(1,235)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:13:ASN:HD21	15	0.09
(1,219)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:74:GLU:H	11	0.09
(1,219)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:74:GLU:H	11	0.09
(1,219)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:74:GLU:H	11	0.09
(1,210)	1:A:41:LEU:H	1:A:41:LEU:HD21	10	0.09
(1,210)	1:A:41:LEU:H	1:A:41:LEU:HD22	10	0.09
(1,210)	1:A:41:LEU:H	1:A:41:LEU:HD23	10	0.09
(1,192)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:117:ASN:H	19	0.09
(1,192)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:117:ASN:H	19	0.09
(1,192)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:117:ASN:H	19	0.09
(1,19)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:127:HIS:H	9	0.09
(1,19)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:127:HIS:H	9	0.09
(1,19)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:127:HIS:H	9	0.09
(1,19)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:127:HIS:H	16	0.09
(1,19)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:127:HIS:H	16	0.09
(1,19)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:127:HIS:H	16	0.09
(1,189)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:HG21	11	0.09
(1,189)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:HG22	11	0.09
(1,189)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:HG23	11	0.09
(1,189)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:HG21	11	0.09
(1,189)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:HG22	11	0.09
(1,189)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:HG23	11	0.09
(1,189)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:HG21	11	0.09
(1,189)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:HG22	11	0.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,189)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:HG23	11	0.09
(1,176)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:45:ILE:HD11	3	0.09
(1,176)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:45:ILE:HD12	3	0.09
(1,176)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:45:ILE:HD13	3	0.09
(1,176)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:45:ILE:HD11	3	0.09
(1,176)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:45:ILE:HD12	3	0.09
(1,176)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:45:ILE:HD13	3	0.09
(1,176)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:45:ILE:HD11	3	0.09
(1,176)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:45:ILE:HD12	3	0.09
(1,176)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:45:ILE:HD13	3	0.09
(1,172)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:20:THR:H	12	0.09
(1,172)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:20:THR:H	12	0.09
(1,172)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:20:THR:H	12	0.09
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD21	17	0.09
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD22	17	0.09
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD23	17	0.09
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD21	9	0.09
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD22	9	0.09
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD23	9	0.09
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD21	11	0.09
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD22	11	0.09
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD23	11	0.09
(1,139)	1:A:46:VAL:H	1:A:48:GLY:H	11	0.09
(1,132)	1:A:16:GLN:H	1:A:19:VAL:H	15	0.09
(1,131)	1:A:17:TYR:H	1:A:19:VAL:H	3	0.09
(1,119)	1:A:88:THR:H	1:A:102:VAL:H	19	0.09
(1,115)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:H	18	0.09
(1,115)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:H	20	0.09
(1,106)	1:A:105:ASP:H	1:A:113:ARG:H	18	0.09
(1,102)	1:A:52:PHE:H	1:A:71:ILE:H	1	0.09
(1,99)	1:A:20:THR:H	1:A:23:ASN:H	12	0.08
(1,9)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:138:LEU:H	17	0.08
(1,9)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:138:LEU:H	17	0.08
(1,9)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:138:LEU:H	17	0.08
(1,81)	1:A:47:SER:H	1:A:48:GLY:H	4	0.08
(1,8)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:42:TYR:H	4	0.08
(1,8)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:42:TYR:H	4	0.08
(1,8)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:42:TYR:H	4	0.08
(1,79)	1:A:45:ILE:H	1:A:47:SER:H	7	0.08
(1,79)	1:A:45:ILE:H	1:A:47:SER:H	12	0.08
(1,78)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:H	3	0.08
(1,63)	1:A:54:SER:HG	1:A:57:LYS:H	5	0.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,63)	1:A:54:SER:HG	1:A:57:LYS:H	13	0.08
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD11	3	0.08
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD12	3	0.08
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD13	3	0.08
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD11	18	0.08
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD12	18	0.08
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD13	18	0.08
(1,614)	1:A:86:ILE:HD11	1:A:80:ASP:H	10	0.08
(1,614)	1:A:86:ILE:HD12	1:A:80:ASP:H	10	0.08
(1,614)	1:A:86:ILE:HD13	1:A:80:ASP:H	10	0.08
(1,610)	1:A:115:CYS:H	1:A:101:HIS:H	10	0.08
(1,608)	1:A:100:GLY:H	1:A:90:VAL:H	3	0.08
(1,590)	1:A:16:GLN:HE21	1:A:45:ILE:HD11	11	0.08
(1,590)	1:A:16:GLN:HE21	1:A:45:ILE:HD12	11	0.08
(1,590)	1:A:16:GLN:HE21	1:A:45:ILE:HD13	11	0.08
(1,590)	1:A:16:GLN:HE22	1:A:45:ILE:HD11	11	0.08
(1,590)	1:A:16:GLN:HE22	1:A:45:ILE:HD12	11	0.08
(1,590)	1:A:16:GLN:HE22	1:A:45:ILE:HD13	11	0.08
(1,584)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD11	20	0.08
(1,584)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD12	20	0.08
(1,584)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD13	20	0.08
(1,571)	1:A:140:LEU:HD11	1:A:141:PHE:H	3	0.08
(1,571)	1:A:140:LEU:HD12	1:A:141:PHE:H	3	0.08
(1,571)	1:A:140:LEU:HD13	1:A:141:PHE:H	3	0.08
(1,571)	1:A:140:LEU:HD11	1:A:141:PHE:H	9	0.08
(1,571)	1:A:140:LEU:HD12	1:A:141:PHE:H	9	0.08
(1,571)	1:A:140:LEU:HD13	1:A:141:PHE:H	9	0.08
(1,57)	1:A:112:LEU:HD11	1:A:113:ARG:H	17	0.08
(1,57)	1:A:112:LEU:HD12	1:A:113:ARG:H	17	0.08
(1,57)	1:A:112:LEU:HD13	1:A:113:ARG:H	17	0.08
(1,563)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:137:TYR:H	17	0.08
(1,563)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:137:TYR:H	17	0.08
(1,563)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:137:TYR:H	17	0.08
(1,558)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:132:GLU:H	14	0.08
(1,558)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:132:GLU:H	14	0.08
(1,558)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:132:GLU:H	14	0.08
(1,556)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD11	18	0.08
(1,556)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD12	18	0.08
(1,556)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD13	18	0.08
(1,555)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD11	15	0.08
(1,555)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD12	15	0.08
(1,555)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD13	15	0.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,551)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD11	19	0.08
(1,551)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD12	19	0.08
(1,551)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD13	19	0.08
(1,534)	1:A:101:HIS:H	1:A:102:VAL:HG11	10	0.08
(1,534)	1:A:101:HIS:H	1:A:102:VAL:HG12	10	0.08
(1,534)	1:A:101:HIS:H	1:A:102:VAL:HG13	10	0.08
(1,525)	1:A:98:HIS:H	1:A:99:LEU:HD21	14	0.08
(1,525)	1:A:98:HIS:H	1:A:99:LEU:HD22	14	0.08
(1,525)	1:A:98:HIS:H	1:A:99:LEU:HD23	14	0.08
(1,513)	1:A:79:LEU:HD11	1:A:87:ARG:H	1	0.08
(1,513)	1:A:79:LEU:HD12	1:A:87:ARG:H	1	0.08
(1,513)	1:A:79:LEU:HD13	1:A:87:ARG:H	1	0.08
(1,512)	1:A:79:LEU:HD21	1:A:87:ARG:H	18	0.08
(1,512)	1:A:79:LEU:HD22	1:A:87:ARG:H	18	0.08
(1,512)	1:A:79:LEU:HD23	1:A:87:ARG:H	18	0.08
(1,505)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:76:GLU:H	3	0.08
(1,505)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:76:GLU:H	3	0.08
(1,505)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:76:GLU:H	3	0.08
(1,505)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:76:GLU:H	6	0.08
(1,505)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:76:GLU:H	6	0.08
(1,505)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:76:GLU:H	6	0.08
(1,505)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:76:GLU:H	11	0.08
(1,505)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:76:GLU:H	11	0.08
(1,505)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:76:GLU:H	11	0.08
(1,50)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:64:TRP:HE1	2	0.08
(1,50)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:64:TRP:HE1	2	0.08
(1,50)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:64:TRP:HE1	2	0.08
(1,496)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:54:SER:H	4	0.08
(1,496)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:54:SER:H	4	0.08
(1,496)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:54:SER:H	4	0.08
(1,490)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:52:PHE:H	15	0.08
(1,490)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:52:PHE:H	15	0.08
(1,490)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:52:PHE:H	15	0.08
(1,488)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:51:LEU:H	9	0.08
(1,488)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:51:LEU:H	9	0.08
(1,488)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:51:LEU:H	9	0.08
(1,488)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:51:LEU:H	13	0.08
(1,488)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:51:LEU:H	13	0.08
(1,488)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:51:LEU:H	13	0.08
(1,475)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:44:ASP:H	15	0.08
(1,475)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:44:ASP:H	15	0.08
(1,475)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:44:ASP:H	15	0.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,47)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:115:CYS:H	10	0.08
(1,47)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:115:CYS:H	10	0.08
(1,47)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:115:CYS:H	10	0.08
(1,469)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:24:GLY:H	5	0.08
(1,469)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:24:GLY:H	5	0.08
(1,469)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:24:GLY:H	5	0.08
(1,469)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:24:GLY:H	13	0.08
(1,469)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:24:GLY:H	13	0.08
(1,469)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:24:GLY:H	13	0.08
(1,468)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:23:ASN:H	20	0.08
(1,468)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:23:ASN:H	20	0.08
(1,468)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:23:ASN:H	20	0.08
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG11	7	0.08
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG12	7	0.08
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG13	7	0.08
(1,462)	1:A:45:ILE:HD11	1:A:46:VAL:H	4	0.08
(1,462)	1:A:45:ILE:HD12	1:A:46:VAL:H	4	0.08
(1,462)	1:A:45:ILE:HD13	1:A:46:VAL:H	4	0.08
(1,462)	1:A:45:ILE:HD11	1:A:46:VAL:H	20	0.08
(1,462)	1:A:45:ILE:HD12	1:A:46:VAL:H	20	0.08
(1,462)	1:A:45:ILE:HD13	1:A:46:VAL:H	20	0.08
(1,458)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:10:LYS:H	12	0.08
(1,458)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:10:LYS:H	12	0.08
(1,458)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:10:LYS:H	12	0.08
(1,458)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:10:LYS:H	20	0.08
(1,458)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:10:LYS:H	20	0.08
(1,458)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:10:LYS:H	20	0.08
(1,456)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:HD21	16	0.08
(1,456)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:HD22	16	0.08
(1,456)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:HD23	16	0.08
(1,454)	1:A:134:TYR:H	1:A:138:LEU:HD21	7	0.08
(1,454)	1:A:134:TYR:H	1:A:138:LEU:HD22	7	0.08
(1,454)	1:A:134:TYR:H	1:A:138:LEU:HD23	7	0.08
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG21	4	0.08
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG22	4	0.08
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG23	4	0.08
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG21	15	0.08
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG22	15	0.08
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG23	15	0.08
(1,451)	1:A:75:VAL:HG11	1:A:91:ARG:H	15	0.08
(1,451)	1:A:75:VAL:HG12	1:A:91:ARG:H	15	0.08
(1,451)	1:A:75:VAL:HG13	1:A:91:ARG:H	15	0.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD11	4	0.08
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD12	4	0.08
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD13	4	0.08
(1,447)	1:A:41:LEU:H	1:A:124:VAL:HG21	10	0.08
(1,447)	1:A:41:LEU:H	1:A:124:VAL:HG22	10	0.08
(1,447)	1:A:41:LEU:H	1:A:124:VAL:HG23	10	0.08
(1,445)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:113:ARG:H	16	0.08
(1,445)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:113:ARG:H	16	0.08
(1,445)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:113:ARG:H	16	0.08
(1,445)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:113:ARG:H	18	0.08
(1,445)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:113:ARG:H	18	0.08
(1,445)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:113:ARG:H	18	0.08
(1,440)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:100:GLY:H	10	0.08
(1,440)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:100:GLY:H	10	0.08
(1,440)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:100:GLY:H	10	0.08
(1,440)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:100:GLY:H	20	0.08
(1,440)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:100:GLY:H	20	0.08
(1,440)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:100:GLY:H	20	0.08
(1,437)	1:A:46:VAL:HG11	1:A:48:GLY:H	17	0.08
(1,437)	1:A:46:VAL:HG12	1:A:48:GLY:H	17	0.08
(1,437)	1:A:46:VAL:HG13	1:A:48:GLY:H	17	0.08
(1,435)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:26:GLU:H	18	0.08
(1,435)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:26:GLU:H	18	0.08
(1,435)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:26:GLU:H	18	0.08
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD21	10	0.08
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD22	10	0.08
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD23	10	0.08
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD21	6	0.08
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD22	6	0.08
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD23	6	0.08
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD21	11	0.08
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD22	11	0.08
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD23	11	0.08
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD21	11	0.08
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD22	11	0.08
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD23	11	0.08
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD21	11	0.08
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD22	11	0.08
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD23	11	0.08
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD21	11	0.08
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD22	11	0.08
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD23	11	0.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,4)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:H	6	0.08
(1,4)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:H	6	0.08
(1,4)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:H	6	0.08
(1,4)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:H	7	0.08
(1,4)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:H	7	0.08
(1,4)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:H	7	0.08
(1,39)	1:A:140:LEU:H	1:A:140:LEU:HD11	13	0.08
(1,39)	1:A:140:LEU:H	1:A:140:LEU:HD12	13	0.08
(1,39)	1:A:140:LEU:H	1:A:140:LEU:HD13	13	0.08
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG21	10	0.08
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG22	10	0.08
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG23	10	0.08
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG21	10	0.08
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG22	10	0.08
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG23	10	0.08
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG21	10	0.08
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG22	10	0.08
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG23	10	0.08
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG21	16	0.08
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG22	16	0.08
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG23	16	0.08
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG21	16	0.08
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG22	16	0.08
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG23	16	0.08
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG21	16	0.08
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG22	16	0.08
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG23	16	0.08
(1,381)	1:A:140:LEU:H	1:A:142:ASN:H	14	0.08
(1,374)	1:A:132:GLU:H	1:A:134:TYR:H	7	0.08
(1,374)	1:A:132:GLU:H	1:A:134:TYR:H	11	0.08
(1,37)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:13:ASN:HD21	16	0.08
(1,37)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:13:ASN:HD21	16	0.08
(1,37)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:13:ASN:HD21	16	0.08
(1,361)	1:A:45:ILE:H	1:A:122:ARG:H	16	0.08
(1,360)	1:A:43:VAL:H	1:A:122:ARG:H	20	0.08
(1,355)	1:A:67:PHE:H	1:A:114:TYR:H	4	0.08
(1,329)	1:A:79:LEU:H	1:A:89:GLU:H	7	0.08
(1,328)	1:A:78:LYS:H	1:A:79:LEU:H	3	0.08
(1,327)	1:A:78:LYS:H	1:A:89:GLU:H	4	0.08
(1,327)	1:A:78:LYS:H	1:A:89:GLU:H	18	0.08
(1,318)	1:A:44:ASP:H	1:A:48:GLY:H	18	0.08
(1,31)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:49:LYS:H	13	0.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,31)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:49:LYS:H	13	0.08
(1,31)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:49:LYS:H	13	0.08
(1,308)	1:A:30:GLN:H	1:A:34:TRP:HE1	12	0.08
(1,299)	1:A:15:MET:H	1:A:18:GLU:H	3	0.08
(1,299)	1:A:15:MET:H	1:A:18:GLU:H	18	0.08
(1,281)	1:A:110:ASN:HD22	1:A:112:LEU:H	6	0.08
(1,279)	1:A:26:GLU:H	1:A:64:TRP:HE1	14	0.08
(1,279)	1:A:26:GLU:H	1:A:64:TRP:HE1	17	0.08
(1,274)	1:A:80:ASP:H	1:A:89:GLU:H	10	0.08
(1,274)	1:A:80:ASP:H	1:A:89:GLU:H	20	0.08
(1,267)	1:A:21:GLN:H	1:A:24:GLY:H	9	0.08
(1,266)	1:A:19:VAL:H	1:A:21:GLN:H	3	0.08
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD11	4	0.08
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD12	4	0.08
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD13	4	0.08
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD11	5	0.08
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD12	5	0.08
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD13	5	0.08
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD11	5	0.08
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD12	5	0.08
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD13	5	0.08
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD11	5	0.08
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD12	5	0.08
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD13	5	0.08
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD11	10	0.08
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD12	10	0.08
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD13	10	0.08
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD11	10	0.08
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD12	10	0.08
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD13	10	0.08
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD11	10	0.08
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD12	10	0.08
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD13	10	0.08
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD11	15	0.08
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD12	15	0.08
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD13	15	0.08
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD11	15	0.08
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD12	15	0.08
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD13	15	0.08
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD11	15	0.08
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD12	15	0.08
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD13	15	0.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,254)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:46:VAL:HG11	19	0.08
(1,254)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:46:VAL:HG12	19	0.08
(1,254)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:46:VAL:HG13	19	0.08
(1,254)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:46:VAL:HG11	19	0.08
(1,254)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:46:VAL:HG12	19	0.08
(1,254)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:46:VAL:HG13	19	0.08
(1,254)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:46:VAL:HG11	19	0.08
(1,254)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:46:VAL:HG12	19	0.08
(1,254)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:46:VAL:HG13	19	0.08
(1,22)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:137:TYR:H	16	0.08
(1,22)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:137:TYR:H	16	0.08
(1,22)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:137:TYR:H	16	0.08
(1,21)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD11	11	0.08
(1,21)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD12	11	0.08
(1,21)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD13	11	0.08
(1,197)	1:A:13:ASN:HD21	1:A:46:VAL:HG11	13	0.08
(1,197)	1:A:13:ASN:HD21	1:A:46:VAL:HG12	13	0.08
(1,197)	1:A:13:ASN:HD21	1:A:46:VAL:HG13	13	0.08
(1,194)	1:A:42:TYR:H	1:A:43:VAL:HG11	13	0.08
(1,194)	1:A:42:TYR:H	1:A:43:VAL:HG12	13	0.08
(1,194)	1:A:42:TYR:H	1:A:43:VAL:HG13	13	0.08
(1,189)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:HG21	6	0.08
(1,189)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:HG22	6	0.08
(1,189)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:HG23	6	0.08
(1,189)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:HG21	6	0.08
(1,189)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:HG22	6	0.08
(1,189)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:HG23	6	0.08
(1,189)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:HG21	6	0.08
(1,189)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:HG22	6	0.08
(1,189)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:HG23	6	0.08
(1,176)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:45:ILE:HD11	6	0.08
(1,176)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:45:ILE:HD12	6	0.08
(1,176)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:45:ILE:HD13	6	0.08
(1,176)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:45:ILE:HD11	6	0.08
(1,176)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:45:ILE:HD12	6	0.08
(1,176)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:45:ILE:HD13	6	0.08
(1,176)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:45:ILE:HD11	6	0.08
(1,176)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:45:ILE:HD12	6	0.08
(1,176)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:45:ILE:HD13	6	0.08
(1,176)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:45:ILE:HD11	8	0.08
(1,176)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:45:ILE:HD12	8	0.08
(1,176)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:45:ILE:HD13	8	0.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,176)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:45:ILE:HD11	8	0.08
(1,176)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:45:ILE:HD12	8	0.08
(1,176)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:45:ILE:HD13	8	0.08
(1,176)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:45:ILE:HD11	8	0.08
(1,176)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:45:ILE:HD12	8	0.08
(1,176)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:45:ILE:HD13	8	0.08
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG11	15	0.08
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG12	15	0.08
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG13	15	0.08
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD21	14	0.08
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD22	14	0.08
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD23	14	0.08
(1,163)	1:A:15:MET:H	1:A:17:TYR:H	13	0.08
(1,15)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG11	3	0.08
(1,15)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG12	3	0.08
(1,15)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG13	3	0.08
(1,15)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG11	4	0.08
(1,15)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG12	4	0.08
(1,15)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG13	4	0.08
(1,148)	1:A:44:ASP:H	1:A:122:ARG:H	16	0.08
(1,147)	1:A:130:LYS:H	1:A:134:TYR:H	16	0.08
(1,132)	1:A:16:GLN:H	1:A:19:VAL:H	1	0.08
(1,131)	1:A:17:TYR:H	1:A:19:VAL:H	1	0.08
(1,131)	1:A:17:TYR:H	1:A:19:VAL:H	11	0.08
(1,13)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:131:GLU:H	5	0.08
(1,13)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:131:GLU:H	5	0.08
(1,13)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:131:GLU:H	5	0.08
(1,127)	1:A:21:GLN:H	1:A:23:ASN:H	12	0.08
(1,127)	1:A:21:GLN:H	1:A:23:ASN:H	20	0.08
(1,115)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:H	3	0.08
(1,115)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:H	6	0.08
(1,115)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:H	11	0.08
(1,115)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:H	13	0.08
(1,114)	1:A:29:PHE:H	1:A:31:ASN:H	14	0.08
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD21	6	0.08
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD22	6	0.08
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD23	6	0.08
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD21	11	0.08
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD22	11	0.08
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD23	11	0.08
(1,106)	1:A:105:ASP:H	1:A:113:ARG:H	10	0.08
(1,102)	1:A:52:PHE:H	1:A:71:ILE:H	9	0.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,93)	1:A:8:LYS:H	1:A:10:LYS:H	9	0.07
(1,81)	1:A:47:SER:H	1:A:48:GLY:H	5	0.07
(1,8)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:42:TYR:H	18	0.07
(1,8)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:42:TYR:H	18	0.07
(1,8)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:42:TYR:H	18	0.07
(1,75)	1:A:29:PHE:H	1:A:30:GLN:H	20	0.07
(1,70)	1:A:16:GLN:HE21	1:A:46:VAL:H	5	0.07
(1,70)	1:A:16:GLN:HE21	1:A:46:VAL:H	15	0.07
(1,7)	1:A:41:LEU:H	1:A:41:LEU:HD11	14	0.07
(1,7)	1:A:41:LEU:H	1:A:41:LEU:HD12	14	0.07
(1,7)	1:A:41:LEU:H	1:A:41:LEU:HD13	14	0.07
(1,68)	1:A:34:TRP:H	1:A:36:HIS:H	6	0.07
(1,64)	1:A:47:SER:HG	1:A:49:LYS:H	17	0.07
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD11	9	0.07
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD12	9	0.07
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD13	9	0.07
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD11	16	0.07
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD12	16	0.07
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD13	16	0.07
(1,595)	1:A:104:ASN:HD21	1:A:112:LEU:HD11	4	0.07
(1,595)	1:A:104:ASN:HD21	1:A:112:LEU:HD12	4	0.07
(1,595)	1:A:104:ASN:HD21	1:A:112:LEU:HD13	4	0.07
(1,595)	1:A:104:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD11	4	0.07
(1,595)	1:A:104:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD12	4	0.07
(1,595)	1:A:104:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD13	4	0.07
(1,592)	1:A:22:ASN:H	1:A:22:ASN:HD21	1	0.07
(1,592)	1:A:22:ASN:H	1:A:22:ASN:HD22	1	0.07
(1,584)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD11	12	0.07
(1,584)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD12	12	0.07
(1,584)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD13	12	0.07
(1,584)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD11	17	0.07
(1,584)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD12	17	0.07
(1,584)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD13	17	0.07
(1,581)	1:A:102:VAL:HG11	1:A:113:ARG:H	2	0.07
(1,581)	1:A:102:VAL:HG12	1:A:113:ARG:H	2	0.07
(1,581)	1:A:102:VAL:HG13	1:A:113:ARG:H	2	0.07
(1,580)	1:A:112:LEU:HD21	1:A:113:ARG:H	9	0.07
(1,580)	1:A:112:LEU:HD22	1:A:113:ARG:H	9	0.07
(1,580)	1:A:112:LEU:HD23	1:A:113:ARG:H	9	0.07
(1,572)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:141:PHE:H	4	0.07
(1,572)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:141:PHE:H	4	0.07
(1,572)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:141:PHE:H	4	0.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,572)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:141:PHE:H	13	0.07
(1,572)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:141:PHE:H	13	0.07
(1,572)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:141:PHE:H	13	0.07
(1,571)	1:A:140:LEU:HD11	1:A:141:PHE:H	6	0.07
(1,571)	1:A:140:LEU:HD12	1:A:141:PHE:H	6	0.07
(1,571)	1:A:140:LEU:HD13	1:A:141:PHE:H	6	0.07
(1,57)	1:A:112:LEU:HD11	1:A:113:ARG:H	8	0.07
(1,57)	1:A:112:LEU:HD12	1:A:113:ARG:H	8	0.07
(1,57)	1:A:112:LEU:HD13	1:A:113:ARG:H	8	0.07
(1,57)	1:A:112:LEU:HD11	1:A:113:ARG:H	12	0.07
(1,57)	1:A:112:LEU:HD12	1:A:113:ARG:H	12	0.07
(1,57)	1:A:112:LEU:HD13	1:A:113:ARG:H	12	0.07
(1,564)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:137:TYR:H	6	0.07
(1,564)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:137:TYR:H	6	0.07
(1,564)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:137:TYR:H	6	0.07
(1,564)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:137:TYR:H	7	0.07
(1,564)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:137:TYR:H	7	0.07
(1,564)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:137:TYR:H	7	0.07
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD21	5	0.07
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD22	5	0.07
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD23	5	0.07
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD21	20	0.07
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD22	20	0.07
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD23	20	0.07
(1,557)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:131:GLU:H	17	0.07
(1,557)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:131:GLU:H	17	0.07
(1,557)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:131:GLU:H	17	0.07
(1,552)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD21	18	0.07
(1,552)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD22	18	0.07
(1,552)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD23	18	0.07
(1,55)	1:A:110:ASN:HD21	1:A:112:LEU:HD11	15	0.07
(1,55)	1:A:110:ASN:HD21	1:A:112:LEU:HD12	15	0.07
(1,55)	1:A:110:ASN:HD21	1:A:112:LEU:HD13	15	0.07
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD21	19	0.07
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD22	19	0.07
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD23	19	0.07
(1,536)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:102:VAL:H	13	0.07
(1,536)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:102:VAL:H	13	0.07
(1,536)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:102:VAL:H	13	0.07
(1,535)	1:A:101:HIS:H	1:A:116:ILE:HD11	10	0.07
(1,535)	1:A:101:HIS:H	1:A:116:ILE:HD12	10	0.07
(1,535)	1:A:101:HIS:H	1:A:116:ILE:HD13	10	0.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,529)	1:A:99:LEU:H	1:A:116:ILE:HD11	11	0.07
(1,529)	1:A:99:LEU:H	1:A:116:ILE:HD12	11	0.07
(1,529)	1:A:99:LEU:H	1:A:116:ILE:HD13	11	0.07
(1,528)	1:A:105:ASP:H	1:A:112:LEU:HD21	12	0.07
(1,528)	1:A:105:ASP:H	1:A:112:LEU:HD22	12	0.07
(1,528)	1:A:105:ASP:H	1:A:112:LEU:HD23	12	0.07
(1,528)	1:A:105:ASP:H	1:A:112:LEU:HD21	19	0.07
(1,528)	1:A:105:ASP:H	1:A:112:LEU:HD22	19	0.07
(1,528)	1:A:105:ASP:H	1:A:112:LEU:HD23	19	0.07
(1,525)	1:A:98:HIS:H	1:A:99:LEU:HD21	10	0.07
(1,525)	1:A:98:HIS:H	1:A:99:LEU:HD22	10	0.07
(1,525)	1:A:98:HIS:H	1:A:99:LEU:HD23	10	0.07
(1,520)	1:A:90:VAL:H	1:A:90:VAL:HG11	10	0.07
(1,520)	1:A:90:VAL:H	1:A:90:VAL:HG12	10	0.07
(1,520)	1:A:90:VAL:H	1:A:90:VAL:HG13	10	0.07
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD11	1	0.07
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD12	1	0.07
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD13	1	0.07
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD11	12	0.07
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD12	12	0.07
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD13	12	0.07
(1,513)	1:A:79:LEU:HD11	1:A:87:ARG:H	18	0.07
(1,513)	1:A:79:LEU:HD12	1:A:87:ARG:H	18	0.07
(1,513)	1:A:79:LEU:HD13	1:A:87:ARG:H	18	0.07
(1,513)	1:A:79:LEU:HD11	1:A:87:ARG:H	20	0.07
(1,513)	1:A:79:LEU:HD12	1:A:87:ARG:H	20	0.07
(1,513)	1:A:79:LEU:HD13	1:A:87:ARG:H	20	0.07
(1,512)	1:A:79:LEU:HD21	1:A:87:ARG:H	15	0.07
(1,512)	1:A:79:LEU:HD22	1:A:87:ARG:H	15	0.07
(1,512)	1:A:79:LEU:HD23	1:A:87:ARG:H	15	0.07
(1,512)	1:A:79:LEU:HD21	1:A:87:ARG:H	19	0.07
(1,512)	1:A:79:LEU:HD22	1:A:87:ARG:H	19	0.07
(1,512)	1:A:79:LEU:HD23	1:A:87:ARG:H	19	0.07
(1,505)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:76:GLU:H	5	0.07
(1,505)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:76:GLU:H	5	0.07
(1,505)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:76:GLU:H	5	0.07
(1,503)	1:A:76:GLU:H	1:A:99:LEU:HD21	5	0.07
(1,503)	1:A:76:GLU:H	1:A:99:LEU:HD22	5	0.07
(1,503)	1:A:76:GLU:H	1:A:99:LEU:HD23	5	0.07
(1,499)	1:A:71:ILE:H	1:A:71:ILE:HD11	9	0.07
(1,499)	1:A:71:ILE:H	1:A:71:ILE:HD12	9	0.07
(1,499)	1:A:71:ILE:H	1:A:71:ILE:HD13	9	0.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,493)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:52:PHE:H	5	0.07
(1,493)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:52:PHE:H	5	0.07
(1,493)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:52:PHE:H	5	0.07
(1,493)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:52:PHE:H	7	0.07
(1,493)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:52:PHE:H	7	0.07
(1,493)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:52:PHE:H	7	0.07
(1,491)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:52:PHE:H	2	0.07
(1,491)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:52:PHE:H	2	0.07
(1,491)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:52:PHE:H	2	0.07
(1,491)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:52:PHE:H	6	0.07
(1,491)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:52:PHE:H	6	0.07
(1,491)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:52:PHE:H	6	0.07
(1,49)	1:A:78:LYS:H	1:A:90:VAL:HG11	14	0.07
(1,49)	1:A:78:LYS:H	1:A:90:VAL:HG12	14	0.07
(1,49)	1:A:78:LYS:H	1:A:90:VAL:HG13	14	0.07
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD11	8	0.07
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD12	8	0.07
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD13	8	0.07
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD11	11	0.07
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD12	11	0.07
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD13	11	0.07
(1,472)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:42:TYR:H	1	0.07
(1,472)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:42:TYR:H	1	0.07
(1,472)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:42:TYR:H	1	0.07
(1,472)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:42:TYR:H	13	0.07
(1,472)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:42:TYR:H	13	0.07
(1,472)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:42:TYR:H	13	0.07
(1,472)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:42:TYR:H	14	0.07
(1,472)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:42:TYR:H	14	0.07
(1,472)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:42:TYR:H	14	0.07
(1,469)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:24:GLY:H	2	0.07
(1,469)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:24:GLY:H	2	0.07
(1,469)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:24:GLY:H	2	0.07
(1,468)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:23:ASN:H	4	0.07
(1,468)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:23:ASN:H	4	0.07
(1,468)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:23:ASN:H	4	0.07
(1,468)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:23:ASN:H	11	0.07
(1,468)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:23:ASN:H	11	0.07
(1,468)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:23:ASN:H	11	0.07
(1,468)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:23:ASN:H	13	0.07
(1,468)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:23:ASN:H	13	0.07
(1,468)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:23:ASN:H	13	0.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG11	4	0.07
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG12	4	0.07
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG13	4	0.07
(1,463)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:16:GLN:H	13	0.07
(1,463)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:16:GLN:H	13	0.07
(1,463)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:16:GLN:H	13	0.07
(1,462)	1:A:45:ILE:HD11	1:A:46:VAL:H	12	0.07
(1,462)	1:A:45:ILE:HD12	1:A:46:VAL:H	12	0.07
(1,462)	1:A:45:ILE:HD13	1:A:46:VAL:H	12	0.07
(1,458)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:10:LYS:H	16	0.07
(1,458)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:10:LYS:H	16	0.07
(1,458)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:10:LYS:H	16	0.07
(1,458)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:10:LYS:H	18	0.07
(1,458)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:10:LYS:H	18	0.07
(1,458)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:10:LYS:H	18	0.07
(1,458)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:10:LYS:H	19	0.07
(1,458)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:10:LYS:H	19	0.07
(1,458)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:10:LYS:H	19	0.07
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG21	10	0.07
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG22	10	0.07
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG23	10	0.07
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD11	2	0.07
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD12	2	0.07
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD13	2	0.07
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD11	5	0.07
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD12	5	0.07
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD13	5	0.07
(1,448)	1:A:79:LEU:HD11	1:A:89:GLU:H	14	0.07
(1,448)	1:A:79:LEU:HD12	1:A:89:GLU:H	14	0.07
(1,448)	1:A:79:LEU:HD13	1:A:89:GLU:H	14	0.07
(1,445)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:113:ARG:H	7	0.07
(1,445)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:113:ARG:H	7	0.07
(1,445)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:113:ARG:H	7	0.07
(1,44)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:48:GLY:H	15	0.07
(1,44)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:48:GLY:H	15	0.07
(1,44)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:48:GLY:H	15	0.07
(1,431)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:103:PHE:H	9	0.07
(1,431)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:103:PHE:H	9	0.07
(1,431)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:103:PHE:H	9	0.07
(1,430)	1:A:46:VAL:HG11	1:A:47:SER:H	15	0.07
(1,430)	1:A:46:VAL:HG12	1:A:47:SER:H	15	0.07
(1,430)	1:A:46:VAL:HG13	1:A:47:SER:H	15	0.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,42)	1:A:15:MET:H	1:A:19:VAL:HG21	6	0.07
(1,42)	1:A:15:MET:H	1:A:19:VAL:HG22	6	0.07
(1,42)	1:A:15:MET:H	1:A:19:VAL:HG23	6	0.07
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD21	16	0.07
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD22	16	0.07
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD23	16	0.07
(1,41)	1:A:45:ILE:H	1:A:46:VAL:HG21	9	0.07
(1,41)	1:A:45:ILE:H	1:A:46:VAL:HG22	9	0.07
(1,41)	1:A:45:ILE:H	1:A:46:VAL:HG23	9	0.07
(1,407)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:46:VAL:HG21	2	0.07
(1,407)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:46:VAL:HG22	2	0.07
(1,407)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:46:VAL:HG23	2	0.07
(1,407)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:46:VAL:HG21	2	0.07
(1,407)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:46:VAL:HG22	2	0.07
(1,407)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:46:VAL:HG23	2	0.07
(1,407)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:46:VAL:HG21	2	0.07
(1,407)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:46:VAL:HG22	2	0.07
(1,407)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:46:VAL:HG23	2	0.07
(1,407)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:46:VAL:HG21	18	0.07
(1,407)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:46:VAL:HG22	18	0.07
(1,407)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:46:VAL:HG23	18	0.07
(1,407)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:46:VAL:HG21	18	0.07
(1,407)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:46:VAL:HG22	18	0.07
(1,407)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:46:VAL:HG23	18	0.07
(1,407)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:46:VAL:HG21	18	0.07
(1,407)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:46:VAL:HG22	18	0.07
(1,407)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:46:VAL:HG23	18	0.07
(1,40)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:97:SER:H	11	0.07
(1,40)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:97:SER:H	11	0.07
(1,40)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:97:SER:H	11	0.07
(1,379)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:H	8	0.07
(1,374)	1:A:132:GLU:H	1:A:134:TYR:H	6	0.07
(1,368)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:H	15	0.07
(1,366)	1:A:41:LEU:H	1:A:126:LYS:H	3	0.07
(1,366)	1:A:41:LEU:H	1:A:126:LYS:H	4	0.07
(1,361)	1:A:45:ILE:H	1:A:122:ARG:H	12	0.07
(1,36)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:47:SER:H	15	0.07
(1,36)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:47:SER:H	15	0.07
(1,36)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:47:SER:H	15	0.07
(1,351)	1:A:108:GLY:H	1:A:112:LEU:H	8	0.07
(1,351)	1:A:108:GLY:H	1:A:112:LEU:H	15	0.07
(1,349)	1:A:106:GLY:H	1:A:113:ARG:H	8	0.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,341)	1:A:99:LEU:H	1:A:100:GLY:H	19	0.07
(1,331)	1:A:80:ASP:H	1:A:88:THR:H	8	0.07
(1,329)	1:A:79:LEU:H	1:A:89:GLU:H	11	0.07
(1,318)	1:A:44:ASP:H	1:A:48:GLY:H	15	0.07
(1,305)	1:A:25:THR:H	1:A:26:GLU:H	12	0.07
(1,30)	1:A:106:GLY:H	1:A:112:LEU:HD21	19	0.07
(1,30)	1:A:106:GLY:H	1:A:112:LEU:HD22	19	0.07
(1,30)	1:A:106:GLY:H	1:A:112:LEU:HD23	19	0.07
(1,298)	1:A:14:ARG:H	1:A:17:TYR:H	6	0.07
(1,284)	1:A:6:GLU:H	1:A:8:LYS:H	16	0.07
(1,283)	1:A:131:GLU:H	1:A:134:TYR:H	14	0.07
(1,279)	1:A:26:GLU:H	1:A:64:TRP:HE1	10	0.07
(1,274)	1:A:80:ASP:H	1:A:89:GLU:H	14	0.07
(1,267)	1:A:21:GLN:H	1:A:24:GLY:H	3	0.07
(1,266)	1:A:19:VAL:H	1:A:21:GLN:H	4	0.07
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD11	3	0.07
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD12	3	0.07
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD13	3	0.07
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD11	3	0.07
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD12	3	0.07
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD13	3	0.07
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD11	3	0.07
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD12	3	0.07
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD13	3	0.07
(1,257)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:75:VAL:HG21	12	0.07
(1,257)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:75:VAL:HG22	12	0.07
(1,257)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:75:VAL:HG23	12	0.07
(1,257)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:75:VAL:HG21	12	0.07
(1,257)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:75:VAL:HG22	12	0.07
(1,257)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:75:VAL:HG23	12	0.07
(1,257)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:75:VAL:HG21	12	0.07
(1,257)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:75:VAL:HG22	12	0.07
(1,257)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:75:VAL:HG23	12	0.07
(1,247)	1:A:121:LEU:HD11	1:A:122:ARG:H	3	0.07
(1,247)	1:A:121:LEU:HD12	1:A:122:ARG:H	3	0.07
(1,247)	1:A:121:LEU:HD13	1:A:122:ARG:H	3	0.07
(1,219)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:74:GLU:H	15	0.07
(1,219)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:74:GLU:H	15	0.07
(1,219)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:74:GLU:H	15	0.07
(1,212)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:129:LEU:HD11	12	0.07
(1,212)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:129:LEU:HD12	12	0.07
(1,212)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:129:LEU:HD13	12	0.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,212)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:129:LEU:HD11	12	0.07
(1,212)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:129:LEU:HD12	12	0.07
(1,212)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:129:LEU:HD13	12	0.07
(1,212)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:129:LEU:HD11	12	0.07
(1,212)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:129:LEU:HD12	12	0.07
(1,212)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:129:LEU:HD13	12	0.07
(1,19)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:127:HIS:H	14	0.07
(1,19)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:127:HIS:H	14	0.07
(1,19)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:127:HIS:H	14	0.07
(1,184)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:112:LEU:HD11	14	0.07
(1,184)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:112:LEU:HD12	14	0.07
(1,184)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:112:LEU:HD13	14	0.07
(1,184)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:112:LEU:HD11	14	0.07
(1,184)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:112:LEU:HD12	14	0.07
(1,184)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:112:LEU:HD13	14	0.07
(1,184)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:112:LEU:HD11	14	0.07
(1,184)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:112:LEU:HD12	14	0.07
(1,184)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:112:LEU:HD13	14	0.07
(1,176)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:45:ILE:HD11	19	0.07
(1,176)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:45:ILE:HD12	19	0.07
(1,176)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:45:ILE:HD13	19	0.07
(1,176)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:45:ILE:HD11	19	0.07
(1,176)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:45:ILE:HD12	19	0.07
(1,176)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:45:ILE:HD13	19	0.07
(1,176)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:45:ILE:HD11	19	0.07
(1,176)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:45:ILE:HD12	19	0.07
(1,176)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:45:ILE:HD13	19	0.07
(1,176)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:45:ILE:HD11	20	0.07
(1,176)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:45:ILE:HD12	20	0.07
(1,176)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:45:ILE:HD13	20	0.07
(1,176)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:45:ILE:HD11	20	0.07
(1,176)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:45:ILE:HD12	20	0.07
(1,176)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:45:ILE:HD13	20	0.07
(1,176)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:45:ILE:HD11	20	0.07
(1,176)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:45:ILE:HD12	20	0.07
(1,176)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:45:ILE:HD13	20	0.07
(1,172)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:20:THR:H	6	0.07
(1,172)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:20:THR:H	6	0.07
(1,172)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:20:THR:H	6	0.07
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG11	19	0.07
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG12	19	0.07
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG13	19	0.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,163)	1:A:15:MET:H	1:A:17:TYR:H	10	0.07
(1,162)	1:A:92:SER:H	1:A:96:ASP:H	15	0.07
(1,160)	1:A:54:SER:H	1:A:56:ASP:H	4	0.07
(1,147)	1:A:130:LYS:H	1:A:134:TYR:H	18	0.07
(1,146)	1:A:130:LYS:H	1:A:132:GLU:H	4	0.07
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD21	14	0.07
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD22	14	0.07
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD23	14	0.07
(1,133)	1:A:7:GLU:H	1:A:9:ILE:H	6	0.07
(1,127)	1:A:21:GLN:H	1:A:23:ASN:H	17	0.07
(1,115)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:H	14	0.07
(1,115)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:H	17	0.07
(1,84)	1:A:10:LYS:H	1:A:12:LEU:H	10	0.06
(1,83)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:H	18	0.06
(1,72)	1:A:22:ASN:H	1:A:23:ASN:H	17	0.06
(1,70)	1:A:16:GLN:HE21	1:A:46:VAL:H	12	0.06
(1,64)	1:A:47:SER:HG	1:A:49:LYS:H	18	0.06
(1,63)	1:A:54:SER:HG	1:A:57:LYS:H	16	0.06
(1,63)	1:A:54:SER:HG	1:A:57:LYS:H	18	0.06
(1,614)	1:A:86:ILE:HD11	1:A:80:ASP:H	18	0.06
(1,614)	1:A:86:ILE:HD12	1:A:80:ASP:H	18	0.06
(1,614)	1:A:86:ILE:HD13	1:A:80:ASP:H	18	0.06
(1,609)	1:A:102:VAL:H	1:A:88:THR:H	3	0.06
(1,608)	1:A:100:GLY:H	1:A:90:VAL:H	18	0.06
(1,59)	1:A:132:GLU:H	1:A:138:LEU:HD11	10	0.06
(1,59)	1:A:132:GLU:H	1:A:138:LEU:HD12	10	0.06
(1,59)	1:A:132:GLU:H	1:A:138:LEU:HD13	10	0.06
(1,584)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD11	9	0.06
(1,584)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD12	9	0.06
(1,584)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD13	9	0.06
(1,583)	1:A:90:VAL:H	1:A:102:VAL:HG21	5	0.06
(1,583)	1:A:90:VAL:H	1:A:102:VAL:HG22	5	0.06
(1,583)	1:A:90:VAL:H	1:A:102:VAL:HG23	5	0.06
(1,581)	1:A:102:VAL:HG11	1:A:113:ARG:H	11	0.06
(1,581)	1:A:102:VAL:HG12	1:A:113:ARG:H	11	0.06
(1,581)	1:A:102:VAL:HG13	1:A:113:ARG:H	11	0.06
(1,580)	1:A:112:LEU:HD21	1:A:113:ARG:H	18	0.06
(1,580)	1:A:112:LEU:HD22	1:A:113:ARG:H	18	0.06
(1,580)	1:A:112:LEU:HD23	1:A:113:ARG:H	18	0.06
(1,577)	1:A:111:GLY:H	1:A:112:LEU:HD21	11	0.06
(1,577)	1:A:111:GLY:H	1:A:112:LEU:HD22	11	0.06
(1,577)	1:A:111:GLY:H	1:A:112:LEU:HD23	11	0.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,575)	1:A:144:LEU:HD21	1:A:145:GLU:H	15	0.06
(1,575)	1:A:144:LEU:HD22	1:A:145:GLU:H	15	0.06
(1,575)	1:A:144:LEU:HD23	1:A:145:GLU:H	15	0.06
(1,571)	1:A:140:LEU:HD11	1:A:141:PHE:H	7	0.06
(1,571)	1:A:140:LEU:HD12	1:A:141:PHE:H	7	0.06
(1,571)	1:A:140:LEU:HD13	1:A:141:PHE:H	7	0.06
(1,571)	1:A:140:LEU:HD11	1:A:141:PHE:H	12	0.06
(1,571)	1:A:140:LEU:HD12	1:A:141:PHE:H	12	0.06
(1,571)	1:A:140:LEU:HD13	1:A:141:PHE:H	12	0.06
(1,570)	1:A:140:LEU:H	1:A:140:LEU:HD21	6	0.06
(1,570)	1:A:140:LEU:H	1:A:140:LEU:HD22	6	0.06
(1,570)	1:A:140:LEU:H	1:A:140:LEU:HD23	6	0.06
(1,565)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:H	6	0.06
(1,565)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:H	6	0.06
(1,565)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:H	6	0.06
(1,564)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:137:TYR:H	20	0.06
(1,564)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:137:TYR:H	20	0.06
(1,564)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:137:TYR:H	20	0.06
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD21	7	0.06
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD22	7	0.06
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD23	7	0.06
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD21	15	0.06
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD22	15	0.06
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD23	15	0.06
(1,556)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD11	3	0.06
(1,556)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD12	3	0.06
(1,556)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD13	3	0.06
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG21	9	0.06
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG22	9	0.06
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG23	9	0.06
(1,549)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD21	4	0.06
(1,549)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD22	4	0.06
(1,549)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD23	4	0.06
(1,549)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD21	16	0.06
(1,549)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD22	16	0.06
(1,549)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD23	16	0.06
(1,548)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD11	12	0.06
(1,548)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD12	12	0.06
(1,548)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD13	12	0.06
(1,544)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:120:ALA:H	19	0.06
(1,544)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:120:ALA:H	19	0.06
(1,544)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:120:ALA:H	19	0.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD21	3	0.06
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD22	3	0.06
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD23	3	0.06
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD21	9	0.06
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD22	9	0.06
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD23	9	0.06
(1,536)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:102:VAL:H	7	0.06
(1,536)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:102:VAL:H	7	0.06
(1,536)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:102:VAL:H	7	0.06
(1,516)	1:A:89:GLU:H	1:A:90:VAL:HG11	1	0.06
(1,516)	1:A:89:GLU:H	1:A:90:VAL:HG12	1	0.06
(1,516)	1:A:89:GLU:H	1:A:90:VAL:HG13	1	0.06
(1,513)	1:A:79:LEU:HD11	1:A:87:ARG:H	4	0.06
(1,513)	1:A:79:LEU:HD12	1:A:87:ARG:H	4	0.06
(1,513)	1:A:79:LEU:HD13	1:A:87:ARG:H	4	0.06
(1,512)	1:A:79:LEU:HD21	1:A:87:ARG:H	1	0.06
(1,512)	1:A:79:LEU:HD22	1:A:87:ARG:H	1	0.06
(1,512)	1:A:79:LEU:HD23	1:A:87:ARG:H	1	0.06
(1,507)	1:A:75:VAL:HG11	1:A:77:GLU:H	8	0.06
(1,507)	1:A:75:VAL:HG12	1:A:77:GLU:H	8	0.06
(1,507)	1:A:75:VAL:HG13	1:A:77:GLU:H	8	0.06
(1,505)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:76:GLU:H	18	0.06
(1,505)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:76:GLU:H	18	0.06
(1,505)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:76:GLU:H	18	0.06
(1,503)	1:A:76:GLU:H	1:A:99:LEU:HD21	20	0.06
(1,503)	1:A:76:GLU:H	1:A:99:LEU:HD22	20	0.06
(1,503)	1:A:76:GLU:H	1:A:99:LEU:HD23	20	0.06
(1,499)	1:A:71:ILE:H	1:A:71:ILE:HD11	5	0.06
(1,499)	1:A:71:ILE:H	1:A:71:ILE:HD12	5	0.06
(1,499)	1:A:71:ILE:H	1:A:71:ILE:HD13	5	0.06
(1,497)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:H	8	0.06
(1,497)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:H	8	0.06
(1,497)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:H	8	0.06
(1,497)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:H	13	0.06
(1,497)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:H	13	0.06
(1,497)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:H	13	0.06
(1,496)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:54:SER:H	3	0.06
(1,496)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:54:SER:H	3	0.06
(1,496)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:54:SER:H	3	0.06
(1,493)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:52:PHE:H	10	0.06
(1,493)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:52:PHE:H	10	0.06
(1,493)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:52:PHE:H	10	0.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,491)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:52:PHE:H	19	0.06
(1,491)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:52:PHE:H	19	0.06
(1,491)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:52:PHE:H	19	0.06
(1,488)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:51:LEU:H	3	0.06
(1,488)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:51:LEU:H	3	0.06
(1,488)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:51:LEU:H	3	0.06
(1,483)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:49:LYS:H	20	0.06
(1,483)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:49:LYS:H	20	0.06
(1,483)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:49:LYS:H	20	0.06
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD11	15	0.06
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD12	15	0.06
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD13	15	0.06
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD11	16	0.06
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD12	16	0.06
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD13	16	0.06
(1,468)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:23:ASN:H	14	0.06
(1,468)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:23:ASN:H	14	0.06
(1,468)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:23:ASN:H	14	0.06
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG11	14	0.06
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG12	14	0.06
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG13	14	0.06
(1,464)	1:A:16:GLN:H	1:A:46:VAL:HG11	16	0.06
(1,464)	1:A:16:GLN:H	1:A:46:VAL:HG12	16	0.06
(1,464)	1:A:16:GLN:H	1:A:46:VAL:HG13	16	0.06
(1,458)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:10:LYS:H	6	0.06
(1,458)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:10:LYS:H	6	0.06
(1,458)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:10:LYS:H	6	0.06
(1,458)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:10:LYS:H	14	0.06
(1,458)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:10:LYS:H	14	0.06
(1,458)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:10:LYS:H	14	0.06
(1,458)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:10:LYS:H	17	0.06
(1,458)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:10:LYS:H	17	0.06
(1,458)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:10:LYS:H	17	0.06
(1,455)	1:A:8:LYS:H	1:A:9:ILE:HD11	6	0.06
(1,455)	1:A:8:LYS:H	1:A:9:ILE:HD12	6	0.06
(1,455)	1:A:8:LYS:H	1:A:9:ILE:HD13	6	0.06
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG21	2	0.06
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG22	2	0.06
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG23	2	0.06
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG21	10	0.06
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG22	10	0.06
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG23	10	0.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,451)	1:A:75:VAL:HG11	1:A:91:ARG:H	7	0.06
(1,451)	1:A:75:VAL:HG12	1:A:91:ARG:H	7	0.06
(1,451)	1:A:75:VAL:HG13	1:A:91:ARG:H	7	0.06
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD11	14	0.06
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD12	14	0.06
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD13	14	0.06
(1,448)	1:A:79:LEU:HD11	1:A:89:GLU:H	10	0.06
(1,448)	1:A:79:LEU:HD12	1:A:89:GLU:H	10	0.06
(1,448)	1:A:79:LEU:HD13	1:A:89:GLU:H	10	0.06
(1,448)	1:A:79:LEU:HD11	1:A:89:GLU:H	20	0.06
(1,448)	1:A:79:LEU:HD12	1:A:89:GLU:H	20	0.06
(1,448)	1:A:79:LEU:HD13	1:A:89:GLU:H	20	0.06
(1,445)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:113:ARG:H	12	0.06
(1,445)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:113:ARG:H	12	0.06
(1,445)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:113:ARG:H	12	0.06
(1,445)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:113:ARG:H	19	0.06
(1,445)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:113:ARG:H	19	0.06
(1,445)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:113:ARG:H	19	0.06
(1,442)	1:A:71:ILE:H	1:A:75:VAL:HG11	13	0.06
(1,442)	1:A:71:ILE:H	1:A:75:VAL:HG12	13	0.06
(1,442)	1:A:71:ILE:H	1:A:75:VAL:HG13	13	0.06
(1,441)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:124:VAL:H	15	0.06
(1,441)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:124:VAL:H	15	0.06
(1,441)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:124:VAL:H	15	0.06
(1,438)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:120:ALA:H	15	0.06
(1,438)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:120:ALA:H	15	0.06
(1,438)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:120:ALA:H	15	0.06
(1,435)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:26:GLU:H	9	0.06
(1,435)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:26:GLU:H	9	0.06
(1,435)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:26:GLU:H	9	0.06
(1,435)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:26:GLU:H	10	0.06
(1,435)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:26:GLU:H	10	0.06
(1,435)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:26:GLU:H	10	0.06
(1,431)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:103:PHE:H	11	0.06
(1,431)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:103:PHE:H	11	0.06
(1,431)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:103:PHE:H	11	0.06
(1,430)	1:A:46:VAL:HG11	1:A:47:SER:H	2	0.06
(1,430)	1:A:46:VAL:HG12	1:A:47:SER:H	2	0.06
(1,430)	1:A:46:VAL:HG13	1:A:47:SER:H	2	0.06
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD21	7	0.06
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD22	7	0.06
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD23	7	0.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD21	8	0.06
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD22	8	0.06
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD23	8	0.06
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD21	13	0.06
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD22	13	0.06
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD23	13	0.06
(1,414)	1:A:12:LEU:H	1:A:12:LEU:HD21	20	0.06
(1,414)	1:A:12:LEU:H	1:A:12:LEU:HD22	20	0.06
(1,414)	1:A:12:LEU:H	1:A:12:LEU:HD23	20	0.06
(1,413)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:121:LEU:HD11	16	0.06
(1,413)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:121:LEU:HD12	16	0.06
(1,413)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:121:LEU:HD13	16	0.06
(1,413)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:121:LEU:HD11	16	0.06
(1,413)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:121:LEU:HD12	16	0.06
(1,413)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:121:LEU:HD13	16	0.06
(1,413)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:121:LEU:HD11	16	0.06
(1,413)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:121:LEU:HD12	16	0.06
(1,413)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:121:LEU:HD13	16	0.06
(1,41)	1:A:45:ILE:H	1:A:46:VAL:HG21	1	0.06
(1,41)	1:A:45:ILE:H	1:A:46:VAL:HG22	1	0.06
(1,41)	1:A:45:ILE:H	1:A:46:VAL:HG23	1	0.06
(1,41)	1:A:45:ILE:H	1:A:46:VAL:HG21	8	0.06
(1,41)	1:A:45:ILE:H	1:A:46:VAL:HG22	8	0.06
(1,41)	1:A:45:ILE:H	1:A:46:VAL:HG23	8	0.06
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD11	1	0.06
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD12	1	0.06
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD13	1	0.06
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD11	1	0.06
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD12	1	0.06
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD13	1	0.06
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD11	1	0.06
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD12	1	0.06
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD13	1	0.06
(1,4)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:H	15	0.06
(1,4)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:H	15	0.06
(1,4)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:H	15	0.06
(1,393)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:46:VAL:HG11	10	0.06
(1,393)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:46:VAL:HG12	10	0.06
(1,393)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:46:VAL:HG13	10	0.06
(1,393)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:46:VAL:HG11	10	0.06
(1,393)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:46:VAL:HG12	10	0.06
(1,393)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:46:VAL:HG13	10	0.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,393)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:46:VAL:HG11	10	0.06
(1,393)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:46:VAL:HG12	10	0.06
(1,393)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:46:VAL:HG13	10	0.06
(1,384)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:99:LEU:HD21	8	0.06
(1,384)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:99:LEU:HD22	8	0.06
(1,384)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:99:LEU:HD23	8	0.06
(1,384)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:99:LEU:HD21	8	0.06
(1,384)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:99:LEU:HD22	8	0.06
(1,384)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:99:LEU:HD23	8	0.06
(1,384)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:99:LEU:HD21	8	0.06
(1,384)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:99:LEU:HD22	8	0.06
(1,384)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:99:LEU:HD23	8	0.06
(1,384)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:99:LEU:HD21	12	0.06
(1,384)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:99:LEU:HD22	12	0.06
(1,384)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:99:LEU:HD23	12	0.06
(1,384)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:99:LEU:HD21	12	0.06
(1,384)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:99:LEU:HD22	12	0.06
(1,384)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:99:LEU:HD23	12	0.06
(1,384)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:99:LEU:HD21	12	0.06
(1,384)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:99:LEU:HD22	12	0.06
(1,384)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:99:LEU:HD23	12	0.06
(1,375)	1:A:131:GLU:H	1:A:133:GLY:H	4	0.06
(1,375)	1:A:131:GLU:H	1:A:133:GLY:H	11	0.06
(1,368)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:H	4	0.06
(1,365)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:H	13	0.06
(1,357)	1:A:119:ALA:H	1:A:121:LEU:H	18	0.06
(1,355)	1:A:67:PHE:H	1:A:114:TYR:H	12	0.06
(1,353)	1:A:104:ASN:H	1:A:106:GLY:H	4	0.06
(1,351)	1:A:108:GLY:H	1:A:112:LEU:H	16	0.06
(1,351)	1:A:108:GLY:H	1:A:112:LEU:H	20	0.06
(1,345)	1:A:103:PHE:H	1:A:105:ASP:H	17	0.06
(1,345)	1:A:103:PHE:H	1:A:105:ASP:H	18	0.06
(1,341)	1:A:99:LEU:H	1:A:100:GLY:H	12	0.06
(1,339)	1:A:92:SER:H	1:A:98:HIS:H	9	0.06
(1,336)	1:A:90:VAL:H	1:A:101:HIS:H	17	0.06
(1,331)	1:A:80:ASP:H	1:A:88:THR:H	16	0.06
(1,329)	1:A:79:LEU:H	1:A:89:GLU:H	9	0.06
(1,32)	1:A:103:PHE:H	1:A:112:LEU:HD21	6	0.06
(1,32)	1:A:103:PHE:H	1:A:112:LEU:HD22	6	0.06
(1,32)	1:A:103:PHE:H	1:A:112:LEU:HD23	6	0.06
(1,317)	1:A:46:VAL:H	1:A:49:LYS:H	7	0.06
(1,312)	1:A:41:LEU:H	1:A:124:VAL:H	20	0.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,308)	1:A:30:GLN:H	1:A:34:TRP:HE1	1	0.06
(1,308)	1:A:30:GLN:H	1:A:34:TRP:HE1	15	0.06
(1,305)	1:A:25:THR:H	1:A:26:GLU:H	1	0.06
(1,303)	1:A:18:GLU:H	1:A:20:THR:H	5	0.06
(1,303)	1:A:18:GLU:H	1:A:20:THR:H	13	0.06
(1,299)	1:A:15:MET:H	1:A:18:GLU:H	5	0.06
(1,299)	1:A:15:MET:H	1:A:18:GLU:H	8	0.06
(1,298)	1:A:14:ARG:H	1:A:17:TYR:H	15	0.06
(1,298)	1:A:14:ARG:H	1:A:17:TYR:H	18	0.06
(1,285)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:H	15	0.06
(1,284)	1:A:6:GLU:H	1:A:8:LYS:H	9	0.06
(1,281)	1:A:110:ASN:HD22	1:A:112:LEU:H	1	0.06
(1,267)	1:A:21:GLN:H	1:A:24:GLY:H	13	0.06
(1,267)	1:A:21:GLN:H	1:A:24:GLY:H	17	0.06
(1,266)	1:A:19:VAL:H	1:A:21:GLN:H	12	0.06
(1,260)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:99:LEU:HD21	18	0.06
(1,260)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:99:LEU:HD22	18	0.06
(1,260)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:99:LEU:HD23	18	0.06
(1,260)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:99:LEU:HD21	18	0.06
(1,260)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:99:LEU:HD22	18	0.06
(1,260)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:99:LEU:HD23	18	0.06
(1,260)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:99:LEU:HD21	18	0.06
(1,260)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:99:LEU:HD22	18	0.06
(1,260)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:99:LEU:HD23	18	0.06
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD11	18	0.06
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD12	18	0.06
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD13	18	0.06
(1,252)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:99:LEU:HD11	17	0.06
(1,252)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:99:LEU:HD12	17	0.06
(1,252)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:99:LEU:HD13	17	0.06
(1,252)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:99:LEU:HD11	17	0.06
(1,252)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:99:LEU:HD12	17	0.06
(1,252)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:99:LEU:HD13	17	0.06
(1,252)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:99:LEU:HD11	17	0.06
(1,252)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:99:LEU:HD12	17	0.06
(1,252)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:99:LEU:HD13	17	0.06
(1,24)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:134:TYR:H	5	0.06
(1,24)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:134:TYR:H	5	0.06
(1,24)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:134:TYR:H	5	0.06
(1,225)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:71:ILE:HD11	5	0.06
(1,225)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:71:ILE:HD12	5	0.06
(1,225)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:71:ILE:HD13	5	0.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,225)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:71:ILE:HD11	5	0.06
(1,225)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:71:ILE:HD12	5	0.06
(1,225)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:71:ILE:HD13	5	0.06
(1,225)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:71:ILE:HD11	5	0.06
(1,225)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:71:ILE:HD12	5	0.06
(1,225)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:71:ILE:HD13	5	0.06
(1,225)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:71:ILE:HD11	20	0.06
(1,225)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:71:ILE:HD12	20	0.06
(1,225)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:71:ILE:HD13	20	0.06
(1,225)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:71:ILE:HD11	20	0.06
(1,225)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:71:ILE:HD12	20	0.06
(1,225)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:71:ILE:HD13	20	0.06
(1,225)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:71:ILE:HD11	20	0.06
(1,225)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:71:ILE:HD12	20	0.06
(1,225)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:71:ILE:HD13	20	0.06
(1,2)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:114:TYR:H	12	0.06
(1,2)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:114:TYR:H	12	0.06
(1,2)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:114:TYR:H	12	0.06
(1,195)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:124:VAL:HG21	12	0.06
(1,195)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:124:VAL:HG22	12	0.06
(1,195)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:124:VAL:HG23	12	0.06
(1,195)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:124:VAL:HG21	12	0.06
(1,195)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:124:VAL:HG22	12	0.06
(1,195)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:124:VAL:HG23	12	0.06
(1,195)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:124:VAL:HG21	12	0.06
(1,195)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:124:VAL:HG22	12	0.06
(1,195)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:124:VAL:HG23	12	0.06
(1,19)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:127:HIS:H	12	0.06
(1,19)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:127:HIS:H	12	0.06
(1,19)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:127:HIS:H	12	0.06
(1,184)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:112:LEU:HD11	7	0.06
(1,184)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:112:LEU:HD12	7	0.06
(1,184)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:112:LEU:HD13	7	0.06
(1,184)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:112:LEU:HD11	7	0.06
(1,184)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:112:LEU:HD12	7	0.06
(1,184)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:112:LEU:HD13	7	0.06
(1,184)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:112:LEU:HD11	7	0.06
(1,184)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:112:LEU:HD12	7	0.06
(1,184)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:112:LEU:HD13	7	0.06
(1,184)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:112:LEU:HD11	17	0.06
(1,184)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:112:LEU:HD12	17	0.06
(1,184)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:112:LEU:HD13	17	0.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,184)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:112:LEU:HD11	17	0.06
(1,184)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:112:LEU:HD12	17	0.06
(1,184)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:112:LEU:HD13	17	0.06
(1,184)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:112:LEU:HD11	17	0.06
(1,184)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:112:LEU:HD12	17	0.06
(1,184)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:112:LEU:HD13	17	0.06
(1,183)	1:A:90:VAL:HG21	1:A:102:VAL:HG21	11	0.06
(1,183)	1:A:90:VAL:HG21	1:A:102:VAL:HG22	11	0.06
(1,183)	1:A:90:VAL:HG21	1:A:102:VAL:HG23	11	0.06
(1,183)	1:A:90:VAL:HG22	1:A:102:VAL:HG21	11	0.06
(1,183)	1:A:90:VAL:HG22	1:A:102:VAL:HG22	11	0.06
(1,183)	1:A:90:VAL:HG22	1:A:102:VAL:HG23	11	0.06
(1,183)	1:A:90:VAL:HG23	1:A:102:VAL:HG21	11	0.06
(1,183)	1:A:90:VAL:HG23	1:A:102:VAL:HG22	11	0.06
(1,183)	1:A:90:VAL:HG23	1:A:102:VAL:HG23	11	0.06
(1,18)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:128:LYS:H	1	0.06
(1,18)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:128:LYS:H	1	0.06
(1,18)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:128:LYS:H	1	0.06
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG11	14	0.06
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG12	14	0.06
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG13	14	0.06
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG11	18	0.06
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG12	18	0.06
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG13	18	0.06
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD21	1	0.06
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD22	1	0.06
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD23	1	0.06
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD21	20	0.06
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD22	20	0.06
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD23	20	0.06
(1,15)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG11	2	0.06
(1,15)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG12	2	0.06
(1,15)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG13	2	0.06
(1,148)	1:A:44:ASP:H	1:A:122:ARG:H	5	0.06
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD21	13	0.06
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD22	13	0.06
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD23	13	0.06
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD21	17	0.06
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD22	17	0.06
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD23	17	0.06
(1,131)	1:A:17:TYR:H	1:A:19:VAL:H	9	0.06
(1,127)	1:A:21:GLN:H	1:A:23:ASN:H	4	0.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,124)	1:A:5:LYS:H	1:A:7:GLU:H	7	0.06
(1,115)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:H	4	0.06
(1,115)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:H	7	0.06
(1,89)	1:A:55:LYS:H	1:A:57:LYS:H	6	0.05
(1,89)	1:A:55:LYS:H	1:A:57:LYS:H	12	0.05
(1,89)	1:A:55:LYS:H	1:A:57:LYS:H	16	0.05
(1,81)	1:A:47:SER:H	1:A:48:GLY:H	1	0.05
(1,8)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:42:TYR:H	7	0.05
(1,8)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:42:TYR:H	7	0.05
(1,8)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:42:TYR:H	7	0.05
(1,8)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:42:TYR:H	13	0.05
(1,8)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:42:TYR:H	13	0.05
(1,8)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:42:TYR:H	13	0.05
(1,78)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:H	8	0.05
(1,70)	1:A:16:GLN:HE21	1:A:46:VAL:H	3	0.05
(1,70)	1:A:16:GLN:HE21	1:A:46:VAL:H	13	0.05
(1,68)	1:A:34:TRP:H	1:A:36:HIS:H	12	0.05
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD11	2	0.05
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD12	2	0.05
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD13	2	0.05
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD11	15	0.05
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD12	15	0.05
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD13	15	0.05
(1,610)	1:A:115:CYS:H	1:A:101:HIS:H	2	0.05
(1,610)	1:A:115:CYS:H	1:A:101:HIS:H	19	0.05
(1,608)	1:A:100:GLY:H	1:A:90:VAL:H	6	0.05
(1,608)	1:A:100:GLY:H	1:A:90:VAL:H	7	0.05
(1,601)	1:A:142:ASN:HD21	1:A:144:LEU:HD11	1	0.05
(1,601)	1:A:142:ASN:HD21	1:A:144:LEU:HD12	1	0.05
(1,601)	1:A:142:ASN:HD21	1:A:144:LEU:HD13	1	0.05
(1,601)	1:A:142:ASN:HD21	1:A:144:LEU:HD21	1	0.05
(1,601)	1:A:142:ASN:HD21	1:A:144:LEU:HD22	1	0.05
(1,601)	1:A:142:ASN:HD21	1:A:144:LEU:HD23	1	0.05
(1,601)	1:A:142:ASN:HD22	1:A:144:LEU:HD11	1	0.05
(1,601)	1:A:142:ASN:HD22	1:A:144:LEU:HD12	1	0.05
(1,601)	1:A:142:ASN:HD22	1:A:144:LEU:HD13	1	0.05
(1,601)	1:A:142:ASN:HD22	1:A:144:LEU:HD21	1	0.05
(1,601)	1:A:142:ASN:HD22	1:A:144:LEU:HD22	1	0.05
(1,601)	1:A:142:ASN:HD22	1:A:144:LEU:HD23	1	0.05
(1,595)	1:A:104:ASN:HD21	1:A:112:LEU:HD11	2	0.05
(1,595)	1:A:104:ASN:HD21	1:A:112:LEU:HD12	2	0.05
(1,595)	1:A:104:ASN:HD21	1:A:112:LEU:HD13	2	0.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,595)	1:A:104:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD11	2	0.05
(1,595)	1:A:104:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD12	2	0.05
(1,595)	1:A:104:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD13	2	0.05
(1,595)	1:A:104:ASN:HD21	1:A:112:LEU:HD11	16	0.05
(1,595)	1:A:104:ASN:HD21	1:A:112:LEU:HD12	16	0.05
(1,595)	1:A:104:ASN:HD21	1:A:112:LEU:HD13	16	0.05
(1,595)	1:A:104:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD11	16	0.05
(1,595)	1:A:104:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD12	16	0.05
(1,595)	1:A:104:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD13	16	0.05
(1,592)	1:A:22:ASN:H	1:A:22:ASN:HD21	13	0.05
(1,592)	1:A:22:ASN:H	1:A:22:ASN:HD22	13	0.05
(1,581)	1:A:102:VAL:HG11	1:A:113:ARG:H	5	0.05
(1,581)	1:A:102:VAL:HG12	1:A:113:ARG:H	5	0.05
(1,581)	1:A:102:VAL:HG13	1:A:113:ARG:H	5	0.05
(1,575)	1:A:144:LEU:HD21	1:A:145:GLU:H	12	0.05
(1,575)	1:A:144:LEU:HD22	1:A:145:GLU:H	12	0.05
(1,575)	1:A:144:LEU:HD23	1:A:145:GLU:H	12	0.05
(1,572)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:141:PHE:H	18	0.05
(1,572)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:141:PHE:H	18	0.05
(1,572)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:141:PHE:H	18	0.05
(1,571)	1:A:140:LEU:HD11	1:A:141:PHE:H	4	0.05
(1,571)	1:A:140:LEU:HD12	1:A:141:PHE:H	4	0.05
(1,571)	1:A:140:LEU:HD13	1:A:141:PHE:H	4	0.05
(1,571)	1:A:140:LEU:HD11	1:A:141:PHE:H	11	0.05
(1,571)	1:A:140:LEU:HD12	1:A:141:PHE:H	11	0.05
(1,571)	1:A:140:LEU:HD13	1:A:141:PHE:H	11	0.05
(1,570)	1:A:140:LEU:H	1:A:140:LEU:HD21	8	0.05
(1,570)	1:A:140:LEU:H	1:A:140:LEU:HD22	8	0.05
(1,570)	1:A:140:LEU:H	1:A:140:LEU:HD23	8	0.05
(1,565)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:H	13	0.05
(1,565)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:H	13	0.05
(1,565)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:H	13	0.05
(1,561)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:134:TYR:H	11	0.05
(1,561)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:134:TYR:H	11	0.05
(1,561)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:134:TYR:H	11	0.05
(1,558)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:132:GLU:H	8	0.05
(1,558)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:132:GLU:H	8	0.05
(1,558)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:132:GLU:H	8	0.05
(1,551)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD11	10	0.05
(1,551)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD12	10	0.05
(1,551)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD13	10	0.05
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG21	8	0.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG22	8	0.05
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG23	8	0.05
(1,548)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD11	3	0.05
(1,548)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD12	3	0.05
(1,548)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD13	3	0.05
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD21	2	0.05
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD22	2	0.05
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD23	2	0.05
(1,536)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:102:VAL:H	1	0.05
(1,536)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:102:VAL:H	1	0.05
(1,536)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:102:VAL:H	1	0.05
(1,535)	1:A:101:HIS:H	1:A:116:ILE:HD11	17	0.05
(1,535)	1:A:101:HIS:H	1:A:116:ILE:HD12	17	0.05
(1,535)	1:A:101:HIS:H	1:A:116:ILE:HD13	17	0.05
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD21	5	0.05
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD22	5	0.05
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD23	5	0.05
(1,512)	1:A:79:LEU:HD21	1:A:87:ARG:H	10	0.05
(1,512)	1:A:79:LEU:HD22	1:A:87:ARG:H	10	0.05
(1,512)	1:A:79:LEU:HD23	1:A:87:ARG:H	10	0.05
(1,511)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:122:ARG:H	2	0.05
(1,511)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:122:ARG:H	2	0.05
(1,511)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:122:ARG:H	2	0.05
(1,505)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:76:GLU:H	14	0.05
(1,505)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:76:GLU:H	14	0.05
(1,505)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:76:GLU:H	14	0.05
(1,505)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:76:GLU:H	15	0.05
(1,505)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:76:GLU:H	15	0.05
(1,505)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:76:GLU:H	15	0.05
(1,501)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG21	6	0.05
(1,501)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG22	6	0.05
(1,501)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG23	6	0.05
(1,499)	1:A:71:ILE:H	1:A:71:ILE:HD11	4	0.05
(1,499)	1:A:71:ILE:H	1:A:71:ILE:HD12	4	0.05
(1,499)	1:A:71:ILE:H	1:A:71:ILE:HD13	4	0.05
(1,499)	1:A:71:ILE:H	1:A:71:ILE:HD11	14	0.05
(1,499)	1:A:71:ILE:H	1:A:71:ILE:HD12	14	0.05
(1,499)	1:A:71:ILE:H	1:A:71:ILE:HD13	14	0.05
(1,496)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:54:SER:H	9	0.05
(1,496)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:54:SER:H	9	0.05
(1,496)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:54:SER:H	9	0.05
(1,488)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:51:LEU:H	19	0.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,488)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:51:LEU:H	19	0.05
(1,488)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:51:LEU:H	19	0.05
(1,48)	1:A:79:LEU:HD11	1:A:88:THR:H	20	0.05
(1,48)	1:A:79:LEU:HD12	1:A:88:THR:H	20	0.05
(1,48)	1:A:79:LEU:HD13	1:A:88:THR:H	20	0.05
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD11	5	0.05
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD12	5	0.05
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD13	5	0.05
(1,464)	1:A:16:GLN:H	1:A:46:VAL:HG11	13	0.05
(1,464)	1:A:16:GLN:H	1:A:46:VAL:HG12	13	0.05
(1,464)	1:A:16:GLN:H	1:A:46:VAL:HG13	13	0.05
(1,462)	1:A:45:ILE:HD11	1:A:46:VAL:H	1	0.05
(1,462)	1:A:45:ILE:HD12	1:A:46:VAL:H	1	0.05
(1,462)	1:A:45:ILE:HD13	1:A:46:VAL:H	1	0.05
(1,458)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:10:LYS:H	5	0.05
(1,458)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:10:LYS:H	5	0.05
(1,458)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:10:LYS:H	5	0.05
(1,456)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:HD21	1	0.05
(1,456)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:HD22	1	0.05
(1,456)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:HD23	1	0.05
(1,455)	1:A:8:LYS:H	1:A:9:ILE:HD11	10	0.05
(1,455)	1:A:8:LYS:H	1:A:9:ILE:HD12	10	0.05
(1,455)	1:A:8:LYS:H	1:A:9:ILE:HD13	10	0.05
(1,454)	1:A:134:TYR:H	1:A:138:LEU:HD21	10	0.05
(1,454)	1:A:134:TYR:H	1:A:138:LEU:HD22	10	0.05
(1,454)	1:A:134:TYR:H	1:A:138:LEU:HD23	10	0.05
(1,451)	1:A:75:VAL:HG11	1:A:91:ARG:H	20	0.05
(1,451)	1:A:75:VAL:HG12	1:A:91:ARG:H	20	0.05
(1,451)	1:A:75:VAL:HG13	1:A:91:ARG:H	20	0.05
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD11	1	0.05
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD12	1	0.05
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD13	1	0.05
(1,448)	1:A:79:LEU:HD11	1:A:89:GLU:H	3	0.05
(1,448)	1:A:79:LEU:HD12	1:A:89:GLU:H	3	0.05
(1,448)	1:A:79:LEU:HD13	1:A:89:GLU:H	3	0.05
(1,445)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:113:ARG:H	2	0.05
(1,445)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:113:ARG:H	2	0.05
(1,445)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:113:ARG:H	2	0.05
(1,445)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:113:ARG:H	17	0.05
(1,445)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:113:ARG:H	17	0.05
(1,445)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:113:ARG:H	17	0.05
(1,443)	1:A:90:VAL:HG21	1:A:101:HIS:H	1	0.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,443)	1:A:90:VAL:HG22	1:A:101:HIS:H	1	0.05
(1,443)	1:A:90:VAL:HG23	1:A:101:HIS:H	1	0.05
(1,443)	1:A:90:VAL:HG21	1:A:101:HIS:H	8	0.05
(1,443)	1:A:90:VAL:HG22	1:A:101:HIS:H	8	0.05
(1,443)	1:A:90:VAL:HG23	1:A:101:HIS:H	8	0.05
(1,443)	1:A:90:VAL:HG21	1:A:101:HIS:H	9	0.05
(1,443)	1:A:90:VAL:HG22	1:A:101:HIS:H	9	0.05
(1,443)	1:A:90:VAL:HG23	1:A:101:HIS:H	9	0.05
(1,440)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:100:GLY:H	7	0.05
(1,440)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:100:GLY:H	7	0.05
(1,440)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:100:GLY:H	7	0.05
(1,44)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:48:GLY:H	6	0.05
(1,44)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:48:GLY:H	6	0.05
(1,44)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:48:GLY:H	6	0.05
(1,44)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:48:GLY:H	9	0.05
(1,44)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:48:GLY:H	9	0.05
(1,44)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:48:GLY:H	9	0.05
(1,44)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:48:GLY:H	20	0.05
(1,44)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:48:GLY:H	20	0.05
(1,44)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:48:GLY:H	20	0.05
(1,438)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:120:ALA:H	3	0.05
(1,438)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:120:ALA:H	3	0.05
(1,438)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:120:ALA:H	3	0.05
(1,436)	1:A:13:ASN:HD22	1:A:46:VAL:HG11	12	0.05
(1,436)	1:A:13:ASN:HD22	1:A:46:VAL:HG12	12	0.05
(1,436)	1:A:13:ASN:HD22	1:A:46:VAL:HG13	12	0.05
(1,435)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:26:GLU:H	15	0.05
(1,435)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:26:GLU:H	15	0.05
(1,435)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:26:GLU:H	15	0.05
(1,424)	1:A:90:VAL:HG21	1:A:115:CYS:H	7	0.05
(1,424)	1:A:90:VAL:HG22	1:A:115:CYS:H	7	0.05
(1,424)	1:A:90:VAL:HG23	1:A:115:CYS:H	7	0.05
(1,421)	1:A:43:VAL:H	1:A:43:VAL:HG11	19	0.05
(1,421)	1:A:43:VAL:H	1:A:43:VAL:HG12	19	0.05
(1,421)	1:A:43:VAL:H	1:A:43:VAL:HG13	19	0.05
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD21	2	0.05
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD22	2	0.05
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD23	2	0.05
(1,416)	1:A:86:ILE:H	1:A:86:ILE:HD11	17	0.05
(1,416)	1:A:86:ILE:H	1:A:86:ILE:HD12	17	0.05
(1,416)	1:A:86:ILE:H	1:A:86:ILE:HD13	17	0.05
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD21	1	0.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD22	1	0.05
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD23	1	0.05
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD21	4	0.05
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD22	4	0.05
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD23	4	0.05
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD21	5	0.05
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD22	5	0.05
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD23	5	0.05
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD21	14	0.05
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD22	14	0.05
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD23	14	0.05
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD21	20	0.05
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD22	20	0.05
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD23	20	0.05
(1,41)	1:A:45:ILE:H	1:A:46:VAL:HG21	5	0.05
(1,41)	1:A:45:ILE:H	1:A:46:VAL:HG22	5	0.05
(1,41)	1:A:45:ILE:H	1:A:46:VAL:HG23	5	0.05
(1,40)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:97:SER:H	14	0.05
(1,40)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:97:SER:H	14	0.05
(1,40)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:97:SER:H	14	0.05
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG21	5	0.05
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG22	5	0.05
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG23	5	0.05
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG21	5	0.05
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG22	5	0.05
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG23	5	0.05
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG21	5	0.05
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG22	5	0.05
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG23	5	0.05
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG21	13	0.05
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG22	13	0.05
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG23	13	0.05
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG21	13	0.05
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG22	13	0.05
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG23	13	0.05
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG21	13	0.05
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG22	13	0.05
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG23	13	0.05
(1,377)	1:A:134:TYR:H	1:A:135:GLU:H	6	0.05
(1,370)	1:A:129:LEU:H	1:A:130:LYS:H	17	0.05
(1,361)	1:A:45:ILE:H	1:A:122:ARG:H	11	0.05
(1,355)	1:A:67:PHE:H	1:A:114:TYR:H	15	0.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,355)	1:A:67:PHE:H	1:A:114:TYR:H	20	0.05
(1,337)	1:A:76:GLU:H	1:A:91:ARG:H	12	0.05
(1,337)	1:A:76:GLU:H	1:A:91:ARG:H	13	0.05
(1,337)	1:A:76:GLU:H	1:A:91:ARG:H	18	0.05
(1,332)	1:A:85:MET:H	1:A:86:ILE:H	19	0.05
(1,331)	1:A:80:ASP:H	1:A:88:THR:H	14	0.05
(1,329)	1:A:79:LEU:H	1:A:89:GLU:H	12	0.05
(1,327)	1:A:78:LYS:H	1:A:89:GLU:H	2	0.05
(1,32)	1:A:103:PHE:H	1:A:112:LEU:HD21	10	0.05
(1,32)	1:A:103:PHE:H	1:A:112:LEU:HD22	10	0.05
(1,32)	1:A:103:PHE:H	1:A:112:LEU:HD23	10	0.05
(1,312)	1:A:41:LEU:H	1:A:124:VAL:H	4	0.05
(1,31)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:49:LYS:H	19	0.05
(1,31)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:49:LYS:H	19	0.05
(1,31)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:49:LYS:H	19	0.05
(1,309)	1:A:33:TYR:H	1:A:36:HIS:H	12	0.05
(1,307)	1:A:32:GLU:H	1:A:34:TRP:H	8	0.05
(1,307)	1:A:32:GLU:H	1:A:34:TRP:H	11	0.05
(1,306)	1:A:31:ASN:H	1:A:32:GLU:H	20	0.05
(1,30)	1:A:106:GLY:H	1:A:112:LEU:HD21	11	0.05
(1,30)	1:A:106:GLY:H	1:A:112:LEU:HD22	11	0.05
(1,30)	1:A:106:GLY:H	1:A:112:LEU:HD23	11	0.05
(1,299)	1:A:15:MET:H	1:A:18:GLU:H	20	0.05
(1,285)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:H	6	0.05
(1,279)	1:A:26:GLU:H	1:A:64:TRP:HE1	5	0.05
(1,267)	1:A:21:GLN:H	1:A:24:GLY:H	12	0.05
(1,267)	1:A:21:GLN:H	1:A:24:GLY:H	15	0.05
(1,266)	1:A:19:VAL:H	1:A:21:GLN:H	8	0.05
(1,266)	1:A:19:VAL:H	1:A:21:GLN:H	11	0.05
(1,266)	1:A:19:VAL:H	1:A:21:GLN:H	15	0.05
(1,266)	1:A:19:VAL:H	1:A:21:GLN:H	18	0.05
(1,261)	1:A:99:LEU:HD21	1:A:116:ILE:HD11	18	0.05
(1,261)	1:A:99:LEU:HD21	1:A:116:ILE:HD12	18	0.05
(1,261)	1:A:99:LEU:HD21	1:A:116:ILE:HD13	18	0.05
(1,261)	1:A:99:LEU:HD22	1:A:116:ILE:HD11	18	0.05
(1,261)	1:A:99:LEU:HD22	1:A:116:ILE:HD12	18	0.05
(1,261)	1:A:99:LEU:HD22	1:A:116:ILE:HD13	18	0.05
(1,261)	1:A:99:LEU:HD23	1:A:116:ILE:HD11	18	0.05
(1,261)	1:A:99:LEU:HD23	1:A:116:ILE:HD12	18	0.05
(1,261)	1:A:99:LEU:HD23	1:A:116:ILE:HD13	18	0.05
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD11	12	0.05
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD12	12	0.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD13	12	0.05
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD11	4	0.05
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD12	4	0.05
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD13	4	0.05
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD11	4	0.05
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD12	4	0.05
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD13	4	0.05
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD11	4	0.05
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD12	4	0.05
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD13	4	0.05
(1,25)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:123:PHE:H	17	0.05
(1,25)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:123:PHE:H	17	0.05
(1,25)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:123:PHE:H	17	0.05
(1,244)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:130:LYS:H	19	0.05
(1,244)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:130:LYS:H	19	0.05
(1,244)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:130:LYS:H	19	0.05
(1,244)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:130:LYS:H	20	0.05
(1,244)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:130:LYS:H	20	0.05
(1,244)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:130:LYS:H	20	0.05
(1,24)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:134:TYR:H	2	0.05
(1,24)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:134:TYR:H	2	0.05
(1,24)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:134:TYR:H	2	0.05
(1,24)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:134:TYR:H	13	0.05
(1,24)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:134:TYR:H	13	0.05
(1,24)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:134:TYR:H	13	0.05
(1,211)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:138:LEU:HD11	9	0.05
(1,211)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:138:LEU:HD12	9	0.05
(1,211)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:138:LEU:HD13	9	0.05
(1,211)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:138:LEU:HD11	9	0.05
(1,211)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:138:LEU:HD12	9	0.05
(1,211)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:138:LEU:HD13	9	0.05
(1,211)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:138:LEU:HD11	9	0.05
(1,211)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:138:LEU:HD12	9	0.05
(1,211)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:138:LEU:HD13	9	0.05
(1,2)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:114:TYR:H	13	0.05
(1,2)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:114:TYR:H	13	0.05
(1,2)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:114:TYR:H	13	0.05
(1,193)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:117:ASN:HD22	13	0.05
(1,193)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:117:ASN:HD22	13	0.05
(1,193)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:117:ASN:HD22	13	0.05
(1,19)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:127:HIS:H	6	0.05
(1,19)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:127:HIS:H	6	0.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,19)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:127:HIS:H	6	0.05
(1,184)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:112:LEU:HD11	2	0.05
(1,184)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:112:LEU:HD12	2	0.05
(1,184)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:112:LEU:HD13	2	0.05
(1,184)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:112:LEU:HD11	2	0.05
(1,184)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:112:LEU:HD12	2	0.05
(1,184)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:112:LEU:HD13	2	0.05
(1,184)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:112:LEU:HD11	2	0.05
(1,184)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:112:LEU:HD12	2	0.05
(1,184)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:112:LEU:HD13	2	0.05
(1,180)	1:A:90:VAL:HG21	1:A:91:ARG:H	14	0.05
(1,180)	1:A:90:VAL:HG22	1:A:91:ARG:H	14	0.05
(1,180)	1:A:90:VAL:HG23	1:A:91:ARG:H	14	0.05
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG11	2	0.05
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG12	2	0.05
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG13	2	0.05
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG11	6	0.05
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG12	6	0.05
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG13	6	0.05
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG11	7	0.05
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG12	7	0.05
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG13	7	0.05
(1,166)	1:A:40:GLY:H	1:A:54:SER:H	15	0.05
(1,164)	1:A:76:GLU:H	1:A:77:GLU:H	4	0.05
(1,163)	1:A:15:MET:H	1:A:17:TYR:H	6	0.05
(1,163)	1:A:15:MET:H	1:A:17:TYR:H	16	0.05
(1,161)	1:A:133:GLY:H	1:A:135:GLU:H	2	0.05
(1,161)	1:A:133:GLY:H	1:A:135:GLU:H	3	0.05
(1,16)	1:A:102:VAL:H	1:A:102:VAL:HG11	2	0.05
(1,16)	1:A:102:VAL:H	1:A:102:VAL:HG12	2	0.05
(1,16)	1:A:102:VAL:H	1:A:102:VAL:HG13	2	0.05
(1,16)	1:A:102:VAL:H	1:A:102:VAL:HG11	4	0.05
(1,16)	1:A:102:VAL:H	1:A:102:VAL:HG12	4	0.05
(1,16)	1:A:102:VAL:H	1:A:102:VAL:HG13	4	0.05
(1,16)	1:A:102:VAL:H	1:A:102:VAL:HG11	7	0.05
(1,16)	1:A:102:VAL:H	1:A:102:VAL:HG12	7	0.05
(1,16)	1:A:102:VAL:H	1:A:102:VAL:HG13	7	0.05
(1,16)	1:A:102:VAL:H	1:A:102:VAL:HG11	13	0.05
(1,16)	1:A:102:VAL:H	1:A:102:VAL:HG12	13	0.05
(1,16)	1:A:102:VAL:H	1:A:102:VAL:HG13	13	0.05
(1,150)	1:A:81:THR:H	1:A:82:SER:H	2	0.05
(1,148)	1:A:44:ASP:H	1:A:122:ARG:H	10	0.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,148)	1:A:44:ASP:H	1:A:122:ARG:H	19	0.05
(1,147)	1:A:130:LYS:H	1:A:134:TYR:H	5	0.05
(1,146)	1:A:130:LYS:H	1:A:132:GLU:H	5	0.05
(1,146)	1:A:130:LYS:H	1:A:132:GLU:H	9	0.05
(1,145)	1:A:128:LYS:H	1:A:130:LYS:H	8	0.05
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD21	2	0.05
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD22	2	0.05
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD23	2	0.05
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD21	4	0.05
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD22	4	0.05
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD23	4	0.05
(1,139)	1:A:46:VAL:H	1:A:48:GLY:H	2	0.05
(1,13)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:131:GLU:H	3	0.05
(1,13)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:131:GLU:H	3	0.05
(1,13)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:131:GLU:H	3	0.05
(1,119)	1:A:88:THR:H	1:A:102:VAL:H	16	0.05
(1,114)	1:A:29:PHE:H	1:A:31:ASN:H	20	0.05
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD21	10	0.05
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD22	10	0.05
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD23	10	0.05
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD21	18	0.05
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD22	18	0.05
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD23	18	0.05
(1,99)	1:A:20:THR:H	1:A:23:ASN:H	16	0.04
(1,98)	1:A:31:ASN:H	1:A:34:TRP:H	20	0.04
(1,90)	1:A:63:GLY:H	1:A:64:TRP:H	18	0.04
(1,87)	1:A:31:ASN:H	1:A:34:TRP:HE1	14	0.04
(1,84)	1:A:10:LYS:H	1:A:12:LEU:H	1	0.04
(1,84)	1:A:10:LYS:H	1:A:12:LEU:H	7	0.04
(1,83)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:H	10	0.04
(1,83)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:H	14	0.04
(1,8)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:42:TYR:H	8	0.04
(1,8)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:42:TYR:H	8	0.04
(1,8)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:42:TYR:H	8	0.04
(1,78)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:H	17	0.04
(1,7)	1:A:41:LEU:H	1:A:41:LEU:HD11	8	0.04
(1,7)	1:A:41:LEU:H	1:A:41:LEU:HD12	8	0.04
(1,7)	1:A:41:LEU:H	1:A:41:LEU:HD13	8	0.04
(1,7)	1:A:41:LEU:H	1:A:41:LEU:HD11	10	0.04
(1,7)	1:A:41:LEU:H	1:A:41:LEU:HD12	10	0.04
(1,7)	1:A:41:LEU:H	1:A:41:LEU:HD13	10	0.04
(1,63)	1:A:54:SER:HG	1:A:57:LYS:H	3	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,63)	1:A:54:SER:HG	1:A:57:LYS:H	19	0.04
(1,610)	1:A:115:CYS:H	1:A:101:HIS:H	15	0.04
(1,609)	1:A:102:VAL:H	1:A:88:THR:H	18	0.04
(1,608)	1:A:100:GLY:H	1:A:90:VAL:H	5	0.04
(1,608)	1:A:100:GLY:H	1:A:90:VAL:H	16	0.04
(1,598)	1:A:110:ASN:HD21	1:A:112:LEU:HD11	4	0.04
(1,598)	1:A:110:ASN:HD21	1:A:112:LEU:HD12	4	0.04
(1,598)	1:A:110:ASN:HD21	1:A:112:LEU:HD13	4	0.04
(1,598)	1:A:110:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD11	4	0.04
(1,598)	1:A:110:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD12	4	0.04
(1,598)	1:A:110:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD13	4	0.04
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG11	15	0.04
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG12	15	0.04
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG13	15	0.04
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG11	20	0.04
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG12	20	0.04
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG13	20	0.04
(1,583)	1:A:90:VAL:H	1:A:102:VAL:HG21	17	0.04
(1,583)	1:A:90:VAL:H	1:A:102:VAL:HG22	17	0.04
(1,583)	1:A:90:VAL:H	1:A:102:VAL:HG23	17	0.04
(1,581)	1:A:102:VAL:HG11	1:A:113:ARG:H	17	0.04
(1,581)	1:A:102:VAL:HG12	1:A:113:ARG:H	17	0.04
(1,581)	1:A:102:VAL:HG13	1:A:113:ARG:H	17	0.04
(1,565)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:H	20	0.04
(1,565)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:H	20	0.04
(1,565)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:H	20	0.04
(1,564)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:137:TYR:H	17	0.04
(1,564)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:137:TYR:H	17	0.04
(1,564)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:137:TYR:H	17	0.04
(1,559)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:132:GLU:H	2	0.04
(1,559)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:132:GLU:H	2	0.04
(1,559)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:132:GLU:H	2	0.04
(1,558)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:132:GLU:H	17	0.04
(1,558)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:132:GLU:H	17	0.04
(1,558)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:132:GLU:H	17	0.04
(1,556)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD11	10	0.04
(1,556)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD12	10	0.04
(1,556)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD13	10	0.04
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG21	17	0.04
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG22	17	0.04
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG23	17	0.04
(1,536)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:102:VAL:H	12	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,536)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:102:VAL:H	12	0.04
(1,536)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:102:VAL:H	12	0.04
(1,536)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:102:VAL:H	15	0.04
(1,536)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:102:VAL:H	15	0.04
(1,536)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:102:VAL:H	15	0.04
(1,535)	1:A:101:HIS:H	1:A:116:ILE:HD11	2	0.04
(1,535)	1:A:101:HIS:H	1:A:116:ILE:HD12	2	0.04
(1,535)	1:A:101:HIS:H	1:A:116:ILE:HD13	2	0.04
(1,534)	1:A:101:HIS:H	1:A:102:VAL:HG11	15	0.04
(1,534)	1:A:101:HIS:H	1:A:102:VAL:HG12	15	0.04
(1,534)	1:A:101:HIS:H	1:A:102:VAL:HG13	15	0.04
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD11	2	0.04
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD12	2	0.04
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD13	2	0.04
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD11	6	0.04
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD12	6	0.04
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD13	6	0.04
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD11	14	0.04
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD12	14	0.04
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD13	14	0.04
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD11	15	0.04
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD12	15	0.04
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD13	15	0.04
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD11	18	0.04
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD12	18	0.04
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD13	18	0.04
(1,512)	1:A:79:LEU:HD21	1:A:87:ARG:H	8	0.04
(1,512)	1:A:79:LEU:HD22	1:A:87:ARG:H	8	0.04
(1,512)	1:A:79:LEU:HD23	1:A:87:ARG:H	8	0.04
(1,507)	1:A:75:VAL:HG11	1:A:77:GLU:H	6	0.04
(1,507)	1:A:75:VAL:HG12	1:A:77:GLU:H	6	0.04
(1,507)	1:A:75:VAL:HG13	1:A:77:GLU:H	6	0.04
(1,507)	1:A:75:VAL:HG11	1:A:77:GLU:H	13	0.04
(1,507)	1:A:75:VAL:HG12	1:A:77:GLU:H	13	0.04
(1,507)	1:A:75:VAL:HG13	1:A:77:GLU:H	13	0.04
(1,497)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:H	10	0.04
(1,497)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:H	10	0.04
(1,497)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:H	10	0.04
(1,496)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:54:SER:H	10	0.04
(1,496)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:54:SER:H	10	0.04
(1,496)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:54:SER:H	10	0.04
(1,496)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:54:SER:H	18	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,496)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:54:SER:H	18	0.04
(1,496)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:54:SER:H	18	0.04
(1,494)	1:A:52:PHE:H	1:A:71:ILE:HD11	10	0.04
(1,494)	1:A:52:PHE:H	1:A:71:ILE:HD12	10	0.04
(1,494)	1:A:52:PHE:H	1:A:71:ILE:HD13	10	0.04
(1,493)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:52:PHE:H	8	0.04
(1,493)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:52:PHE:H	8	0.04
(1,493)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:52:PHE:H	8	0.04
(1,49)	1:A:78:LYS:H	1:A:90:VAL:HG11	20	0.04
(1,49)	1:A:78:LYS:H	1:A:90:VAL:HG12	20	0.04
(1,49)	1:A:78:LYS:H	1:A:90:VAL:HG13	20	0.04
(1,476)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:44:ASP:H	15	0.04
(1,476)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:44:ASP:H	15	0.04
(1,476)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:44:ASP:H	15	0.04
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD11	4	0.04
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD12	4	0.04
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD13	4	0.04
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD11	12	0.04
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD12	12	0.04
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD13	12	0.04
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD11	13	0.04
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD12	13	0.04
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD13	13	0.04
(1,472)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:42:TYR:H	6	0.04
(1,472)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:42:TYR:H	6	0.04
(1,472)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:42:TYR:H	6	0.04
(1,471)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:25:THR:H	1	0.04
(1,471)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:25:THR:H	1	0.04
(1,471)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:25:THR:H	1	0.04
(1,47)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:115:CYS:H	16	0.04
(1,47)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:115:CYS:H	16	0.04
(1,47)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:115:CYS:H	16	0.04
(1,469)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:24:GLY:H	15	0.04
(1,469)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:24:GLY:H	15	0.04
(1,469)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:24:GLY:H	15	0.04
(1,468)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:23:ASN:H	1	0.04
(1,468)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:23:ASN:H	1	0.04
(1,468)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:23:ASN:H	1	0.04
(1,462)	1:A:45:ILE:HD11	1:A:46:VAL:H	2	0.04
(1,462)	1:A:45:ILE:HD12	1:A:46:VAL:H	2	0.04
(1,462)	1:A:45:ILE:HD13	1:A:46:VAL:H	2	0.04
(1,462)	1:A:45:ILE:HD11	1:A:46:VAL:H	9	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,462)	1:A:45:ILE:HD12	1:A:46:VAL:H	9	0.04
(1,462)	1:A:45:ILE:HD13	1:A:46:VAL:H	9	0.04
(1,458)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:10:LYS:H	1	0.04
(1,458)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:10:LYS:H	1	0.04
(1,458)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:10:LYS:H	1	0.04
(1,458)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:10:LYS:H	2	0.04
(1,458)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:10:LYS:H	2	0.04
(1,458)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:10:LYS:H	2	0.04
(1,456)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:HD21	5	0.04
(1,456)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:HD22	5	0.04
(1,456)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:HD23	5	0.04
(1,455)	1:A:8:LYS:H	1:A:9:ILE:HD11	16	0.04
(1,455)	1:A:8:LYS:H	1:A:9:ILE:HD12	16	0.04
(1,455)	1:A:8:LYS:H	1:A:9:ILE:HD13	16	0.04
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG21	2	0.04
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG22	2	0.04
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG23	2	0.04
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG21	8	0.04
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG22	8	0.04
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG23	8	0.04
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD11	18	0.04
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD12	18	0.04
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD13	18	0.04
(1,447)	1:A:41:LEU:H	1:A:124:VAL:HG21	13	0.04
(1,447)	1:A:41:LEU:H	1:A:124:VAL:HG22	13	0.04
(1,447)	1:A:41:LEU:H	1:A:124:VAL:HG23	13	0.04
(1,446)	1:A:45:ILE:H	1:A:121:LEU:HD21	12	0.04
(1,446)	1:A:45:ILE:H	1:A:121:LEU:HD22	12	0.04
(1,446)	1:A:45:ILE:H	1:A:121:LEU:HD23	12	0.04
(1,446)	1:A:45:ILE:H	1:A:121:LEU:HD21	15	0.04
(1,446)	1:A:45:ILE:H	1:A:121:LEU:HD22	15	0.04
(1,446)	1:A:45:ILE:H	1:A:121:LEU:HD23	15	0.04
(1,443)	1:A:90:VAL:HG21	1:A:101:HIS:H	16	0.04
(1,443)	1:A:90:VAL:HG22	1:A:101:HIS:H	16	0.04
(1,443)	1:A:90:VAL:HG23	1:A:101:HIS:H	16	0.04
(1,440)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:100:GLY:H	6	0.04
(1,440)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:100:GLY:H	6	0.04
(1,440)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:100:GLY:H	6	0.04
(1,44)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:48:GLY:H	16	0.04
(1,44)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:48:GLY:H	16	0.04
(1,44)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:48:GLY:H	16	0.04
(1,438)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:120:ALA:H	17	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,438)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:120:ALA:H	17	0.04
(1,438)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:120:ALA:H	17	0.04
(1,437)	1:A:46:VAL:HG11	1:A:48:GLY:H	2	0.04
(1,437)	1:A:46:VAL:HG12	1:A:48:GLY:H	2	0.04
(1,437)	1:A:46:VAL:HG13	1:A:48:GLY:H	2	0.04
(1,437)	1:A:46:VAL:HG11	1:A:48:GLY:H	4	0.04
(1,437)	1:A:46:VAL:HG12	1:A:48:GLY:H	4	0.04
(1,437)	1:A:46:VAL:HG13	1:A:48:GLY:H	4	0.04
(1,431)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:103:PHE:H	16	0.04
(1,431)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:103:PHE:H	16	0.04
(1,431)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:103:PHE:H	16	0.04
(1,426)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:13:ASN:H	7	0.04
(1,426)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:13:ASN:H	7	0.04
(1,426)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:13:ASN:H	7	0.04
(1,421)	1:A:43:VAL:H	1:A:43:VAL:HG11	5	0.04
(1,421)	1:A:43:VAL:H	1:A:43:VAL:HG12	5	0.04
(1,421)	1:A:43:VAL:H	1:A:43:VAL:HG13	5	0.04
(1,420)	1:A:19:VAL:H	1:A:19:VAL:HG11	1	0.04
(1,420)	1:A:19:VAL:H	1:A:19:VAL:HG12	1	0.04
(1,420)	1:A:19:VAL:H	1:A:19:VAL:HG13	1	0.04
(1,42)	1:A:15:MET:H	1:A:19:VAL:HG21	1	0.04
(1,42)	1:A:15:MET:H	1:A:19:VAL:HG22	1	0.04
(1,42)	1:A:15:MET:H	1:A:19:VAL:HG23	1	0.04
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD21	2	0.04
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD22	2	0.04
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD23	2	0.04
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD21	10	0.04
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD22	10	0.04
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD23	10	0.04
(1,4)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:H	3	0.04
(1,4)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:H	3	0.04
(1,4)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:H	3	0.04
(1,4)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:H	9	0.04
(1,4)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:H	9	0.04
(1,4)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:H	9	0.04
(1,399)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:129:LEU:HD21	17	0.04
(1,399)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:129:LEU:HD22	17	0.04
(1,399)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:129:LEU:HD23	17	0.04
(1,399)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:129:LEU:HD21	17	0.04
(1,399)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:129:LEU:HD22	17	0.04
(1,399)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:129:LEU:HD23	17	0.04
(1,399)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:129:LEU:HD21	17	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,399)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:129:LEU:HD22	17	0.04
(1,399)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:129:LEU:HD23	17	0.04
(1,397)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:12:LEU:HD21	9	0.04
(1,397)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:12:LEU:HD22	9	0.04
(1,397)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:12:LEU:HD23	9	0.04
(1,397)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:12:LEU:HD21	9	0.04
(1,397)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:12:LEU:HD22	9	0.04
(1,397)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:12:LEU:HD23	9	0.04
(1,397)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:12:LEU:HD21	9	0.04
(1,397)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:12:LEU:HD22	9	0.04
(1,397)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:12:LEU:HD23	9	0.04
(1,393)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:46:VAL:HG11	15	0.04
(1,393)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:46:VAL:HG12	15	0.04
(1,393)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:46:VAL:HG13	15	0.04
(1,393)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:46:VAL:HG11	15	0.04
(1,393)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:46:VAL:HG12	15	0.04
(1,393)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:46:VAL:HG13	15	0.04
(1,393)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:46:VAL:HG11	15	0.04
(1,393)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:46:VAL:HG12	15	0.04
(1,393)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:46:VAL:HG13	15	0.04
(1,39)	1:A:140:LEU:H	1:A:140:LEU:HD11	12	0.04
(1,39)	1:A:140:LEU:H	1:A:140:LEU:HD12	12	0.04
(1,39)	1:A:140:LEU:H	1:A:140:LEU:HD13	12	0.04
(1,39)	1:A:140:LEU:H	1:A:140:LEU:HD11	18	0.04
(1,39)	1:A:140:LEU:H	1:A:140:LEU:HD12	18	0.04
(1,39)	1:A:140:LEU:H	1:A:140:LEU:HD13	18	0.04
(1,375)	1:A:131:GLU:H	1:A:133:GLY:H	1	0.04
(1,375)	1:A:131:GLU:H	1:A:133:GLY:H	13	0.04
(1,374)	1:A:132:GLU:H	1:A:134:TYR:H	15	0.04
(1,374)	1:A:132:GLU:H	1:A:134:TYR:H	17	0.04
(1,370)	1:A:129:LEU:H	1:A:130:LYS:H	8	0.04
(1,368)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:H	9	0.04
(1,368)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:H	17	0.04
(1,368)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:H	18	0.04
(1,361)	1:A:45:ILE:H	1:A:122:ARG:H	4	0.04
(1,361)	1:A:45:ILE:H	1:A:122:ARG:H	5	0.04
(1,361)	1:A:45:ILE:H	1:A:122:ARG:H	19	0.04
(1,360)	1:A:43:VAL:H	1:A:122:ARG:H	19	0.04
(1,351)	1:A:108:GLY:H	1:A:112:LEU:H	19	0.04
(1,337)	1:A:76:GLU:H	1:A:91:ARG:H	9	0.04
(1,332)	1:A:85:MET:H	1:A:86:ILE:H	1	0.04
(1,322)	1:A:54:SER:H	1:A:57:LYS:H	15	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,32)	1:A:103:PHE:H	1:A:112:LEU:HD21	4	0.04
(1,32)	1:A:103:PHE:H	1:A:112:LEU:HD22	4	0.04
(1,32)	1:A:103:PHE:H	1:A:112:LEU:HD23	4	0.04
(1,32)	1:A:103:PHE:H	1:A:112:LEU:HD21	5	0.04
(1,32)	1:A:103:PHE:H	1:A:112:LEU:HD22	5	0.04
(1,32)	1:A:103:PHE:H	1:A:112:LEU:HD23	5	0.04
(1,312)	1:A:41:LEU:H	1:A:124:VAL:H	10	0.04
(1,31)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:49:LYS:H	15	0.04
(1,31)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:49:LYS:H	15	0.04
(1,31)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:49:LYS:H	15	0.04
(1,308)	1:A:30:GLN:H	1:A:34:TRP:HE1	11	0.04
(1,307)	1:A:32:GLU:H	1:A:34:TRP:H	13	0.04
(1,305)	1:A:25:THR:H	1:A:26:GLU:H	15	0.04
(1,303)	1:A:18:GLU:H	1:A:20:THR:H	3	0.04
(1,299)	1:A:15:MET:H	1:A:18:GLU:H	2	0.04
(1,29)	1:A:78:LYS:H	1:A:90:VAL:HG21	13	0.04
(1,29)	1:A:78:LYS:H	1:A:90:VAL:HG22	13	0.04
(1,29)	1:A:78:LYS:H	1:A:90:VAL:HG23	13	0.04
(1,281)	1:A:110:ASN:HD22	1:A:112:LEU:H	13	0.04
(1,274)	1:A:80:ASP:H	1:A:89:GLU:H	11	0.04
(1,270)	1:A:42:TYR:H	1:A:54:SER:H	7	0.04
(1,269)	1:A:22:ASN:HD22	1:A:24:GLY:H	3	0.04
(1,269)	1:A:22:ASN:HD22	1:A:24:GLY:H	5	0.04
(1,269)	1:A:22:ASN:HD22	1:A:24:GLY:H	15	0.04
(1,267)	1:A:21:GLN:H	1:A:24:GLY:H	5	0.04
(1,261)	1:A:99:LEU:HD21	1:A:116:ILE:HD11	3	0.04
(1,261)	1:A:99:LEU:HD21	1:A:116:ILE:HD12	3	0.04
(1,261)	1:A:99:LEU:HD21	1:A:116:ILE:HD13	3	0.04
(1,261)	1:A:99:LEU:HD22	1:A:116:ILE:HD11	3	0.04
(1,261)	1:A:99:LEU:HD22	1:A:116:ILE:HD12	3	0.04
(1,261)	1:A:99:LEU:HD22	1:A:116:ILE:HD13	3	0.04
(1,261)	1:A:99:LEU:HD23	1:A:116:ILE:HD11	3	0.04
(1,261)	1:A:99:LEU:HD23	1:A:116:ILE:HD12	3	0.04
(1,261)	1:A:99:LEU:HD23	1:A:116:ILE:HD13	3	0.04
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD11	3	0.04
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD12	3	0.04
(1,26)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD13	3	0.04
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD11	2	0.04
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD12	2	0.04
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD13	2	0.04
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD11	2	0.04
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD12	2	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD13	2	0.04
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD11	2	0.04
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD12	2	0.04
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD13	2	0.04
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD11	15	0.04
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD12	15	0.04
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD13	15	0.04
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD11	15	0.04
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD12	15	0.04
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD13	15	0.04
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD11	15	0.04
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD12	15	0.04
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD13	15	0.04
(1,252)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:99:LEU:HD11	14	0.04
(1,252)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:99:LEU:HD12	14	0.04
(1,252)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:99:LEU:HD13	14	0.04
(1,252)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:99:LEU:HD11	14	0.04
(1,252)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:99:LEU:HD12	14	0.04
(1,252)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:99:LEU:HD13	14	0.04
(1,252)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:99:LEU:HD11	14	0.04
(1,252)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:99:LEU:HD12	14	0.04
(1,252)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:99:LEU:HD13	14	0.04
(1,250)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:25:THR:H	2	0.04
(1,250)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:25:THR:H	2	0.04
(1,250)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:25:THR:H	2	0.04
(1,25)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:123:PHE:H	2	0.04
(1,25)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:123:PHE:H	2	0.04
(1,25)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:123:PHE:H	2	0.04
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD11	19	0.04
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD12	19	0.04
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD13	19	0.04
(1,24)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:134:TYR:H	16	0.04
(1,24)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:134:TYR:H	16	0.04
(1,24)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:134:TYR:H	16	0.04
(1,226)	1:A:92:SER:H	1:A:99:LEU:HD21	12	0.04
(1,226)	1:A:92:SER:H	1:A:99:LEU:HD22	12	0.04
(1,226)	1:A:92:SER:H	1:A:99:LEU:HD23	12	0.04
(1,221)	1:A:71:ILE:HD11	1:A:140:LEU:HD11	6	0.04
(1,221)	1:A:71:ILE:HD11	1:A:140:LEU:HD12	6	0.04
(1,221)	1:A:71:ILE:HD11	1:A:140:LEU:HD13	6	0.04
(1,221)	1:A:71:ILE:HD12	1:A:140:LEU:HD11	6	0.04
(1,221)	1:A:71:ILE:HD12	1:A:140:LEU:HD12	6	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,221)	1:A:71:ILE:HD12	1:A:140:LEU:HD13	6	0.04
(1,221)	1:A:71:ILE:HD13	1:A:140:LEU:HD11	6	0.04
(1,221)	1:A:71:ILE:HD13	1:A:140:LEU:HD12	6	0.04
(1,221)	1:A:71:ILE:HD13	1:A:140:LEU:HD13	6	0.04
(1,214)	1:A:16:GLN:HE22	1:A:45:ILE:HD11	6	0.04
(1,214)	1:A:16:GLN:HE22	1:A:45:ILE:HD12	6	0.04
(1,214)	1:A:16:GLN:HE22	1:A:45:ILE:HD13	6	0.04
(1,212)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:129:LEU:HD11	8	0.04
(1,212)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:129:LEU:HD12	8	0.04
(1,212)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:129:LEU:HD13	8	0.04
(1,212)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:129:LEU:HD11	8	0.04
(1,212)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:129:LEU:HD12	8	0.04
(1,212)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:129:LEU:HD13	8	0.04
(1,212)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:129:LEU:HD11	8	0.04
(1,212)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:129:LEU:HD12	8	0.04
(1,212)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:129:LEU:HD13	8	0.04
(1,211)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:138:LEU:HD11	10	0.04
(1,211)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:138:LEU:HD12	10	0.04
(1,211)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:138:LEU:HD13	10	0.04
(1,211)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:138:LEU:HD11	10	0.04
(1,211)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:138:LEU:HD12	10	0.04
(1,211)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:138:LEU:HD13	10	0.04
(1,211)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:138:LEU:HD11	10	0.04
(1,211)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:138:LEU:HD12	10	0.04
(1,211)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:138:LEU:HD13	10	0.04
(1,21)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD11	6	0.04
(1,21)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD12	6	0.04
(1,21)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD13	6	0.04
(1,21)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD11	18	0.04
(1,21)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD12	18	0.04
(1,21)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD13	18	0.04
(1,207)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:124:VAL:HG11	2	0.04
(1,207)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:124:VAL:HG12	2	0.04
(1,207)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:124:VAL:HG13	2	0.04
(1,207)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:124:VAL:HG11	2	0.04
(1,207)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:124:VAL:HG12	2	0.04
(1,207)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:124:VAL:HG13	2	0.04
(1,207)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:124:VAL:HG11	2	0.04
(1,207)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:124:VAL:HG12	2	0.04
(1,207)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:124:VAL:HG13	2	0.04
(1,206)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:HG11	11	0.04
(1,206)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:HG12	11	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,206)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:HG13	11	0.04
(1,206)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:HG11	11	0.04
(1,206)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:HG12	11	0.04
(1,206)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:HG13	11	0.04
(1,206)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:HG11	11	0.04
(1,206)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:HG12	11	0.04
(1,206)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:HG13	11	0.04
(1,201)	1:A:88:THR:H	1:A:102:VAL:HG11	4	0.04
(1,201)	1:A:88:THR:H	1:A:102:VAL:HG12	4	0.04
(1,201)	1:A:88:THR:H	1:A:102:VAL:HG13	4	0.04
(1,201)	1:A:88:THR:H	1:A:102:VAL:HG11	9	0.04
(1,201)	1:A:88:THR:H	1:A:102:VAL:HG12	9	0.04
(1,201)	1:A:88:THR:H	1:A:102:VAL:HG13	9	0.04
(1,195)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:124:VAL:HG21	5	0.04
(1,195)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:124:VAL:HG22	5	0.04
(1,195)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:124:VAL:HG23	5	0.04
(1,195)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:124:VAL:HG21	5	0.04
(1,195)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:124:VAL:HG22	5	0.04
(1,195)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:124:VAL:HG23	5	0.04
(1,195)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:124:VAL:HG21	5	0.04
(1,195)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:124:VAL:HG22	5	0.04
(1,195)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:124:VAL:HG23	5	0.04
(1,189)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:HG21	17	0.04
(1,189)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:HG22	17	0.04
(1,189)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:HG23	17	0.04
(1,189)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:HG21	17	0.04
(1,189)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:HG22	17	0.04
(1,189)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:HG23	17	0.04
(1,189)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:HG21	17	0.04
(1,189)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:HG22	17	0.04
(1,189)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:HG23	17	0.04
(1,187)	1:A:42:TYR:H	1:A:124:VAL:HG21	9	0.04
(1,187)	1:A:42:TYR:H	1:A:124:VAL:HG22	9	0.04
(1,187)	1:A:42:TYR:H	1:A:124:VAL:HG23	9	0.04
(1,186)	1:A:43:VAL:H	1:A:124:VAL:HG21	20	0.04
(1,186)	1:A:43:VAL:H	1:A:124:VAL:HG22	20	0.04
(1,186)	1:A:43:VAL:H	1:A:124:VAL:HG23	20	0.04
(1,184)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:112:LEU:HD11	10	0.04
(1,184)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:112:LEU:HD12	10	0.04
(1,184)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:112:LEU:HD13	10	0.04
(1,184)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:112:LEU:HD11	10	0.04
(1,184)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:112:LEU:HD12	10	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,184)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:112:LEU:HD13	10	0.04
(1,184)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:112:LEU:HD11	10	0.04
(1,184)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:112:LEU:HD12	10	0.04
(1,184)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:112:LEU:HD13	10	0.04
(1,184)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:112:LEU:HD11	13	0.04
(1,184)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:112:LEU:HD12	13	0.04
(1,184)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:112:LEU:HD13	13	0.04
(1,184)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:112:LEU:HD11	13	0.04
(1,184)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:112:LEU:HD12	13	0.04
(1,184)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:112:LEU:HD13	13	0.04
(1,184)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:112:LEU:HD11	13	0.04
(1,184)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:112:LEU:HD12	13	0.04
(1,184)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:112:LEU:HD13	13	0.04
(1,180)	1:A:90:VAL:HG21	1:A:91:ARG:H	6	0.04
(1,180)	1:A:90:VAL:HG22	1:A:91:ARG:H	6	0.04
(1,180)	1:A:90:VAL:HG23	1:A:91:ARG:H	6	0.04
(1,176)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:45:ILE:HD11	4	0.04
(1,176)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:45:ILE:HD12	4	0.04
(1,176)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:45:ILE:HD13	4	0.04
(1,176)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:45:ILE:HD11	4	0.04
(1,176)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:45:ILE:HD12	4	0.04
(1,176)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:45:ILE:HD13	4	0.04
(1,176)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:45:ILE:HD11	4	0.04
(1,176)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:45:ILE:HD12	4	0.04
(1,176)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:45:ILE:HD13	4	0.04
(1,172)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:20:THR:H	9	0.04
(1,172)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:20:THR:H	9	0.04
(1,172)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:20:THR:H	9	0.04
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG11	4	0.04
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG12	4	0.04
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG13	4	0.04
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG11	12	0.04
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG12	12	0.04
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG13	12	0.04
(1,163)	1:A:15:MET:H	1:A:17:TYR:H	20	0.04
(1,158)	1:A:77:GLU:H	1:A:78:LYS:H	13	0.04
(1,15)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG11	14	0.04
(1,15)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG12	14	0.04
(1,15)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG13	14	0.04
(1,148)	1:A:44:ASP:H	1:A:122:ARG:H	8	0.04
(1,148)	1:A:44:ASP:H	1:A:122:ARG:H	17	0.04
(1,146)	1:A:130:LYS:H	1:A:132:GLU:H	7	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,146)	1:A:130:LYS:H	1:A:132:GLU:H	8	0.04
(1,146)	1:A:130:LYS:H	1:A:132:GLU:H	18	0.04
(1,145)	1:A:128:LYS:H	1:A:130:LYS:H	4	0.04
(1,131)	1:A:17:TYR:H	1:A:19:VAL:H	5	0.04
(1,131)	1:A:17:TYR:H	1:A:19:VAL:H	7	0.04
(1,131)	1:A:17:TYR:H	1:A:19:VAL:H	19	0.04
(1,110)	1:A:95:ALA:H	1:A:96:ASP:H	13	0.04
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD21	4	0.04
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD22	4	0.04
(1,11)	1:A:128:LYS:H	1:A:129:LEU:HD23	4	0.04
(1,104)	1:A:73:GLU:H	1:A:75:VAL:H	12	0.04
(1,9)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:138:LEU:H	14	0.03
(1,9)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:138:LEU:H	14	0.03
(1,9)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:138:LEU:H	14	0.03
(1,87)	1:A:31:ASN:H	1:A:34:TRP:HE1	19	0.03
(1,83)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:H	3	0.03
(1,81)	1:A:47:SER:H	1:A:48:GLY:H	19	0.03
(1,78)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:H	4	0.03
(1,7)	1:A:41:LEU:H	1:A:41:LEU:HD11	12	0.03
(1,7)	1:A:41:LEU:H	1:A:41:LEU:HD12	12	0.03
(1,7)	1:A:41:LEU:H	1:A:41:LEU:HD13	12	0.03
(1,67)	1:A:117:ASN:H	1:A:117:ASN:HD22	12	0.03
(1,65)	1:A:118:SER:HG	1:A:119:ALA:H	11	0.03
(1,65)	1:A:118:SER:HG	1:A:119:ALA:H	15	0.03
(1,64)	1:A:47:SER:HG	1:A:49:LYS:H	12	0.03
(1,63)	1:A:54:SER:HG	1:A:57:LYS:H	9	0.03
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD11	17	0.03
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD12	17	0.03
(1,623)	1:A:17:TYR:H	1:A:12:LEU:HD13	17	0.03
(1,622)	1:A:13:ASN:HD22	1:A:12:LEU:HD11	9	0.03
(1,622)	1:A:13:ASN:HD22	1:A:12:LEU:HD12	9	0.03
(1,622)	1:A:13:ASN:HD22	1:A:12:LEU:HD13	9	0.03
(1,617)	1:A:116:ILE:HD11	1:A:99:LEU:HD11	3	0.03
(1,617)	1:A:116:ILE:HD11	1:A:99:LEU:HD12	3	0.03
(1,617)	1:A:116:ILE:HD11	1:A:99:LEU:HD13	3	0.03
(1,617)	1:A:116:ILE:HD12	1:A:99:LEU:HD11	3	0.03
(1,617)	1:A:116:ILE:HD12	1:A:99:LEU:HD12	3	0.03
(1,617)	1:A:116:ILE:HD12	1:A:99:LEU:HD13	3	0.03
(1,617)	1:A:116:ILE:HD13	1:A:99:LEU:HD11	3	0.03
(1,617)	1:A:116:ILE:HD13	1:A:99:LEU:HD12	3	0.03
(1,617)	1:A:116:ILE:HD13	1:A:99:LEU:HD13	3	0.03
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD21	19	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD22	19	0.03
(1,616)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:99:LEU:HD23	19	0.03
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD21	19	0.03
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD22	19	0.03
(1,616)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:99:LEU:HD23	19	0.03
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD21	19	0.03
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD22	19	0.03
(1,616)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:99:LEU:HD23	19	0.03
(1,610)	1:A:115:CYS:H	1:A:101:HIS:H	14	0.03
(1,610)	1:A:115:CYS:H	1:A:101:HIS:H	18	0.03
(1,609)	1:A:102:VAL:H	1:A:88:THR:H	11	0.03
(1,59)	1:A:132:GLU:H	1:A:138:LEU:HD11	4	0.03
(1,59)	1:A:132:GLU:H	1:A:138:LEU:HD12	4	0.03
(1,59)	1:A:132:GLU:H	1:A:138:LEU:HD13	4	0.03
(1,59)	1:A:132:GLU:H	1:A:138:LEU:HD11	9	0.03
(1,59)	1:A:132:GLU:H	1:A:138:LEU:HD12	9	0.03
(1,59)	1:A:132:GLU:H	1:A:138:LEU:HD13	9	0.03
(1,577)	1:A:111:GLY:H	1:A:112:LEU:HD21	10	0.03
(1,577)	1:A:111:GLY:H	1:A:112:LEU:HD22	10	0.03
(1,577)	1:A:111:GLY:H	1:A:112:LEU:HD23	10	0.03
(1,571)	1:A:140:LEU:HD11	1:A:141:PHE:H	14	0.03
(1,571)	1:A:140:LEU:HD12	1:A:141:PHE:H	14	0.03
(1,571)	1:A:140:LEU:HD13	1:A:141:PHE:H	14	0.03
(1,57)	1:A:112:LEU:HD11	1:A:113:ARG:H	5	0.03
(1,57)	1:A:112:LEU:HD12	1:A:113:ARG:H	5	0.03
(1,57)	1:A:112:LEU:HD13	1:A:113:ARG:H	5	0.03
(1,57)	1:A:112:LEU:HD11	1:A:113:ARG:H	11	0.03
(1,57)	1:A:112:LEU:HD12	1:A:113:ARG:H	11	0.03
(1,57)	1:A:112:LEU:HD13	1:A:113:ARG:H	11	0.03
(1,57)	1:A:112:LEU:HD11	1:A:113:ARG:H	16	0.03
(1,57)	1:A:112:LEU:HD12	1:A:113:ARG:H	16	0.03
(1,57)	1:A:112:LEU:HD13	1:A:113:ARG:H	16	0.03
(1,564)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:137:TYR:H	2	0.03
(1,564)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:137:TYR:H	2	0.03
(1,564)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:137:TYR:H	2	0.03
(1,564)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:137:TYR:H	5	0.03
(1,564)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:137:TYR:H	5	0.03
(1,564)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:137:TYR:H	5	0.03
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD21	11	0.03
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD22	11	0.03
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD23	11	0.03
(1,561)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:134:TYR:H	7	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,561)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:134:TYR:H	7	0.03
(1,561)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:134:TYR:H	7	0.03
(1,561)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:134:TYR:H	20	0.03
(1,561)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:134:TYR:H	20	0.03
(1,561)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:134:TYR:H	20	0.03
(1,56)	1:A:110:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD11	13	0.03
(1,56)	1:A:110:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD12	13	0.03
(1,56)	1:A:110:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD13	13	0.03
(1,557)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:131:GLU:H	15	0.03
(1,557)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:131:GLU:H	15	0.03
(1,557)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:131:GLU:H	15	0.03
(1,552)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD21	12	0.03
(1,552)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD22	12	0.03
(1,552)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD23	12	0.03
(1,548)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD11	11	0.03
(1,548)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD12	11	0.03
(1,548)	1:A:130:LYS:H	1:A:138:LEU:HD13	11	0.03
(1,547)	1:A:45:ILE:HD11	1:A:121:LEU:H	2	0.03
(1,547)	1:A:45:ILE:HD12	1:A:121:LEU:H	2	0.03
(1,547)	1:A:45:ILE:HD13	1:A:121:LEU:H	2	0.03
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD21	17	0.03
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD22	17	0.03
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD23	17	0.03
(1,536)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:102:VAL:H	6	0.03
(1,536)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:102:VAL:H	6	0.03
(1,536)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:102:VAL:H	6	0.03
(1,536)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:102:VAL:H	11	0.03
(1,536)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:102:VAL:H	11	0.03
(1,536)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:102:VAL:H	11	0.03
(1,526)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:98:HIS:H	12	0.03
(1,526)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:98:HIS:H	12	0.03
(1,526)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:98:HIS:H	12	0.03
(1,520)	1:A:90:VAL:H	1:A:90:VAL:HG11	2	0.03
(1,520)	1:A:90:VAL:H	1:A:90:VAL:HG12	2	0.03
(1,520)	1:A:90:VAL:H	1:A:90:VAL:HG13	2	0.03
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD11	16	0.03
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD12	16	0.03
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD13	16	0.03
(1,517)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:HG21	16	0.03
(1,517)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:HG22	16	0.03
(1,517)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:HG23	16	0.03
(1,512)	1:A:79:LEU:HD21	1:A:87:ARG:H	20	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,512)	1:A:79:LEU:HD22	1:A:87:ARG:H	20	0.03
(1,512)	1:A:79:LEU:HD23	1:A:87:ARG:H	20	0.03
(1,511)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:122:ARG:H	13	0.03
(1,511)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:122:ARG:H	13	0.03
(1,511)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:122:ARG:H	13	0.03
(1,508)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG21	6	0.03
(1,508)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG22	6	0.03
(1,508)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG23	6	0.03
(1,507)	1:A:75:VAL:HG11	1:A:77:GLU:H	5	0.03
(1,507)	1:A:75:VAL:HG12	1:A:77:GLU:H	5	0.03
(1,507)	1:A:75:VAL:HG13	1:A:77:GLU:H	5	0.03
(1,505)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:76:GLU:H	2	0.03
(1,505)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:76:GLU:H	2	0.03
(1,505)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:76:GLU:H	2	0.03
(1,505)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:76:GLU:H	12	0.03
(1,505)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:76:GLU:H	12	0.03
(1,505)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:76:GLU:H	12	0.03
(1,500)	1:A:73:GLU:H	1:A:75:VAL:HG21	5	0.03
(1,500)	1:A:73:GLU:H	1:A:75:VAL:HG22	5	0.03
(1,500)	1:A:73:GLU:H	1:A:75:VAL:HG23	5	0.03
(1,50)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:64:TRP:HE1	5	0.03
(1,50)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:64:TRP:HE1	5	0.03
(1,50)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:64:TRP:HE1	5	0.03
(1,497)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:H	6	0.03
(1,497)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:H	6	0.03
(1,497)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:H	6	0.03
(1,497)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:H	12	0.03
(1,497)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:H	12	0.03
(1,497)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:H	12	0.03
(1,493)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:52:PHE:H	19	0.03
(1,493)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:52:PHE:H	19	0.03
(1,493)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:52:PHE:H	19	0.03
(1,491)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:52:PHE:H	7	0.03
(1,491)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:52:PHE:H	7	0.03
(1,491)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:52:PHE:H	7	0.03
(1,489)	1:A:51:LEU:H	1:A:71:ILE:HD11	10	0.03
(1,489)	1:A:51:LEU:H	1:A:71:ILE:HD12	10	0.03
(1,489)	1:A:51:LEU:H	1:A:71:ILE:HD13	10	0.03
(1,488)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:51:LEU:H	5	0.03
(1,488)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:51:LEU:H	5	0.03
(1,488)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:51:LEU:H	5	0.03
(1,475)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:44:ASP:H	2	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,475)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:44:ASP:H	2	0.03
(1,475)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:44:ASP:H	2	0.03
(1,468)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:23:ASN:H	2	0.03
(1,468)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:23:ASN:H	2	0.03
(1,468)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:23:ASN:H	2	0.03
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG11	9	0.03
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG12	9	0.03
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG13	9	0.03
(1,464)	1:A:16:GLN:H	1:A:46:VAL:HG11	11	0.03
(1,464)	1:A:16:GLN:H	1:A:46:VAL:HG12	11	0.03
(1,464)	1:A:16:GLN:H	1:A:46:VAL:HG13	11	0.03
(1,463)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:16:GLN:H	20	0.03
(1,463)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:16:GLN:H	20	0.03
(1,463)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:16:GLN:H	20	0.03
(1,462)	1:A:45:ILE:HD11	1:A:46:VAL:H	15	0.03
(1,462)	1:A:45:ILE:HD12	1:A:46:VAL:H	15	0.03
(1,462)	1:A:45:ILE:HD13	1:A:46:VAL:H	15	0.03
(1,462)	1:A:45:ILE:HD11	1:A:46:VAL:H	18	0.03
(1,462)	1:A:45:ILE:HD12	1:A:46:VAL:H	18	0.03
(1,462)	1:A:45:ILE:HD13	1:A:46:VAL:H	18	0.03
(1,458)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:10:LYS:H	8	0.03
(1,458)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:10:LYS:H	8	0.03
(1,458)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:10:LYS:H	8	0.03
(1,456)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:HD21	2	0.03
(1,456)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:HD22	2	0.03
(1,456)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:HD23	2	0.03
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG21	17	0.03
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG22	17	0.03
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG23	17	0.03
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD11	15	0.03
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD12	15	0.03
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD13	15	0.03
(1,437)	1:A:46:VAL:HG11	1:A:48:GLY:H	14	0.03
(1,437)	1:A:46:VAL:HG12	1:A:48:GLY:H	14	0.03
(1,437)	1:A:46:VAL:HG13	1:A:48:GLY:H	14	0.03
(1,437)	1:A:46:VAL:HG11	1:A:48:GLY:H	15	0.03
(1,437)	1:A:46:VAL:HG12	1:A:48:GLY:H	15	0.03
(1,437)	1:A:46:VAL:HG13	1:A:48:GLY:H	15	0.03
(1,431)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:103:PHE:H	5	0.03
(1,431)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:103:PHE:H	5	0.03
(1,431)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:103:PHE:H	5	0.03
(1,430)	1:A:46:VAL:HG11	1:A:47:SER:H	4	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,430)	1:A:46:VAL:HG12	1:A:47:SER:H	4	0.03
(1,430)	1:A:46:VAL:HG13	1:A:47:SER:H	4	0.03
(1,430)	1:A:46:VAL:HG11	1:A:47:SER:H	20	0.03
(1,430)	1:A:46:VAL:HG12	1:A:47:SER:H	20	0.03
(1,430)	1:A:46:VAL:HG13	1:A:47:SER:H	20	0.03
(1,428)	1:A:79:LEU:HD21	1:A:80:ASP:H	4	0.03
(1,428)	1:A:79:LEU:HD22	1:A:80:ASP:H	4	0.03
(1,428)	1:A:79:LEU:HD23	1:A:80:ASP:H	4	0.03
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD21	14	0.03
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD22	14	0.03
(1,419)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD23	14	0.03
(1,414)	1:A:12:LEU:H	1:A:12:LEU:HD21	9	0.03
(1,414)	1:A:12:LEU:H	1:A:12:LEU:HD22	9	0.03
(1,414)	1:A:12:LEU:H	1:A:12:LEU:HD23	9	0.03
(1,407)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:46:VAL:HG21	15	0.03
(1,407)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:46:VAL:HG22	15	0.03
(1,407)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:46:VAL:HG23	15	0.03
(1,407)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:46:VAL:HG21	15	0.03
(1,407)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:46:VAL:HG22	15	0.03
(1,407)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:46:VAL:HG23	15	0.03
(1,407)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:46:VAL:HG21	15	0.03
(1,407)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:46:VAL:HG22	15	0.03
(1,407)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:46:VAL:HG23	15	0.03
(1,4)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:H	2	0.03
(1,4)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:H	2	0.03
(1,4)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:H	2	0.03
(1,39)	1:A:140:LEU:H	1:A:140:LEU:HD11	3	0.03
(1,39)	1:A:140:LEU:H	1:A:140:LEU:HD12	3	0.03
(1,39)	1:A:140:LEU:H	1:A:140:LEU:HD13	3	0.03
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG21	3	0.03
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG22	3	0.03
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG23	3	0.03
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG21	3	0.03
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG22	3	0.03
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG23	3	0.03
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG21	3	0.03
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG22	3	0.03
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG23	3	0.03
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG21	20	0.03
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG22	20	0.03
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG23	20	0.03
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG21	20	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG22	20	0.03
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG23	20	0.03
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG21	20	0.03
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG22	20	0.03
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG23	20	0.03
(1,384)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:99:LEU:HD21	6	0.03
(1,384)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:99:LEU:HD22	6	0.03
(1,384)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:99:LEU:HD23	6	0.03
(1,384)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:99:LEU:HD21	6	0.03
(1,384)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:99:LEU:HD22	6	0.03
(1,384)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:99:LEU:HD23	6	0.03
(1,384)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:99:LEU:HD21	6	0.03
(1,384)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:99:LEU:HD22	6	0.03
(1,384)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:99:LEU:HD23	6	0.03
(1,384)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:99:LEU:HD21	9	0.03
(1,384)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:99:LEU:HD22	9	0.03
(1,384)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:99:LEU:HD23	9	0.03
(1,384)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:99:LEU:HD21	9	0.03
(1,384)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:99:LEU:HD22	9	0.03
(1,384)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:99:LEU:HD23	9	0.03
(1,384)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:99:LEU:HD21	9	0.03
(1,384)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:99:LEU:HD22	9	0.03
(1,384)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:99:LEU:HD23	9	0.03
(1,381)	1:A:140:LEU:H	1:A:142:ASN:H	11	0.03
(1,38)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:13:ASN:HD22	12	0.03
(1,38)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:13:ASN:HD22	12	0.03
(1,38)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:13:ASN:HD22	12	0.03
(1,38)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:13:ASN:HD22	17	0.03
(1,38)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:13:ASN:HD22	17	0.03
(1,38)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:13:ASN:HD22	17	0.03
(1,379)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:H	2	0.03
(1,379)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:H	5	0.03
(1,379)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:H	17	0.03
(1,375)	1:A:131:GLU:H	1:A:133:GLY:H	6	0.03
(1,370)	1:A:129:LEU:H	1:A:130:LYS:H	9	0.03
(1,368)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:H	6	0.03
(1,368)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:H	16	0.03
(1,366)	1:A:41:LEU:H	1:A:126:LYS:H	8	0.03
(1,361)	1:A:45:ILE:H	1:A:122:ARG:H	8	0.03
(1,357)	1:A:119:ALA:H	1:A:121:LEU:H	13	0.03
(1,357)	1:A:119:ALA:H	1:A:121:LEU:H	19	0.03
(1,331)	1:A:80:ASP:H	1:A:88:THR:H	1	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,331)	1:A:80:ASP:H	1:A:88:THR:H	10	0.03
(1,330)	1:A:80:ASP:H	1:A:87:ARG:H	18	0.03
(1,318)	1:A:44:ASP:H	1:A:48:GLY:H	16	0.03
(1,312)	1:A:41:LEU:H	1:A:124:VAL:H	3	0.03
(1,308)	1:A:30:GLN:H	1:A:34:TRP:HE1	3	0.03
(1,307)	1:A:32:GLU:H	1:A:34:TRP:H	6	0.03
(1,30)	1:A:106:GLY:H	1:A:112:LEU:HD21	20	0.03
(1,30)	1:A:106:GLY:H	1:A:112:LEU:HD22	20	0.03
(1,30)	1:A:106:GLY:H	1:A:112:LEU:HD23	20	0.03
(1,29)	1:A:78:LYS:H	1:A:90:VAL:HG21	15	0.03
(1,29)	1:A:78:LYS:H	1:A:90:VAL:HG22	15	0.03
(1,29)	1:A:78:LYS:H	1:A:90:VAL:HG23	15	0.03
(1,29)	1:A:78:LYS:H	1:A:90:VAL:HG21	20	0.03
(1,29)	1:A:78:LYS:H	1:A:90:VAL:HG22	20	0.03
(1,29)	1:A:78:LYS:H	1:A:90:VAL:HG23	20	0.03
(1,285)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:H	2	0.03
(1,283)	1:A:131:GLU:H	1:A:134:TYR:H	10	0.03
(1,269)	1:A:22:ASN:HD22	1:A:24:GLY:H	4	0.03
(1,267)	1:A:21:GLN:H	1:A:24:GLY:H	6	0.03
(1,267)	1:A:21:GLN:H	1:A:24:GLY:H	20	0.03
(1,258)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:116:ILE:HD11	3	0.03
(1,258)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:116:ILE:HD12	3	0.03
(1,258)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:116:ILE:HD13	3	0.03
(1,258)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:116:ILE:HD11	3	0.03
(1,258)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:116:ILE:HD12	3	0.03
(1,258)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:116:ILE:HD13	3	0.03
(1,258)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:116:ILE:HD11	3	0.03
(1,258)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:116:ILE:HD12	3	0.03
(1,258)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:116:ILE:HD13	3	0.03
(1,257)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:75:VAL:HG21	9	0.03
(1,257)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:75:VAL:HG22	9	0.03
(1,257)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:75:VAL:HG23	9	0.03
(1,257)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:75:VAL:HG21	9	0.03
(1,257)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:75:VAL:HG22	9	0.03
(1,257)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:75:VAL:HG23	9	0.03
(1,257)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:75:VAL:HG21	9	0.03
(1,257)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:75:VAL:HG22	9	0.03
(1,257)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:75:VAL:HG23	9	0.03
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD11	12	0.03
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD12	12	0.03
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD13	12	0.03
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD11	12	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD12	12	0.03
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD13	12	0.03
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD11	12	0.03
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD12	12	0.03
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD13	12	0.03
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD11	14	0.03
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD12	14	0.03
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD13	14	0.03
(1,244)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:130:LYS:H	14	0.03
(1,244)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:130:LYS:H	14	0.03
(1,244)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:130:LYS:H	14	0.03
(1,236)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:140:LEU:HD11	10	0.03
(1,236)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:140:LEU:HD12	10	0.03
(1,236)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:140:LEU:HD13	10	0.03
(1,236)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:140:LEU:HD11	10	0.03
(1,236)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:140:LEU:HD12	10	0.03
(1,236)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:140:LEU:HD13	10	0.03
(1,236)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:140:LEU:HD11	10	0.03
(1,236)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:140:LEU:HD12	10	0.03
(1,236)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:140:LEU:HD13	10	0.03
(1,236)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:140:LEU:HD11	15	0.03
(1,236)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:140:LEU:HD12	15	0.03
(1,236)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:140:LEU:HD13	15	0.03
(1,236)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:140:LEU:HD11	15	0.03
(1,236)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:140:LEU:HD12	15	0.03
(1,236)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:140:LEU:HD13	15	0.03
(1,236)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:140:LEU:HD11	15	0.03
(1,236)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:140:LEU:HD12	15	0.03
(1,236)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:140:LEU:HD13	15	0.03
(1,235)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:13:ASN:HD21	8	0.03
(1,235)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:13:ASN:HD21	8	0.03
(1,235)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:13:ASN:HD21	8	0.03
(1,235)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:13:ASN:HD21	14	0.03
(1,235)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:13:ASN:HD21	14	0.03
(1,235)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:13:ASN:HD21	14	0.03
(1,225)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:71:ILE:HD11	4	0.03
(1,225)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:71:ILE:HD12	4	0.03
(1,225)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:71:ILE:HD13	4	0.03
(1,225)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:71:ILE:HD11	4	0.03
(1,225)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:71:ILE:HD12	4	0.03
(1,225)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:71:ILE:HD13	4	0.03
(1,225)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:71:ILE:HD11	4	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,225)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:71:ILE:HD12	4	0.03
(1,225)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:71:ILE:HD13	4	0.03
(1,221)	1:A:71:ILE:HD11	1:A:140:LEU:HD11	19	0.03
(1,221)	1:A:71:ILE:HD11	1:A:140:LEU:HD12	19	0.03
(1,221)	1:A:71:ILE:HD11	1:A:140:LEU:HD13	19	0.03
(1,221)	1:A:71:ILE:HD12	1:A:140:LEU:HD11	19	0.03
(1,221)	1:A:71:ILE:HD12	1:A:140:LEU:HD12	19	0.03
(1,221)	1:A:71:ILE:HD12	1:A:140:LEU:HD13	19	0.03
(1,221)	1:A:71:ILE:HD13	1:A:140:LEU:HD11	19	0.03
(1,221)	1:A:71:ILE:HD13	1:A:140:LEU:HD12	19	0.03
(1,221)	1:A:71:ILE:HD13	1:A:140:LEU:HD13	19	0.03
(1,220)	1:A:42:TYR:H	1:A:71:ILE:HD11	10	0.03
(1,220)	1:A:42:TYR:H	1:A:71:ILE:HD12	10	0.03
(1,220)	1:A:42:TYR:H	1:A:71:ILE:HD13	10	0.03
(1,219)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:74:GLU:H	2	0.03
(1,219)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:74:GLU:H	2	0.03
(1,219)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:74:GLU:H	2	0.03
(1,215)	1:A:16:GLN:HE21	1:A:45:ILE:HD11	1	0.03
(1,215)	1:A:16:GLN:HE21	1:A:45:ILE:HD12	1	0.03
(1,215)	1:A:16:GLN:HE21	1:A:45:ILE:HD13	1	0.03
(1,213)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:43:VAL:HG11	14	0.03
(1,213)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:43:VAL:HG12	14	0.03
(1,213)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:43:VAL:HG13	14	0.03
(1,213)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:43:VAL:HG11	14	0.03
(1,213)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:43:VAL:HG12	14	0.03
(1,213)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:43:VAL:HG13	14	0.03
(1,213)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:43:VAL:HG11	14	0.03
(1,213)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:43:VAL:HG12	14	0.03
(1,213)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:43:VAL:HG13	14	0.03
(1,212)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:129:LEU:HD11	4	0.03
(1,212)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:129:LEU:HD12	4	0.03
(1,212)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:129:LEU:HD13	4	0.03
(1,212)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:129:LEU:HD11	4	0.03
(1,212)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:129:LEU:HD12	4	0.03
(1,212)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:129:LEU:HD13	4	0.03
(1,212)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:129:LEU:HD11	4	0.03
(1,212)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:129:LEU:HD12	4	0.03
(1,212)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:129:LEU:HD13	4	0.03
(1,211)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:138:LEU:HD11	12	0.03
(1,211)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:138:LEU:HD12	12	0.03
(1,211)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:138:LEU:HD13	12	0.03
(1,211)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:138:LEU:HD11	12	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,211)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:138:LEU:HD12	12	0.03
(1,211)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:138:LEU:HD13	12	0.03
(1,211)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:138:LEU:HD11	12	0.03
(1,211)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:138:LEU:HD12	12	0.03
(1,211)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:138:LEU:HD13	12	0.03
(1,21)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD11	4	0.03
(1,21)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD12	4	0.03
(1,21)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD13	4	0.03
(1,21)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD11	10	0.03
(1,21)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD12	10	0.03
(1,21)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD13	10	0.03
(1,207)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:124:VAL:HG11	8	0.03
(1,207)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:124:VAL:HG12	8	0.03
(1,207)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:124:VAL:HG13	8	0.03
(1,207)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:124:VAL:HG11	8	0.03
(1,207)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:124:VAL:HG12	8	0.03
(1,207)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:124:VAL:HG13	8	0.03
(1,207)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:124:VAL:HG11	8	0.03
(1,207)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:124:VAL:HG12	8	0.03
(1,207)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:124:VAL:HG13	8	0.03
(1,207)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:124:VAL:HG11	20	0.03
(1,207)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:124:VAL:HG12	20	0.03
(1,207)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:124:VAL:HG13	20	0.03
(1,207)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:124:VAL:HG11	20	0.03
(1,207)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:124:VAL:HG12	20	0.03
(1,207)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:124:VAL:HG13	20	0.03
(1,207)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:124:VAL:HG11	20	0.03
(1,207)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:124:VAL:HG12	20	0.03
(1,207)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:124:VAL:HG13	20	0.03
(1,201)	1:A:88:THR:H	1:A:102:VAL:HG11	7	0.03
(1,201)	1:A:88:THR:H	1:A:102:VAL:HG12	7	0.03
(1,201)	1:A:88:THR:H	1:A:102:VAL:HG13	7	0.03
(1,194)	1:A:42:TYR:H	1:A:43:VAL:HG11	7	0.03
(1,194)	1:A:42:TYR:H	1:A:43:VAL:HG12	7	0.03
(1,194)	1:A:42:TYR:H	1:A:43:VAL:HG13	7	0.03
(1,192)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:117:ASN:H	11	0.03
(1,192)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:117:ASN:H	11	0.03
(1,192)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:117:ASN:H	11	0.03
(1,192)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:117:ASN:H	12	0.03
(1,192)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:117:ASN:H	12	0.03
(1,192)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:117:ASN:H	12	0.03
(1,19)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:127:HIS:H	2	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,19)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:127:HIS:H	2	0.03
(1,19)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:127:HIS:H	2	0.03
(1,184)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:112:LEU:HD11	3	0.03
(1,184)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:112:LEU:HD12	3	0.03
(1,184)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:112:LEU:HD13	3	0.03
(1,184)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:112:LEU:HD11	3	0.03
(1,184)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:112:LEU:HD12	3	0.03
(1,184)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:112:LEU:HD13	3	0.03
(1,184)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:112:LEU:HD11	3	0.03
(1,184)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:112:LEU:HD12	3	0.03
(1,184)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:112:LEU:HD13	3	0.03
(1,184)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:112:LEU:HD11	5	0.03
(1,184)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:112:LEU:HD12	5	0.03
(1,184)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:112:LEU:HD13	5	0.03
(1,184)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:112:LEU:HD11	5	0.03
(1,184)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:112:LEU:HD12	5	0.03
(1,184)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:112:LEU:HD13	5	0.03
(1,184)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:112:LEU:HD11	5	0.03
(1,184)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:112:LEU:HD12	5	0.03
(1,184)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:112:LEU:HD13	5	0.03
(1,180)	1:A:90:VAL:HG21	1:A:91:ARG:H	17	0.03
(1,180)	1:A:90:VAL:HG22	1:A:91:ARG:H	17	0.03
(1,180)	1:A:90:VAL:HG23	1:A:91:ARG:H	17	0.03
(1,18)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:128:LYS:H	2	0.03
(1,18)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:128:LYS:H	2	0.03
(1,18)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:128:LYS:H	2	0.03
(1,177)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:43:VAL:HG21	6	0.03
(1,177)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:43:VAL:HG22	6	0.03
(1,177)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:43:VAL:HG23	6	0.03
(1,177)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:43:VAL:HG21	6	0.03
(1,177)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:43:VAL:HG22	6	0.03
(1,177)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:43:VAL:HG23	6	0.03
(1,177)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:43:VAL:HG21	6	0.03
(1,177)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:43:VAL:HG22	6	0.03
(1,177)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:43:VAL:HG23	6	0.03
(1,172)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:20:THR:H	11	0.03
(1,172)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:20:THR:H	11	0.03
(1,172)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:20:THR:H	11	0.03
(1,172)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:20:THR:H	14	0.03
(1,172)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:20:THR:H	14	0.03
(1,172)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:20:THR:H	14	0.03
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG11	13	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG12	13	0.03
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG13	13	0.03
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD21	11	0.03
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD22	11	0.03
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD23	11	0.03
(1,163)	1:A:15:MET:H	1:A:17:TYR:H	4	0.03
(1,161)	1:A:133:GLY:H	1:A:135:GLU:H	1	0.03
(1,161)	1:A:133:GLY:H	1:A:135:GLU:H	16	0.03
(1,160)	1:A:54:SER:H	1:A:56:ASP:H	14	0.03
(1,16)	1:A:102:VAL:H	1:A:102:VAL:HG11	12	0.03
(1,16)	1:A:102:VAL:H	1:A:102:VAL:HG12	12	0.03
(1,16)	1:A:102:VAL:H	1:A:102:VAL:HG13	12	0.03
(1,158)	1:A:77:GLU:H	1:A:78:LYS:H	15	0.03
(1,150)	1:A:81:THR:H	1:A:82:SER:H	4	0.03
(1,148)	1:A:44:ASP:H	1:A:122:ARG:H	7	0.03
(1,148)	1:A:44:ASP:H	1:A:122:ARG:H	14	0.03
(1,144)	1:A:130:LYS:H	1:A:133:GLY:H	15	0.03
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD21	3	0.03
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD22	3	0.03
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD23	3	0.03
(1,139)	1:A:46:VAL:H	1:A:48:GLY:H	5	0.03
(1,139)	1:A:46:VAL:H	1:A:48:GLY:H	9	0.03
(1,133)	1:A:7:GLU:H	1:A:9:ILE:H	2	0.03
(1,132)	1:A:16:GLN:H	1:A:19:VAL:H	17	0.03
(1,124)	1:A:5:LYS:H	1:A:7:GLU:H	10	0.03
(1,119)	1:A:88:THR:H	1:A:102:VAL:H	17	0.03
(1,114)	1:A:29:PHE:H	1:A:31:ASN:H	8	0.03
(1,106)	1:A:105:ASP:H	1:A:113:ARG:H	12	0.03
(1,104)	1:A:73:GLU:H	1:A:75:VAL:H	7	0.03
(1,102)	1:A:52:PHE:H	1:A:71:ILE:H	12	0.03
(1,99)	1:A:20:THR:H	1:A:23:ASN:H	6	0.02
(1,99)	1:A:20:THR:H	1:A:23:ASN:H	7	0.02
(1,87)	1:A:31:ASN:H	1:A:34:TRP:HE1	4	0.02
(1,81)	1:A:47:SER:H	1:A:48:GLY:H	2	0.02
(1,81)	1:A:47:SER:H	1:A:48:GLY:H	3	0.02
(1,81)	1:A:47:SER:H	1:A:48:GLY:H	11	0.02
(1,8)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:42:TYR:H	1	0.02
(1,8)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:42:TYR:H	1	0.02
(1,8)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:42:TYR:H	1	0.02
(1,8)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:42:TYR:H	10	0.02
(1,8)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:42:TYR:H	10	0.02
(1,8)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:42:TYR:H	10	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,8)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:42:TYR:H	12	0.02
(1,8)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:42:TYR:H	12	0.02
(1,8)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:42:TYR:H	12	0.02
(1,79)	1:A:45:ILE:H	1:A:47:SER:H	13	0.02
(1,78)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:H	5	0.02
(1,70)	1:A:16:GLN:HE21	1:A:46:VAL:H	4	0.02
(1,7)	1:A:41:LEU:H	1:A:41:LEU:HD11	6	0.02
(1,7)	1:A:41:LEU:H	1:A:41:LEU:HD12	6	0.02
(1,7)	1:A:41:LEU:H	1:A:41:LEU:HD13	6	0.02
(1,65)	1:A:118:SER:HG	1:A:119:ALA:H	20	0.02
(1,64)	1:A:47:SER:HG	1:A:49:LYS:H	10	0.02
(1,64)	1:A:47:SER:HG	1:A:49:LYS:H	19	0.02
(1,63)	1:A:54:SER:HG	1:A:57:LYS:H	8	0.02
(1,62)	1:A:54:SER:HG	1:A:56:ASP:H	13	0.02
(1,614)	1:A:86:ILE:HD11	1:A:80:ASP:H	12	0.02
(1,614)	1:A:86:ILE:HD12	1:A:80:ASP:H	12	0.02
(1,614)	1:A:86:ILE:HD13	1:A:80:ASP:H	12	0.02
(1,610)	1:A:115:CYS:H	1:A:101:HIS:H	12	0.02
(1,608)	1:A:100:GLY:H	1:A:90:VAL:H	12	0.02
(1,595)	1:A:104:ASN:HD21	1:A:112:LEU:HD11	15	0.02
(1,595)	1:A:104:ASN:HD21	1:A:112:LEU:HD12	15	0.02
(1,595)	1:A:104:ASN:HD21	1:A:112:LEU:HD13	15	0.02
(1,595)	1:A:104:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD11	15	0.02
(1,595)	1:A:104:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD12	15	0.02
(1,595)	1:A:104:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD13	15	0.02
(1,581)	1:A:102:VAL:HG11	1:A:113:ARG:H	15	0.02
(1,581)	1:A:102:VAL:HG12	1:A:113:ARG:H	15	0.02
(1,581)	1:A:102:VAL:HG13	1:A:113:ARG:H	15	0.02
(1,577)	1:A:111:GLY:H	1:A:112:LEU:HD21	19	0.02
(1,577)	1:A:111:GLY:H	1:A:112:LEU:HD22	19	0.02
(1,577)	1:A:111:GLY:H	1:A:112:LEU:HD23	19	0.02
(1,571)	1:A:140:LEU:HD11	1:A:141:PHE:H	5	0.02
(1,571)	1:A:140:LEU:HD12	1:A:141:PHE:H	5	0.02
(1,571)	1:A:140:LEU:HD13	1:A:141:PHE:H	5	0.02
(1,571)	1:A:140:LEU:HD11	1:A:141:PHE:H	8	0.02
(1,571)	1:A:140:LEU:HD12	1:A:141:PHE:H	8	0.02
(1,571)	1:A:140:LEU:HD13	1:A:141:PHE:H	8	0.02
(1,571)	1:A:140:LEU:HD11	1:A:141:PHE:H	19	0.02
(1,571)	1:A:140:LEU:HD12	1:A:141:PHE:H	19	0.02
(1,571)	1:A:140:LEU:HD13	1:A:141:PHE:H	19	0.02
(1,570)	1:A:140:LEU:H	1:A:140:LEU:HD21	19	0.02
(1,570)	1:A:140:LEU:H	1:A:140:LEU:HD22	19	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,570)	1:A:140:LEU:H	1:A:140:LEU:HD23	19	0.02
(1,567)	1:A:138:LEU:H	1:A:138:LEU:HD21	18	0.02
(1,567)	1:A:138:LEU:H	1:A:138:LEU:HD22	18	0.02
(1,567)	1:A:138:LEU:H	1:A:138:LEU:HD23	18	0.02
(1,565)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:H	3	0.02
(1,565)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:H	3	0.02
(1,565)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:H	3	0.02
(1,561)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:134:TYR:H	19	0.02
(1,561)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:134:TYR:H	19	0.02
(1,561)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:134:TYR:H	19	0.02
(1,559)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:132:GLU:H	1	0.02
(1,559)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:132:GLU:H	1	0.02
(1,559)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:132:GLU:H	1	0.02
(1,558)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:132:GLU:H	9	0.02
(1,558)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:132:GLU:H	9	0.02
(1,558)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:132:GLU:H	9	0.02
(1,556)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD11	12	0.02
(1,556)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD12	12	0.02
(1,556)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD13	12	0.02
(1,553)	1:A:124:VAL:H	1:A:124:VAL:HG11	2	0.02
(1,553)	1:A:124:VAL:H	1:A:124:VAL:HG12	2	0.02
(1,553)	1:A:124:VAL:H	1:A:124:VAL:HG13	2	0.02
(1,553)	1:A:124:VAL:H	1:A:124:VAL:HG11	13	0.02
(1,553)	1:A:124:VAL:H	1:A:124:VAL:HG12	13	0.02
(1,553)	1:A:124:VAL:H	1:A:124:VAL:HG13	13	0.02
(1,552)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD21	14	0.02
(1,552)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD22	14	0.02
(1,552)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD23	14	0.02
(1,551)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD11	5	0.02
(1,551)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD12	5	0.02
(1,551)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD13	5	0.02
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG21	2	0.02
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG22	2	0.02
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG23	2	0.02
(1,55)	1:A:110:ASN:HD21	1:A:112:LEU:HD11	4	0.02
(1,55)	1:A:110:ASN:HD21	1:A:112:LEU:HD12	4	0.02
(1,55)	1:A:110:ASN:HD21	1:A:112:LEU:HD13	4	0.02
(1,545)	1:A:121:LEU:H	1:A:121:LEU:HD11	19	0.02
(1,545)	1:A:121:LEU:H	1:A:121:LEU:HD12	19	0.02
(1,545)	1:A:121:LEU:H	1:A:121:LEU:HD13	19	0.02
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD21	11	0.02
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD22	11	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,542)	1:A:117:ASN:H	1:A:121:LEU:HD23	11	0.02
(1,534)	1:A:101:HIS:H	1:A:102:VAL:HG11	18	0.02
(1,534)	1:A:101:HIS:H	1:A:102:VAL:HG12	18	0.02
(1,534)	1:A:101:HIS:H	1:A:102:VAL:HG13	18	0.02
(1,531)	1:A:99:LEU:HD21	1:A:100:GLY:H	13	0.02
(1,531)	1:A:99:LEU:HD22	1:A:100:GLY:H	13	0.02
(1,531)	1:A:99:LEU:HD23	1:A:100:GLY:H	13	0.02
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD21	12	0.02
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD22	12	0.02
(1,53)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD23	12	0.02
(1,520)	1:A:90:VAL:H	1:A:90:VAL:HG11	17	0.02
(1,520)	1:A:90:VAL:H	1:A:90:VAL:HG12	17	0.02
(1,520)	1:A:90:VAL:H	1:A:90:VAL:HG13	17	0.02
(1,52)	1:A:16:GLN:HE21	1:A:46:VAL:HG11	15	0.02
(1,52)	1:A:16:GLN:HE21	1:A:46:VAL:HG12	15	0.02
(1,52)	1:A:16:GLN:HE21	1:A:46:VAL:HG13	15	0.02
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD11	4	0.02
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD12	4	0.02
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD13	4	0.02
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD11	10	0.02
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD12	10	0.02
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD13	10	0.02
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD11	13	0.02
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD12	13	0.02
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD13	13	0.02
(1,517)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:HG21	6	0.02
(1,517)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:HG22	6	0.02
(1,517)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:HG23	6	0.02
(1,516)	1:A:89:GLU:H	1:A:90:VAL:HG11	14	0.02
(1,516)	1:A:89:GLU:H	1:A:90:VAL:HG12	14	0.02
(1,516)	1:A:89:GLU:H	1:A:90:VAL:HG13	14	0.02
(1,513)	1:A:79:LEU:HD11	1:A:87:ARG:H	15	0.02
(1,513)	1:A:79:LEU:HD12	1:A:87:ARG:H	15	0.02
(1,513)	1:A:79:LEU:HD13	1:A:87:ARG:H	15	0.02
(1,511)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:122:ARG:H	5	0.02
(1,511)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:122:ARG:H	5	0.02
(1,511)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:122:ARG:H	5	0.02
(1,505)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:76:GLU:H	9	0.02
(1,505)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:76:GLU:H	9	0.02
(1,505)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:76:GLU:H	9	0.02
(1,505)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:76:GLU:H	16	0.02
(1,505)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:76:GLU:H	16	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,505)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:76:GLU:H	16	0.02
(1,503)	1:A:76:GLU:H	1:A:99:LEU:HD21	2	0.02
(1,503)	1:A:76:GLU:H	1:A:99:LEU:HD22	2	0.02
(1,503)	1:A:76:GLU:H	1:A:99:LEU:HD23	2	0.02
(1,503)	1:A:76:GLU:H	1:A:99:LEU:HD21	17	0.02
(1,503)	1:A:76:GLU:H	1:A:99:LEU:HD22	17	0.02
(1,503)	1:A:76:GLU:H	1:A:99:LEU:HD23	17	0.02
(1,501)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG21	8	0.02
(1,501)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG22	8	0.02
(1,501)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG23	8	0.02
(1,500)	1:A:73:GLU:H	1:A:75:VAL:HG21	4	0.02
(1,500)	1:A:73:GLU:H	1:A:75:VAL:HG22	4	0.02
(1,500)	1:A:73:GLU:H	1:A:75:VAL:HG23	4	0.02
(1,500)	1:A:73:GLU:H	1:A:75:VAL:HG21	6	0.02
(1,500)	1:A:73:GLU:H	1:A:75:VAL:HG22	6	0.02
(1,500)	1:A:73:GLU:H	1:A:75:VAL:HG23	6	0.02
(1,50)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:64:TRP:HE1	10	0.02
(1,50)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:64:TRP:HE1	10	0.02
(1,50)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:64:TRP:HE1	10	0.02
(1,50)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:64:TRP:HE1	13	0.02
(1,50)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:64:TRP:HE1	13	0.02
(1,50)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:64:TRP:HE1	13	0.02
(1,499)	1:A:71:ILE:H	1:A:71:ILE:HD11	18	0.02
(1,499)	1:A:71:ILE:H	1:A:71:ILE:HD12	18	0.02
(1,499)	1:A:71:ILE:H	1:A:71:ILE:HD13	18	0.02
(1,498)	1:A:71:ILE:H	1:A:75:VAL:HG21	11	0.02
(1,498)	1:A:71:ILE:H	1:A:75:VAL:HG22	11	0.02
(1,498)	1:A:71:ILE:H	1:A:75:VAL:HG23	11	0.02
(1,494)	1:A:52:PHE:H	1:A:71:ILE:HD11	13	0.02
(1,494)	1:A:52:PHE:H	1:A:71:ILE:HD12	13	0.02
(1,494)	1:A:52:PHE:H	1:A:71:ILE:HD13	13	0.02
(1,491)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:52:PHE:H	20	0.02
(1,491)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:52:PHE:H	20	0.02
(1,491)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:52:PHE:H	20	0.02
(1,488)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:51:LEU:H	4	0.02
(1,488)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:51:LEU:H	4	0.02
(1,488)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:51:LEU:H	4	0.02
(1,488)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:51:LEU:H	11	0.02
(1,488)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:51:LEU:H	11	0.02
(1,488)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:51:LEU:H	11	0.02
(1,483)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:49:LYS:H	17	0.02
(1,483)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:49:LYS:H	17	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,483)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:49:LYS:H	17	0.02
(1,480)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:48:GLY:H	19	0.02
(1,480)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:48:GLY:H	19	0.02
(1,480)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:48:GLY:H	19	0.02
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD11	10	0.02
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD12	10	0.02
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD13	10	0.02
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD11	17	0.02
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD12	17	0.02
(1,473)	1:A:43:VAL:H	1:A:121:LEU:HD13	17	0.02
(1,472)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:42:TYR:H	3	0.02
(1,472)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:42:TYR:H	3	0.02
(1,472)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:42:TYR:H	3	0.02
(1,472)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:42:TYR:H	18	0.02
(1,472)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:42:TYR:H	18	0.02
(1,472)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:42:TYR:H	18	0.02
(1,468)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:23:ASN:H	9	0.02
(1,468)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:23:ASN:H	9	0.02
(1,468)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:23:ASN:H	9	0.02
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG11	11	0.02
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG12	11	0.02
(1,465)	1:A:17:TYR:H	1:A:46:VAL:HG13	11	0.02
(1,456)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:HD21	10	0.02
(1,456)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:HD22	10	0.02
(1,456)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:HD23	10	0.02
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG21	18	0.02
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG22	18	0.02
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG23	18	0.02
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG21	9	0.02
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG22	9	0.02
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG23	9	0.02
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG21	14	0.02
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG22	14	0.02
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG23	14	0.02
(1,451)	1:A:75:VAL:HG11	1:A:91:ARG:H	8	0.02
(1,451)	1:A:75:VAL:HG12	1:A:91:ARG:H	8	0.02
(1,451)	1:A:75:VAL:HG13	1:A:91:ARG:H	8	0.02
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD11	19	0.02
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD12	19	0.02
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD13	19	0.02
(1,443)	1:A:90:VAL:HG21	1:A:101:HIS:H	12	0.02
(1,443)	1:A:90:VAL:HG22	1:A:101:HIS:H	12	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,443)	1:A:90:VAL:HG23	1:A:101:HIS:H	12	0.02
(1,443)	1:A:90:VAL:HG21	1:A:101:HIS:H	14	0.02
(1,443)	1:A:90:VAL:HG22	1:A:101:HIS:H	14	0.02
(1,443)	1:A:90:VAL:HG23	1:A:101:HIS:H	14	0.02
(1,442)	1:A:71:ILE:H	1:A:75:VAL:HG11	3	0.02
(1,442)	1:A:71:ILE:H	1:A:75:VAL:HG12	3	0.02
(1,442)	1:A:71:ILE:H	1:A:75:VAL:HG13	3	0.02
(1,441)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:124:VAL:H	8	0.02
(1,441)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:124:VAL:H	8	0.02
(1,441)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:124:VAL:H	8	0.02
(1,438)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:120:ALA:H	19	0.02
(1,438)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:120:ALA:H	19	0.02
(1,438)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:120:ALA:H	19	0.02
(1,438)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:120:ALA:H	20	0.02
(1,438)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:120:ALA:H	20	0.02
(1,438)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:120:ALA:H	20	0.02
(1,437)	1:A:46:VAL:HG11	1:A:48:GLY:H	3	0.02
(1,437)	1:A:46:VAL:HG12	1:A:48:GLY:H	3	0.02
(1,437)	1:A:46:VAL:HG13	1:A:48:GLY:H	3	0.02
(1,437)	1:A:46:VAL:HG11	1:A:48:GLY:H	8	0.02
(1,437)	1:A:46:VAL:HG12	1:A:48:GLY:H	8	0.02
(1,437)	1:A:46:VAL:HG13	1:A:48:GLY:H	8	0.02
(1,431)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:103:PHE:H	3	0.02
(1,431)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:103:PHE:H	3	0.02
(1,431)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:103:PHE:H	3	0.02
(1,428)	1:A:79:LEU:HD21	1:A:80:ASP:H	16	0.02
(1,428)	1:A:79:LEU:HD22	1:A:80:ASP:H	16	0.02
(1,428)	1:A:79:LEU:HD23	1:A:80:ASP:H	16	0.02
(1,424)	1:A:90:VAL:HG21	1:A:115:CYS:H	5	0.02
(1,424)	1:A:90:VAL:HG22	1:A:115:CYS:H	5	0.02
(1,424)	1:A:90:VAL:HG23	1:A:115:CYS:H	5	0.02
(1,421)	1:A:43:VAL:H	1:A:43:VAL:HG11	14	0.02
(1,421)	1:A:43:VAL:H	1:A:43:VAL:HG12	14	0.02
(1,421)	1:A:43:VAL:H	1:A:43:VAL:HG13	14	0.02
(1,420)	1:A:19:VAL:H	1:A:19:VAL:HG11	15	0.02
(1,420)	1:A:19:VAL:H	1:A:19:VAL:HG12	15	0.02
(1,420)	1:A:19:VAL:H	1:A:19:VAL:HG13	15	0.02
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD21	12	0.02
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD22	12	0.02
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD23	12	0.02
(1,414)	1:A:12:LEU:H	1:A:12:LEU:HD21	13	0.02
(1,414)	1:A:12:LEU:H	1:A:12:LEU:HD22	13	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,414)	1:A:12:LEU:H	1:A:12:LEU:HD23	13	0.02
(1,414)	1:A:12:LEU:H	1:A:12:LEU:HD21	17	0.02
(1,414)	1:A:12:LEU:H	1:A:12:LEU:HD22	17	0.02
(1,414)	1:A:12:LEU:H	1:A:12:LEU:HD23	17	0.02
(1,412)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:138:LEU:HD21	6	0.02
(1,412)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:138:LEU:HD22	6	0.02
(1,412)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:138:LEU:HD23	6	0.02
(1,412)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:138:LEU:HD21	6	0.02
(1,412)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:138:LEU:HD22	6	0.02
(1,412)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:138:LEU:HD23	6	0.02
(1,412)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:138:LEU:HD21	6	0.02
(1,412)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:138:LEU:HD22	6	0.02
(1,412)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:138:LEU:HD23	6	0.02
(1,412)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:138:LEU:HD21	20	0.02
(1,412)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:138:LEU:HD22	20	0.02
(1,412)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:138:LEU:HD23	20	0.02
(1,412)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:138:LEU:HD21	20	0.02
(1,412)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:138:LEU:HD22	20	0.02
(1,412)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:138:LEU:HD23	20	0.02
(1,412)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:138:LEU:HD21	20	0.02
(1,412)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:138:LEU:HD22	20	0.02
(1,412)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:138:LEU:HD23	20	0.02
(1,41)	1:A:45:ILE:H	1:A:46:VAL:HG21	4	0.02
(1,41)	1:A:45:ILE:H	1:A:46:VAL:HG22	4	0.02
(1,41)	1:A:45:ILE:H	1:A:46:VAL:HG23	4	0.02
(1,41)	1:A:45:ILE:H	1:A:46:VAL:HG21	13	0.02
(1,41)	1:A:45:ILE:H	1:A:46:VAL:HG22	13	0.02
(1,41)	1:A:45:ILE:H	1:A:46:VAL:HG23	13	0.02
(1,4)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:H	12	0.02
(1,4)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:H	12	0.02
(1,4)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:H	12	0.02
(1,39)	1:A:140:LEU:H	1:A:140:LEU:HD11	4	0.02
(1,39)	1:A:140:LEU:H	1:A:140:LEU:HD12	4	0.02
(1,39)	1:A:140:LEU:H	1:A:140:LEU:HD13	4	0.02
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG21	1	0.02
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG22	1	0.02
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG23	1	0.02
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG21	1	0.02
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG22	1	0.02
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG23	1	0.02
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG21	1	0.02
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG22	1	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG23	1	0.02
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG21	15	0.02
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG22	15	0.02
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG23	15	0.02
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG21	15	0.02
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG22	15	0.02
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG23	15	0.02
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG21	15	0.02
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG22	15	0.02
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG23	15	0.02
(1,381)	1:A:140:LEU:H	1:A:142:ASN:H	5	0.02
(1,375)	1:A:131:GLU:H	1:A:133:GLY:H	14	0.02
(1,368)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:H	10	0.02
(1,365)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:H	2	0.02
(1,352)	1:A:104:ASN:H	1:A:113:ARG:H	7	0.02
(1,341)	1:A:99:LEU:H	1:A:100:GLY:H	4	0.02
(1,337)	1:A:76:GLU:H	1:A:91:ARG:H	11	0.02
(1,334)	1:A:89:GLU:H	1:A:90:VAL:H	2	0.02
(1,334)	1:A:89:GLU:H	1:A:90:VAL:H	20	0.02
(1,332)	1:A:85:MET:H	1:A:86:ILE:H	15	0.02
(1,328)	1:A:78:LYS:H	1:A:79:LEU:H	10	0.02
(1,32)	1:A:103:PHE:H	1:A:112:LEU:HD21	2	0.02
(1,32)	1:A:103:PHE:H	1:A:112:LEU:HD22	2	0.02
(1,32)	1:A:103:PHE:H	1:A:112:LEU:HD23	2	0.02
(1,32)	1:A:103:PHE:H	1:A:112:LEU:HD21	3	0.02
(1,32)	1:A:103:PHE:H	1:A:112:LEU:HD22	3	0.02
(1,32)	1:A:103:PHE:H	1:A:112:LEU:HD23	3	0.02
(1,32)	1:A:103:PHE:H	1:A:112:LEU:HD21	16	0.02
(1,32)	1:A:103:PHE:H	1:A:112:LEU:HD22	16	0.02
(1,32)	1:A:103:PHE:H	1:A:112:LEU:HD23	16	0.02
(1,319)	1:A:45:ILE:H	1:A:48:GLY:H	5	0.02
(1,31)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:49:LYS:H	9	0.02
(1,31)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:49:LYS:H	9	0.02
(1,31)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:49:LYS:H	9	0.02
(1,308)	1:A:30:GLN:H	1:A:34:TRP:HE1	9	0.02
(1,305)	1:A:25:THR:H	1:A:26:GLU:H	8	0.02
(1,303)	1:A:18:GLU:H	1:A:20:THR:H	8	0.02
(1,303)	1:A:18:GLU:H	1:A:20:THR:H	11	0.02
(1,302)	1:A:17:TYR:H	1:A:20:THR:H	18	0.02
(1,299)	1:A:15:MET:H	1:A:18:GLU:H	7	0.02
(1,285)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:H	12	0.02
(1,284)	1:A:6:GLU:H	1:A:8:LYS:H	2	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,279)	1:A:26:GLU:H	1:A:64:TRP:HE1	11	0.02
(1,273)	1:A:78:LYS:H	1:A:91:ARG:H	17	0.02
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD11	17	0.02
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD12	17	0.02
(1,259)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:71:ILE:HD13	17	0.02
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD11	17	0.02
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD12	17	0.02
(1,259)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:71:ILE:HD13	17	0.02
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD11	17	0.02
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD12	17	0.02
(1,259)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:71:ILE:HD13	17	0.02
(1,258)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:116:ILE:HD11	7	0.02
(1,258)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:116:ILE:HD12	7	0.02
(1,258)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:116:ILE:HD13	7	0.02
(1,258)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:116:ILE:HD11	7	0.02
(1,258)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:116:ILE:HD12	7	0.02
(1,258)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:116:ILE:HD13	7	0.02
(1,258)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:116:ILE:HD11	7	0.02
(1,258)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:116:ILE:HD12	7	0.02
(1,258)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:116:ILE:HD13	7	0.02
(1,25)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:123:PHE:H	11	0.02
(1,25)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:123:PHE:H	11	0.02
(1,25)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:123:PHE:H	11	0.02
(1,247)	1:A:121:LEU:HD11	1:A:122:ARG:H	2	0.02
(1,247)	1:A:121:LEU:HD12	1:A:122:ARG:H	2	0.02
(1,247)	1:A:121:LEU:HD13	1:A:122:ARG:H	2	0.02
(1,247)	1:A:121:LEU:HD11	1:A:122:ARG:H	14	0.02
(1,247)	1:A:121:LEU:HD12	1:A:122:ARG:H	14	0.02
(1,247)	1:A:121:LEU:HD13	1:A:122:ARG:H	14	0.02
(1,245)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:129:LEU:HD11	6	0.02
(1,245)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:129:LEU:HD12	6	0.02
(1,245)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:129:LEU:HD13	6	0.02
(1,245)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:129:LEU:HD11	6	0.02
(1,245)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:129:LEU:HD12	6	0.02
(1,245)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:129:LEU:HD13	6	0.02
(1,245)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:129:LEU:HD11	6	0.02
(1,245)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:129:LEU:HD12	6	0.02
(1,245)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:129:LEU:HD13	6	0.02
(1,244)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:130:LYS:H	15	0.02
(1,244)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:130:LYS:H	15	0.02
(1,244)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:130:LYS:H	15	0.02
(1,244)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:130:LYS:H	18	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,244)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:130:LYS:H	18	0.02
(1,244)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:130:LYS:H	18	0.02
(1,230)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:129:LEU:HD21	9	0.02
(1,230)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:129:LEU:HD22	9	0.02
(1,230)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:129:LEU:HD23	9	0.02
(1,230)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:129:LEU:HD21	9	0.02
(1,230)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:129:LEU:HD22	9	0.02
(1,230)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:129:LEU:HD23	9	0.02
(1,230)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:129:LEU:HD21	9	0.02
(1,230)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:129:LEU:HD22	9	0.02
(1,230)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:129:LEU:HD23	9	0.02
(1,225)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:71:ILE:HD11	11	0.02
(1,225)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:71:ILE:HD12	11	0.02
(1,225)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:71:ILE:HD13	11	0.02
(1,225)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:71:ILE:HD11	11	0.02
(1,225)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:71:ILE:HD12	11	0.02
(1,225)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:71:ILE:HD13	11	0.02
(1,225)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:71:ILE:HD11	11	0.02
(1,225)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:71:ILE:HD12	11	0.02
(1,225)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:71:ILE:HD13	11	0.02
(1,220)	1:A:42:TYR:H	1:A:71:ILE:HD11	13	0.02
(1,220)	1:A:42:TYR:H	1:A:71:ILE:HD12	13	0.02
(1,220)	1:A:42:TYR:H	1:A:71:ILE:HD13	13	0.02
(1,22)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:137:TYR:H	6	0.02
(1,22)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:137:TYR:H	6	0.02
(1,22)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:137:TYR:H	6	0.02
(1,22)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:137:TYR:H	20	0.02
(1,22)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:137:TYR:H	20	0.02
(1,22)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:137:TYR:H	20	0.02
(1,219)	1:A:51:LEU:HD21	1:A:74:GLU:H	9	0.02
(1,219)	1:A:51:LEU:HD22	1:A:74:GLU:H	9	0.02
(1,219)	1:A:51:LEU:HD23	1:A:74:GLU:H	9	0.02
(1,21)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD11	16	0.02
(1,21)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD12	16	0.02
(1,21)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD13	16	0.02
(1,21)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD11	19	0.02
(1,21)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD12	19	0.02
(1,21)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD13	19	0.02
(1,206)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:HG11	2	0.02
(1,206)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:HG12	2	0.02
(1,206)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:124:VAL:HG13	2	0.02
(1,206)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:HG11	2	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,206)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:HG12	2	0.02
(1,206)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:124:VAL:HG13	2	0.02
(1,206)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:HG11	2	0.02
(1,206)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:HG12	2	0.02
(1,206)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:124:VAL:HG13	2	0.02
(1,194)	1:A:42:TYR:H	1:A:43:VAL:HG11	5	0.02
(1,194)	1:A:42:TYR:H	1:A:43:VAL:HG12	5	0.02
(1,194)	1:A:42:TYR:H	1:A:43:VAL:HG13	5	0.02
(1,19)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:127:HIS:H	13	0.02
(1,19)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:127:HIS:H	13	0.02
(1,19)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:127:HIS:H	13	0.02
(1,19)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:127:HIS:H	15	0.02
(1,19)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:127:HIS:H	15	0.02
(1,19)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:127:HIS:H	15	0.02
(1,19)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:127:HIS:H	18	0.02
(1,19)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:127:HIS:H	18	0.02
(1,19)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:127:HIS:H	18	0.02
(1,184)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:112:LEU:HD11	19	0.02
(1,184)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:112:LEU:HD12	19	0.02
(1,184)	1:A:102:VAL:HG21	1:A:112:LEU:HD13	19	0.02
(1,184)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:112:LEU:HD11	19	0.02
(1,184)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:112:LEU:HD12	19	0.02
(1,184)	1:A:102:VAL:HG22	1:A:112:LEU:HD13	19	0.02
(1,184)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:112:LEU:HD11	19	0.02
(1,184)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:112:LEU:HD12	19	0.02
(1,184)	1:A:102:VAL:HG23	1:A:112:LEU:HD13	19	0.02
(1,18)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:128:LYS:H	11	0.02
(1,18)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:128:LYS:H	11	0.02
(1,18)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:128:LYS:H	11	0.02
(1,18)	1:A:124:VAL:HG11	1:A:128:LYS:H	15	0.02
(1,18)	1:A:124:VAL:HG12	1:A:128:LYS:H	15	0.02
(1,18)	1:A:124:VAL:HG13	1:A:128:LYS:H	15	0.02
(1,172)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:20:THR:H	7	0.02
(1,172)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:20:THR:H	7	0.02
(1,172)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:20:THR:H	7	0.02
(1,172)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:20:THR:H	15	0.02
(1,172)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:20:THR:H	15	0.02
(1,172)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:20:THR:H	15	0.02
(1,172)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:20:THR:H	18	0.02
(1,172)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:20:THR:H	18	0.02
(1,172)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:20:THR:H	18	0.02
(1,172)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:20:THR:H	20	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,172)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:20:THR:H	20	0.02
(1,172)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:20:THR:H	20	0.02
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG11	9	0.02
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG12	9	0.02
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG13	9	0.02
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD21	5	0.02
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD22	5	0.02
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD23	5	0.02
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD21	12	0.02
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD22	12	0.02
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD23	12	0.02
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD21	18	0.02
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD22	18	0.02
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD23	18	0.02
(1,167)	1:A:101:HIS:H	1:A:115:CYS:H	20	0.02
(1,166)	1:A:40:GLY:H	1:A:54:SER:H	3	0.02
(1,164)	1:A:76:GLU:H	1:A:77:GLU:H	8	0.02
(1,163)	1:A:15:MET:H	1:A:17:TYR:H	12	0.02
(1,160)	1:A:54:SER:H	1:A:56:ASP:H	8	0.02
(1,16)	1:A:102:VAL:H	1:A:102:VAL:HG11	16	0.02
(1,16)	1:A:102:VAL:H	1:A:102:VAL:HG12	16	0.02
(1,16)	1:A:102:VAL:H	1:A:102:VAL:HG13	16	0.02
(1,16)	1:A:102:VAL:H	1:A:102:VAL:HG11	18	0.02
(1,16)	1:A:102:VAL:H	1:A:102:VAL:HG12	18	0.02
(1,16)	1:A:102:VAL:H	1:A:102:VAL:HG13	18	0.02
(1,150)	1:A:81:THR:H	1:A:82:SER:H	16	0.02
(1,15)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG11	15	0.02
(1,15)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG12	15	0.02
(1,15)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG13	15	0.02
(1,148)	1:A:44:ASP:H	1:A:122:ARG:H	9	0.02
(1,145)	1:A:128:LYS:H	1:A:130:LYS:H	9	0.02
(1,145)	1:A:128:LYS:H	1:A:130:LYS:H	17	0.02
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD21	15	0.02
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD22	15	0.02
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD23	15	0.02
(1,139)	1:A:46:VAL:H	1:A:48:GLY:H	4	0.02
(1,139)	1:A:46:VAL:H	1:A:48:GLY:H	19	0.02
(1,132)	1:A:16:GLN:H	1:A:19:VAL:H	6	0.02
(1,127)	1:A:21:GLN:H	1:A:23:ASN:H	1	0.02
(1,127)	1:A:21:GLN:H	1:A:23:ASN:H	14	0.02
(1,119)	1:A:88:THR:H	1:A:102:VAL:H	5	0.02
(1,104)	1:A:73:GLU:H	1:A:75:VAL:H	19	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,98)	1:A:31:ASN:H	1:A:34:TRP:H	10	0.01
(1,89)	1:A:55:LYS:H	1:A:57:LYS:H	15	0.01
(1,83)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:H	11	0.01
(1,82)	1:A:13:ASN:H	1:A:13:ASN:HD21	12	0.01
(1,81)	1:A:47:SER:H	1:A:48:GLY:H	8	0.01
(1,81)	1:A:47:SER:H	1:A:48:GLY:H	18	0.01
(1,7)	1:A:41:LEU:H	1:A:41:LEU:HD11	20	0.01
(1,7)	1:A:41:LEU:H	1:A:41:LEU:HD12	20	0.01
(1,7)	1:A:41:LEU:H	1:A:41:LEU:HD13	20	0.01
(1,619)	1:A:34:TRP:HE1	1:A:31:ASN:H	7	0.01
(1,614)	1:A:86:ILE:HD11	1:A:80:ASP:H	3	0.01
(1,614)	1:A:86:ILE:HD12	1:A:80:ASP:H	3	0.01
(1,614)	1:A:86:ILE:HD13	1:A:80:ASP:H	3	0.01
(1,609)	1:A:102:VAL:H	1:A:88:THR:H	8	0.01
(1,609)	1:A:102:VAL:H	1:A:88:THR:H	20	0.01
(1,601)	1:A:142:ASN:HD21	1:A:144:LEU:HD11	13	0.01
(1,601)	1:A:142:ASN:HD21	1:A:144:LEU:HD12	13	0.01
(1,601)	1:A:142:ASN:HD21	1:A:144:LEU:HD13	13	0.01
(1,601)	1:A:142:ASN:HD21	1:A:144:LEU:HD21	13	0.01
(1,601)	1:A:142:ASN:HD21	1:A:144:LEU:HD22	13	0.01
(1,601)	1:A:142:ASN:HD21	1:A:144:LEU:HD23	13	0.01
(1,601)	1:A:142:ASN:HD22	1:A:144:LEU:HD11	13	0.01
(1,601)	1:A:142:ASN:HD22	1:A:144:LEU:HD12	13	0.01
(1,601)	1:A:142:ASN:HD22	1:A:144:LEU:HD13	13	0.01
(1,601)	1:A:142:ASN:HD22	1:A:144:LEU:HD21	13	0.01
(1,601)	1:A:142:ASN:HD22	1:A:144:LEU:HD22	13	0.01
(1,601)	1:A:142:ASN:HD22	1:A:144:LEU:HD23	13	0.01
(1,60)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD11	3	0.01
(1,60)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD12	3	0.01
(1,60)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD13	3	0.01
(1,60)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD11	15	0.01
(1,60)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD12	15	0.01
(1,60)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD13	15	0.01
(1,60)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD11	19	0.01
(1,60)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD12	19	0.01
(1,60)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD13	19	0.01
(1,593)	1:A:22:ASN:HD21	1:A:23:ASN:H	1	0.01
(1,593)	1:A:22:ASN:HD22	1:A:23:ASN:H	1	0.01
(1,588)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:22:ASN:H	15	0.01
(1,588)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:22:ASN:H	15	0.01
(1,588)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:22:ASN:H	15	0.01
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG11	14	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG12	14	0.01
(1,585)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG13	14	0.01
(1,583)	1:A:90:VAL:H	1:A:102:VAL:HG21	11	0.01
(1,583)	1:A:90:VAL:H	1:A:102:VAL:HG22	11	0.01
(1,583)	1:A:90:VAL:H	1:A:102:VAL:HG23	11	0.01
(1,581)	1:A:102:VAL:HG11	1:A:113:ARG:H	14	0.01
(1,581)	1:A:102:VAL:HG12	1:A:113:ARG:H	14	0.01
(1,581)	1:A:102:VAL:HG13	1:A:113:ARG:H	14	0.01
(1,578)	1:A:112:LEU:H	1:A:112:LEU:HD11	8	0.01
(1,578)	1:A:112:LEU:H	1:A:112:LEU:HD12	8	0.01
(1,578)	1:A:112:LEU:H	1:A:112:LEU:HD13	8	0.01
(1,572)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:141:PHE:H	15	0.01
(1,572)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:141:PHE:H	15	0.01
(1,572)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:141:PHE:H	15	0.01
(1,571)	1:A:140:LEU:HD11	1:A:141:PHE:H	2	0.01
(1,571)	1:A:140:LEU:HD12	1:A:141:PHE:H	2	0.01
(1,571)	1:A:140:LEU:HD13	1:A:141:PHE:H	2	0.01
(1,57)	1:A:112:LEU:HD11	1:A:113:ARG:H	9	0.01
(1,57)	1:A:112:LEU:HD12	1:A:113:ARG:H	9	0.01
(1,57)	1:A:112:LEU:HD13	1:A:113:ARG:H	9	0.01
(1,565)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:H	5	0.01
(1,565)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:H	5	0.01
(1,565)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:H	5	0.01
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD21	1	0.01
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD22	1	0.01
(1,562)	1:A:135:GLU:H	1:A:138:LEU:HD23	1	0.01
(1,56)	1:A:110:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD11	11	0.01
(1,56)	1:A:110:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD12	11	0.01
(1,56)	1:A:110:ASN:HD22	1:A:112:LEU:HD13	11	0.01
(1,556)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD11	2	0.01
(1,556)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD12	2	0.01
(1,556)	1:A:129:LEU:H	1:A:138:LEU:HD13	2	0.01
(1,552)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD21	17	0.01
(1,552)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD22	17	0.01
(1,552)	1:A:124:VAL:H	1:A:129:LEU:HD23	17	0.01
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG21	12	0.01
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG22	12	0.01
(1,550)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:HG23	12	0.01
(1,544)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:120:ALA:H	5	0.01
(1,544)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:120:ALA:H	5	0.01
(1,544)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:120:ALA:H	5	0.01
(1,536)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:102:VAL:H	4	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,536)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:102:VAL:H	4	0.01
(1,536)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:102:VAL:H	4	0.01
(1,528)	1:A:105:ASP:H	1:A:112:LEU:HD21	6	0.01
(1,528)	1:A:105:ASP:H	1:A:112:LEU:HD22	6	0.01
(1,528)	1:A:105:ASP:H	1:A:112:LEU:HD23	6	0.01
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD11	8	0.01
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD12	8	0.01
(1,518)	1:A:115:CYS:H	1:A:116:ILE:HD13	8	0.01
(1,505)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:76:GLU:H	20	0.01
(1,505)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:76:GLU:H	20	0.01
(1,505)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:76:GLU:H	20	0.01
(1,503)	1:A:76:GLU:H	1:A:99:LEU:HD21	1	0.01
(1,503)	1:A:76:GLU:H	1:A:99:LEU:HD22	1	0.01
(1,503)	1:A:76:GLU:H	1:A:99:LEU:HD23	1	0.01
(1,501)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG21	5	0.01
(1,501)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG22	5	0.01
(1,501)	1:A:74:GLU:H	1:A:75:VAL:HG23	5	0.01
(1,500)	1:A:73:GLU:H	1:A:75:VAL:HG21	7	0.01
(1,500)	1:A:73:GLU:H	1:A:75:VAL:HG22	7	0.01
(1,500)	1:A:73:GLU:H	1:A:75:VAL:HG23	7	0.01
(1,49)	1:A:78:LYS:H	1:A:90:VAL:HG11	11	0.01
(1,49)	1:A:78:LYS:H	1:A:90:VAL:HG12	11	0.01
(1,49)	1:A:78:LYS:H	1:A:90:VAL:HG13	11	0.01
(1,488)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:51:LEU:H	7	0.01
(1,488)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:51:LEU:H	7	0.01
(1,488)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:51:LEU:H	7	0.01
(1,488)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:51:LEU:H	8	0.01
(1,488)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:51:LEU:H	8	0.01
(1,488)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:51:LEU:H	8	0.01
(1,48)	1:A:79:LEU:HD11	1:A:88:THR:H	9	0.01
(1,48)	1:A:79:LEU:HD12	1:A:88:THR:H	9	0.01
(1,48)	1:A:79:LEU:HD13	1:A:88:THR:H	9	0.01
(1,472)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:42:TYR:H	15	0.01
(1,472)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:42:TYR:H	15	0.01
(1,472)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:42:TYR:H	15	0.01
(1,47)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:115:CYS:H	18	0.01
(1,47)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:115:CYS:H	18	0.01
(1,47)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:115:CYS:H	18	0.01
(1,469)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:24:GLY:H	10	0.01
(1,469)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:24:GLY:H	10	0.01
(1,469)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:24:GLY:H	10	0.01
(1,463)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:16:GLN:H	3	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,463)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:16:GLN:H	3	0.01
(1,463)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:16:GLN:H	3	0.01
(1,462)	1:A:45:ILE:HD11	1:A:46:VAL:H	7	0.01
(1,462)	1:A:45:ILE:HD12	1:A:46:VAL:H	7	0.01
(1,462)	1:A:45:ILE:HD13	1:A:46:VAL:H	7	0.01
(1,459)	1:A:12:LEU:H	1:A:12:LEU:HD11	9	0.01
(1,459)	1:A:12:LEU:H	1:A:12:LEU:HD12	9	0.01
(1,459)	1:A:12:LEU:H	1:A:12:LEU:HD13	9	0.01
(1,458)	1:A:9:ILE:HD11	1:A:10:LYS:H	13	0.01
(1,458)	1:A:9:ILE:HD12	1:A:10:LYS:H	13	0.01
(1,458)	1:A:9:ILE:HD13	1:A:10:LYS:H	13	0.01
(1,456)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:HD21	18	0.01
(1,456)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:HD22	18	0.01
(1,456)	1:A:9:ILE:H	1:A:12:LEU:HD23	18	0.01
(1,455)	1:A:8:LYS:H	1:A:9:ILE:HD11	15	0.01
(1,455)	1:A:8:LYS:H	1:A:9:ILE:HD12	15	0.01
(1,455)	1:A:8:LYS:H	1:A:9:ILE:HD13	15	0.01
(1,455)	1:A:8:LYS:H	1:A:9:ILE:HD11	17	0.01
(1,455)	1:A:8:LYS:H	1:A:9:ILE:HD12	17	0.01
(1,455)	1:A:8:LYS:H	1:A:9:ILE:HD13	17	0.01
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG21	13	0.01
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG22	13	0.01
(1,453)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:HG23	13	0.01
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG21	19	0.01
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG22	19	0.01
(1,452)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG23	19	0.01
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD11	17	0.01
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD12	17	0.01
(1,45)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD13	17	0.01
(1,448)	1:A:79:LEU:HD11	1:A:89:GLU:H	1	0.01
(1,448)	1:A:79:LEU:HD12	1:A:89:GLU:H	1	0.01
(1,448)	1:A:79:LEU:HD13	1:A:89:GLU:H	1	0.01
(1,447)	1:A:41:LEU:H	1:A:124:VAL:HG21	18	0.01
(1,447)	1:A:41:LEU:H	1:A:124:VAL:HG22	18	0.01
(1,447)	1:A:41:LEU:H	1:A:124:VAL:HG23	18	0.01
(1,442)	1:A:71:ILE:H	1:A:75:VAL:HG11	11	0.01
(1,442)	1:A:71:ILE:H	1:A:75:VAL:HG12	11	0.01
(1,442)	1:A:71:ILE:H	1:A:75:VAL:HG13	11	0.01
(1,440)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:100:GLY:H	8	0.01
(1,440)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:100:GLY:H	8	0.01
(1,440)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:100:GLY:H	8	0.01
(1,440)	1:A:90:VAL:HG11	1:A:100:GLY:H	12	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,440)	1:A:90:VAL:HG12	1:A:100:GLY:H	12	0.01
(1,440)	1:A:90:VAL:HG13	1:A:100:GLY:H	12	0.01
(1,44)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:48:GLY:H	2	0.01
(1,44)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:48:GLY:H	2	0.01
(1,44)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:48:GLY:H	2	0.01
(1,430)	1:A:46:VAL:HG11	1:A:47:SER:H	10	0.01
(1,430)	1:A:46:VAL:HG12	1:A:47:SER:H	10	0.01
(1,430)	1:A:46:VAL:HG13	1:A:47:SER:H	10	0.01
(1,421)	1:A:43:VAL:H	1:A:43:VAL:HG11	13	0.01
(1,421)	1:A:43:VAL:H	1:A:43:VAL:HG12	13	0.01
(1,421)	1:A:43:VAL:H	1:A:43:VAL:HG13	13	0.01
(1,420)	1:A:19:VAL:H	1:A:19:VAL:HG11	3	0.01
(1,420)	1:A:19:VAL:H	1:A:19:VAL:HG12	3	0.01
(1,420)	1:A:19:VAL:H	1:A:19:VAL:HG13	3	0.01
(1,420)	1:A:19:VAL:H	1:A:19:VAL:HG11	5	0.01
(1,420)	1:A:19:VAL:H	1:A:19:VAL:HG12	5	0.01
(1,420)	1:A:19:VAL:H	1:A:19:VAL:HG13	5	0.01
(1,420)	1:A:19:VAL:H	1:A:19:VAL:HG11	18	0.01
(1,420)	1:A:19:VAL:H	1:A:19:VAL:HG12	18	0.01
(1,420)	1:A:19:VAL:H	1:A:19:VAL:HG13	18	0.01
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD21	17	0.01
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD22	17	0.01
(1,415)	1:A:79:LEU:H	1:A:79:LEU:HD23	17	0.01
(1,413)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:121:LEU:HD11	20	0.01
(1,413)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:121:LEU:HD12	20	0.01
(1,413)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:121:LEU:HD13	20	0.01
(1,413)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:121:LEU:HD11	20	0.01
(1,413)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:121:LEU:HD12	20	0.01
(1,413)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:121:LEU:HD13	20	0.01
(1,413)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:121:LEU:HD11	20	0.01
(1,413)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:121:LEU:HD12	20	0.01
(1,413)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:121:LEU:HD13	20	0.01
(1,412)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:138:LEU:HD21	5	0.01
(1,412)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:138:LEU:HD22	5	0.01
(1,412)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:138:LEU:HD23	5	0.01
(1,412)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:138:LEU:HD21	5	0.01
(1,412)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:138:LEU:HD22	5	0.01
(1,412)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:138:LEU:HD23	5	0.01
(1,412)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:138:LEU:HD21	5	0.01
(1,412)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:138:LEU:HD22	5	0.01
(1,412)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:138:LEU:HD23	5	0.01
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD21	4	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD22	4	0.01
(1,411)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD23	4	0.01
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD21	4	0.01
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD22	4	0.01
(1,411)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD23	4	0.01
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD21	4	0.01
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD22	4	0.01
(1,411)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD23	4	0.01
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD11	10	0.01
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD12	10	0.01
(1,408)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:138:LEU:HD13	10	0.01
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD11	10	0.01
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD12	10	0.01
(1,408)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:138:LEU:HD13	10	0.01
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD11	10	0.01
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD12	10	0.01
(1,408)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:138:LEU:HD13	10	0.01
(1,407)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:46:VAL:HG21	20	0.01
(1,407)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:46:VAL:HG22	20	0.01
(1,407)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:46:VAL:HG23	20	0.01
(1,407)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:46:VAL:HG21	20	0.01
(1,407)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:46:VAL:HG22	20	0.01
(1,407)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:46:VAL:HG23	20	0.01
(1,407)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:46:VAL:HG21	20	0.01
(1,407)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:46:VAL:HG22	20	0.01
(1,407)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:46:VAL:HG23	20	0.01
(1,398)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:46:VAL:HG21	20	0.01
(1,398)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:46:VAL:HG22	20	0.01
(1,398)	1:A:12:LEU:HD21	1:A:46:VAL:HG23	20	0.01
(1,398)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:46:VAL:HG21	20	0.01
(1,398)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:46:VAL:HG22	20	0.01
(1,398)	1:A:12:LEU:HD22	1:A:46:VAL:HG23	20	0.01
(1,398)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:46:VAL:HG21	20	0.01
(1,398)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:46:VAL:HG22	20	0.01
(1,398)	1:A:12:LEU:HD23	1:A:46:VAL:HG23	20	0.01
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG21	7	0.01
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG22	7	0.01
(1,387)	1:A:75:VAL:HG21	1:A:90:VAL:HG23	7	0.01
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG21	7	0.01
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG22	7	0.01
(1,387)	1:A:75:VAL:HG22	1:A:90:VAL:HG23	7	0.01
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG21	7	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG22	7	0.01
(1,387)	1:A:75:VAL:HG23	1:A:90:VAL:HG23	7	0.01
(1,377)	1:A:134:TYR:H	1:A:135:GLU:H	19	0.01
(1,374)	1:A:132:GLU:H	1:A:134:TYR:H	5	0.01
(1,365)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:H	1	0.01
(1,365)	1:A:123:PHE:H	1:A:124:VAL:H	10	0.01
(1,357)	1:A:119:ALA:H	1:A:121:LEU:H	2	0.01
(1,357)	1:A:119:ALA:H	1:A:121:LEU:H	16	0.01
(1,355)	1:A:67:PHE:H	1:A:114:TYR:H	5	0.01
(1,353)	1:A:104:ASN:H	1:A:106:GLY:H	7	0.01
(1,341)	1:A:99:LEU:H	1:A:100:GLY:H	1	0.01
(1,341)	1:A:99:LEU:H	1:A:100:GLY:H	9	0.01
(1,339)	1:A:92:SER:H	1:A:98:HIS:H	12	0.01
(1,337)	1:A:76:GLU:H	1:A:91:ARG:H	14	0.01
(1,335)	1:A:90:VAL:H	1:A:100:GLY:H	19	0.01
(1,334)	1:A:89:GLU:H	1:A:90:VAL:H	10	0.01
(1,331)	1:A:80:ASP:H	1:A:88:THR:H	12	0.01
(1,331)	1:A:80:ASP:H	1:A:88:THR:H	20	0.01
(1,327)	1:A:78:LYS:H	1:A:89:GLU:H	6	0.01
(1,327)	1:A:78:LYS:H	1:A:89:GLU:H	10	0.01
(1,31)	1:A:43:VAL:HG21	1:A:49:LYS:H	5	0.01
(1,31)	1:A:43:VAL:HG22	1:A:49:LYS:H	5	0.01
(1,31)	1:A:43:VAL:HG23	1:A:49:LYS:H	5	0.01
(1,308)	1:A:30:GLN:H	1:A:34:TRP:HE1	16	0.01
(1,305)	1:A:25:THR:H	1:A:26:GLU:H	19	0.01
(1,303)	1:A:18:GLU:H	1:A:20:THR:H	4	0.01
(1,30)	1:A:106:GLY:H	1:A:112:LEU:HD21	16	0.01
(1,30)	1:A:106:GLY:H	1:A:112:LEU:HD22	16	0.01
(1,30)	1:A:106:GLY:H	1:A:112:LEU:HD23	16	0.01
(1,299)	1:A:15:MET:H	1:A:18:GLU:H	4	0.01
(1,299)	1:A:15:MET:H	1:A:18:GLU:H	9	0.01
(1,298)	1:A:14:ARG:H	1:A:17:TYR:H	17	0.01
(1,285)	1:A:44:ASP:H	1:A:46:VAL:H	3	0.01
(1,267)	1:A:21:GLN:H	1:A:24:GLY:H	4	0.01
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD11	7	0.01
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD12	7	0.01
(1,256)	1:A:46:VAL:HG21	1:A:51:LEU:HD13	7	0.01
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD11	7	0.01
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD12	7	0.01
(1,256)	1:A:46:VAL:HG22	1:A:51:LEU:HD13	7	0.01
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD11	7	0.01
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD12	7	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,256)	1:A:46:VAL:HG23	1:A:51:LEU:HD13	7	0.01
(1,250)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:25:THR:H	1	0.01
(1,250)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:25:THR:H	1	0.01
(1,250)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:25:THR:H	1	0.01
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD11	13	0.01
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD12	13	0.01
(1,248)	1:A:120:ALA:H	1:A:121:LEU:HD13	13	0.01
(1,240)	1:A:75:VAL:H	1:A:99:LEU:HD11	16	0.01
(1,240)	1:A:75:VAL:H	1:A:99:LEU:HD12	16	0.01
(1,240)	1:A:75:VAL:H	1:A:99:LEU:HD13	16	0.01
(1,239)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:99:LEU:HD21	9	0.01
(1,239)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:99:LEU:HD22	9	0.01
(1,239)	1:A:51:LEU:HD11	1:A:99:LEU:HD23	9	0.01
(1,239)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:99:LEU:HD21	9	0.01
(1,239)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:99:LEU:HD22	9	0.01
(1,239)	1:A:51:LEU:HD12	1:A:99:LEU:HD23	9	0.01
(1,239)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:99:LEU:HD21	9	0.01
(1,239)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:99:LEU:HD22	9	0.01
(1,239)	1:A:51:LEU:HD13	1:A:99:LEU:HD23	9	0.01
(1,236)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:140:LEU:HD11	4	0.01
(1,236)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:140:LEU:HD12	4	0.01
(1,236)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:140:LEU:HD13	4	0.01
(1,236)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:140:LEU:HD11	4	0.01
(1,236)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:140:LEU:HD12	4	0.01
(1,236)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:140:LEU:HD13	4	0.01
(1,236)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:140:LEU:HD11	4	0.01
(1,236)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:140:LEU:HD12	4	0.01
(1,236)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:140:LEU:HD13	4	0.01
(1,235)	1:A:12:LEU:HD11	1:A:13:ASN:HD21	2	0.01
(1,235)	1:A:12:LEU:HD12	1:A:13:ASN:HD21	2	0.01
(1,235)	1:A:12:LEU:HD13	1:A:13:ASN:HD21	2	0.01
(1,230)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:129:LEU:HD21	10	0.01
(1,230)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:129:LEU:HD22	10	0.01
(1,230)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:129:LEU:HD23	10	0.01
(1,230)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:129:LEU:HD21	10	0.01
(1,230)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:129:LEU:HD22	10	0.01
(1,230)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:129:LEU:HD23	10	0.01
(1,230)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:129:LEU:HD21	10	0.01
(1,230)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:129:LEU:HD22	10	0.01
(1,230)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:129:LEU:HD23	10	0.01
(1,221)	1:A:71:ILE:HD11	1:A:140:LEU:HD11	5	0.01
(1,221)	1:A:71:ILE:HD11	1:A:140:LEU:HD12	5	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,221)	1:A:71:ILE:HD11	1:A:140:LEU:HD13	5	0.01
(1,221)	1:A:71:ILE:HD12	1:A:140:LEU:HD11	5	0.01
(1,221)	1:A:71:ILE:HD12	1:A:140:LEU:HD12	5	0.01
(1,221)	1:A:71:ILE:HD12	1:A:140:LEU:HD13	5	0.01
(1,221)	1:A:71:ILE:HD13	1:A:140:LEU:HD11	5	0.01
(1,221)	1:A:71:ILE:HD13	1:A:140:LEU:HD12	5	0.01
(1,221)	1:A:71:ILE:HD13	1:A:140:LEU:HD13	5	0.01
(1,22)	1:A:129:LEU:HD11	1:A:137:TYR:H	19	0.01
(1,22)	1:A:129:LEU:HD12	1:A:137:TYR:H	19	0.01
(1,22)	1:A:129:LEU:HD13	1:A:137:TYR:H	19	0.01
(1,213)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:43:VAL:HG11	6	0.01
(1,213)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:43:VAL:HG12	6	0.01
(1,213)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:43:VAL:HG13	6	0.01
(1,213)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:43:VAL:HG11	6	0.01
(1,213)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:43:VAL:HG12	6	0.01
(1,213)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:43:VAL:HG13	6	0.01
(1,213)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:43:VAL:HG11	6	0.01
(1,213)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:43:VAL:HG12	6	0.01
(1,213)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:43:VAL:HG13	6	0.01
(1,213)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:43:VAL:HG11	17	0.01
(1,213)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:43:VAL:HG12	17	0.01
(1,213)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:43:VAL:HG13	17	0.01
(1,213)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:43:VAL:HG11	17	0.01
(1,213)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:43:VAL:HG12	17	0.01
(1,213)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:43:VAL:HG13	17	0.01
(1,213)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:43:VAL:HG11	17	0.01
(1,213)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:43:VAL:HG12	17	0.01
(1,213)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:43:VAL:HG13	17	0.01
(1,211)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:138:LEU:HD11	7	0.01
(1,211)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:138:LEU:HD12	7	0.01
(1,211)	1:A:41:LEU:HD21	1:A:138:LEU:HD13	7	0.01
(1,211)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:138:LEU:HD11	7	0.01
(1,211)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:138:LEU:HD12	7	0.01
(1,211)	1:A:41:LEU:HD22	1:A:138:LEU:HD13	7	0.01
(1,211)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:138:LEU:HD11	7	0.01
(1,211)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:138:LEU:HD12	7	0.01
(1,211)	1:A:41:LEU:HD23	1:A:138:LEU:HD13	7	0.01
(1,210)	1:A:41:LEU:H	1:A:41:LEU:HD21	18	0.01
(1,210)	1:A:41:LEU:H	1:A:41:LEU:HD22	18	0.01
(1,210)	1:A:41:LEU:H	1:A:41:LEU:HD23	18	0.01
(1,207)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:124:VAL:HG11	15	0.01
(1,207)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:124:VAL:HG12	15	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,207)	1:A:43:VAL:HG11	1:A:124:VAL:HG13	15	0.01
(1,207)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:124:VAL:HG11	15	0.01
(1,207)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:124:VAL:HG12	15	0.01
(1,207)	1:A:43:VAL:HG12	1:A:124:VAL:HG13	15	0.01
(1,207)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:124:VAL:HG11	15	0.01
(1,207)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:124:VAL:HG12	15	0.01
(1,207)	1:A:43:VAL:HG13	1:A:124:VAL:HG13	15	0.01
(1,201)	1:A:88:THR:H	1:A:102:VAL:HG11	16	0.01
(1,201)	1:A:88:THR:H	1:A:102:VAL:HG12	16	0.01
(1,201)	1:A:88:THR:H	1:A:102:VAL:HG13	16	0.01
(1,194)	1:A:42:TYR:H	1:A:43:VAL:HG11	15	0.01
(1,194)	1:A:42:TYR:H	1:A:43:VAL:HG12	15	0.01
(1,194)	1:A:42:TYR:H	1:A:43:VAL:HG13	15	0.01
(1,190)	1:A:19:VAL:HG11	1:A:26:GLU:H	6	0.01
(1,190)	1:A:19:VAL:HG12	1:A:26:GLU:H	6	0.01
(1,190)	1:A:19:VAL:HG13	1:A:26:GLU:H	6	0.01
(1,180)	1:A:90:VAL:HG21	1:A:91:ARG:H	19	0.01
(1,180)	1:A:90:VAL:HG22	1:A:91:ARG:H	19	0.01
(1,180)	1:A:90:VAL:HG23	1:A:91:ARG:H	19	0.01
(1,177)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:43:VAL:HG21	11	0.01
(1,177)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:43:VAL:HG22	11	0.01
(1,177)	1:A:41:LEU:HD11	1:A:43:VAL:HG23	11	0.01
(1,177)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:43:VAL:HG21	11	0.01
(1,177)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:43:VAL:HG22	11	0.01
(1,177)	1:A:41:LEU:HD12	1:A:43:VAL:HG23	11	0.01
(1,177)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:43:VAL:HG21	11	0.01
(1,177)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:43:VAL:HG22	11	0.01
(1,177)	1:A:41:LEU:HD13	1:A:43:VAL:HG23	11	0.01
(1,172)	1:A:19:VAL:HG21	1:A:20:THR:H	4	0.01
(1,172)	1:A:19:VAL:HG22	1:A:20:THR:H	4	0.01
(1,172)	1:A:19:VAL:HG23	1:A:20:THR:H	4	0.01
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG11	8	0.01
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG12	8	0.01
(1,171)	1:A:76:GLU:H	1:A:90:VAL:HG13	8	0.01
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD21	19	0.01
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD22	19	0.01
(1,17)	1:A:126:LYS:H	1:A:129:LEU:HD23	19	0.01
(1,164)	1:A:76:GLU:H	1:A:77:GLU:H	6	0.01
(1,160)	1:A:54:SER:H	1:A:56:ASP:H	6	0.01
(1,16)	1:A:102:VAL:H	1:A:102:VAL:HG11	20	0.01
(1,16)	1:A:102:VAL:H	1:A:102:VAL:HG12	20	0.01
(1,16)	1:A:102:VAL:H	1:A:102:VAL:HG13	20	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,158)	1:A:77:GLU:H	1:A:78:LYS:H	7	0.01
(1,158)	1:A:77:GLU:H	1:A:78:LYS:H	8	0.01
(1,150)	1:A:81:THR:H	1:A:82:SER:H	15	0.01
(1,15)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG11	12	0.01
(1,15)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG12	12	0.01
(1,15)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG13	12	0.01
(1,15)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG11	19	0.01
(1,15)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG12	19	0.01
(1,15)	1:A:78:LYS:H	1:A:102:VAL:HG13	19	0.01
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD21	7	0.01
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD22	7	0.01
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD23	7	0.01
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD21	19	0.01
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD22	19	0.01
(1,14)	1:A:127:HIS:H	1:A:129:LEU:HD23	19	0.01
(1,139)	1:A:46:VAL:H	1:A:48:GLY:H	8	0.01
(1,139)	1:A:46:VAL:H	1:A:48:GLY:H	12	0.01
(1,13)	1:A:129:LEU:HD21	1:A:131:GLU:H	1	0.01
(1,13)	1:A:129:LEU:HD22	1:A:131:GLU:H	1	0.01
(1,13)	1:A:129:LEU:HD23	1:A:131:GLU:H	1	0.01
(1,127)	1:A:21:GLN:H	1:A:23:ASN:H	18	0.01
(1,119)	1:A:88:THR:H	1:A:102:VAL:H	13	0.01
(1,115)	1:A:89:GLU:H	1:A:102:VAL:H	19	0.01
(1,106)	1:A:105:ASP:H	1:A:113:ARG:H	11	0.01
(1,104)	1:A:73:GLU:H	1:A:75:VAL:H	3	0.01
(1,104)	1:A:73:GLU:H	1:A:75:VAL:H	14	0.01
(1,102)	1:A:52:PHE:H	1:A:71:ILE:H	20	0.01

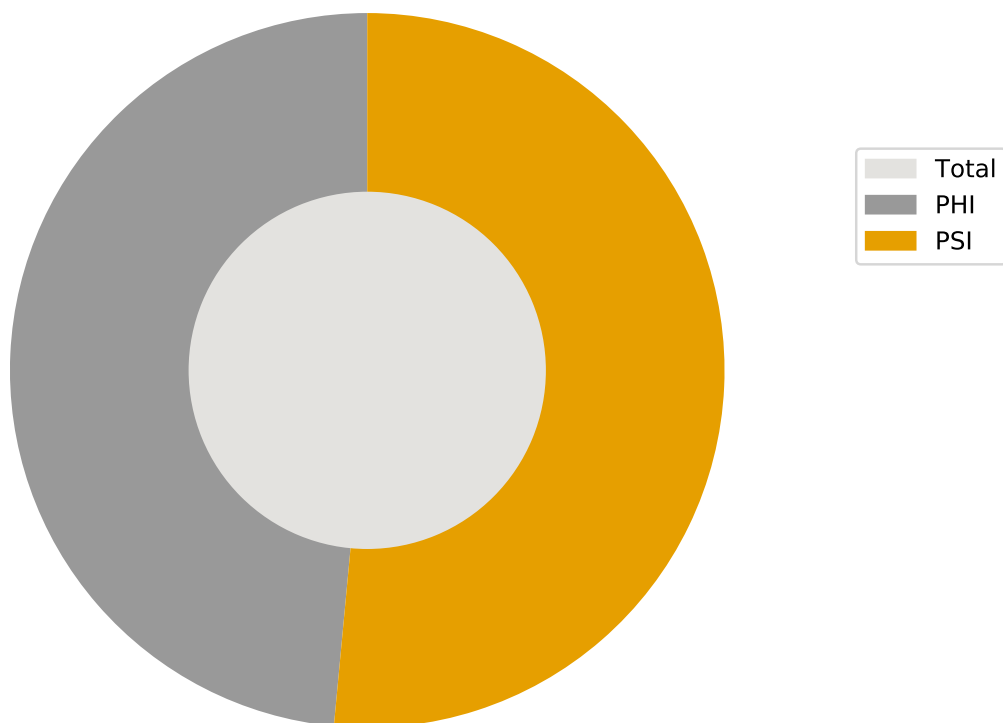
9 Dihedral angle restraints analysis

9.1 Dihedral angle restraints summary

Angle name	Count	%
PHI	228	48.5
PSI	242	51.5
Total	470	100.0

9.1.1 Pie chart : Dihedral angle restraints

There are 0 unmapped restraints



9.2 Dihedral angle violations

The following table provides the summary of violated restraints. Restraints that are violated at least in one model are counted as violated.

Angle name	Count	% ¹	% ²
PHI	128	56.1	42.1
PSI	176	72.7	57.9

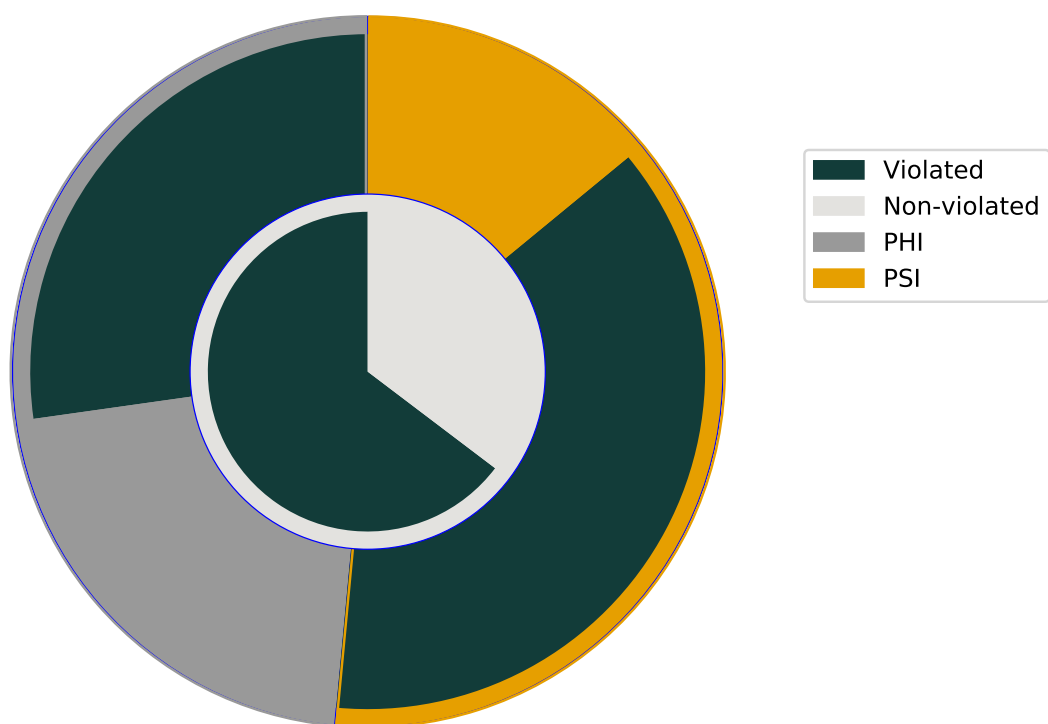
Continued on next page...

Continued from previous page...

Angle name	Count	% ¹	% ²
Total	304	64.7	100.0

¹percentage of violated restraints in that particular angle type, ²percentage of violation in total violations.

9.2.1 Pie chart : Dihedral angle violations



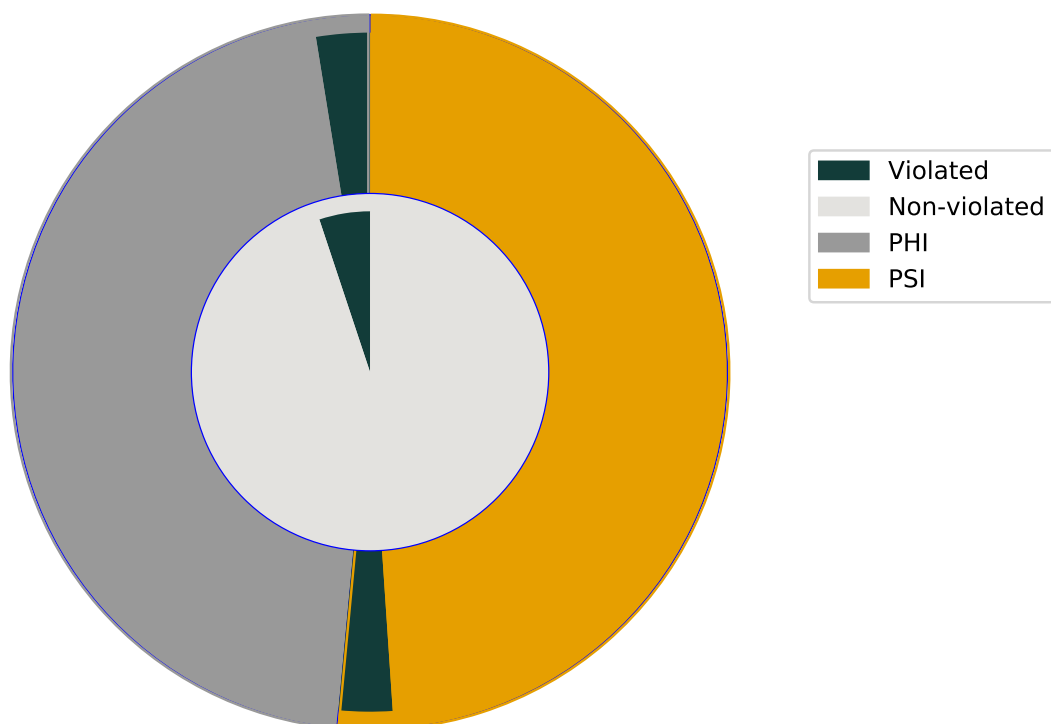
9.3 Consistent dihedral angle violations

The following table provides the summary of consistently violated restraints. Restraints that are violated in all models are counted as consistently violated.

Angle name	Count	% ¹	% ²
PHI	12	5.3	50.0
PSI	12	5.0	50.0
Total	24	5.1	100.0

¹percentage of violated restraints in that particular angle type, ²percentage of violation in total violations.

9.3.1 Pie chart : Consistent dihedral angle violations



9.4 Residual dihedral angle violations

Violation are counted in different bin sizes and listed below

Range (°)	Avg. No. of violated restraints per model	Max violation (°)
0.0-5.0	64.3	4.99
5.0-10.0	10.5	9.79
10.0-20.0	8.6	19.75
20.0-40.0	15.1	39.98
40.0-80.0	13.6	69.9
80.0<	None	None

9.5 Dihedral angle violations in the ensemble

The restraints are grouped based on the number of violated models and listed here.

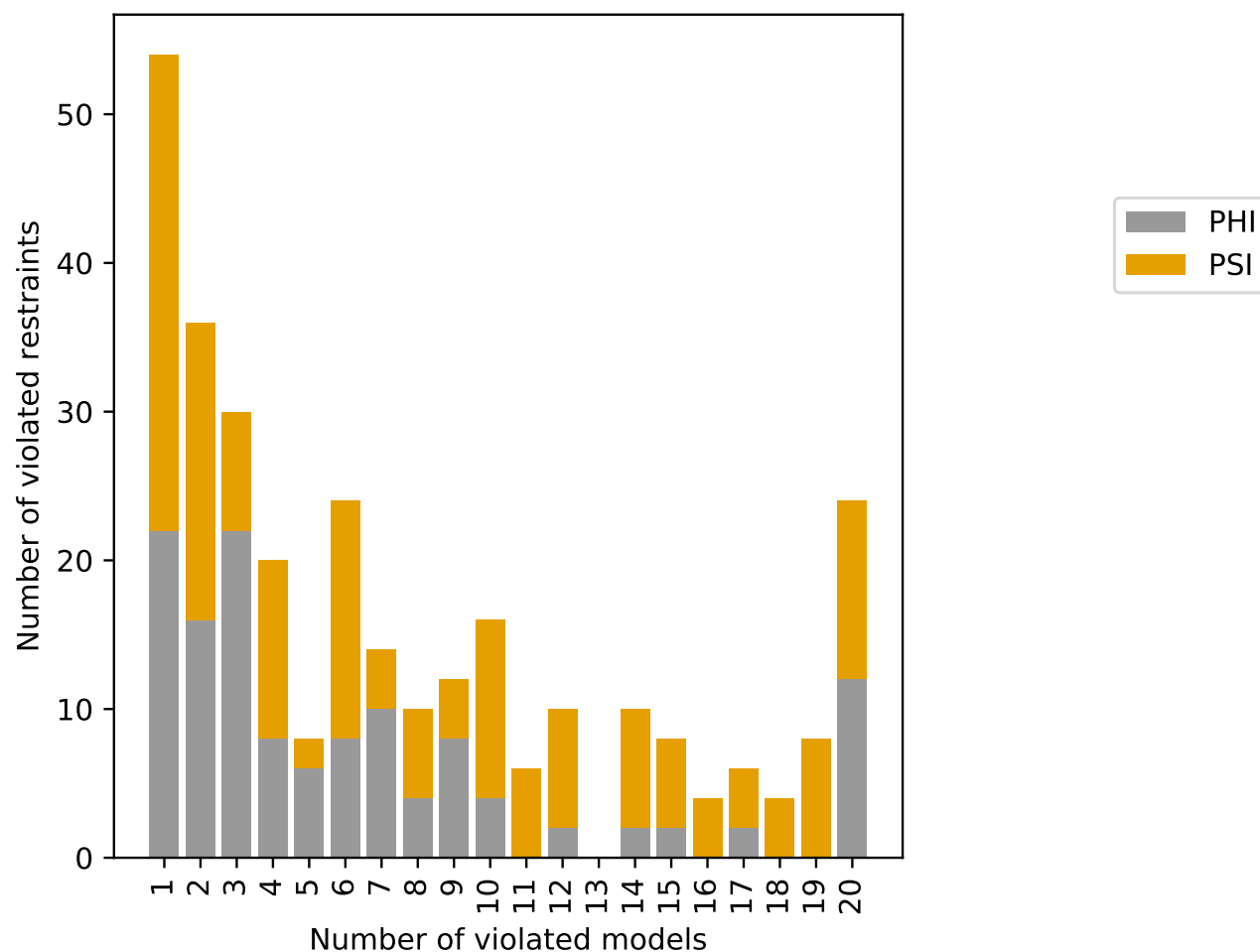
No. of violated restraints			No. of violated models
PHI	PSI	Total	
22	32	54	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

No. of violated restraints			No. of violated models
PHI	PSI	Total	
16	20	36	2
22	8	30	3
8	12	20	4
6	2	8	5
8	16	24	6
10	4	14	7
4	6	10	8
8	4	12	9
4	12	16	10
0	6	6	11
2	8	10	12
0	0	0	13
2	8	10	14
2	6	8	15
0	4	4	16
2	4	6	17
0	4	4	18
0	8	8	19
12	12	24	20

9.5.1 Bar graph : No. of models vs No. of violations



9.6 Violations in each model

The following table lists the violation count in each model in the ensemble

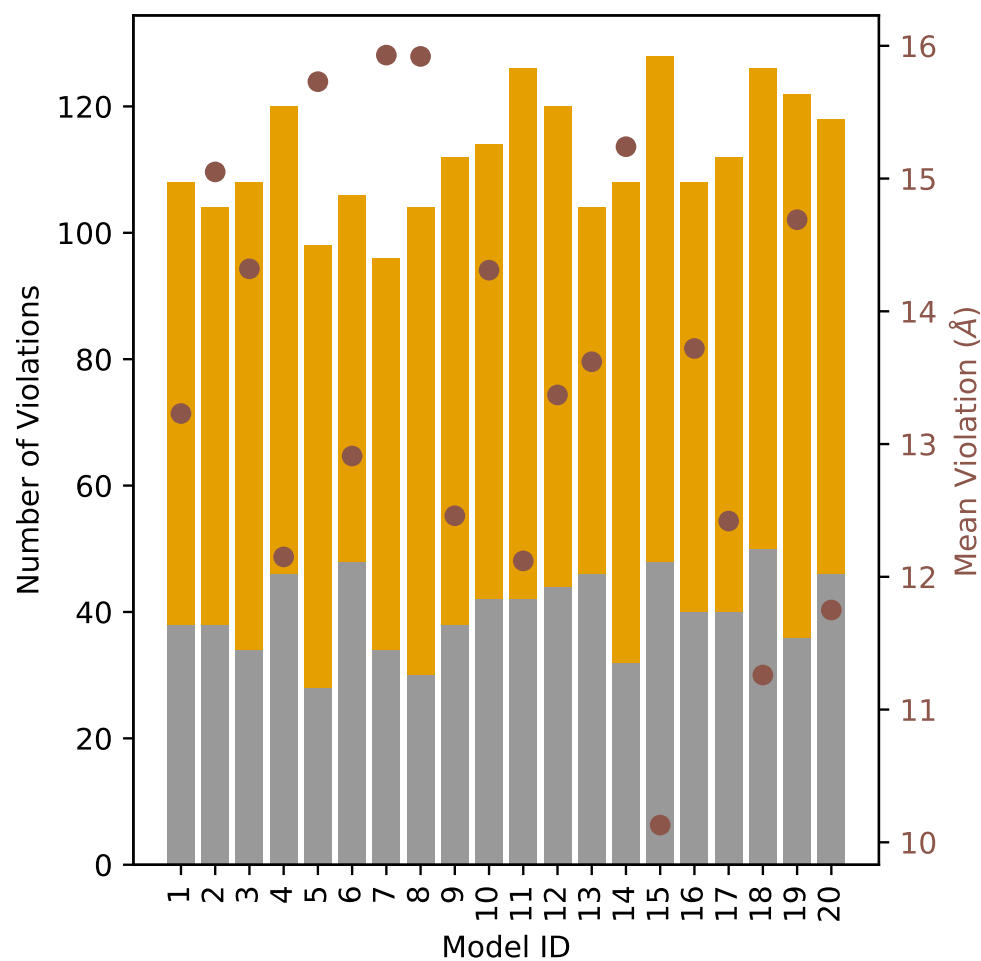
Model ID	No. of violations			Mean (°)	Max (°)
	PHI	PSI	Total		
1	38	70	108	13.23	66.84
2	38	66	104	15.05	64.25
3	34	74	108	14.32	65.72
4	46	74	120	12.15	58.78
5	28	70	98	15.73	65.67
6	48	58	106	12.91	69.9
7	34	62	96	15.93	62.88
8	30	74	104	15.92	68.01
9	38	74	112	12.46	69.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Model ID	No. of violations			Mean (°)	Max (°)
	PHI	PSI	Total		
10	42	72	114	14.31	62.84
11	42	84	126	12.12	57.53
12	44	76	120	13.37	66.14
13	46	58	104	13.62	68.39
14	32	76	108	15.24	62.75
15	48	80	128	10.13	50.19
16	40	68	108	13.72	68.6
17	40	72	112	12.42	64.33
18	50	76	126	11.26	61.22
19	36	86	122	14.69	65.55
20	46	72	118	11.75	68.26

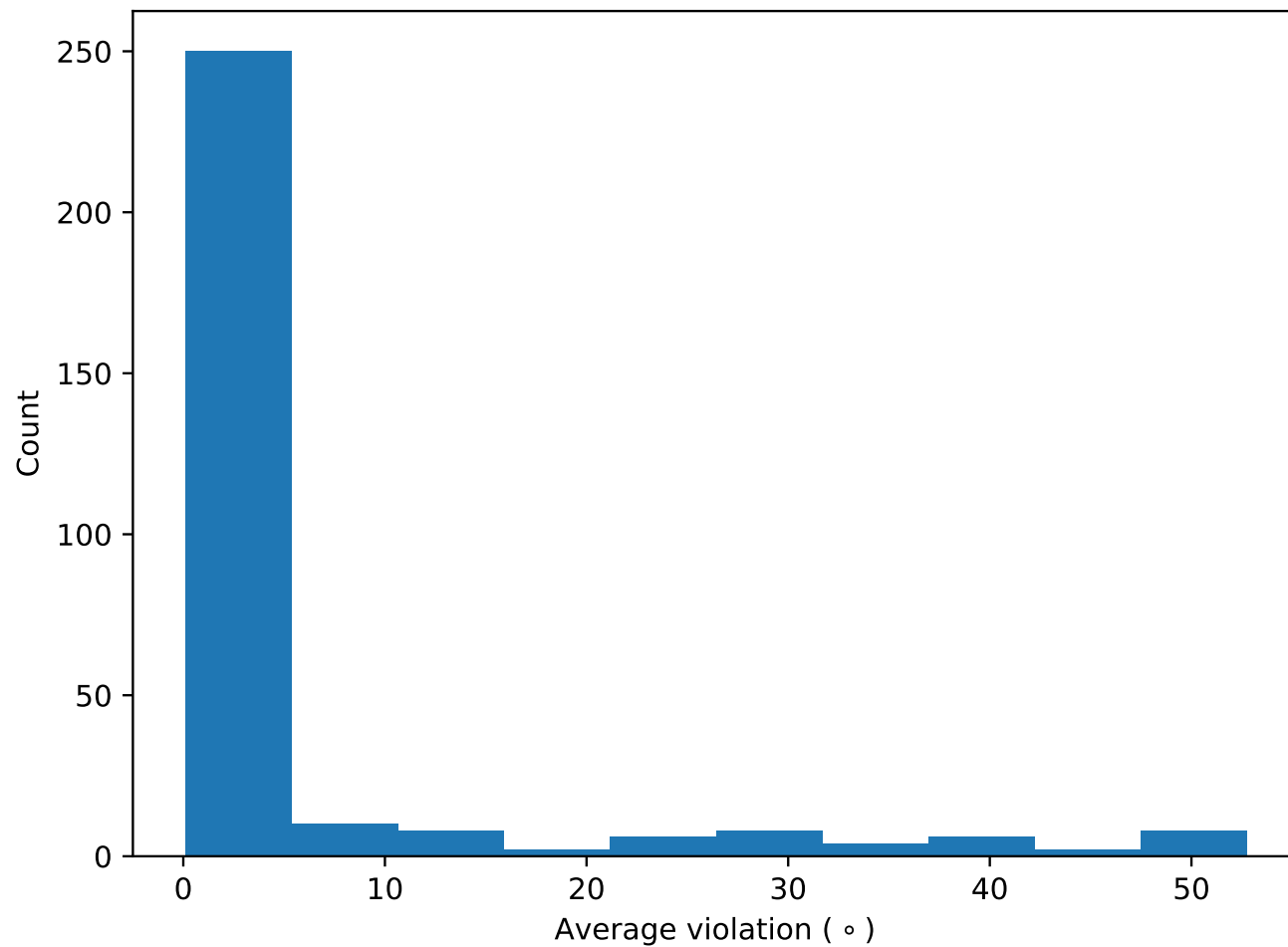
9.6.1 Bar graph : Violations in each model



9.7 Most violated dihedral angle restraints

9.7.1 Histogram : Distribution of mean dihedral angle violations

The following histogram shows the distribution of average violation of each restraint



9.7.2 Table: Most violated dihedral angle restraints

The following table lists the average violation of each restraint sorted by number of violated models

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models	Mean (°)	Max (°)
(1,409)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	20	52.73	69.9
(1,174)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	20	52.73	69.9
(1,94)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	18	36.42	66.14
(1,329)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	18	36.42	66.14
(1,304)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	20	44.05	63.31
(1,69)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	20	44.05	63.31
(1,344)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	20	41.59	60.79
(1,109)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	20	41.59	60.79
(1,412)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	20	29.23	51.98
(1,177)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	20	29.23	51.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models	Mean (°)	Max (°)
(1,417)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	20	39.99	51.12
(1,182)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	20	39.99	51.12
(1,338)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	19	31.19	45.31
(1,103)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	19	31.19	45.31
(1,59)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	17	28.55	45.11
(1,294)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	17	28.55	45.11
(1,281)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	19	33.32	43.84
(1,46)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	19	33.32	43.84
(1,144)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	20	23.55	35.88
(1,379)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	20	23.55	35.88
(1,373)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	19	21.93	34.58
(1,138)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	19	21.93	34.58
(1,105)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	16	18.18	30.49
(1,340)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	16	18.18	30.49
(1,389)	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	9	11.86	20.75
(1,154)	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	9	11.86	20.75
(1,148)	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	15	11.36	19.35
(1,383)	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	15	11.36	19.35
(1,134)	1:A:85:MET:N	1:A:85:MET:CA	1:A:85:MET:C	1:A:86:ILE:N	8	11.37	17.21
(1,369)	1:A:85:MET:N	1:A:85:MET:CA	1:A:85:MET:C	1:A:86:ILE:N	8	11.37	17.21
(1,387)	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	14	6.42	16.19
(1,152)	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	14	6.42	16.19
(1,284)	1:A:31:ASN:N	1:A:31:ASN:CA	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	11	9.25	15.65
(1,49)	1:A:31:ASN:N	1:A:31:ASN:CA	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	11	9.25	15.65
(1,156)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	17	7.85	14.49
(1,391)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	17	7.85	14.49
(1,110)	1:A:70:PRO:N	1:A:70:PRO:CA	1:A:70:PRO:C	1:A:71:ILE:N	14	4.03	11.32
(1,345)	1:A:70:PRO:N	1:A:70:PRO:CA	1:A:70:PRO:C	1:A:71:ILE:N	14	4.03	11.32
(1,393)	1:A:97:SER:N	1:A:97:SER:CA	1:A:97:SER:C	1:A:98:HIS:N	1	11.09	11.09
(1,158)	1:A:97:SER:N	1:A:97:SER:CA	1:A:97:SER:C	1:A:98:HIS:N	1	11.09	11.09
(1,423)	1:A:115:CYS:N	1:A:115:CYS:CA	1:A:115:CYS:C	1:A:116:ILE:N	14	4.85	9.58
(1,188)	1:A:115:CYS:N	1:A:115:CYS:CA	1:A:115:CYS:C	1:A:116:ILE:N	14	4.85	9.58
(1,61)	1:A:39:GLU:N	1:A:39:GLU:CA	1:A:39:GLU:C	1:A:40:GLY:N	5	2.78	8.67
(1,296)	1:A:39:GLU:N	1:A:39:GLU:CA	1:A:39:GLU:C	1:A:40:GLY:N	5	2.78	8.67
(1,397)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	16	3.44	8.66
(1,162)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	16	3.44	8.66
(1,456)	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	1:A:134:TYR:N	12	4.49	7.85
(1,221)	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	1:A:134:TYR:N	12	4.49	7.85
(1,186)	1:A:114:TYR:N	1:A:114:TYR:CA	1:A:114:TYR:C	1:A:115:CYS:N	12	3.46	7.67
(1,421)	1:A:114:TYR:N	1:A:114:TYR:CA	1:A:114:TYR:C	1:A:115:CYS:N	12	3.46	7.67
(1,419)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	18	2.8	7.11
(1,184)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	18	2.8	7.11
(1,42)	1:A:24:GLY:N	1:A:24:GLY:CA	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	15	3.31	6.97
(1,277)	1:A:24:GLY:N	1:A:24:GLY:CA	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	15	3.31	6.97
(1,261)	1:A:15:MET:N	1:A:15:MET:CA	1:A:15:MET:C	1:A:16:GLN:N	4	3.02	6.75
(1,26)	1:A:15:MET:N	1:A:15:MET:CA	1:A:15:MET:C	1:A:16:GLN:N	4	3.02	6.75
(1,315)	1:A:52:PHE:N	1:A:52:PHE:CA	1:A:52:PHE:C	1:A:53:THR:N	4	3.58	6.6
(1,80)	1:A:52:PHE:N	1:A:52:PHE:CA	1:A:52:PHE:C	1:A:53:THR:N	4	3.58	6.6
(1,395)	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	1:A:99:LEU:N	10	3.25	6.55
(1,160)	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	1:A:99:LEU:N	10	3.25	6.55
(1,336)	1:A:65:PRO:N	1:A:65:PRO:CA	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	14	2.44	6.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models	Mean (°)	Max (°)
(1,101)	1:A:65:PRO:N	1:A:65:PRO:CA	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	14	2.44	6.27
(1,116)	1:A:74:GLU:N	1:A:74:GLU:CA	1:A:74:GLU:C	1:A:75:VAL:N	3	3.39	6.02
(1,351)	1:A:74:GLU:N	1:A:74:GLU:CA	1:A:74:GLU:C	1:A:75:VAL:N	3	3.39	6.02
(1,349)	1:A:73:GLU:N	1:A:73:GLU:CA	1:A:73:GLU:C	1:A:74:GLU:N	10	2.19	5.83
(1,114)	1:A:73:GLU:N	1:A:73:GLU:CA	1:A:73:GLU:C	1:A:74:GLU:N	10	2.19	5.83
(1,292)	1:A:37:LYS:N	1:A:37:LYS:CA	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	6	2.5	5.76
(1,57)	1:A:37:LYS:N	1:A:37:LYS:CA	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	6	2.5	5.76
(1,365)	1:A:82:SER:N	1:A:82:SER:CA	1:A:82:SER:C	1:A:83:HIS:N	7	2.63	5.63
(1,130)	1:A:82:SER:N	1:A:82:SER:CA	1:A:82:SER:C	1:A:83:HIS:N	7	2.63	5.63
(1,229)	1:A:138:LEU:N	1:A:138:LEU:CA	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	12	1.98	5.61
(1,464)	1:A:138:LEU:N	1:A:138:LEU:CA	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	12	1.98	5.61
(1,112)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:GLU:N	15	1.69	5.48
(1,347)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:GLU:N	15	1.69	5.48
(1,458)	1:A:135:GLU:N	1:A:135:GLU:CA	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	6	3.36	5.41
(1,223)	1:A:135:GLU:N	1:A:135:GLU:CA	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	6	3.36	5.41
(1,470)	1:A:141:PHE:N	1:A:141:PHE:CA	1:A:141:PHE:C	1:A:142:ASN:N	10	2.7	5.12
(1,235)	1:A:141:PHE:N	1:A:141:PHE:CA	1:A:141:PHE:C	1:A:142:ASN:N	10	2.7	5.12
(1,342)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	4	2.17	4.9
(1,107)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	4	2.17	4.9
(1,136)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	6	2.21	4.76
(1,371)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	6	2.21	4.76
(1,313)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	19	2.05	4.67
(1,78)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	19	2.05	4.67
(1,90)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ASP:N	8	2.66	4.64
(1,325)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ASP:N	8	2.66	4.64
(1,385)	1:A:93:ARG:N	1:A:93:ARG:CA	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	10	2.17	4.54
(1,150)	1:A:93:ARG:N	1:A:93:ARG:CA	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	10	2.17	4.54
(1,319)	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	1:A:55:LYS:N	10	2.07	4.37
(1,84)	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	1:A:55:LYS:N	10	2.07	4.37
(1,237)	1:A:3:TYR:N	1:A:3:TYR:CA	1:A:3:TYR:C	1:A:4:ASN:N	8	2.27	4.34
(1,2)	1:A:3:TYR:N	1:A:3:TYR:CA	1:A:3:TYR:C	1:A:4:ASN:N	8	2.27	4.34
(1,331)	1:A:61:GLN:N	1:A:61:GLN:CA	1:A:61:GLN:C	1:A:62:CYS:N	2	2.86	4.31
(1,96)	1:A:61:GLN:N	1:A:61:GLN:CA	1:A:61:GLN:C	1:A:62:CYS:N	2	2.86	4.31
(1,282)	1:A:27:PRO:N	1:A:27:PRO:CA	1:A:27:PRO:C	1:A:28:PRO:N	7	2.67	4.03
(1,47)	1:A:27:PRO:N	1:A:27:PRO:CA	1:A:27:PRO:C	1:A:28:PRO:N	7	2.67	4.03
(1,233)	1:A:140:LEU:N	1:A:140:LEU:CA	1:A:140:LEU:C	1:A:141:PHE:N	11	2.51	3.87
(1,468)	1:A:140:LEU:N	1:A:140:LEU:CA	1:A:140:LEU:C	1:A:141:PHE:N	11	2.51	3.87
(1,227)	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	1:A:138:LEU:N	2	1.98	3.8
(1,462)	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	1:A:138:LEU:N	2	1.98	3.8
(1,375)	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	1:A:89:GLU:N	10	2.08	3.54
(1,140)	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	1:A:89:GLU:N	10	2.08	3.54
(1,82)	1:A:53:THR:N	1:A:53:THR:CA	1:A:53:THR:C	1:A:54:SER:N	4	1.91	3.5
(1,317)	1:A:53:THR:N	1:A:53:THR:CA	1:A:53:THR:C	1:A:54:SER:N	4	1.91	3.5
(1,410)	1:A:107:PRO:N	1:A:107:PRO:CA	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	11	1.61	3.41
(1,175)	1:A:107:PRO:N	1:A:107:PRO:CA	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	11	1.61	3.41
(1,300)	1:A:42:TYR:N	1:A:42:TYR:CA	1:A:42:TYR:C	1:A:43:VAL:N	9	1.21	3.22
(1,65)	1:A:42:TYR:N	1:A:42:TYR:CA	1:A:42:TYR:C	1:A:43:VAL:N	9	1.21	3.22
(1,312)	1:A:49:LYS:N	1:A:49:LYS:CA	1:A:49:LYS:C	1:A:50:PRO:N	2	1.94	3.21
(1,77)	1:A:49:LYS:N	1:A:49:LYS:CA	1:A:49:LYS:C	1:A:50:PRO:N	2	1.94	3.21
(1,92)	1:A:59:ASP:N	1:A:59:ASP:CA	1:A:59:ASP:C	1:A:60:SER:N	6	2.13	3.16
(1,327)	1:A:59:ASP:N	1:A:59:ASP:CA	1:A:59:ASP:C	1:A:60:SER:N	6	2.13	3.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models	Mean (°)	Max (°)
(1,367)	1:A:84:GLY:N	1:A:84:GLY:CA	1:A:84:GLY:C	1:A:85:MET:N	6	2.45	3.15
(1,132)	1:A:84:GLY:N	1:A:84:GLY:CA	1:A:84:GLY:C	1:A:85:MET:N	6	2.45	3.15
(1,323)	1:A:57:LYS:N	1:A:57:LYS:CA	1:A:57:LYS:C	1:A:58:PHE:N	3	1.89	3.11
(1,88)	1:A:57:LYS:N	1:A:57:LYS:CA	1:A:57:LYS:C	1:A:58:PHE:N	3	1.89	3.11
(1,290)	1:A:35:ASP:N	1:A:35:ASP:CA	1:A:35:ASP:C	1:A:36:HIS:N	1	3.05	3.05
(1,55)	1:A:35:ASP:N	1:A:35:ASP:CA	1:A:35:ASP:C	1:A:36:HIS:N	1	3.05	3.05
(1,357)	1:A:77:GLU:N	1:A:77:GLU:CA	1:A:77:GLU:C	1:A:78:LYS:N	2	2.13	3.03
(1,122)	1:A:77:GLU:N	1:A:77:GLU:CA	1:A:77:GLU:C	1:A:78:LYS:N	2	2.13	3.03
(1,355)	1:A:76:GLU:N	1:A:76:GLU:CA	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLU:N	12	1.46	3.01
(1,120)	1:A:76:GLU:N	1:A:76:GLU:CA	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLU:N	12	1.46	3.01
(1,128)	1:A:80:ASP:N	1:A:80:ASP:CA	1:A:80:ASP:C	1:A:81:THR:N	4	2.03	2.89
(1,363)	1:A:80:ASP:N	1:A:80:ASP:CA	1:A:80:ASP:C	1:A:81:THR:N	4	2.03	2.89
(1,166)	1:A:101:HIS:N	1:A:101:HIS:CA	1:A:101:HIS:C	1:A:102:VAL:N	6	1.36	2.71
(1,401)	1:A:101:HIS:N	1:A:101:HIS:CA	1:A:101:HIS:C	1:A:102:VAL:N	6	1.36	2.71
(1,200)	1:A:122:ARG:N	1:A:122:ARG:CA	1:A:122:ARG:C	1:A:123:PHE:N	6	1.29	2.62
(1,435)	1:A:122:ARG:N	1:A:122:ARG:CA	1:A:122:ARG:C	1:A:123:PHE:N	6	1.29	2.62
(1,269)	1:A:19:VAL:N	1:A:19:VAL:CA	1:A:19:VAL:C	1:A:20:THR:N	2	1.52	2.58
(1,34)	1:A:19:VAL:N	1:A:19:VAL:CA	1:A:19:VAL:C	1:A:20:THR:N	2	1.52	2.58
(1,194)	1:A:118:SER:N	1:A:118:SER:CA	1:A:118:SER:C	1:A:119:ALA:N	1	2.53	2.53
(1,429)	1:A:118:SER:N	1:A:118:SER:CA	1:A:118:SER:C	1:A:119:ALA:N	1	2.53	2.53
(1,178)	1:A:109:PRO:N	1:A:109:PRO:CA	1:A:109:PRO:C	1:A:110:ASN:N	2	1.33	2.51
(1,413)	1:A:109:PRO:N	1:A:109:PRO:CA	1:A:109:PRO:C	1:A:110:ASN:N	2	1.33	2.51
(1,310)	1:A:47:SER:N	1:A:47:SER:CA	1:A:47:SER:C	1:A:48:GLY:N	2	2.09	2.49
(1,75)	1:A:47:SER:N	1:A:47:SER:CA	1:A:47:SER:C	1:A:48:GLY:N	2	2.09	2.49
(1,460)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	6	1.64	2.46
(1,225)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	6	1.64	2.46
(1,28)	1:A:16:GLN:N	1:A:16:GLN:CA	1:A:16:GLN:C	1:A:17:TYR:N	1	2.16	2.16
(1,263)	1:A:16:GLN:N	1:A:16:GLN:CA	1:A:16:GLN:C	1:A:17:TYR:N	1	2.16	2.16
(1,168)	1:A:102:VAL:N	1:A:102:VAL:CA	1:A:102:VAL:C	1:A:103:PHE:N	2	1.7	2.04
(1,403)	1:A:102:VAL:N	1:A:102:VAL:CA	1:A:102:VAL:C	1:A:103:PHE:N	2	1.7	2.04
(1,333)	1:A:62:CYS:N	1:A:62:CYS:CA	1:A:62:CYS:C	1:A:63:GLY:N	2	0.91	1.78
(1,98)	1:A:62:CYS:N	1:A:62:CYS:CA	1:A:62:CYS:C	1:A:63:GLY:N	2	0.91	1.78
(1,239)	1:A:4:ASN:N	1:A:4:ASN:CA	1:A:4:ASN:C	1:A:5:LYS:N	4	1.05	1.78
(1,4)	1:A:4:ASN:N	1:A:4:ASN:CA	1:A:4:ASN:C	1:A:5:LYS:N	4	1.05	1.78
(1,415)	1:A:110:ASN:N	1:A:110:ASN:CA	1:A:110:ASN:C	1:A:111:GLY:N	1	1.56	1.56
(1,180)	1:A:110:ASN:N	1:A:110:ASN:CA	1:A:110:ASN:C	1:A:111:GLY:N	1	1.56	1.56
(1,243)	1:A:6:GLU:N	1:A:6:GLU:CA	1:A:6:GLU:C	1:A:7:GLU:N	1	1.46	1.46
(1,8)	1:A:6:GLU:N	1:A:6:GLU:CA	1:A:6:GLU:C	1:A:7:GLU:N	1	1.46	1.46
(1,286)	1:A:32:GLU:N	1:A:32:GLU:CA	1:A:32:GLU:C	1:A:33:TYR:N	3	0.82	1.25
(1,51)	1:A:32:GLU:N	1:A:32:GLU:CA	1:A:32:GLU:C	1:A:33:TYR:N	3	0.82	1.25
(1,407)	1:A:105:ASP:N	1:A:105:ASP:CA	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1	1.21	1.21
(1,172)	1:A:105:ASP:N	1:A:105:ASP:CA	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1	1.21	1.21
(1,431)	1:A:119:ALA:N	1:A:119:ALA:CA	1:A:119:ALA:C	1:A:120:ALA:N	2	0.61	1.18
(1,196)	1:A:119:ALA:N	1:A:119:ALA:CA	1:A:119:ALA:C	1:A:120:ALA:N	2	0.61	1.18
(1,241)	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	1:A:6:GLU:N	1	1.12	1.12
(1,6)	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	1:A:6:GLU:N	1	1.12	1.12
(1,437)	1:A:123:PHE:N	1:A:123:PHE:CA	1:A:123:PHE:C	1:A:124:VAL:N	1	1.09	1.09
(1,202)	1:A:123:PHE:N	1:A:123:PHE:CA	1:A:123:PHE:C	1:A:124:VAL:N	1	1.09	1.09
(1,192)	1:A:117:ASN:N	1:A:117:ASN:CA	1:A:117:ASN:C	1:A:118:SER:N	1	0.92	0.92
(1,427)	1:A:117:ASN:N	1:A:117:ASN:CA	1:A:117:ASN:C	1:A:118:SER:N	1	0.92	0.92
(1,63)	1:A:41:LEU:N	1:A:41:LEU:CA	1:A:41:LEU:C	1:A:42:TYR:N	1	0.91	0.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models	Mean (°)	Max (°)
(1,298)	1:A:41:LEU:N	1:A:41:LEU:CA	1:A:41:LEU:C	1:A:42:TYR:N	1	0.91	0.91
(1,100)	1:A:64:TRP:N	1:A:64:TRP:CA	1:A:64:TRP:C	1:A:65:PRO:N	3	0.45	0.88
(1,335)	1:A:64:TRP:N	1:A:64:TRP:CA	1:A:64:TRP:C	1:A:65:PRO:N	3	0.45	0.88
(1,466)	1:A:139:HIS:N	1:A:139:HIS:CA	1:A:139:HIS:C	1:A:140:LEU:N	1	0.85	0.85
(1,231)	1:A:139:HIS:N	1:A:139:HIS:CA	1:A:139:HIS:C	1:A:140:LEU:N	1	0.85	0.85
(1,321)	1:A:55:LYS:N	1:A:55:LYS:CA	1:A:55:LYS:C	1:A:56:ASP:N	1	0.82	0.82
(1,86)	1:A:55:LYS:N	1:A:55:LYS:CA	1:A:55:LYS:C	1:A:56:ASP:N	1	0.82	0.82
(1,146)	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	1:A:92:SER:N	1	0.48	0.48
(1,381)	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	1:A:92:SER:N	1	0.48	0.48
(1,439)	1:A:124:VAL:N	1:A:124:VAL:CA	1:A:124:VAL:C	1:A:125:PRO:N	1	0.29	0.29
(1,204)	1:A:124:VAL:N	1:A:124:VAL:CA	1:A:124:VAL:C	1:A:125:PRO:N	1	0.29	0.29
(1,10)	1:A:7:GLU:N	1:A:7:GLU:CA	1:A:7:GLU:C	1:A:8:LYS:N	1	0.13	0.13
(1,245)	1:A:7:GLU:N	1:A:7:GLU:CA	1:A:7:GLU:C	1:A:8:LYS:N	1	0.13	0.13
(1,43)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	20	50.29	69.47
(1,278)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	20	50.29	69.47
(1,173)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	20	52.06	68.6
(1,408)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	20	52.06	68.6
(1,343)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	20	40.4	66.84
(1,108)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	20	40.4	66.84
(1,163)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	20	28.71	65.33
(1,398)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	20	28.71	65.33
(1,137)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	20	49.01	63.56
(1,372)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	20	49.01	63.56
(1,58)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	20	22.23	52.32
(1,293)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	20	22.23	52.32
(1,153)	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	14	6.79	19.74
(1,388)	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	14	6.79	19.74
(1,155)	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	9	7.43	16.13
(1,390)	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	9	7.43	16.13
(1,145)	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	15	4.26	13.11
(1,380)	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	15	4.26	13.11
(1,157)	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	1:A:97:SER:CA	1:A:97:SER:C	10	5.08	12.44
(1,392)	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	1:A:97:SER:CA	1:A:97:SER:C	10	5.08	12.44
(1,386)	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	9	2.7	9.26
(1,151)	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	9	2.7	9.26
(1,465)	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	1:A:139:HIS:CA	1:A:139:HIS:C	8	4.39	8.83
(1,230)	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	1:A:139:HIS:CA	1:A:139:HIS:C	8	4.39	8.83
(1,79)	1:A:51:LEU:C	1:A:52:PHE:N	1:A:52:PHE:CA	1:A:52:PHE:C	9	2.15	7.56
(1,314)	1:A:51:LEU:C	1:A:52:PHE:N	1:A:52:PHE:CA	1:A:52:PHE:C	9	2.15	7.56
(1,324)	1:A:57:LYS:C	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	7	2.83	7.27
(1,89)	1:A:57:LYS:C	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	7	2.83	7.27
(1,220)	1:A:132:GLU:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	12	2.32	7.21
(1,455)	1:A:132:GLU:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	12	2.32	7.21
(1,87)	1:A:56:ASP:C	1:A:57:LYS:N	1:A:57:LYS:CA	1:A:57:LYS:C	10	2.45	6.9
(1,322)	1:A:56:ASP:C	1:A:57:LYS:N	1:A:57:LYS:CA	1:A:57:LYS:C	10	2.45	6.9
(1,11)	1:A:7:GLU:C	1:A:8:LYS:N	1:A:8:LYS:CA	1:A:8:LYS:C	2	3.52	6.8
(1,246)	1:A:7:GLU:C	1:A:8:LYS:N	1:A:8:LYS:CA	1:A:8:LYS:C	2	3.52	6.8
(1,139)	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	7	2.6	6.6
(1,374)	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	7	2.6	6.6
(1,25)	1:A:14:ARG:C	1:A:15:MET:N	1:A:15:MET:CA	1:A:15:MET:C	4	2.54	5.84
(1,260)	1:A:14:ARG:C	1:A:15:MET:N	1:A:15:MET:CA	1:A:15:MET:C	4	2.54	5.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models	Mean (°)	Max (°)
(1,451)	1:A:130:LYS:C	1:A:131:GLU:N	1:A:131:GLU:CA	1:A:131:GLU:C	7	2.37	5.49
(1,216)	1:A:130:LYS:C	1:A:131:GLU:N	1:A:131:GLU:CA	1:A:131:GLU:C	7	2.37	5.49
(1,224)	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	9	2.73	5.48
(1,459)	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	9	2.73	5.48
(1,159)	1:A:97:SER:C	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	6	2.71	5.35
(1,394)	1:A:97:SER:C	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	6	2.71	5.35
(1,181)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	17	3.36	5.34
(1,416)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	17	3.36	5.34
(1,378)	1:A:89:GLU:C	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	8	1.48	4.91
(1,143)	1:A:89:GLU:C	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	8	1.48	4.91
(1,176)	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	6	2.52	4.69
(1,411)	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	6	2.52	4.69
(1,74)	1:A:46:VAL:C	1:A:47:SER:N	1:A:47:SER:CA	1:A:47:SER:C	4	1.84	4.34
(1,309)	1:A:46:VAL:C	1:A:47:SER:N	1:A:47:SER:CA	1:A:47:SER:C	4	1.84	4.34
(1,382)	1:A:91:ARG:C	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	3	2.65	4.27
(1,147)	1:A:91:ARG:C	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	3	2.65	4.27
(1,50)	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	1:A:32:GLU:CA	1:A:32:GLU:C	5	2.71	4.12
(1,285)	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	1:A:32:GLU:CA	1:A:32:GLU:C	5	2.71	4.12
(1,133)	1:A:84:GLY:C	1:A:85:MET:N	1:A:85:MET:CA	1:A:85:MET:C	2	2.92	3.55
(1,368)	1:A:84:GLY:C	1:A:85:MET:N	1:A:85:MET:CA	1:A:85:MET:C	2	2.92	3.55
(1,414)	1:A:109:PRO:C	1:A:110:ASN:N	1:A:110:ASN:CA	1:A:110:ASN:C	7	1.27	3.39
(1,179)	1:A:109:PRO:C	1:A:110:ASN:N	1:A:110:ASN:CA	1:A:110:ASN:C	7	1.27	3.39
(1,362)	1:A:79:LEU:C	1:A:80:ASP:N	1:A:80:ASP:CA	1:A:80:ASP:C	4	2.23	3.35
(1,127)	1:A:79:LEU:C	1:A:80:ASP:N	1:A:80:ASP:CA	1:A:80:ASP:C	4	2.23	3.35
(1,364)	1:A:81:THR:C	1:A:82:SER:N	1:A:82:SER:CA	1:A:82:SER:C	3	1.73	3.31
(1,129)	1:A:81:THR:C	1:A:82:SER:N	1:A:82:SER:CA	1:A:82:SER:C	3	1.73	3.31
(1,52)	1:A:32:GLU:C	1:A:33:TYR:N	1:A:33:TYR:CA	1:A:33:TYR:C	3	1.36	3.23
(1,287)	1:A:32:GLU:C	1:A:33:TYR:N	1:A:33:TYR:CA	1:A:33:TYR:C	3	1.36	3.23
(1,467)	1:A:139:HIS:C	1:A:140:LEU:N	1:A:140:LEU:CA	1:A:140:LEU:C	3	1.1	3.22
(1,232)	1:A:139:HIS:C	1:A:140:LEU:N	1:A:140:LEU:CA	1:A:140:LEU:C	3	1.1	3.22
(1,254)	1:A:11:SER:C	1:A:12:LEU:N	1:A:12:LEU:CA	1:A:12:LEU:C	6	1.51	3.17
(1,19)	1:A:11:SER:C	1:A:12:LEU:N	1:A:12:LEU:CA	1:A:12:LEU:C	6	1.51	3.17
(1,238)	1:A:3:TYR:C	1:A:4:ASN:N	1:A:4:ASN:CA	1:A:4:ASN:C	3	1.25	3.14
(1,3)	1:A:3:TYR:C	1:A:4:ASN:N	1:A:4:ASN:CA	1:A:4:ASN:C	3	1.25	3.14
(1,56)	1:A:36:HIS:C	1:A:37:LYS:N	1:A:37:LYS:CA	1:A:37:LYS:C	5	0.9	2.91
(1,291)	1:A:36:HIS:C	1:A:37:LYS:N	1:A:37:LYS:CA	1:A:37:LYS:C	5	0.9	2.91
(1,318)	1:A:53:THR:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	7	1.59	2.73
(1,83)	1:A:53:THR:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	7	1.59	2.73
(1,9)	1:A:6:GLU:C	1:A:7:GLU:N	1:A:7:GLU:CA	1:A:7:GLU:C	1	2.53	2.53
(1,244)	1:A:6:GLU:C	1:A:7:GLU:N	1:A:7:GLU:CA	1:A:7:GLU:C	1	2.53	2.53
(1,330)	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	1:A:61:GLN:CA	1:A:61:GLN:C	2	2.05	2.51
(1,95)	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	1:A:61:GLN:CA	1:A:61:GLN:C	2	2.05	2.51
(1,102)	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	2	1.99	2.34
(1,337)	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	2	1.99	2.34
(1,461)	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	3	1.78	2.25
(1,226)	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	3	1.78	2.25
(1,99)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:TRP:N	1:A:64:TRP:CA	1:A:64:TRP:C	2	1.57	2.17
(1,334)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:TRP:N	1:A:64:TRP:CA	1:A:64:TRP:C	2	1.57	2.17
(1,218)	1:A:131:GLU:C	1:A:132:GLU:N	1:A:132:GLU:CA	1:A:132:GLU:C	3	1.27	2.06
(1,453)	1:A:131:GLU:C	1:A:132:GLU:N	1:A:132:GLU:CA	1:A:132:GLU:C	3	1.27	2.06
(1,91)	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ASP:N	1:A:59:ASP:CA	1:A:59:ASP:C	3	0.76	1.67

Continued on next page...

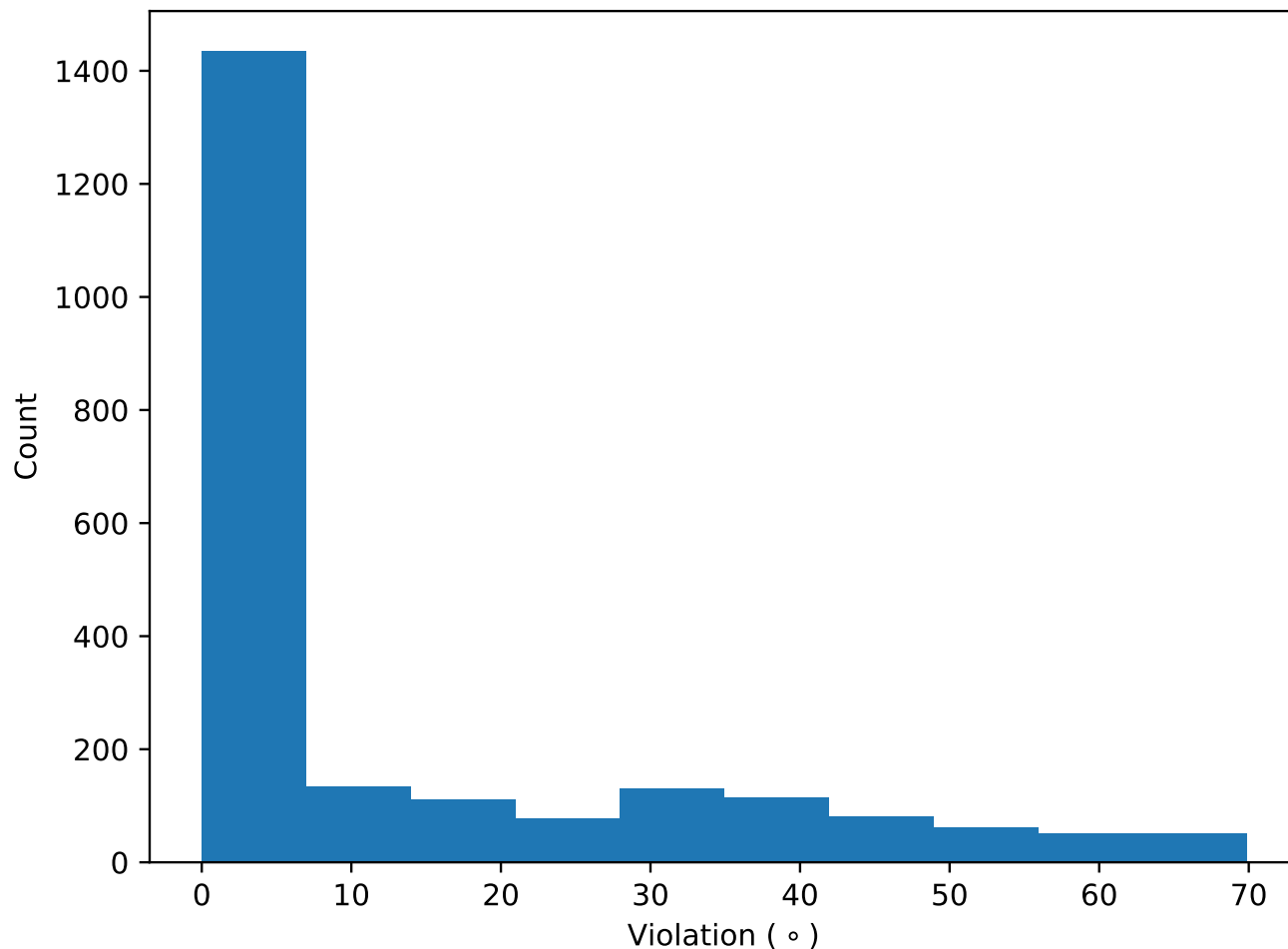
Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models	Mean (°)	Max (°)
(1,326)	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ASP:N	1:A:59:ASP:CA	1:A:59:ASP:C	3	0.76	1.67
(1,341)	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:C	2	1.03	1.59
(1,106)	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:C	2	1.03	1.59
(1,45)	1:A:25:THR:C	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1	1.42	1.42
(1,280)	1:A:25:THR:C	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1	1.42	1.42
(1,117)	1:A:74:GLU:C	1:A:75:VAL:N	1:A:75:VAL:CA	1:A:75:VAL:C	1	1.23	1.23
(1,104)	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	3	0.96	1.23
(1,339)	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	3	0.96	1.23
(1,352)	1:A:74:GLU:C	1:A:75:VAL:N	1:A:75:VAL:CA	1:A:75:VAL:C	1	1.23	1.23
(1,119)	1:A:75:VAL:C	1:A:76:GLU:N	1:A:76:GLU:CA	1:A:76:GLU:C	1	1.22	1.22
(1,354)	1:A:75:VAL:C	1:A:76:GLU:N	1:A:76:GLU:CA	1:A:76:GLU:C	1	1.22	1.22
(1,350)	1:A:73:GLU:C	1:A:74:GLU:N	1:A:74:GLU:CA	1:A:74:GLU:C	3	0.91	1.21
(1,115)	1:A:73:GLU:C	1:A:74:GLU:N	1:A:74:GLU:CA	1:A:74:GLU:C	3	0.91	1.21
(1,311)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:LYS:N	1:A:49:LYS:CA	1:A:49:LYS:C	1	1.21	1.21
(1,76)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:LYS:N	1:A:49:LYS:CA	1:A:49:LYS:C	1	1.21	1.21
(1,406)	1:A:104:ASN:C	1:A:105:ASP:N	1:A:105:ASP:CA	1:A:105:ASP:C	6	0.72	1.08
(1,171)	1:A:104:ASN:C	1:A:105:ASP:N	1:A:105:ASP:CA	1:A:105:ASP:C	6	0.72	1.08
(1,97)	1:A:61:GLN:C	1:A:62:CYS:N	1:A:62:CYS:CA	1:A:62:CYS:C	5	0.38	0.89
(1,332)	1:A:61:GLN:C	1:A:62:CYS:N	1:A:62:CYS:CA	1:A:62:CYS:C	5	0.38	0.89
(1,161)	1:A:98:HIS:C	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	4	0.56	0.85
(1,396)	1:A:98:HIS:C	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	4	0.56	0.85
(1,384)	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	1:A:93:ARG:CA	1:A:93:ARG:C	3	0.67	0.81
(1,149)	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	1:A:93:ARG:CA	1:A:93:ARG:C	3	0.67	0.81
(1,262)	1:A:15:MET:C	1:A:16:GLN:N	1:A:16:GLN:CA	1:A:16:GLN:C	1	0.77	0.77
(1,27)	1:A:15:MET:C	1:A:16:GLN:N	1:A:16:GLN:CA	1:A:16:GLN:C	1	0.77	0.77
(1,404)	1:A:102:VAL:C	1:A:103:PHE:N	1:A:103:PHE:CA	1:A:103:PHE:C	2	0.37	0.73
(1,169)	1:A:102:VAL:C	1:A:103:PHE:N	1:A:103:PHE:CA	1:A:103:PHE:C	2	0.37	0.73
(1,123)	1:A:77:GLU:C	1:A:78:LYS:N	1:A:78:LYS:CA	1:A:78:LYS:C	1	0.6	0.6
(1,358)	1:A:77:GLU:C	1:A:78:LYS:N	1:A:78:LYS:CA	1:A:78:LYS:C	1	0.6	0.6
(1,328)	1:A:59:ASP:C	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1	0.48	0.48
(1,93)	1:A:59:ASP:C	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1	0.48	0.48
(1,469)	1:A:140:LEU:C	1:A:141:PHE:N	1:A:141:PHE:CA	1:A:141:PHE:C	2	0.36	0.39
(1,234)	1:A:140:LEU:C	1:A:141:PHE:N	1:A:141:PHE:CA	1:A:141:PHE:C	2	0.36	0.39
(1,457)	1:A:134:TYR:C	1:A:135:GLU:N	1:A:135:GLU:CA	1:A:135:GLU:C	1	0.36	0.36
(1,222)	1:A:134:TYR:C	1:A:135:GLU:N	1:A:135:GLU:CA	1:A:135:GLU:C	1	0.36	0.36
(1,135)	1:A:85:MET:C	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1	0.25	0.25
(1,370)	1:A:85:MET:C	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1	0.25	0.25
(1,85)	1:A:54:SER:C	1:A:55:LYS:N	1:A:55:LYS:CA	1:A:55:LYS:C	1	0.14	0.14
(1,320)	1:A:54:SER:C	1:A:55:LYS:N	1:A:55:LYS:CA	1:A:55:LYS:C	1	0.14	0.14

9.8 All violated dihedral angle restraints

9.8.1 Histogram : Distribution of violations

The following histogram shows the distribution of violations in the ensemble.



9.8.2 Table: All violated dihedral angle restraints

The following table lists the violations in the ensemble sorted by violation value

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,409)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	6	69.9
(1,174)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	6	69.9
(1,43)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	9	69.47
(1,278)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	9	69.47
(1,408)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	16	68.6
(1,173)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	16	68.6
(1,408)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	13	68.39
(1,173)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	13	68.39
(1,43)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	20	68.26
(1,278)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	20	68.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,409)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	8	68.01
(1,174)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	8	68.01
(1,343)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1	66.84
(1,108)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1	66.84
(1,343)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	8	66.32
(1,108)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	8	66.32
(1,94)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	12	66.14
(1,329)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	12	66.14
(1,408)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	3	65.72
(1,173)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	3	65.72
(1,94)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	5	65.67
(1,329)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	5	65.67
(1,408)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	19	65.55
(1,173)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	19	65.55
(1,408)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	6	65.44
(1,173)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	6	65.44
(1,343)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	19	65.36
(1,108)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	19	65.36
(1,398)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	19	65.33
(1,163)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	19	65.33
(1,43)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	13	64.85
(1,278)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	13	64.85
(1,94)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	19	64.62
(1,329)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	19	64.62
(1,409)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	5	64.58
(1,174)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	5	64.58
(1,408)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	17	64.33
(1,173)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	17	64.33
(1,409)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	2	64.25
(1,174)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	2	64.25
(1,372)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	3	63.56
(1,137)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	3	63.56
(1,409)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	19	63.45
(1,174)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	19	63.45
(1,69)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	13	63.31
(1,304)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	13	63.31
(1,343)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	6	63.16
(1,108)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	6	63.16
(1,69)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	19	63.07
(1,304)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	19	63.07
(1,408)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	7	62.88
(1,173)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	7	62.88
(1,408)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	10	62.84
(1,173)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	10	62.84
(1,408)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	14	62.75
(1,173)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	14	62.75
(1,409)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	17	62.64
(1,174)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	17	62.64
(1,409)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	9	62.54
(1,174)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	9	62.54
(1,69)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	5	61.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,304)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	5	61.81
(1,372)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1	61.48
(1,137)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1	61.48
(1,408)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	18	61.22
(1,173)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	18	61.22
(1,344)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	5	60.79
(1,109)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	5	60.79
(1,43)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	2	60.78
(1,278)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	2	60.78
(1,372)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	9	60.25
(1,137)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	9	60.25
(1,409)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	12	60.05
(1,174)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	12	60.05
(1,69)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	20	59.89
(1,304)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	20	59.89
(1,372)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	7	59.6
(1,137)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	7	59.6
(1,409)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	10	59.44
(1,174)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	10	59.44
(1,43)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	18	59.09
(1,278)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	18	59.09
(1,43)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	3	59.01
(1,278)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	3	59.01
(1,409)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	4	58.78
(1,174)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	4	58.78
(1,343)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	12	58.24
(1,108)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	12	58.24
(1,94)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	2	58.22
(1,329)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	2	58.22
(1,344)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	7	58.04
(1,109)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	7	58.04
(1,408)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	11	57.53
(1,173)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	11	57.53
(1,344)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	18	57.16
(1,109)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	18	57.16
(1,409)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	7	56.6
(1,174)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	7	56.6
(1,69)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	2	55.96
(1,304)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	2	55.96
(1,372)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	8	55.76
(1,137)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	8	55.76
(1,43)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	10	55.75
(1,278)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	10	55.75
(1,343)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	16	55.09
(1,108)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	16	55.09
(1,409)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	1	55.06
(1,174)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	1	55.06
(1,372)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	13	54.68
(1,137)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	13	54.68
(1,408)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	8	54.5
(1,173)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	8	54.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,409)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	11	54.41
(1,174)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	11	54.41
(1,43)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	5	54.27
(1,278)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	5	54.27
(1,43)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	17	53.9
(1,278)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	17	53.9
(1,43)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	8	53.63
(1,278)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	8	53.63
(1,94)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	3	53.48
(1,329)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	3	53.48
(1,409)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	14	53.37
(1,174)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	14	53.37
(1,94)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	10	53.06
(1,329)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	10	53.06
(1,344)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	20	52.43
(1,109)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	20	52.43
(1,58)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	7	52.32
(1,293)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	7	52.32
(1,412)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	14	51.98
(1,177)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	14	51.98
(1,344)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	2	51.25
(1,109)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	2	51.25
(1,372)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	10	51.14
(1,137)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	10	51.14
(1,417)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	1	51.12
(1,182)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	1	51.12
(1,409)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	3	51.01
(1,174)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	3	51.01
(1,43)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	12	50.94
(1,278)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	12	50.94
(1,372)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	5	50.81
(1,137)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	5	50.81
(1,372)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	15	50.19
(1,137)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	15	50.19
(1,344)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	4	50.18
(1,109)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	4	50.18
(1,343)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	17	50.11
(1,108)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	17	50.11
(1,412)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	19	49.99
(1,177)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	19	49.99
(1,412)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	11	49.94
(1,177)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	11	49.94
(1,343)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	2	49.83
(1,108)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	2	49.83
(1,417)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	11	49.39
(1,182)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	11	49.39
(1,344)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	12	49.13
(1,109)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	12	49.13
(1,417)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	8	49.12
(1,182)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	8	49.12
(1,372)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	6	48.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,137)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	6	48.35
(1,43)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	15	48.09
(1,278)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	15	48.09
(1,412)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	20	47.89
(1,177)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	20	47.89
(1,408)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	5	47.32
(1,173)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	5	47.32
(1,372)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	14	47.07
(1,137)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	14	47.07
(1,417)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	13	46.95
(1,182)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	13	46.95
(1,372)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	2	46.92
(1,137)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	2	46.92
(1,344)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	8	46.39
(1,109)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	8	46.39
(1,43)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	11	46.23
(1,278)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	11	46.23
(1,372)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	4	46.17
(1,137)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	4	46.17
(1,417)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	12	46.09
(1,182)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	12	46.09
(1,408)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	15	45.32
(1,173)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	15	45.32
(1,338)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	7	45.31
(1,103)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	7	45.31
(1,69)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	12	45.12
(1,304)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	12	45.12
(1,59)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	8	45.11
(1,294)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	8	45.11
(1,43)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	19	45.06
(1,278)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	19	45.06
(1,372)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	12	45.04
(1,137)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	12	45.04
(1,94)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	11	44.86
(1,69)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	15	44.86
(1,329)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	11	44.86
(1,304)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	15	44.86
(1,94)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	14	44.6
(1,329)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	14	44.6
(1,94)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	16	44.51
(1,329)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	16	44.51
(1,372)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	11	44.49
(1,137)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	11	44.49
(1,344)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	9	44.37
(1,109)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	9	44.37
(1,417)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	18	44.26
(1,182)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	18	44.26
(1,417)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	2	43.85
(1,182)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	2	43.85
(1,46)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	2	43.84
(1,281)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	2	43.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,408)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1	43.7
(1,173)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1	43.7
(1,43)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	14	43.67
(1,43)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	16	43.67
(1,278)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	14	43.67
(1,278)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	16	43.67
(1,46)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	17	43.63
(1,281)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	17	43.63
(1,417)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	10	43.56
(1,182)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	10	43.56
(1,59)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	3	43.45
(1,294)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	3	43.45
(1,69)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	4	43.25
(1,304)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	4	43.25
(1,372)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	18	43.23
(1,137)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	18	43.23
(1,344)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	1	43.22
(1,109)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	1	43.22
(1,43)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	4	43.14
(1,278)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	4	43.14
(1,408)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	12	43.12
(1,173)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	12	43.12
(1,372)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	16	42.88
(1,137)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	16	42.88
(1,94)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	6	42.07
(1,329)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	6	42.07
(1,338)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	18	41.95
(1,103)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	18	41.95
(1,417)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	7	41.84
(1,182)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	7	41.84
(1,69)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	10	41.46
(1,304)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	10	41.46
(1,417)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	14	41.35
(1,338)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	3	41.35
(1,182)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	14	41.35
(1,103)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	3	41.35
(1,338)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	2	40.93
(1,103)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	2	40.93
(1,343)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	7	40.84
(1,108)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	7	40.84
(1,338)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	11	40.64
(1,103)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	11	40.64
(1,338)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	4	40.63
(1,103)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	4	40.63
(1,69)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	8	40.61
(1,304)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	8	40.61
(1,412)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	8	40.49
(1,338)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	8	40.49
(1,177)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	8	40.49
(1,103)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	8	40.49
(1,69)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	14	40.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,412)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	13	40.24
(1,304)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	14	40.24
(1,177)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	13	40.24
(1,417)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	5	40.1
(1,182)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	5	40.1
(1,338)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	19	40.05
(1,103)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	19	40.05
(1,59)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	18	39.98
(1,294)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	18	39.98
(1,58)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	2	39.94
(1,293)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	2	39.94
(1,338)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	9	39.92
(1,103)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	9	39.92
(1,46)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	4	39.81
(1,281)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	4	39.81
(1,417)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	17	39.61
(1,182)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	17	39.61
(1,338)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	6	39.24
(1,103)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	6	39.24
(1,69)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	9	39.05
(1,304)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	9	39.05
(1,69)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	1	38.91
(1,338)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	10	38.91
(1,304)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	1	38.91
(1,103)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	10	38.91
(1,417)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	6	38.85
(1,182)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	6	38.85
(1,69)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	11	38.8
(1,304)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	11	38.8
(1,59)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	1	38.54
(1,294)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	1	38.54
(1,344)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	19	38.37
(1,109)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	19	38.37
(1,46)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	3	38.32
(1,281)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	3	38.32
(1,343)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	4	38.21
(1,108)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	4	38.21
(1,46)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	14	38.13
(1,281)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	14	38.13
(1,94)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	9	38.11
(1,329)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	9	38.11
(1,344)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	14	38.02
(1,109)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	14	38.02
(1,372)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	17	37.8
(1,137)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	17	37.8
(1,46)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	1	37.71
(1,281)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	1	37.71
(1,344)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	3	37.5
(1,109)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	3	37.5
(1,59)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	10	37.33
(1,294)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	10	37.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,58)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	16	37.3
(1,293)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	16	37.3
(1,372)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	19	37.12
(1,137)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	19	37.12
(1,46)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	18	37.06
(1,281)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	18	37.06
(1,69)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	16	37.0
(1,304)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	16	37.0
(1,46)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	6	36.87
(1,281)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	6	36.87
(1,46)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	8	36.64
(1,281)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	8	36.64
(1,417)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	3	36.58
(1,182)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	3	36.58
(1,43)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	1	36.5
(1,278)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	1	36.5
(1,46)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	10	36.42
(1,281)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	10	36.42
(1,398)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	11	35.91
(1,163)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	11	35.91
(1,379)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	10	35.88
(1,144)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	10	35.88
(1,408)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	20	35.81
(1,173)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	20	35.81
(1,398)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	14	35.79
(1,163)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	14	35.79
(1,379)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	5	35.74
(1,144)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	5	35.74
(1,409)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	16	35.71
(1,174)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	16	35.71
(1,69)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	6	35.64
(1,304)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	6	35.64
(1,412)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	12	35.58
(1,177)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	12	35.58
(1,69)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	3	35.42
(1,304)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	3	35.42
(1,338)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	14	35.28
(1,103)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	14	35.28
(1,59)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	7	35.2
(1,294)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	7	35.2
(1,343)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	5	34.78
(1,108)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	5	34.78
(1,58)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	19	34.73
(1,293)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	19	34.73
(1,398)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	17	34.71
(1,163)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	17	34.71
(1,373)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	14	34.58
(1,138)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	14	34.58
(1,343)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	9	34.56
(1,108)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	9	34.56
(1,373)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	10	34.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,138)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	10	34.52
(1,409)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	13	34.41
(1,174)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	13	34.41
(1,69)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	18	34.25
(1,304)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	18	34.25
(1,417)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	16	34.12
(1,182)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	16	34.12
(1,58)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	4	33.89
(1,293)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	4	33.89
(1,417)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	20	33.87
(1,182)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	20	33.87
(1,46)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	13	33.69
(1,372)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	20	33.69
(1,281)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	13	33.69
(1,137)	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	20	33.69
(1,344)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	17	33.47
(1,109)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	17	33.47
(1,398)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	20	33.28
(1,163)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	20	33.28
(1,46)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	16	33.09
(1,281)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	16	33.09
(1,417)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	4	33.02
(1,182)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	4	33.02
(1,409)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	15	32.73
(1,174)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	15	32.73
(1,338)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	13	32.57
(1,103)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	13	32.57
(1,408)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	4	32.42
(1,173)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	4	32.42
(1,379)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	7	32.35
(1,344)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	10	32.35
(1,144)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	7	32.35
(1,109)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	10	32.35
(1,59)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	9	32.29
(1,294)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	9	32.29
(1,344)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	15	32.2
(1,109)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	15	32.2
(1,398)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	1	31.94
(1,163)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	1	31.94
(1,59)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	4	31.78
(1,294)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	4	31.78
(1,398)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	12	31.3
(1,163)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	12	31.3
(1,46)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	11	31.29
(1,281)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	11	31.29
(1,69)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	7	31.24
(1,304)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	7	31.24
(1,59)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	19	31.16
(1,417)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	19	31.16
(1,294)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	19	31.16
(1,182)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	19	31.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,398)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	9	31.12
(1,163)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	9	31.12
(1,344)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	6	31.11
(1,109)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	6	31.11
(1,69)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	17	31.08
(1,304)	1:A:44:ASP:N	1:A:44:ASP:CA	1:A:44:ASP:C	1:A:45:ILE:N	17	31.08
(1,398)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	6	30.9
(1,163)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	6	30.9
(1,417)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	15	30.76
(1,379)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	4	30.76
(1,182)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	15	30.76
(1,144)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	4	30.76
(1,373)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	17	30.72
(1,138)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	17	30.72
(1,59)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	13	30.61
(1,294)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	13	30.61
(1,340)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	7	30.49
(1,105)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	7	30.49
(1,373)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	7	30.45
(1,138)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	7	30.45
(1,46)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	7	30.41
(1,281)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	7	30.41
(1,46)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	12	30.33
(1,281)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	12	30.33
(1,412)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	17	30.31
(1,177)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	17	30.31
(1,379)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	3	30.21
(1,144)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	3	30.21
(1,343)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	20	30.14
(1,108)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	20	30.14
(1,340)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	13	30.09
(1,105)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	13	30.09
(1,58)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	10	30.01
(1,293)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	10	30.01
(1,58)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	17	29.96
(1,293)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	17	29.96
(1,59)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	5	29.69
(1,294)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	5	29.69
(1,412)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	9	29.54
(1,177)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	9	29.54
(1,343)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	15	29.51
(1,108)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	15	29.51
(1,412)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	15	29.5
(1,177)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	15	29.5
(1,379)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	8	29.47
(1,144)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	8	29.47
(1,340)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	3	29.19
(1,105)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	3	29.19
(1,373)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	3	29.14
(1,138)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	3	29.14
(1,343)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	10	29.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,108)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	10	29.12
(1,58)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	11	28.96
(1,293)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	11	28.96
(1,373)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	6	28.72
(1,138)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	6	28.72
(1,373)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	8	28.71
(1,138)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	8	28.71
(1,379)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	9	28.64
(1,144)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	9	28.64
(1,343)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	3	28.56
(1,108)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	3	28.56
(1,409)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	20	28.45
(1,174)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	20	28.45
(1,398)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	16	28.39
(1,163)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	16	28.39
(1,46)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	19	28.38
(1,281)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	19	28.38
(1,344)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	16	27.94
(1,109)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	16	27.94
(1,412)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	10	27.69
(1,177)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	10	27.69
(1,338)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	15	27.39
(1,103)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	15	27.39
(1,343)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	18	27.01
(1,108)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	18	27.01
(1,398)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	18	26.58
(1,163)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	18	26.58
(1,46)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	5	26.44
(1,281)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	5	26.44
(1,373)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	11	26.4
(1,138)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	11	26.4
(1,340)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	11	26.27
(1,105)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	11	26.27
(1,398)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	4	26.19
(1,163)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	4	26.19
(1,344)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	13	26.13
(1,109)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	13	26.13
(1,340)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	4	26.1
(1,105)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	4	26.1
(1,340)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	14	26.05
(1,105)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	14	26.05
(1,412)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	5	25.6
(1,177)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	5	25.6
(1,398)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	13	25.4
(1,163)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	13	25.4
(1,43)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	7	25.21
(1,278)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	7	25.21
(1,398)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	10	24.99
(1,163)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	10	24.99
(1,379)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	16	24.57
(1,144)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	16	24.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,417)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	9	24.22
(1,182)	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1:A:113:ARG:N	9	24.22
(1,43)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	6	24.21
(1,278)	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1:A:25:THR:CA	1:A:25:THR:C	6	24.21
(1,373)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	16	23.98
(1,138)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	16	23.98
(1,58)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	15	23.95
(1,293)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	15	23.95
(1,379)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	15	23.92
(1,144)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	15	23.92
(1,379)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	18	23.3
(1,144)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	18	23.3
(1,379)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1	23.26
(1,144)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1	23.26
(1,94)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	15	23.23
(1,329)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	15	23.23
(1,59)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	12	22.72
(1,294)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	12	22.72
(1,379)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	13	22.54
(1,144)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	13	22.54
(1,412)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	1	22.48
(1,177)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	1	22.48
(1,343)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	14	22.29
(1,108)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	14	22.29
(1,398)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	8	22.22
(1,163)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	8	22.22
(1,412)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	16	22.16
(1,177)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	16	22.16
(1,398)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	7	21.76
(1,340)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	9	21.76
(1,163)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	7	21.76
(1,105)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	9	21.76
(1,344)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	11	21.73
(1,109)	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	1:A:70:PRO:N	11	21.73
(1,59)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	20	21.71
(1,294)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	20	21.71
(1,412)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	2	21.48
(1,177)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	2	21.48
(1,379)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	11	21.28
(1,144)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	11	21.28
(1,58)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	20	21.25
(1,293)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	20	21.25
(1,398)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	2	21.15
(1,163)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	2	21.15
(1,373)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	15	20.96
(1,138)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	15	20.96
(1,389)	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	16	20.75
(1,154)	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	16	20.75
(1,373)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	12	20.49
(1,138)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	12	20.49
(1,58)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1	20.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,293)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1	20.4
(1,338)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	16	20.28
(1,103)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	16	20.28
(1,379)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	17	19.75
(1,144)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	17	19.75
(1,388)	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	20	19.74
(1,153)	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	20	19.74
(1,398)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	15	19.73
(1,163)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	15	19.73
(1,373)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	9	19.69
(1,138)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	9	19.69
(1,46)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	15	19.68
(1,281)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	15	19.68
(1,340)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	17	19.64
(1,105)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	17	19.64
(1,383)	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	14	19.35
(1,148)	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	14	19.35
(1,340)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	5	19.23
(1,105)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	5	19.23
(1,409)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	18	19.14
(1,174)	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	1:A:107:PRO:N	18	19.14
(1,379)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	12	19.07
(1,144)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	12	19.07
(1,383)	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	2	19.05
(1,148)	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	2	19.05
(1,408)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	2	18.93
(1,173)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	2	18.93
(1,389)	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	20	18.87
(1,154)	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	20	18.87
(1,379)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	2	18.76
(1,144)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	2	18.76
(1,340)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	12	18.33
(1,105)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	12	18.33
(1,373)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	1	18.01
(1,138)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	1	18.01
(1,373)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	2	17.82
(1,138)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	2	17.82
(1,379)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	20	17.66
(1,144)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	20	17.66
(1,412)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	18	17.61
(1,177)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	18	17.61
(1,369)	1:A:85:MET:N	1:A:85:MET:CA	1:A:85:MET:C	1:A:86:ILE:N	15	17.21
(1,134)	1:A:85:MET:N	1:A:85:MET:CA	1:A:85:MET:C	1:A:86:ILE:N	15	17.21
(1,369)	1:A:85:MET:N	1:A:85:MET:CA	1:A:85:MET:C	1:A:86:ILE:N	18	17.02
(1,134)	1:A:85:MET:N	1:A:85:MET:CA	1:A:85:MET:C	1:A:86:ILE:N	18	17.02
(1,59)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	2	17.0
(1,294)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	2	17.0
(1,412)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	6	16.91
(1,177)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	6	16.91
(1,94)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	8	16.85
(1,329)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	8	16.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,369)	1:A:85:MET:N	1:A:85:MET:CA	1:A:85:MET:C	1:A:86:ILE:N	12	16.8
(1,134)	1:A:85:MET:N	1:A:85:MET:CA	1:A:85:MET:C	1:A:86:ILE:N	12	16.8
(1,398)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	3	16.65
(1,379)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	19	16.65
(1,163)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	3	16.65
(1,144)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	19	16.65
(1,383)	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	20	16.6
(1,148)	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	20	16.6
(1,388)	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	19	16.56
(1,153)	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	19	16.56
(1,58)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	14	16.55
(1,293)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	14	16.55
(1,383)	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	11	16.53
(1,148)	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	11	16.53
(1,387)	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	19	16.19
(1,152)	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	19	16.19
(1,379)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	6	16.16
(1,144)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	6	16.16
(1,390)	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	16	16.13
(1,155)	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	16	16.13
(1,383)	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	1	16.06
(1,148)	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	1	16.06
(1,389)	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	14	15.99
(1,154)	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	14	15.99
(1,58)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	6	15.9
(1,293)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	6	15.9
(1,383)	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	4	15.78
(1,148)	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	4	15.78
(1,49)	1:A:31:ASN:N	1:A:31:ASN:CA	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	2	15.65
(1,284)	1:A:31:ASN:N	1:A:31:ASN:CA	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	2	15.65
(1,390)	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	20	15.29
(1,155)	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	20	15.29
(1,408)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	9	14.88
(1,173)	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	1:A:106:GLY:CA	1:A:106:GLY:C	9	14.88
(1,59)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	14	14.79
(1,294)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	14	14.79
(1,373)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	4	14.74
(1,138)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	4	14.74
(1,412)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	7	14.73
(1,177)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	7	14.73
(1,390)	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	14	14.62
(1,155)	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	14	14.62
(1,49)	1:A:31:ASN:N	1:A:31:ASN:CA	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	18	14.58
(1,284)	1:A:31:ASN:N	1:A:31:ASN:CA	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	18	14.58
(1,391)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	16	14.49
(1,156)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	16	14.49
(1,369)	1:A:85:MET:N	1:A:85:MET:CA	1:A:85:MET:C	1:A:86:ILE:N	10	14.4
(1,134)	1:A:85:MET:N	1:A:85:MET:CA	1:A:85:MET:C	1:A:86:ILE:N	10	14.4
(1,343)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	13	14.32
(1,108)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	13	14.32
(1,58)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	12	14.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,293)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	12	14.04
(1,391)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	14	13.78
(1,156)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	14	13.78
(1,49)	1:A:31:ASN:N	1:A:31:ASN:CA	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	10	13.72
(1,284)	1:A:31:ASN:N	1:A:31:ASN:CA	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	10	13.72
(1,373)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	5	13.7
(1,138)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	5	13.7
(1,49)	1:A:31:ASN:N	1:A:31:ASN:CA	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	14	13.63
(1,284)	1:A:31:ASN:N	1:A:31:ASN:CA	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	14	13.63
(1,380)	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	17	13.11
(1,145)	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	17	13.11
(1,383)	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	12	13.09
(1,148)	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	12	13.09
(1,340)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	16	12.77
(1,105)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	16	12.77
(1,383)	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	9	12.46
(1,148)	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	9	12.46
(1,388)	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	14	12.45
(1,153)	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	14	12.45
(1,392)	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	1:A:97:SER:CA	1:A:97:SER:C	14	12.44
(1,157)	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	1:A:97:SER:CA	1:A:97:SER:C	14	12.44
(1,340)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	10	12.43
(1,105)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	10	12.43
(1,380)	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	10	12.4
(1,145)	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	10	12.4
(1,391)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	2	12.3
(1,156)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	2	12.3
(1,388)	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	16	12.21
(1,153)	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	16	12.21
(1,392)	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	1:A:97:SER:CA	1:A:97:SER:C	16	12.12
(1,157)	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	1:A:97:SER:CA	1:A:97:SER:C	16	12.12
(1,49)	1:A:31:ASN:N	1:A:31:ASN:CA	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	3	12.09
(1,284)	1:A:31:ASN:N	1:A:31:ASN:CA	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	3	12.09
(1,369)	1:A:85:MET:N	1:A:85:MET:CA	1:A:85:MET:C	1:A:86:ILE:N	8	11.94
(1,134)	1:A:85:MET:N	1:A:85:MET:CA	1:A:85:MET:C	1:A:86:ILE:N	8	11.94
(1,387)	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	16	11.79
(1,152)	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	16	11.79
(1,387)	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	20	11.74
(1,152)	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	20	11.74
(1,383)	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	8	11.42
(1,148)	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	8	11.42
(1,58)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	5	11.39
(1,293)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	5	11.39
(1,46)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	20	11.37
(1,281)	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	1:A:27:PRO:N	20	11.37
(1,345)	1:A:70:PRO:N	1:A:70:PRO:CA	1:A:70:PRO:C	1:A:71:ILE:N	5	11.32
(1,110)	1:A:70:PRO:N	1:A:70:PRO:CA	1:A:70:PRO:C	1:A:71:ILE:N	5	11.32
(1,393)	1:A:97:SER:N	1:A:97:SER:CA	1:A:97:SER:C	1:A:98:HIS:N	19	11.09
(1,158)	1:A:97:SER:N	1:A:97:SER:CA	1:A:97:SER:C	1:A:98:HIS:N	19	11.09
(1,338)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	5	11.03
(1,103)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	5	11.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,391)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	11	10.99
(1,156)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	11	10.99
(1,398)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	5	10.88
(1,163)	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	5	10.88
(1,391)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	12	10.74
(1,156)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	12	10.74
(1,389)	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	4	10.72
(1,154)	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	4	10.72
(1,392)	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	1:A:97:SER:CA	1:A:97:SER:C	20	10.71
(1,157)	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	1:A:97:SER:CA	1:A:97:SER:C	20	10.71
(1,391)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	9	10.7
(1,156)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	9	10.7
(1,389)	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	7	10.55
(1,154)	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	7	10.55
(1,94)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	4	10.53
(1,329)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	4	10.53
(1,383)	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	18	10.5
(1,148)	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	18	10.5
(1,391)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	8	10.24
(1,156)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	8	10.24
(1,49)	1:A:31:ASN:N	1:A:31:ASN:CA	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	4	10.23
(1,284)	1:A:31:ASN:N	1:A:31:ASN:CA	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	4	10.23
(1,49)	1:A:31:ASN:N	1:A:31:ASN:CA	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	8	9.79
(1,284)	1:A:31:ASN:N	1:A:31:ASN:CA	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	8	9.79
(1,58)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	3	9.69
(1,293)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	3	9.69
(1,423)	1:A:115:CYS:N	1:A:115:CYS:CA	1:A:115:CYS:C	1:A:116:ILE:N	13	9.58
(1,188)	1:A:115:CYS:N	1:A:115:CYS:CA	1:A:115:CYS:C	1:A:116:ILE:N	13	9.58
(1,387)	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	14	9.49
(1,152)	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	14	9.49
(1,94)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	7	9.45
(1,329)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	7	9.45
(1,373)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	20	9.29
(1,138)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	20	9.29
(1,386)	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	19	9.26
(1,151)	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	19	9.26
(1,383)	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	19	9.12
(1,148)	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	19	9.12
(1,389)	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	5	8.94
(1,154)	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	5	8.94
(1,369)	1:A:85:MET:N	1:A:85:MET:CA	1:A:85:MET:C	1:A:86:ILE:N	13	8.92
(1,134)	1:A:85:MET:N	1:A:85:MET:CA	1:A:85:MET:C	1:A:86:ILE:N	13	8.92
(1,465)	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	1:A:139:HIS:CA	1:A:139:HIS:C	18	8.83
(1,230)	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	1:A:139:HIS:CA	1:A:139:HIS:C	18	8.83
(1,340)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	2	8.73
(1,105)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	2	8.73
(1,373)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	19	8.7
(1,138)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	19	8.7
(1,61)	1:A:39:GLU:N	1:A:39:GLU:CA	1:A:39:GLU:C	1:A:40:GLY:N	15	8.67
(1,296)	1:A:39:GLU:N	1:A:39:GLU:CA	1:A:39:GLU:C	1:A:40:GLY:N	15	8.67
(1,397)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	3	8.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,162)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	3	8.66
(1,412)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	3	8.62
(1,177)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	3	8.62
(1,58)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	8	8.57
(1,293)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	8	8.57
(1,94)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	13	8.36
(1,329)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	13	8.36
(1,456)	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	1:A:134:TYR:N	4	7.85
(1,221)	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	1:A:134:TYR:N	4	7.85
(1,338)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	1	7.8
(1,103)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	1	7.8
(1,391)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	20	7.76
(1,156)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	20	7.76
(1,391)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	1	7.72
(1,156)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	1	7.72
(1,421)	1:A:114:TYR:N	1:A:114:TYR:CA	1:A:114:TYR:C	1:A:115:CYS:N	9	7.67
(1,186)	1:A:114:TYR:N	1:A:114:TYR:CA	1:A:114:TYR:C	1:A:115:CYS:N	9	7.67
(1,345)	1:A:70:PRO:N	1:A:70:PRO:CA	1:A:70:PRO:C	1:A:71:ILE:N	14	7.59
(1,110)	1:A:70:PRO:N	1:A:70:PRO:CA	1:A:70:PRO:C	1:A:71:ILE:N	14	7.59
(1,79)	1:A:51:LEU:C	1:A:52:PHE:N	1:A:52:PHE:CA	1:A:52:PHE:C	4	7.56
(1,314)	1:A:51:LEU:C	1:A:52:PHE:N	1:A:52:PHE:CA	1:A:52:PHE:C	4	7.56
(1,389)	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	17	7.48
(1,154)	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	17	7.48
(1,89)	1:A:57:LYS:C	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	15	7.27
(1,324)	1:A:57:LYS:C	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	15	7.27
(1,59)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	6	7.22
(1,294)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	6	7.22
(1,455)	1:A:132:GLU:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	5	7.21
(1,220)	1:A:132:GLU:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	5	7.21
(1,389)	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	10	7.18
(1,154)	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	10	7.18
(1,419)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	13	7.11
(1,184)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	13	7.11
(1,42)	1:A:24:GLY:N	1:A:24:GLY:CA	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	11	6.97
(1,277)	1:A:24:GLY:N	1:A:24:GLY:CA	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	11	6.97
(1,456)	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	1:A:134:TYR:N	12	6.94
(1,221)	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	1:A:134:TYR:N	12	6.94
(1,87)	1:A:56:ASP:C	1:A:57:LYS:N	1:A:57:LYS:CA	1:A:57:LYS:C	8	6.9
(1,322)	1:A:56:ASP:C	1:A:57:LYS:N	1:A:57:LYS:CA	1:A:57:LYS:C	8	6.9
(1,456)	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	1:A:134:TYR:N	18	6.86
(1,221)	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	1:A:134:TYR:N	18	6.86
(1,246)	1:A:7:GLU:C	1:A:8:LYS:N	1:A:8:LYS:CA	1:A:8:LYS:C	12	6.8
(1,11)	1:A:7:GLU:C	1:A:8:LYS:N	1:A:8:LYS:CA	1:A:8:LYS:C	12	6.8
(1,59)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	17	6.79
(1,294)	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	1:A:39:GLU:N	17	6.79
(1,397)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	4	6.78
(1,162)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	4	6.78
(1,42)	1:A:24:GLY:N	1:A:24:GLY:CA	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	8	6.77
(1,277)	1:A:24:GLY:N	1:A:24:GLY:CA	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	8	6.77
(1,261)	1:A:15:MET:N	1:A:15:MET:CA	1:A:15:MET:C	1:A:16:GLN:N	17	6.75
(1,26)	1:A:15:MET:N	1:A:15:MET:CA	1:A:15:MET:C	1:A:16:GLN:N	17	6.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,58)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	13	6.63
(1,293)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	13	6.63
(1,80)	1:A:52:PHE:N	1:A:52:PHE:CA	1:A:52:PHE:C	1:A:53:THR:N	4	6.6
(1,374)	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	19	6.6
(1,315)	1:A:52:PHE:N	1:A:52:PHE:CA	1:A:52:PHE:C	1:A:53:THR:N	4	6.6
(1,139)	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	19	6.6
(1,395)	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	1:A:99:LEU:N	19	6.55
(1,387)	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	6	6.55
(1,160)	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	1:A:99:LEU:N	19	6.55
(1,152)	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	6	6.55
(1,388)	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	15	6.46
(1,153)	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	15	6.46
(1,49)	1:A:31:ASN:N	1:A:31:ASN:CA	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	7	6.45
(1,284)	1:A:31:ASN:N	1:A:31:ASN:CA	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	7	6.45
(1,391)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	18	6.32
(1,156)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	18	6.32
(1,94)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	20	6.3
(1,329)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	20	6.3
(1,389)	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	3	6.28
(1,380)	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	6	6.28
(1,154)	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	3	6.28
(1,145)	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	6	6.28
(1,42)	1:A:24:GLY:N	1:A:24:GLY:CA	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	10	6.27
(1,336)	1:A:65:PRO:N	1:A:65:PRO:CA	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	17	6.27
(1,277)	1:A:24:GLY:N	1:A:24:GLY:CA	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	10	6.27
(1,101)	1:A:65:PRO:N	1:A:65:PRO:CA	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	17	6.27
(1,336)	1:A:65:PRO:N	1:A:65:PRO:CA	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	11	6.26
(1,101)	1:A:65:PRO:N	1:A:65:PRO:CA	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	11	6.26
(1,391)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	15	6.24
(1,156)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	15	6.24
(1,391)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	6	6.21
(1,156)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	6	6.21
(1,395)	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	1:A:99:LEU:N	13	6.17
(1,340)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	1	6.17
(1,160)	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	1:A:99:LEU:N	13	6.17
(1,105)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	1	6.17
(1,388)	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	18	6.14
(1,153)	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	18	6.14
(1,456)	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	1:A:134:TYR:N	16	6.04
(1,373)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	18	6.04
(1,338)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	12	6.04
(1,221)	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	1:A:134:TYR:N	16	6.04
(1,138)	1:A:87:ARG:N	1:A:87:ARG:CA	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	18	6.04
(1,103)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	12	6.04
(1,351)	1:A:74:GLU:N	1:A:74:GLU:CA	1:A:74:GLU:C	1:A:75:VAL:N	5	6.02
(1,116)	1:A:74:GLU:N	1:A:74:GLU:CA	1:A:74:GLU:C	1:A:75:VAL:N	5	6.02
(1,423)	1:A:115:CYS:N	1:A:115:CYS:CA	1:A:115:CYS:C	1:A:116:ILE:N	6	6.0
(1,188)	1:A:115:CYS:N	1:A:115:CYS:CA	1:A:115:CYS:C	1:A:116:ILE:N	6	6.0
(1,380)	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	11	5.99
(1,145)	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	11	5.99
(1,397)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	20	5.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,162)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	20	5.98
(1,345)	1:A:70:PRO:N	1:A:70:PRO:CA	1:A:70:PRO:C	1:A:71:ILE:N	16	5.96
(1,110)	1:A:70:PRO:N	1:A:70:PRO:CA	1:A:70:PRO:C	1:A:71:ILE:N	16	5.96
(1,390)	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	4	5.88
(1,155)	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	4	5.88
(1,42)	1:A:24:GLY:N	1:A:24:GLY:CA	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	14	5.84
(1,277)	1:A:24:GLY:N	1:A:24:GLY:CA	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	14	5.84
(1,260)	1:A:14:ARG:C	1:A:15:MET:N	1:A:15:MET:CA	1:A:15:MET:C	17	5.84
(1,25)	1:A:14:ARG:C	1:A:15:MET:N	1:A:15:MET:CA	1:A:15:MET:C	17	5.84
(1,349)	1:A:73:GLU:N	1:A:73:GLU:CA	1:A:73:GLU:C	1:A:74:GLU:N	14	5.83
(1,114)	1:A:73:GLU:N	1:A:73:GLU:CA	1:A:73:GLU:C	1:A:74:GLU:N	14	5.83
(1,345)	1:A:70:PRO:N	1:A:70:PRO:CA	1:A:70:PRO:C	1:A:71:ILE:N	7	5.82
(1,110)	1:A:70:PRO:N	1:A:70:PRO:CA	1:A:70:PRO:C	1:A:71:ILE:N	7	5.82
(1,419)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	1	5.81
(1,184)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	1	5.81
(1,57)	1:A:37:LYS:N	1:A:37:LYS:CA	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	15	5.76
(1,423)	1:A:115:CYS:N	1:A:115:CYS:CA	1:A:115:CYS:C	1:A:116:ILE:N	15	5.76
(1,292)	1:A:37:LYS:N	1:A:37:LYS:CA	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	15	5.76
(1,188)	1:A:115:CYS:N	1:A:115:CYS:CA	1:A:115:CYS:C	1:A:116:ILE:N	15	5.76
(1,336)	1:A:65:PRO:N	1:A:65:PRO:CA	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	9	5.75
(1,101)	1:A:65:PRO:N	1:A:65:PRO:CA	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	9	5.75
(1,423)	1:A:115:CYS:N	1:A:115:CYS:CA	1:A:115:CYS:C	1:A:116:ILE:N	10	5.72
(1,188)	1:A:115:CYS:N	1:A:115:CYS:CA	1:A:115:CYS:C	1:A:116:ILE:N	10	5.72
(1,423)	1:A:115:CYS:N	1:A:115:CYS:CA	1:A:115:CYS:C	1:A:116:ILE:N	16	5.71
(1,188)	1:A:115:CYS:N	1:A:115:CYS:CA	1:A:115:CYS:C	1:A:116:ILE:N	16	5.71
(1,395)	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	1:A:99:LEU:N	18	5.67
(1,160)	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	1:A:99:LEU:N	18	5.67
(1,419)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	18	5.66
(1,184)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	18	5.66
(1,365)	1:A:82:SER:N	1:A:82:SER:CA	1:A:82:SER:C	1:A:83:HIS:N	17	5.63
(1,130)	1:A:82:SER:N	1:A:82:SER:CA	1:A:82:SER:C	1:A:83:HIS:N	17	5.63
(1,464)	1:A:138:LEU:N	1:A:138:LEU:CA	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	7	5.61
(1,229)	1:A:138:LEU:N	1:A:138:LEU:CA	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	7	5.61
(1,94)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	1	5.58
(1,329)	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	1	5.58
(1,58)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	18	5.56
(1,293)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	18	5.56
(1,387)	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	15	5.51
(1,152)	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	15	5.51
(1,456)	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	1:A:134:TYR:N	15	5.49
(1,451)	1:A:130:LYS:C	1:A:131:GLU:N	1:A:131:GLU:CA	1:A:131:GLU:C	12	5.49
(1,221)	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	1:A:134:TYR:N	15	5.49
(1,216)	1:A:130:LYS:C	1:A:131:GLU:N	1:A:131:GLU:CA	1:A:131:GLU:C	12	5.49
(1,459)	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	6	5.48
(1,423)	1:A:115:CYS:N	1:A:115:CYS:CA	1:A:115:CYS:C	1:A:116:ILE:N	5	5.48
(1,347)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:GLU:N	15	5.48
(1,224)	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	6	5.48
(1,188)	1:A:115:CYS:N	1:A:115:CYS:CA	1:A:115:CYS:C	1:A:116:ILE:N	5	5.48
(1,112)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:GLU:N	15	5.48
(1,423)	1:A:115:CYS:N	1:A:115:CYS:CA	1:A:115:CYS:C	1:A:116:ILE:N	3	5.47
(1,188)	1:A:115:CYS:N	1:A:115:CYS:CA	1:A:115:CYS:C	1:A:116:ILE:N	3	5.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,374)	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	20	5.45
(1,139)	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	20	5.45
(1,458)	1:A:135:GLU:N	1:A:135:GLU:CA	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	4	5.41
(1,223)	1:A:135:GLU:N	1:A:135:GLU:CA	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	4	5.41
(1,394)	1:A:97:SER:C	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	7	5.35
(1,159)	1:A:97:SER:C	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	7	5.35
(1,416)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	7	5.34
(1,181)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	7	5.34
(1,416)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	15	5.3
(1,181)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	15	5.3
(1,423)	1:A:115:CYS:N	1:A:115:CYS:CA	1:A:115:CYS:C	1:A:116:ILE:N	11	5.29
(1,188)	1:A:115:CYS:N	1:A:115:CYS:CA	1:A:115:CYS:C	1:A:116:ILE:N	11	5.29
(1,42)	1:A:24:GLY:N	1:A:24:GLY:CA	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	6	5.22
(1,277)	1:A:24:GLY:N	1:A:24:GLY:CA	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	6	5.22
(1,456)	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	1:A:134:TYR:N	1	5.14
(1,221)	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	1:A:134:TYR:N	1	5.14
(1,87)	1:A:56:ASP:C	1:A:57:LYS:N	1:A:57:LYS:CA	1:A:57:LYS:C	15	5.13
(1,456)	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	1:A:134:TYR:N	11	5.13
(1,322)	1:A:56:ASP:C	1:A:57:LYS:N	1:A:57:LYS:CA	1:A:57:LYS:C	15	5.13
(1,221)	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	1:A:134:TYR:N	11	5.13
(1,470)	1:A:141:PHE:N	1:A:141:PHE:CA	1:A:141:PHE:C	1:A:142:ASN:N	18	5.12
(1,345)	1:A:70:PRO:N	1:A:70:PRO:CA	1:A:70:PRO:C	1:A:71:ILE:N	4	5.12
(1,235)	1:A:141:PHE:N	1:A:141:PHE:CA	1:A:141:PHE:C	1:A:142:ASN:N	18	5.12
(1,110)	1:A:70:PRO:N	1:A:70:PRO:CA	1:A:70:PRO:C	1:A:71:ILE:N	4	5.12
(1,465)	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	1:A:139:HIS:CA	1:A:139:HIS:C	4	5.09
(1,230)	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	1:A:139:HIS:CA	1:A:139:HIS:C	4	5.09
(1,421)	1:A:114:TYR:N	1:A:114:TYR:CA	1:A:114:TYR:C	1:A:115:CYS:N	11	5.05
(1,186)	1:A:114:TYR:N	1:A:114:TYR:CA	1:A:114:TYR:C	1:A:115:CYS:N	11	5.05
(1,387)	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	2	4.99
(1,345)	1:A:70:PRO:N	1:A:70:PRO:CA	1:A:70:PRO:C	1:A:71:ILE:N	8	4.99
(1,152)	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	2	4.99
(1,110)	1:A:70:PRO:N	1:A:70:PRO:CA	1:A:70:PRO:C	1:A:71:ILE:N	8	4.99
(1,397)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	12	4.98
(1,162)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	12	4.98
(1,423)	1:A:115:CYS:N	1:A:115:CYS:CA	1:A:115:CYS:C	1:A:116:ILE:N	7	4.97
(1,188)	1:A:115:CYS:N	1:A:115:CYS:CA	1:A:115:CYS:C	1:A:116:ILE:N	7	4.97
(1,390)	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	17	4.93
(1,155)	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	17	4.93
(1,378)	1:A:89:GLU:C	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	12	4.91
(1,143)	1:A:89:GLU:C	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	12	4.91
(1,342)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	18	4.9
(1,107)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	18	4.9
(1,387)	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	1	4.87
(1,152)	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	1	4.87
(1,391)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	3	4.86
(1,156)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	3	4.86
(1,371)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	15	4.76
(1,136)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	15	4.76
(1,465)	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	1:A:139:HIS:CA	1:A:139:HIS:C	8	4.75
(1,230)	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	1:A:139:HIS:CA	1:A:139:HIS:C	8	4.75
(1,419)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	12	4.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,416)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	17	4.74
(1,184)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	12	4.74
(1,181)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	17	4.74
(1,397)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	7	4.73
(1,162)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	7	4.73
(1,411)	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	20	4.69
(1,176)	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	20	4.69
(1,465)	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	1:A:139:HIS:CA	1:A:139:HIS:C	15	4.68
(1,230)	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	1:A:139:HIS:CA	1:A:139:HIS:C	15	4.68
(1,78)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	13	4.67
(1,421)	1:A:114:TYR:N	1:A:114:TYR:CA	1:A:114:TYR:C	1:A:115:CYS:N	13	4.67
(1,313)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	13	4.67
(1,186)	1:A:114:TYR:N	1:A:114:TYR:CA	1:A:114:TYR:C	1:A:115:CYS:N	13	4.67
(1,421)	1:A:114:TYR:N	1:A:114:TYR:CA	1:A:114:TYR:C	1:A:115:CYS:N	12	4.66
(1,186)	1:A:114:TYR:N	1:A:114:TYR:CA	1:A:114:TYR:C	1:A:115:CYS:N	12	4.66
(1,90)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ASP:N	11	4.64
(1,458)	1:A:135:GLU:N	1:A:135:GLU:CA	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	8	4.64
(1,419)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	19	4.64
(1,325)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ASP:N	11	4.64
(1,223)	1:A:135:GLU:N	1:A:135:GLU:CA	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	8	4.64
(1,184)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	19	4.64
(1,383)	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	6	4.57
(1,148)	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	6	4.57
(1,385)	1:A:93:ARG:N	1:A:93:ARG:CA	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	19	4.54
(1,336)	1:A:65:PRO:N	1:A:65:PRO:CA	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	12	4.54
(1,150)	1:A:93:ARG:N	1:A:93:ARG:CA	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	19	4.54
(1,101)	1:A:65:PRO:N	1:A:65:PRO:CA	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	12	4.54
(1,388)	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	1	4.53
(1,153)	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	1	4.53
(1,423)	1:A:115:CYS:N	1:A:115:CYS:CA	1:A:115:CYS:C	1:A:116:ILE:N	14	4.51
(1,365)	1:A:82:SER:N	1:A:82:SER:CA	1:A:82:SER:C	1:A:83:HIS:N	3	4.51
(1,188)	1:A:115:CYS:N	1:A:115:CYS:CA	1:A:115:CYS:C	1:A:116:ILE:N	14	4.51
(1,130)	1:A:82:SER:N	1:A:82:SER:CA	1:A:82:SER:C	1:A:83:HIS:N	3	4.51
(1,380)	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	8	4.47
(1,145)	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	8	4.47
(1,416)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	5	4.46
(1,380)	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	19	4.46
(1,349)	1:A:73:GLU:N	1:A:73:GLU:CA	1:A:73:GLU:C	1:A:74:GLU:N	1	4.46
(1,181)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	5	4.46
(1,145)	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	19	4.46
(1,114)	1:A:73:GLU:N	1:A:73:GLU:CA	1:A:73:GLU:C	1:A:74:GLU:N	1	4.46
(1,369)	1:A:85:MET:N	1:A:85:MET:CA	1:A:85:MET:C	1:A:86:ILE:N	17	4.45
(1,134)	1:A:85:MET:N	1:A:85:MET:CA	1:A:85:MET:C	1:A:86:ILE:N	17	4.45
(1,347)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:GLU:N	13	4.39
(1,112)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:GLU:N	13	4.39
(1,470)	1:A:141:PHE:N	1:A:141:PHE:CA	1:A:141:PHE:C	1:A:142:ASN:N	3	4.38
(1,235)	1:A:141:PHE:N	1:A:141:PHE:CA	1:A:141:PHE:C	1:A:142:ASN:N	3	4.38
(1,89)	1:A:57:LYS:C	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	18	4.37
(1,84)	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	1:A:55:LYS:N	6	4.37
(1,324)	1:A:57:LYS:C	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	18	4.37
(1,319)	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	1:A:55:LYS:N	6	4.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,465)	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	1:A:139:HIS:CA	1:A:139:HIS:C	3	4.36
(1,465)	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	1:A:139:HIS:CA	1:A:139:HIS:C	13	4.36
(1,230)	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	1:A:139:HIS:CA	1:A:139:HIS:C	3	4.36
(1,230)	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	1:A:139:HIS:CA	1:A:139:HIS:C	13	4.36
(1,74)	1:A:46:VAL:C	1:A:47:SER:N	1:A:47:SER:CA	1:A:47:SER:C	5	4.34
(1,309)	1:A:46:VAL:C	1:A:47:SER:N	1:A:47:SER:CA	1:A:47:SER:C	5	4.34
(1,237)	1:A:3:TYR:N	1:A:3:TYR:CA	1:A:3:TYR:C	1:A:4:ASN:N	11	4.34
(1,2)	1:A:3:TYR:N	1:A:3:TYR:CA	1:A:3:TYR:C	1:A:4:ASN:N	11	4.34
(1,96)	1:A:61:GLN:N	1:A:61:GLN:CA	1:A:61:GLN:C	1:A:62:CYS:N	19	4.31
(1,331)	1:A:61:GLN:N	1:A:61:GLN:CA	1:A:61:GLN:C	1:A:62:CYS:N	19	4.31
(1,423)	1:A:115:CYS:N	1:A:115:CYS:CA	1:A:115:CYS:C	1:A:116:ILE:N	17	4.3
(1,188)	1:A:115:CYS:N	1:A:115:CYS:CA	1:A:115:CYS:C	1:A:116:ILE:N	17	4.3
(1,456)	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	1:A:134:TYR:N	3	4.29
(1,221)	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	1:A:134:TYR:N	3	4.29
(1,459)	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	11	4.27
(1,395)	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	1:A:99:LEU:N	6	4.27
(1,382)	1:A:91:ARG:C	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	13	4.27
(1,224)	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	11	4.27
(1,160)	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	1:A:99:LEU:N	6	4.27
(1,147)	1:A:91:ARG:C	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	13	4.27
(1,80)	1:A:52:PHE:N	1:A:52:PHE:CA	1:A:52:PHE:C	1:A:53:THR:N	2	4.22
(1,470)	1:A:141:PHE:N	1:A:141:PHE:CA	1:A:141:PHE:C	1:A:142:ASN:N	8	4.22
(1,315)	1:A:52:PHE:N	1:A:52:PHE:CA	1:A:52:PHE:C	1:A:53:THR:N	2	4.22
(1,235)	1:A:141:PHE:N	1:A:141:PHE:CA	1:A:141:PHE:C	1:A:142:ASN:N	8	4.22
(1,89)	1:A:57:LYS:C	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	20	4.2
(1,324)	1:A:57:LYS:C	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	20	4.2
(1,49)	1:A:31:ASN:N	1:A:31:ASN:CA	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	19	4.18
(1,284)	1:A:31:ASN:N	1:A:31:ASN:CA	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	19	4.18
(1,78)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	5	4.12
(1,50)	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	1:A:32:GLU:CA	1:A:32:GLU:C	18	4.12
(1,313)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	5	4.12
(1,285)	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	1:A:32:GLU:CA	1:A:32:GLU:C	18	4.12
(1,458)	1:A:135:GLU:N	1:A:135:GLU:CA	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	16	4.1
(1,223)	1:A:135:GLU:N	1:A:135:GLU:CA	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	16	4.1
(1,419)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	20	4.08
(1,184)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	20	4.08
(1,47)	1:A:27:PRO:N	1:A:27:PRO:CA	1:A:27:PRO:C	1:A:28:PRO:N	12	4.03
(1,282)	1:A:27:PRO:N	1:A:27:PRO:CA	1:A:27:PRO:C	1:A:28:PRO:N	12	4.03
(1,397)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	8	3.97
(1,162)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	8	3.97
(1,421)	1:A:114:TYR:N	1:A:114:TYR:CA	1:A:114:TYR:C	1:A:115:CYS:N	10	3.95
(1,186)	1:A:114:TYR:N	1:A:114:TYR:CA	1:A:114:TYR:C	1:A:115:CYS:N	10	3.95
(1,78)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	8	3.93
(1,313)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	8	3.93
(1,390)	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	5	3.89
(1,155)	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	5	3.89
(1,468)	1:A:140:LEU:N	1:A:140:LEU:CA	1:A:140:LEU:C	1:A:141:PHE:N	3	3.87
(1,233)	1:A:140:LEU:N	1:A:140:LEU:CA	1:A:140:LEU:C	1:A:141:PHE:N	3	3.87
(1,388)	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	8	3.86
(1,153)	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	8	3.86
(1,385)	1:A:93:ARG:N	1:A:93:ARG:CA	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	5	3.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,150)	1:A:93:ARG:N	1:A:93:ARG:CA	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	5	3.85
(1,459)	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	20	3.84
(1,224)	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	20	3.84
(1,395)	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	1:A:99:LEU:N	9	3.82
(1,160)	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	1:A:99:LEU:N	9	3.82
(1,78)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	11	3.8
(1,462)	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	1:A:138:LEU:N	14	3.8
(1,313)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	11	3.8
(1,227)	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	1:A:138:LEU:N	14	3.8
(1,416)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	16	3.79
(1,181)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	16	3.79
(1,416)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	14	3.78
(1,181)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	14	3.78
(1,90)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ASP:N	5	3.77
(1,343)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	11	3.77
(1,325)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ASP:N	5	3.77
(1,108)	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	1:A:69:LYS:CA	1:A:69:LYS:C	11	3.77
(1,470)	1:A:141:PHE:N	1:A:141:PHE:CA	1:A:141:PHE:C	1:A:142:ASN:N	5	3.76
(1,416)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	9	3.76
(1,235)	1:A:141:PHE:N	1:A:141:PHE:CA	1:A:141:PHE:C	1:A:142:ASN:N	5	3.76
(1,181)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	9	3.76
(1,237)	1:A:3:TYR:N	1:A:3:TYR:CA	1:A:3:TYR:C	1:A:4:ASN:N	7	3.71
(1,2)	1:A:3:TYR:N	1:A:3:TYR:CA	1:A:3:TYR:C	1:A:4:ASN:N	7	3.71
(1,47)	1:A:27:PRO:N	1:A:27:PRO:CA	1:A:27:PRO:C	1:A:28:PRO:N	19	3.69
(1,282)	1:A:27:PRO:N	1:A:27:PRO:CA	1:A:27:PRO:C	1:A:28:PRO:N	19	3.69
(1,78)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	3	3.66
(1,380)	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	13	3.66
(1,313)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	3	3.66
(1,145)	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	13	3.66
(1,78)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	2	3.63
(1,58)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	9	3.63
(1,459)	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	19	3.63
(1,387)	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	11	3.63
(1,313)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	2	3.63
(1,293)	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	1:A:38:GLU:CA	1:A:38:GLU:C	9	3.63
(1,224)	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	19	3.63
(1,152)	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	11	3.63
(1,468)	1:A:140:LEU:N	1:A:140:LEU:CA	1:A:140:LEU:C	1:A:141:PHE:N	4	3.62
(1,233)	1:A:140:LEU:N	1:A:140:LEU:CA	1:A:140:LEU:C	1:A:141:PHE:N	4	3.62
(1,380)	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	2	3.61
(1,145)	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	2	3.61
(1,345)	1:A:70:PRO:N	1:A:70:PRO:CA	1:A:70:PRO:C	1:A:71:ILE:N	17	3.6
(1,110)	1:A:70:PRO:N	1:A:70:PRO:CA	1:A:70:PRO:C	1:A:71:ILE:N	17	3.6
(1,380)	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	18	3.58
(1,145)	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	18	3.58
(1,421)	1:A:114:TYR:N	1:A:114:TYR:CA	1:A:114:TYR:C	1:A:115:CYS:N	17	3.57
(1,186)	1:A:114:TYR:N	1:A:114:TYR:CA	1:A:114:TYR:C	1:A:115:CYS:N	17	3.57
(1,84)	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	1:A:55:LYS:N	4	3.56
(1,416)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	4	3.56
(1,319)	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	1:A:55:LYS:N	4	3.56
(1,181)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	4	3.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,87)	1:A:56:ASP:C	1:A:57:LYS:N	1:A:57:LYS:CA	1:A:57:LYS:C	7	3.55
(1,61)	1:A:39:GLU:N	1:A:39:GLU:CA	1:A:39:GLU:C	1:A:40:GLY:N	14	3.55
(1,368)	1:A:84:GLY:C	1:A:85:MET:N	1:A:85:MET:CA	1:A:85:MET:C	11	3.55
(1,322)	1:A:56:ASP:C	1:A:57:LYS:N	1:A:57:LYS:CA	1:A:57:LYS:C	7	3.55
(1,296)	1:A:39:GLU:N	1:A:39:GLU:CA	1:A:39:GLU:C	1:A:40:GLY:N	14	3.55
(1,133)	1:A:84:GLY:C	1:A:85:MET:N	1:A:85:MET:CA	1:A:85:MET:C	11	3.55
(1,411)	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	13	3.54
(1,375)	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	1:A:89:GLU:N	12	3.54
(1,176)	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	13	3.54
(1,140)	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	1:A:89:GLU:N	12	3.54
(1,394)	1:A:97:SER:C	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	17	3.51
(1,159)	1:A:97:SER:C	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	17	3.51
(1,82)	1:A:53:THR:N	1:A:53:THR:CA	1:A:53:THR:C	1:A:54:SER:N	1	3.5
(1,470)	1:A:141:PHE:N	1:A:141:PHE:CA	1:A:141:PHE:C	1:A:142:ASN:N	11	3.5
(1,347)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:GLU:N	5	3.5
(1,317)	1:A:53:THR:N	1:A:53:THR:CA	1:A:53:THR:C	1:A:54:SER:N	1	3.5
(1,235)	1:A:141:PHE:N	1:A:141:PHE:CA	1:A:141:PHE:C	1:A:142:ASN:N	11	3.5
(1,112)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:GLU:N	5	3.5
(1,391)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	4	3.48
(1,156)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	4	3.48
(1,375)	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	1:A:89:GLU:N	5	3.47
(1,140)	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	1:A:89:GLU:N	5	3.47
(1,392)	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	1:A:97:SER:CA	1:A:97:SER:C	8	3.45
(1,157)	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	1:A:97:SER:CA	1:A:97:SER:C	8	3.45
(1,391)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	5	3.43
(1,156)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	5	3.43
(1,468)	1:A:140:LEU:N	1:A:140:LEU:CA	1:A:140:LEU:C	1:A:141:PHE:N	15	3.42
(1,386)	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	5	3.42
(1,233)	1:A:140:LEU:N	1:A:140:LEU:CA	1:A:140:LEU:C	1:A:141:PHE:N	15	3.42
(1,151)	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	5	3.42
(1,410)	1:A:107:PRO:N	1:A:107:PRO:CA	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	15	3.41
(1,175)	1:A:107:PRO:N	1:A:107:PRO:CA	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	15	3.41
(1,87)	1:A:56:ASP:C	1:A:57:LYS:N	1:A:57:LYS:CA	1:A:57:LYS:C	17	3.4
(1,322)	1:A:56:ASP:C	1:A:57:LYS:N	1:A:57:LYS:CA	1:A:57:LYS:C	17	3.4
(1,414)	1:A:109:PRO:C	1:A:110:ASN:N	1:A:110:ASN:CA	1:A:110:ASN:C	13	3.39
(1,179)	1:A:109:PRO:C	1:A:110:ASN:N	1:A:110:ASN:CA	1:A:110:ASN:C	13	3.39
(1,468)	1:A:140:LEU:N	1:A:140:LEU:CA	1:A:140:LEU:C	1:A:141:PHE:N	18	3.38
(1,340)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	8	3.38
(1,233)	1:A:140:LEU:N	1:A:140:LEU:CA	1:A:140:LEU:C	1:A:141:PHE:N	18	3.38
(1,105)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	8	3.38
(1,349)	1:A:73:GLU:N	1:A:73:GLU:CA	1:A:73:GLU:C	1:A:74:GLU:N	20	3.37
(1,114)	1:A:73:GLU:N	1:A:73:GLU:CA	1:A:73:GLU:C	1:A:74:GLU:N	20	3.37
(1,392)	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	1:A:97:SER:CA	1:A:97:SER:C	1	3.36
(1,157)	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	1:A:97:SER:CA	1:A:97:SER:C	1	3.36
(1,416)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	8	3.35
(1,388)	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	9	3.35
(1,387)	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	8	3.35
(1,362)	1:A:79:LEU:C	1:A:80:ASP:N	1:A:80:ASP:CA	1:A:80:ASP:C	10	3.35
(1,181)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	8	3.35
(1,153)	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	9	3.35
(1,152)	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	8	3.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,127)	1:A:79:LEU:C	1:A:80:ASP:N	1:A:80:ASP:CA	1:A:80:ASP:C	10	3.35
(1,57)	1:A:37:LYS:N	1:A:37:LYS:CA	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	10	3.34
(1,292)	1:A:37:LYS:N	1:A:37:LYS:CA	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	10	3.34
(1,391)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	13	3.32
(1,156)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	13	3.32
(1,364)	1:A:81:THR:C	1:A:82:SER:N	1:A:82:SER:CA	1:A:82:SER:C	1	3.31
(1,129)	1:A:81:THR:C	1:A:82:SER:N	1:A:82:SER:CA	1:A:82:SER:C	1	3.31
(1,90)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ASP:N	18	3.3
(1,416)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	20	3.3
(1,349)	1:A:73:GLU:N	1:A:73:GLU:CA	1:A:73:GLU:C	1:A:74:GLU:N	7	3.3
(1,325)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ASP:N	18	3.3
(1,181)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	20	3.3
(1,114)	1:A:73:GLU:N	1:A:73:GLU:CA	1:A:73:GLU:C	1:A:74:GLU:N	7	3.3
(1,387)	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	9	3.28
(1,387)	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	18	3.28
(1,152)	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	9	3.28
(1,152)	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	18	3.28
(1,455)	1:A:132:GLU:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	11	3.25
(1,220)	1:A:132:GLU:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	11	3.25
(1,50)	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	1:A:32:GLU:CA	1:A:32:GLU:C	10	3.24
(1,285)	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	1:A:32:GLU:CA	1:A:32:GLU:C	10	3.24
(1,52)	1:A:32:GLU:C	1:A:33:TYR:N	1:A:33:TYR:CA	1:A:33:TYR:C	7	3.23
(1,287)	1:A:32:GLU:C	1:A:33:TYR:N	1:A:33:TYR:CA	1:A:33:TYR:C	7	3.23
(1,65)	1:A:42:TYR:N	1:A:42:TYR:CA	1:A:42:TYR:C	1:A:43:VAL:N	3	3.22
(1,467)	1:A:139:HIS:C	1:A:140:LEU:N	1:A:140:LEU:CA	1:A:140:LEU:C	11	3.22
(1,300)	1:A:42:TYR:N	1:A:42:TYR:CA	1:A:42:TYR:C	1:A:43:VAL:N	3	3.22
(1,232)	1:A:139:HIS:C	1:A:140:LEU:N	1:A:140:LEU:CA	1:A:140:LEU:C	11	3.22
(1,77)	1:A:49:LYS:N	1:A:49:LYS:CA	1:A:49:LYS:C	1:A:50:PRO:N	18	3.21
(1,312)	1:A:49:LYS:N	1:A:49:LYS:CA	1:A:49:LYS:C	1:A:50:PRO:N	18	3.21
(1,84)	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	1:A:55:LYS:N	19	3.2
(1,319)	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	1:A:55:LYS:N	19	3.2
(1,423)	1:A:115:CYS:N	1:A:115:CYS:CA	1:A:115:CYS:C	1:A:116:ILE:N	2	3.18
(1,388)	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	6	3.18
(1,188)	1:A:115:CYS:N	1:A:115:CYS:CA	1:A:115:CYS:C	1:A:116:ILE:N	2	3.18
(1,153)	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	6	3.18
(1,421)	1:A:114:TYR:N	1:A:114:TYR:CA	1:A:114:TYR:C	1:A:115:CYS:N	1	3.17
(1,421)	1:A:114:TYR:N	1:A:114:TYR:CA	1:A:114:TYR:C	1:A:115:CYS:N	5	3.17
(1,254)	1:A:11:SER:C	1:A:12:LEU:N	1:A:12:LEU:CA	1:A:12:LEU:C	9	3.17
(1,19)	1:A:11:SER:C	1:A:12:LEU:N	1:A:12:LEU:CA	1:A:12:LEU:C	9	3.17
(1,186)	1:A:114:TYR:N	1:A:114:TYR:CA	1:A:114:TYR:C	1:A:115:CYS:N	1	3.17
(1,186)	1:A:114:TYR:N	1:A:114:TYR:CA	1:A:114:TYR:C	1:A:115:CYS:N	5	3.17
(1,92)	1:A:59:ASP:N	1:A:59:ASP:CA	1:A:59:ASP:C	1:A:60:SER:N	19	3.16
(1,397)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	6	3.16
(1,327)	1:A:59:ASP:N	1:A:59:ASP:CA	1:A:59:ASP:C	1:A:60:SER:N	19	3.16
(1,162)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	6	3.16
(1,90)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ASP:N	19	3.15
(1,367)	1:A:84:GLY:N	1:A:84:GLY:CA	1:A:84:GLY:C	1:A:85:MET:N	1	3.15
(1,325)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ASP:N	19	3.15
(1,132)	1:A:84:GLY:N	1:A:84:GLY:CA	1:A:84:GLY:C	1:A:85:MET:N	1	3.15
(1,375)	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	1:A:89:GLU:N	9	3.14
(1,3)	1:A:3:TYR:C	1:A:4:ASN:N	1:A:4:ASN:CA	1:A:4:ASN:C	20	3.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,238)	1:A:3:TYR:C	1:A:4:ASN:N	1:A:4:ASN:CA	1:A:4:ASN:C	20	3.14
(1,237)	1:A:3:TYR:N	1:A:3:TYR:CA	1:A:3:TYR:C	1:A:4:ASN:N	20	3.14
(1,2)	1:A:3:TYR:N	1:A:3:TYR:CA	1:A:3:TYR:C	1:A:4:ASN:N	20	3.14
(1,140)	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	1:A:89:GLU:N	9	3.14
(1,88)	1:A:57:LYS:N	1:A:57:LYS:CA	1:A:57:LYS:C	1:A:58:PHE:N	12	3.11
(1,323)	1:A:57:LYS:N	1:A:57:LYS:CA	1:A:57:LYS:C	1:A:58:PHE:N	12	3.11
(1,351)	1:A:74:GLU:N	1:A:74:GLU:CA	1:A:74:GLU:C	1:A:75:VAL:N	19	3.09
(1,116)	1:A:74:GLU:N	1:A:74:GLU:CA	1:A:74:GLU:C	1:A:75:VAL:N	19	3.09
(1,416)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1	3.08
(1,181)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	1	3.08
(1,468)	1:A:140:LEU:N	1:A:140:LEU:CA	1:A:140:LEU:C	1:A:141:PHE:N	9	3.07
(1,375)	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	1:A:89:GLU:N	20	3.07
(1,233)	1:A:140:LEU:N	1:A:140:LEU:CA	1:A:140:LEU:C	1:A:141:PHE:N	9	3.07
(1,140)	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	1:A:89:GLU:N	20	3.07
(1,397)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	5	3.06
(1,162)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	5	3.06
(1,55)	1:A:35:ASP:N	1:A:35:ASP:CA	1:A:35:ASP:C	1:A:36:HIS:N	3	3.05
(1,290)	1:A:35:ASP:N	1:A:35:ASP:CA	1:A:35:ASP:C	1:A:36:HIS:N	3	3.05
(1,410)	1:A:107:PRO:N	1:A:107:PRO:CA	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	11	3.04
(1,175)	1:A:107:PRO:N	1:A:107:PRO:CA	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	11	3.04
(1,84)	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	1:A:55:LYS:N	20	3.03
(1,392)	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	1:A:97:SER:CA	1:A:97:SER:C	9	3.03
(1,357)	1:A:77:GLU:N	1:A:77:GLU:CA	1:A:77:GLU:C	1:A:78:LYS:N	16	3.03
(1,319)	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	1:A:55:LYS:N	20	3.03
(1,157)	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	1:A:97:SER:CA	1:A:97:SER:C	9	3.03
(1,122)	1:A:77:GLU:N	1:A:77:GLU:CA	1:A:77:GLU:C	1:A:78:LYS:N	16	3.03
(1,355)	1:A:76:GLU:N	1:A:76:GLU:CA	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLU:N	12	3.01
(1,120)	1:A:76:GLU:N	1:A:76:GLU:CA	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLU:N	12	3.01
(1,371)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	16	3.0
(1,136)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	16	3.0
(1,397)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	2	2.99
(1,162)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	2	2.99
(1,367)	1:A:84:GLY:N	1:A:84:GLY:CA	1:A:84:GLY:C	1:A:85:MET:N	19	2.98
(1,132)	1:A:84:GLY:N	1:A:84:GLY:CA	1:A:84:GLY:C	1:A:85:MET:N	19	2.98
(1,50)	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	1:A:32:GLU:CA	1:A:32:GLU:C	12	2.95
(1,285)	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	1:A:32:GLU:CA	1:A:32:GLU:C	12	2.95
(1,365)	1:A:82:SER:N	1:A:82:SER:CA	1:A:82:SER:C	1:A:83:HIS:N	11	2.94
(1,130)	1:A:82:SER:N	1:A:82:SER:CA	1:A:82:SER:C	1:A:83:HIS:N	11	2.94
(1,47)	1:A:27:PRO:N	1:A:27:PRO:CA	1:A:27:PRO:C	1:A:28:PRO:N	14	2.93
(1,282)	1:A:27:PRO:N	1:A:27:PRO:CA	1:A:27:PRO:C	1:A:28:PRO:N	14	2.93
(1,345)	1:A:70:PRO:N	1:A:70:PRO:CA	1:A:70:PRO:C	1:A:71:ILE:N	20	2.92
(1,110)	1:A:70:PRO:N	1:A:70:PRO:CA	1:A:70:PRO:C	1:A:71:ILE:N	20	2.92
(1,56)	1:A:36:HIS:C	1:A:37:LYS:N	1:A:37:LYS:CA	1:A:37:LYS:C	7	2.91
(1,42)	1:A:24:GLY:N	1:A:24:GLY:CA	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	13	2.91
(1,419)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	9	2.91
(1,291)	1:A:36:HIS:C	1:A:37:LYS:N	1:A:37:LYS:CA	1:A:37:LYS:C	7	2.91
(1,277)	1:A:24:GLY:N	1:A:24:GLY:CA	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	13	2.91
(1,184)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	9	2.91
(1,42)	1:A:24:GLY:N	1:A:24:GLY:CA	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1	2.89
(1,363)	1:A:80:ASP:N	1:A:80:ASP:CA	1:A:80:ASP:C	1:A:81:THR:N	9	2.89
(1,336)	1:A:65:PRO:N	1:A:65:PRO:CA	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	20	2.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,277)	1:A:24:GLY:N	1:A:24:GLY:CA	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	1	2.89
(1,128)	1:A:80:ASP:N	1:A:80:ASP:CA	1:A:80:ASP:C	1:A:81:THR:N	9	2.89
(1,101)	1:A:65:PRO:N	1:A:65:PRO:CA	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	20	2.89
(1,367)	1:A:84:GLY:N	1:A:84:GLY:CA	1:A:84:GLY:C	1:A:85:MET:N	20	2.88
(1,132)	1:A:84:GLY:N	1:A:84:GLY:CA	1:A:84:GLY:C	1:A:85:MET:N	20	2.88
(1,464)	1:A:138:LEU:N	1:A:138:LEU:CA	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	10	2.87
(1,390)	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	18	2.87
(1,229)	1:A:138:LEU:N	1:A:138:LEU:CA	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	10	2.87
(1,155)	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	18	2.87
(1,385)	1:A:93:ARG:N	1:A:93:ARG:CA	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	13	2.85
(1,150)	1:A:93:ARG:N	1:A:93:ARG:CA	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	13	2.85
(1,455)	1:A:132:GLU:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	18	2.84
(1,345)	1:A:70:PRO:N	1:A:70:PRO:CA	1:A:70:PRO:C	1:A:71:ILE:N	9	2.84
(1,220)	1:A:132:GLU:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	18	2.84
(1,110)	1:A:70:PRO:N	1:A:70:PRO:CA	1:A:70:PRO:C	1:A:71:ILE:N	9	2.84
(1,84)	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	1:A:55:LYS:N	18	2.83
(1,319)	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	1:A:55:LYS:N	18	2.83
(1,338)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	20	2.82
(1,103)	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	20	2.82
(1,78)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	16	2.81
(1,458)	1:A:135:GLU:N	1:A:135:GLU:CA	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	12	2.81
(1,313)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	16	2.81
(1,223)	1:A:135:GLU:N	1:A:135:GLU:CA	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	12	2.81
(1,388)	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	10	2.76
(1,367)	1:A:84:GLY:N	1:A:84:GLY:CA	1:A:84:GLY:C	1:A:85:MET:N	9	2.76
(1,153)	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	10	2.76
(1,132)	1:A:84:GLY:N	1:A:84:GLY:CA	1:A:84:GLY:C	1:A:85:MET:N	9	2.76
(1,342)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	16	2.75
(1,107)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	16	2.75
(1,464)	1:A:138:LEU:N	1:A:138:LEU:CA	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	20	2.74
(1,451)	1:A:130:LYS:C	1:A:131:GLU:N	1:A:131:GLU:CA	1:A:131:GLU:C	11	2.74
(1,229)	1:A:138:LEU:N	1:A:138:LEU:CA	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	20	2.74
(1,216)	1:A:130:LYS:C	1:A:131:GLU:N	1:A:131:GLU:CA	1:A:131:GLU:C	11	2.74
(1,90)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ASP:N	3	2.73
(1,83)	1:A:53:THR:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	13	2.73
(1,83)	1:A:53:THR:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	15	2.73
(1,387)	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	13	2.73
(1,325)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ASP:N	3	2.73
(1,318)	1:A:53:THR:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	13	2.73
(1,318)	1:A:53:THR:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	15	2.73
(1,152)	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	13	2.73
(1,345)	1:A:70:PRO:N	1:A:70:PRO:CA	1:A:70:PRO:C	1:A:71:ILE:N	15	2.72
(1,110)	1:A:70:PRO:N	1:A:70:PRO:CA	1:A:70:PRO:C	1:A:71:ILE:N	15	2.72
(1,401)	1:A:101:HIS:N	1:A:101:HIS:CA	1:A:101:HIS:C	1:A:102:VAL:N	5	2.71
(1,166)	1:A:101:HIS:N	1:A:101:HIS:CA	1:A:101:HIS:C	1:A:102:VAL:N	5	2.71
(1,468)	1:A:140:LEU:N	1:A:140:LEU:CA	1:A:140:LEU:C	1:A:141:PHE:N	13	2.7
(1,416)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	12	2.7
(1,233)	1:A:140:LEU:N	1:A:140:LEU:CA	1:A:140:LEU:C	1:A:141:PHE:N	13	2.7
(1,181)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	12	2.7
(1,78)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	9	2.69
(1,414)	1:A:109:PRO:C	1:A:110:ASN:N	1:A:110:ASN:CA	1:A:110:ASN:C	10	2.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,394)	1:A:97:SER:C	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	16	2.69
(1,313)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	9	2.69
(1,179)	1:A:109:PRO:C	1:A:110:ASN:N	1:A:110:ASN:CA	1:A:110:ASN:C	10	2.69
(1,159)	1:A:97:SER:C	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	16	2.69
(1,456)	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	1:A:134:TYR:N	20	2.66
(1,221)	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	1:A:134:TYR:N	20	2.66
(1,388)	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	2	2.65
(1,153)	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	2	2.65
(1,385)	1:A:93:ARG:N	1:A:93:ARG:CA	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	9	2.64
(1,150)	1:A:93:ARG:N	1:A:93:ARG:CA	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	9	2.64
(1,435)	1:A:122:ARG:N	1:A:122:ARG:CA	1:A:122:ARG:C	1:A:123:PHE:N	14	2.62
(1,416)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	10	2.62
(1,200)	1:A:122:ARG:N	1:A:122:ARG:CA	1:A:122:ARG:C	1:A:123:PHE:N	14	2.62
(1,181)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	10	2.62
(1,416)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	19	2.6
(1,181)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	19	2.6
(1,470)	1:A:141:PHE:N	1:A:141:PHE:CA	1:A:141:PHE:C	1:A:142:ASN:N	4	2.59
(1,455)	1:A:132:GLU:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	7	2.59
(1,235)	1:A:141:PHE:N	1:A:141:PHE:CA	1:A:141:PHE:C	1:A:142:ASN:N	4	2.59
(1,220)	1:A:132:GLU:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	7	2.59
(1,80)	1:A:52:PHE:N	1:A:52:PHE:CA	1:A:52:PHE:C	1:A:53:THR:N	20	2.58
(1,47)	1:A:27:PRO:N	1:A:27:PRO:CA	1:A:27:PRO:C	1:A:28:PRO:N	7	2.58
(1,386)	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	1	2.58
(1,34)	1:A:19:VAL:N	1:A:19:VAL:CA	1:A:19:VAL:C	1:A:20:THR:N	5	2.58
(1,315)	1:A:52:PHE:N	1:A:52:PHE:CA	1:A:52:PHE:C	1:A:53:THR:N	20	2.58
(1,282)	1:A:27:PRO:N	1:A:27:PRO:CA	1:A:27:PRO:C	1:A:28:PRO:N	7	2.58
(1,269)	1:A:19:VAL:N	1:A:19:VAL:CA	1:A:19:VAL:C	1:A:20:THR:N	5	2.58
(1,151)	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	1	2.58
(1,419)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	2	2.57
(1,184)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	2	2.57
(1,468)	1:A:140:LEU:N	1:A:140:LEU:CA	1:A:140:LEU:C	1:A:141:PHE:N	12	2.56
(1,386)	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	4	2.56
(1,233)	1:A:140:LEU:N	1:A:140:LEU:CA	1:A:140:LEU:C	1:A:141:PHE:N	12	2.56
(1,151)	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	4	2.56
(1,456)	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	1:A:134:TYR:N	13	2.55
(1,385)	1:A:93:ARG:N	1:A:93:ARG:CA	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	17	2.55
(1,221)	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	1:A:134:TYR:N	13	2.55
(1,150)	1:A:93:ARG:N	1:A:93:ARG:CA	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	17	2.55
(1,254)	1:A:11:SER:C	1:A:12:LEU:N	1:A:12:LEU:CA	1:A:12:LEU:C	12	2.54
(1,19)	1:A:11:SER:C	1:A:12:LEU:N	1:A:12:LEU:CA	1:A:12:LEU:C	12	2.54
(1,9)	1:A:6:GLU:C	1:A:7:GLU:N	1:A:7:GLU:CA	1:A:7:GLU:C	12	2.53
(1,429)	1:A:118:SER:N	1:A:118:SER:CA	1:A:118:SER:C	1:A:119:ALA:N	17	2.53
(1,380)	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	9	2.53
(1,355)	1:A:76:GLU:N	1:A:76:GLU:CA	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLU:N	11	2.53
(1,244)	1:A:6:GLU:C	1:A:7:GLU:N	1:A:7:GLU:CA	1:A:7:GLU:C	12	2.53
(1,194)	1:A:118:SER:N	1:A:118:SER:CA	1:A:118:SER:C	1:A:119:ALA:N	17	2.53
(1,145)	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	9	2.53
(1,120)	1:A:76:GLU:N	1:A:76:GLU:CA	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLU:N	11	2.53
(1,65)	1:A:42:TYR:N	1:A:42:TYR:CA	1:A:42:TYR:C	1:A:43:VAL:N	16	2.52
(1,300)	1:A:42:TYR:N	1:A:42:TYR:CA	1:A:42:TYR:C	1:A:43:VAL:N	16	2.52
(1,95)	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	1:A:61:GLN:CA	1:A:61:GLN:C	7	2.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,413)	1:A:109:PRO:N	1:A:109:PRO:CA	1:A:109:PRO:C	1:A:110:ASN:N	15	2.51
(1,383)	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	17	2.51
(1,330)	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	1:A:61:GLN:CA	1:A:61:GLN:C	7	2.51
(1,178)	1:A:109:PRO:N	1:A:109:PRO:CA	1:A:109:PRO:C	1:A:110:ASN:N	15	2.51
(1,148)	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	17	2.51
(1,42)	1:A:24:GLY:N	1:A:24:GLY:CA	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	12	2.5
(1,277)	1:A:24:GLY:N	1:A:24:GLY:CA	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	12	2.5
(1,79)	1:A:51:LEU:C	1:A:52:PHE:N	1:A:52:PHE:CA	1:A:52:PHE:C	5	2.49
(1,75)	1:A:47:SER:N	1:A:47:SER:CA	1:A:47:SER:C	1:A:48:GLY:N	3	2.49
(1,416)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	2	2.49
(1,380)	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	12	2.49
(1,314)	1:A:51:LEU:C	1:A:52:PHE:N	1:A:52:PHE:CA	1:A:52:PHE:C	5	2.49
(1,310)	1:A:47:SER:N	1:A:47:SER:CA	1:A:47:SER:C	1:A:48:GLY:N	3	2.49
(1,181)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	2	2.49
(1,145)	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	12	2.49
(1,459)	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1	2.47
(1,362)	1:A:79:LEU:C	1:A:80:ASP:N	1:A:80:ASP:CA	1:A:80:ASP:C	1	2.47
(1,224)	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1	2.47
(1,127)	1:A:79:LEU:C	1:A:80:ASP:N	1:A:80:ASP:CA	1:A:80:ASP:C	1	2.47
(1,460)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	6	2.46
(1,374)	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	18	2.46
(1,345)	1:A:70:PRO:N	1:A:70:PRO:CA	1:A:70:PRO:C	1:A:71:ILE:N	18	2.46
(1,225)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	6	2.46
(1,139)	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	18	2.46
(1,110)	1:A:70:PRO:N	1:A:70:PRO:CA	1:A:70:PRO:C	1:A:71:ILE:N	18	2.46
(1,92)	1:A:59:ASP:N	1:A:59:ASP:CA	1:A:59:ASP:C	1:A:60:SER:N	1	2.45
(1,327)	1:A:59:ASP:N	1:A:59:ASP:CA	1:A:59:ASP:C	1:A:60:SER:N	1	2.45
(1,464)	1:A:138:LEU:N	1:A:138:LEU:CA	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	12	2.44
(1,387)	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	12	2.44
(1,229)	1:A:138:LEU:N	1:A:138:LEU:CA	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	12	2.44
(1,152)	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	12	2.44
(1,82)	1:A:53:THR:N	1:A:53:THR:CA	1:A:53:THR:C	1:A:54:SER:N	11	2.41
(1,317)	1:A:53:THR:N	1:A:53:THR:CA	1:A:53:THR:C	1:A:54:SER:N	11	2.41
(1,390)	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	15	2.39
(1,155)	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	15	2.39
(1,397)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	15	2.38
(1,162)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	15	2.38
(1,378)	1:A:89:GLU:C	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	11	2.37
(1,363)	1:A:80:ASP:N	1:A:80:ASP:CA	1:A:80:ASP:C	1:A:81:THR:N	1	2.37
(1,143)	1:A:89:GLU:C	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	11	2.37
(1,128)	1:A:80:ASP:N	1:A:80:ASP:CA	1:A:80:ASP:C	1:A:81:THR:N	1	2.37
(1,365)	1:A:82:SER:N	1:A:82:SER:CA	1:A:82:SER:C	1:A:83:HIS:N	1	2.36
(1,130)	1:A:82:SER:N	1:A:82:SER:CA	1:A:82:SER:C	1:A:83:HIS:N	1	2.36
(1,42)	1:A:24:GLY:N	1:A:24:GLY:CA	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	3	2.35
(1,410)	1:A:107:PRO:N	1:A:107:PRO:CA	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	14	2.35
(1,277)	1:A:24:GLY:N	1:A:24:GLY:CA	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	3	2.35
(1,175)	1:A:107:PRO:N	1:A:107:PRO:CA	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	14	2.35
(1,337)	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	15	2.34
(1,102)	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	15	2.34
(1,47)	1:A:27:PRO:N	1:A:27:PRO:CA	1:A:27:PRO:C	1:A:28:PRO:N	17	2.33
(1,282)	1:A:27:PRO:N	1:A:27:PRO:CA	1:A:27:PRO:C	1:A:28:PRO:N	17	2.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,261)	1:A:15:MET:N	1:A:15:MET:CA	1:A:15:MET:C	1:A:16:GLN:N	4	2.33
(1,26)	1:A:15:MET:N	1:A:15:MET:CA	1:A:15:MET:C	1:A:16:GLN:N	4	2.33
(1,47)	1:A:27:PRO:N	1:A:27:PRO:CA	1:A:27:PRO:C	1:A:28:PRO:N	15	2.32
(1,282)	1:A:27:PRO:N	1:A:27:PRO:CA	1:A:27:PRO:C	1:A:28:PRO:N	15	2.32
(1,42)	1:A:24:GLY:N	1:A:24:GLY:CA	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	20	2.31
(1,411)	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	19	2.31
(1,277)	1:A:24:GLY:N	1:A:24:GLY:CA	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	20	2.31
(1,176)	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	19	2.31
(1,468)	1:A:140:LEU:N	1:A:140:LEU:CA	1:A:140:LEU:C	1:A:141:PHE:N	8	2.3
(1,233)	1:A:140:LEU:N	1:A:140:LEU:CA	1:A:140:LEU:C	1:A:141:PHE:N	8	2.3
(1,368)	1:A:84:GLY:C	1:A:85:MET:N	1:A:85:MET:CA	1:A:85:MET:C	13	2.28
(1,355)	1:A:76:GLU:N	1:A:76:GLU:CA	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLU:N	17	2.28
(1,260)	1:A:14:ARG:C	1:A:15:MET:N	1:A:15:MET:CA	1:A:15:MET:C	2	2.28
(1,25)	1:A:14:ARG:C	1:A:15:MET:N	1:A:15:MET:CA	1:A:15:MET:C	2	2.28
(1,133)	1:A:84:GLY:C	1:A:85:MET:N	1:A:85:MET:CA	1:A:85:MET:C	13	2.28
(1,120)	1:A:76:GLU:N	1:A:76:GLU:CA	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLU:N	17	2.28
(1,419)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	11	2.27
(1,394)	1:A:97:SER:C	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	18	2.27
(1,184)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	11	2.27
(1,159)	1:A:97:SER:C	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	18	2.27
(1,461)	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	3	2.25
(1,226)	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	3	2.25
(1,397)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1	2.24
(1,371)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1	2.24
(1,162)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	1	2.24
(1,136)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	1	2.24
(1,347)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:GLU:N	2	2.22
(1,112)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:GLU:N	2	2.22
(1,392)	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	1:A:97:SER:CA	1:A:97:SER:C	11	2.21
(1,157)	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	1:A:97:SER:CA	1:A:97:SER:C	11	2.21
(1,455)	1:A:132:GLU:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	1	2.2
(1,451)	1:A:130:LYS:C	1:A:131:GLU:N	1:A:131:GLU:CA	1:A:131:GLU:C	15	2.2
(1,220)	1:A:132:GLU:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	1	2.2
(1,216)	1:A:130:LYS:C	1:A:131:GLU:N	1:A:131:GLU:CA	1:A:131:GLU:C	15	2.2
(1,461)	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	18	2.18
(1,226)	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	18	2.18
(1,99)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:TRP:N	1:A:64:TRP:CA	1:A:64:TRP:C	18	2.17
(1,334)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:TRP:N	1:A:64:TRP:CA	1:A:64:TRP:C	18	2.17
(1,28)	1:A:16:GLN:N	1:A:16:GLN:CA	1:A:16:GLN:C	1:A:17:TYR:N	17	2.16
(1,263)	1:A:16:GLN:N	1:A:16:GLN:CA	1:A:16:GLN:C	1:A:17:TYR:N	17	2.16
(1,57)	1:A:37:LYS:N	1:A:37:LYS:CA	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	8	2.15
(1,464)	1:A:138:LEU:N	1:A:138:LEU:CA	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	1	2.15
(1,347)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:GLU:N	11	2.15
(1,292)	1:A:37:LYS:N	1:A:37:LYS:CA	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	8	2.15
(1,229)	1:A:138:LEU:N	1:A:138:LEU:CA	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	1	2.15
(1,112)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:GLU:N	11	2.15
(1,375)	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	1:A:89:GLU:N	14	2.12
(1,355)	1:A:76:GLU:N	1:A:76:GLU:CA	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLU:N	14	2.12
(1,140)	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	1:A:89:GLU:N	14	2.12
(1,120)	1:A:76:GLU:N	1:A:76:GLU:CA	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLU:N	14	2.12
(1,92)	1:A:59:ASP:N	1:A:59:ASP:CA	1:A:59:ASP:C	1:A:60:SER:N	15	2.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,327)	1:A:59:ASP:N	1:A:59:ASP:CA	1:A:59:ASP:C	1:A:60:SER:N	15	2.11
(1,455)	1:A:132:GLU:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	15	2.09
(1,419)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	5	2.09
(1,220)	1:A:132:GLU:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	15	2.09
(1,184)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	5	2.09
(1,42)	1:A:24:GLY:N	1:A:24:GLY:CA	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	16	2.08
(1,410)	1:A:107:PRO:N	1:A:107:PRO:CA	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	7	2.08
(1,277)	1:A:24:GLY:N	1:A:24:GLY:CA	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	16	2.08
(1,175)	1:A:107:PRO:N	1:A:107:PRO:CA	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	7	2.08
(1,90)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ASP:N	15	2.07
(1,325)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ASP:N	15	2.07
(1,453)	1:A:131:GLU:C	1:A:132:GLU:N	1:A:132:GLU:CA	1:A:132:GLU:C	18	2.06
(1,421)	1:A:114:TYR:N	1:A:114:TYR:CA	1:A:114:TYR:C	1:A:115:CYS:N	3	2.06
(1,218)	1:A:131:GLU:C	1:A:132:GLU:N	1:A:132:GLU:CA	1:A:132:GLU:C	18	2.06
(1,186)	1:A:114:TYR:N	1:A:114:TYR:CA	1:A:114:TYR:C	1:A:115:CYS:N	3	2.06
(1,397)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	16	2.05
(1,162)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	16	2.05
(1,403)	1:A:102:VAL:N	1:A:102:VAL:CA	1:A:102:VAL:C	1:A:103:PHE:N	14	2.04
(1,168)	1:A:102:VAL:N	1:A:102:VAL:CA	1:A:102:VAL:C	1:A:103:PHE:N	14	2.04
(1,416)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	3	2.03
(1,385)	1:A:93:ARG:N	1:A:93:ARG:CA	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	18	2.03
(1,382)	1:A:91:ARG:C	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	15	2.03
(1,181)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	3	2.03
(1,150)	1:A:93:ARG:N	1:A:93:ARG:CA	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	18	2.03
(1,147)	1:A:91:ARG:C	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	15	2.03
(1,451)	1:A:130:LYS:C	1:A:131:GLU:N	1:A:131:GLU:CA	1:A:131:GLU:C	14	2.02
(1,395)	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	1:A:99:LEU:N	15	2.02
(1,237)	1:A:3:TYR:N	1:A:3:TYR:CA	1:A:3:TYR:C	1:A:4:ASN:N	2	2.02
(1,216)	1:A:130:LYS:C	1:A:131:GLU:N	1:A:131:GLU:CA	1:A:131:GLU:C	14	2.02
(1,2)	1:A:3:TYR:N	1:A:3:TYR:CA	1:A:3:TYR:C	1:A:4:ASN:N	2	2.02
(1,160)	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	1:A:99:LEU:N	15	2.02
(1,79)	1:A:51:LEU:C	1:A:52:PHE:N	1:A:52:PHE:CA	1:A:52:PHE:C	18	1.96
(1,314)	1:A:51:LEU:C	1:A:52:PHE:N	1:A:52:PHE:CA	1:A:52:PHE:C	18	1.96
(1,355)	1:A:76:GLU:N	1:A:76:GLU:CA	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLU:N	18	1.95
(1,120)	1:A:76:GLU:N	1:A:76:GLU:CA	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLU:N	18	1.95
(1,92)	1:A:59:ASP:N	1:A:59:ASP:CA	1:A:59:ASP:C	1:A:60:SER:N	11	1.92
(1,78)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	18	1.92
(1,327)	1:A:59:ASP:N	1:A:59:ASP:CA	1:A:59:ASP:C	1:A:60:SER:N	11	1.92
(1,313)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	18	1.92
(1,50)	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	1:A:32:GLU:CA	1:A:32:GLU:C	9	1.91
(1,285)	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	1:A:32:GLU:CA	1:A:32:GLU:C	9	1.91
(1,411)	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	18	1.89
(1,397)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	11	1.89
(1,394)	1:A:97:SER:C	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	13	1.89
(1,374)	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	9	1.89
(1,176)	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	18	1.89
(1,162)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	11	1.89
(1,159)	1:A:97:SER:C	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	13	1.89
(1,139)	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	9	1.89
(1,57)	1:A:37:LYS:N	1:A:37:LYS:CA	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	19	1.88
(1,375)	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	1:A:89:GLU:N	17	1.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,292)	1:A:37:LYS:N	1:A:37:LYS:CA	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	19	1.88
(1,140)	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	1:A:89:GLU:N	17	1.88
(1,460)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	11	1.87
(1,386)	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	8	1.87
(1,225)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	11	1.87
(1,151)	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	8	1.87
(1,459)	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	15	1.86
(1,362)	1:A:79:LEU:C	1:A:80:ASP:N	1:A:80:ASP:CA	1:A:80:ASP:C	12	1.86
(1,355)	1:A:76:GLU:N	1:A:76:GLU:CA	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLU:N	1	1.86
(1,224)	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	15	1.86
(1,127)	1:A:79:LEU:C	1:A:80:ASP:N	1:A:80:ASP:CA	1:A:80:ASP:C	12	1.86
(1,120)	1:A:76:GLU:N	1:A:76:GLU:CA	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLU:N	1	1.86
(1,458)	1:A:135:GLU:N	1:A:135:GLU:CA	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	18	1.84
(1,455)	1:A:132:GLU:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	13	1.84
(1,451)	1:A:130:LYS:C	1:A:131:GLU:N	1:A:131:GLU:CA	1:A:131:GLU:C	4	1.84
(1,223)	1:A:135:GLU:N	1:A:135:GLU:CA	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	18	1.84
(1,220)	1:A:132:GLU:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	13	1.84
(1,216)	1:A:130:LYS:C	1:A:131:GLU:N	1:A:131:GLU:CA	1:A:131:GLU:C	4	1.84
(1,459)	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	7	1.83
(1,224)	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	7	1.83
(1,83)	1:A:53:THR:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	19	1.8
(1,451)	1:A:130:LYS:C	1:A:131:GLU:N	1:A:131:GLU:CA	1:A:131:GLU:C	10	1.8
(1,318)	1:A:53:THR:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	19	1.8
(1,216)	1:A:130:LYS:C	1:A:131:GLU:N	1:A:131:GLU:CA	1:A:131:GLU:C	10	1.8
(1,92)	1:A:59:ASP:N	1:A:59:ASP:CA	1:A:59:ASP:C	1:A:60:SER:N	9	1.79
(1,412)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	4	1.79
(1,383)	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	10	1.79
(1,327)	1:A:59:ASP:N	1:A:59:ASP:CA	1:A:59:ASP:C	1:A:60:SER:N	9	1.79
(1,177)	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	1:A:109:PRO:N	4	1.79
(1,148)	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	10	1.79
(1,98)	1:A:62:CYS:N	1:A:62:CYS:CA	1:A:62:CYS:C	1:A:63:GLY:N	3	1.78
(1,460)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	13	1.78
(1,4)	1:A:4:ASN:N	1:A:4:ASN:CA	1:A:4:ASN:C	1:A:5:LYS:N	5	1.78
(1,365)	1:A:82:SER:N	1:A:82:SER:CA	1:A:82:SER:C	1:A:83:HIS:N	19	1.78
(1,333)	1:A:62:CYS:N	1:A:62:CYS:CA	1:A:62:CYS:C	1:A:63:GLY:N	3	1.78
(1,239)	1:A:4:ASN:N	1:A:4:ASN:CA	1:A:4:ASN:C	1:A:5:LYS:N	5	1.78
(1,225)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	13	1.78
(1,130)	1:A:82:SER:N	1:A:82:SER:CA	1:A:82:SER:C	1:A:83:HIS:N	19	1.78
(1,84)	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	1:A:55:LYS:N	8	1.77
(1,319)	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	1:A:55:LYS:N	8	1.77
(1,79)	1:A:51:LEU:C	1:A:52:PHE:N	1:A:52:PHE:CA	1:A:52:PHE:C	13	1.76
(1,42)	1:A:24:GLY:N	1:A:24:GLY:CA	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	5	1.76
(1,314)	1:A:51:LEU:C	1:A:52:PHE:N	1:A:52:PHE:CA	1:A:52:PHE:C	13	1.76
(1,277)	1:A:24:GLY:N	1:A:24:GLY:CA	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	5	1.76
(1,386)	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	2	1.74
(1,151)	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	2	1.74
(1,261)	1:A:15:MET:N	1:A:15:MET:CA	1:A:15:MET:C	1:A:16:GLN:N	14	1.73
(1,26)	1:A:15:MET:N	1:A:15:MET:CA	1:A:15:MET:C	1:A:16:GLN:N	14	1.73
(1,4)	1:A:4:ASN:N	1:A:4:ASN:CA	1:A:4:ASN:C	1:A:5:LYS:N	1	1.72
(1,239)	1:A:4:ASN:N	1:A:4:ASN:CA	1:A:4:ASN:C	1:A:5:LYS:N	1	1.72
(1,79)	1:A:51:LEU:C	1:A:52:PHE:N	1:A:52:PHE:CA	1:A:52:PHE:C	20	1.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,314)	1:A:51:LEU:C	1:A:52:PHE:N	1:A:52:PHE:CA	1:A:52:PHE:C	20	1.71
(1,65)	1:A:42:TYR:N	1:A:42:TYR:CA	1:A:42:TYR:C	1:A:43:VAL:N	2	1.7
(1,419)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	17	1.7
(1,300)	1:A:42:TYR:N	1:A:42:TYR:CA	1:A:42:TYR:C	1:A:43:VAL:N	2	1.7
(1,184)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	17	1.7
(1,75)	1:A:47:SER:N	1:A:47:SER:CA	1:A:47:SER:C	1:A:48:GLY:N	7	1.69
(1,401)	1:A:101:HIS:N	1:A:101:HIS:CA	1:A:101:HIS:C	1:A:102:VAL:N	18	1.69
(1,336)	1:A:65:PRO:N	1:A:65:PRO:CA	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	16	1.69
(1,310)	1:A:47:SER:N	1:A:47:SER:CA	1:A:47:SER:C	1:A:48:GLY:N	7	1.69
(1,166)	1:A:101:HIS:N	1:A:101:HIS:CA	1:A:101:HIS:C	1:A:102:VAL:N	18	1.69
(1,101)	1:A:65:PRO:N	1:A:65:PRO:CA	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	16	1.69
(1,464)	1:A:138:LEU:N	1:A:138:LEU:CA	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	9	1.68
(1,423)	1:A:115:CYS:N	1:A:115:CYS:CA	1:A:115:CYS:C	1:A:116:ILE:N	8	1.68
(1,395)	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	1:A:99:LEU:N	8	1.68
(1,229)	1:A:138:LEU:N	1:A:138:LEU:CA	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	9	1.68
(1,188)	1:A:115:CYS:N	1:A:115:CYS:CA	1:A:115:CYS:C	1:A:116:ILE:N	8	1.68
(1,160)	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	1:A:99:LEU:N	8	1.68
(1,91)	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ASP:N	1:A:59:ASP:CA	1:A:59:ASP:C	13	1.67
(1,89)	1:A:57:LYS:C	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	13	1.67
(1,460)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	1	1.67
(1,326)	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ASP:N	1:A:59:ASP:CA	1:A:59:ASP:C	13	1.67
(1,324)	1:A:57:LYS:C	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	13	1.67
(1,225)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	1	1.67
(1,421)	1:A:114:TYR:N	1:A:114:TYR:CA	1:A:114:TYR:C	1:A:115:CYS:N	18	1.66
(1,382)	1:A:91:ARG:C	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	3	1.66
(1,186)	1:A:114:TYR:N	1:A:114:TYR:CA	1:A:114:TYR:C	1:A:115:CYS:N	18	1.66
(1,147)	1:A:91:ARG:C	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	3	1.66
(1,410)	1:A:107:PRO:N	1:A:107:PRO:CA	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	9	1.65
(1,337)	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	2	1.65
(1,175)	1:A:107:PRO:N	1:A:107:PRO:CA	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	9	1.65
(1,102)	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	1:A:66:SER:CA	1:A:66:SER:C	2	1.65
(1,419)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	8	1.64
(1,411)	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	9	1.64
(1,184)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	8	1.64
(1,176)	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	9	1.64
(1,349)	1:A:73:GLU:N	1:A:73:GLU:CA	1:A:73:GLU:C	1:A:74:GLU:N	19	1.62
(1,114)	1:A:73:GLU:N	1:A:73:GLU:CA	1:A:73:GLU:C	1:A:74:GLU:N	19	1.62
(1,95)	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	1:A:61:GLN:CA	1:A:61:GLN:C	1	1.6
(1,410)	1:A:107:PRO:N	1:A:107:PRO:CA	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	10	1.6
(1,367)	1:A:84:GLY:N	1:A:84:GLY:CA	1:A:84:GLY:C	1:A:85:MET:N	15	1.6
(1,347)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:GLU:N	18	1.6
(1,330)	1:A:60:SER:C	1:A:61:GLN:N	1:A:61:GLN:CA	1:A:61:GLN:C	1	1.6
(1,175)	1:A:107:PRO:N	1:A:107:PRO:CA	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	10	1.6
(1,132)	1:A:84:GLY:N	1:A:84:GLY:CA	1:A:84:GLY:C	1:A:85:MET:N	15	1.6
(1,112)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:GLU:N	18	1.6
(1,341)	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:C	19	1.59
(1,106)	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:C	19	1.59
(1,83)	1:A:53:THR:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	9	1.58
(1,318)	1:A:53:THR:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	9	1.58
(1,79)	1:A:51:LEU:C	1:A:52:PHE:N	1:A:52:PHE:CA	1:A:52:PHE:C	14	1.56
(1,455)	1:A:132:GLU:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	16	1.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,415)	1:A:110:ASN:N	1:A:110:ASN:CA	1:A:110:ASN:C	1:A:111:GLY:N	20	1.56
(1,395)	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	1:A:99:LEU:N	11	1.56
(1,314)	1:A:51:LEU:C	1:A:52:PHE:N	1:A:52:PHE:CA	1:A:52:PHE:C	14	1.56
(1,220)	1:A:132:GLU:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	16	1.56
(1,180)	1:A:110:ASN:N	1:A:110:ASN:CA	1:A:110:ASN:C	1:A:111:GLY:N	20	1.56
(1,160)	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	1:A:99:LEU:N	11	1.56
(1,397)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	9	1.55
(1,363)	1:A:80:ASP:N	1:A:80:ASP:CA	1:A:80:ASP:C	1:A:81:THR:N	12	1.55
(1,162)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	9	1.55
(1,128)	1:A:80:ASP:N	1:A:80:ASP:CA	1:A:80:ASP:C	1:A:81:THR:N	12	1.55
(1,464)	1:A:138:LEU:N	1:A:138:LEU:CA	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	16	1.54
(1,455)	1:A:132:GLU:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	20	1.54
(1,237)	1:A:3:TYR:N	1:A:3:TYR:CA	1:A:3:TYR:C	1:A:4:ASN:N	4	1.54
(1,229)	1:A:138:LEU:N	1:A:138:LEU:CA	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	16	1.54
(1,220)	1:A:132:GLU:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	20	1.54
(1,2)	1:A:3:TYR:N	1:A:3:TYR:CA	1:A:3:TYR:C	1:A:4:ASN:N	4	1.54
(1,465)	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	1:A:139:HIS:CA	1:A:139:HIS:C	12	1.53
(1,453)	1:A:131:GLU:C	1:A:132:GLU:N	1:A:132:GLU:CA	1:A:132:GLU:C	12	1.53
(1,435)	1:A:122:ARG:N	1:A:122:ARG:CA	1:A:122:ARG:C	1:A:123:PHE:N	18	1.53
(1,230)	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	1:A:139:HIS:CA	1:A:139:HIS:C	12	1.53
(1,218)	1:A:131:GLU:C	1:A:132:GLU:N	1:A:132:GLU:CA	1:A:132:GLU:C	12	1.53
(1,200)	1:A:122:ARG:N	1:A:122:ARG:CA	1:A:122:ARG:C	1:A:123:PHE:N	18	1.53
(1,83)	1:A:53:THR:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	12	1.52
(1,78)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	6	1.52
(1,383)	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	15	1.52
(1,318)	1:A:53:THR:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	12	1.52
(1,313)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	6	1.52
(1,148)	1:A:92:SER:N	1:A:92:SER:CA	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	15	1.52
(1,87)	1:A:56:ASP:C	1:A:57:LYS:N	1:A:57:LYS:CA	1:A:57:LYS:C	19	1.51
(1,465)	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	1:A:139:HIS:CA	1:A:139:HIS:C	10	1.51
(1,322)	1:A:56:ASP:C	1:A:57:LYS:N	1:A:57:LYS:CA	1:A:57:LYS:C	19	1.51
(1,230)	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	1:A:139:HIS:CA	1:A:139:HIS:C	10	1.51
(1,410)	1:A:107:PRO:N	1:A:107:PRO:CA	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	12	1.5
(1,336)	1:A:65:PRO:N	1:A:65:PRO:CA	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	5	1.5
(1,175)	1:A:107:PRO:N	1:A:107:PRO:CA	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	12	1.5
(1,101)	1:A:65:PRO:N	1:A:65:PRO:CA	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	5	1.5
(1,74)	1:A:46:VAL:C	1:A:47:SER:N	1:A:47:SER:CA	1:A:47:SER:C	18	1.47
(1,378)	1:A:89:GLU:C	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	18	1.47
(1,309)	1:A:46:VAL:C	1:A:47:SER:N	1:A:47:SER:CA	1:A:47:SER:C	18	1.47
(1,143)	1:A:89:GLU:C	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	18	1.47
(1,8)	1:A:6:GLU:N	1:A:6:GLU:CA	1:A:6:GLU:C	1:A:7:GLU:N	12	1.46
(1,392)	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	1:A:97:SER:CA	1:A:97:SER:C	19	1.46
(1,243)	1:A:6:GLU:N	1:A:6:GLU:CA	1:A:6:GLU:C	1:A:7:GLU:N	12	1.46
(1,157)	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	1:A:97:SER:CA	1:A:97:SER:C	19	1.46
(1,79)	1:A:51:LEU:C	1:A:52:PHE:N	1:A:52:PHE:CA	1:A:52:PHE:C	10	1.45
(1,375)	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	1:A:89:GLU:N	4	1.45
(1,314)	1:A:51:LEU:C	1:A:52:PHE:N	1:A:52:PHE:CA	1:A:52:PHE:C	10	1.45
(1,140)	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	1:A:89:GLU:N	4	1.45
(1,89)	1:A:57:LYS:C	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	14	1.44
(1,435)	1:A:122:ARG:N	1:A:122:ARG:CA	1:A:122:ARG:C	1:A:123:PHE:N	15	1.44
(1,385)	1:A:93:ARG:N	1:A:93:ARG:CA	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	3	1.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,324)	1:A:57:LYS:C	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	14	1.44
(1,200)	1:A:122:ARG:N	1:A:122:ARG:CA	1:A:122:ARG:C	1:A:123:PHE:N	15	1.44
(1,150)	1:A:93:ARG:N	1:A:93:ARG:CA	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	3	1.44
(1,237)	1:A:3:TYR:N	1:A:3:TYR:CA	1:A:3:TYR:C	1:A:4:ASN:N	13	1.43
(1,2)	1:A:3:TYR:N	1:A:3:TYR:CA	1:A:3:TYR:C	1:A:4:ASN:N	13	1.43
(1,96)	1:A:61:GLN:N	1:A:61:GLN:CA	1:A:61:GLN:C	1:A:62:CYS:N	10	1.42
(1,45)	1:A:25:THR:C	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	17	1.42
(1,331)	1:A:61:GLN:N	1:A:61:GLN:CA	1:A:61:GLN:C	1:A:62:CYS:N	10	1.42
(1,280)	1:A:25:THR:C	1:A:26:GLU:N	1:A:26:GLU:CA	1:A:26:GLU:C	17	1.42
(1,419)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	10	1.41
(1,184)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	10	1.41
(1,460)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	5	1.4
(1,378)	1:A:89:GLU:C	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	13	1.4
(1,254)	1:A:11:SER:C	1:A:12:LEU:N	1:A:12:LEU:CA	1:A:12:LEU:C	11	1.4
(1,225)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	5	1.4
(1,19)	1:A:11:SER:C	1:A:12:LEU:N	1:A:12:LEU:CA	1:A:12:LEU:C	11	1.4
(1,143)	1:A:89:GLU:C	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	13	1.4
(1,88)	1:A:57:LYS:N	1:A:57:LYS:CA	1:A:57:LYS:C	1:A:58:PHE:N	18	1.39
(1,364)	1:A:81:THR:C	1:A:82:SER:N	1:A:82:SER:CA	1:A:82:SER:C	11	1.39
(1,323)	1:A:57:LYS:N	1:A:57:LYS:CA	1:A:57:LYS:C	1:A:58:PHE:N	18	1.39
(1,129)	1:A:81:THR:C	1:A:82:SER:N	1:A:82:SER:CA	1:A:82:SER:C	11	1.39
(1,49)	1:A:31:ASN:N	1:A:31:ASN:CA	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	11	1.37
(1,371)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	4	1.37
(1,284)	1:A:31:ASN:N	1:A:31:ASN:CA	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	11	1.37
(1,136)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	4	1.37
(1,347)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:GLU:N	8	1.36
(1,112)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:GLU:N	8	1.36
(1,42)	1:A:24:GLY:N	1:A:24:GLY:CA	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	15	1.35
(1,403)	1:A:102:VAL:N	1:A:102:VAL:CA	1:A:102:VAL:C	1:A:103:PHE:N	19	1.35
(1,277)	1:A:24:GLY:N	1:A:24:GLY:CA	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	15	1.35
(1,168)	1:A:102:VAL:N	1:A:102:VAL:CA	1:A:102:VAL:C	1:A:103:PHE:N	19	1.35
(1,92)	1:A:59:ASP:N	1:A:59:ASP:CA	1:A:59:ASP:C	1:A:60:SER:N	18	1.34
(1,50)	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	1:A:32:GLU:CA	1:A:32:GLU:C	13	1.34
(1,464)	1:A:138:LEU:N	1:A:138:LEU:CA	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	6	1.34
(1,458)	1:A:135:GLU:N	1:A:135:GLU:CA	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	10	1.34
(1,327)	1:A:59:ASP:N	1:A:59:ASP:CA	1:A:59:ASP:C	1:A:60:SER:N	18	1.34
(1,285)	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	1:A:32:GLU:CA	1:A:32:GLU:C	13	1.34
(1,229)	1:A:138:LEU:N	1:A:138:LEU:CA	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	6	1.34
(1,223)	1:A:135:GLU:N	1:A:135:GLU:CA	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	10	1.34
(1,367)	1:A:84:GLY:N	1:A:84:GLY:CA	1:A:84:GLY:C	1:A:85:MET:N	11	1.33
(1,132)	1:A:84:GLY:N	1:A:84:GLY:CA	1:A:84:GLY:C	1:A:85:MET:N	11	1.33
(1,371)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	2	1.32
(1,136)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	2	1.32
(1,363)	1:A:80:ASP:N	1:A:80:ASP:CA	1:A:80:ASP:C	1:A:81:THR:N	10	1.31
(1,336)	1:A:65:PRO:N	1:A:65:PRO:CA	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	2	1.31
(1,128)	1:A:80:ASP:N	1:A:80:ASP:CA	1:A:80:ASP:C	1:A:81:THR:N	10	1.31
(1,101)	1:A:65:PRO:N	1:A:65:PRO:CA	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	2	1.31
(1,57)	1:A:37:LYS:N	1:A:37:LYS:CA	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	16	1.28
(1,292)	1:A:37:LYS:N	1:A:37:LYS:CA	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	16	1.28
(1,261)	1:A:15:MET:N	1:A:15:MET:CA	1:A:15:MET:C	1:A:16:GLN:N	2	1.28
(1,26)	1:A:15:MET:N	1:A:15:MET:CA	1:A:15:MET:C	1:A:16:GLN:N	2	1.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,386)	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	6	1.27
(1,349)	1:A:73:GLU:N	1:A:73:GLU:CA	1:A:73:GLU:C	1:A:74:GLU:N	6	1.27
(1,151)	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	6	1.27
(1,114)	1:A:73:GLU:N	1:A:73:GLU:CA	1:A:73:GLU:C	1:A:74:GLU:N	6	1.27
(1,74)	1:A:46:VAL:C	1:A:47:SER:N	1:A:47:SER:CA	1:A:47:SER:C	11	1.26
(1,455)	1:A:132:GLU:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	6	1.26
(1,401)	1:A:101:HIS:N	1:A:101:HIS:CA	1:A:101:HIS:C	1:A:102:VAL:N	7	1.26
(1,309)	1:A:46:VAL:C	1:A:47:SER:N	1:A:47:SER:CA	1:A:47:SER:C	11	1.26
(1,220)	1:A:132:GLU:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	6	1.26
(1,166)	1:A:101:HIS:N	1:A:101:HIS:CA	1:A:101:HIS:C	1:A:102:VAL:N	7	1.26
(1,90)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ASP:N	10	1.25
(1,51)	1:A:32:GLU:N	1:A:32:GLU:CA	1:A:32:GLU:C	1:A:33:TYR:N	16	1.25
(1,401)	1:A:101:HIS:N	1:A:101:HIS:CA	1:A:101:HIS:C	1:A:102:VAL:N	10	1.25
(1,325)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ASP:N	10	1.25
(1,286)	1:A:32:GLU:N	1:A:32:GLU:CA	1:A:32:GLU:C	1:A:33:TYR:N	16	1.25
(1,166)	1:A:101:HIS:N	1:A:101:HIS:CA	1:A:101:HIS:C	1:A:102:VAL:N	10	1.25
(1,78)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	10	1.24
(1,419)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	14	1.24
(1,362)	1:A:79:LEU:C	1:A:80:ASP:N	1:A:80:ASP:CA	1:A:80:ASP:C	13	1.24
(1,313)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	10	1.24
(1,184)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	14	1.24
(1,127)	1:A:79:LEU:C	1:A:80:ASP:N	1:A:80:ASP:CA	1:A:80:ASP:C	13	1.24
(1,455)	1:A:132:GLU:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	4	1.23
(1,357)	1:A:77:GLU:N	1:A:77:GLU:CA	1:A:77:GLU:C	1:A:78:LYS:N	2	1.23
(1,352)	1:A:74:GLU:C	1:A:75:VAL:N	1:A:75:VAL:CA	1:A:75:VAL:C	16	1.23
(1,339)	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	2	1.23
(1,220)	1:A:132:GLU:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	4	1.23
(1,122)	1:A:77:GLU:N	1:A:77:GLU:CA	1:A:77:GLU:C	1:A:78:LYS:N	2	1.23
(1,117)	1:A:74:GLU:C	1:A:75:VAL:N	1:A:75:VAL:CA	1:A:75:VAL:C	16	1.23
(1,104)	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	2	1.23
(1,464)	1:A:138:LEU:N	1:A:138:LEU:CA	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	5	1.22
(1,378)	1:A:89:GLU:C	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	16	1.22
(1,354)	1:A:75:VAL:C	1:A:76:GLU:N	1:A:76:GLU:CA	1:A:76:GLU:C	20	1.22
(1,229)	1:A:138:LEU:N	1:A:138:LEU:CA	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	5	1.22
(1,143)	1:A:89:GLU:C	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	16	1.22
(1,119)	1:A:75:VAL:C	1:A:76:GLU:N	1:A:76:GLU:CA	1:A:76:GLU:C	20	1.22
(1,84)	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	1:A:55:LYS:N	17	1.21
(1,76)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:LYS:N	1:A:49:LYS:CA	1:A:49:LYS:C	10	1.21
(1,407)	1:A:105:ASP:N	1:A:105:ASP:CA	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	18	1.21
(1,350)	1:A:73:GLU:C	1:A:74:GLU:N	1:A:74:GLU:CA	1:A:74:GLU:C	14	1.21
(1,319)	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	1:A:55:LYS:N	17	1.21
(1,311)	1:A:48:GLY:C	1:A:49:LYS:N	1:A:49:LYS:CA	1:A:49:LYS:C	10	1.21
(1,172)	1:A:105:ASP:N	1:A:105:ASP:CA	1:A:105:ASP:C	1:A:106:GLY:N	18	1.21
(1,115)	1:A:73:GLU:C	1:A:74:GLU:N	1:A:74:GLU:CA	1:A:74:GLU:C	14	1.21
(1,421)	1:A:114:TYR:N	1:A:114:TYR:CA	1:A:114:TYR:C	1:A:115:CYS:N	19	1.2
(1,186)	1:A:114:TYR:N	1:A:114:TYR:CA	1:A:114:TYR:C	1:A:115:CYS:N	19	1.2
(1,336)	1:A:65:PRO:N	1:A:65:PRO:CA	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	7	1.19
(1,101)	1:A:65:PRO:N	1:A:65:PRO:CA	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	7	1.19
(1,431)	1:A:119:ALA:N	1:A:119:ALA:CA	1:A:119:ALA:C	1:A:120:ALA:N	15	1.18
(1,260)	1:A:14:ARG:C	1:A:15:MET:N	1:A:15:MET:CA	1:A:15:MET:C	4	1.18
(1,25)	1:A:14:ARG:C	1:A:15:MET:N	1:A:15:MET:CA	1:A:15:MET:C	4	1.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,196)	1:A:119:ALA:N	1:A:119:ALA:CA	1:A:119:ALA:C	1:A:120:ALA:N	15	1.18
(1,88)	1:A:57:LYS:N	1:A:57:LYS:CA	1:A:57:LYS:C	1:A:58:PHE:N	17	1.17
(1,323)	1:A:57:LYS:N	1:A:57:LYS:CA	1:A:57:LYS:C	1:A:58:PHE:N	17	1.17
(1,78)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	12	1.16
(1,464)	1:A:138:LEU:N	1:A:138:LEU:CA	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	11	1.16
(1,313)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	12	1.16
(1,229)	1:A:138:LEU:N	1:A:138:LEU:CA	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	11	1.16
(1,468)	1:A:140:LEU:N	1:A:140:LEU:CA	1:A:140:LEU:C	1:A:141:PHE:N	19	1.14
(1,233)	1:A:140:LEU:N	1:A:140:LEU:CA	1:A:140:LEU:C	1:A:141:PHE:N	19	1.14
(1,51)	1:A:32:GLU:N	1:A:32:GLU:CA	1:A:32:GLU:C	1:A:33:TYR:N	15	1.13
(1,286)	1:A:32:GLU:N	1:A:32:GLU:CA	1:A:32:GLU:C	1:A:33:TYR:N	15	1.13
(1,6)	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	1:A:6:GLU:N	5	1.12
(1,241)	1:A:5:LYS:N	1:A:5:LYS:CA	1:A:5:LYS:C	1:A:6:GLU:N	5	1.12
(1,87)	1:A:56:ASP:C	1:A:57:LYS:N	1:A:57:LYS:CA	1:A:57:LYS:C	4	1.11
(1,410)	1:A:107:PRO:N	1:A:107:PRO:CA	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	2	1.11
(1,322)	1:A:56:ASP:C	1:A:57:LYS:N	1:A:57:LYS:CA	1:A:57:LYS:C	4	1.11
(1,175)	1:A:107:PRO:N	1:A:107:PRO:CA	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	2	1.11
(1,87)	1:A:56:ASP:C	1:A:57:LYS:N	1:A:57:LYS:CA	1:A:57:LYS:C	2	1.1
(1,435)	1:A:122:ARG:N	1:A:122:ARG:CA	1:A:122:ARG:C	1:A:123:PHE:N	8	1.1
(1,401)	1:A:101:HIS:N	1:A:101:HIS:CA	1:A:101:HIS:C	1:A:102:VAL:N	19	1.1
(1,322)	1:A:56:ASP:C	1:A:57:LYS:N	1:A:57:LYS:CA	1:A:57:LYS:C	2	1.1
(1,237)	1:A:3:TYR:N	1:A:3:TYR:CA	1:A:3:TYR:C	1:A:4:ASN:N	9	1.1
(1,200)	1:A:122:ARG:N	1:A:122:ARG:CA	1:A:122:ARG:C	1:A:123:PHE:N	8	1.1
(1,2)	1:A:3:TYR:N	1:A:3:TYR:CA	1:A:3:TYR:C	1:A:4:ASN:N	9	1.1
(1,166)	1:A:101:HIS:N	1:A:101:HIS:CA	1:A:101:HIS:C	1:A:102:VAL:N	19	1.1
(1,437)	1:A:123:PHE:N	1:A:123:PHE:CA	1:A:123:PHE:C	1:A:124:VAL:N	11	1.09
(1,202)	1:A:123:PHE:N	1:A:123:PHE:CA	1:A:123:PHE:C	1:A:124:VAL:N	11	1.09
(1,406)	1:A:104:ASN:C	1:A:105:ASP:N	1:A:105:ASP:CA	1:A:105:ASP:C	12	1.08
(1,374)	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	6	1.08
(1,171)	1:A:104:ASN:C	1:A:105:ASP:N	1:A:105:ASP:CA	1:A:105:ASP:C	12	1.08
(1,139)	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	6	1.08
(1,386)	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	11	1.07
(1,151)	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	11	1.07
(1,392)	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	1:A:97:SER:CA	1:A:97:SER:C	2	1.06
(1,157)	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	1:A:97:SER:CA	1:A:97:SER:C	2	1.06
(1,87)	1:A:56:ASP:C	1:A:57:LYS:N	1:A:57:LYS:CA	1:A:57:LYS:C	20	1.05
(1,411)	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	6	1.05
(1,351)	1:A:74:GLU:N	1:A:74:GLU:CA	1:A:74:GLU:C	1:A:75:VAL:N	3	1.05
(1,322)	1:A:56:ASP:C	1:A:57:LYS:N	1:A:57:LYS:CA	1:A:57:LYS:C	20	1.05
(1,176)	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	1:A:108:GLY:CA	1:A:108:GLY:C	6	1.05
(1,116)	1:A:74:GLU:N	1:A:74:GLU:CA	1:A:74:GLU:C	1:A:75:VAL:N	3	1.05
(1,470)	1:A:141:PHE:N	1:A:141:PHE:CA	1:A:141:PHE:C	1:A:142:ASN:N	19	1.04
(1,235)	1:A:141:PHE:N	1:A:141:PHE:CA	1:A:141:PHE:C	1:A:142:ASN:N	19	1.04
(1,470)	1:A:141:PHE:N	1:A:141:PHE:CA	1:A:141:PHE:C	1:A:142:ASN:N	17	1.03
(1,379)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	14	1.03
(1,235)	1:A:141:PHE:N	1:A:141:PHE:CA	1:A:141:PHE:C	1:A:142:ASN:N	17	1.03
(1,144)	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	14	1.03
(1,406)	1:A:104:ASN:C	1:A:105:ASP:N	1:A:105:ASP:CA	1:A:105:ASP:C	9	1.01
(1,380)	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	3	1.01
(1,171)	1:A:104:ASN:C	1:A:105:ASP:N	1:A:105:ASP:CA	1:A:105:ASP:C	9	1.01
(1,145)	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	3	1.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,419)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	16	1.0
(1,184)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	16	1.0
(1,82)	1:A:53:THR:N	1:A:53:THR:CA	1:A:53:THR:C	1:A:54:SER:N	7	0.98
(1,392)	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	1:A:97:SER:CA	1:A:97:SER:C	12	0.98
(1,317)	1:A:53:THR:N	1:A:53:THR:CA	1:A:53:THR:C	1:A:54:SER:N	7	0.98
(1,157)	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	1:A:97:SER:CA	1:A:97:SER:C	12	0.98
(1,99)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:TRP:N	1:A:64:TRP:CA	1:A:64:TRP:C	17	0.97
(1,365)	1:A:82:SER:N	1:A:82:SER:CA	1:A:82:SER:C	1:A:83:HIS:N	9	0.97
(1,334)	1:A:63:GLY:C	1:A:64:TRP:N	1:A:64:TRP:CA	1:A:64:TRP:C	17	0.97
(1,130)	1:A:82:SER:N	1:A:82:SER:CA	1:A:82:SER:C	1:A:83:HIS:N	9	0.97
(1,78)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	4	0.96
(1,313)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	4	0.96
(1,254)	1:A:11:SER:C	1:A:12:LEU:N	1:A:12:LEU:CA	1:A:12:LEU:C	16	0.96
(1,19)	1:A:11:SER:C	1:A:12:LEU:N	1:A:12:LEU:CA	1:A:12:LEU:C	16	0.96
(1,56)	1:A:36:HIS:C	1:A:37:LYS:N	1:A:37:LYS:CA	1:A:37:LYS:C	3	0.93
(1,414)	1:A:109:PRO:C	1:A:110:ASN:N	1:A:110:ASN:CA	1:A:110:ASN:C	18	0.93
(1,339)	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	6	0.93
(1,291)	1:A:36:HIS:C	1:A:37:LYS:N	1:A:37:LYS:CA	1:A:37:LYS:C	3	0.93
(1,254)	1:A:11:SER:C	1:A:12:LEU:N	1:A:12:LEU:CA	1:A:12:LEU:C	3	0.93
(1,19)	1:A:11:SER:C	1:A:12:LEU:N	1:A:12:LEU:CA	1:A:12:LEU:C	3	0.93
(1,179)	1:A:109:PRO:C	1:A:110:ASN:N	1:A:110:ASN:CA	1:A:110:ASN:C	18	0.93
(1,104)	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	6	0.93
(1,461)	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	13	0.92
(1,427)	1:A:117:ASN:N	1:A:117:ASN:CA	1:A:117:ASN:C	1:A:118:SER:N	2	0.92
(1,226)	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	13	0.92
(1,192)	1:A:117:ASN:N	1:A:117:ASN:CA	1:A:117:ASN:C	1:A:118:SER:N	2	0.92
(1,65)	1:A:42:TYR:N	1:A:42:TYR:CA	1:A:42:TYR:C	1:A:43:VAL:N	8	0.91
(1,63)	1:A:41:LEU:N	1:A:41:LEU:CA	1:A:41:LEU:C	1:A:42:TYR:N	11	0.91
(1,336)	1:A:65:PRO:N	1:A:65:PRO:CA	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	1	0.91
(1,300)	1:A:42:TYR:N	1:A:42:TYR:CA	1:A:42:TYR:C	1:A:43:VAL:N	8	0.91
(1,298)	1:A:41:LEU:N	1:A:41:LEU:CA	1:A:41:LEU:C	1:A:42:TYR:N	11	0.91
(1,101)	1:A:65:PRO:N	1:A:65:PRO:CA	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	1	0.91
(1,80)	1:A:52:PHE:N	1:A:52:PHE:CA	1:A:52:PHE:C	1:A:53:THR:N	11	0.9
(1,388)	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	11	0.9
(1,347)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:GLU:N	1	0.9
(1,315)	1:A:52:PHE:N	1:A:52:PHE:CA	1:A:52:PHE:C	1:A:53:THR:N	11	0.9
(1,153)	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	11	0.9
(1,112)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:GLU:N	1	0.9
(1,97)	1:A:61:GLN:C	1:A:62:CYS:N	1:A:62:CYS:CA	1:A:62:CYS:C	11	0.89
(1,414)	1:A:109:PRO:C	1:A:110:ASN:N	1:A:110:ASN:CA	1:A:110:ASN:C	4	0.89
(1,332)	1:A:61:GLN:C	1:A:62:CYS:N	1:A:62:CYS:CA	1:A:62:CYS:C	11	0.89
(1,179)	1:A:109:PRO:C	1:A:110:ASN:N	1:A:110:ASN:CA	1:A:110:ASN:C	4	0.89
(1,435)	1:A:122:ARG:N	1:A:122:ARG:CA	1:A:122:ARG:C	1:A:123:PHE:N	20	0.88
(1,390)	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	10	0.88
(1,342)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	14	0.88
(1,335)	1:A:64:TRP:N	1:A:64:TRP:CA	1:A:64:TRP:C	1:A:65:PRO:N	15	0.88
(1,200)	1:A:122:ARG:N	1:A:122:ARG:CA	1:A:122:ARG:C	1:A:123:PHE:N	20	0.88
(1,155)	1:A:95:ALA:C	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	10	0.88
(1,107)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	14	0.88
(1,100)	1:A:64:TRP:N	1:A:64:TRP:CA	1:A:64:TRP:C	1:A:65:PRO:N	15	0.88
(1,355)	1:A:76:GLU:N	1:A:76:GLU:CA	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLU:N	7	0.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,260)	1:A:14:ARG:C	1:A:15:MET:N	1:A:15:MET:CA	1:A:15:MET:C	12	0.86
(1,25)	1:A:14:ARG:C	1:A:15:MET:N	1:A:15:MET:CA	1:A:15:MET:C	12	0.86
(1,120)	1:A:76:GLU:N	1:A:76:GLU:CA	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLU:N	7	0.86
(1,78)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	14	0.85
(1,466)	1:A:139:HIS:N	1:A:139:HIS:CA	1:A:139:HIS:C	1:A:140:LEU:N	15	0.85
(1,396)	1:A:98:HIS:C	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	19	0.85
(1,385)	1:A:93:ARG:N	1:A:93:ARG:CA	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	4	0.85
(1,375)	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	1:A:89:GLU:N	3	0.85
(1,355)	1:A:76:GLU:N	1:A:76:GLU:CA	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLU:N	19	0.85
(1,313)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	14	0.85
(1,237)	1:A:3:TYR:N	1:A:3:TYR:CA	1:A:3:TYR:C	1:A:4:ASN:N	6	0.85
(1,231)	1:A:139:HIS:N	1:A:139:HIS:CA	1:A:139:HIS:C	1:A:140:LEU:N	15	0.85
(1,2)	1:A:3:TYR:N	1:A:3:TYR:CA	1:A:3:TYR:C	1:A:4:ASN:N	6	0.85
(1,161)	1:A:98:HIS:C	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	19	0.85
(1,150)	1:A:93:ARG:N	1:A:93:ARG:CA	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	4	0.85
(1,140)	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	1:A:89:GLU:N	3	0.85
(1,120)	1:A:76:GLU:N	1:A:76:GLU:CA	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLU:N	19	0.85
(1,347)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:GLU:N	4	0.84
(1,112)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:GLU:N	4	0.84
(1,470)	1:A:141:PHE:N	1:A:141:PHE:CA	1:A:141:PHE:C	1:A:142:ASN:N	14	0.83
(1,347)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:GLU:N	20	0.83
(1,235)	1:A:141:PHE:N	1:A:141:PHE:CA	1:A:141:PHE:C	1:A:142:ASN:N	14	0.83
(1,112)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:GLU:N	20	0.83
(1,86)	1:A:55:LYS:N	1:A:55:LYS:CA	1:A:55:LYS:C	1:A:56:ASP:N	7	0.82
(1,321)	1:A:55:LYS:N	1:A:55:LYS:CA	1:A:55:LYS:C	1:A:56:ASP:N	7	0.82
(1,468)	1:A:140:LEU:N	1:A:140:LEU:CA	1:A:140:LEU:C	1:A:141:PHE:N	10	0.81
(1,456)	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	1:A:134:TYR:N	6	0.81
(1,384)	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	1:A:93:ARG:CA	1:A:93:ARG:C	11	0.81
(1,233)	1:A:140:LEU:N	1:A:140:LEU:CA	1:A:140:LEU:C	1:A:141:PHE:N	10	0.81
(1,221)	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	1:A:134:TYR:N	6	0.81
(1,149)	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	1:A:93:ARG:CA	1:A:93:ARG:C	11	0.81
(1,391)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	10	0.8
(1,156)	1:A:96:ASP:N	1:A:96:ASP:CA	1:A:96:ASP:C	1:A:97:SER:N	10	0.8
(1,65)	1:A:42:TYR:N	1:A:42:TYR:CA	1:A:42:TYR:C	1:A:43:VAL:N	17	0.79
(1,47)	1:A:27:PRO:N	1:A:27:PRO:CA	1:A:27:PRO:C	1:A:28:PRO:N	9	0.79
(1,350)	1:A:73:GLU:C	1:A:74:GLU:N	1:A:74:GLU:CA	1:A:74:GLU:C	15	0.79
(1,300)	1:A:42:TYR:N	1:A:42:TYR:CA	1:A:42:TYR:C	1:A:43:VAL:N	17	0.79
(1,282)	1:A:27:PRO:N	1:A:27:PRO:CA	1:A:27:PRO:C	1:A:28:PRO:N	9	0.79
(1,115)	1:A:73:GLU:C	1:A:74:GLU:N	1:A:74:GLU:CA	1:A:74:GLU:C	15	0.79
(1,349)	1:A:73:GLU:N	1:A:73:GLU:CA	1:A:73:GLU:C	1:A:74:GLU:N	8	0.78
(1,114)	1:A:73:GLU:N	1:A:73:GLU:CA	1:A:73:GLU:C	1:A:74:GLU:N	8	0.78
(1,336)	1:A:65:PRO:N	1:A:65:PRO:CA	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	4	0.77
(1,336)	1:A:65:PRO:N	1:A:65:PRO:CA	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	10	0.77
(1,27)	1:A:15:MET:C	1:A:16:GLN:N	1:A:16:GLN:CA	1:A:16:GLN:C	17	0.77
(1,262)	1:A:15:MET:C	1:A:16:GLN:N	1:A:16:GLN:CA	1:A:16:GLN:C	17	0.77
(1,101)	1:A:65:PRO:N	1:A:65:PRO:CA	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	4	0.77
(1,101)	1:A:65:PRO:N	1:A:65:PRO:CA	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	10	0.77
(1,355)	1:A:76:GLU:N	1:A:76:GLU:CA	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLU:N	20	0.76
(1,120)	1:A:76:GLU:N	1:A:76:GLU:CA	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLU:N	20	0.76
(1,468)	1:A:140:LEU:N	1:A:140:LEU:CA	1:A:140:LEU:C	1:A:141:PHE:N	17	0.75
(1,347)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:GLU:N	3	0.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,347)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:GLU:N	14	0.75
(1,233)	1:A:140:LEU:N	1:A:140:LEU:CA	1:A:140:LEU:C	1:A:141:PHE:N	17	0.75
(1,112)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:GLU:N	3	0.75
(1,112)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:GLU:N	14	0.75
(1,61)	1:A:39:GLU:N	1:A:39:GLU:CA	1:A:39:GLU:C	1:A:40:GLY:N	9	0.74
(1,459)	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	16	0.74
(1,375)	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	1:A:89:GLU:N	19	0.74
(1,350)	1:A:73:GLU:C	1:A:74:GLU:N	1:A:74:GLU:CA	1:A:74:GLU:C	3	0.74
(1,296)	1:A:39:GLU:N	1:A:39:GLU:CA	1:A:39:GLU:C	1:A:40:GLY:N	9	0.74
(1,224)	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	16	0.74
(1,140)	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	1:A:89:GLU:N	19	0.74
(1,115)	1:A:73:GLU:C	1:A:74:GLU:N	1:A:74:GLU:CA	1:A:74:GLU:C	3	0.74
(1,82)	1:A:53:THR:N	1:A:53:THR:CA	1:A:53:THR:C	1:A:54:SER:N	2	0.73
(1,404)	1:A:102:VAL:C	1:A:103:PHE:N	1:A:103:PHE:CA	1:A:103:PHE:C	17	0.73
(1,317)	1:A:53:THR:N	1:A:53:THR:CA	1:A:53:THR:C	1:A:54:SER:N	2	0.73
(1,169)	1:A:102:VAL:C	1:A:103:PHE:N	1:A:103:PHE:CA	1:A:103:PHE:C	17	0.73
(1,339)	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	8	0.71
(1,104)	1:A:66:SER:C	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	8	0.71
(1,419)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	4	0.7
(1,184)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	4	0.7
(1,460)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	8	0.69
(1,385)	1:A:93:ARG:N	1:A:93:ARG:CA	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	15	0.69
(1,225)	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	1:A:137:TYR:N	8	0.69
(1,150)	1:A:93:ARG:N	1:A:93:ARG:CA	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	15	0.69
(1,77)	1:A:49:LYS:N	1:A:49:LYS:CA	1:A:49:LYS:C	1:A:50:PRO:N	16	0.67
(1,421)	1:A:114:TYR:N	1:A:114:TYR:CA	1:A:114:TYR:C	1:A:115:CYS:N	4	0.67
(1,406)	1:A:104:ASN:C	1:A:105:ASP:N	1:A:105:ASP:CA	1:A:105:ASP:C	17	0.67
(1,396)	1:A:98:HIS:C	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	18	0.67
(1,312)	1:A:49:LYS:N	1:A:49:LYS:CA	1:A:49:LYS:C	1:A:50:PRO:N	16	0.67
(1,186)	1:A:114:TYR:N	1:A:114:TYR:CA	1:A:114:TYR:C	1:A:115:CYS:N	4	0.67
(1,171)	1:A:104:ASN:C	1:A:105:ASP:N	1:A:105:ASP:CA	1:A:105:ASP:C	17	0.67
(1,161)	1:A:98:HIS:C	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	18	0.67
(1,384)	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	1:A:93:ARG:CA	1:A:93:ARG:C	2	0.66
(1,374)	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	5	0.66
(1,149)	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	1:A:93:ARG:CA	1:A:93:ARG:C	2	0.66
(1,139)	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	5	0.66
(1,414)	1:A:109:PRO:C	1:A:110:ASN:N	1:A:110:ASN:CA	1:A:110:ASN:C	1	0.65
(1,406)	1:A:104:ASN:C	1:A:105:ASP:N	1:A:105:ASP:CA	1:A:105:ASP:C	6	0.65
(1,349)	1:A:73:GLU:N	1:A:73:GLU:CA	1:A:73:GLU:C	1:A:74:GLU:N	9	0.65
(1,179)	1:A:109:PRO:C	1:A:110:ASN:N	1:A:110:ASN:CA	1:A:110:ASN:C	1	0.65
(1,171)	1:A:104:ASN:C	1:A:105:ASP:N	1:A:105:ASP:CA	1:A:105:ASP:C	6	0.65
(1,114)	1:A:73:GLU:N	1:A:73:GLU:CA	1:A:73:GLU:C	1:A:74:GLU:N	9	0.65
(1,355)	1:A:76:GLU:N	1:A:76:GLU:CA	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLU:N	9	0.64
(1,349)	1:A:73:GLU:N	1:A:73:GLU:CA	1:A:73:GLU:C	1:A:74:GLU:N	12	0.64
(1,120)	1:A:76:GLU:N	1:A:76:GLU:CA	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLU:N	9	0.64
(1,114)	1:A:73:GLU:N	1:A:73:GLU:CA	1:A:73:GLU:C	1:A:74:GLU:N	12	0.64
(1,87)	1:A:56:ASP:C	1:A:57:LYS:N	1:A:57:LYS:CA	1:A:57:LYS:C	6	0.62
(1,322)	1:A:56:ASP:C	1:A:57:LYS:N	1:A:57:LYS:CA	1:A:57:LYS:C	6	0.62
(1,97)	1:A:61:GLN:C	1:A:62:CYS:N	1:A:62:CYS:CA	1:A:62:CYS:C	3	0.61
(1,78)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	7	0.61
(1,332)	1:A:61:GLN:C	1:A:62:CYS:N	1:A:62:CYS:CA	1:A:62:CYS:C	3	0.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,313)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	7	0.61
(1,395)	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	1:A:99:LEU:N	17	0.6
(1,358)	1:A:77:GLU:C	1:A:78:LYS:N	1:A:78:LYS:CA	1:A:78:LYS:C	10	0.6
(1,160)	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	1:A:99:LEU:N	17	0.6
(1,123)	1:A:77:GLU:C	1:A:78:LYS:N	1:A:78:LYS:CA	1:A:78:LYS:C	10	0.6
(1,65)	1:A:42:TYR:N	1:A:42:TYR:CA	1:A:42:TYR:C	1:A:43:VAL:N	12	0.59
(1,300)	1:A:42:TYR:N	1:A:42:TYR:CA	1:A:42:TYR:C	1:A:43:VAL:N	12	0.59
(1,57)	1:A:37:LYS:N	1:A:37:LYS:CA	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	13	0.58
(1,292)	1:A:37:LYS:N	1:A:37:LYS:CA	1:A:37:LYS:C	1:A:38:GLU:N	13	0.58
(1,345)	1:A:70:PRO:N	1:A:70:PRO:CA	1:A:70:PRO:C	1:A:71:ILE:N	2	0.57
(1,110)	1:A:70:PRO:N	1:A:70:PRO:CA	1:A:70:PRO:C	1:A:71:ILE:N	2	0.57
(1,406)	1:A:104:ASN:C	1:A:105:ASP:N	1:A:105:ASP:CA	1:A:105:ASP:C	15	0.56
(1,171)	1:A:104:ASN:C	1:A:105:ASP:N	1:A:105:ASP:CA	1:A:105:ASP:C	15	0.56
(1,371)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	7	0.55
(1,136)	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	1:A:87:ARG:N	7	0.55
(1,61)	1:A:39:GLU:N	1:A:39:GLU:CA	1:A:39:GLU:C	1:A:40:GLY:N	16	0.54
(1,464)	1:A:138:LEU:N	1:A:138:LEU:CA	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	19	0.54
(1,384)	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	1:A:93:ARG:CA	1:A:93:ARG:C	6	0.54
(1,296)	1:A:39:GLU:N	1:A:39:GLU:CA	1:A:39:GLU:C	1:A:40:GLY:N	16	0.54
(1,229)	1:A:138:LEU:N	1:A:138:LEU:CA	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	19	0.54
(1,149)	1:A:92:SER:C	1:A:93:ARG:N	1:A:93:ARG:CA	1:A:93:ARG:C	6	0.54
(1,65)	1:A:42:TYR:N	1:A:42:TYR:CA	1:A:42:TYR:C	1:A:43:VAL:N	20	0.53
(1,419)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	3	0.53
(1,300)	1:A:42:TYR:N	1:A:42:TYR:CA	1:A:42:TYR:C	1:A:43:VAL:N	20	0.53
(1,184)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	3	0.53
(1,4)	1:A:4:ASN:N	1:A:4:ASN:CA	1:A:4:ASN:C	1:A:5:LYS:N	6	0.52
(1,394)	1:A:97:SER:C	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	4	0.52
(1,239)	1:A:4:ASN:N	1:A:4:ASN:CA	1:A:4:ASN:C	1:A:5:LYS:N	6	0.52
(1,159)	1:A:97:SER:C	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	4	0.52
(1,84)	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	1:A:55:LYS:N	9	0.51
(1,78)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	1	0.51
(1,410)	1:A:107:PRO:N	1:A:107:PRO:CA	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	3	0.51
(1,386)	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	7	0.51
(1,375)	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	1:A:89:GLU:N	15	0.51
(1,319)	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	1:A:55:LYS:N	9	0.51
(1,313)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	1	0.51
(1,175)	1:A:107:PRO:N	1:A:107:PRO:CA	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	3	0.51
(1,151)	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	1:A:94:THR:CA	1:A:94:THR:C	7	0.51
(1,140)	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	1:A:89:GLU:N	15	0.51
(1,79)	1:A:51:LEU:C	1:A:52:PHE:N	1:A:52:PHE:CA	1:A:52:PHE:C	15	0.5
(1,470)	1:A:141:PHE:N	1:A:141:PHE:CA	1:A:141:PHE:C	1:A:142:ASN:N	1	0.5
(1,451)	1:A:130:LYS:C	1:A:131:GLU:N	1:A:131:GLU:CA	1:A:131:GLU:C	18	0.5
(1,314)	1:A:51:LEU:C	1:A:52:PHE:N	1:A:52:PHE:CA	1:A:52:PHE:C	15	0.5
(1,235)	1:A:141:PHE:N	1:A:141:PHE:CA	1:A:141:PHE:C	1:A:142:ASN:N	1	0.5
(1,216)	1:A:130:LYS:C	1:A:131:GLU:N	1:A:131:GLU:CA	1:A:131:GLU:C	18	0.5
(1,397)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	14	0.49
(1,162)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	14	0.49
(1,93)	1:A:59:ASP:C	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	2	0.48
(1,89)	1:A:57:LYS:C	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	4	0.48
(1,52)	1:A:32:GLU:C	1:A:33:TYR:N	1:A:33:TYR:CA	1:A:33:TYR:C	17	0.48
(1,464)	1:A:138:LEU:N	1:A:138:LEU:CA	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	8	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,381)	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	1:A:92:SER:N	7	0.48
(1,364)	1:A:81:THR:C	1:A:82:SER:N	1:A:82:SER:CA	1:A:82:SER:C	9	0.48
(1,328)	1:A:59:ASP:C	1:A:60:SER:N	1:A:60:SER:CA	1:A:60:SER:C	2	0.48
(1,324)	1:A:57:LYS:C	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	4	0.48
(1,287)	1:A:32:GLU:C	1:A:33:TYR:N	1:A:33:TYR:CA	1:A:33:TYR:C	17	0.48
(1,229)	1:A:138:LEU:N	1:A:138:LEU:CA	1:A:138:LEU:C	1:A:139:HIS:N	8	0.48
(1,146)	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	1:A:92:SER:N	7	0.48
(1,129)	1:A:81:THR:C	1:A:82:SER:N	1:A:82:SER:CA	1:A:82:SER:C	9	0.48
(1,341)	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:C	4	0.47
(1,34)	1:A:19:VAL:N	1:A:19:VAL:CA	1:A:19:VAL:C	1:A:20:THR:N	14	0.47
(1,269)	1:A:19:VAL:N	1:A:19:VAL:CA	1:A:19:VAL:C	1:A:20:THR:N	14	0.47
(1,106)	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:C	4	0.47
(1,78)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	19	0.46
(1,345)	1:A:70:PRO:N	1:A:70:PRO:CA	1:A:70:PRO:C	1:A:71:ILE:N	12	0.46
(1,313)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	19	0.46
(1,110)	1:A:70:PRO:N	1:A:70:PRO:CA	1:A:70:PRO:C	1:A:71:ILE:N	12	0.46
(1,56)	1:A:36:HIS:C	1:A:37:LYS:N	1:A:37:LYS:CA	1:A:37:LYS:C	4	0.45
(1,291)	1:A:36:HIS:C	1:A:37:LYS:N	1:A:37:LYS:CA	1:A:37:LYS:C	4	0.45
(1,459)	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	4	0.44
(1,224)	1:A:135:GLU:C	1:A:136:SER:N	1:A:136:SER:CA	1:A:136:SER:C	4	0.44
(1,83)	1:A:53:THR:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	20	0.42
(1,65)	1:A:42:TYR:N	1:A:42:TYR:CA	1:A:42:TYR:C	1:A:43:VAL:N	11	0.42
(1,347)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:GLU:N	10	0.42
(1,318)	1:A:53:THR:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	20	0.42
(1,300)	1:A:42:TYR:N	1:A:42:TYR:CA	1:A:42:TYR:C	1:A:43:VAL:N	11	0.42
(1,112)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:GLU:N	10	0.42
(1,61)	1:A:39:GLU:N	1:A:39:GLU:CA	1:A:39:GLU:C	1:A:40:GLY:N	8	0.4
(1,396)	1:A:98:HIS:C	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	9	0.4
(1,3)	1:A:3:TYR:C	1:A:4:ASN:N	1:A:4:ASN:CA	1:A:4:ASN:C	10	0.4
(1,296)	1:A:39:GLU:N	1:A:39:GLU:CA	1:A:39:GLU:C	1:A:40:GLY:N	8	0.4
(1,238)	1:A:3:TYR:C	1:A:4:ASN:N	1:A:4:ASN:CA	1:A:4:ASN:C	10	0.4
(1,161)	1:A:98:HIS:C	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	9	0.4
(1,469)	1:A:140:LEU:C	1:A:141:PHE:N	1:A:141:PHE:CA	1:A:141:PHE:C	16	0.39
(1,419)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	15	0.39
(1,234)	1:A:140:LEU:C	1:A:141:PHE:N	1:A:141:PHE:CA	1:A:141:PHE:C	16	0.39
(1,184)	1:A:113:ARG:N	1:A:113:ARG:CA	1:A:113:ARG:C	1:A:114:TYR:N	15	0.39
(1,89)	1:A:57:LYS:C	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	2	0.38
(1,324)	1:A:57:LYS:C	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	2	0.38
(1,52)	1:A:32:GLU:C	1:A:33:TYR:N	1:A:33:TYR:CA	1:A:33:TYR:C	6	0.36
(1,457)	1:A:134:TYR:C	1:A:135:GLU:N	1:A:135:GLU:CA	1:A:135:GLU:C	5	0.36
(1,410)	1:A:107:PRO:N	1:A:107:PRO:CA	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	17	0.36
(1,287)	1:A:32:GLU:C	1:A:33:TYR:N	1:A:33:TYR:CA	1:A:33:TYR:C	6	0.36
(1,222)	1:A:134:TYR:C	1:A:135:GLU:N	1:A:135:GLU:CA	1:A:135:GLU:C	5	0.36
(1,175)	1:A:107:PRO:N	1:A:107:PRO:CA	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	17	0.36
(1,90)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ASP:N	14	0.35
(1,325)	1:A:58:PHE:N	1:A:58:PHE:CA	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ASP:N	14	0.35
(1,79)	1:A:51:LEU:C	1:A:52:PHE:N	1:A:52:PHE:CA	1:A:52:PHE:C	2	0.34
(1,406)	1:A:104:ASN:C	1:A:105:ASP:N	1:A:105:ASP:CA	1:A:105:ASP:C	14	0.34
(1,355)	1:A:76:GLU:N	1:A:76:GLU:CA	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLU:N	6	0.34
(1,314)	1:A:51:LEU:C	1:A:52:PHE:N	1:A:52:PHE:CA	1:A:52:PHE:C	2	0.34
(1,171)	1:A:104:ASN:C	1:A:105:ASP:N	1:A:105:ASP:CA	1:A:105:ASP:C	14	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,120)	1:A:76:GLU:N	1:A:76:GLU:CA	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLU:N	6	0.34
(1,469)	1:A:140:LEU:C	1:A:141:PHE:N	1:A:141:PHE:CA	1:A:141:PHE:C	20	0.33
(1,234)	1:A:140:LEU:C	1:A:141:PHE:N	1:A:141:PHE:CA	1:A:141:PHE:C	20	0.33
(1,91)	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ASP:N	1:A:59:ASP:CA	1:A:59:ASP:C	17	0.32
(1,83)	1:A:53:THR:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	6	0.32
(1,78)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	20	0.32
(1,335)	1:A:64:TRP:N	1:A:64:TRP:CA	1:A:64:TRP:C	1:A:65:PRO:N	11	0.32
(1,326)	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ASP:N	1:A:59:ASP:CA	1:A:59:ASP:C	17	0.32
(1,318)	1:A:53:THR:C	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	6	0.32
(1,313)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	20	0.32
(1,100)	1:A:64:TRP:N	1:A:64:TRP:CA	1:A:64:TRP:C	1:A:65:PRO:N	11	0.32
(1,74)	1:A:46:VAL:C	1:A:47:SER:N	1:A:47:SER:CA	1:A:47:SER:C	16	0.31
(1,396)	1:A:98:HIS:C	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1	0.31
(1,388)	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	13	0.31
(1,309)	1:A:46:VAL:C	1:A:47:SER:N	1:A:47:SER:CA	1:A:47:SER:C	16	0.31
(1,161)	1:A:98:HIS:C	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1	0.31
(1,153)	1:A:94:THR:C	1:A:95:ALA:N	1:A:95:ALA:CA	1:A:95:ALA:C	13	0.31
(1,340)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	20	0.3
(1,105)	1:A:67:PHE:N	1:A:67:PHE:CA	1:A:67:PHE:C	1:A:68:THR:N	20	0.3
(1,439)	1:A:124:VAL:N	1:A:124:VAL:CA	1:A:124:VAL:C	1:A:125:PRO:N	3	0.29
(1,423)	1:A:115:CYS:N	1:A:115:CYS:CA	1:A:115:CYS:C	1:A:116:ILE:N	19	0.29
(1,204)	1:A:124:VAL:N	1:A:124:VAL:CA	1:A:124:VAL:C	1:A:125:PRO:N	3	0.29
(1,188)	1:A:115:CYS:N	1:A:115:CYS:CA	1:A:115:CYS:C	1:A:116:ILE:N	19	0.29
(1,91)	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ASP:N	1:A:59:ASP:CA	1:A:59:ASP:C	16	0.28
(1,385)	1:A:93:ARG:N	1:A:93:ARG:CA	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	10	0.28
(1,326)	1:A:58:PHE:C	1:A:59:ASP:N	1:A:59:ASP:CA	1:A:59:ASP:C	16	0.28
(1,150)	1:A:93:ARG:N	1:A:93:ARG:CA	1:A:93:ARG:C	1:A:94:THR:N	10	0.28
(1,416)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	6	0.27
(1,355)	1:A:76:GLU:N	1:A:76:GLU:CA	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLU:N	10	0.27
(1,181)	1:A:111:GLY:C	1:A:112:LEU:N	1:A:112:LEU:CA	1:A:112:LEU:C	6	0.27
(1,120)	1:A:76:GLU:N	1:A:76:GLU:CA	1:A:76:GLU:C	1:A:77:GLU:N	10	0.27
(1,42)	1:A:24:GLY:N	1:A:24:GLY:CA	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	4	0.26
(1,277)	1:A:24:GLY:N	1:A:24:GLY:CA	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	4	0.26
(1,370)	1:A:85:MET:C	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	12	0.25
(1,246)	1:A:7:GLU:C	1:A:8:LYS:N	1:A:8:LYS:CA	1:A:8:LYS:C	20	0.25
(1,135)	1:A:85:MET:C	1:A:86:ILE:N	1:A:86:ILE:CA	1:A:86:ILE:C	12	0.25
(1,11)	1:A:7:GLU:C	1:A:8:LYS:N	1:A:8:LYS:CA	1:A:8:LYS:C	20	0.25
(1,455)	1:A:132:GLU:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	3	0.24
(1,220)	1:A:132:GLU:C	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	3	0.24
(1,453)	1:A:131:GLU:C	1:A:132:GLU:N	1:A:132:GLU:CA	1:A:132:GLU:C	14	0.23
(1,380)	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	1	0.23
(1,378)	1:A:89:GLU:C	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1	0.23
(1,218)	1:A:131:GLU:C	1:A:132:GLU:N	1:A:132:GLU:CA	1:A:132:GLU:C	14	0.23
(1,145)	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	1	0.23
(1,143)	1:A:89:GLU:C	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	1	0.23
(1,65)	1:A:42:TYR:N	1:A:42:TYR:CA	1:A:42:TYR:C	1:A:43:VAL:N	19	0.21
(1,378)	1:A:89:GLU:C	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	4	0.21
(1,369)	1:A:85:MET:N	1:A:85:MET:CA	1:A:85:MET:C	1:A:86:ILE:N	20	0.21
(1,365)	1:A:82:SER:N	1:A:82:SER:CA	1:A:82:SER:C	1:A:83:HIS:N	6	0.21
(1,300)	1:A:42:TYR:N	1:A:42:TYR:CA	1:A:42:TYR:C	1:A:43:VAL:N	19	0.21
(1,3)	1:A:3:TYR:C	1:A:4:ASN:N	1:A:4:ASN:CA	1:A:4:ASN:C	17	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,238)	1:A:3:TYR:C	1:A:4:ASN:N	1:A:4:ASN:CA	1:A:4:ASN:C	17	0.21
(1,143)	1:A:89:GLU:C	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	4	0.21
(1,134)	1:A:85:MET:N	1:A:85:MET:CA	1:A:85:MET:C	1:A:86:ILE:N	20	0.21
(1,130)	1:A:82:SER:N	1:A:82:SER:CA	1:A:82:SER:C	1:A:83:HIS:N	6	0.21
(1,97)	1:A:61:GLN:C	1:A:62:CYS:N	1:A:62:CYS:CA	1:A:62:CYS:C	6	0.19
(1,414)	1:A:109:PRO:C	1:A:110:ASN:N	1:A:110:ASN:CA	1:A:110:ASN:C	6	0.19
(1,4)	1:A:4:ASN:N	1:A:4:ASN:CA	1:A:4:ASN:C	1:A:5:LYS:N	9	0.19
(1,332)	1:A:61:GLN:C	1:A:62:CYS:N	1:A:62:CYS:CA	1:A:62:CYS:C	6	0.19
(1,239)	1:A:4:ASN:N	1:A:4:ASN:CA	1:A:4:ASN:C	1:A:5:LYS:N	9	0.19
(1,179)	1:A:109:PRO:C	1:A:110:ASN:N	1:A:110:ASN:CA	1:A:110:ASN:C	6	0.19
(1,97)	1:A:61:GLN:C	1:A:62:CYS:N	1:A:62:CYS:CA	1:A:62:CYS:C	20	0.18
(1,84)	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	1:A:55:LYS:N	13	0.18
(1,332)	1:A:61:GLN:C	1:A:62:CYS:N	1:A:62:CYS:CA	1:A:62:CYS:C	20	0.18
(1,319)	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	1:A:55:LYS:N	13	0.18
(1,462)	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	1:A:138:LEU:N	12	0.17
(1,227)	1:A:137:TYR:N	1:A:137:TYR:CA	1:A:137:TYR:C	1:A:138:LEU:N	12	0.17
(1,435)	1:A:122:ARG:N	1:A:122:ARG:CA	1:A:122:ARG:C	1:A:123:PHE:N	12	0.16
(1,42)	1:A:24:GLY:N	1:A:24:GLY:CA	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	19	0.16
(1,335)	1:A:64:TRP:N	1:A:64:TRP:CA	1:A:64:TRP:C	1:A:65:PRO:N	2	0.16
(1,277)	1:A:24:GLY:N	1:A:24:GLY:CA	1:A:24:GLY:C	1:A:25:THR:N	19	0.16
(1,200)	1:A:122:ARG:N	1:A:122:ARG:CA	1:A:122:ARG:C	1:A:123:PHE:N	12	0.16
(1,100)	1:A:64:TRP:N	1:A:64:TRP:CA	1:A:64:TRP:C	1:A:65:PRO:N	2	0.16
(1,456)	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	1:A:134:TYR:N	19	0.15
(1,413)	1:A:109:PRO:N	1:A:109:PRO:CA	1:A:109:PRO:C	1:A:110:ASN:N	4	0.15
(1,410)	1:A:107:PRO:N	1:A:107:PRO:CA	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	16	0.15
(1,347)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:GLU:N	17	0.15
(1,336)	1:A:65:PRO:N	1:A:65:PRO:CA	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	13	0.15
(1,221)	1:A:133:GLY:N	1:A:133:GLY:CA	1:A:133:GLY:C	1:A:134:TYR:N	19	0.15
(1,178)	1:A:109:PRO:N	1:A:109:PRO:CA	1:A:109:PRO:C	1:A:110:ASN:N	4	0.15
(1,175)	1:A:107:PRO:N	1:A:107:PRO:CA	1:A:107:PRO:C	1:A:108:GLY:N	16	0.15
(1,112)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:GLU:N	17	0.15
(1,101)	1:A:65:PRO:N	1:A:65:PRO:CA	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	13	0.15
(1,85)	1:A:54:SER:C	1:A:55:LYS:N	1:A:55:LYS:CA	1:A:55:LYS:C	6	0.14
(1,401)	1:A:101:HIS:N	1:A:101:HIS:CA	1:A:101:HIS:C	1:A:102:VAL:N	15	0.14
(1,395)	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	1:A:99:LEU:N	5	0.14
(1,342)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	4	0.14
(1,336)	1:A:65:PRO:N	1:A:65:PRO:CA	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	18	0.14
(1,320)	1:A:54:SER:C	1:A:55:LYS:N	1:A:55:LYS:CA	1:A:55:LYS:C	6	0.14
(1,166)	1:A:101:HIS:N	1:A:101:HIS:CA	1:A:101:HIS:C	1:A:102:VAL:N	15	0.14
(1,160)	1:A:98:HIS:N	1:A:98:HIS:CA	1:A:98:HIS:C	1:A:99:LEU:N	5	0.14
(1,107)	1:A:68:THR:N	1:A:68:THR:CA	1:A:68:THR:C	1:A:69:LYS:N	4	0.14
(1,101)	1:A:65:PRO:N	1:A:65:PRO:CA	1:A:65:PRO:C	1:A:66:SER:N	18	0.14
(1,87)	1:A:56:ASP:C	1:A:57:LYS:N	1:A:57:LYS:CA	1:A:57:LYS:C	16	0.13
(1,414)	1:A:109:PRO:C	1:A:110:ASN:N	1:A:110:ASN:CA	1:A:110:ASN:C	3	0.13
(1,322)	1:A:56:ASP:C	1:A:57:LYS:N	1:A:57:LYS:CA	1:A:57:LYS:C	16	0.13
(1,245)	1:A:7:GLU:N	1:A:7:GLU:CA	1:A:7:GLU:C	1:A:8:LYS:N	8	0.13
(1,179)	1:A:109:PRO:C	1:A:110:ASN:N	1:A:110:ASN:CA	1:A:110:ASN:C	3	0.13
(1,10)	1:A:7:GLU:N	1:A:7:GLU:CA	1:A:7:GLU:C	1:A:8:LYS:N	8	0.13
(1,56)	1:A:36:HIS:C	1:A:37:LYS:N	1:A:37:LYS:CA	1:A:37:LYS:C	9	0.12
(1,291)	1:A:36:HIS:C	1:A:37:LYS:N	1:A:37:LYS:CA	1:A:37:LYS:C	9	0.12
(1,397)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	19	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model	Violation (°)
(1,345)	1:A:70:PRO:N	1:A:70:PRO:CA	1:A:70:PRO:C	1:A:71:ILE:N	11	0.11
(1,162)	1:A:99:LEU:N	1:A:99:LEU:CA	1:A:99:LEU:C	1:A:100:GLY:N	19	0.11
(1,110)	1:A:70:PRO:N	1:A:70:PRO:CA	1:A:70:PRO:C	1:A:71:ILE:N	11	0.11
(1,49)	1:A:31:ASN:N	1:A:31:ASN:CA	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	16	0.09
(1,284)	1:A:31:ASN:N	1:A:31:ASN:CA	1:A:31:ASN:C	1:A:32:GLU:N	16	0.09
(1,51)	1:A:32:GLU:N	1:A:32:GLU:CA	1:A:32:GLU:C	1:A:33:TYR:N	17	0.08
(1,374)	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	10	0.08
(1,286)	1:A:32:GLU:N	1:A:32:GLU:CA	1:A:32:GLU:C	1:A:33:TYR:N	17	0.08
(1,254)	1:A:11:SER:C	1:A:12:LEU:N	1:A:12:LEU:CA	1:A:12:LEU:C	4	0.08
(1,19)	1:A:11:SER:C	1:A:12:LEU:N	1:A:12:LEU:CA	1:A:12:LEU:C	4	0.08
(1,139)	1:A:87:ARG:C	1:A:88:THR:N	1:A:88:THR:CA	1:A:88:THR:C	10	0.08
(1,78)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	17	0.07
(1,56)	1:A:36:HIS:C	1:A:37:LYS:N	1:A:37:LYS:CA	1:A:37:LYS:C	15	0.07
(1,347)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:GLU:N	19	0.07
(1,313)	1:A:50:PRO:N	1:A:50:PRO:CA	1:A:50:PRO:C	1:A:51:LEU:N	17	0.07
(1,291)	1:A:36:HIS:C	1:A:37:LYS:N	1:A:37:LYS:CA	1:A:37:LYS:C	15	0.07
(1,112)	1:A:72:GLU:N	1:A:72:GLU:CA	1:A:72:GLU:C	1:A:73:GLU:N	19	0.07
(1,380)	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	15	0.06
(1,145)	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	15	0.06
(1,84)	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	1:A:55:LYS:N	10	0.05
(1,467)	1:A:139:HIS:C	1:A:140:LEU:N	1:A:140:LEU:CA	1:A:140:LEU:C	7	0.05
(1,378)	1:A:89:GLU:C	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	8	0.05
(1,319)	1:A:54:SER:N	1:A:54:SER:CA	1:A:54:SER:C	1:A:55:LYS:N	10	0.05
(1,232)	1:A:139:HIS:C	1:A:140:LEU:N	1:A:140:LEU:CA	1:A:140:LEU:C	7	0.05
(1,143)	1:A:89:GLU:C	1:A:90:VAL:N	1:A:90:VAL:CA	1:A:90:VAL:C	8	0.05
(1,97)	1:A:61:GLN:C	1:A:62:CYS:N	1:A:62:CYS:CA	1:A:62:CYS:C	10	0.04
(1,431)	1:A:119:ALA:N	1:A:119:ALA:CA	1:A:119:ALA:C	1:A:120:ALA:N	18	0.04
(1,380)	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	7	0.04
(1,332)	1:A:61:GLN:C	1:A:62:CYS:N	1:A:62:CYS:CA	1:A:62:CYS:C	10	0.04
(1,196)	1:A:119:ALA:N	1:A:119:ALA:CA	1:A:119:ALA:C	1:A:120:ALA:N	18	0.04
(1,145)	1:A:90:VAL:C	1:A:91:ARG:N	1:A:91:ARG:CA	1:A:91:ARG:C	7	0.04
(1,98)	1:A:62:CYS:N	1:A:62:CYS:CA	1:A:62:CYS:C	1:A:63:GLY:N	6	0.03
(1,467)	1:A:139:HIS:C	1:A:140:LEU:N	1:A:140:LEU:CA	1:A:140:LEU:C	6	0.03
(1,333)	1:A:62:CYS:N	1:A:62:CYS:CA	1:A:62:CYS:C	1:A:63:GLY:N	6	0.03
(1,232)	1:A:139:HIS:C	1:A:140:LEU:N	1:A:140:LEU:CA	1:A:140:LEU:C	6	0.03
(1,404)	1:A:102:VAL:C	1:A:103:PHE:N	1:A:103:PHE:CA	1:A:103:PHE:C	15	0.01
(1,349)	1:A:73:GLU:N	1:A:73:GLU:CA	1:A:73:GLU:C	1:A:74:GLU:N	3	0.01
(1,169)	1:A:102:VAL:C	1:A:103:PHE:N	1:A:103:PHE:CA	1:A:103:PHE:C	15	0.01
(1,114)	1:A:73:GLU:N	1:A:73:GLU:CA	1:A:73:GLU:C	1:A:74:GLU:N	3	0.01