



wwPDB NMR Structure Validation Summary Report ⓘ

Feb 25, 2020 – 04:39 PM CST

PDB ID : 2PNG
Title : Type I rat fatty acid synthase acyl carrier protein (ACP) domain
Authors : Ploskon, E.A.; Arthur, C.J.; Evans, S.E.; Williams, C.; Crosby, J.; Crump, M.P.
Deposited on : 2007-04-24

This is a wwPDB NMR Structure Validation Summary Report for a publicly released PDB entry.

We welcome your comments at validation@mail.wwpdb.org

A user guide is available at

<https://www.wwpdb.org/validation/2017/NMRValidationReportHelp>

with specific help available everywhere you see the ⓘ symbol.

The following versions of software and data (see [references ⓘ](#)) were used in the production of this report:

Cyrange	:	Kirchner and Güntert (2011)
NmrClust	:	Kelley et al. (1996)
MolProbity	:	4.02b-467
Percentile statistics	:	20171227.v01 (using entries in the PDB archive December 27th 2017)
RCI	:	v_1n_11_5_13_A (Berjanski et al., 2005)
PANAV	:	Wang et al. (2010)
ShiftChecker	:	2.6.dev1
BMRB Restraints Analysis	:	v1.2
Ideal geometry (proteins)	:	Engh & Huber (2001)
Ideal geometry (DNA, RNA)	:	Parkinson et al. (1996)
Validation Pipeline (wwPDB-VP)	:	2.6.dev1

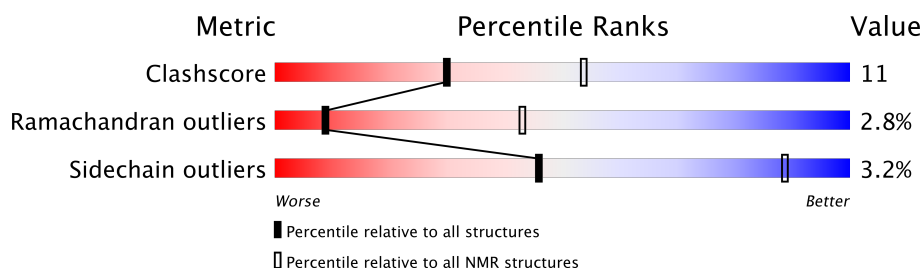
1 Overall quality at a glance

The following experimental techniques were used to determine the structure:

SOLUTION NMR

The overall completeness of chemical shifts assignment is 53%.

Percentile scores (ranging between 0-100) for global validation metrics of the entry are shown in the following graphic. The table shows the number of entries on which the scores are based.



Metric	Whole archive (#Entries)	NMR archive (#Entries)
Clashscore	136327	12091
Ramachandran outliers	132723	10835
Sidechain outliers	132532	10811

The table below summarises the geometric issues observed across the polymeric chains and their fit to the experimental data. The red, orange, yellow and green segments indicate the fraction of residues that contain outliers for ≥ 3 , 2, 1 and 0 types of geometric quality criteria. A cyan segment indicates the fraction of residues that are not part of the well-defined cores, and a grey segment represents the fraction of residues that are not modelled. The numeric value for each fraction is indicated below the corresponding segment, with a dot representing fractions $\leq 5\%$

Mol	Chain	Length	Quality of chain
1	A	89	

2 Ensemble composition and analysis

This entry contains 30 models. Model 1 is the overall representative, medoid model (most similar to other models).

The following residues are included in the computation of the global validation metrics.

Well-defined (core) protein residues			
Well-defined core	Residue range (total)	Backbone RMSD (Å)	Medoid model
1	A:8-A:74 (67)	0.52	1

Ill-defined regions of proteins are excluded from the global statistics.

Ligands and non-protein polymers are included in the analysis.

The models can be grouped into 3 clusters and 1 single-model cluster was found.

Cluster number	Models
1	1, 2, 3, 4, 5, 6, 8, 9, 10, 12, 17, 19, 20, 21, 22, 25, 26, 27, 28, 29
2	7, 11, 13, 16, 24, 30
3	14, 15, 23
Single-model clusters	18

3 Entry composition [i](#)

There is only 1 type of molecule in this entry. The entry contains 1386 atoms, of which 708 are hydrogens and 0 are deuteriums.

- Molecule 1 is a protein called Fatty acid synthase (EC 2.3.1.85).

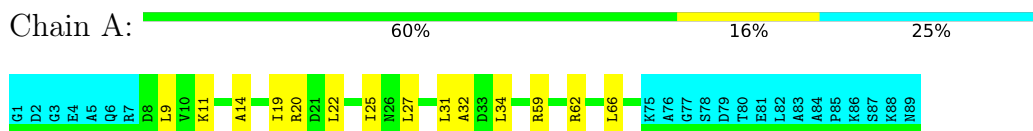
Mol	Chain	Residues	Atoms						Trace
1	A	89	Total	C	H	N	O	S	0
			1386	416	708	125	135	2	

4 Residue-property plots [i](#)

4.1 Average score per residue in the NMR ensemble

These plots are provided for all protein, RNA and DNA chains in the entry. The first graphic is the same as shown in the summary in section 1 of this report. The second graphic shows the sequence where residues are colour-coded according to the number of geometric quality criteria for which they contain at least one outlier: green = 0, yellow = 1, orange = 2 and red = 3 or more. Stretches of 2 or more consecutive residues without any outliers are shown as green connectors. Residues which are classified as ill-defined in the NMR ensemble, are shown in cyan with an underline colour-coded according to the previous scheme. Residues which were present in the experimental sample, but not modelled in the final structure are shown in grey.

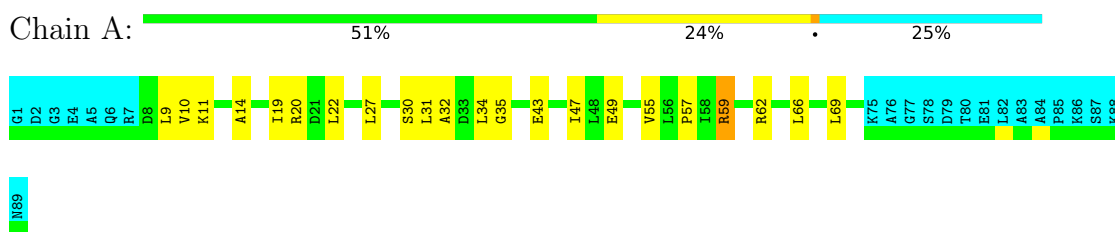
- Molecule 1: Fatty acid synthase (EC 2.3.1.85)



4.2 Residue scores for the representative (medoid) model from the NMR ensemble

The representative model is number 1. Colouring as in section 4.1 above.

- Molecule 1: Fatty acid synthase (EC 2.3.1.85)



5 Refinement protocol and experimental data overview

The models were refined using the following method: *simulated annealing*.

Of the 200 calculated structures, 30 were deposited, based on the following criterion: *structures with the lowest energy*.

The following table shows the software used for structure solution, optimisation and refinement.

Software name	Classification	Version
CNS	refinement	1.1
Aria	structure solution	1.2

The following table shows chemical shift validation statistics as aggregates over all chemical shift files. Detailed validation can be found in section 7 of this report.

Chemical shift file(s)	2png_nmr.cif
Number of chemical shift lists	1
Total number of shifts	980
Number of shifts mapped to atoms	558
Number of unparsed shifts	156
Number of shifts with mapping errors	0
Number of shifts with mapping warnings	266
Assignment completeness (well-defined parts)	53%

No validations of the models with respect to experimental NMR restraints is performed at this time.

6 Model quality [i](#)

6.1 Standard geometry [i](#)

There are no covalent bond-length or bond-angle outliers.

Chiral center outliers are detected by calculating the chiral volume of a chiral center and verifying if the center is modelled as a planar moiety or with the opposite hand. A planarity outlier is detected by checking planarity of atoms in a peptide group, atoms in a mainchain group or atoms of a sidechain that are expected to be planar.

Mol	Chain	Chirality	Planarity
1	A	0.0±0.0	0.6±0.7
All	All	0	19

There are no bond-length outliers.

There are no bond-angle outliers.

There are no chirality outliers.

All unique planar outliers are listed below. They are sorted by the frequency of occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Group	Models (Total)
1	A	45	ARG	Sidechain	6
1	A	59	ARG	Sidechain	5
1	A	67	ARG	Sidechain	5
1	A	20	ARG	Sidechain	2
1	A	62	ARG	Sidechain	1

6.2 Too-close contacts [i](#)

In the following table, the Non-H and H(model) columns list the number of non-hydrogen atoms and hydrogen atoms in each chain respectively. The H(added) column lists the number of hydrogen atoms added and optimized by MolProbity. The Clashes column lists the number of clashes averaged over the ensemble.

Mol	Chain	Non-H	H(model)	H(added)	Clashes
1	A	522	556	554	12±3
All	All	15660	16680	16620	352

The all-atom clashscore is defined as the number of clashes found per 1000 atoms (including hydrogen atoms). The all-atom clashscore for this structure is 11.

5 of 122 unique clashes are listed below, sorted by their clash magnitude.

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HG2	0.89	1.45	13	6
1:A:31:LEU:HD12	1:A:34:LEU:HD12	0.79	1.54	4	9
1:A:32:ALA:HB2	1:A:62:ARG:HG2	0.79	1.53	24	8
1:A:27:LEU:HD22	1:A:67:ARG:HG2	0.72	1.62	10	2
1:A:22:LEU:HG	1:A:27:LEU:HD21	0.72	1.62	14	6

6.3 Torsion angles [i](#)

6.3.1 Protein backbone [i](#)

In the following table, the Percentiles column shows the percent Ramachandran outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR entries. The Analysed column shows the number of residues for which the backbone conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Favoured	Allowed	Outliers	Percentiles	
1	A	67/89 (75%)	56±2 (84±3%)	9±2 (13±3%)	2±1 (3±2%)	9	43
All	All	2010/2670 (75%)	1687 (84%)	266 (13%)	57 (3%)	9	43

5 of 13 unique Ramachandran outliers are listed below. They are sorted by the frequency of occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	20	ARG	22
1	A	35	GLY	10
1	A	38	SER	8
1	A	37	ASP	5
1	A	41	GLY	2

6.3.2 Protein sidechains [i](#)

In the following table, the Percentiles column shows the percent sidechain outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR entries. The Analysed column shows the number of residues for which the sidechain conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Rotameric	Outliers	Percentiles	
1	A	59/74 (80%)	57±1 (97±2%)	2±1 (3±2%)	46	89
All	All	1770/2220 (80%)	1713 (97%)	57 (3%)	46	89

5 of 12 unique residues with a non-rotameric sidechain are listed below. They are sorted by the frequency of occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	59	ARG	18
1	A	11	LYS	10
1	A	63	GLN	9
1	A	66	LEU	8
1	A	34	LEU	3

6.3.3 RNA [i](#)

There are no RNA molecules in this entry.

6.4 Non-standard residues in protein, DNA, RNA chains [i](#)

There are no non-standard protein/DNA/RNA residues in this entry.

6.5 Carbohydrates [i](#)

There are no carbohydrates in this entry.

6.6 Ligand geometry [i](#)

There are no ligands in this entry.

6.7 Other polymers [i](#)

There are no such molecules in this entry.

6.8 Polymer linkage issues [i](#)

There are no chain breaks in this entry.

7 Chemical shift validation

The completeness of assignment taking into account all chemical shift lists is 53% for the well-defined parts and 51% for the entire structure.

7.1 Chemical shift list 1

File name: 2png_nmr.cif

Chemical shift list name: *nef_chemical_shift_list_*

7.1.1 Bookkeeping

The following table shows the results of parsing the chemical shift list and reports the number of nuclei with statistically unusual chemical shifts.

Total number of shifts	980
Number of shifts mapped to atoms	558
Number of unparsed shifts	156
Number of shifts with mapping errors	0
Number of shifts with mapping warnings	266
Number of shift outliers (ShiftChecker)	0

The following errors were found when reading this chemical shift list.

- Chemical shift has been reported more than once. First 5 (of 156) occurrences are reported below.

Shift ID	Chain	Res	Type	Atom	Shift Data		
					Value	Uncertainty	Ambiguity
9	A	4	GLU	HG%	2.208	0.000	1
17	A	5	ALA	HB%	1.348	0.000	1
18	A	5	ALA	HB%	1.348	0.000	1
40	A	7	ARG	HD%	3.121	0.000	1
42	A	7	ARG	HG%	1.599	0.000	1

The following assigned chemical shifts were not mapped to the molecules present in the coordinate file.

- No matching atoms found in structure. First 5 (of 266) occurrences are reported below.

Chain	Res	Type	Atom	Shift Data		
				Value	Uncertainty	Ambiguity
A	9	LEU	HD1%	0.577	0.0	1
A	13	VAL	HG2%	0.986	0.0	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Chain	Res	Type	Atom	Shift Data		
				Value	Uncertainty	Ambiguity
A	60	GLU	HBy	1.915	0.0	2
A	86	LYS	HG%	1.457	0.0	1
A	16	ILE	HG1y	1.224	0.0	2

7.1.2 Chemical shift referencing [i](#)

The following table shows the suggested chemical shift referencing corrections.

Nucleus	# values	Correction \pm precision, ppm	Suggested action
$^{13}\text{C}_\alpha$	87	-0.36 ± 0.08	None needed (< 0.5 ppm)
$^{13}\text{C}_\beta$	80	-0.10 ± 0.09	None needed (< 0.5 ppm)
$^{13}\text{C}'$	0	—	None (insufficient data)
^{15}N	84	-0.18 ± 0.37	None needed (< 0.5 ppm)

7.1.3 Completeness of resonance assignments [i](#)

The following table shows the completeness of the chemical shift assignments for the well-defined regions of the structure. The overall completeness is 53%, i.e. 444 atoms were assigned a chemical shift out of a possible 844. 16 out of 20 assigned methyl groups (LEU and VAL) were assigned stereospecifically.

	Total	^1H	^{13}C	^{15}N
Backbone	260/333 (78%)	128/133 (96%)	67/134 (50%)	65/66 (98%)
Sidechain	184/495 (37%)	29/285 (10%)	152/186 (82%)	3/24 (12%)
Aromatic	0/16 (0%)	0/8 (0%)	0/4 (0%)	0/4 (0%)
Overall	444/844 (53%)	157/426 (37%)	219/324 (68%)	68/94 (72%)

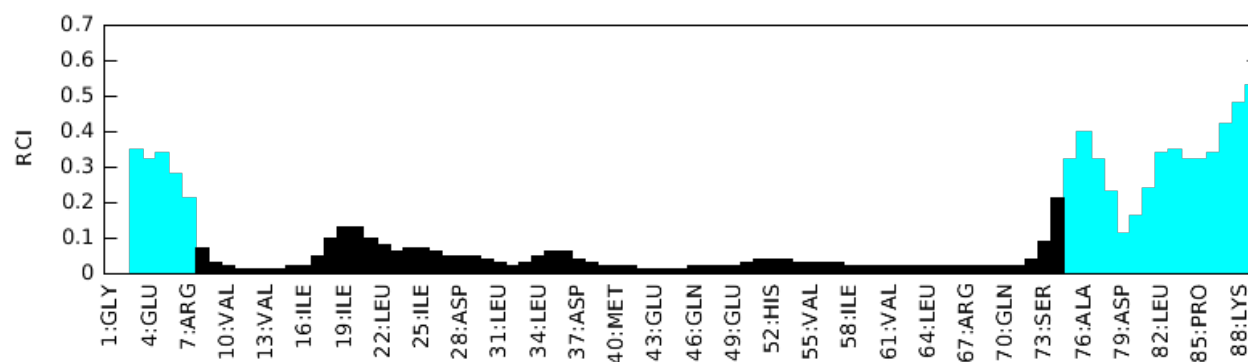
7.1.4 Statistically unusual chemical shifts [i](#)

There are no statistically unusual chemical shifts.

7.1.5 Random Coil Index (RCI) plots [i](#)

The image below reports *random coil index* values for the protein chains in the structure. The height of each bar gives a probability of a given residue to be disordered, as predicted from the available chemical shifts and the amino acid sequence. A value above 0.2 is an indication of significant predicted disorder. The colour of the bar shows whether the residue is in the well-defined core (black) or in the ill-defined residue ranges (cyan), as described in section 2 on ensemble composition.

Random coil index (RCI) for chain A:



8 Distance restraints analysis

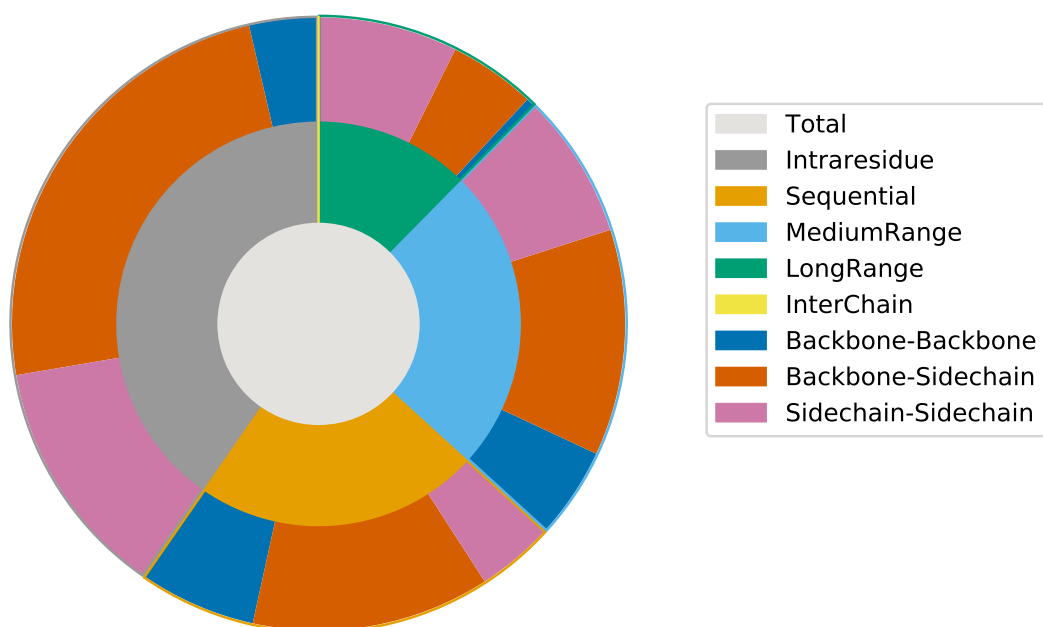
8.1 Distance restraints summary

Restraints are counted in different categories based on the atoms involved in each restraint.

Restraints type	B-B ¹ (H ⁴)	B-S ² (H ⁴)	S-S ³ (H ⁴)	Total		
				Total(H ⁴)	RR ⁵	% ⁶
Intraresidue ($ i-j =0$)	63(0)	415(0)	219(0)	697(0)	0.3	40.4
Sequential ($ i-j =1$)	107(0)	217(0)	71(0)	395(0)	0.2	22.9
Medium range ($ i-j >1$ and $ i-j <5$)	83(0)	206(0)	132(0)	421(0)	0.2	24.4
Long range ($ i-j \geq 5$)	8(0)	79(0)	127(0)	214(0)	0.1	12.4
Inter chain	0(0)	0(0)	0(0)	0(0)	0.0	0.0
Total	261(0)	917(0)	549(0)	1727(0)	0.8	100.0

¹number of backbone to backbone restraints, ²number of backbone to sidechain restraints, ³number of sidechain to sidechain restraints, ⁴number of hydrogen bonds in that category, ⁵number of restraints per residue, ⁶percentage of restraints in that category. There are 0 unmapped restraints

8.1.1 Pie chart : Distance restraints summary



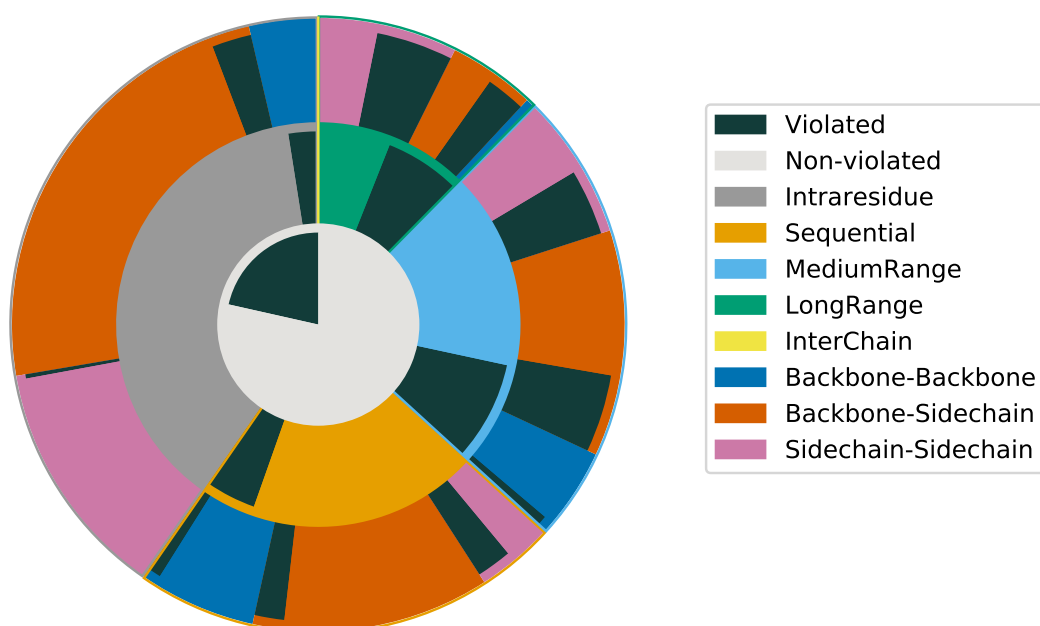
8.2 Distance violations summary

The following table provides the summary of violated restraints. Restraints that are violated at least in one model are counted as violated.

Restrains type	B-B ¹ (% ⁴)	B-S ² (% ⁴)	S-S ³ (% ⁴)	Total		
				Total(% ⁴)	RR ⁵	% ⁶
Intraresidue ($ i-j =0$)	2(3.2)	37(8.9)	4(1.8)	43(6.2)	0.0	11.6
Sequential ($ i-j =1$)	12(11.2)	28(12.9)	33(46.5)	73(18.5)	0.0	19.7
Medium range ($ i-j >1$ and $ i-j <5$)	10(12.0)	73(35.4)	62(47.0)	145(34.4)	0.1	39.1
Long range ($ i-j \geq 5$)	1(12.5)	37(46.8)	72(56.7)	110(51.4)	0.0	29.6
Inter chain	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0.0	0.0
Total	25(9.6)	175(19.1)	171(31.1)	371(21.5)	0.2	100.0

¹number of backbone to backbone restraints, ²number of backbone to sidechain restraints, ³number of sidechain to sidechain restraints, ⁴percentage of violations with respect to total restrains in that category, ⁵number of restraints per residue, ⁶percentage of violation with respect to total violations.

8.2.1 Pie-chart : Distance violations summary



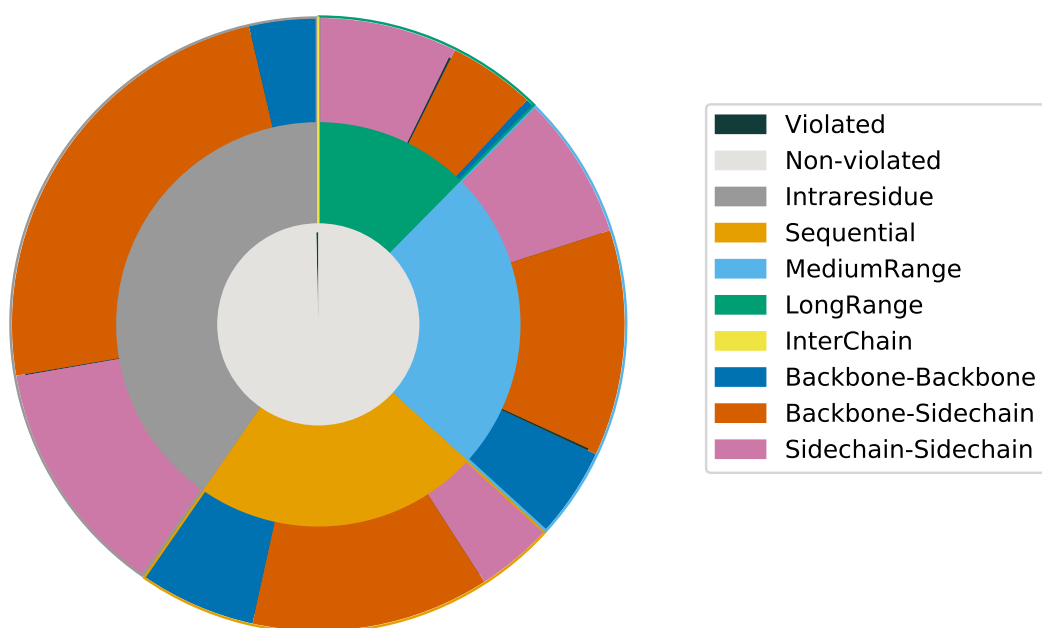
8.3 Consistent distance violations summary

The following table provides the summary of consistently violated restraints. Restraints that are violated all models are counted as violated.

Restrains type	B-B ¹ (% ⁴)	B-S ² (% ⁴)	S-S ³ (% ⁴)	Total		
				Total(% ⁴)	RR ⁵	% ⁶
Intraresidue ($ i-j =0$)	1(1.6)	0(0.0)	1(0.5)	2(0.3)	0.0	33.3
Sequential ($ i-j =1$)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0.0	0.0
Medium range ($ i-j >1$ and $ i-j <5$)	0(0.0)	2(1.0)	0(0.0)	2(0.5)	0.0	33.3
Long range ($ i-j \geq 5$)	0(0.0)	0(0.0)	2(1.6)	2(0.9)	0.0	33.3
Inter chain	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0.0	0.0
Total	1(0.4)	2(0.2)	3(0.5)	6(0.3)	0.0	100.0

¹number of backbone to backbone restraints, ²number of backbone to sidechain restraints, ³number of sidechain to sidechain restraints, ⁴percentage of violations with respect to total restrains in that category, ⁵number of restraints per residue, ⁶percentage of violation with respect to total violations

8.3.1 Pie-chart : Consistent distance violations



8.4 Residual distance violations

Violations are counted in different bin sizes and listed below

Range (Å)	No. of violated restraints per model	Max violation (Å)
0-0.2	64.9	0.2
0.2-0.5	7.3	0.5
0.5-1.0	6.7	1.0
1.0-2.0	5.3	1.99
2.0-5.0	0.1	3.01
5.0<	None	None

8.5 Distance violations in ensemble

The restraints are grouped based on the number of violated models and listed here.

No. of violated restraints						No. of violated models
IR ¹	SQ ²	MR ³	LR ⁴	IC ⁵	Total	
19	25	44	23	0	111	1
8	8	19	18	0	53	2
3	7	12	8	0	30	3
0	2	7	8	0	17	4
1	2	5	8	0	16	5
2	2	8	6	0	18	6
1	2	2	2	0	7	7
0	1	5	9	0	15	8
1	2	7	1	0	11	9
1	0	2	3	0	6	10
0	0	3	2	0	5	11
1	3	3	3	0	10	12
0	1	0	2	0	3	13
0	2	1	2	0	5	14
0	2	6	2	0	10	15
1	0	1	4	0	6	16
0	2	1	1	0	4	17
1	2	1	1	0	5	18
0	1	1	1	0	3	19
1	1	2	0	0	4	20
0	0	2	1	0	3	21
0	1	2	1	0	4	22
0	1	1	1	0	3	23
1	2	1	0	0	4	24
0	1	1	1	0	3	25
0	0	4	0	0	4	26

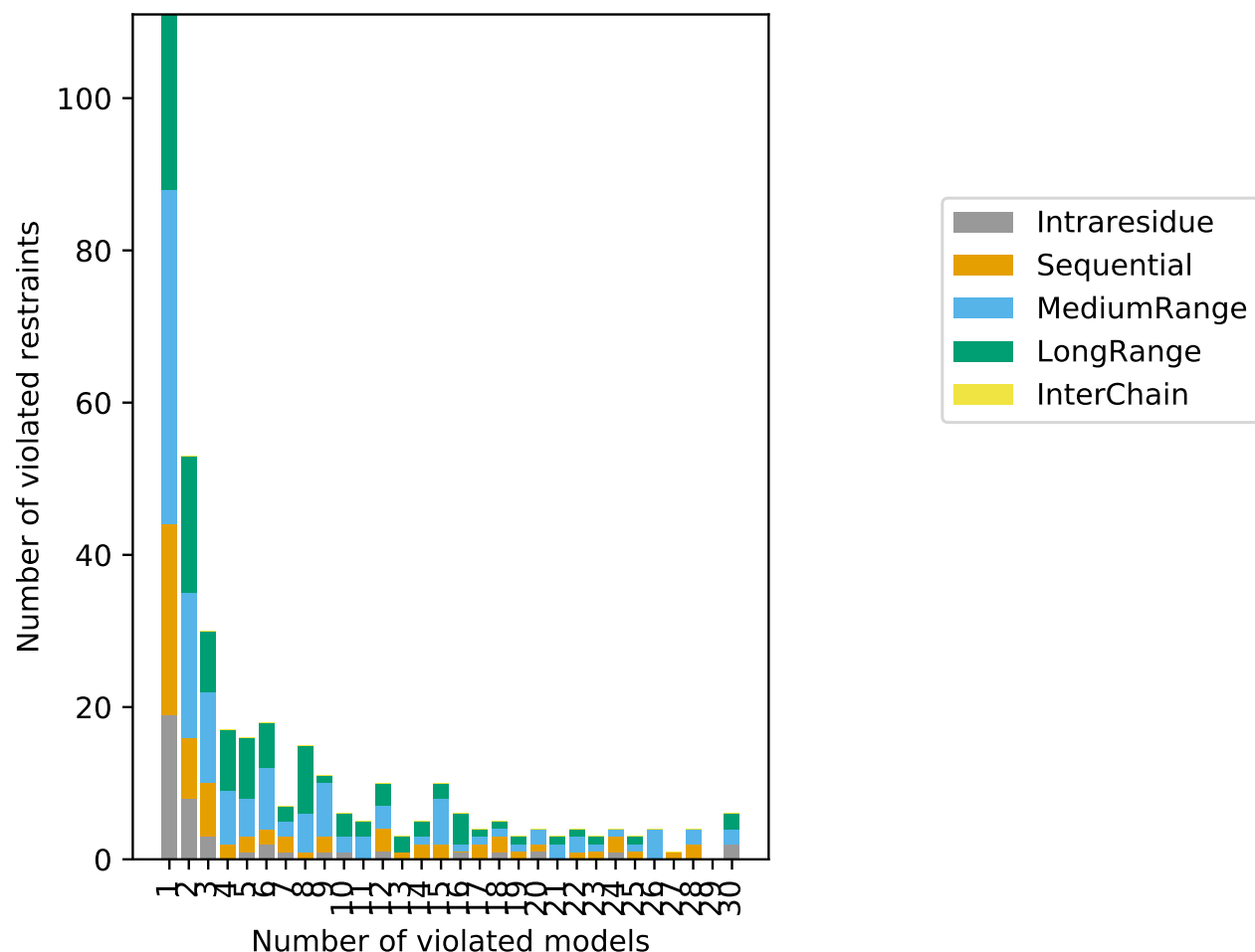
Continued on next page...

Continued from previous page...

No. of violated restraints						No. of violated models
IR ¹	SQ ²	MR ³	LR ⁴	IC ⁵	Total	
0	1	0	0	0	1	27
0	2	2	0	0	4	28
0	0	0	0	0	0	29
2	0	2	2	0	6	30

¹intraresidue restraints, ²sequential restraints, ³medium range restraints, ⁴long range restraints, ⁵inter chain restraints

8.5.1 Bar graph : No. of models vs No. of violations



654 intraresidue restraints, 322 sequential restraints, 276 medium range restraints, 104 long range restraints and 0 inter chain restraints are not violated. There are totally 1356 restraints not violated in any of the models

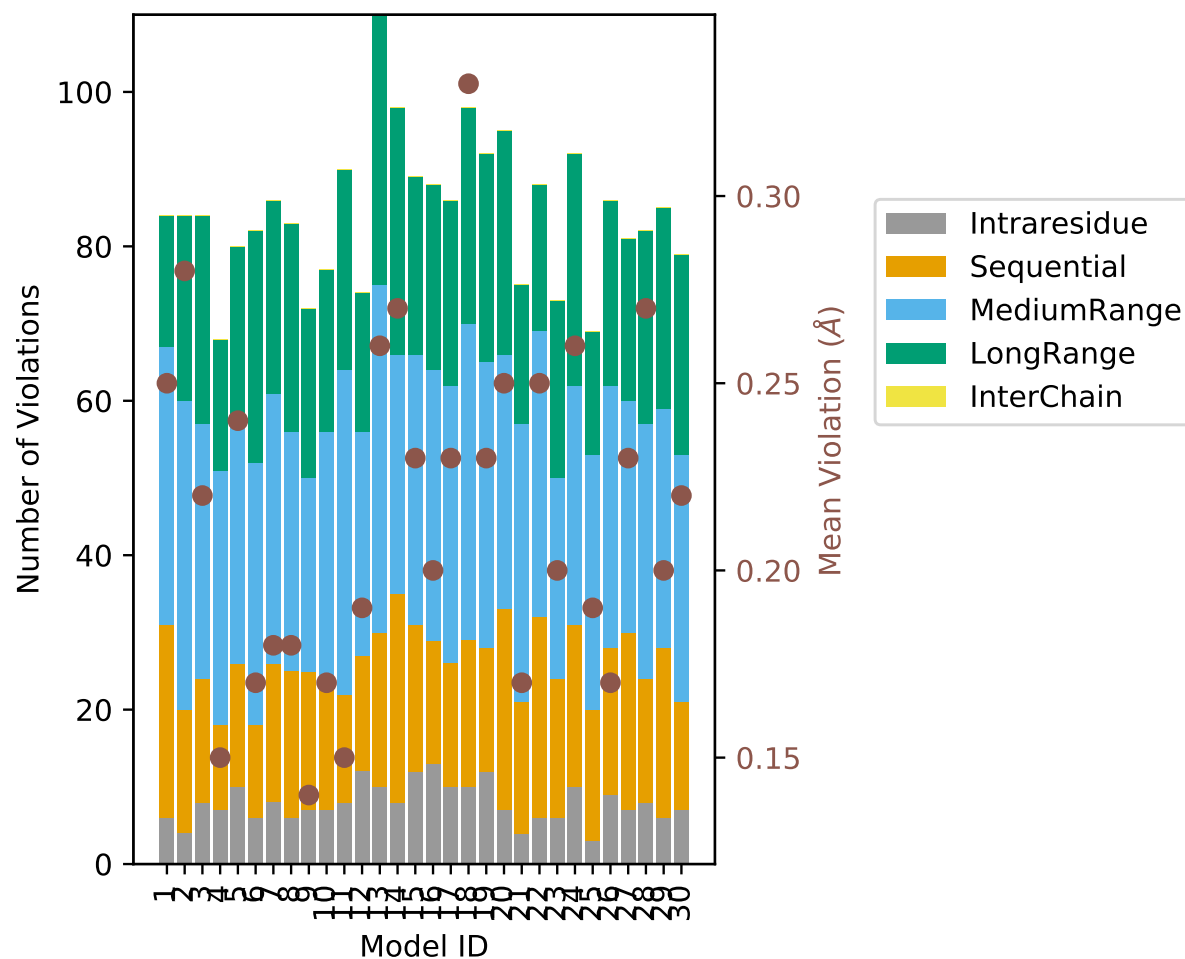
8.6 Violations in each model

The following table lists the violation count in each model in the ensemble

Model ID	No. of violations						Mean (Å)	Max (Å)
	IR ¹	SQ ²	MR ³	LR ⁴	IC ⁵	Total		
1	6	25	36	17	0	84	0.25	1.58
2	4	16	40	24	0	84	0.28	3.01
3	8	16	33	27	0	84	0.22	1.56
4	7	11	33	17	0	68	0.15	1.72
5	10	16	31	23	0	80	0.24	1.62
6	6	12	34	30	0	82	0.17	1.56
7	8	18	35	25	0	86	0.18	1.5
8	6	19	31	27	0	83	0.18	1.62
9	7	18	25	22	0	72	0.14	1.64
10	7	17	32	21	0	77	0.17	1.51
11	8	14	42	26	0	90	0.15	1.62
12	12	15	29	18	0	74	0.19	1.52
13	10	20	45	35	0	110	0.26	1.87
14	8	27	31	32	0	98	0.27	2.01
15	12	19	35	23	0	89	0.23	1.65
16	13	16	35	24	0	88	0.2	1.66
17	10	16	36	24	0	86	0.23	1.89
18	10	19	41	28	0	98	0.33	1.88
19	12	16	37	27	0	92	0.23	1.72
20	7	26	33	29	0	95	0.25	1.51
21	4	17	36	18	0	75	0.17	1.82
22	6	26	37	19	0	88	0.25	1.67
23	6	18	26	23	0	73	0.2	1.71
24	10	21	31	30	0	92	0.26	2.1
25	3	17	33	16	0	69	0.19	1.59
26	9	19	34	24	0	86	0.17	1.96
27	7	23	30	21	0	81	0.23	1.98
28	8	16	33	25	0	82	0.27	1.72
29	6	22	31	26	0	85	0.2	1.72
30	7	14	32	26	0	79	0.22	1.57

¹intraresidue restraints, ²iequential restraints, ³iedium range restraints, ⁴long range restraints, ⁵inter chain restraints

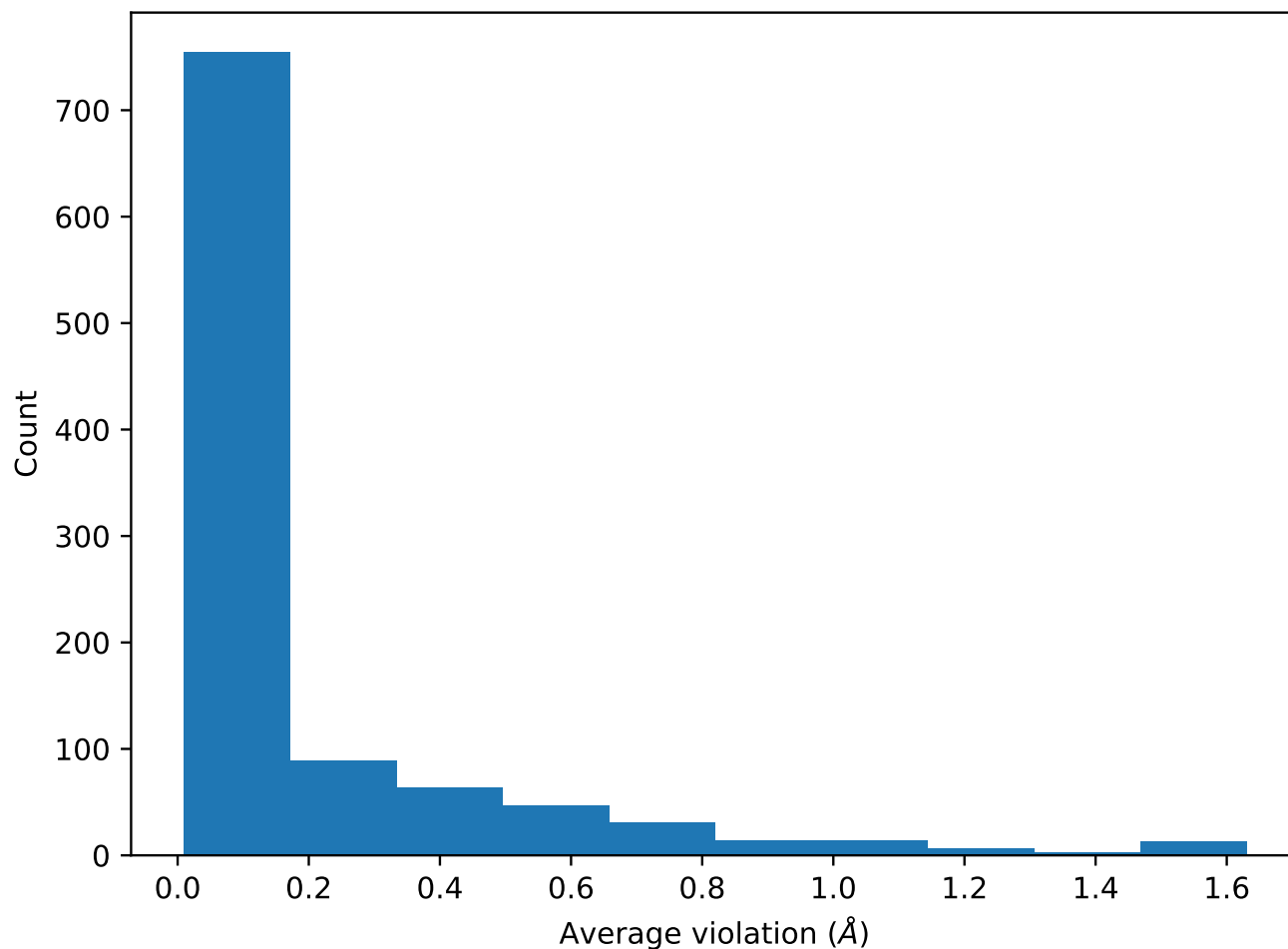
8.6.1 Bar graph : Violations in each model



8.7 Most violated distance restraints

8.7.1 Histogram : Distribution of mean distance violation

The following histogram shows the distribution of average violation of each restraint.



8.7.2 Table: Most violated distance restraints

The following table lists the average violation of each restraint sorted by number of violated models

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,484)	1:A:24:GLY:HA2	1:A:24:GLY:HA2	30	1.5	1.5
(1,323)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:45:ARG:HG2	30	0.2	0.21
(1,177)	1:A:22:LEU:HD11	1:A:24:GLY:HA2	30	0.22	0.7
(1,177)	1:A:22:LEU:HD12	1:A:24:GLY:HA2	30	0.22	0.7
(1,177)	1:A:22:LEU:HD13	1:A:24:GLY:HA2	30	0.22	0.7
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:70:GLN:HG3	30	1.46	1.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:70:GLN:HG3	30	1.46	1.69
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:70:GLN:HG3	30	1.46	1.69
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:19:ILE:HB	30	0.08	0.14
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:19:ILE:HB	30	0.08	0.14
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:19:ILE:HB	30	0.08	0.14
(1,1271)	1:A:62:ARG:HA	1:A:58:ILE:HG12	30	0.86	1.34
(1,813)	1:A:65:THR:HG21	1:A:69:LEU:H	28	0.11	0.17
(1,813)	1:A:65:THR:HG22	1:A:69:LEU:H	28	0.11	0.17
(1,813)	1:A:65:THR:HG23	1:A:69:LEU:H	28	0.11	0.17
(1,213)	1:A:30:SER:HB3	1:A:33:ASP:HA	28	0.06	0.13
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:65:THR:HA	28	0.07	0.47
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:65:THR:HA	28	0.07	0.47
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:65:THR:HA	28	0.07	0.47
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG11	28	0.03	0.06
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG12	28	0.03	0.06
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG13	28	0.03	0.06
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG11	28	0.03	0.06
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG12	28	0.03	0.06
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG13	28	0.03	0.06
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG11	28	0.03	0.06
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG12	28	0.03	0.06
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG13	28	0.03	0.06
(1,1710)	1:A:63:GLN:H	1:A:64:LEU:H	27	0.04	0.08
(1,475)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:20:ARG:HB2	26	0.17	0.5
(1,475)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:20:ARG:HB2	26	0.17	0.5
(1,475)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:20:ARG:HB2	26	0.17	0.5
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD11	26	0.18	0.74
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD12	26	0.18	0.74
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD13	26	0.18	0.74
(1,1498)	1:A:67:ARG:HD2	1:A:69:LEU:H	26	0.05	0.08
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:31:LEU:HA	26	0.09	0.13
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:31:LEU:HA	26	0.09	0.13
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:31:LEU:HA	26	0.09	0.13
(1,972)	1:A:27:LEU:HD21	1:A:70:GLN:HE21	25	0.37	1.36
(1,972)	1:A:27:LEU:HD22	1:A:70:GLN:HE21	25	0.37	1.36
(1,972)	1:A:27:LEU:HD23	1:A:70:GLN:HE21	25	0.37	1.36
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:42:VAL:HA	25	0.04	0.11
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:42:VAL:HA	25	0.04	0.11
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:42:VAL:HA	25	0.04	0.11
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HB2	25	0.05	0.35
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HG2	25	0.05	0.35
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD11	24	0.17	1.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD12	24	0.17	1.25
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD13	24	0.17	1.25
(1,373)	1:A:19:ILE:HB	1:A:19:ILE:H	24	0.02	0.05
(1,1402)	1:A:42:VAL:HA	1:A:45:ARG:HB3	24	0.05	0.11
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:HB2	24	1.01	2.1
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:HB2	24	1.01	2.1
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:HB2	24	1.01	2.1
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD21	23	0.16	1.05
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD22	23	0.16	1.05
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD23	23	0.16	1.05
(1,1589)	1:A:20:ARG:HG3	1:A:67:ARG:HE	23	0.83	1.88
(1,1523)	1:A:73:SER:HA	1:A:70:GLN:H	23	0.06	0.11
(1,391)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:21:ASP:HA	22	0.06	0.12
(1,391)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:21:ASP:HA	22	0.06	0.12
(1,391)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:21:ASP:HA	22	0.06	0.12
(1,239)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:62:ARG:HG3	22	0.41	1.03
(1,239)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:62:ARG:HG3	22	0.41	1.03
(1,239)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:62:ARG:HG3	22	0.41	1.03
(1,171)	1:A:22:LEU:HG	1:A:21:ASP:HA	22	0.06	0.17
(1,1252)	1:A:61:VAL:HA	1:A:63:GLN:HE22	22	0.03	0.04
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB1	21	0.05	0.1
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB2	21	0.05	0.1
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB3	21	0.05	0.1
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB1	21	0.05	0.1
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB2	21	0.05	0.1
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB3	21	0.05	0.1
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB1	21	0.05	0.1
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB2	21	0.05	0.1
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB3	21	0.05	0.1
(1,479)	1:A:23:ALA:HA	1:A:21:ASP:HA	21	0.06	0.13
(1,1037)	1:A:36:LEU:HB3	1:A:40:MET:HA	21	0.1	0.2
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:23:ALA:HA	20	0.11	0.2
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:25:ILE:HA	20	0.11	0.2
(1,706)	1:A:59:ARG:HD2	1:A:59:ARG:H	20	0.03	0.06
(1,706)	1:A:59:ARG:HD3	1:A:59:ARG:H	20	0.03	0.06
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:46:GLN:HG2	20	0.2	0.62
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:46:GLN:HG2	20	0.2	0.62
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:46:GLN:HG2	20	0.2	0.62
(1,1407)	1:A:42:VAL:HA	1:A:44:VAL:H	20	0.03	0.08
(1,778)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:6:GLN:HE21	19	0.8	1.56
(1,662)	1:A:49:GLU:HA	1:A:46:GLN:HA	19	0.07	0.17
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD11	19	0.06	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD12	19	0.06	0.4
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD13	19	0.06	0.4
(1,593)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:66:LEU:HA	18	0.09	0.44
(1,593)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:66:LEU:HA	18	0.09	0.44
(1,593)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:66:LEU:HA	18	0.09	0.44
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG21	18	0.03	0.07
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG22	18	0.03	0.07
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG23	18	0.03	0.07
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG21	18	0.04	0.11
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG22	18	0.04	0.11
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG23	18	0.04	0.11
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG21	1:A:45:ARG:HE	18	0.07	0.12
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG22	1:A:45:ARG:HE	18	0.07	0.12
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG23	1:A:45:ARG:HE	18	0.07	0.12
(1,1248)	1:A:61:VAL:HA	1:A:62:ARG:HB3	18	0.5	0.65
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:74:SER:H	17	0.08	0.19
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:69:LEU:H	17	0.08	0.19
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:26:ASN:H	17	0.05	0.11
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:26:ASN:H	17	0.05	0.11
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:26:ASN:H	17	0.05	0.11
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG11	17	0.01	0.03
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG12	17	0.01	0.03
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG13	17	0.01	0.03
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:H	17	0.12	0.41
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:H	17	0.12	0.41
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:H	17	0.12	0.41
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:9:LEU:HB3	16	0.05	0.1
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG2	16	0.05	0.1
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG3	16	0.05	0.1
(1,704)	1:A:59:ARG:HB2	1:A:59:ARG:H	16	0.11	0.15
(1,394)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:25:ILE:HG13	16	0.26	0.73
(1,394)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:25:ILE:HG13	16	0.26	0.73
(1,394)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:25:ILE:HG13	16	0.26	0.73
(1,38)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:32:ALA:HA	16	0.07	0.18
(1,38)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:32:ALA:HA	16	0.07	0.18
(1,38)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:32:ALA:HA	16	0.07	0.18
(1,38)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:50:ARG:HA	16	0.07	0.18
(1,38)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:50:ARG:HA	16	0.07	0.18
(1,38)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:50:ARG:HA	16	0.07	0.18
(1,241)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:64:LEU:HG	16	0.05	0.09
(1,241)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:64:LEU:HG	16	0.05	0.09
(1,241)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:64:LEU:HG	16	0.05	0.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD2	16	0.11	1.11
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD3	16	0.11	1.11
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD2	16	0.11	1.11
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD3	16	0.11	1.11
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD2	16	0.11	1.11
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD3	16	0.11	1.11
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD11	15	0.37	1.05
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD12	15	0.37	1.05
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD13	15	0.37	1.05
(1,732)	1:A:63:GLN:HG3	1:A:60:GLU:HA	15	0.04	0.07
(1,1638)	1:A:57:PRO:HB3	1:A:59:ARG:HB2	15	0.76	1.3
(1,1618)	1:A:58:ILE:HG12	1:A:59:ARG:HD2	15	0.27	0.51
(1,1618)	1:A:58:ILE:HG12	1:A:59:ARG:HD3	15	0.27	0.51
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:29:SER:HA	15	0.73	1.32
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:29:SER:HA	15	0.73	1.32
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:29:SER:HA	15	0.73	1.32
(1,1332)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:69:LEU:H	15	0.06	0.11
(1,1332)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:69:LEU:H	15	0.06	0.11
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD21	15	0.1	1.09
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD22	15	0.1	1.09
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD23	15	0.1	1.09
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD11	1:A:51:GLU:HB2	15	0.73	1.99
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD12	1:A:51:GLU:HB2	15	0.73	1.99
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD13	1:A:51:GLU:HB2	15	0.73	1.99
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD21	1:A:42:VAL:H	15	0.04	0.08
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD22	1:A:42:VAL:H	15	0.04	0.08
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD23	1:A:42:VAL:H	15	0.04	0.08
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD11	1:A:31:LEU:HA	15	0.09	0.44
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD12	1:A:31:LEU:HA	15	0.09	0.44
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD13	1:A:31:LEU:HA	15	0.09	0.44
(1,506)	1:A:19:ILE:HD11	1:A:18:GLY:HA2	14	0.09	0.24
(1,506)	1:A:19:ILE:HD12	1:A:18:GLY:HA2	14	0.09	0.24
(1,506)	1:A:19:ILE:HD13	1:A:18:GLY:HA2	14	0.09	0.24
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:40:MET:HA	14	0.06	0.1
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:40:MET:HA	14	0.06	0.1
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:40:MET:HA	14	0.06	0.1
(1,1369)	1:A:71:GLU:HG2	1:A:72:MET:H	14	0.35	0.9
(1,1302)	1:A:64:LEU:HB3	1:A:31:LEU:HB3	14	0.59	1.17
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG21	14	0.05	0.13
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG22	14	0.05	0.13
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG23	14	0.05	0.13
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG21	14	0.05	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG22	14	0.05	0.13
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG23	14	0.05	0.13
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG21	14	0.05	0.13
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG22	14	0.05	0.13
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG23	14	0.05	0.13
(1,1584)	1:A:59:ARG:HG3	1:A:58:ILE:H	13	0.16	0.4
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:26:ASN:HB3	13	0.99	1.72
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:26:ASN:HB3	13	0.99	1.72
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:26:ASN:HB3	13	0.99	1.72
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB1	13	0.15	0.21
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB2	13	0.15	0.21
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB3	13	0.15	0.21
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD21	12	0.05	0.16
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD22	12	0.05	0.16
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD23	12	0.05	0.16
(1,499)	1:A:47:ILE:HD11	1:A:43:GLU:HG2	12	0.28	0.82
(1,499)	1:A:47:ILE:HD12	1:A:43:GLU:HG2	12	0.28	0.82
(1,499)	1:A:47:ILE:HD13	1:A:43:GLU:HG2	12	0.28	0.82
(1,491)	1:A:27:LEU:HA	1:A:66:LEU:H	12	0.04	0.1
(1,444)	1:A:47:ILE:HA	1:A:50:ARG:HB3	12	1.05	1.72
(1,1587)	1:A:9:LEU:HG	1:A:75:LYS:HE2	12	0.03	0.07
(1,1587)	1:A:9:LEU:HG	1:A:75:LYS:HE3	12	0.03	0.07
(1,1393)	1:A:44:VAL:HA	1:A:48:LEU:HG	12	0.03	0.07
(1,1308)	1:A:64:LEU:HA	1:A:63:GLN:HE21	12	0.03	0.14
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:57:PRO:HB3	12	0.07	0.44
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:57:PRO:HB3	12	0.07	0.44
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:57:PRO:HB3	12	0.07	0.44
(1,1147)	1:A:54:LEU:HB2	1:A:48:LEU:HB3	12	0.03	0.08
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:34:LEU:HA	12	0.45	0.5
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:34:LEU:HA	12	0.45	0.5
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:34:LEU:HA	12	0.45	0.5
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD21	11	0.05	0.09
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD22	11	0.05	0.09
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD23	11	0.05	0.09
(1,45)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:11:LYS:HE2	11	0.05	0.11
(1,45)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:11:LYS:HE3	11	0.05	0.11
(1,45)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:11:LYS:HE2	11	0.05	0.11
(1,45)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:11:LYS:HE3	11	0.05	0.11
(1,45)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:11:LYS:HE2	11	0.05	0.11
(1,45)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:11:LYS:HE3	11	0.05	0.11
(1,244)	1:A:31:LEU:HD21	1:A:64:LEU:HG	11	0.54	0.86
(1,244)	1:A:31:LEU:HD22	1:A:64:LEU:HG	11	0.54	0.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,244)	1:A:31:LEU:HD23	1:A:64:LEU:HG	11	0.54	0.86
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:47:ILE:HG13	11	0.08	0.65
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:47:ILE:HG13	11	0.08	0.65
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:47:ILE:HG13	11	0.08	0.65
(1,1172)	1:A:55:VAL:HA	1:A:57:PRO:HG3	11	0.03	0.05
(1,845)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HB2	10	0.32	0.97
(1,845)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HB3	10	0.32	0.97
(1,1642)	1:A:9:LEU:HD11	1:A:6:GLN:HE21	10	0.52	1.2
(1,1642)	1:A:9:LEU:HD12	1:A:6:GLN:HE21	10	0.52	1.2
(1,1642)	1:A:9:LEU:HD13	1:A:6:GLN:HE21	10	0.52	1.2
(1,1631)	1:A:73:SER:HB2	1:A:10:VAL:HG21	10	0.03	0.05
(1,1631)	1:A:73:SER:HB2	1:A:10:VAL:HG22	10	0.03	0.05
(1,1631)	1:A:73:SER:HB2	1:A:10:VAL:HG23	10	0.03	0.05
(1,1575)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:13:VAL:H	10	0.23	1.3
(1,1575)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:13:VAL:H	10	0.23	1.3
(1,1575)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:13:VAL:H	10	0.23	1.3
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:68:LYS:HB2	10	0.02	0.03
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:68:LYS:HB3	10	0.02	0.03
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:68:LYS:HB2	10	0.02	0.03
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:68:LYS:HB3	10	0.02	0.03
(1,1018)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:29:SER:HB2	10	0.25	0.32
(1,1018)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:29:SER:HB2	10	0.25	0.32
(1,1018)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:29:SER:HB2	10	0.25	0.32
(1,994)	1:A:33:ASP:HA	1:A:34:LEU:HD21	9	0.27	0.34
(1,994)	1:A:33:ASP:HA	1:A:34:LEU:HD22	9	0.27	0.34
(1,994)	1:A:33:ASP:HA	1:A:34:LEU:HD23	9	0.27	0.34
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD11	9	0.03	0.08
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD12	9	0.03	0.08
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD13	9	0.03	0.08
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD21	9	0.03	0.08
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD22	9	0.03	0.08
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD23	9	0.03	0.08
(1,607)	1:A:67:ARG:HA	1:A:67:ARG:HD3	9	0.02	0.04
(1,60)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:74:SER:HB2	9	0.58	0.93
(1,60)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:74:SER:HB2	9	0.58	0.93
(1,60)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:74:SER:HB2	9	0.58	0.93
(1,60)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:31:LEU:HA	9	0.58	0.93
(1,60)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:31:LEU:HA	9	0.58	0.93
(1,60)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:31:LEU:HA	9	0.58	0.93
(1,513)	1:A:25:ILE:HB	1:A:22:LEU:HD11	9	0.03	0.05
(1,513)	1:A:25:ILE:HB	1:A:22:LEU:HD12	9	0.03	0.05
(1,513)	1:A:25:ILE:HB	1:A:22:LEU:HD13	9	0.03	0.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,1701)	1:A:47:ILE:H	1:A:48:LEU:H	9	0.05	0.1
(1,1592)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:30:SER:H	9	0.55	0.89
(1,1592)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:30:SER:H	9	0.55	0.89
(1,1592)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:30:SER:H	9	0.55	0.89
(1,1497)	1:A:65:THR:HG21	1:A:63:GLN:HB2	9	0.05	0.14
(1,1497)	1:A:65:THR:HG22	1:A:63:GLN:HB2	9	0.05	0.14
(1,1497)	1:A:65:THR:HG23	1:A:63:GLN:HB2	9	0.05	0.14
(1,1327)	1:A:68:LYS:HD2	1:A:71:GLU:HB2	9	0.25	0.8
(1,1327)	1:A:68:LYS:HD3	1:A:71:GLU:HB2	9	0.25	0.8
(1,1239)	1:A:60:GLU:HB3	1:A:56:LEU:HB2	9	0.15	0.67
(1,1161)	1:A:54:LEU:HD11	1:A:52:HIS:HB3	9	0.02	0.05
(1,1161)	1:A:54:LEU:HD12	1:A:52:HIS:HB3	9	0.02	0.05
(1,1161)	1:A:54:LEU:HD13	1:A:52:HIS:HB3	9	0.02	0.05
(1,808)	1:A:65:THR:HG21	1:A:30:SER:HA	8	0.02	0.03
(1,808)	1:A:65:THR:HG22	1:A:30:SER:HA	8	0.02	0.03
(1,808)	1:A:65:THR:HG23	1:A:30:SER:HA	8	0.02	0.03
(1,743)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:72:MET:H	8	0.02	0.03
(1,743)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:72:MET:H	8	0.02	0.03
(1,740)	1:A:70:GLN:HA	1:A:10:VAL:HG21	8	0.03	0.07
(1,740)	1:A:70:GLN:HA	1:A:10:VAL:HG22	8	0.03	0.07
(1,740)	1:A:70:GLN:HA	1:A:10:VAL:HG23	8	0.03	0.07
(1,43)	1:A:13:VAL:HG21	1:A:17:LEU:H	8	0.03	0.06
(1,43)	1:A:13:VAL:HG22	1:A:17:LEU:H	8	0.03	0.06
(1,43)	1:A:13:VAL:HG23	1:A:17:LEU:H	8	0.03	0.06
(1,43)	1:A:13:VAL:HG21	1:A:73:SER:H	8	0.03	0.06
(1,43)	1:A:13:VAL:HG22	1:A:73:SER:H	8	0.03	0.06
(1,43)	1:A:13:VAL:HG23	1:A:73:SER:H	8	0.03	0.06
(1,43)	1:A:13:VAL:HG21	1:A:18:GLY:H	8	0.03	0.06
(1,43)	1:A:13:VAL:HG22	1:A:18:GLY:H	8	0.03	0.06
(1,43)	1:A:13:VAL:HG23	1:A:18:GLY:H	8	0.03	0.06
(1,306)	1:A:40:MET:HB3	1:A:38:SER:H	8	0.03	0.05
(1,229)	1:A:31:LEU:HA	1:A:36:LEU:HD21	8	0.13	0.86
(1,229)	1:A:31:LEU:HA	1:A:36:LEU:HD22	8	0.13	0.86
(1,229)	1:A:31:LEU:HA	1:A:36:LEU:HD23	8	0.13	0.86
(1,221)	1:A:31:LEU:HB2	1:A:36:LEU:HB2	8	0.04	0.08
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:9:LEU:HD21	8	0.67	1.52
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:9:LEU:HD22	8	0.67	1.52
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:9:LEU:HD23	8	0.67	1.52
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:48:LEU:HD11	8	0.67	1.52
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:48:LEU:HD12	8	0.67	1.52
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:48:LEU:HD13	8	0.67	1.52
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:9:LEU:HD21	8	0.04	0.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:9:LEU:HD22	8	0.04	0.09
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:9:LEU:HD23	8	0.04	0.09
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:9:LEU:HD21	8	0.04	0.09
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:9:LEU:HD22	8	0.04	0.09
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:9:LEU:HD23	8	0.04	0.09
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG2	1:A:75:LYS:HE2	8	0.04	0.07
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG2	1:A:75:LYS:HE3	8	0.04	0.07
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG3	1:A:75:LYS:HE2	8	0.04	0.07
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG3	1:A:75:LYS:HE3	8	0.04	0.07
(1,1552)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:24:GLY:H	8	0.06	0.09
(1,1552)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:24:GLY:H	8	0.06	0.09
(1,1552)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:24:GLY:H	8	0.06	0.09
(1,1423)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:39:LEU:HG	8	0.02	0.04
(1,1423)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:39:LEU:HG	8	0.02	0.04
(1,1423)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:39:LEU:HG	8	0.02	0.04
(1,1303)	1:A:64:LEU:HB2	1:A:31:LEU:HB3	8	0.27	0.56
(1,1263)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:62:ARG:HB3	8	0.17	0.3
(1,1263)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:62:ARG:HB3	8	0.17	0.3
(1,1263)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:62:ARG:HB3	8	0.17	0.3
(1,1061)	1:A:36:LEU:HD21	1:A:38:SER:H	8	0.06	0.15
(1,1061)	1:A:36:LEU:HD22	1:A:38:SER:H	8	0.06	0.15
(1,1061)	1:A:36:LEU:HD23	1:A:38:SER:H	8	0.06	0.15
(1,58)	1:A:66:LEU:HD21	1:A:10:VAL:HB	7	0.02	0.04
(1,58)	1:A:66:LEU:HD22	1:A:10:VAL:HB	7	0.02	0.04
(1,58)	1:A:66:LEU:HD23	1:A:10:VAL:HB	7	0.02	0.04
(1,58)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:43:GLU:HB2	7	0.02	0.04
(1,58)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:43:GLU:HB2	7	0.02	0.04
(1,58)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:43:GLU:HB2	7	0.02	0.04
(1,502)	1:A:19:ILE:HD11	1:A:25:ILE:HG13	7	0.37	1.0
(1,502)	1:A:19:ILE:HD12	1:A:25:ILE:HG13	7	0.37	1.0
(1,502)	1:A:19:ILE:HD13	1:A:25:ILE:HG13	7	0.37	1.0
(1,316)	1:A:40:MET:HB2	1:A:39:LEU:HD21	7	0.26	0.63
(1,316)	1:A:40:MET:HB2	1:A:39:LEU:HD22	7	0.26	0.63
(1,316)	1:A:40:MET:HB2	1:A:39:LEU:HD23	7	0.26	0.63
(1,240)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:34:LEU:HB2	7	0.52	0.63
(1,240)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:34:LEU:HB2	7	0.52	0.63
(1,240)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:34:LEU:HB2	7	0.52	0.63
(1,233)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:31:LEU:HA	7	0.75	0.8
(1,233)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:31:LEU:HA	7	0.75	0.8
(1,233)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:31:LEU:HA	7	0.75	0.8
(1,1411)	1:A:42:VAL:HG11	1:A:43:GLU:HG3	7	0.03	0.06
(1,1411)	1:A:42:VAL:HG12	1:A:43:GLU:HG3	7	0.03	0.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,1411)	1:A:42:VAL:HG13	1:A:43:GLU:HG3	7	0.03	0.06
(1,1311)	1:A:64:LEU:HA	1:A:68:LYS:HD2	7	0.02	0.03
(1,1311)	1:A:64:LEU:HA	1:A:68:LYS:HD3	7	0.02	0.03
(1,971)	1:A:27:LEU:HD11	1:A:25:ILE:H	6	0.04	0.05
(1,971)	1:A:27:LEU:HD12	1:A:25:ILE:H	6	0.04	0.05
(1,971)	1:A:27:LEU:HD13	1:A:25:ILE:H	6	0.04	0.05
(1,779)	1:A:52:HIS:HB2	1:A:6:GLN:HE21	6	0.67	1.18
(1,719)	1:A:63:GLN:HB2	1:A:63:GLN:HE21	6	0.81	0.85
(1,700)	1:A:59:ARG:HA	1:A:62:ARG:HD2	6	0.43	0.86
(1,70)	1:A:9:LEU:HD21	1:A:72:MET:H	6	0.02	0.04
(1,70)	1:A:9:LEU:HD22	1:A:72:MET:H	6	0.02	0.04
(1,70)	1:A:9:LEU:HD23	1:A:72:MET:H	6	0.02	0.04
(1,70)	1:A:9:LEU:HD21	1:A:71:GLU:H	6	0.02	0.04
(1,70)	1:A:9:LEU:HD22	1:A:71:GLU:H	6	0.02	0.04
(1,70)	1:A:9:LEU:HD23	1:A:71:GLU:H	6	0.02	0.04
(1,549)	1:A:72:MET:HB2	1:A:72:MET:H	6	0.18	0.27
(1,456)	1:A:47:ILE:HB	1:A:50:ARG:H	6	0.03	0.04
(1,194)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HG	6	0.02	0.03
(1,192)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HD21	6	0.11	0.2
(1,192)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HD22	6	0.11	0.2
(1,192)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HD23	6	0.11	0.2
(1,1726)	1:A:80:THR:H	1:A:81:GLU:H	6	0.04	0.07
(1,1555)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:HB3	6	0.72	1.64
(1,1555)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:HB3	6	0.72	1.64
(1,1555)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:HB3	6	0.72	1.64
(1,1531)	1:A:10:VAL:HG21	1:A:72:MET:H	6	0.03	0.04
(1,1531)	1:A:10:VAL:HG22	1:A:72:MET:H	6	0.03	0.04
(1,1531)	1:A:10:VAL:HG23	1:A:72:MET:H	6	0.03	0.04
(1,1493)	1:A:46:GLN:HG3	1:A:50:ARG:HD2	6	0.03	0.05
(1,1493)	1:A:46:GLN:HG3	1:A:50:ARG:HD3	6	0.03	0.05
(1,1447)	1:A:13:VAL:HG11	1:A:17:LEU:HG	6	0.02	0.05
(1,1447)	1:A:13:VAL:HG12	1:A:17:LEU:HG	6	0.02	0.05
(1,1447)	1:A:13:VAL:HG13	1:A:17:LEU:HG	6	0.02	0.05
(1,1435)	1:A:13:VAL:HG11	1:A:9:LEU:HA	6	0.03	0.06
(1,1435)	1:A:13:VAL:HG12	1:A:9:LEU:HA	6	0.03	0.06
(1,1435)	1:A:13:VAL:HG13	1:A:9:LEU:HA	6	0.03	0.06
(1,111)	1:A:55:VAL:HG21	1:A:49:GLU:HG3	6	0.45	0.95
(1,111)	1:A:55:VAL:HG22	1:A:49:GLU:HG3	6	0.45	0.95
(1,111)	1:A:55:VAL:HG23	1:A:49:GLU:HG3	6	0.45	0.95
(1,1108)	1:A:48:LEU:HA	1:A:52:HIS:HB3	6	0.02	0.03
(1,1071)	1:A:36:LEU:HG	1:A:38:SER:H	6	0.06	0.18
(1,968)	1:A:27:LEU:HD11	1:A:67:ARG:HA	5	0.02	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,968)	1:A:27:LEU:HD12	1:A:67:ARG:HA	5	0.02	0.03
(1,968)	1:A:27:LEU:HD13	1:A:67:ARG:HA	5	0.02	0.03
(1,9)	1:A:16:ILE:HG21	1:A:43:GLU:H	5	0.08	0.13
(1,9)	1:A:16:ILE:HG22	1:A:43:GLU:H	5	0.08	0.13
(1,9)	1:A:16:ILE:HG23	1:A:43:GLU:H	5	0.08	0.13
(1,9)	1:A:16:ILE:HG21	1:A:42:VAL:H	5	0.08	0.13
(1,9)	1:A:16:ILE:HG22	1:A:42:VAL:H	5	0.08	0.13
(1,9)	1:A:16:ILE:HG23	1:A:42:VAL:H	5	0.08	0.13
(1,9)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:50:ARG:HE	5	0.08	0.13
(1,9)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:50:ARG:HE	5	0.08	0.13
(1,9)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:50:ARG:HE	5	0.08	0.13
(1,896)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:6:GLN:HE21	5	0.15	0.39
(1,896)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:6:GLN:HE21	5	0.15	0.39
(1,896)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:6:GLN:HE21	5	0.15	0.39
(1,847)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HD2	5	0.12	0.43
(1,847)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HD3	5	0.12	0.43
(1,846)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:11:LYS:HD2	5	0.03	0.06
(1,846)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:11:LYS:HD3	5	0.03	0.06
(1,798)	1:A:51:GLU:HG2	1:A:50:ARG:HG2	5	0.34	0.56
(1,798)	1:A:51:GLU:HG3	1:A:50:ARG:HG2	5	0.34	0.56
(1,787)	1:A:51:GLU:HB3	1:A:6:GLN:HE21	5	0.27	0.4
(1,668)	1:A:49:GLU:HG2	1:A:46:GLN:HA	5	0.3	0.7
(1,417)	1:A:45:ARG:HD2	1:A:61:VAL:HG11	5	0.02	0.03
(1,417)	1:A:45:ARG:HD2	1:A:61:VAL:HG12	5	0.02	0.03
(1,417)	1:A:45:ARG:HD2	1:A:61:VAL:HG13	5	0.02	0.03
(1,417)	1:A:45:ARG:HD3	1:A:61:VAL:HG11	5	0.02	0.03
(1,417)	1:A:45:ARG:HD3	1:A:61:VAL:HG12	5	0.02	0.03
(1,417)	1:A:45:ARG:HD3	1:A:61:VAL:HG13	5	0.02	0.03
(1,360)	1:A:17:LEU:HA	1:A:19:ILE:HG21	5	0.02	0.03
(1,360)	1:A:17:LEU:HA	1:A:19:ILE:HG22	5	0.02	0.03
(1,360)	1:A:17:LEU:HA	1:A:19:ILE:HG23	5	0.02	0.03
(1,1692)	1:A:33:ASP:H	1:A:36:LEU:H	5	0.03	0.05
(1,1509)	1:A:72:MET:HG2	1:A:9:LEU:HD11	5	0.36	1.02
(1,1509)	1:A:72:MET:HG2	1:A:9:LEU:HD12	5	0.36	1.02
(1,1509)	1:A:72:MET:HG2	1:A:9:LEU:HD13	5	0.36	1.02
(1,1503)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:49:GLU:H	5	0.02	0.04
(1,1503)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:49:GLU:H	5	0.02	0.04
(1,1503)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:49:GLU:H	5	0.02	0.04
(1,1267)	1:A:61:VAL:HG21	1:A:60:GLU:HB3	5	0.02	0.03
(1,1267)	1:A:61:VAL:HG22	1:A:60:GLU:HB3	5	0.02	0.03
(1,1267)	1:A:61:VAL:HG23	1:A:60:GLU:HB3	5	0.02	0.03
(1,1091)	1:A:39:LEU:HD11	1:A:39:LEU:HA	5	0.12	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,1091)	1:A:39:LEU:HD12	1:A:39:LEU:HA	5	0.12	0.26
(1,1091)	1:A:39:LEU:HD13	1:A:39:LEU:HA	5	0.12	0.26
(1,1016)	1:A:34:LEU:HD11	1:A:29:SER:H	5	0.04	0.06
(1,1016)	1:A:34:LEU:HD12	1:A:29:SER:H	5	0.04	0.06
(1,1016)	1:A:34:LEU:HD13	1:A:29:SER:H	5	0.04	0.06
(1,899)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:9:LEU:HD11	4	0.02	0.03
(1,899)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:9:LEU:HD12	4	0.02	0.03
(1,899)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:9:LEU:HD13	4	0.02	0.03
(1,899)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:9:LEU:HD11	4	0.02	0.03
(1,899)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:9:LEU:HD12	4	0.02	0.03
(1,899)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:9:LEU:HD13	4	0.02	0.03
(1,899)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:9:LEU:HD11	4	0.02	0.03
(1,899)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:9:LEU:HD12	4	0.02	0.03
(1,899)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:9:LEU:HD13	4	0.02	0.03
(1,876)	1:A:10:VAL:HG21	1:A:68:LYS:HB2	4	0.02	0.03
(1,876)	1:A:10:VAL:HG21	1:A:68:LYS:HB3	4	0.02	0.03
(1,876)	1:A:10:VAL:HG22	1:A:68:LYS:HB2	4	0.02	0.03
(1,876)	1:A:10:VAL:HG22	1:A:68:LYS:HB3	4	0.02	0.03
(1,876)	1:A:10:VAL:HG23	1:A:68:LYS:HB2	4	0.02	0.03
(1,876)	1:A:10:VAL:HG23	1:A:68:LYS:HB3	4	0.02	0.03
(1,844)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:11:LYS:HB2	4	0.12	0.21
(1,844)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:11:LYS:HB3	4	0.12	0.21
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:69:LEU:HD11	4	0.08	0.14
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:69:LEU:HD12	4	0.08	0.14
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:69:LEU:HD13	4	0.08	0.14
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:69:LEU:HD21	4	0.08	0.14
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:69:LEU:HD22	4	0.08	0.14
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:69:LEU:HD23	4	0.08	0.14
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:54:LEU:HD21	4	0.08	0.14
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:54:LEU:HD22	4	0.08	0.14
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:54:LEU:HD23	4	0.08	0.14
(1,72)	1:A:48:LEU:HD11	1:A:6:GLN:HE21	4	0.42	1.04
(1,72)	1:A:48:LEU:HD12	1:A:6:GLN:HE21	4	0.42	1.04
(1,72)	1:A:48:LEU:HD13	1:A:6:GLN:HE21	4	0.42	1.04
(1,72)	1:A:9:LEU:HD21	1:A:6:GLN:HE21	4	0.42	1.04
(1,72)	1:A:9:LEU:HD22	1:A:6:GLN:HE21	4	0.42	1.04
(1,72)	1:A:9:LEU:HD23	1:A:6:GLN:HE21	4	0.42	1.04
(1,715)	1:A:63:GLN:HB3	1:A:60:GLU:HA	4	0.04	0.05
(1,531)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:22:LEU:HA	4	0.01	0.01
(1,531)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:22:LEU:HA	4	0.01	0.01
(1,531)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:22:LEU:HA	4	0.01	0.01
(1,1574)	1:A:16:ILE:HG21	1:A:40:MET:HG2	4	0.02	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,1574)	1:A:16:ILE:HG22	1:A:40:MET:HG2	4	0.02	0.03
(1,1574)	1:A:16:ILE:HG23	1:A:40:MET:HG2	4	0.02	0.03
(1,1548)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:21:ASP:HB2	4	0.26	0.39
(1,1548)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:21:ASP:HB2	4	0.26	0.39
(1,1548)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:21:ASP:HB2	4	0.26	0.39
(1,1517)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:7:ARG:HA	4	0.02	0.04
(1,1494)	1:A:46:GLN:HG2	1:A:50:ARG:HD2	4	0.05	0.09
(1,1494)	1:A:46:GLN:HG2	1:A:50:ARG:HD3	4	0.05	0.09
(1,1429)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:39:LEU:H	4	0.04	0.07
(1,1429)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:39:LEU:H	4	0.04	0.07
(1,1429)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:39:LEU:H	4	0.04	0.07
(1,1222)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:63:GLN:HE22	4	0.03	0.08
(1,1222)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:63:GLN:HE22	4	0.03	0.08
(1,1222)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:63:GLN:HE22	4	0.03	0.08
(1,1158)	1:A:54:LEU:HB3	1:A:48:LEU:HB3	4	0.03	0.05
(1,1099)	1:A:40:MET:HG3	1:A:39:LEU:HD21	4	0.67	1.07
(1,1099)	1:A:40:MET:HG3	1:A:39:LEU:HD22	4	0.67	1.07
(1,1099)	1:A:40:MET:HG3	1:A:39:LEU:HD23	4	0.67	1.07
(1,1056)	1:A:36:LEU:HD21	1:A:62:ARG:HA	4	0.02	0.04
(1,1056)	1:A:36:LEU:HD22	1:A:62:ARG:HA	4	0.02	0.04
(1,1056)	1:A:36:LEU:HD23	1:A:62:ARG:HA	4	0.02	0.04
(1,1009)	1:A:34:LEU:HD11	1:A:29:SER:HB2	4	0.02	0.06
(1,1009)	1:A:34:LEU:HD12	1:A:29:SER:HB2	4	0.02	0.06
(1,1009)	1:A:34:LEU:HD13	1:A:29:SER:HB2	4	0.02	0.06
(1,996)	1:A:33:ASP:HB2	1:A:29:SER:HB2	3	0.02	0.04
(1,97)	1:A:52:HIS:HB2	1:A:54:LEU:HB3	3	0.03	0.04
(1,900)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:48:LEU:HD11	3	1.59	1.74
(1,900)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:48:LEU:HD12	3	1.59	1.74
(1,900)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:48:LEU:HD13	3	1.59	1.74
(1,900)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:48:LEU:HD11	3	1.59	1.74
(1,900)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:48:LEU:HD12	3	1.59	1.74
(1,900)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:48:LEU:HD13	3	1.59	1.74
(1,900)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:48:LEU:HD11	3	1.59	1.74
(1,900)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:48:LEU:HD12	3	1.59	1.74
(1,900)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:48:LEU:HD13	3	1.59	1.74
(1,880)	1:A:10:VAL:HG21	1:A:10:VAL:H	3	0.02	0.03
(1,880)	1:A:10:VAL:HG22	1:A:10:VAL:H	3	0.02	0.03
(1,880)	1:A:10:VAL:HG23	1:A:10:VAL:H	3	0.02	0.03
(1,785)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HB3	3	0.02	0.02
(1,711)	1:A:63:GLN:HA	1:A:30:SER:HB2	3	0.02	0.05
(1,710)	1:A:63:GLN:HA	1:A:30:SER:HB3	3	0.02	0.03
(1,59)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:64:LEU:HB2	3	0.02	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,59)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:64:LEU:HB2	3	0.02	0.04
(1,59)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:64:LEU:HB2	3	0.02	0.04
(1,59)	1:A:66:LEU:HD21	1:A:64:LEU:HB2	3	0.02	0.04
(1,59)	1:A:66:LEU:HD22	1:A:64:LEU:HB2	3	0.02	0.04
(1,59)	1:A:66:LEU:HD23	1:A:64:LEU:HB2	3	0.02	0.04
(1,54)	1:A:20:ARG:HG3	1:A:67:ARG:HD3	3	0.22	0.31
(1,54)	1:A:20:ARG:HG3	1:A:10:VAL:HA	3	0.22	0.31
(1,54)	1:A:7:ARG:HG2	1:A:10:VAL:HA	3	0.22	0.31
(1,54)	1:A:7:ARG:HG3	1:A:10:VAL:HA	3	0.22	0.31
(1,469)	1:A:17:LEU:HD11	1:A:16:ILE:H	3	0.15	0.3
(1,469)	1:A:17:LEU:HD12	1:A:16:ILE:H	3	0.15	0.3
(1,469)	1:A:17:LEU:HD13	1:A:16:ILE:H	3	0.15	0.3
(1,468)	1:A:47:ILE:HA	1:A:48:LEU:HD11	3	0.47	0.61
(1,468)	1:A:47:ILE:HA	1:A:48:LEU:HD12	3	0.47	0.61
(1,468)	1:A:47:ILE:HA	1:A:48:LEU:HD13	3	0.47	0.61
(1,297)	1:A:17:LEU:HD11	1:A:16:ILE:HA	3	0.03	0.04
(1,297)	1:A:17:LEU:HD12	1:A:16:ILE:HA	3	0.03	0.04
(1,297)	1:A:17:LEU:HD13	1:A:16:ILE:HA	3	0.03	0.04
(1,297)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:16:ILE:HA	3	0.03	0.04
(1,297)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:16:ILE:HA	3	0.03	0.04
(1,297)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:16:ILE:HA	3	0.03	0.04
(1,236)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:66:LEU:H	3	0.44	0.97
(1,236)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:66:LEU:H	3	0.44	0.97
(1,236)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:66:LEU:H	3	0.44	0.97
(1,1698)	1:A:38:SER:H	1:A:39:LEU:H	3	0.19	0.24
(1,1646)	1:A:9:LEU:HG	1:A:9:LEU:H	3	0.05	0.11
(1,1624)	1:A:58:ILE:HD11	1:A:57:PRO:HD2	3	0.01	0.02
(1,1624)	1:A:58:ILE:HD12	1:A:57:PRO:HD2	3	0.01	0.02
(1,1624)	1:A:58:ILE:HD13	1:A:57:PRO:HD2	3	0.01	0.02
(1,1588)	1:A:7:ARG:HG2	1:A:12:ALA:H	3	0.03	0.04
(1,1588)	1:A:7:ARG:HG3	1:A:12:ALA:H	3	0.03	0.04
(1,1551)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:17:LEU:H	3	0.03	0.05
(1,1551)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:17:LEU:H	3	0.03	0.05
(1,1551)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:17:LEU:H	3	0.03	0.05
(1,1376)	1:A:12:ALA:HB1	1:A:7:ARG:HD2	3	0.08	0.14
(1,1376)	1:A:12:ALA:HB1	1:A:7:ARG:HD3	3	0.08	0.14
(1,1376)	1:A:12:ALA:HB2	1:A:7:ARG:HD2	3	0.08	0.14
(1,1376)	1:A:12:ALA:HB2	1:A:7:ARG:HD3	3	0.08	0.14
(1,1376)	1:A:12:ALA:HB3	1:A:7:ARG:HD2	3	0.08	0.14
(1,1376)	1:A:12:ALA:HB3	1:A:7:ARG:HD3	3	0.08	0.14
(1,1314)	1:A:64:LEU:HD21	1:A:68:LYS:HD2	3	0.07	0.16
(1,1314)	1:A:64:LEU:HD21	1:A:68:LYS:HD3	3	0.07	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,1314)	1:A:64:LEU:HD22	1:A:68:LYS:HD2	3	0.07	0.16
(1,1314)	1:A:64:LEU:HD22	1:A:68:LYS:HD3	3	0.07	0.16
(1,1314)	1:A:64:LEU:HD23	1:A:68:LYS:HD2	3	0.07	0.16
(1,1314)	1:A:64:LEU:HD23	1:A:68:LYS:HD3	3	0.07	0.16
(1,1296)	1:A:63:GLN:HA	1:A:32:ALA:HB1	3	0.04	0.05
(1,1296)	1:A:63:GLN:HA	1:A:32:ALA:HB2	3	0.04	0.05
(1,1296)	1:A:63:GLN:HA	1:A:32:ALA:HB3	3	0.04	0.05
(1,1220)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:62:ARG:HD2	3	0.13	0.31
(1,1220)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:62:ARG:HD2	3	0.13	0.31
(1,1220)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:62:ARG:HD2	3	0.13	0.31
(1,1219)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:59:ARG:HD2	3	0.02	0.02
(1,1219)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:59:ARG:HD3	3	0.02	0.02
(1,1219)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:59:ARG:HD2	3	0.02	0.02
(1,1219)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:59:ARG:HD3	3	0.02	0.02
(1,1219)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:59:ARG:HD2	3	0.02	0.02
(1,1219)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:59:ARG:HD3	3	0.02	0.02
(1,1126)	1:A:48:LEU:HD11	1:A:52:HIS:H	3	0.58	0.87
(1,1126)	1:A:48:LEU:HD12	1:A:52:HIS:H	3	0.58	0.87
(1,1126)	1:A:48:LEU:HD13	1:A:52:HIS:H	3	0.58	0.87
(1,1123)	1:A:48:LEU:HD11	1:A:52:HIS:HB2	3	1.63	3.01
(1,1123)	1:A:48:LEU:HD12	1:A:52:HIS:HB2	3	1.63	3.01
(1,1123)	1:A:48:LEU:HD13	1:A:52:HIS:HB2	3	1.63	3.01
(1,1122)	1:A:48:LEU:HD11	1:A:52:HIS:HB3	3	1.18	1.67
(1,1122)	1:A:48:LEU:HD12	1:A:52:HIS:HB3	3	1.18	1.67
(1,1122)	1:A:48:LEU:HD13	1:A:52:HIS:HB3	3	1.18	1.67
(1,1117)	1:A:48:LEU:HA	1:A:48:LEU:HD11	3	0.83	0.84
(1,1117)	1:A:48:LEU:HA	1:A:48:LEU:HD12	3	0.83	0.84
(1,1117)	1:A:48:LEU:HA	1:A:48:LEU:HD13	3	0.83	0.84
(1,1107)	1:A:48:LEU:HA	1:A:52:HIS:HB2	3	0.48	0.9
(1,1012)	1:A:34:LEU:HD11	1:A:31:LEU:H	3	0.54	0.84
(1,1012)	1:A:34:LEU:HD12	1:A:31:LEU:H	3	0.54	0.84
(1,1012)	1:A:34:LEU:HD13	1:A:31:LEU:H	3	0.54	0.84
(1,1005)	1:A:33:ASP:HB3	1:A:30:SER:H	3	0.02	0.03
(1,939)	1:A:57:PRO:HD2	1:A:60:GLU:HG2	2	0.03	0.04
(1,939)	1:A:57:PRO:HD2	1:A:60:GLU:HG3	2	0.03	0.04
(1,933)	1:A:57:PRO:HG3	1:A:60:GLU:H	2	0.03	0.06
(1,931)	1:A:57:PRO:HG3	1:A:60:GLU:HG2	2	0.01	0.02
(1,931)	1:A:57:PRO:HG3	1:A:60:GLU:HG3	2	0.01	0.02
(1,928)	1:A:57:PRO:HG2	1:A:56:LEU:HD21	2	0.96	0.98
(1,928)	1:A:57:PRO:HG2	1:A:56:LEU:HD22	2	0.96	0.98
(1,928)	1:A:57:PRO:HG2	1:A:56:LEU:HD23	2	0.96	0.98
(1,927)	1:A:57:PRO:HG3	1:A:56:LEU:HD21	2	0.49	0.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,927)	1:A:57:PRO:HG3	1:A:56:LEU:HD22	2	0.49	0.79
(1,927)	1:A:57:PRO:HG3	1:A:56:LEU:HD23	2	0.49	0.79
(1,874)	1:A:10:VAL:HG21	1:A:70:GLN:HG3	2	0.07	0.08
(1,874)	1:A:10:VAL:HG22	1:A:70:GLN:HG3	2	0.07	0.08
(1,874)	1:A:10:VAL:HG23	1:A:70:GLN:HG3	2	0.07	0.08
(1,851)	1:A:9:LEU:HA	1:A:9:LEU:HD21	2	0.16	0.17
(1,851)	1:A:9:LEU:HA	1:A:9:LEU:HD22	2	0.16	0.17
(1,851)	1:A:9:LEU:HA	1:A:9:LEU:HD23	2	0.16	0.17
(1,811)	1:A:65:THR:HG21	1:A:28:ASP:HA	2	0.05	0.05
(1,811)	1:A:65:THR:HG22	1:A:28:ASP:HA	2	0.05	0.05
(1,811)	1:A:65:THR:HG23	1:A:28:ASP:HA	2	0.05	0.05
(1,806)	1:A:65:THR:HG21	1:A:67:ARG:HB2	2	0.08	0.11
(1,806)	1:A:65:THR:HG21	1:A:67:ARG:HB3	2	0.08	0.11
(1,806)	1:A:65:THR:HG22	1:A:67:ARG:HB2	2	0.08	0.11
(1,806)	1:A:65:THR:HG22	1:A:67:ARG:HB3	2	0.08	0.11
(1,806)	1:A:65:THR:HG23	1:A:67:ARG:HB2	2	0.08	0.11
(1,806)	1:A:65:THR:HG23	1:A:67:ARG:HB3	2	0.08	0.11
(1,769)	1:A:82:LEU:HA	1:A:82:LEU:HD11	2	0.07	0.07
(1,769)	1:A:82:LEU:HA	1:A:82:LEU:HD12	2	0.07	0.07
(1,769)	1:A:82:LEU:HA	1:A:82:LEU:HD13	2	0.07	0.07
(1,755)	1:A:70:GLN:HG2	1:A:10:VAL:HG21	2	0.03	0.04
(1,755)	1:A:70:GLN:HG2	1:A:10:VAL:HG22	2	0.03	0.04
(1,755)	1:A:70:GLN:HG2	1:A:10:VAL:HG23	2	0.03	0.04
(1,691)	1:A:43:GLU:HB2	1:A:47:ILE:HD11	2	0.03	0.04
(1,691)	1:A:43:GLU:HB2	1:A:47:ILE:HD12	2	0.03	0.04
(1,691)	1:A:43:GLU:HB2	1:A:47:ILE:HD13	2	0.03	0.04
(1,684)	1:A:43:GLU:HG3	1:A:39:LEU:HD21	2	0.04	0.05
(1,684)	1:A:43:GLU:HG3	1:A:39:LEU:HD22	2	0.04	0.05
(1,684)	1:A:43:GLU:HG3	1:A:39:LEU:HD23	2	0.04	0.05
(1,664)	1:A:49:GLU:HG2	1:A:55:VAL:HG21	2	0.22	0.24
(1,664)	1:A:49:GLU:HG2	1:A:55:VAL:HG22	2	0.22	0.24
(1,664)	1:A:49:GLU:HG2	1:A:55:VAL:HG23	2	0.22	0.24
(1,638)	1:A:50:ARG:HD2	1:A:50:ARG:HA	2	0.01	0.02
(1,638)	1:A:50:ARG:HD3	1:A:50:ARG:HA	2	0.01	0.02
(1,599)	1:A:66:LEU:HA	1:A:69:LEU:H	2	0.03	0.03
(1,412)	1:A:45:ARG:HD2	1:A:58:ILE:HA	2	0.04	0.05
(1,412)	1:A:45:ARG:HD3	1:A:58:ILE:HA	2	0.04	0.05
(1,412)	1:A:45:ARG:HD2	1:A:58:ILE:HA	2	0.04	0.05
(1,412)	1:A:45:ARG:HD3	1:A:58:ILE:HA	2	0.04	0.05
(1,366)	1:A:17:LEU:HG	1:A:16:ILE:HG21	2	0.03	0.03
(1,366)	1:A:17:LEU:HG	1:A:16:ILE:HG22	2	0.03	0.03
(1,366)	1:A:17:LEU:HG	1:A:16:ILE:HG23	2	0.03	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,32)	1:A:27:LEU:HD11	1:A:70:GLN:HE21	2	0.2	0.38
(1,32)	1:A:27:LEU:HD12	1:A:70:GLN:HE21	2	0.2	0.38
(1,32)	1:A:27:LEU:HD13	1:A:70:GLN:HE21	2	0.2	0.38
(1,32)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:70:GLN:HE21	2	0.2	0.38
(1,32)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:70:GLN:HE21	2	0.2	0.38
(1,32)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:70:GLN:HE21	2	0.2	0.38
(1,319)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:48:LEU:H	2	0.01	0.02
(1,296)	1:A:17:LEU:HD11	1:A:19:ILE:HG13	2	0.5	0.58
(1,296)	1:A:17:LEU:HD12	1:A:19:ILE:HG13	2	0.5	0.58
(1,296)	1:A:17:LEU:HD13	1:A:19:ILE:HG13	2	0.5	0.58
(1,291)	1:A:17:LEU:HG	1:A:17:LEU:H	2	0.12	0.13
(1,193)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HD11	2	0.01	0.02
(1,193)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HD12	2	0.01	0.02
(1,193)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HD13	2	0.01	0.02
(1,1731)	1:A:4:GLU:H	1:A:3:GLY:H	2	0.03	0.03
(1,1727)	1:A:86:LYS:H	1:A:85:PRO:HA	2	0.14	0.15
(1,1725)	1:A:80:THR:H	1:A:79:ASP:H	2	0.01	0.02
(1,1648)	1:A:74:SER:HB3	1:A:54:LEU:HD21	2	0.48	0.94
(1,1648)	1:A:74:SER:HB3	1:A:54:LEU:HD22	2	0.48	0.94
(1,1648)	1:A:74:SER:HB3	1:A:54:LEU:HD23	2	0.48	0.94
(1,1628)	1:A:73:SER:HB2	1:A:9:LEU:HD11	2	0.04	0.05
(1,1628)	1:A:73:SER:HB2	1:A:9:LEU:HD12	2	0.04	0.05
(1,1628)	1:A:73:SER:HB2	1:A:9:LEU:HD13	2	0.04	0.05
(1,1599)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:40:MET:HG2	2	0.04	0.05
(1,1599)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:40:MET:HG2	2	0.04	0.05
(1,1599)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:40:MET:HG2	2	0.04	0.05
(1,1597)	1:A:27:LEU:HB2	1:A:27:LEU:H	2	0.05	0.08
(1,1595)	1:A:68:LYS:HB2	1:A:64:LEU:H	2	0.06	0.09
(1,1595)	1:A:68:LYS:HB3	1:A:64:LEU:H	2	0.06	0.09
(1,1595)	1:A:68:LYS:HB2	1:A:64:LEU:H	2	0.06	0.09
(1,1595)	1:A:68:LYS:HB3	1:A:64:LEU:H	2	0.06	0.09
(1,1578)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:22:LEU:HA	2	0.03	0.03
(1,1578)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:22:LEU:HA	2	0.03	0.03
(1,1578)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:22:LEU:HA	2	0.03	0.03
(1,1569)	1:A:10:VAL:HG21	1:A:70:GLN:HB2	2	0.14	0.15
(1,1569)	1:A:10:VAL:HG21	1:A:70:GLN:HB3	2	0.14	0.15
(1,1569)	1:A:10:VAL:HG22	1:A:70:GLN:HB2	2	0.14	0.15
(1,1569)	1:A:10:VAL:HG22	1:A:70:GLN:HB3	2	0.14	0.15
(1,1569)	1:A:10:VAL:HG23	1:A:70:GLN:HB2	2	0.14	0.15
(1,1569)	1:A:10:VAL:HG23	1:A:70:GLN:HB3	2	0.14	0.15
(1,1521)	1:A:73:SER:HA	1:A:9:LEU:HD11	2	0.05	0.07
(1,1521)	1:A:73:SER:HA	1:A:9:LEU:HD12	2	0.05	0.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,1521)	1:A:73:SER:HA	1:A:9:LEU:HD13	2	0.05	0.07
(1,1508)	1:A:72:MET:HG3	1:A:9:LEU:HD11	2	0.24	0.46
(1,1508)	1:A:72:MET:HG3	1:A:9:LEU:HD12	2	0.24	0.46
(1,1508)	1:A:72:MET:HG3	1:A:9:LEU:HD13	2	0.24	0.46
(1,1489)	1:A:42:VAL:HA	1:A:45:ARG:HB2	2	0.08	0.09
(1,1415)	1:A:42:VAL:HG11	1:A:46:GLN:HE21	2	0.18	0.2
(1,1415)	1:A:42:VAL:HG12	1:A:46:GLN:HE21	2	0.18	0.2
(1,1415)	1:A:42:VAL:HG13	1:A:46:GLN:HE21	2	0.18	0.2
(1,1378)	1:A:12:ALA:HB1	1:A:9:LEU:HA	2	0.03	0.04
(1,1378)	1:A:12:ALA:HB2	1:A:9:LEU:HA	2	0.03	0.04
(1,1378)	1:A:12:ALA:HB3	1:A:9:LEU:HA	2	0.03	0.04
(1,1354)	1:A:69:LEU:HD21	1:A:67:ARG:HD3	2	0.13	0.2
(1,1354)	1:A:69:LEU:HD22	1:A:67:ARG:HD3	2	0.13	0.2
(1,1354)	1:A:69:LEU:HD23	1:A:67:ARG:HD3	2	0.13	0.2
(1,1260)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:41:GLY:HA2	2	0.01	0.02
(1,1260)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:41:GLY:HA2	2	0.01	0.02
(1,1260)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:41:GLY:HA2	2	0.01	0.02
(1,1204)	1:A:58:ILE:HA	1:A:61:VAL:HB	2	0.04	0.05
(1,12)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:61:VAL:HG11	2	0.03	0.03
(1,12)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:61:VAL:HG12	2	0.03	0.03
(1,12)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:61:VAL:HG13	2	0.03	0.03
(1,12)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:58:ILE:HD11	2	0.03	0.03
(1,12)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:58:ILE:HD12	2	0.03	0.03
(1,12)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:58:ILE:HD13	2	0.03	0.03
(1,12)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:64:LEU:HD11	2	0.03	0.03
(1,12)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:64:LEU:HD12	2	0.03	0.03
(1,12)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:64:LEU:HD13	2	0.03	0.03
(1,1196)	1:A:56:LEU:HD21	1:A:56:LEU:HA	2	0.72	0.95
(1,1196)	1:A:56:LEU:HD22	1:A:56:LEU:HA	2	0.72	0.95
(1,1196)	1:A:56:LEU:HD23	1:A:56:LEU:HA	2	0.72	0.95
(1,1184)	1:A:56:LEU:HB3	1:A:57:PRO:HG3	2	0.03	0.04
(1,1160)	1:A:54:LEU:HD11	1:A:54:LEU:HA	2	0.06	0.06
(1,1160)	1:A:54:LEU:HD12	1:A:54:LEU:HA	2	0.06	0.06
(1,1160)	1:A:54:LEU:HD13	1:A:54:LEU:HA	2	0.06	0.06
(1,1133)	1:A:53:ASP:HA	1:A:53:ASP:H	2	0.2	0.23
(1,1100)	1:A:40:MET:HG2	1:A:39:LEU:HD21	2	0.49	0.56
(1,1100)	1:A:40:MET:HG2	1:A:39:LEU:HD22	2	0.49	0.56
(1,1100)	1:A:40:MET:HG2	1:A:39:LEU:HD23	2	0.49	0.56
(1,11)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:61:VAL:HG11	2	0.03	0.03
(1,11)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:61:VAL:HG12	2	0.03	0.03
(1,11)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:61:VAL:HG13	2	0.03	0.03
(1,11)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:58:ILE:HD11	2	0.03	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,11)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:58:ILE:HD12	2	0.03	0.03
(1,11)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:58:ILE:HD13	2	0.03	0.03
(1,11)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:64:LEU:HD11	2	0.03	0.03
(1,11)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:64:LEU:HD12	2	0.03	0.03
(1,11)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:64:LEU:HD13	2	0.03	0.03
(1,1086)	1:A:39:LEU:HB2	1:A:41:GLY:H	2	0.06	0.07
(1,1064)	1:A:36:LEU:HD21	1:A:42:VAL:H	2	0.02	0.03
(1,1064)	1:A:36:LEU:HD22	1:A:42:VAL:H	2	0.02	0.03
(1,1064)	1:A:36:LEU:HD23	1:A:42:VAL:H	2	0.02	0.03
(1,1052)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:41:GLY:HA2	2	0.01	0.01
(1,1052)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:41:GLY:HA2	2	0.01	0.01
(1,1052)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:41:GLY:HA2	2	0.01	0.01
(1,1049)	1:A:36:LEU:HD21	1:A:40:MET:HB3	2	0.14	0.21
(1,1049)	1:A:36:LEU:HD22	1:A:40:MET:HB3	2	0.14	0.21
(1,1049)	1:A:36:LEU:HD23	1:A:40:MET:HB3	2	0.14	0.21
(1,1000)	1:A:33:ASP:HB2	1:A:35:GLY:H	2	0.01	0.02
(1,999)	1:A:33:ASP:HB3	1:A:35:GLY:H	1	0.04	0.04
(1,989)	1:A:31:LEU:HB3	1:A:36:LEU:HB3	1	0.05	0.05
(1,969)	1:A:27:LEU:HD21	1:A:27:LEU:HA	1	0.01	0.01
(1,969)	1:A:27:LEU:HD22	1:A:27:LEU:HA	1	0.01	0.01
(1,969)	1:A:27:LEU:HD23	1:A:27:LEU:HA	1	0.01	0.01
(1,952)	1:A:11:LYS:HG2	1:A:11:LYS:H	1	0.21	0.21
(1,943)	1:A:57:PRO:HD2	1:A:56:LEU:HD21	1	0.05	0.05
(1,943)	1:A:57:PRO:HD2	1:A:56:LEU:HD22	1	0.05	0.05
(1,943)	1:A:57:PRO:HD2	1:A:56:LEU:HD23	1	0.05	0.05
(1,882)	1:A:10:VAL:HG21	1:A:70:GLN:H	1	0.02	0.02
(1,882)	1:A:10:VAL:HG22	1:A:70:GLN:H	1	0.02	0.02
(1,882)	1:A:10:VAL:HG23	1:A:70:GLN:H	1	0.02	0.02
(1,867)	1:A:10:VAL:HB	1:A:11:LYS:H	1	0.01	0.01
(1,842)	1:A:8:ASP:HA	1:A:9:LEU:H	1	0.02	0.02
(1,841)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:H	1	0.11	0.11
(1,799)	1:A:51:GLU:HG2	1:A:47:ILE:HG21	1	0.05	0.05
(1,799)	1:A:51:GLU:HG2	1:A:47:ILE:HG22	1	0.05	0.05
(1,799)	1:A:51:GLU:HG2	1:A:47:ILE:HG23	1	0.05	0.05
(1,799)	1:A:51:GLU:HG3	1:A:47:ILE:HG21	1	0.05	0.05
(1,799)	1:A:51:GLU:HG3	1:A:47:ILE:HG22	1	0.05	0.05
(1,799)	1:A:51:GLU:HG3	1:A:47:ILE:HG23	1	0.05	0.05
(1,774)	1:A:6:GLN:HA	1:A:6:GLN:HG3	1	0.22	0.22
(1,76)	1:A:9:LEU:HD11	1:A:70:GLN:HB2	1	0.65	0.65
(1,76)	1:A:9:LEU:HD11	1:A:70:GLN:HB3	1	0.65	0.65
(1,76)	1:A:9:LEU:HD12	1:A:70:GLN:HB2	1	0.65	0.65
(1,76)	1:A:9:LEU:HD12	1:A:70:GLN:HB3	1	0.65	0.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,76)	1:A:9:LEU:HD13	1:A:70:GLN:HB2	1	0.65	0.65
(1,76)	1:A:9:LEU:HD13	1:A:70:GLN:HB3	1	0.65	0.65
(1,754)	1:A:70:GLN:HG3	1:A:72:MET:H	1	0.04	0.04
(1,753)	1:A:70:GLN:HG2	1:A:72:MET:H	1	0.03	0.03
(1,746)	1:A:70:GLN:HG2	1:A:67:ARG:HA	1	0.05	0.05
(1,739)	1:A:70:GLN:HA	1:A:71:GLU:HB2	1	0.42	0.42
(1,730)	1:A:63:GLN:HG2	1:A:60:GLU:HA	1	0.01	0.01
(1,720)	1:A:63:GLN:HB3	1:A:63:GLN:HE21	1	0.05	0.05
(1,66)	1:A:58:ILE:HD11	1:A:45:ARG:HE	1	0.02	0.02
(1,66)	1:A:58:ILE:HD12	1:A:45:ARG:HE	1	0.02	0.02
(1,66)	1:A:58:ILE:HD13	1:A:45:ARG:HE	1	0.02	0.02
(1,66)	1:A:58:ILE:HD11	1:A:63:GLN:HE22	1	0.02	0.02
(1,66)	1:A:58:ILE:HD12	1:A:63:GLN:HE22	1	0.02	0.02
(1,66)	1:A:58:ILE:HD13	1:A:63:GLN:HE22	1	0.02	0.02
(1,66)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:29:SER:H	1	0.02	0.02
(1,66)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:29:SER:H	1	0.02	0.02
(1,66)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:29:SER:H	1	0.02	0.02
(1,66)	1:A:58:ILE:HD11	1:A:64:LEU:H	1	0.02	0.02
(1,66)	1:A:58:ILE:HD12	1:A:64:LEU:H	1	0.02	0.02
(1,66)	1:A:58:ILE:HD13	1:A:64:LEU:H	1	0.02	0.02
(1,621)	1:A:67:ARG:HD3	1:A:69:LEU:H	1	0.02	0.02
(1,603)	1:A:66:LEU:HA	1:A:69:LEU:HB3	1	0.02	0.02
(1,577)	1:A:66:LEU:HA	1:A:64:LEU:HB2	1	0.02	0.02
(1,572)	1:A:43:GLU:HB2	1:A:44:VAL:HG21	1	0.76	0.76
(1,572)	1:A:43:GLU:HB2	1:A:44:VAL:HG22	1	0.76	0.76
(1,572)	1:A:43:GLU:HB2	1:A:44:VAL:HG23	1	0.76	0.76
(1,571)	1:A:43:GLU:HB3	1:A:44:VAL:HG21	1	0.19	0.19
(1,571)	1:A:43:GLU:HB3	1:A:44:VAL:HG22	1	0.19	0.19
(1,571)	1:A:43:GLU:HB3	1:A:44:VAL:HG23	1	0.19	0.19
(1,568)	1:A:72:MET:HG2	1:A:69:LEU:HD21	1	0.09	0.09
(1,568)	1:A:72:MET:HG2	1:A:69:LEU:HD22	1	0.09	0.09
(1,568)	1:A:72:MET:HG2	1:A:69:LEU:HD23	1	0.09	0.09
(1,533)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:25:ILE:HA	1	0.03	0.03
(1,533)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:25:ILE:HA	1	0.03	0.03
(1,533)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:25:ILE:HA	1	0.03	0.03
(1,53)	1:A:59:ARG:HG2	1:A:58:ILE:H	1	0.02	0.02
(1,53)	1:A:19:ILE:HG13	1:A:67:ARG:H	1	0.02	0.02
(1,521)	1:A:25:ILE:HB	1:A:27:LEU:HD21	1	0.01	0.01
(1,521)	1:A:25:ILE:HB	1:A:27:LEU:HD22	1	0.01	0.01
(1,521)	1:A:25:ILE:HB	1:A:27:LEU:HD23	1	0.01	0.01
(1,50)	1:A:16:ILE:HG21	1:A:39:LEU:HA	1	0.02	0.02
(1,50)	1:A:16:ILE:HG22	1:A:39:LEU:HA	1	0.02	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,50)	1:A:16:ILE:HG23	1:A:39:LEU:HA	1	0.02	0.02
(1,50)	1:A:16:ILE:HG21	1:A:36:LEU:HA	1	0.02	0.02
(1,50)	1:A:16:ILE:HG22	1:A:36:LEU:HA	1	0.02	0.02
(1,50)	1:A:16:ILE:HG23	1:A:36:LEU:HA	1	0.02	0.02
(1,498)	1:A:47:ILE:HD11	1:A:43:GLU:HG3	1	0.01	0.01
(1,498)	1:A:47:ILE:HD12	1:A:43:GLU:HG3	1	0.01	0.01
(1,498)	1:A:47:ILE:HD13	1:A:43:GLU:HG3	1	0.01	0.01
(1,49)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:43:GLU:HG3	1	0.01	0.01
(1,49)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:43:GLU:HG3	1	0.01	0.01
(1,49)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:43:GLU:HG3	1	0.01	0.01
(1,49)	1:A:16:ILE:HG21	1:A:43:GLU:HG3	1	0.01	0.01
(1,49)	1:A:16:ILE:HG22	1:A:43:GLU:HG3	1	0.01	0.01
(1,49)	1:A:16:ILE:HG23	1:A:43:GLU:HG3	1	0.01	0.01
(1,47)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:14:ALA:H	1	0.02	0.02
(1,47)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:14:ALA:H	1	0.02	0.02
(1,47)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:14:ALA:H	1	0.02	0.02
(1,47)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:66:LEU:H	1	0.02	0.02
(1,47)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:66:LEU:H	1	0.02	0.02
(1,47)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:66:LEU:H	1	0.02	0.02
(1,453)	1:A:47:ILE:HA	1:A:50:ARG:H	1	0.01	0.01
(1,447)	1:A:47:ILE:HA	1:A:51:GLU:HG2	1	0.02	0.02
(1,447)	1:A:47:ILE:HA	1:A:51:GLU:HG3	1	0.02	0.02
(1,374)	1:A:19:ILE:HB	1:A:18:GLY:H	1	0.02	0.02
(1,303)	1:A:40:MET:HB3	1:A:37:ASP:H	1	0.02	0.02
(1,294)	1:A:17:LEU:HD11	1:A:36:LEU:HB2	1	0.03	0.03
(1,294)	1:A:17:LEU:HD12	1:A:36:LEU:HB2	1	0.03	0.03
(1,294)	1:A:17:LEU:HD13	1:A:36:LEU:HB2	1	0.03	0.03
(1,294)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:36:LEU:HB2	1	0.03	0.03
(1,294)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:36:LEU:HB2	1	0.03	0.03
(1,294)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:36:LEU:HB2	1	0.03	0.03
(1,294)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:36:LEU:HB2	1	0.03	0.03
(1,294)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:36:LEU:HB2	1	0.03	0.03
(1,294)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:36:LEU:HB2	1	0.03	0.03
(1,25)	1:A:52:HIS:HB2	1:A:48:LEU:HA	1	0.07	0.07
(1,25)	1:A:52:HIS:HB2	1:A:74:SER:HB3	1	0.07	0.07
(1,228)	1:A:31:LEU:HA	1:A:31:LEU:HD21	1	0.03	0.03
(1,228)	1:A:31:LEU:HA	1:A:31:LEU:HD22	1	0.03	0.03
(1,228)	1:A:31:LEU:HA	1:A:31:LEU:HD23	1	0.03	0.03
(1,224)	1:A:31:LEU:HB2	1:A:36:LEU:HD21	1	0.06	0.06
(1,224)	1:A:31:LEU:HB2	1:A:36:LEU:HD22	1	0.06	0.06
(1,224)	1:A:31:LEU:HB2	1:A:36:LEU:HD23	1	0.06	0.06
(1,222)	1:A:31:LEU:HB3	1:A:36:LEU:HD21	1	0.41	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,222)	1:A:31:LEU:HB3	1:A:36:LEU:HD22	1	0.41	0.41
(1,222)	1:A:31:LEU:HB3	1:A:36:LEU:HD23	1	0.41	0.41
(1,209)	1:A:30:SER:HB2	1:A:31:LEU:H	1	0.01	0.01
(1,201)	1:A:29:SER:HB2	1:A:30:SER:H	1	0.02	0.02
(1,20)	1:A:66:LEU:HB3	1:A:19:ILE:HD11	1	0.16	0.16
(1,20)	1:A:66:LEU:HB3	1:A:19:ILE:HD12	1	0.16	0.16
(1,20)	1:A:66:LEU:HB3	1:A:19:ILE:HD13	1	0.16	0.16
(1,20)	1:A:66:LEU:HB3	1:A:69:LEU:HD21	1	0.16	0.16
(1,20)	1:A:66:LEU:HB3	1:A:69:LEU:HD22	1	0.16	0.16
(1,20)	1:A:66:LEU:HB3	1:A:69:LEU:HD23	1	0.16	0.16
(1,20)	1:A:66:LEU:HB3	1:A:27:LEU:HD21	1	0.16	0.16
(1,20)	1:A:66:LEU:HB3	1:A:27:LEU:HD22	1	0.16	0.16
(1,20)	1:A:66:LEU:HB3	1:A:27:LEU:HD23	1	0.16	0.16
(1,197)	1:A:29:SER:HB3	1:A:33:ASP:HB3	1	1.08	1.08
(1,196)	1:A:29:SER:HB3	1:A:33:ASP:HB2	1	0.01	0.01
(1,195)	1:A:29:SER:HB2	1:A:34:LEU:HG	1	0.02	0.02
(1,1724)	1:A:78:SER:H	1:A:77:GLY:H	1	0.01	0.01
(1,1715)	1:A:67:ARG:H	1:A:67:ARG:HE	1	0.02	0.02
(1,1679)	1:A:24:GLY:H	1:A:22:LEU:H	1	0.01	0.01
(1,1675)	1:A:21:ASP:H	1:A:20:ARG:H	1	0.02	0.02
(1,1663)	1:A:11:LYS:H	1:A:15:HIS:H	1	0.01	0.01
(1,1654)	1:A:29:SER:H	1:A:28:ASP:H	1	0.02	0.02
(1,1645)	1:A:9:LEU:HD11	1:A:9:LEU:H	1	0.01	0.01
(1,1645)	1:A:9:LEU:HD12	1:A:9:LEU:H	1	0.01	0.01
(1,1645)	1:A:9:LEU:HD13	1:A:9:LEU:H	1	0.01	0.01
(1,1643)	1:A:9:LEU:HD11	1:A:72:MET:H	1	0.26	0.26
(1,1643)	1:A:9:LEU:HD12	1:A:72:MET:H	1	0.26	0.26
(1,1643)	1:A:9:LEU:HD13	1:A:72:MET:H	1	0.26	0.26
(1,1630)	1:A:73:SER:HB3	1:A:10:VAL:HG21	1	0.02	0.02
(1,1630)	1:A:73:SER:HB3	1:A:10:VAL:HG22	1	0.02	0.02
(1,1630)	1:A:73:SER:HB3	1:A:10:VAL:HG23	1	0.02	0.02
(1,1610)	1:A:13:VAL:HG21	1:A:9:LEU:HD11	1	0.59	0.59
(1,1610)	1:A:13:VAL:HG21	1:A:9:LEU:HD12	1	0.59	0.59
(1,1610)	1:A:13:VAL:HG21	1:A:9:LEU:HD13	1	0.59	0.59
(1,1610)	1:A:13:VAL:HG22	1:A:9:LEU:HD11	1	0.59	0.59
(1,1610)	1:A:13:VAL:HG22	1:A:9:LEU:HD12	1	0.59	0.59
(1,1610)	1:A:13:VAL:HG22	1:A:9:LEU:HD13	1	0.59	0.59
(1,1610)	1:A:13:VAL:HG23	1:A:9:LEU:HD11	1	0.59	0.59
(1,1610)	1:A:13:VAL:HG23	1:A:9:LEU:HD12	1	0.59	0.59
(1,1610)	1:A:13:VAL:HG23	1:A:9:LEU:HD13	1	0.59	0.59
(1,1600)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:40:MET:HG3	1	0.02	0.02
(1,1600)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:40:MET:HG3	1	0.02	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,1600)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:40:MET:HG3	1	0.02	0.02
(1,1596)	1:A:12:ALA:HA	1:A:7:ARG:HD2	1	0.01	0.01
(1,1596)	1:A:12:ALA:HA	1:A:7:ARG:HD3	1	0.01	0.01
(1,1585)	1:A:59:ARG:HG3	1:A:57:PRO:HB3	1	0.03	0.03
(1,1580)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:20:ARG:HD2	1	0.03	0.03
(1,1580)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:20:ARG:HD3	1	0.03	0.03
(1,1580)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:20:ARG:HD2	1	0.03	0.03
(1,1580)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:20:ARG:HD3	1	0.03	0.03
(1,1580)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:20:ARG:HD2	1	0.03	0.03
(1,1580)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:20:ARG:HD3	1	0.03	0.03
(1,1579)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:11:LYS:HE2	1	0.05	0.05
(1,1579)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:11:LYS:HE3	1	0.05	0.05
(1,1579)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:11:LYS:HE2	1	0.05	0.05
(1,1579)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:11:LYS:HE3	1	0.05	0.05
(1,1579)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:11:LYS:HE2	1	0.05	0.05
(1,1579)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:11:LYS:HE3	1	0.05	0.05
(1,1573)	1:A:16:ILE:HG21	1:A:40:MET:HG3	1	0.03	0.03
(1,1573)	1:A:16:ILE:HG22	1:A:40:MET:HG3	1	0.03	0.03
(1,1573)	1:A:16:ILE:HG23	1:A:40:MET:HG3	1	0.03	0.03
(1,1567)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:57:PRO:HB3	1	0.02	0.02
(1,1567)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:57:PRO:HB3	1	0.02	0.02
(1,1567)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:57:PRO:HB3	1	0.02	0.02
(1,1566)	1:A:68:LYS:HD2	1:A:64:LEU:H	1	0.1	0.1
(1,1566)	1:A:68:LYS:HD3	1:A:64:LEU:H	1	0.1	0.1
(1,1566)	1:A:68:LYS:HD2	1:A:64:LEU:H	1	0.1	0.1
(1,1566)	1:A:68:LYS:HD3	1:A:64:LEU:H	1	0.1	0.1
(1,1561)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:23:ALA:HA	1	0.01	0.01
(1,1561)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:23:ALA:HA	1	0.01	0.01
(1,1561)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:23:ALA:HA	1	0.01	0.01
(1,1544)	1:A:44:VAL:HG21	1:A:44:VAL:H	1	1.03	1.03
(1,1544)	1:A:44:VAL:HG22	1:A:44:VAL:H	1	1.03	1.03
(1,1544)	1:A:44:VAL:HG23	1:A:44:VAL:H	1	1.03	1.03
(1,1542)	1:A:44:VAL:HG21	1:A:40:MET:HB2	1	0.3	0.3
(1,1542)	1:A:44:VAL:HG22	1:A:40:MET:HB2	1	0.3	0.3
(1,1542)	1:A:44:VAL:HG23	1:A:40:MET:HB2	1	0.3	0.3
(1,1540)	1:A:44:VAL:HG21	1:A:40:MET:HA	1	0.27	0.27
(1,1540)	1:A:44:VAL:HG22	1:A:40:MET:HA	1	0.27	0.27
(1,1540)	1:A:44:VAL:HG23	1:A:40:MET:HA	1	0.27	0.27
(1,1539)	1:A:44:VAL:HB	1:A:48:LEU:H	1	0.04	0.04
(1,1534)	1:A:10:VAL:HG11	1:A:70:GLN:HE21	1	0.03	0.03
(1,1534)	1:A:10:VAL:HG12	1:A:70:GLN:HE21	1	0.03	0.03
(1,1534)	1:A:10:VAL:HG13	1:A:70:GLN:HE21	1	0.03	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,1525)	1:A:73:SER:HA	1:A:9:LEU:HD21	1	0.11	0.11
(1,1525)	1:A:73:SER:HA	1:A:9:LEU:HD22	1	0.11	0.11
(1,1525)	1:A:73:SER:HA	1:A:9:LEU:HD23	1	0.11	0.11
(1,1501)	1:A:49:GLU:HA	1:A:53:ASP:HB3	1	0.02	0.02
(1,1476)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:15:HIS:H	1	0.01	0.01
(1,1476)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:15:HIS:H	1	0.01	0.01
(1,1476)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:15:HIS:H	1	0.01	0.01
(1,1427)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:42:VAL:H	1	0.01	0.01
(1,1427)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:42:VAL:H	1	0.01	0.01
(1,1427)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:42:VAL:H	1	0.01	0.01
(1,1404)	1:A:42:VAL:HB	1:A:42:VAL:H	1	0.03	0.03
(1,1400)	1:A:44:VAL:HB	1:A:45:ARG:HE	1	0.12	0.12
(1,1394)	1:A:44:VAL:HA	1:A:44:VAL:HG11	1	0.16	0.16
(1,1394)	1:A:44:VAL:HA	1:A:44:VAL:HG12	1	0.16	0.16
(1,1394)	1:A:44:VAL:HA	1:A:44:VAL:HG13	1	0.16	0.16
(1,1389)	1:A:12:ALA:HB1	1:A:9:LEU:HD21	1	0.33	0.33
(1,1389)	1:A:12:ALA:HB1	1:A:9:LEU:HD22	1	0.33	0.33
(1,1389)	1:A:12:ALA:HB1	1:A:9:LEU:HD23	1	0.33	0.33
(1,1389)	1:A:12:ALA:HB2	1:A:9:LEU:HD21	1	0.33	0.33
(1,1389)	1:A:12:ALA:HB2	1:A:9:LEU:HD22	1	0.33	0.33
(1,1389)	1:A:12:ALA:HB2	1:A:9:LEU:HD23	1	0.33	0.33
(1,1389)	1:A:12:ALA:HB3	1:A:9:LEU:HD21	1	0.33	0.33
(1,1389)	1:A:12:ALA:HB3	1:A:9:LEU:HD22	1	0.33	0.33
(1,1389)	1:A:12:ALA:HB3	1:A:9:LEU:HD23	1	0.33	0.33
(1,1387)	1:A:12:ALA:HB1	1:A:7:ARG:HB2	1	0.01	0.01
(1,1387)	1:A:12:ALA:HB2	1:A:7:ARG:HB2	1	0.01	0.01
(1,1387)	1:A:12:ALA:HB3	1:A:7:ARG:HB2	1	0.01	0.01
(1,1367)	1:A:71:GLU:HA	1:A:68:LYS:HG2	1	0.04	0.04
(1,1367)	1:A:71:GLU:HA	1:A:68:LYS:HG3	1	0.04	0.04
(1,1331)	1:A:68:LYS:HG2	1:A:64:LEU:HD21	1	0.04	0.04
(1,1331)	1:A:68:LYS:HG2	1:A:64:LEU:HD22	1	0.04	0.04
(1,1331)	1:A:68:LYS:HG2	1:A:64:LEU:HD23	1	0.04	0.04
(1,1331)	1:A:68:LYS:HG3	1:A:64:LEU:HD21	1	0.04	0.04
(1,1331)	1:A:68:LYS:HG3	1:A:64:LEU:HD22	1	0.04	0.04
(1,1331)	1:A:68:LYS:HG3	1:A:64:LEU:HD23	1	0.04	0.04
(1,1328)	1:A:68:LYS:HD2	1:A:65:THR:H	1	0.01	0.01
(1,1328)	1:A:68:LYS:HD3	1:A:65:THR:H	1	0.01	0.01
(1,1325)	1:A:67:ARG:HD2	1:A:67:ARG:HA	1	0.02	0.02
(1,1316)	1:A:64:LEU:HD21	1:A:68:LYS:HB2	1	0.09	0.09
(1,1316)	1:A:64:LEU:HD21	1:A:68:LYS:HB3	1	0.09	0.09
(1,1316)	1:A:64:LEU:HD22	1:A:68:LYS:HB2	1	0.09	0.09
(1,1316)	1:A:64:LEU:HD22	1:A:68:LYS:HB3	1	0.09	0.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,1316)	1:A:64:LEU:HD23	1:A:68:LYS:HB2	1	0.09	0.09
(1,1316)	1:A:64:LEU:HD23	1:A:68:LYS:HB3	1	0.09	0.09
(1,1285)	1:A:62:ARG:HD2	1:A:32:ALA:HB1	1	0.03	0.03
(1,1285)	1:A:62:ARG:HD2	1:A:32:ALA:HB2	1	0.03	0.03
(1,1285)	1:A:62:ARG:HD2	1:A:32:ALA:HB3	1	0.03	0.03
(1,1274)	1:A:62:ARG:HA	1:A:63:GLN:HE22	1	0.01	0.01
(1,1246)	1:A:61:VAL:HA	1:A:64:LEU:HG	1	0.02	0.02
(1,1241)	1:A:60:GLU:HB2	1:A:61:VAL:HG21	1	0.41	0.41
(1,1241)	1:A:60:GLU:HB2	1:A:61:VAL:HG22	1	0.41	0.41
(1,1241)	1:A:60:GLU:HB2	1:A:61:VAL:HG23	1	0.41	0.41
(1,1203)	1:A:56:LEU:HD21	1:A:54:LEU:HA	1	0.01	0.01
(1,1203)	1:A:56:LEU:HD22	1:A:54:LEU:HA	1	0.01	0.01
(1,1203)	1:A:56:LEU:HD23	1:A:54:LEU:HA	1	0.01	0.01
(1,1202)	1:A:56:LEU:HD21	1:A:55:VAL:HB	1	1.3	1.3
(1,1202)	1:A:56:LEU:HD22	1:A:55:VAL:HB	1	1.3	1.3
(1,1202)	1:A:56:LEU:HD23	1:A:55:VAL:HB	1	1.3	1.3
(1,1200)	1:A:56:LEU:HD21	1:A:55:VAL:H	1	1.14	1.14
(1,1200)	1:A:56:LEU:HD22	1:A:55:VAL:H	1	1.14	1.14
(1,1200)	1:A:56:LEU:HD23	1:A:55:VAL:H	1	1.14	1.14
(1,1195)	1:A:56:LEU:HG	1:A:56:LEU:H	1	0.05	0.05
(1,119)	1:A:4:GLU:HB3	1:A:5:ALA:H	1	0.03	0.03
(1,1182)	1:A:56:LEU:HB3	1:A:57:PRO:HG2	1	0.08	0.08
(1,1182)	1:A:56:LEU:HB3	1:A:57:PRO:HB2	1	0.08	0.08
(1,1180)	1:A:55:VAL:HG21	1:A:53:ASP:HA	1	0.27	0.27
(1,1180)	1:A:55:VAL:HG22	1:A:53:ASP:HA	1	0.27	0.27
(1,1180)	1:A:55:VAL:HG23	1:A:53:ASP:HA	1	0.27	0.27
(1,1179)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:56:LEU:HB3	1	0.39	0.39
(1,1179)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:56:LEU:HB3	1	0.39	0.39
(1,1179)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:56:LEU:HB3	1	0.39	0.39
(1,1162)	1:A:54:LEU:HD11	1:A:52:HIS:HB2	1	0.01	0.01
(1,1162)	1:A:54:LEU:HD12	1:A:52:HIS:HB2	1	0.01	0.01
(1,1162)	1:A:54:LEU:HD13	1:A:52:HIS:HB2	1	0.01	0.01
(1,116)	1:A:55:VAL:HG21	1:A:54:LEU:HB3	1	0.39	0.39
(1,116)	1:A:55:VAL:HG22	1:A:54:LEU:HB3	1	0.39	0.39
(1,116)	1:A:55:VAL:HG23	1:A:54:LEU:HB3	1	0.39	0.39
(1,1149)	1:A:54:LEU:HB3	1:A:48:LEU:HG	1	0.02	0.02
(1,1148)	1:A:54:LEU:HB2	1:A:48:LEU:HG	1	0.08	0.08
(1,1140)	1:A:54:LEU:HB2	1:A:54:LEU:H	1	0.06	0.06
(1,114)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:57:PRO:HG3	1	0.37	0.37
(1,114)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:57:PRO:HG3	1	0.37	0.37
(1,114)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:57:PRO:HG3	1	0.37	0.37
(1,1128)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:37:ASP:H	1	0.59	0.59

Continued on next page...

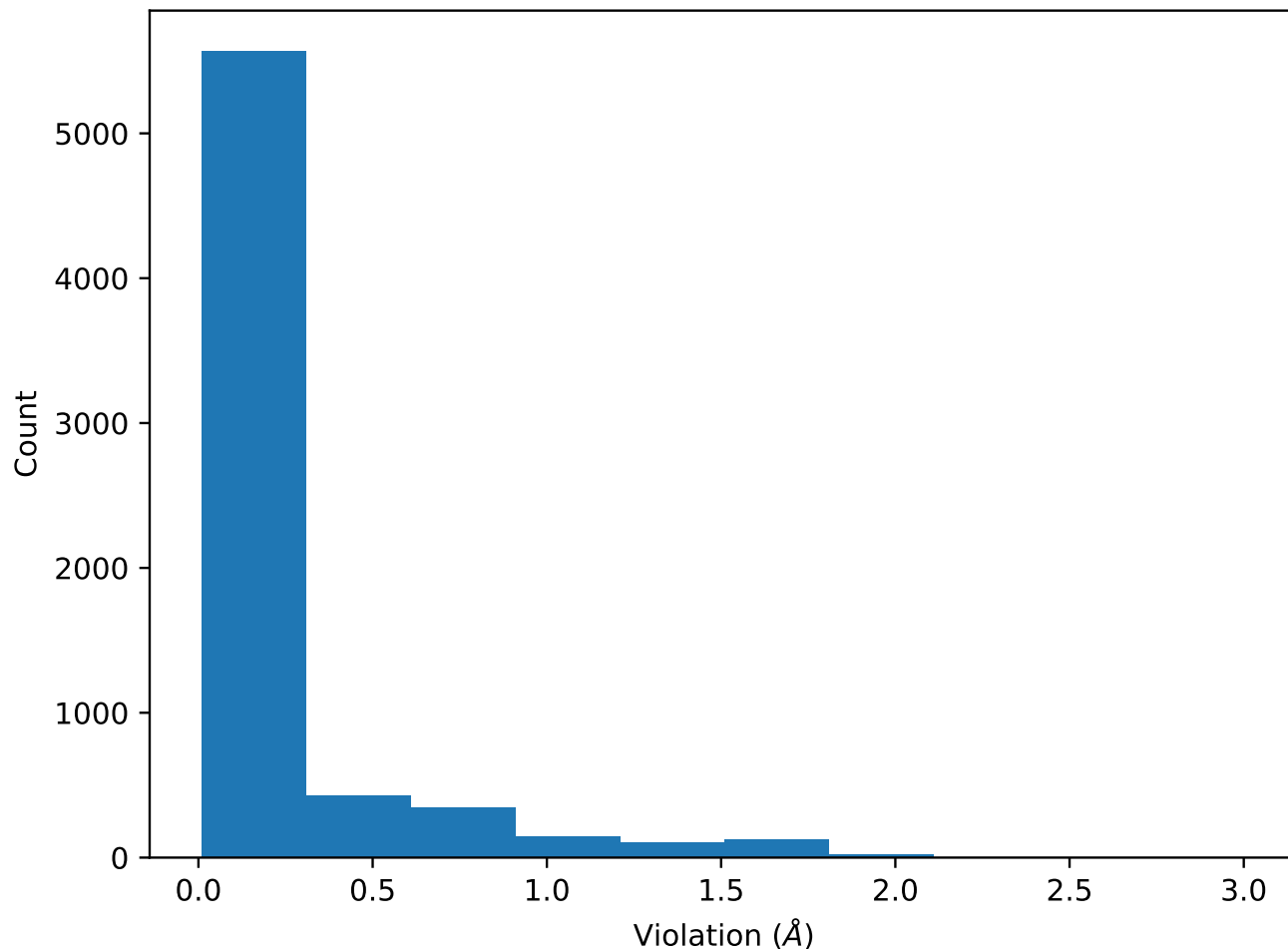
Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models	Mean (Å)	Max (Å)
(1,1128)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:37:ASP:H	1	0.59	0.59
(1,1128)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:37:ASP:H	1	0.59	0.59
(1,1103)	1:A:40:MET:HG3	1:A:40:MET:H	1	0.01	0.01
(1,1082)	1:A:39:LEU:HB3	1:A:39:LEU:H	1	0.23	0.23
(1,1065)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:38:SER:H	1	0.95	0.95
(1,1065)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:38:SER:H	1	0.95	0.95
(1,1065)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:38:SER:H	1	0.95	0.95
(1,1047)	1:A:36:LEU:HD21	1:A:44:VAL:HG21	1	0.01	0.01
(1,1047)	1:A:36:LEU:HD21	1:A:44:VAL:HG22	1	0.01	0.01
(1,1047)	1:A:36:LEU:HD21	1:A:44:VAL:HG23	1	0.01	0.01
(1,1047)	1:A:36:LEU:HD22	1:A:44:VAL:HG21	1	0.01	0.01
(1,1047)	1:A:36:LEU:HD22	1:A:44:VAL:HG22	1	0.01	0.01
(1,1047)	1:A:36:LEU:HD22	1:A:44:VAL:HG23	1	0.01	0.01
(1,1047)	1:A:36:LEU:HD23	1:A:44:VAL:HG21	1	0.01	0.01
(1,1047)	1:A:36:LEU:HD23	1:A:44:VAL:HG22	1	0.01	0.01
(1,1047)	1:A:36:LEU:HD23	1:A:44:VAL:HG23	1	0.01	0.01
(1,102)	1:A:55:VAL:HG21	1:A:55:VAL:H	1	0.85	0.85
(1,102)	1:A:55:VAL:HG22	1:A:55:VAL:H	1	0.85	0.85
(1,102)	1:A:55:VAL:HG23	1:A:55:VAL:H	1	0.85	0.85
(1,1006)	1:A:33:ASP:HB2	1:A:30:SER:H	1	0.44	0.44
(1,1001)	1:A:33:ASP:HB2	1:A:33:ASP:H	1	0.03	0.03

8.8 All distance violations

8.8.1 Histogram : Distribution of distance violations

The following histogram shows the distribution of violations in the ensemble.



8.8.2 Table : All distance violations

The following table lists the violations in the ensemble sorted by violation value

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1123)	1:A:48:LEU:HD11	1:A:52:HIS:HB2	2	3.01
(1,1123)	1:A:48:LEU:HD12	1:A:52:HIS:HB2	2	3.01
(1,1123)	1:A:48:LEU:HD13	1:A:52:HIS:HB2	2	3.01
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:HB2	24	2.1
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:HB2	24	2.1
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:HB2	24	2.1
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:HB2	14	2.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:HB2	14	2.01
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:HB2	14	2.01
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD11	1:A:51:GLU:HB2	24	1.99
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD12	1:A:51:GLU:HB2	24	1.99
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD13	1:A:51:GLU:HB2	24	1.99
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:HB2	27	1.98
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:HB2	27	1.98
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:HB2	27	1.98
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:HB2	26	1.96
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:HB2	26	1.96
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:HB2	26	1.96
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:HB2	17	1.89
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:HB2	17	1.89
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:HB2	17	1.89
(1,1589)	1:A:20:ARG:HG3	1:A:67:ARG:HE	18	1.88
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:HB2	13	1.87
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:HB2	13	1.87
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:HB2	13	1.87
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD11	1:A:51:GLU:HB2	21	1.82
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD12	1:A:51:GLU:HB2	21	1.82
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD13	1:A:51:GLU:HB2	21	1.82
(1,900)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:48:LEU:HD11	18	1.74
(1,900)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:48:LEU:HD12	18	1.74
(1,900)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:48:LEU:HD13	18	1.74
(1,900)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:48:LEU:HD11	18	1.74
(1,900)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:48:LEU:HD12	18	1.74
(1,900)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:48:LEU:HD13	18	1.74
(1,900)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:48:LEU:HD11	18	1.74
(1,900)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:48:LEU:HD12	18	1.74
(1,900)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:48:LEU:HD13	18	1.74
(1,444)	1:A:47:ILE:HA	1:A:50:ARG:HB3	28	1.72
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:26:ASN:HB3	19	1.72
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:26:ASN:HB3	19	1.72
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:26:ASN:HB3	19	1.72
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD11	1:A:51:GLU:HB2	4	1.72
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD12	1:A:51:GLU:HB2	4	1.72
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD13	1:A:51:GLU:HB2	4	1.72
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD11	1:A:51:GLU:HB2	29	1.72
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD12	1:A:51:GLU:HB2	29	1.72
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD13	1:A:51:GLU:HB2	29	1.72
(1,444)	1:A:47:ILE:HA	1:A:50:ARG:HB3	23	1.71
(1,900)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:48:LEU:HD11	2	1.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,900)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:48:LEU:HD12	2	1.7
(1,900)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:48:LEU:HD13	2	1.7
(1,900)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:48:LEU:HD11	2	1.7
(1,900)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:48:LEU:HD12	2	1.7
(1,900)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:48:LEU:HD13	2	1.7
(1,900)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:48:LEU:HD11	2	1.7
(1,900)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:48:LEU:HD12	2	1.7
(1,900)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:48:LEU:HD13	2	1.7
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:70:GLN:HG3	28	1.69
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:70:GLN:HG3	28	1.69
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:70:GLN:HG3	28	1.69
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:26:ASN:HB3	17	1.68
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:26:ASN:HB3	17	1.68
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:26:ASN:HB3	17	1.68
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:26:ASN:HB3	29	1.67
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:26:ASN:HB3	29	1.67
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:26:ASN:HB3	29	1.67
(1,1122)	1:A:48:LEU:HD11	1:A:52:HIS:HB3	22	1.67
(1,1122)	1:A:48:LEU:HD12	1:A:52:HIS:HB3	22	1.67
(1,1122)	1:A:48:LEU:HD13	1:A:52:HIS:HB3	22	1.67
(1,1589)	1:A:20:ARG:HG3	1:A:67:ARG:HE	16	1.66
(1,444)	1:A:47:ILE:HA	1:A:50:ARG:HB3	15	1.65
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:70:GLN:HG3	16	1.65
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:70:GLN:HG3	16	1.65
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:70:GLN:HG3	16	1.65
(1,1589)	1:A:20:ARG:HG3	1:A:67:ARG:HE	9	1.64
(1,1555)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:HB3	27	1.64
(1,1555)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:HB3	27	1.64
(1,1555)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:HB3	27	1.64
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:70:GLN:HG3	5	1.62
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:70:GLN:HG3	5	1.62
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:70:GLN:HG3	5	1.62
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:70:GLN:HG3	8	1.62
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:70:GLN:HG3	8	1.62
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:70:GLN:HG3	8	1.62
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:70:GLN:HG3	11	1.62
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:70:GLN:HG3	11	1.62
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:70:GLN:HG3	11	1.62
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:70:GLN:HG3	19	1.62
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:70:GLN:HG3	19	1.62
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:70:GLN:HG3	19	1.62
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD11	1:A:51:GLU:HB2	2	1.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD12	1:A:51:GLU:HB2	2	1.61
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD13	1:A:51:GLU:HB2	2	1.61
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:70:GLN:HG3	18	1.6
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:70:GLN:HG3	18	1.6
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:70:GLN:HG3	18	1.6
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:70:GLN:HG3	25	1.59
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:70:GLN:HG3	25	1.59
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:70:GLN:HG3	25	1.59
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:70:GLN:HG3	1	1.58
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:70:GLN:HG3	1	1.58
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:70:GLN:HG3	1	1.58
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:70:GLN:HG3	9	1.57
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:70:GLN:HG3	9	1.57
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:70:GLN:HG3	9	1.57
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:70:GLN:HG3	22	1.57
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:70:GLN:HG3	22	1.57
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:70:GLN:HG3	22	1.57
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:70:GLN:HG3	30	1.57
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:70:GLN:HG3	30	1.57
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:70:GLN:HG3	30	1.57
(1,778)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:6:GLN:HE21	3	1.56
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:70:GLN:HG3	6	1.56
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:70:GLN:HG3	6	1.56
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:70:GLN:HG3	6	1.56
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:70:GLN:HG3	27	1.56
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:70:GLN:HG3	27	1.56
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:70:GLN:HG3	27	1.56
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:26:ASN:HB3	14	1.56
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:26:ASN:HB3	14	1.56
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:26:ASN:HB3	14	1.56
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:70:GLN:HG3	23	1.55
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:70:GLN:HG3	23	1.55
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:70:GLN:HG3	23	1.55
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD11	1:A:51:GLU:HB2	1	1.55
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD12	1:A:51:GLU:HB2	1	1.55
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD13	1:A:51:GLU:HB2	1	1.55
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:70:GLN:HG3	17	1.54
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:70:GLN:HG3	17	1.54
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:70:GLN:HG3	17	1.54
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:9:LEU:HD21	18	1.52
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:9:LEU:HD22	18	1.52
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:9:LEU:HD23	18	1.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:48:LEU:HD11	18	1.52
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:48:LEU:HD12	18	1.52
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:48:LEU:HD13	18	1.52
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:70:GLN:HG3	4	1.52
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:70:GLN:HG3	4	1.52
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:70:GLN:HG3	4	1.52
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:70:GLN:HG3	12	1.52
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:70:GLN:HG3	12	1.52
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:70:GLN:HG3	12	1.52
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:70:GLN:HG3	26	1.52
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:70:GLN:HG3	26	1.52
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:70:GLN:HG3	26	1.52
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:70:GLN:HG3	29	1.52
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:70:GLN:HG3	29	1.52
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:70:GLN:HG3	29	1.52
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:70:GLN:HG3	10	1.51
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:70:GLN:HG3	10	1.51
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:70:GLN:HG3	10	1.51
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:70:GLN:HG3	13	1.51
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:70:GLN:HG3	13	1.51
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:70:GLN:HG3	13	1.51
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:70:GLN:HG3	20	1.51
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:70:GLN:HG3	20	1.51
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:70:GLN:HG3	20	1.51
(1,484)	1:A:24:GLY:HA2	1:A:24:GLY:HA2	1	1.5
(1,484)	1:A:24:GLY:HA2	1:A:24:GLY:HA2	2	1.5
(1,484)	1:A:24:GLY:HA2	1:A:24:GLY:HA2	3	1.5
(1,484)	1:A:24:GLY:HA2	1:A:24:GLY:HA2	4	1.5
(1,484)	1:A:24:GLY:HA2	1:A:24:GLY:HA2	5	1.5
(1,484)	1:A:24:GLY:HA2	1:A:24:GLY:HA2	6	1.5
(1,484)	1:A:24:GLY:HA2	1:A:24:GLY:HA2	7	1.5
(1,484)	1:A:24:GLY:HA2	1:A:24:GLY:HA2	8	1.5
(1,484)	1:A:24:GLY:HA2	1:A:24:GLY:HA2	9	1.5
(1,484)	1:A:24:GLY:HA2	1:A:24:GLY:HA2	10	1.5
(1,484)	1:A:24:GLY:HA2	1:A:24:GLY:HA2	11	1.5
(1,484)	1:A:24:GLY:HA2	1:A:24:GLY:HA2	12	1.5
(1,484)	1:A:24:GLY:HA2	1:A:24:GLY:HA2	13	1.5
(1,484)	1:A:24:GLY:HA2	1:A:24:GLY:HA2	14	1.5
(1,484)	1:A:24:GLY:HA2	1:A:24:GLY:HA2	15	1.5
(1,484)	1:A:24:GLY:HA2	1:A:24:GLY:HA2	16	1.5
(1,484)	1:A:24:GLY:HA2	1:A:24:GLY:HA2	17	1.5
(1,484)	1:A:24:GLY:HA2	1:A:24:GLY:HA2	18	1.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,484)	1:A:24:GLY:HA2	1:A:24:GLY:HA2	19	1.5
(1,484)	1:A:24:GLY:HA2	1:A:24:GLY:HA2	20	1.5
(1,484)	1:A:24:GLY:HA2	1:A:24:GLY:HA2	21	1.5
(1,484)	1:A:24:GLY:HA2	1:A:24:GLY:HA2	22	1.5
(1,484)	1:A:24:GLY:HA2	1:A:24:GLY:HA2	23	1.5
(1,484)	1:A:24:GLY:HA2	1:A:24:GLY:HA2	24	1.5
(1,484)	1:A:24:GLY:HA2	1:A:24:GLY:HA2	25	1.5
(1,484)	1:A:24:GLY:HA2	1:A:24:GLY:HA2	26	1.5
(1,484)	1:A:24:GLY:HA2	1:A:24:GLY:HA2	27	1.5
(1,484)	1:A:24:GLY:HA2	1:A:24:GLY:HA2	28	1.5
(1,484)	1:A:24:GLY:HA2	1:A:24:GLY:HA2	29	1.5
(1,484)	1:A:24:GLY:HA2	1:A:24:GLY:HA2	30	1.5
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:70:GLN:HG3	21	1.5
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:70:GLN:HG3	21	1.5
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:70:GLN:HG3	21	1.5
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:70:GLN:HG3	24	1.48
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:70:GLN:HG3	24	1.48
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:70:GLN:HG3	24	1.48
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:70:GLN:HG3	14	1.46
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:70:GLN:HG3	14	1.46
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:70:GLN:HG3	14	1.46
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:26:ASN:HB3	26	1.46
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:26:ASN:HB3	26	1.46
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:26:ASN:HB3	26	1.46
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:70:GLN:HG3	2	1.45
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:70:GLN:HG3	2	1.45
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:70:GLN:HG3	2	1.45
(1,1589)	1:A:20:ARG:HG3	1:A:67:ARG:HE	10	1.43
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:70:GLN:HG3	15	1.43
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:70:GLN:HG3	15	1.43
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:70:GLN:HG3	15	1.43
(1,1123)	1:A:48:LEU:HD11	1:A:52:HIS:HB2	22	1.42
(1,1123)	1:A:48:LEU:HD12	1:A:52:HIS:HB2	22	1.42
(1,1123)	1:A:48:LEU:HD13	1:A:52:HIS:HB2	22	1.42
(1,778)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:6:GLN:HE21	7	1.39
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:HB2	19	1.39
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:HB2	19	1.39
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:HB2	19	1.39
(1,972)	1:A:27:LEU:HD21	1:A:70:GLN:HE21	20	1.36
(1,972)	1:A:27:LEU:HD22	1:A:70:GLN:HE21	20	1.36
(1,972)	1:A:27:LEU:HD23	1:A:70:GLN:HE21	20	1.36
(1,1589)	1:A:20:ARG:HG3	1:A:67:ARG:HE	3	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1271)	1:A:62:ARG:HA	1:A:58:ILE:HG12	18	1.34
(1,900)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:48:LEU:HD11	22	1.33
(1,900)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:48:LEU:HD12	22	1.33
(1,900)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:48:LEU:HD13	22	1.33
(1,900)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:48:LEU:HD11	22	1.33
(1,900)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:48:LEU:HD12	22	1.33
(1,900)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:48:LEU:HD13	22	1.33
(1,900)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:48:LEU:HD11	22	1.33
(1,900)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:48:LEU:HD12	22	1.33
(1,900)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:48:LEU:HD13	22	1.33
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:26:ASN:HB3	20	1.33
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:26:ASN:HB3	20	1.33
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:26:ASN:HB3	20	1.33
(1,444)	1:A:47:ILE:HA	1:A:50:ARG:HB3	20	1.32
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:29:SER:HA	20	1.32
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:29:SER:HA	20	1.32
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:29:SER:HA	20	1.32
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:26:ASN:HB3	28	1.32
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:26:ASN:HB3	28	1.32
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:26:ASN:HB3	28	1.32
(1,444)	1:A:47:ILE:HA	1:A:50:ARG:HB3	14	1.31
(1,1638)	1:A:57:PRO:HB3	1:A:59:ARG:HB2	14	1.3
(1,1575)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:13:VAL:H	18	1.3
(1,1575)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:13:VAL:H	18	1.3
(1,1575)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:13:VAL:H	18	1.3
(1,1202)	1:A:56:LEU:HD21	1:A:55:VAL:HB	14	1.3
(1,1202)	1:A:56:LEU:HD22	1:A:55:VAL:HB	14	1.3
(1,1202)	1:A:56:LEU:HD23	1:A:55:VAL:HB	14	1.3
(1,444)	1:A:47:ILE:HA	1:A:50:ARG:HB3	13	1.29
(1,778)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:6:GLN:HE21	13	1.28
(1,444)	1:A:47:ILE:HA	1:A:50:ARG:HB3	12	1.27
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:29:SER:HA	14	1.26
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:29:SER:HA	14	1.26
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:29:SER:HA	14	1.26
(1,1589)	1:A:20:ARG:HG3	1:A:67:ARG:HE	25	1.26
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD11	18	1.25
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD12	18	1.25
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD13	18	1.25
(1,1271)	1:A:62:ARG:HA	1:A:58:ILE:HG12	7	1.25
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:29:SER:HA	3	1.23
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:29:SER:HA	3	1.23
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:29:SER:HA	3	1.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,972)	1:A:27:LEU:HD21	1:A:70:GLN:HE21	23	1.22
(1,972)	1:A:27:LEU:HD22	1:A:70:GLN:HE21	23	1.22
(1,972)	1:A:27:LEU:HD23	1:A:70:GLN:HE21	23	1.22
(1,778)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:6:GLN:HE21	6	1.21
(1,1642)	1:A:9:LEU:HD11	1:A:6:GLN:HE21	30	1.2
(1,1642)	1:A:9:LEU:HD12	1:A:6:GLN:HE21	30	1.2
(1,1642)	1:A:9:LEU:HD13	1:A:6:GLN:HE21	30	1.2
(1,778)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:6:GLN:HE21	20	1.19
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD11	2	1.19
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD12	2	1.19
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD13	2	1.19
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:29:SER:HA	24	1.19
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:29:SER:HA	24	1.19
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:29:SER:HA	24	1.19
(1,779)	1:A:52:HIS:HB2	1:A:6:GLN:HE21	13	1.18
(1,1638)	1:A:57:PRO:HB3	1:A:59:ARG:HB2	13	1.18
(1,1271)	1:A:62:ARG:HA	1:A:58:ILE:HG12	5	1.18
(1,444)	1:A:47:ILE:HA	1:A:50:ARG:HB3	1	1.17
(1,1302)	1:A:64:LEU:HB3	1:A:31:LEU:HB3	28	1.17
(1,1271)	1:A:62:ARG:HA	1:A:58:ILE:HG12	22	1.17
(1,1589)	1:A:20:ARG:HG3	1:A:67:ARG:HE	8	1.16
(1,1589)	1:A:20:ARG:HG3	1:A:67:ARG:HE	29	1.15
(1,1271)	1:A:62:ARG:HA	1:A:58:ILE:HG12	16	1.15
(1,1638)	1:A:57:PRO:HB3	1:A:59:ARG:HB2	1	1.14
(1,1200)	1:A:56:LEU:HD21	1:A:55:VAL:H	14	1.14
(1,1200)	1:A:56:LEU:HD22	1:A:55:VAL:H	14	1.14
(1,1200)	1:A:56:LEU:HD23	1:A:55:VAL:H	14	1.14
(1,444)	1:A:47:ILE:HA	1:A:50:ARG:HB3	25	1.13
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:29:SER:HA	13	1.13
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:29:SER:HA	13	1.13
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:29:SER:HA	13	1.13
(1,1122)	1:A:48:LEU:HD11	1:A:52:HIS:HB3	2	1.13
(1,1122)	1:A:48:LEU:HD12	1:A:52:HIS:HB3	2	1.13
(1,1122)	1:A:48:LEU:HD13	1:A:52:HIS:HB3	2	1.13
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD2	1	1.11
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD3	1	1.11
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD2	1	1.11
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD3	1	1.11
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD2	1	1.11
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD3	1	1.11
(1,1271)	1:A:62:ARG:HA	1:A:58:ILE:HG12	15	1.11
(1,1271)	1:A:62:ARG:HA	1:A:58:ILE:HG12	21	1.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1271)	1:A:62:ARG:HA	1:A:58:ILE:HG12	1	1.1
(1,1271)	1:A:62:ARG:HA	1:A:58:ILE:HG12	6	1.1
(1,1638)	1:A:57:PRO:HB3	1:A:59:ARG:HB2	20	1.09
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD21	14	1.09
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD22	14	1.09
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD23	14	1.09
(1,197)	1:A:29:SER:HB3	1:A:33:ASP:HB3	27	1.08
(1,1271)	1:A:62:ARG:HA	1:A:58:ILE:HG12	20	1.08
(1,778)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:6:GLN:HE21	10	1.07
(1,1099)	1:A:40:MET:HG3	1:A:39:LEU:HD21	28	1.07
(1,1099)	1:A:40:MET:HG3	1:A:39:LEU:HD22	28	1.07
(1,1099)	1:A:40:MET:HG3	1:A:39:LEU:HD23	28	1.07
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:29:SER:HA	26	1.06
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:29:SER:HA	26	1.06
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:29:SER:HA	26	1.06
(1,1589)	1:A:20:ARG:HG3	1:A:67:ARG:HE	1	1.06
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD11	30	1.05
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD12	30	1.05
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD13	30	1.05
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD21	28	1.05
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD22	28	1.05
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD23	28	1.05
(1,1589)	1:A:20:ARG:HG3	1:A:67:ARG:HE	14	1.05
(1,1555)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:HB3	3	1.05
(1,1555)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:HB3	3	1.05
(1,1555)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:HB3	3	1.05
(1,1271)	1:A:62:ARG:HA	1:A:58:ILE:HG12	3	1.05
(1,1271)	1:A:62:ARG:HA	1:A:58:ILE:HG12	13	1.05
(1,1271)	1:A:62:ARG:HA	1:A:58:ILE:HG12	23	1.05
(1,778)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:6:GLN:HE21	11	1.04
(1,72)	1:A:48:LEU:HD11	1:A:6:GLN:HE21	13	1.04
(1,72)	1:A:48:LEU:HD12	1:A:6:GLN:HE21	13	1.04
(1,72)	1:A:48:LEU:HD13	1:A:6:GLN:HE21	13	1.04
(1,72)	1:A:9:LEU:HD21	1:A:6:GLN:HE21	13	1.04
(1,72)	1:A:9:LEU:HD22	1:A:6:GLN:HE21	13	1.04
(1,72)	1:A:9:LEU:HD23	1:A:6:GLN:HE21	13	1.04
(1,1642)	1:A:9:LEU:HD11	1:A:6:GLN:HE21	25	1.04
(1,1642)	1:A:9:LEU:HD12	1:A:6:GLN:HE21	25	1.04
(1,1642)	1:A:9:LEU:HD13	1:A:6:GLN:HE21	25	1.04
(1,778)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:6:GLN:HE21	28	1.03
(1,239)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:62:ARG:HG3	20	1.03
(1,239)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:62:ARG:HG3	20	1.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,239)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:62:ARG:HG3	20	1.03
(1,1544)	1:A:44:VAL:HG21	1:A:44:VAL:H	18	1.03
(1,1544)	1:A:44:VAL:HG22	1:A:44:VAL:H	18	1.03
(1,1544)	1:A:44:VAL:HG23	1:A:44:VAL:H	18	1.03
(1,1509)	1:A:72:MET:HG2	1:A:9:LEU:HD11	13	1.02
(1,1509)	1:A:72:MET:HG2	1:A:9:LEU:HD12	13	1.02
(1,1509)	1:A:72:MET:HG2	1:A:9:LEU:HD13	13	1.02
(1,1302)	1:A:64:LEU:HB3	1:A:31:LEU:HB3	7	1.02
(1,1271)	1:A:62:ARG:HA	1:A:58:ILE:HG12	8	1.02
(1,1271)	1:A:62:ARG:HA	1:A:58:ILE:HG12	17	1.02
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:29:SER:HA	29	1.01
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:29:SER:HA	29	1.01
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:29:SER:HA	29	1.01
(1,778)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:6:GLN:HE21	30	1.0
(1,502)	1:A:19:ILE:HD11	1:A:25:ILE:HG13	22	1.0
(1,502)	1:A:19:ILE:HD12	1:A:25:ILE:HG13	22	1.0
(1,502)	1:A:19:ILE:HD13	1:A:25:ILE:HG13	22	1.0
(1,1271)	1:A:62:ARG:HA	1:A:58:ILE:HG12	4	1.0
(1,928)	1:A:57:PRO:HG2	1:A:56:LEU:HD21	14	0.98
(1,928)	1:A:57:PRO:HG2	1:A:56:LEU:HD22	14	0.98
(1,928)	1:A:57:PRO:HG2	1:A:56:LEU:HD23	14	0.98
(1,845)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HB2	6	0.97
(1,845)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HB3	6	0.97
(1,779)	1:A:52:HIS:HB2	1:A:6:GLN:HE21	18	0.97
(1,236)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:66:LEU:H	19	0.97
(1,236)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:66:LEU:H	19	0.97
(1,236)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:66:LEU:H	19	0.97
(1,1271)	1:A:62:ARG:HA	1:A:58:ILE:HG12	30	0.97
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD11	22	0.96
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD12	22	0.96
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD13	22	0.96
(1,1638)	1:A:57:PRO:HB3	1:A:59:ARG:HB2	22	0.96
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD11	5	0.95
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD12	5	0.95
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD13	5	0.95
(1,1302)	1:A:64:LEU:HB3	1:A:31:LEU:HB3	22	0.95
(1,1196)	1:A:56:LEU:HD21	1:A:56:LEU:HA	14	0.95
(1,1196)	1:A:56:LEU:HD22	1:A:56:LEU:HA	14	0.95
(1,1196)	1:A:56:LEU:HD23	1:A:56:LEU:HA	14	0.95
(1,111)	1:A:55:VAL:HG21	1:A:49:GLU:HG3	18	0.95
(1,111)	1:A:55:VAL:HG22	1:A:49:GLU:HG3	18	0.95
(1,111)	1:A:55:VAL:HG23	1:A:49:GLU:HG3	18	0.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1065)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:38:SER:H	5	0.95
(1,1065)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:38:SER:H	5	0.95
(1,1065)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:38:SER:H	5	0.95
(1,928)	1:A:57:PRO:HG2	1:A:56:LEU:HD21	20	0.94
(1,928)	1:A:57:PRO:HG2	1:A:56:LEU:HD22	20	0.94
(1,928)	1:A:57:PRO:HG2	1:A:56:LEU:HD23	20	0.94
(1,778)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:6:GLN:HE21	15	0.94
(1,1648)	1:A:74:SER:HB3	1:A:54:LEU:HD21	18	0.94
(1,1648)	1:A:74:SER:HB3	1:A:54:LEU:HD22	18	0.94
(1,1648)	1:A:74:SER:HB3	1:A:54:LEU:HD23	18	0.94
(1,1638)	1:A:57:PRO:HB3	1:A:59:ARG:HB2	15	0.94
(1,60)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:74:SER:HB2	19	0.93
(1,60)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:74:SER:HB2	19	0.93
(1,60)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:74:SER:HB2	19	0.93
(1,60)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:31:LEU:HA	19	0.93
(1,60)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:31:LEU:HA	19	0.93
(1,60)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:31:LEU:HA	19	0.93
(1,1638)	1:A:57:PRO:HB3	1:A:59:ARG:HB2	23	0.93
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:HB2	3	0.93
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:HB2	3	0.93
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:HB2	3	0.93
(1,239)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:62:ARG:HG3	8	0.91
(1,239)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:62:ARG:HG3	8	0.91
(1,239)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:62:ARG:HG3	8	0.91
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:29:SER:HA	27	0.91
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:29:SER:HA	27	0.91
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:29:SER:HA	27	0.91
(1,239)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:62:ARG:HG3	18	0.9
(1,239)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:62:ARG:HG3	18	0.9
(1,239)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:62:ARG:HG3	18	0.9
(1,1369)	1:A:71:GLU:HG2	1:A:72:MET:H	3	0.9
(1,1107)	1:A:48:LEU:HA	1:A:52:HIS:HB2	2	0.9
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:HB2	28	0.9
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:HB2	28	0.9
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:HB2	28	0.9
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD21	24	0.89
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD22	24	0.89
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD23	24	0.89
(1,1592)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:30:SER:H	3	0.89
(1,1592)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:30:SER:H	3	0.89
(1,1592)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:30:SER:H	3	0.89
(1,1589)	1:A:20:ARG:HG3	1:A:67:ARG:HE	11	0.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1302)	1:A:64:LEU:HB3	1:A:31:LEU:HB3	19	0.89
(1,1271)	1:A:62:ARG:HA	1:A:58:ILE:HG12	28	0.89
(1,1099)	1:A:40:MET:HG3	1:A:39:LEU:HD21	24	0.89
(1,1099)	1:A:40:MET:HG3	1:A:39:LEU:HD22	24	0.89
(1,1099)	1:A:40:MET:HG3	1:A:39:LEU:HD23	24	0.89
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:9:LEU:HD21	24	0.88
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:9:LEU:HD22	24	0.88
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:9:LEU:HD23	24	0.88
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:48:LEU:HD11	24	0.88
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:48:LEU:HD12	24	0.88
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:48:LEU:HD13	24	0.88
(1,1126)	1:A:48:LEU:HD11	1:A:52:HIS:H	2	0.87
(1,1126)	1:A:48:LEU:HD12	1:A:52:HIS:H	2	0.87
(1,1126)	1:A:48:LEU:HD13	1:A:52:HIS:H	2	0.87
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD11	16	0.86
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD12	16	0.86
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD13	16	0.86
(1,700)	1:A:59:ARG:HA	1:A:62:ARG:HD2	28	0.86
(1,244)	1:A:31:LEU:HD21	1:A:64:LEU:HG	15	0.86
(1,244)	1:A:31:LEU:HD22	1:A:64:LEU:HG	15	0.86
(1,244)	1:A:31:LEU:HD23	1:A:64:LEU:HG	15	0.86
(1,244)	1:A:31:LEU:HD21	1:A:64:LEU:HG	17	0.86
(1,244)	1:A:31:LEU:HD22	1:A:64:LEU:HG	17	0.86
(1,244)	1:A:31:LEU:HD23	1:A:64:LEU:HG	17	0.86
(1,244)	1:A:31:LEU:HD21	1:A:64:LEU:HG	19	0.86
(1,244)	1:A:31:LEU:HD22	1:A:64:LEU:HG	19	0.86
(1,244)	1:A:31:LEU:HD23	1:A:64:LEU:HG	19	0.86
(1,229)	1:A:31:LEU:HA	1:A:36:LEU:HD21	5	0.86
(1,229)	1:A:31:LEU:HA	1:A:36:LEU:HD22	5	0.86
(1,229)	1:A:31:LEU:HA	1:A:36:LEU:HD23	5	0.86
(1,972)	1:A:27:LEU:HD21	1:A:70:GLN:HE21	14	0.85
(1,972)	1:A:27:LEU:HD22	1:A:70:GLN:HE21	14	0.85
(1,972)	1:A:27:LEU:HD23	1:A:70:GLN:HE21	14	0.85
(1,719)	1:A:63:GLN:HB2	1:A:63:GLN:HE21	29	0.85
(1,244)	1:A:31:LEU:HD21	1:A:64:LEU:HG	13	0.85
(1,244)	1:A:31:LEU:HD22	1:A:64:LEU:HG	13	0.85
(1,244)	1:A:31:LEU:HD23	1:A:64:LEU:HG	13	0.85
(1,102)	1:A:55:VAL:HG21	1:A:55:VAL:H	1	0.85
(1,102)	1:A:55:VAL:HG22	1:A:55:VAL:H	1	0.85
(1,102)	1:A:55:VAL:HG23	1:A:55:VAL:H	1	0.85
(1,719)	1:A:63:GLN:HB2	1:A:63:GLN:HE21	24	0.84
(1,1117)	1:A:48:LEU:HA	1:A:48:LEU:HD11	22	0.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1117)	1:A:48:LEU:HA	1:A:48:LEU:HD12	22	0.84
(1,1117)	1:A:48:LEU:HA	1:A:48:LEU:HD13	22	0.84
(1,1012)	1:A:34:LEU:HD11	1:A:31:LEU:H	5	0.84
(1,1012)	1:A:34:LEU:HD12	1:A:31:LEU:H	5	0.84
(1,1012)	1:A:34:LEU:HD13	1:A:31:LEU:H	5	0.84
(1,719)	1:A:63:GLN:HB2	1:A:63:GLN:HE21	10	0.83
(1,244)	1:A:31:LEU:HD21	1:A:64:LEU:HG	5	0.83
(1,244)	1:A:31:LEU:HD22	1:A:64:LEU:HG	5	0.83
(1,244)	1:A:31:LEU:HD23	1:A:64:LEU:HG	5	0.83
(1,244)	1:A:31:LEU:HD21	1:A:64:LEU:HG	16	0.83
(1,244)	1:A:31:LEU:HD22	1:A:64:LEU:HG	16	0.83
(1,244)	1:A:31:LEU:HD23	1:A:64:LEU:HG	16	0.83
(1,239)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:62:ARG:HG3	6	0.83
(1,239)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:62:ARG:HG3	6	0.83
(1,239)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:62:ARG:HG3	6	0.83
(1,1638)	1:A:57:PRO:HB3	1:A:59:ARG:HB2	30	0.83
(1,1117)	1:A:48:LEU:HA	1:A:48:LEU:HD11	2	0.83
(1,1117)	1:A:48:LEU:HA	1:A:48:LEU:HD12	2	0.83
(1,1117)	1:A:48:LEU:HA	1:A:48:LEU:HD13	2	0.83
(1,1117)	1:A:48:LEU:HA	1:A:48:LEU:HD11	18	0.83
(1,1117)	1:A:48:LEU:HA	1:A:48:LEU:HD12	18	0.83
(1,1117)	1:A:48:LEU:HA	1:A:48:LEU:HD13	18	0.83
(1,499)	1:A:47:ILE:HD11	1:A:43:GLU:HG2	21	0.82
(1,499)	1:A:47:ILE:HD12	1:A:43:GLU:HG2	21	0.82
(1,499)	1:A:47:ILE:HD13	1:A:43:GLU:HG2	21	0.82
(1,1271)	1:A:62:ARG:HA	1:A:58:ILE:HG12	24	0.82
(1,719)	1:A:63:GLN:HB2	1:A:63:GLN:HE21	5	0.81
(1,244)	1:A:31:LEU:HD21	1:A:64:LEU:HG	30	0.81
(1,244)	1:A:31:LEU:HD22	1:A:64:LEU:HG	30	0.81
(1,244)	1:A:31:LEU:HD23	1:A:64:LEU:HG	30	0.81
(1,1302)	1:A:64:LEU:HB3	1:A:31:LEU:HB3	18	0.81
(1,60)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:74:SER:HB2	24	0.8
(1,60)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:74:SER:HB2	24	0.8
(1,60)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:74:SER:HB2	24	0.8
(1,60)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:31:LEU:HA	24	0.8
(1,60)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:31:LEU:HA	24	0.8
(1,60)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:31:LEU:HA	24	0.8
(1,233)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:31:LEU:HA	30	0.8
(1,233)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:31:LEU:HA	30	0.8
(1,233)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:31:LEU:HA	30	0.8
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:29:SER:HA	17	0.8
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:29:SER:HA	17	0.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:29:SER:HA	17	0.8
(1,1592)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:30:SER:H	24	0.8
(1,1592)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:30:SER:H	24	0.8
(1,1592)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:30:SER:H	24	0.8
(1,1589)	1:A:20:ARG:HG3	1:A:67:ARG:HE	13	0.8
(1,1555)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:HB3	20	0.8
(1,1555)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:HB3	20	0.8
(1,1555)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:HB3	20	0.8
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:26:ASN:HB3	13	0.8
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:26:ASN:HB3	13	0.8
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:26:ASN:HB3	13	0.8
(1,1327)	1:A:68:LYS:HD2	1:A:71:GLU:HB2	24	0.8
(1,1327)	1:A:68:LYS:HD3	1:A:71:GLU:HB2	24	0.8
(1,927)	1:A:57:PRO:HG3	1:A:56:LEU:HD21	14	0.79
(1,927)	1:A:57:PRO:HG3	1:A:56:LEU:HD22	14	0.79
(1,927)	1:A:57:PRO:HG3	1:A:56:LEU:HD23	14	0.79
(1,719)	1:A:63:GLN:HB2	1:A:63:GLN:HE21	30	0.79
(1,239)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:62:ARG:HG3	21	0.79
(1,239)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:62:ARG:HG3	21	0.79
(1,239)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:62:ARG:HG3	21	0.79
(1,972)	1:A:27:LEU:HD21	1:A:70:GLN:HE21	17	0.78
(1,972)	1:A:27:LEU:HD22	1:A:70:GLN:HE21	17	0.78
(1,972)	1:A:27:LEU:HD23	1:A:70:GLN:HE21	17	0.78
(1,779)	1:A:52:HIS:HB2	1:A:6:GLN:HE21	30	0.78
(1,700)	1:A:59:ARG:HA	1:A:62:ARG:HD2	19	0.78
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:9:LEU:HD21	13	0.78
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:9:LEU:HD22	13	0.78
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:9:LEU:HD23	13	0.78
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:48:LEU:HD11	13	0.78
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:48:LEU:HD12	13	0.78
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:48:LEU:HD13	13	0.78
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD11	15	0.77
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD12	15	0.77
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD13	15	0.77
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD11	19	0.77
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD12	19	0.77
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD13	19	0.77
(1,60)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:74:SER:HB2	26	0.77
(1,60)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:74:SER:HB2	26	0.77
(1,60)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:74:SER:HB2	26	0.77
(1,60)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:31:LEU:HA	26	0.77
(1,60)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:31:LEU:HA	26	0.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,60)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:31:LEU:HA	26	0.77
(1,233)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:31:LEU:HA	5	0.77
(1,233)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:31:LEU:HA	5	0.77
(1,233)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:31:LEU:HA	5	0.77
(1,233)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:31:LEU:HA	15	0.77
(1,233)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:31:LEU:HA	15	0.77
(1,233)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:31:LEU:HA	15	0.77
(1,1642)	1:A:9:LEU:HD11	1:A:6:GLN:HE21	11	0.77
(1,1642)	1:A:9:LEU:HD12	1:A:6:GLN:HE21	11	0.77
(1,1642)	1:A:9:LEU:HD13	1:A:6:GLN:HE21	11	0.77
(1,1302)	1:A:64:LEU:HB3	1:A:31:LEU:HB3	15	0.77
(1,572)	1:A:43:GLU:HB2	1:A:44:VAL:HG21	18	0.76
(1,572)	1:A:43:GLU:HB2	1:A:44:VAL:HG22	18	0.76
(1,572)	1:A:43:GLU:HB2	1:A:44:VAL:HG23	18	0.76
(1,233)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:31:LEU:HA	13	0.76
(1,233)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:31:LEU:HA	13	0.76
(1,233)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:31:LEU:HA	13	0.76
(1,233)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:31:LEU:HA	16	0.76
(1,233)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:31:LEU:HA	16	0.76
(1,233)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:31:LEU:HA	16	0.76
(1,1589)	1:A:20:ARG:HG3	1:A:67:ARG:HE	2	0.76
(1,972)	1:A:27:LEU:HD21	1:A:70:GLN:HE21	8	0.75
(1,972)	1:A:27:LEU:HD22	1:A:70:GLN:HE21	8	0.75
(1,972)	1:A:27:LEU:HD23	1:A:70:GLN:HE21	8	0.75
(1,972)	1:A:27:LEU:HD21	1:A:70:GLN:HE21	19	0.75
(1,972)	1:A:27:LEU:HD22	1:A:70:GLN:HE21	19	0.75
(1,972)	1:A:27:LEU:HD23	1:A:70:GLN:HE21	19	0.75
(1,1369)	1:A:71:GLU:HG2	1:A:72:MET:H	27	0.75
(1,1271)	1:A:62:ARG:HA	1:A:58:ILE:HG12	12	0.75
(1,719)	1:A:63:GLN:HB2	1:A:63:GLN:HE21	15	0.74
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD11	28	0.74
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD12	28	0.74
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD13	28	0.74
(1,394)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:25:ILE:HG13	2	0.73
(1,394)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:25:ILE:HG13	2	0.73
(1,394)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:25:ILE:HG13	2	0.73
(1,239)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:62:ARG:HG3	23	0.73
(1,239)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:62:ARG:HG3	23	0.73
(1,239)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:62:ARG:HG3	23	0.73
(1,233)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:31:LEU:HA	17	0.73
(1,233)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:31:LEU:HA	17	0.73
(1,233)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:31:LEU:HA	17	0.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:9:LEU:HD21	6	0.73
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:9:LEU:HD22	6	0.73
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:9:LEU:HD23	6	0.73
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:48:LEU:HD11	6	0.73
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:48:LEU:HD12	6	0.73
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:48:LEU:HD13	6	0.73
(1,1638)	1:A:57:PRO:HB3	1:A:59:ARG:HB2	16	0.73
(1,1555)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:HB3	29	0.73
(1,1555)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:HB3	29	0.73
(1,1555)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:HB3	29	0.73
(1,1271)	1:A:62:ARG:HA	1:A:58:ILE:HG12	9	0.73
(1,1122)	1:A:48:LEU:HD11	1:A:52:HIS:HB3	18	0.73
(1,1122)	1:A:48:LEU:HD12	1:A:52:HIS:HB3	18	0.73
(1,1122)	1:A:48:LEU:HD13	1:A:52:HIS:HB3	18	0.73
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:HB2	9	0.73
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:HB2	9	0.73
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:HB2	9	0.73
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:HB2	25	0.73
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:HB2	25	0.73
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:HB2	25	0.73
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD11	5	0.72
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD12	5	0.72
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD13	5	0.72
(1,239)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:62:ARG:HG3	3	0.72
(1,239)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:62:ARG:HG3	3	0.72
(1,239)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:62:ARG:HG3	3	0.72
(1,1642)	1:A:9:LEU:HD11	1:A:6:GLN:HE21	18	0.72
(1,1642)	1:A:9:LEU:HD12	1:A:6:GLN:HE21	18	0.72
(1,1642)	1:A:9:LEU:HD13	1:A:6:GLN:HE21	18	0.72
(1,111)	1:A:55:VAL:HG21	1:A:49:GLU:HG3	2	0.72
(1,111)	1:A:55:VAL:HG22	1:A:49:GLU:HG3	2	0.72
(1,111)	1:A:55:VAL:HG23	1:A:49:GLU:HG3	2	0.72
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:HB2	12	0.72
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:HB2	12	0.72
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:HB2	12	0.72
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:HB2	22	0.71
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:HB2	22	0.71
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:HB2	22	0.71
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD11	17	0.7
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD12	17	0.7
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD13	17	0.7
(1,668)	1:A:49:GLU:HG2	1:A:46:GLN:HA	2	0.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,239)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:62:ARG:HG3	1	0.7
(1,239)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:62:ARG:HG3	1	0.7
(1,239)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:62:ARG:HG3	1	0.7
(1,177)	1:A:22:LEU:HD11	1:A:24:GLY:HA2	8	0.7
(1,177)	1:A:22:LEU:HD12	1:A:24:GLY:HA2	8	0.7
(1,177)	1:A:22:LEU:HD13	1:A:24:GLY:HA2	8	0.7
(1,177)	1:A:22:LEU:HD11	1:A:24:GLY:HA2	17	0.7
(1,177)	1:A:22:LEU:HD12	1:A:24:GLY:HA2	17	0.7
(1,177)	1:A:22:LEU:HD13	1:A:24:GLY:HA2	17	0.7
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:9:LEU:HD21	1	0.7
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:9:LEU:HD22	1	0.7
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:9:LEU:HD23	1	0.7
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:48:LEU:HD11	1	0.7
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:48:LEU:HD12	1	0.7
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:48:LEU:HD13	1	0.7
(1,1592)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:30:SER:H	13	0.7
(1,1592)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:30:SER:H	13	0.7
(1,1592)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:30:SER:H	13	0.7
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:HB2	1	0.7
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:HB2	1	0.7
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:HB2	1	0.7
(1,972)	1:A:27:LEU:HD21	1:A:70:GLN:HE21	7	0.69
(1,972)	1:A:27:LEU:HD22	1:A:70:GLN:HE21	7	0.69
(1,972)	1:A:27:LEU:HD23	1:A:70:GLN:HE21	7	0.69
(1,778)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:6:GLN:HE21	18	0.69
(1,233)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:31:LEU:HA	19	0.69
(1,233)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:31:LEU:HA	19	0.69
(1,233)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:31:LEU:HA	19	0.69
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:HB2	11	0.69
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:HB2	11	0.69
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:HB2	11	0.69
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:HB2	21	0.69
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:HB2	21	0.69
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:HB2	21	0.69
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:HB2	23	0.69
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:HB2	23	0.69
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:HB2	23	0.69
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:9:LEU:HD21	8	0.68
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:9:LEU:HD22	8	0.68
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:9:LEU:HD23	8	0.68
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:48:LEU:HD11	8	0.68
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:48:LEU:HD12	8	0.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:48:LEU:HD13	8	0.68
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:29:SER:HA	19	0.68
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:29:SER:HA	19	0.68
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:29:SER:HA	19	0.68
(1,177)	1:A:22:LEU:HD11	1:A:24:GLY:HA2	7	0.67
(1,177)	1:A:22:LEU:HD12	1:A:24:GLY:HA2	7	0.67
(1,177)	1:A:22:LEU:HD13	1:A:24:GLY:HA2	7	0.67
(1,1592)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:30:SER:H	14	0.67
(1,1592)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:30:SER:H	14	0.67
(1,1592)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:30:SER:H	14	0.67
(1,1239)	1:A:60:GLU:HB3	1:A:56:LEU:HB2	10	0.67
(1,1012)	1:A:34:LEU:HD11	1:A:31:LEU:H	28	0.67
(1,1012)	1:A:34:LEU:HD12	1:A:31:LEU:H	28	0.67
(1,1012)	1:A:34:LEU:HD13	1:A:31:LEU:H	28	0.67
(1,845)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HB2	25	0.66
(1,845)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HB3	25	0.66
(1,779)	1:A:52:HIS:HB2	1:A:6:GLN:HE21	5	0.66
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD21	27	0.66
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD22	27	0.66
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD23	27	0.66
(1,1589)	1:A:20:ARG:HG3	1:A:67:ARG:HE	26	0.66
(1,1509)	1:A:72:MET:HG2	1:A:9:LEU:HD11	6	0.66
(1,1509)	1:A:72:MET:HG2	1:A:9:LEU:HD12	6	0.66
(1,1509)	1:A:72:MET:HG2	1:A:9:LEU:HD13	6	0.66
(1,111)	1:A:55:VAL:HG21	1:A:49:GLU:HG3	29	0.66
(1,111)	1:A:55:VAL:HG22	1:A:49:GLU:HG3	29	0.66
(1,111)	1:A:55:VAL:HG23	1:A:49:GLU:HG3	29	0.66
(1,778)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:6:GLN:HE21	5	0.65
(1,76)	1:A:9:LEU:HD11	1:A:70:GLN:HB2	7	0.65
(1,76)	1:A:9:LEU:HD11	1:A:70:GLN:HB3	7	0.65
(1,76)	1:A:9:LEU:HD12	1:A:70:GLN:HB2	7	0.65
(1,76)	1:A:9:LEU:HD12	1:A:70:GLN:HB3	7	0.65
(1,76)	1:A:9:LEU:HD13	1:A:70:GLN:HB2	7	0.65
(1,76)	1:A:9:LEU:HD13	1:A:70:GLN:HB3	7	0.65
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:47:ILE:HG13	18	0.65
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:47:ILE:HG13	18	0.65
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:47:ILE:HG13	18	0.65
(1,1271)	1:A:62:ARG:HA	1:A:58:ILE:HG12	19	0.65
(1,1248)	1:A:61:VAL:HA	1:A:62:ARG:HB3	6	0.65
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:HB2	7	0.65
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:HB2	7	0.65
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:HB2	7	0.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,60)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:74:SER:HB2	11	0.64
(1,60)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:74:SER:HB2	11	0.64
(1,60)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:74:SER:HB2	11	0.64
(1,60)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:31:LEU:HA	11	0.64
(1,60)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:31:LEU:HA	11	0.64
(1,60)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:31:LEU:HA	11	0.64
(1,499)	1:A:47:ILE:HD11	1:A:43:GLU:HG2	16	0.64
(1,499)	1:A:47:ILE:HD12	1:A:43:GLU:HG2	16	0.64
(1,499)	1:A:47:ILE:HD13	1:A:43:GLU:HG2	16	0.64
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:HB2	15	0.64
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:HB2	15	0.64
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:HB2	15	0.64
(1,316)	1:A:40:MET:HB2	1:A:39:LEU:HD21	28	0.63
(1,316)	1:A:40:MET:HB2	1:A:39:LEU:HD22	28	0.63
(1,316)	1:A:40:MET:HB2	1:A:39:LEU:HD23	28	0.63
(1,240)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:34:LEU:HB2	15	0.63
(1,240)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:34:LEU:HB2	15	0.63
(1,240)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:34:LEU:HB2	15	0.63
(1,240)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:34:LEU:HB2	19	0.63
(1,240)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:34:LEU:HB2	19	0.63
(1,240)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:34:LEU:HB2	19	0.63
(1,1302)	1:A:64:LEU:HB3	1:A:31:LEU:HB3	17	0.63
(1,240)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:34:LEU:HB2	30	0.62
(1,240)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:34:LEU:HB2	30	0.62
(1,240)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:34:LEU:HB2	30	0.62
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:46:GLN:HG2	15	0.62
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:46:GLN:HG2	15	0.62
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:46:GLN:HG2	15	0.62
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:HB2	20	0.62
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:HB2	20	0.62
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:HB2	20	0.62
(1,468)	1:A:47:ILE:HA	1:A:48:LEU:HD11	18	0.61
(1,468)	1:A:47:ILE:HA	1:A:48:LEU:HD12	18	0.61
(1,468)	1:A:47:ILE:HA	1:A:48:LEU:HD13	18	0.61
(1,239)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:62:ARG:HG3	7	0.61
(1,239)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:62:ARG:HG3	7	0.61
(1,239)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:62:ARG:HG3	7	0.61
(1,1248)	1:A:61:VAL:HA	1:A:62:ARG:HB3	8	0.61
(1,1248)	1:A:61:VAL:HA	1:A:62:ARG:HB3	20	0.61
(1,1592)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:30:SER:H	20	0.6
(1,1592)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:30:SER:H	20	0.6
(1,1592)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:30:SER:H	20	0.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1248)	1:A:61:VAL:HA	1:A:62:ARG:HB3	16	0.6
(1,502)	1:A:19:ILE:HD11	1:A:25:ILE:HG13	2	0.59
(1,502)	1:A:19:ILE:HD12	1:A:25:ILE:HG13	2	0.59
(1,502)	1:A:19:ILE:HD13	1:A:25:ILE:HG13	2	0.59
(1,239)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:62:ARG:HG3	22	0.59
(1,239)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:62:ARG:HG3	22	0.59
(1,239)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:62:ARG:HG3	22	0.59
(1,1610)	1:A:13:VAL:HG21	1:A:9:LEU:HD11	13	0.59
(1,1610)	1:A:13:VAL:HG21	1:A:9:LEU:HD12	13	0.59
(1,1610)	1:A:13:VAL:HG21	1:A:9:LEU:HD13	13	0.59
(1,1610)	1:A:13:VAL:HG22	1:A:9:LEU:HD11	13	0.59
(1,1610)	1:A:13:VAL:HG22	1:A:9:LEU:HD12	13	0.59
(1,1610)	1:A:13:VAL:HG22	1:A:9:LEU:HD13	13	0.59
(1,1610)	1:A:13:VAL:HG23	1:A:9:LEU:HD11	13	0.59
(1,1610)	1:A:13:VAL:HG23	1:A:9:LEU:HD12	13	0.59
(1,1610)	1:A:13:VAL:HG23	1:A:9:LEU:HD13	13	0.59
(1,1589)	1:A:20:ARG:HG3	1:A:67:ARG:HE	12	0.59
(1,1589)	1:A:20:ARG:HG3	1:A:67:ARG:HE	15	0.59
(1,1302)	1:A:64:LEU:HB3	1:A:31:LEU:HB3	11	0.59
(1,1128)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:37:ASP:H	5	0.59
(1,1128)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:37:ASP:H	5	0.59
(1,1128)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:37:ASP:H	5	0.59
(1,296)	1:A:17:LEU:HD11	1:A:19:ILE:HG13	16	0.58
(1,296)	1:A:17:LEU:HD12	1:A:19:ILE:HG13	16	0.58
(1,296)	1:A:17:LEU:HD13	1:A:19:ILE:HG13	16	0.58
(1,177)	1:A:22:LEU:HD11	1:A:24:GLY:HA2	10	0.58
(1,177)	1:A:22:LEU:HD12	1:A:24:GLY:HA2	10	0.58
(1,177)	1:A:22:LEU:HD13	1:A:24:GLY:HA2	10	0.58
(1,177)	1:A:22:LEU:HD11	1:A:24:GLY:HA2	20	0.58
(1,177)	1:A:22:LEU:HD12	1:A:24:GLY:HA2	20	0.58
(1,177)	1:A:22:LEU:HD13	1:A:24:GLY:HA2	20	0.58
(1,1638)	1:A:57:PRO:HB3	1:A:59:ARG:HB2	28	0.58
(1,1271)	1:A:62:ARG:HA	1:A:58:ILE:HG12	10	0.58
(1,1248)	1:A:61:VAL:HA	1:A:62:ARG:HB3	3	0.58
(1,1248)	1:A:61:VAL:HA	1:A:62:ARG:HB3	15	0.58
(1,1248)	1:A:61:VAL:HA	1:A:62:ARG:HB3	23	0.58
(1,1271)	1:A:62:ARG:HA	1:A:58:ILE:HG12	2	0.57
(1,798)	1:A:51:GLU:HG2	1:A:50:ARG:HG2	23	0.56
(1,798)	1:A:51:GLU:HG3	1:A:50:ARG:HG2	23	0.56
(1,1303)	1:A:64:LEU:HB2	1:A:31:LEU:HB3	28	0.56
(1,1100)	1:A:40:MET:HG2	1:A:39:LEU:HD21	28	0.56
(1,1100)	1:A:40:MET:HG2	1:A:39:LEU:HD22	28	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1100)	1:A:40:MET:HG2	1:A:39:LEU:HD23	28	0.56
(1,60)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:74:SER:HB2	20	0.55
(1,60)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:74:SER:HB2	20	0.55
(1,60)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:74:SER:HB2	20	0.55
(1,60)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:31:LEU:HA	20	0.55
(1,60)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:31:LEU:HA	20	0.55
(1,60)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:31:LEU:HA	20	0.55
(1,240)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:34:LEU:HB2	16	0.55
(1,240)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:34:LEU:HB2	16	0.55
(1,240)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:34:LEU:HB2	16	0.55
(1,177)	1:A:22:LEU:HD11	1:A:24:GLY:HA2	24	0.55
(1,177)	1:A:22:LEU:HD12	1:A:24:GLY:HA2	24	0.55
(1,177)	1:A:22:LEU:HD13	1:A:24:GLY:HA2	24	0.55
(1,1369)	1:A:71:GLU:HG2	1:A:72:MET:H	22	0.55
(1,1248)	1:A:61:VAL:HA	1:A:62:ARG:HB3	4	0.55
(1,1248)	1:A:61:VAL:HA	1:A:62:ARG:HB3	18	0.55
(1,1239)	1:A:60:GLU:HB3	1:A:56:LEU:HB2	8	0.55
(1,499)	1:A:47:ILE:HD11	1:A:43:GLU:HG2	11	0.54
(1,499)	1:A:47:ILE:HD12	1:A:43:GLU:HG2	11	0.54
(1,499)	1:A:47:ILE:HD13	1:A:43:GLU:HG2	11	0.54
(1,240)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:34:LEU:HB2	17	0.54
(1,240)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:34:LEU:HB2	17	0.54
(1,240)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:34:LEU:HB2	17	0.54
(1,1248)	1:A:61:VAL:HA	1:A:62:ARG:HB3	5	0.54
(1,1248)	1:A:61:VAL:HA	1:A:62:ARG:HB3	13	0.54
(1,778)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:6:GLN:HE21	27	0.53
(1,700)	1:A:59:ARG:HA	1:A:62:ARG:HD2	10	0.53
(1,240)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:34:LEU:HB2	13	0.53
(1,240)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:34:LEU:HB2	13	0.53
(1,240)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:34:LEU:HB2	13	0.53
(1,1248)	1:A:61:VAL:HA	1:A:62:ARG:HB3	1	0.53
(1,1248)	1:A:61:VAL:HA	1:A:62:ARG:HB3	17	0.53
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:HB2	8	0.53
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:HB2	8	0.53
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:HB2	8	0.53
(1,499)	1:A:47:ILE:HD11	1:A:43:GLU:HG2	24	0.52
(1,499)	1:A:47:ILE:HD12	1:A:43:GLU:HG2	24	0.52
(1,499)	1:A:47:ILE:HD13	1:A:43:GLU:HG2	24	0.52
(1,1589)	1:A:20:ARG:HG3	1:A:67:ARG:HE	5	0.52
(1,972)	1:A:27:LEU:HD21	1:A:70:GLN:HE21	29	0.51
(1,972)	1:A:27:LEU:HD22	1:A:70:GLN:HE21	29	0.51
(1,972)	1:A:27:LEU:HD23	1:A:70:GLN:HE21	29	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,394)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:25:ILE:HG13	10	0.51
(1,394)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:25:ILE:HG13	10	0.51
(1,394)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:25:ILE:HG13	10	0.51
(1,177)	1:A:22:LEU:HD11	1:A:24:GLY:HA2	29	0.51
(1,177)	1:A:22:LEU:HD12	1:A:24:GLY:HA2	29	0.51
(1,177)	1:A:22:LEU:HD13	1:A:24:GLY:HA2	29	0.51
(1,1618)	1:A:58:ILE:HG12	1:A:59:ARG:HD2	13	0.51
(1,1618)	1:A:58:ILE:HG12	1:A:59:ARG:HD3	13	0.51
(1,1248)	1:A:61:VAL:HA	1:A:62:ARG:HB3	21	0.51
(1,60)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:74:SER:HB2	13	0.5
(1,60)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:74:SER:HB2	13	0.5
(1,60)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:74:SER:HB2	13	0.5
(1,60)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:31:LEU:HA	13	0.5
(1,60)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:31:LEU:HA	13	0.5
(1,60)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:31:LEU:HA	13	0.5
(1,499)	1:A:47:ILE:HD11	1:A:43:GLU:HG2	27	0.5
(1,499)	1:A:47:ILE:HD12	1:A:43:GLU:HG2	27	0.5
(1,499)	1:A:47:ILE:HD13	1:A:43:GLU:HG2	27	0.5
(1,475)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:20:ARG:HB2	12	0.5
(1,475)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:20:ARG:HB2	12	0.5
(1,475)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:20:ARG:HB2	12	0.5
(1,1618)	1:A:58:ILE:HG12	1:A:59:ARG:HD2	15	0.5
(1,1618)	1:A:58:ILE:HG12	1:A:59:ARG:HD3	15	0.5
(1,1248)	1:A:61:VAL:HA	1:A:62:ARG:HB3	22	0.5
(1,1196)	1:A:56:LEU:HD21	1:A:56:LEU:HA	20	0.5
(1,1196)	1:A:56:LEU:HD22	1:A:56:LEU:HA	20	0.5
(1,1196)	1:A:56:LEU:HD23	1:A:56:LEU:HA	20	0.5
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:34:LEU:HA	13	0.5
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:34:LEU:HA	13	0.5
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:34:LEU:HA	13	0.5
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:34:LEU:HA	24	0.5
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:34:LEU:HA	24	0.5
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:34:LEU:HA	24	0.5
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD11	19	0.49
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD12	19	0.49
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD13	19	0.49
(1,239)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:62:ARG:HG3	4	0.49
(1,239)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:62:ARG:HG3	4	0.49
(1,239)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:62:ARG:HG3	4	0.49
(1,1327)	1:A:68:LYS:HD2	1:A:71:GLU:HB2	3	0.49
(1,1327)	1:A:68:LYS:HD3	1:A:71:GLU:HB2	3	0.49
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:34:LEU:HA	14	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:34:LEU:HA	14	0.49
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:34:LEU:HA	14	0.49
(1,778)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:6:GLN:HE21	12	0.48
(1,394)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:25:ILE:HG13	1	0.48
(1,394)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:25:ILE:HG13	1	0.48
(1,394)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:25:ILE:HG13	1	0.48
(1,177)	1:A:22:LEU:HD11	1:A:24:GLY:HA2	27	0.48
(1,177)	1:A:22:LEU:HD12	1:A:24:GLY:HA2	27	0.48
(1,177)	1:A:22:LEU:HD13	1:A:24:GLY:HA2	27	0.48
(1,1642)	1:A:9:LEU:HD11	1:A:6:GLN:HE21	10	0.48
(1,1642)	1:A:9:LEU:HD12	1:A:6:GLN:HE21	10	0.48
(1,1642)	1:A:9:LEU:HD13	1:A:6:GLN:HE21	10	0.48
(1,1618)	1:A:58:ILE:HG12	1:A:59:ARG:HD2	23	0.48
(1,1618)	1:A:58:ILE:HG12	1:A:59:ARG:HD3	23	0.48
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:34:LEU:HA	27	0.48
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:34:LEU:HA	27	0.48
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:34:LEU:HA	27	0.48
(1,468)	1:A:47:ILE:HA	1:A:48:LEU:HD11	2	0.47
(1,468)	1:A:47:ILE:HA	1:A:48:LEU:HD12	2	0.47
(1,468)	1:A:47:ILE:HA	1:A:48:LEU:HD13	2	0.47
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:65:THR:HA	11	0.47
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:65:THR:HA	11	0.47
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:65:THR:HA	11	0.47
(1,1369)	1:A:71:GLU:HG2	1:A:72:MET:H	24	0.47
(1,1302)	1:A:64:LEU:HB3	1:A:31:LEU:HB3	13	0.47
(1,1271)	1:A:62:ARG:HA	1:A:58:ILE:HG12	11	0.47
(1,1248)	1:A:61:VAL:HA	1:A:62:ARG:HB3	7	0.47
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:34:LEU:HA	17	0.47
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:34:LEU:HA	17	0.47
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:34:LEU:HA	17	0.47
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:34:LEU:HA	20	0.47
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:34:LEU:HA	20	0.47
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:34:LEU:HA	20	0.47
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:34:LEU:HA	29	0.47
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:34:LEU:HA	29	0.47
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:34:LEU:HA	29	0.47
(1,778)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:6:GLN:HE21	1	0.46
(1,1638)	1:A:57:PRO:HB3	1:A:59:ARG:HB2	12	0.46
(1,1618)	1:A:58:ILE:HG12	1:A:59:ARG:HD2	1	0.46
(1,1618)	1:A:58:ILE:HG12	1:A:59:ARG:HD3	1	0.46
(1,1575)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:13:VAL:H	30	0.46
(1,1575)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:13:VAL:H	30	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1575)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:13:VAL:H	30	0.46
(1,1508)	1:A:72:MET:HG3	1:A:9:LEU:HD11	13	0.46
(1,1508)	1:A:72:MET:HG3	1:A:9:LEU:HD12	13	0.46
(1,1508)	1:A:72:MET:HG3	1:A:9:LEU:HD13	13	0.46
(1,972)	1:A:27:LEU:HD21	1:A:70:GLN:HE21	12	0.45
(1,972)	1:A:27:LEU:HD22	1:A:70:GLN:HE21	12	0.45
(1,972)	1:A:27:LEU:HD23	1:A:70:GLN:HE21	12	0.45
(1,798)	1:A:51:GLU:HG2	1:A:50:ARG:HG2	12	0.45
(1,798)	1:A:51:GLU:HG3	1:A:50:ARG:HG2	12	0.45
(1,60)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:74:SER:HB2	16	0.45
(1,60)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:74:SER:HB2	16	0.45
(1,60)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:74:SER:HB2	16	0.45
(1,60)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:31:LEU:HA	16	0.45
(1,60)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:31:LEU:HA	16	0.45
(1,60)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:31:LEU:HA	16	0.45
(1,394)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:25:ILE:HG13	22	0.45
(1,394)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:25:ILE:HG13	22	0.45
(1,394)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:25:ILE:HG13	22	0.45
(1,1592)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:30:SER:H	26	0.45
(1,1592)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:30:SER:H	26	0.45
(1,1592)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:30:SER:H	26	0.45
(1,1126)	1:A:48:LEU:HD11	1:A:52:HIS:H	22	0.45
(1,1126)	1:A:48:LEU:HD12	1:A:52:HIS:H	22	0.45
(1,1126)	1:A:48:LEU:HD13	1:A:52:HIS:H	22	0.45
(1,1123)	1:A:48:LEU:HD11	1:A:52:HIS:HB2	18	0.45
(1,1123)	1:A:48:LEU:HD12	1:A:52:HIS:HB2	18	0.45
(1,1123)	1:A:48:LEU:HD13	1:A:52:HIS:HB2	18	0.45
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:HB2	18	0.45
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:HB2	18	0.45
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:HB2	18	0.45
(1,72)	1:A:48:LEU:HD11	1:A:6:GLN:HE21	18	0.44
(1,72)	1:A:48:LEU:HD12	1:A:6:GLN:HE21	18	0.44
(1,72)	1:A:48:LEU:HD13	1:A:6:GLN:HE21	18	0.44
(1,72)	1:A:9:LEU:HD21	1:A:6:GLN:HE21	18	0.44
(1,72)	1:A:9:LEU:HD22	1:A:6:GLN:HE21	18	0.44
(1,72)	1:A:9:LEU:HD23	1:A:6:GLN:HE21	18	0.44
(1,593)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:66:LEU:HA	30	0.44
(1,593)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:66:LEU:HA	30	0.44
(1,593)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:66:LEU:HA	30	0.44
(1,394)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:25:ILE:HG13	24	0.44
(1,394)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:25:ILE:HG13	24	0.44
(1,394)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:25:ILE:HG13	24	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,316)	1:A:40:MET:HB2	1:A:39:LEU:HD21	24	0.44
(1,316)	1:A:40:MET:HB2	1:A:39:LEU:HD22	24	0.44
(1,316)	1:A:40:MET:HB2	1:A:39:LEU:HD23	24	0.44
(1,316)	1:A:40:MET:HB2	1:A:39:LEU:HD21	27	0.44
(1,316)	1:A:40:MET:HB2	1:A:39:LEU:HD22	27	0.44
(1,316)	1:A:40:MET:HB2	1:A:39:LEU:HD23	27	0.44
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:26:ASN:HB3	5	0.44
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:26:ASN:HB3	5	0.44
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:26:ASN:HB3	5	0.44
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:57:PRO:HB3	14	0.44
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:57:PRO:HB3	14	0.44
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:57:PRO:HB3	14	0.44
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:HB2	16	0.44
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:HB2	16	0.44
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:HB2	16	0.44
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:34:LEU:HA	3	0.44
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:34:LEU:HA	3	0.44
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:34:LEU:HA	3	0.44
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD11	1:A:31:LEU:HA	5	0.44
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD12	1:A:31:LEU:HA	5	0.44
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD13	1:A:31:LEU:HA	5	0.44
(1,1006)	1:A:33:ASP:HB2	1:A:30:SER:H	27	0.44
(1,972)	1:A:27:LEU:HD21	1:A:70:GLN:HE21	30	0.43
(1,972)	1:A:27:LEU:HD22	1:A:70:GLN:HE21	30	0.43
(1,972)	1:A:27:LEU:HD23	1:A:70:GLN:HE21	30	0.43
(1,847)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HD2	25	0.43
(1,847)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HD3	25	0.43
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:26:ASN:HB3	3	0.43
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:26:ASN:HB3	3	0.43
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:26:ASN:HB3	3	0.43
(1,1099)	1:A:40:MET:HG3	1:A:39:LEU:HD21	27	0.43
(1,1099)	1:A:40:MET:HG3	1:A:39:LEU:HD22	27	0.43
(1,1099)	1:A:40:MET:HG3	1:A:39:LEU:HD23	27	0.43
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:34:LEU:HA	19	0.43
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:34:LEU:HA	19	0.43
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:34:LEU:HA	19	0.43
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:34:LEU:HA	26	0.43
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:34:LEU:HA	26	0.43
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:34:LEU:HA	26	0.43
(1,739)	1:A:70:GLN:HA	1:A:71:GLU:HB2	15	0.42
(1,593)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:66:LEU:HA	18	0.42
(1,593)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:66:LEU:HA	18	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,593)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:66:LEU:HA	18	0.42
(1,296)	1:A:17:LEU:HD11	1:A:19:ILE:HG13	7	0.42
(1,296)	1:A:17:LEU:HD12	1:A:19:ILE:HG13	7	0.42
(1,296)	1:A:17:LEU:HD13	1:A:19:ILE:HG13	7	0.42
(1,1618)	1:A:58:ILE:HG12	1:A:59:ARG:HD2	22	0.42
(1,1618)	1:A:58:ILE:HG12	1:A:59:ARG:HD3	22	0.42
(1,1369)	1:A:71:GLU:HG2	1:A:72:MET:H	25	0.42
(1,1100)	1:A:40:MET:HG2	1:A:39:LEU:HD21	24	0.42
(1,1100)	1:A:40:MET:HG2	1:A:39:LEU:HD22	24	0.42
(1,1100)	1:A:40:MET:HG2	1:A:39:LEU:HD23	24	0.42
(1,972)	1:A:27:LEU:HD21	1:A:70:GLN:HE21	24	0.41
(1,972)	1:A:27:LEU:HD22	1:A:70:GLN:HE21	24	0.41
(1,972)	1:A:27:LEU:HD23	1:A:70:GLN:HE21	24	0.41
(1,798)	1:A:51:GLU:HG2	1:A:50:ARG:HG2	25	0.41
(1,798)	1:A:51:GLU:HG3	1:A:50:ARG:HG2	25	0.41
(1,475)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:20:ARG:HB2	7	0.41
(1,475)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:20:ARG:HB2	7	0.41
(1,475)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:20:ARG:HB2	7	0.41
(1,222)	1:A:31:LEU:HB3	1:A:36:LEU:HD21	5	0.41
(1,222)	1:A:31:LEU:HB3	1:A:36:LEU:HD22	5	0.41
(1,222)	1:A:31:LEU:HB3	1:A:36:LEU:HD23	5	0.41
(1,1592)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:30:SER:H	29	0.41
(1,1592)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:30:SER:H	29	0.41
(1,1592)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:30:SER:H	29	0.41
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:46:GLN:HG2	12	0.41
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:46:GLN:HG2	12	0.41
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:46:GLN:HG2	12	0.41
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:46:GLN:HG2	22	0.41
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:46:GLN:HG2	22	0.41
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:46:GLN:HG2	22	0.41
(1,1271)	1:A:62:ARG:HA	1:A:58:ILE:HG12	26	0.41
(1,1241)	1:A:60:GLU:HB2	1:A:61:VAL:HG21	2	0.41
(1,1241)	1:A:60:GLU:HB2	1:A:61:VAL:HG22	2	0.41
(1,1241)	1:A:60:GLU:HB2	1:A:61:VAL:HG23	2	0.41
(1,1126)	1:A:48:LEU:HD11	1:A:52:HIS:H	18	0.41
(1,1126)	1:A:48:LEU:HD12	1:A:52:HIS:H	18	0.41
(1,1126)	1:A:48:LEU:HD13	1:A:52:HIS:H	18	0.41
(1,1107)	1:A:48:LEU:HA	1:A:52:HIS:HB2	1	0.41
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:H	27	0.41
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:H	27	0.41
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:H	27	0.41
(1,787)	1:A:51:GLU:HB3	1:A:6:GLN:HE21	5	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD11	18	0.4
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD12	18	0.4
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD13	18	0.4
(1,1584)	1:A:59:ARG:HG3	1:A:58:ILE:H	20	0.4
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:46:GLN:HG2	2	0.4
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:46:GLN:HG2	2	0.4
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:46:GLN:HG2	2	0.4
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:H	3	0.4
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:H	3	0.4
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:H	3	0.4
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:34:LEU:HA	28	0.4
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:34:LEU:HA	28	0.4
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:34:LEU:HA	28	0.4
(1,972)	1:A:27:LEU:HD21	1:A:70:GLN:HE21	27	0.39
(1,972)	1:A:27:LEU:HD22	1:A:70:GLN:HE21	27	0.39
(1,972)	1:A:27:LEU:HD23	1:A:70:GLN:HE21	27	0.39
(1,896)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:6:GLN:HE21	12	0.39
(1,896)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:6:GLN:HE21	12	0.39
(1,896)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:6:GLN:HE21	12	0.39
(1,593)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:66:LEU:HA	11	0.39
(1,593)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:66:LEU:HA	11	0.39
(1,593)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:66:LEU:HA	11	0.39
(1,1592)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:30:SER:H	17	0.39
(1,1592)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:30:SER:H	17	0.39
(1,1592)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:30:SER:H	17	0.39
(1,1548)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:21:ASP:HB2	22	0.39
(1,1548)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:21:ASP:HB2	22	0.39
(1,1548)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:21:ASP:HB2	22	0.39
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:46:GLN:HG2	6	0.39
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:46:GLN:HG2	6	0.39
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:46:GLN:HG2	6	0.39
(1,1303)	1:A:64:LEU:HB2	1:A:31:LEU:HB3	7	0.39
(1,1302)	1:A:64:LEU:HB3	1:A:31:LEU:HB3	30	0.39
(1,1179)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:56:LEU:HB3	1	0.39
(1,1179)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:56:LEU:HB3	1	0.39
(1,1179)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:56:LEU:HB3	1	0.39
(1,116)	1:A:55:VAL:HG21	1:A:54:LEU:HB3	1	0.39
(1,116)	1:A:55:VAL:HG22	1:A:54:LEU:HB3	1	0.39
(1,116)	1:A:55:VAL:HG23	1:A:54:LEU:HB3	1	0.39
(1,32)	1:A:27:LEU:HD11	1:A:70:GLN:HE21	12	0.38
(1,32)	1:A:27:LEU:HD12	1:A:70:GLN:HE21	12	0.38
(1,32)	1:A:27:LEU:HD13	1:A:70:GLN:HE21	12	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,32)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:70:GLN:HE21	12	0.38
(1,32)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:70:GLN:HE21	12	0.38
(1,32)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:70:GLN:HE21	12	0.38
(1,1589)	1:A:20:ARG:HG3	1:A:67:ARG:HE	21	0.38
(1,1642)	1:A:9:LEU:HD11	1:A:6:GLN:HE21	28	0.37
(1,1642)	1:A:9:LEU:HD12	1:A:6:GLN:HE21	28	0.37
(1,1642)	1:A:9:LEU:HD13	1:A:6:GLN:HE21	28	0.37
(1,114)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:57:PRO:HG3	1	0.37
(1,114)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:57:PRO:HG3	1	0.37
(1,114)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:57:PRO:HG3	1	0.37
(1,1638)	1:A:57:PRO:HB3	1:A:59:ARG:HB2	7	0.36
(1,1638)	1:A:57:PRO:HB3	1:A:59:ARG:HB2	24	0.36
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD11	1:A:31:LEU:HA	28	0.36
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD12	1:A:31:LEU:HA	28	0.36
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD13	1:A:31:LEU:HA	28	0.36
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD21	8	0.35
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD22	8	0.35
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD23	8	0.35
(1,177)	1:A:22:LEU:HD11	1:A:24:GLY:HA2	3	0.35
(1,177)	1:A:22:LEU:HD12	1:A:24:GLY:HA2	3	0.35
(1,177)	1:A:22:LEU:HD13	1:A:24:GLY:HA2	3	0.35
(1,1642)	1:A:9:LEU:HD11	1:A:6:GLN:HE21	1	0.35
(1,1642)	1:A:9:LEU:HD12	1:A:6:GLN:HE21	1	0.35
(1,1642)	1:A:9:LEU:HD13	1:A:6:GLN:HE21	1	0.35
(1,1638)	1:A:57:PRO:HB3	1:A:59:ARG:HB2	19	0.35
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:46:GLN:HG2	16	0.35
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:46:GLN:HG2	16	0.35
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:46:GLN:HG2	16	0.35
(1,1369)	1:A:71:GLU:HG2	1:A:72:MET:H	19	0.35
(1,1303)	1:A:64:LEU:HB2	1:A:31:LEU:HB3	19	0.35
(1,1303)	1:A:64:LEU:HB2	1:A:31:LEU:HB3	22	0.35
(1,1302)	1:A:64:LEU:HB3	1:A:31:LEU:HB3	16	0.35
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HB2	14	0.35
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HG2	14	0.35
(1,994)	1:A:33:ASP:HA	1:A:34:LEU:HD21	27	0.34
(1,994)	1:A:33:ASP:HA	1:A:34:LEU:HD22	27	0.34
(1,994)	1:A:33:ASP:HA	1:A:34:LEU:HD23	27	0.34
(1,787)	1:A:51:GLU:HB3	1:A:6:GLN:HE21	3	0.34
(1,394)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:25:ILE:HG13	7	0.34
(1,394)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:25:ILE:HG13	7	0.34
(1,394)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:25:ILE:HG13	7	0.34
(1,1369)	1:A:71:GLU:HG2	1:A:72:MET:H	10	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,845)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HB2	20	0.33
(1,845)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HB3	20	0.33
(1,502)	1:A:19:ILE:HD11	1:A:25:ILE:HG13	1	0.33
(1,502)	1:A:19:ILE:HD12	1:A:25:ILE:HG13	1	0.33
(1,502)	1:A:19:ILE:HD13	1:A:25:ILE:HG13	1	0.33
(1,1389)	1:A:12:ALA:HB1	1:A:9:LEU:HD21	13	0.33
(1,1389)	1:A:12:ALA:HB1	1:A:9:LEU:HD22	13	0.33
(1,1389)	1:A:12:ALA:HB1	1:A:9:LEU:HD23	13	0.33
(1,1389)	1:A:12:ALA:HB2	1:A:9:LEU:HD21	13	0.33
(1,1389)	1:A:12:ALA:HB2	1:A:9:LEU:HD22	13	0.33
(1,1389)	1:A:12:ALA:HB2	1:A:9:LEU:HD23	13	0.33
(1,1389)	1:A:12:ALA:HB3	1:A:9:LEU:HD21	13	0.33
(1,1389)	1:A:12:ALA:HB3	1:A:9:LEU:HD22	13	0.33
(1,1389)	1:A:12:ALA:HB3	1:A:9:LEU:HD23	13	0.33
(1,1369)	1:A:71:GLU:HG2	1:A:72:MET:H	28	0.33
(1,994)	1:A:33:ASP:HA	1:A:34:LEU:HD21	3	0.32
(1,994)	1:A:33:ASP:HA	1:A:34:LEU:HD22	3	0.32
(1,994)	1:A:33:ASP:HA	1:A:34:LEU:HD23	3	0.32
(1,778)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:6:GLN:HE21	14	0.32
(1,668)	1:A:49:GLU:HG2	1:A:46:GLN:HA	18	0.32
(1,468)	1:A:47:ILE:HA	1:A:48:LEU:HD11	22	0.32
(1,468)	1:A:47:ILE:HA	1:A:48:LEU:HD12	22	0.32
(1,468)	1:A:47:ILE:HA	1:A:48:LEU:HD13	22	0.32
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD11	2	0.32
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD12	2	0.32
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD13	2	0.32
(1,1271)	1:A:62:ARG:HA	1:A:58:ILE:HG12	27	0.32
(1,1018)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:29:SER:HB2	13	0.32
(1,1018)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:29:SER:HB2	13	0.32
(1,1018)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:29:SER:HB2	13	0.32
(1,1018)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:29:SER:HB2	20	0.32
(1,1018)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:29:SER:HB2	20	0.32
(1,1018)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:29:SER:HB2	20	0.32
(1,54)	1:A:20:ARG:HG3	1:A:67:ARG:HD3	16	0.31
(1,54)	1:A:20:ARG:HG3	1:A:10:VAL:HA	16	0.31
(1,54)	1:A:7:ARG:HG2	1:A:10:VAL:HA	16	0.31
(1,54)	1:A:7:ARG:HG3	1:A:10:VAL:HA	16	0.31
(1,236)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:66:LEU:H	13	0.31
(1,236)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:66:LEU:H	13	0.31
(1,236)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:66:LEU:H	13	0.31
(1,1618)	1:A:58:ILE:HG12	1:A:59:ARG:HD2	14	0.31
(1,1618)	1:A:58:ILE:HG12	1:A:59:ARG:HD3	14	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1369)	1:A:71:GLU:HG2	1:A:72:MET:H	21	0.31
(1,1220)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:62:ARG:HD2	26	0.31
(1,1220)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:62:ARG:HD2	26	0.31
(1,1220)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:62:ARG:HD2	26	0.31
(1,1018)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:29:SER:HB2	14	0.31
(1,1018)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:29:SER:HB2	14	0.31
(1,1018)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:29:SER:HB2	14	0.31
(1,994)	1:A:33:ASP:HA	1:A:34:LEU:HD21	17	0.3
(1,994)	1:A:33:ASP:HA	1:A:34:LEU:HD22	17	0.3
(1,994)	1:A:33:ASP:HA	1:A:34:LEU:HD23	17	0.3
(1,845)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HB2	3	0.3
(1,845)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HB3	3	0.3
(1,60)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:74:SER:HB2	14	0.3
(1,60)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:74:SER:HB2	14	0.3
(1,60)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:74:SER:HB2	14	0.3
(1,60)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:31:LEU:HA	14	0.3
(1,60)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:31:LEU:HA	14	0.3
(1,60)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:31:LEU:HA	14	0.3
(1,475)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:20:ARG:HB2	19	0.3
(1,475)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:20:ARG:HB2	19	0.3
(1,475)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:20:ARG:HB2	19	0.3
(1,469)	1:A:17:LEU:HD11	1:A:16:ILE:H	16	0.3
(1,469)	1:A:17:LEU:HD12	1:A:16:ILE:H	16	0.3
(1,469)	1:A:17:LEU:HD13	1:A:16:ILE:H	16	0.3
(1,1618)	1:A:58:ILE:HG12	1:A:59:ARG:HD2	9	0.3
(1,1618)	1:A:58:ILE:HG12	1:A:59:ARG:HD3	9	0.3
(1,1542)	1:A:44:VAL:HG21	1:A:40:MET:HB2	18	0.3
(1,1542)	1:A:44:VAL:HG22	1:A:40:MET:HB2	18	0.3
(1,1542)	1:A:44:VAL:HG23	1:A:40:MET:HB2	18	0.3
(1,1271)	1:A:62:ARG:HA	1:A:58:ILE:HG12	25	0.3
(1,1263)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:62:ARG:HB3	22	0.3
(1,1263)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:62:ARG:HB3	22	0.3
(1,1263)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:62:ARG:HB3	22	0.3
(1,1018)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:29:SER:HB2	26	0.3
(1,1018)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:29:SER:HB2	26	0.3
(1,1018)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:29:SER:HB2	26	0.3
(1,668)	1:A:49:GLU:HG2	1:A:46:GLN:HA	29	0.29
(1,1263)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:62:ARG:HB3	7	0.29
(1,1263)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:62:ARG:HB3	7	0.29
(1,1263)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:62:ARG:HB3	7	0.29
(1,1099)	1:A:40:MET:HG3	1:A:39:LEU:HD21	8	0.29
(1,1099)	1:A:40:MET:HG3	1:A:39:LEU:HD22	8	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1099)	1:A:40:MET:HG3	1:A:39:LEU:HD23	8	0.29
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:34:LEU:HA	5	0.29
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:34:LEU:HA	5	0.29
(1,1019)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:34:LEU:HA	5	0.29
(1,994)	1:A:33:ASP:HA	1:A:34:LEU:HD21	13	0.28
(1,994)	1:A:33:ASP:HA	1:A:34:LEU:HD22	13	0.28
(1,994)	1:A:33:ASP:HA	1:A:34:LEU:HD23	13	0.28
(1,994)	1:A:33:ASP:HA	1:A:34:LEU:HD21	14	0.28
(1,994)	1:A:33:ASP:HA	1:A:34:LEU:HD22	14	0.28
(1,994)	1:A:33:ASP:HA	1:A:34:LEU:HD23	14	0.28
(1,845)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HB2	30	0.28
(1,845)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HB3	30	0.28
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:46:GLN:HG2	4	0.28
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:46:GLN:HG2	4	0.28
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:46:GLN:HG2	4	0.28
(1,1018)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:29:SER:HB2	24	0.28
(1,1018)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:29:SER:HB2	24	0.28
(1,1018)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:29:SER:HB2	24	0.28
(1,787)	1:A:51:GLU:HB3	1:A:6:GLN:HE21	26	0.27
(1,549)	1:A:72:MET:HB2	1:A:72:MET:H	18	0.27
(1,502)	1:A:19:ILE:HD11	1:A:25:ILE:HG13	24	0.27
(1,502)	1:A:19:ILE:HD12	1:A:25:ILE:HG13	24	0.27
(1,502)	1:A:19:ILE:HD13	1:A:25:ILE:HG13	24	0.27
(1,1584)	1:A:59:ARG:HG3	1:A:58:ILE:H	22	0.27
(1,1548)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:21:ASP:HB2	25	0.27
(1,1548)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:21:ASP:HB2	25	0.27
(1,1548)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:21:ASP:HB2	25	0.27
(1,1540)	1:A:44:VAL:HG21	1:A:40:MET:HA	18	0.27
(1,1540)	1:A:44:VAL:HG22	1:A:40:MET:HA	18	0.27
(1,1540)	1:A:44:VAL:HG23	1:A:40:MET:HA	18	0.27
(1,1180)	1:A:55:VAL:HG21	1:A:53:ASP:HA	1	0.27
(1,1180)	1:A:55:VAL:HG22	1:A:53:ASP:HA	1	0.27
(1,1180)	1:A:55:VAL:HG23	1:A:53:ASP:HA	1	0.27
(1,994)	1:A:33:ASP:HA	1:A:34:LEU:HD21	24	0.26
(1,994)	1:A:33:ASP:HA	1:A:34:LEU:HD22	24	0.26
(1,994)	1:A:33:ASP:HA	1:A:34:LEU:HD23	24	0.26
(1,549)	1:A:72:MET:HB2	1:A:72:MET:H	6	0.26
(1,1643)	1:A:9:LEU:HD11	1:A:72:MET:H	13	0.26
(1,1643)	1:A:9:LEU:HD12	1:A:72:MET:H	13	0.26
(1,1643)	1:A:9:LEU:HD13	1:A:72:MET:H	13	0.26
(1,1584)	1:A:59:ARG:HG3	1:A:58:ILE:H	1	0.26
(1,1575)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:13:VAL:H	11	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1575)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:13:VAL:H	11	0.26
(1,1575)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:13:VAL:H	11	0.26
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:26:ASN:HB3	24	0.26
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:26:ASN:HB3	24	0.26
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:26:ASN:HB3	24	0.26
(1,111)	1:A:55:VAL:HG21	1:A:49:GLU:HG3	25	0.26
(1,111)	1:A:55:VAL:HG22	1:A:49:GLU:HG3	25	0.26
(1,111)	1:A:55:VAL:HG23	1:A:49:GLU:HG3	25	0.26
(1,1091)	1:A:39:LEU:HD11	1:A:39:LEU:HA	8	0.26
(1,1091)	1:A:39:LEU:HD12	1:A:39:LEU:HA	8	0.26
(1,1091)	1:A:39:LEU:HD13	1:A:39:LEU:HA	8	0.26
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:HB2	29	0.26
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:HB2	29	0.26
(1,1020)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:HB2	29	0.26
(1,845)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HB2	24	0.25
(1,845)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HB3	24	0.25
(1,845)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HB2	28	0.25
(1,845)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HB3	28	0.25
(1,798)	1:A:51:GLU:HG2	1:A:50:ARG:HG2	15	0.25
(1,798)	1:A:51:GLU:HG3	1:A:50:ARG:HG2	15	0.25
(1,60)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:74:SER:HB2	23	0.25
(1,60)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:74:SER:HB2	23	0.25
(1,60)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:74:SER:HB2	23	0.25
(1,60)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:31:LEU:HA	23	0.25
(1,60)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:31:LEU:HA	23	0.25
(1,60)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:31:LEU:HA	23	0.25
(1,475)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:20:ARG:HB2	1	0.25
(1,475)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:20:ARG:HB2	1	0.25
(1,475)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:20:ARG:HB2	1	0.25
(1,1271)	1:A:62:ARG:HA	1:A:58:ILE:HG12	29	0.25
(1,994)	1:A:33:ASP:HA	1:A:34:LEU:HD21	26	0.24
(1,994)	1:A:33:ASP:HA	1:A:34:LEU:HD22	26	0.24
(1,994)	1:A:33:ASP:HA	1:A:34:LEU:HD23	26	0.24
(1,787)	1:A:51:GLU:HB3	1:A:6:GLN:HE21	15	0.24
(1,779)	1:A:52:HIS:HB2	1:A:6:GLN:HE21	11	0.24
(1,778)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:6:GLN:HE21	17	0.24
(1,664)	1:A:49:GLU:HG2	1:A:55:VAL:HG21	15	0.24
(1,664)	1:A:49:GLU:HG2	1:A:55:VAL:HG22	15	0.24
(1,664)	1:A:49:GLU:HG2	1:A:55:VAL:HG23	15	0.24
(1,506)	1:A:19:ILE:HD11	1:A:18:GLY:HA2	15	0.24
(1,506)	1:A:19:ILE:HD12	1:A:18:GLY:HA2	15	0.24
(1,506)	1:A:19:ILE:HD13	1:A:18:GLY:HA2	15	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1698)	1:A:38:SER:H	1:A:39:LEU:H	22	0.24
(1,1642)	1:A:9:LEU:HD11	1:A:6:GLN:HE21	7	0.24
(1,1642)	1:A:9:LEU:HD12	1:A:6:GLN:HE21	7	0.24
(1,1642)	1:A:9:LEU:HD13	1:A:6:GLN:HE21	7	0.24
(1,54)	1:A:20:ARG:HG3	1:A:67:ARG:HD3	18	0.23
(1,54)	1:A:20:ARG:HG3	1:A:10:VAL:HA	18	0.23
(1,54)	1:A:7:ARG:HG2	1:A:10:VAL:HA	18	0.23
(1,54)	1:A:7:ARG:HG3	1:A:10:VAL:HA	18	0.23
(1,475)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:20:ARG:HB2	3	0.23
(1,475)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:20:ARG:HB2	3	0.23
(1,475)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:20:ARG:HB2	3	0.23
(1,475)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:20:ARG:HB2	15	0.23
(1,475)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:20:ARG:HB2	15	0.23
(1,475)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:20:ARG:HB2	15	0.23
(1,475)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:20:ARG:HB2	26	0.23
(1,475)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:20:ARG:HB2	26	0.23
(1,475)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:20:ARG:HB2	26	0.23
(1,177)	1:A:22:LEU:HD11	1:A:24:GLY:HA2	2	0.23
(1,177)	1:A:22:LEU:HD12	1:A:24:GLY:HA2	2	0.23
(1,177)	1:A:22:LEU:HD13	1:A:24:GLY:HA2	2	0.23
(1,1303)	1:A:64:LEU:HB2	1:A:31:LEU:HB3	15	0.23
(1,1263)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:62:ARG:HB3	21	0.23
(1,1263)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:62:ARG:HB3	21	0.23
(1,1263)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:62:ARG:HB3	21	0.23
(1,1133)	1:A:53:ASP:HA	1:A:53:ASP:H	12	0.23
(1,1082)	1:A:39:LEU:HB3	1:A:39:LEU:H	17	0.23
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:H	26	0.23
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:H	26	0.23
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:H	26	0.23
(1,774)	1:A:6:GLN:HA	1:A:6:GLN:HG3	16	0.22
(1,700)	1:A:59:ARG:HA	1:A:62:ARG:HD2	30	0.22
(1,502)	1:A:19:ILE:HD11	1:A:25:ILE:HG13	7	0.22
(1,502)	1:A:19:ILE:HD12	1:A:25:ILE:HG13	7	0.22
(1,502)	1:A:19:ILE:HD13	1:A:25:ILE:HG13	7	0.22
(1,394)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:25:ILE:HG13	9	0.22
(1,394)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:25:ILE:HG13	9	0.22
(1,394)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:25:ILE:HG13	9	0.22
(1,1618)	1:A:58:ILE:HG12	1:A:59:ARG:HD2	12	0.22
(1,1618)	1:A:58:ILE:HG12	1:A:59:ARG:HD3	12	0.22
(1,1303)	1:A:64:LEU:HB2	1:A:31:LEU:HB3	18	0.22
(1,1271)	1:A:62:ARG:HA	1:A:58:ILE:HG12	14	0.22
(1,994)	1:A:33:ASP:HA	1:A:34:LEU:HD21	20	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,994)	1:A:33:ASP:HA	1:A:34:LEU:HD22	20	0.21
(1,994)	1:A:33:ASP:HA	1:A:34:LEU:HD23	20	0.21
(1,952)	1:A:11:LYS:HG2	1:A:11:LYS:H	8	0.21
(1,844)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:11:LYS:HB2	18	0.21
(1,844)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:11:LYS:HB3	18	0.21
(1,475)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:20:ARG:HB2	13	0.21
(1,475)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:20:ARG:HB2	13	0.21
(1,475)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:20:ARG:HB2	13	0.21
(1,475)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:20:ARG:HB2	14	0.21
(1,475)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:20:ARG:HB2	14	0.21
(1,475)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:20:ARG:HB2	14	0.21
(1,394)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:25:ILE:HG13	4	0.21
(1,394)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:25:ILE:HG13	4	0.21
(1,394)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:25:ILE:HG13	4	0.21
(1,323)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:45:ARG:HG2	1	0.21
(1,323)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:45:ARG:HG2	3	0.21
(1,323)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:45:ARG:HG2	8	0.21
(1,323)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:45:ARG:HG2	13	0.21
(1,323)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:45:ARG:HG2	16	0.21
(1,323)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:45:ARG:HG2	24	0.21
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD11	17	0.21
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD12	17	0.21
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD13	17	0.21
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD11	26	0.21
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD12	26	0.21
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD13	26	0.21
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:29:SER:HA	28	0.21
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:29:SER:HA	28	0.21
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:29:SER:HA	28	0.21
(1,1327)	1:A:68:LYS:HD2	1:A:71:GLU:HB2	11	0.21
(1,1327)	1:A:68:LYS:HD3	1:A:71:GLU:HB2	11	0.21
(1,1302)	1:A:64:LEU:HB3	1:A:31:LEU:HB3	5	0.21
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB1	16	0.21
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB2	16	0.21
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB3	16	0.21
(1,1049)	1:A:36:LEU:HD21	1:A:40:MET:HB3	9	0.21
(1,1049)	1:A:36:LEU:HD22	1:A:40:MET:HB3	9	0.21
(1,1049)	1:A:36:LEU:HD23	1:A:40:MET:HB3	9	0.21
(1,1018)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:29:SER:HB2	17	0.21
(1,1018)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:29:SER:HB2	17	0.21
(1,1018)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:29:SER:HB2	17	0.21
(1,1018)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:29:SER:HB2	19	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1018)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:29:SER:HB2	19	0.21
(1,1018)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:29:SER:HB2	19	0.21
(1,1018)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:29:SER:HB2	28	0.21
(1,1018)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:29:SER:HB2	28	0.21
(1,1018)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:29:SER:HB2	28	0.21
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD11	1:A:31:LEU:HA	19	0.21
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD12	1:A:31:LEU:HA	19	0.21
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD13	1:A:31:LEU:HA	19	0.21
(1,927)	1:A:57:PRO:HG3	1:A:56:LEU:HD21	20	0.2
(1,927)	1:A:57:PRO:HG3	1:A:56:LEU:HD22	20	0.2
(1,927)	1:A:57:PRO:HG3	1:A:56:LEU:HD23	20	0.2
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:23:ALA:HA	1	0.2
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:25:ILE:HA	1	0.2
(1,664)	1:A:49:GLU:HG2	1:A:55:VAL:HG21	25	0.2
(1,664)	1:A:49:GLU:HG2	1:A:55:VAL:HG22	25	0.2
(1,664)	1:A:49:GLU:HG2	1:A:55:VAL:HG23	25	0.2
(1,506)	1:A:19:ILE:HD11	1:A:18:GLY:HA2	26	0.2
(1,506)	1:A:19:ILE:HD12	1:A:18:GLY:HA2	26	0.2
(1,506)	1:A:19:ILE:HD13	1:A:18:GLY:HA2	26	0.2
(1,475)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:20:ARG:HB2	2	0.2
(1,475)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:20:ARG:HB2	2	0.2
(1,475)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:20:ARG:HB2	2	0.2
(1,475)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:20:ARG:HB2	8	0.2
(1,475)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:20:ARG:HB2	8	0.2
(1,475)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:20:ARG:HB2	8	0.2
(1,475)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:20:ARG:HB2	22	0.2
(1,475)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:20:ARG:HB2	22	0.2
(1,475)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:20:ARG:HB2	22	0.2
(1,323)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:45:ARG:HG2	4	0.2
(1,323)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:45:ARG:HG2	5	0.2
(1,323)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:45:ARG:HG2	6	0.2
(1,323)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:45:ARG:HG2	7	0.2
(1,323)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:45:ARG:HG2	9	0.2
(1,323)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:45:ARG:HG2	11	0.2
(1,323)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:45:ARG:HG2	12	0.2
(1,323)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:45:ARG:HG2	20	0.2
(1,323)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:45:ARG:HG2	21	0.2
(1,323)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:45:ARG:HG2	23	0.2
(1,323)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:45:ARG:HG2	26	0.2
(1,323)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:45:ARG:HG2	27	0.2
(1,323)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:45:ARG:HG2	29	0.2
(1,323)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:45:ARG:HG2	30	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD11	11	0.2
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD12	11	0.2
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD13	11	0.2
(1,192)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HD21	24	0.2
(1,192)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HD22	24	0.2
(1,192)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HD23	24	0.2
(1,1618)	1:A:58:ILE:HG12	1:A:59:ARG:HD2	19	0.2
(1,1618)	1:A:58:ILE:HG12	1:A:59:ARG:HD3	19	0.2
(1,1584)	1:A:59:ARG:HG3	1:A:58:ILE:H	15	0.2
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:26:ASN:HB3	27	0.2
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:26:ASN:HB3	27	0.2
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:26:ASN:HB3	27	0.2
(1,1548)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:21:ASP:HB2	1	0.2
(1,1548)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:21:ASP:HB2	1	0.2
(1,1548)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:21:ASP:HB2	1	0.2
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:46:GLN:HG2	20	0.2
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:46:GLN:HG2	20	0.2
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:46:GLN:HG2	20	0.2
(1,1415)	1:A:42:VAL:HG11	1:A:46:GLN:HE21	6	0.2
(1,1415)	1:A:42:VAL:HG12	1:A:46:GLN:HE21	6	0.2
(1,1415)	1:A:42:VAL:HG13	1:A:46:GLN:HE21	6	0.2
(1,1369)	1:A:71:GLU:HG2	1:A:72:MET:H	12	0.2
(1,1354)	1:A:69:LEU:HD21	1:A:67:ARG:HD3	9	0.2
(1,1354)	1:A:69:LEU:HD22	1:A:67:ARG:HD3	9	0.2
(1,1354)	1:A:69:LEU:HD23	1:A:67:ARG:HD3	9	0.2
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB1	13	0.2
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB2	13	0.2
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB3	13	0.2
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB1	17	0.2
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB2	17	0.2
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB3	17	0.2
(1,1037)	1:A:36:LEU:HB3	1:A:40:MET:HA	5	0.2
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:H	17	0.2
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:H	17	0.2
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:H	17	0.2
(1,1018)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:29:SER:HB2	29	0.2
(1,1018)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:29:SER:HB2	29	0.2
(1,1018)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:29:SER:HB2	29	0.2
(1,700)	1:A:59:ARG:HA	1:A:62:ARG:HD2	27	0.19
(1,571)	1:A:43:GLU:HB3	1:A:44:VAL:HG21	18	0.19
(1,571)	1:A:43:GLU:HB3	1:A:44:VAL:HG22	18	0.19
(1,571)	1:A:43:GLU:HB3	1:A:44:VAL:HG23	18	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,323)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:45:ARG:HG2	2	0.19
(1,323)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:45:ARG:HG2	10	0.19
(1,323)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:45:ARG:HG2	15	0.19
(1,323)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:45:ARG:HG2	18	0.19
(1,323)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:45:ARG:HG2	19	0.19
(1,323)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:45:ARG:HG2	22	0.19
(1,323)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:45:ARG:HG2	25	0.19
(1,323)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:45:ARG:HG2	28	0.19
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:74:SER:H	6	0.19
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:69:LEU:H	6	0.19
(1,1618)	1:A:58:ILE:HG12	1:A:59:ARG:HD2	16	0.19
(1,1618)	1:A:58:ILE:HG12	1:A:59:ARG:HD3	16	0.19
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:46:GLN:HG2	21	0.19
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:46:GLN:HG2	21	0.19
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:46:GLN:HG2	21	0.19
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB1	15	0.19
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB2	15	0.19
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB3	15	0.19
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB1	20	0.19
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB2	20	0.19
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB3	20	0.19
(1,994)	1:A:33:ASP:HA	1:A:34:LEU:HD21	29	0.18
(1,994)	1:A:33:ASP:HA	1:A:34:LEU:HD22	29	0.18
(1,994)	1:A:33:ASP:HA	1:A:34:LEU:HD23	29	0.18
(1,972)	1:A:27:LEU:HD21	1:A:70:GLN:HE21	2	0.18
(1,972)	1:A:27:LEU:HD22	1:A:70:GLN:HE21	2	0.18
(1,972)	1:A:27:LEU:HD23	1:A:70:GLN:HE21	2	0.18
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:23:ALA:HA	14	0.18
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:25:ILE:HA	14	0.18
(1,779)	1:A:52:HIS:HB2	1:A:6:GLN:HE21	7	0.18
(1,668)	1:A:49:GLU:HG2	1:A:46:GLN:HA	19	0.18
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD11	22	0.18
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD12	22	0.18
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD13	22	0.18
(1,394)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:25:ILE:HG13	29	0.18
(1,394)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:25:ILE:HG13	29	0.18
(1,394)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:25:ILE:HG13	29	0.18
(1,38)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:32:ALA:HA	24	0.18
(1,38)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:32:ALA:HA	24	0.18
(1,38)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:32:ALA:HA	24	0.18
(1,38)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:50:ARG:HA	24	0.18
(1,38)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:50:ARG:HA	24	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,38)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:50:ARG:HA	24	0.18
(1,323)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:45:ARG:HG2	14	0.18
(1,323)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:45:ARG:HG2	17	0.18
(1,316)	1:A:40:MET:HB2	1:A:39:LEU:HD21	8	0.18
(1,316)	1:A:40:MET:HB2	1:A:39:LEU:HD22	8	0.18
(1,316)	1:A:40:MET:HB2	1:A:39:LEU:HD23	8	0.18
(1,1698)	1:A:38:SER:H	1:A:39:LEU:H	17	0.18
(1,1584)	1:A:59:ARG:HG3	1:A:58:ILE:H	13	0.18
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:70:GLN:HG3	3	0.18
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:70:GLN:HG3	3	0.18
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:70:GLN:HG3	3	0.18
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:46:GLN:HG2	24	0.18
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:46:GLN:HG2	24	0.18
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:46:GLN:HG2	24	0.18
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB1	18	0.18
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB2	18	0.18
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB3	18	0.18
(1,1071)	1:A:36:LEU:HG	1:A:38:SER:H	18	0.18
(1,851)	1:A:9:LEU:HA	1:A:9:LEU:HD21	13	0.17
(1,851)	1:A:9:LEU:HA	1:A:9:LEU:HD22	13	0.17
(1,851)	1:A:9:LEU:HA	1:A:9:LEU:HD23	13	0.17
(1,813)	1:A:65:THR:HG21	1:A:69:LEU:H	20	0.17
(1,813)	1:A:65:THR:HG22	1:A:69:LEU:H	20	0.17
(1,813)	1:A:65:THR:HG23	1:A:69:LEU:H	20	0.17
(1,813)	1:A:65:THR:HG21	1:A:69:LEU:H	22	0.17
(1,813)	1:A:65:THR:HG22	1:A:69:LEU:H	22	0.17
(1,813)	1:A:65:THR:HG23	1:A:69:LEU:H	22	0.17
(1,813)	1:A:65:THR:HG21	1:A:69:LEU:H	29	0.17
(1,813)	1:A:65:THR:HG22	1:A:69:LEU:H	29	0.17
(1,813)	1:A:65:THR:HG23	1:A:69:LEU:H	29	0.17
(1,662)	1:A:49:GLU:HA	1:A:46:GLN:HA	5	0.17
(1,662)	1:A:49:GLU:HA	1:A:46:GLN:HA	8	0.17
(1,549)	1:A:72:MET:HB2	1:A:72:MET:H	13	0.17
(1,475)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:20:ARG:HB2	5	0.17
(1,475)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:20:ARG:HB2	5	0.17
(1,475)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:20:ARG:HB2	5	0.17
(1,475)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:20:ARG:HB2	17	0.17
(1,475)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:20:ARG:HB2	17	0.17
(1,475)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:20:ARG:HB2	17	0.17
(1,240)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:34:LEU:HB2	5	0.17
(1,240)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:34:LEU:HB2	5	0.17
(1,240)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:34:LEU:HB2	5	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:74:SER:H	13	0.17
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:69:LEU:H	13	0.17
(1,177)	1:A:22:LEU:HD11	1:A:24:GLY:HA2	6	0.17
(1,177)	1:A:22:LEU:HD12	1:A:24:GLY:HA2	6	0.17
(1,177)	1:A:22:LEU:HD13	1:A:24:GLY:HA2	6	0.17
(1,171)	1:A:22:LEU:HG	1:A:21:ASP:HA	23	0.17
(1,1618)	1:A:58:ILE:HG12	1:A:59:ARG:HD2	17	0.17
(1,1618)	1:A:58:ILE:HG12	1:A:59:ARG:HD3	17	0.17
(1,1548)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:21:ASP:HB2	10	0.17
(1,1548)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:21:ASP:HB2	10	0.17
(1,1548)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:21:ASP:HB2	10	0.17
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:46:GLN:HG2	27	0.17
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:46:GLN:HG2	27	0.17
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:46:GLN:HG2	27	0.17
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB1	7	0.17
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB2	7	0.17
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB3	7	0.17
(1,1133)	1:A:53:ASP:HA	1:A:53:ASP:H	19	0.17
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:H	24	0.17
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:H	24	0.17
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:H	24	0.17
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD21	13	0.16
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD22	13	0.16
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD23	13	0.16
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:23:ALA:HA	9	0.16
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:25:ILE:HA	9	0.16
(1,813)	1:A:65:THR:HG21	1:A:69:LEU:H	2	0.16
(1,813)	1:A:65:THR:HG22	1:A:69:LEU:H	2	0.16
(1,813)	1:A:65:THR:HG23	1:A:69:LEU:H	2	0.16
(1,813)	1:A:65:THR:HG21	1:A:69:LEU:H	4	0.16
(1,813)	1:A:65:THR:HG22	1:A:69:LEU:H	4	0.16
(1,813)	1:A:65:THR:HG23	1:A:69:LEU:H	4	0.16
(1,813)	1:A:65:THR:HG21	1:A:69:LEU:H	8	0.16
(1,813)	1:A:65:THR:HG22	1:A:69:LEU:H	8	0.16
(1,813)	1:A:65:THR:HG23	1:A:69:LEU:H	8	0.16
(1,549)	1:A:72:MET:HB2	1:A:72:MET:H	24	0.16
(1,506)	1:A:19:ILE:HD11	1:A:18:GLY:HA2	24	0.16
(1,506)	1:A:19:ILE:HD12	1:A:18:GLY:HA2	24	0.16
(1,506)	1:A:19:ILE:HD13	1:A:18:GLY:HA2	24	0.16
(1,475)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:20:ARG:HB2	6	0.16
(1,475)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:20:ARG:HB2	6	0.16
(1,475)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:20:ARG:HB2	6	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,20)	1:A:66:LEU:HB3	1:A:19:ILE:HD11	14	0.16
(1,20)	1:A:66:LEU:HB3	1:A:19:ILE:HD12	14	0.16
(1,20)	1:A:66:LEU:HB3	1:A:19:ILE:HD13	14	0.16
(1,20)	1:A:66:LEU:HB3	1:A:69:LEU:HD21	14	0.16
(1,20)	1:A:66:LEU:HB3	1:A:69:LEU:HD22	14	0.16
(1,20)	1:A:66:LEU:HB3	1:A:69:LEU:HD23	14	0.16
(1,20)	1:A:66:LEU:HB3	1:A:27:LEU:HD21	14	0.16
(1,20)	1:A:66:LEU:HB3	1:A:27:LEU:HD22	14	0.16
(1,20)	1:A:66:LEU:HB3	1:A:27:LEU:HD23	14	0.16
(1,1415)	1:A:42:VAL:HG11	1:A:46:GLN:HE21	15	0.16
(1,1415)	1:A:42:VAL:HG12	1:A:46:GLN:HE21	15	0.16
(1,1415)	1:A:42:VAL:HG13	1:A:46:GLN:HE21	15	0.16
(1,1394)	1:A:44:VAL:HA	1:A:44:VAL:HG11	18	0.16
(1,1394)	1:A:44:VAL:HA	1:A:44:VAL:HG12	18	0.16
(1,1394)	1:A:44:VAL:HA	1:A:44:VAL:HG13	18	0.16
(1,1327)	1:A:68:LYS:HD2	1:A:71:GLU:HB2	6	0.16
(1,1327)	1:A:68:LYS:HD3	1:A:71:GLU:HB2	6	0.16
(1,1314)	1:A:64:LEU:HD21	1:A:68:LYS:HD2	12	0.16
(1,1314)	1:A:64:LEU:HD21	1:A:68:LYS:HD3	12	0.16
(1,1314)	1:A:64:LEU:HD22	1:A:68:LYS:HD2	12	0.16
(1,1314)	1:A:64:LEU:HD22	1:A:68:LYS:HD3	12	0.16
(1,1314)	1:A:64:LEU:HD23	1:A:68:LYS:HD2	12	0.16
(1,1314)	1:A:64:LEU:HD23	1:A:68:LYS:HD3	12	0.16
(1,851)	1:A:9:LEU:HA	1:A:9:LEU:HD21	6	0.15
(1,851)	1:A:9:LEU:HA	1:A:9:LEU:HD22	6	0.15
(1,851)	1:A:9:LEU:HA	1:A:9:LEU:HD23	6	0.15
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:23:ALA:HA	30	0.15
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:25:ILE:HA	30	0.15
(1,704)	1:A:59:ARG:HB2	1:A:59:ARG:H	9	0.15
(1,704)	1:A:59:ARG:HB2	1:A:59:ARG:H	12	0.15
(1,704)	1:A:59:ARG:HB2	1:A:59:ARG:H	14	0.15
(1,502)	1:A:19:ILE:HD11	1:A:25:ILE:HG13	9	0.15
(1,502)	1:A:19:ILE:HD12	1:A:25:ILE:HG13	9	0.15
(1,502)	1:A:19:ILE:HD13	1:A:25:ILE:HG13	9	0.15
(1,475)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:20:ARG:HB2	16	0.15
(1,475)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:20:ARG:HB2	16	0.15
(1,475)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:20:ARG:HB2	16	0.15
(1,394)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:25:ILE:HG13	6	0.15
(1,394)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:25:ILE:HG13	6	0.15
(1,394)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:25:ILE:HG13	6	0.15
(1,38)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:32:ALA:HA	20	0.15
(1,38)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:32:ALA:HA	20	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,38)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:32:ALA:HA	20	0.15
(1,38)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:50:ARG:HA	20	0.15
(1,38)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:50:ARG:HA	20	0.15
(1,38)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:50:ARG:HA	20	0.15
(1,1727)	1:A:86:LYS:H	1:A:85:PRO:HA	5	0.15
(1,1698)	1:A:38:SER:H	1:A:39:LEU:H	30	0.15
(1,1584)	1:A:59:ARG:HG3	1:A:58:ILE:H	16	0.15
(1,1569)	1:A:10:VAL:HG21	1:A:70:GLN:HB2	7	0.15
(1,1569)	1:A:10:VAL:HG21	1:A:70:GLN:HB3	7	0.15
(1,1569)	1:A:10:VAL:HG22	1:A:70:GLN:HB2	7	0.15
(1,1569)	1:A:10:VAL:HG22	1:A:70:GLN:HB3	7	0.15
(1,1569)	1:A:10:VAL:HG23	1:A:70:GLN:HB2	7	0.15
(1,1569)	1:A:10:VAL:HG23	1:A:70:GLN:HB3	7	0.15
(1,1327)	1:A:68:LYS:HD2	1:A:71:GLU:HB2	19	0.15
(1,1327)	1:A:68:LYS:HD3	1:A:71:GLU:HB2	19	0.15
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD11	1:A:51:GLU:HB2	18	0.15
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD12	1:A:51:GLU:HB2	18	0.15
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD13	1:A:51:GLU:HB2	18	0.15
(1,1091)	1:A:39:LEU:HD11	1:A:39:LEU:HA	12	0.15
(1,1091)	1:A:39:LEU:HD12	1:A:39:LEU:HA	12	0.15
(1,1091)	1:A:39:LEU:HD13	1:A:39:LEU:HA	12	0.15
(1,1061)	1:A:36:LEU:HD21	1:A:38:SER:H	7	0.15
(1,1061)	1:A:36:LEU:HD22	1:A:38:SER:H	7	0.15
(1,1061)	1:A:36:LEU:HD23	1:A:38:SER:H	7	0.15
(1,1037)	1:A:36:LEU:HB3	1:A:40:MET:HA	29	0.15
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:H	14	0.15
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:H	14	0.15
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:H	14	0.15
(1,845)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HB2	14	0.14
(1,845)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HB3	14	0.14
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:69:LEU:HD11	9	0.14
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:69:LEU:HD12	9	0.14
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:69:LEU:HD13	9	0.14
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:69:LEU:HD21	9	0.14
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:69:LEU:HD22	9	0.14
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:69:LEU:HD23	9	0.14
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:54:LEU:HD21	9	0.14
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:54:LEU:HD22	9	0.14
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:54:LEU:HD23	9	0.14
(1,813)	1:A:65:THR:HG21	1:A:69:LEU:H	6	0.14
(1,813)	1:A:65:THR:HG22	1:A:69:LEU:H	6	0.14
(1,813)	1:A:65:THR:HG23	1:A:69:LEU:H	6	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,704)	1:A:59:ARG:HB2	1:A:59:ARG:H	19	0.14
(1,475)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:20:ARG:HB2	18	0.14
(1,475)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:20:ARG:HB2	18	0.14
(1,475)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:20:ARG:HB2	18	0.14
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD11	6	0.14
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD12	6	0.14
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD13	6	0.14
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD11	7	0.14
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD12	7	0.14
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD13	7	0.14
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD11	21	0.14
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD12	21	0.14
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD13	21	0.14
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD11	30	0.14
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD12	30	0.14
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD13	30	0.14
(1,192)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HD21	20	0.14
(1,192)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HD22	20	0.14
(1,192)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HD23	20	0.14
(1,1584)	1:A:59:ARG:HG3	1:A:58:ILE:H	12	0.14
(1,1584)	1:A:59:ARG:HG3	1:A:58:ILE:H	23	0.14
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:65:THR:HA	14	0.14
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:65:THR:HA	14	0.14
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:65:THR:HA	14	0.14
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:65:THR:HA	18	0.14
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:65:THR:HA	18	0.14
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:65:THR:HA	18	0.14
(1,1497)	1:A:65:THR:HG21	1:A:63:GLN:HB2	13	0.14
(1,1497)	1:A:65:THR:HG22	1:A:63:GLN:HB2	13	0.14
(1,1497)	1:A:65:THR:HG23	1:A:63:GLN:HB2	13	0.14
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:19:ILE:HB	9	0.14
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:19:ILE:HB	9	0.14
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:19:ILE:HB	9	0.14
(1,1376)	1:A:12:ALA:HB1	1:A:7:ARG:HD2	5	0.14
(1,1376)	1:A:12:ALA:HB1	1:A:7:ARG:HD3	5	0.14
(1,1376)	1:A:12:ALA:HB2	1:A:7:ARG:HD2	5	0.14
(1,1376)	1:A:12:ALA:HB2	1:A:7:ARG:HD3	5	0.14
(1,1376)	1:A:12:ALA:HB3	1:A:7:ARG:HD2	5	0.14
(1,1376)	1:A:12:ALA:HB3	1:A:7:ARG:HD3	5	0.14
(1,1369)	1:A:71:GLU:HG2	1:A:72:MET:H	7	0.14
(1,1327)	1:A:68:LYS:HD2	1:A:71:GLU:HB2	18	0.14
(1,1327)	1:A:68:LYS:HD3	1:A:71:GLU:HB2	18	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1308)	1:A:64:LEU:HA	1:A:63:GLN:HE21	16	0.14
(1,1263)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:62:ARG:HB3	4	0.14
(1,1263)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:62:ARG:HB3	4	0.14
(1,1263)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:62:ARG:HB3	4	0.14
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD21	17	0.14
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD22	17	0.14
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD23	17	0.14
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD21	26	0.14
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD22	26	0.14
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD23	26	0.14
(1,1061)	1:A:36:LEU:HD21	1:A:38:SER:H	11	0.14
(1,1061)	1:A:36:LEU:HD22	1:A:38:SER:H	11	0.14
(1,1061)	1:A:36:LEU:HD23	1:A:38:SER:H	11	0.14
(1,1037)	1:A:36:LEU:HB3	1:A:40:MET:HA	21	0.14
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:H	20	0.14
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:H	20	0.14
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:H	20	0.14
(1,9)	1:A:16:ILE:HG21	1:A:43:GLU:H	23	0.13
(1,9)	1:A:16:ILE:HG22	1:A:43:GLU:H	23	0.13
(1,9)	1:A:16:ILE:HG23	1:A:43:GLU:H	23	0.13
(1,9)	1:A:16:ILE:HG21	1:A:42:VAL:H	23	0.13
(1,9)	1:A:16:ILE:HG22	1:A:42:VAL:H	23	0.13
(1,9)	1:A:16:ILE:HG23	1:A:42:VAL:H	23	0.13
(1,9)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:50:ARG:HE	23	0.13
(1,9)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:50:ARG:HE	23	0.13
(1,9)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:50:ARG:HE	23	0.13
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:23:ALA:HA	12	0.13
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:25:ILE:HA	12	0.13
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:23:ALA:HA	18	0.13
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:25:ILE:HA	18	0.13
(1,813)	1:A:65:THR:HG21	1:A:69:LEU:H	1	0.13
(1,813)	1:A:65:THR:HG22	1:A:69:LEU:H	1	0.13
(1,813)	1:A:65:THR:HG23	1:A:69:LEU:H	1	0.13
(1,813)	1:A:65:THR:HG21	1:A:69:LEU:H	3	0.13
(1,813)	1:A:65:THR:HG22	1:A:69:LEU:H	3	0.13
(1,813)	1:A:65:THR:HG23	1:A:69:LEU:H	3	0.13
(1,813)	1:A:65:THR:HG21	1:A:69:LEU:H	5	0.13
(1,813)	1:A:65:THR:HG22	1:A:69:LEU:H	5	0.13
(1,813)	1:A:65:THR:HG23	1:A:69:LEU:H	5	0.13
(1,813)	1:A:65:THR:HG21	1:A:69:LEU:H	7	0.13
(1,813)	1:A:65:THR:HG22	1:A:69:LEU:H	7	0.13
(1,813)	1:A:65:THR:HG23	1:A:69:LEU:H	7	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,813)	1:A:65:THR:HG21	1:A:69:LEU:H	28	0.13
(1,813)	1:A:65:THR:HG22	1:A:69:LEU:H	28	0.13
(1,813)	1:A:65:THR:HG23	1:A:69:LEU:H	28	0.13
(1,72)	1:A:48:LEU:HD11	1:A:6:GLN:HE21	30	0.13
(1,72)	1:A:48:LEU:HD12	1:A:6:GLN:HE21	30	0.13
(1,72)	1:A:48:LEU:HD13	1:A:6:GLN:HE21	30	0.13
(1,72)	1:A:9:LEU:HD21	1:A:6:GLN:HE21	30	0.13
(1,72)	1:A:9:LEU:HD22	1:A:6:GLN:HE21	30	0.13
(1,72)	1:A:9:LEU:HD23	1:A:6:GLN:HE21	30	0.13
(1,549)	1:A:72:MET:HB2	1:A:72:MET:H	8	0.13
(1,54)	1:A:20:ARG:HG3	1:A:67:ARG:HD3	25	0.13
(1,54)	1:A:20:ARG:HG3	1:A:10:VAL:HA	25	0.13
(1,54)	1:A:7:ARG:HG2	1:A:10:VAL:HA	25	0.13
(1,54)	1:A:7:ARG:HG3	1:A:10:VAL:HA	25	0.13
(1,479)	1:A:23:ALA:HA	1:A:21:ASP:HA	19	0.13
(1,469)	1:A:17:LEU:HD11	1:A:16:ILE:H	7	0.13
(1,469)	1:A:17:LEU:HD12	1:A:16:ILE:H	7	0.13
(1,469)	1:A:17:LEU:HD13	1:A:16:ILE:H	7	0.13
(1,291)	1:A:17:LEU:HG	1:A:17:LEU:H	7	0.13
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD11	12	0.13
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD12	12	0.13
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD13	12	0.13
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD11	29	0.13
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD12	29	0.13
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD13	29	0.13
(1,213)	1:A:30:SER:HB3	1:A:33:ASP:HA	27	0.13
(1,1727)	1:A:86:LYS:H	1:A:85:PRO:HA	22	0.13
(1,1638)	1:A:57:PRO:HB3	1:A:59:ARG:HB2	9	0.13
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:19:ILE:HB	1	0.13
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:19:ILE:HB	1	0.13
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:19:ILE:HB	1	0.13
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:19:ILE:HB	4	0.13
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:19:ILE:HB	4	0.13
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:19:ILE:HB	4	0.13
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:19:ILE:HB	12	0.13
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:19:ILE:HB	12	0.13
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:19:ILE:HB	12	0.13
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:19:ILE:HB	18	0.13
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:19:ILE:HB	18	0.13
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:19:ILE:HB	18	0.13
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:19:ILE:HB	25	0.13
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:19:ILE:HB	25	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:19:ILE:HB	25	0.13
(1,1263)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:62:ARG:HB3	18	0.13
(1,1263)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:62:ARG:HB3	18	0.13
(1,1263)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:62:ARG:HB3	18	0.13
(1,1107)	1:A:48:LEU:HA	1:A:52:HIS:HB2	17	0.13
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG21	18	0.13
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG22	18	0.13
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG23	18	0.13
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG21	18	0.13
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG22	18	0.13
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG23	18	0.13
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG21	18	0.13
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG22	18	0.13
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG23	18	0.13
(1,1037)	1:A:36:LEU:HB3	1:A:40:MET:HA	6	0.13
(1,1037)	1:A:36:LEU:HB3	1:A:40:MET:HA	26	0.13
(1,1037)	1:A:36:LEU:HB3	1:A:40:MET:HA	27	0.13
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:31:LEU:HA	28	0.13
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:31:LEU:HA	28	0.13
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:31:LEU:HA	28	0.13
(1,972)	1:A:27:LEU:HD21	1:A:70:GLN:HE21	21	0.12
(1,972)	1:A:27:LEU:HD22	1:A:70:GLN:HE21	21	0.12
(1,972)	1:A:27:LEU:HD23	1:A:70:GLN:HE21	21	0.12
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:23:ALA:HA	25	0.12
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:25:ILE:HA	25	0.12
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:23:ALA:HA	26	0.12
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:25:ILE:HA	26	0.12
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:23:ALA:HA	28	0.12
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:25:ILE:HA	28	0.12
(1,813)	1:A:65:THR:HG21	1:A:69:LEU:H	10	0.12
(1,813)	1:A:65:THR:HG22	1:A:69:LEU:H	10	0.12
(1,813)	1:A:65:THR:HG23	1:A:69:LEU:H	10	0.12
(1,813)	1:A:65:THR:HG21	1:A:69:LEU:H	12	0.12
(1,813)	1:A:65:THR:HG22	1:A:69:LEU:H	12	0.12
(1,813)	1:A:65:THR:HG23	1:A:69:LEU:H	12	0.12
(1,778)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:6:GLN:HE21	22	0.12
(1,662)	1:A:49:GLU:HA	1:A:46:GLN:HA	10	0.12
(1,662)	1:A:49:GLU:HA	1:A:46:GLN:HA	18	0.12
(1,662)	1:A:49:GLU:HA	1:A:46:GLN:HA	21	0.12
(1,506)	1:A:19:ILE:HD11	1:A:18:GLY:HA2	12	0.12
(1,506)	1:A:19:ILE:HD12	1:A:18:GLY:HA2	12	0.12
(1,506)	1:A:19:ILE:HD13	1:A:18:GLY:HA2	12	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,391)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:21:ASP:HA	25	0.12
(1,391)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:21:ASP:HA	25	0.12
(1,391)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:21:ASP:HA	25	0.12
(1,38)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:32:ALA:HA	14	0.12
(1,38)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:32:ALA:HA	14	0.12
(1,38)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:32:ALA:HA	14	0.12
(1,38)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:50:ARG:HA	14	0.12
(1,38)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:50:ARG:HA	14	0.12
(1,38)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:50:ARG:HA	14	0.12
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD11	2	0.12
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD12	2	0.12
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD13	2	0.12
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD11	18	0.12
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD12	18	0.12
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD13	18	0.12
(1,239)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:62:ARG:HG3	9	0.12
(1,239)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:62:ARG:HG3	9	0.12
(1,239)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:62:ARG:HG3	9	0.12
(1,239)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:62:ARG:HG3	29	0.12
(1,239)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:62:ARG:HG3	29	0.12
(1,239)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:62:ARG:HG3	29	0.12
(1,192)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HD21	3	0.12
(1,192)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HD22	3	0.12
(1,192)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HD23	3	0.12
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:74:SER:H	18	0.12
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:69:LEU:H	18	0.12
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:70:GLN:HG3	7	0.12
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:70:GLN:HG3	7	0.12
(1,1581)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:70:GLN:HG3	7	0.12
(1,1569)	1:A:10:VAL:HG21	1:A:70:GLN:HB2	3	0.12
(1,1569)	1:A:10:VAL:HG21	1:A:70:GLN:HB3	3	0.12
(1,1569)	1:A:10:VAL:HG22	1:A:70:GLN:HB2	3	0.12
(1,1569)	1:A:10:VAL:HG22	1:A:70:GLN:HB3	3	0.12
(1,1569)	1:A:10:VAL:HG23	1:A:70:GLN:HB2	3	0.12
(1,1569)	1:A:10:VAL:HG23	1:A:70:GLN:HB3	3	0.12
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG21	1:A:45:ARG:HE	9	0.12
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG22	1:A:45:ARG:HE	9	0.12
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG23	1:A:45:ARG:HE	9	0.12
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:19:ILE:HB	21	0.12
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:19:ILE:HB	21	0.12
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:19:ILE:HB	21	0.12
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:19:ILE:HB	28	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:19:ILE:HB	28	0.12
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:19:ILE:HB	28	0.12
(1,1400)	1:A:44:VAL:HB	1:A:45:ARG:HE	18	0.12
(1,1369)	1:A:71:GLU:HG2	1:A:72:MET:H	5	0.12
(1,1327)	1:A:68:LYS:HD2	1:A:71:GLU:HB2	8	0.12
(1,1327)	1:A:68:LYS:HD3	1:A:71:GLU:HB2	8	0.12
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB1	5	0.12
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB2	5	0.12
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB3	5	0.12
(1,1263)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:62:ARG:HB3	20	0.12
(1,1263)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:62:ARG:HB3	20	0.12
(1,1263)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:62:ARG:HB3	20	0.12
(1,1091)	1:A:39:LEU:HD11	1:A:39:LEU:HA	27	0.12
(1,1091)	1:A:39:LEU:HD12	1:A:39:LEU:HA	27	0.12
(1,1091)	1:A:39:LEU:HD13	1:A:39:LEU:HA	27	0.12
(1,1037)	1:A:36:LEU:HB3	1:A:40:MET:HA	22	0.12
(1,1018)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:29:SER:HB2	3	0.12
(1,1018)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:29:SER:HB2	3	0.12
(1,1018)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:29:SER:HB2	3	0.12
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:31:LEU:HA	19	0.12
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:31:LEU:HA	19	0.12
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:31:LEU:HA	19	0.12
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:31:LEU:HA	21	0.12
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:31:LEU:HA	21	0.12
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:31:LEU:HA	21	0.12
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:31:LEU:HA	30	0.12
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:31:LEU:HA	30	0.12
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:31:LEU:HA	30	0.12
(1,1012)	1:A:34:LEU:HD11	1:A:31:LEU:H	19	0.12
(1,1012)	1:A:34:LEU:HD12	1:A:31:LEU:H	19	0.12
(1,1012)	1:A:34:LEU:HD13	1:A:31:LEU:H	19	0.12
(1,9)	1:A:16:ILE:HG21	1:A:43:GLU:H	4	0.11
(1,9)	1:A:16:ILE:HG22	1:A:43:GLU:H	4	0.11
(1,9)	1:A:16:ILE:HG23	1:A:43:GLU:H	4	0.11
(1,9)	1:A:16:ILE:HG21	1:A:42:VAL:H	4	0.11
(1,9)	1:A:16:ILE:HG22	1:A:42:VAL:H	4	0.11
(1,9)	1:A:16:ILE:HG23	1:A:42:VAL:H	4	0.11
(1,9)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:50:ARG:HE	4	0.11
(1,9)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:50:ARG:HE	4	0.11
(1,9)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:50:ARG:HE	4	0.11
(1,896)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:6:GLN:HE21	6	0.11
(1,896)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:6:GLN:HE21	6	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,896)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:6:GLN:HE21	6	0.11
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD21	8	0.11
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD22	8	0.11
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD23	8	0.11
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:23:ALA:HA	11	0.11
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:25:ILE:HA	11	0.11
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:23:ALA:HA	23	0.11
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:25:ILE:HA	23	0.11
(1,841)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:H	25	0.11
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:69:LEU:HD11	19	0.11
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:69:LEU:HD12	19	0.11
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:69:LEU:HD13	19	0.11
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:69:LEU:HD21	19	0.11
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:69:LEU:HD22	19	0.11
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:69:LEU:HD23	19	0.11
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:54:LEU:HD21	19	0.11
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:54:LEU:HD22	19	0.11
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:54:LEU:HD23	19	0.11
(1,813)	1:A:65:THR:HG21	1:A:69:LEU:H	27	0.11
(1,813)	1:A:65:THR:HG22	1:A:69:LEU:H	27	0.11
(1,813)	1:A:65:THR:HG23	1:A:69:LEU:H	27	0.11
(1,806)	1:A:65:THR:HG21	1:A:67:ARG:HB2	2	0.11
(1,806)	1:A:65:THR:HG21	1:A:67:ARG:HB3	2	0.11
(1,806)	1:A:65:THR:HG22	1:A:67:ARG:HB2	2	0.11
(1,806)	1:A:65:THR:HG22	1:A:67:ARG:HB3	2	0.11
(1,806)	1:A:65:THR:HG23	1:A:67:ARG:HB2	2	0.11
(1,806)	1:A:65:THR:HG23	1:A:67:ARG:HB3	2	0.11
(1,704)	1:A:59:ARG:HB2	1:A:59:ARG:H	7	0.11
(1,704)	1:A:59:ARG:HB2	1:A:59:ARG:H	15	0.11
(1,506)	1:A:19:ILE:HD11	1:A:18:GLY:HA2	28	0.11
(1,506)	1:A:19:ILE:HD12	1:A:18:GLY:HA2	28	0.11
(1,506)	1:A:19:ILE:HD13	1:A:18:GLY:HA2	28	0.11
(1,45)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:11:LYS:HE2	28	0.11
(1,45)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:11:LYS:HE3	28	0.11
(1,45)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:11:LYS:HE2	28	0.11
(1,45)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:11:LYS:HE3	28	0.11
(1,45)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:11:LYS:HE2	28	0.11
(1,45)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:11:LYS:HE3	28	0.11
(1,394)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:25:ILE:HG13	3	0.11
(1,394)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:25:ILE:HG13	3	0.11
(1,394)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:25:ILE:HG13	3	0.11
(1,391)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:21:ASP:HA	17	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,391)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:21:ASP:HA	17	0.11
(1,391)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:21:ASP:HA	17	0.11
(1,291)	1:A:17:LEU:HG	1:A:17:LEU:H	16	0.11
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD11	8	0.11
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD12	8	0.11
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD13	8	0.11
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD11	20	0.11
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD12	20	0.11
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD13	20	0.11
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD11	22	0.11
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD12	22	0.11
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD13	22	0.11
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD11	25	0.11
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD12	25	0.11
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD13	25	0.11
(1,213)	1:A:30:SER:HB3	1:A:33:ASP:HA	26	0.11
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:74:SER:H	12	0.11
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:69:LEU:H	12	0.11
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:74:SER:H	29	0.11
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:69:LEU:H	29	0.11
(1,177)	1:A:22:LEU:HD11	1:A:24:GLY:HA2	14	0.11
(1,177)	1:A:22:LEU:HD12	1:A:24:GLY:HA2	14	0.11
(1,177)	1:A:22:LEU:HD13	1:A:24:GLY:HA2	14	0.11
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG21	17	0.11
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG22	17	0.11
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG23	17	0.11
(1,171)	1:A:22:LEU:HG	1:A:21:ASP:HA	27	0.11
(1,1646)	1:A:9:LEU:HG	1:A:9:LEU:H	3	0.11
(1,1618)	1:A:58:ILE:HG12	1:A:59:ARG:HD2	20	0.11
(1,1618)	1:A:58:ILE:HG12	1:A:59:ARG:HD3	20	0.11
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:26:ASN:H	6	0.11
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:26:ASN:H	6	0.11
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:26:ASN:H	6	0.11
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:42:VAL:HA	11	0.11
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:42:VAL:HA	11	0.11
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:42:VAL:HA	11	0.11
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG21	1:A:45:ARG:HE	8	0.11
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG22	1:A:45:ARG:HE	8	0.11
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG23	1:A:45:ARG:HE	8	0.11
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG21	1:A:45:ARG:HE	15	0.11
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG22	1:A:45:ARG:HE	15	0.11
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG23	1:A:45:ARG:HE	15	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1525)	1:A:73:SER:HA	1:A:9:LEU:HD21	13	0.11
(1,1525)	1:A:73:SER:HA	1:A:9:LEU:HD22	13	0.11
(1,1525)	1:A:73:SER:HA	1:A:9:LEU:HD23	13	0.11
(1,1523)	1:A:73:SER:HA	1:A:70:GLN:H	3	0.11
(1,1523)	1:A:73:SER:HA	1:A:70:GLN:H	22	0.11
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD2	25	0.11
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD3	25	0.11
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD2	25	0.11
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD3	25	0.11
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD2	25	0.11
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD3	25	0.11
(1,1402)	1:A:42:VAL:HA	1:A:45:ARG:HB3	15	0.11
(1,1332)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:69:LEU:H	20	0.11
(1,1332)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:69:LEU:H	20	0.11
(1,1327)	1:A:68:LYS:HD2	1:A:71:GLU:HB2	15	0.11
(1,1327)	1:A:68:LYS:HD3	1:A:71:GLU:HB2	15	0.11
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB1	4	0.11
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB2	4	0.11
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB3	4	0.11
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB1	6	0.11
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB2	6	0.11
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB3	6	0.11
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB1	22	0.11
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB2	22	0.11
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB3	22	0.11
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB1	23	0.11
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB2	23	0.11
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB3	23	0.11
(1,1037)	1:A:36:LEU:HB3	1:A:40:MET:HA	2	0.11
(1,1037)	1:A:36:LEU:HB3	1:A:40:MET:HA	3	0.11
(1,1037)	1:A:36:LEU:HB3	1:A:40:MET:HA	28	0.11
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:31:LEU:HA	2	0.11
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:31:LEU:HA	2	0.11
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:31:LEU:HA	2	0.11
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:31:LEU:HA	15	0.11
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:31:LEU:HA	15	0.11
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:31:LEU:HA	15	0.11
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:31:LEU:HA	16	0.11
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:31:LEU:HA	16	0.11
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:31:LEU:HA	16	0.11
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:31:LEU:HA	17	0.11
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:31:LEU:HA	17	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:31:LEU:HA	17	0.11
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:31:LEU:HA	26	0.11
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:31:LEU:HA	26	0.11
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:31:LEU:HA	26	0.11
(1,896)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:6:GLN:HE21	14	0.1
(1,896)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:6:GLN:HE21	14	0.1
(1,896)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:6:GLN:HE21	14	0.1
(1,844)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:11:LYS:HB2	11	0.1
(1,844)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:11:LYS:HB3	11	0.1
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:9:LEU:HB3	5	0.1
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG2	5	0.1
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG3	5	0.1
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:9:LEU:HB3	21	0.1
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG2	21	0.1
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG3	21	0.1
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:9:LEU:HB3	29	0.1
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG2	29	0.1
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG3	29	0.1
(1,813)	1:A:65:THR:HG21	1:A:69:LEU:H	16	0.1
(1,813)	1:A:65:THR:HG22	1:A:69:LEU:H	16	0.1
(1,813)	1:A:65:THR:HG23	1:A:69:LEU:H	16	0.1
(1,704)	1:A:59:ARG:HB2	1:A:59:ARG:H	16	0.1
(1,704)	1:A:59:ARG:HB2	1:A:59:ARG:H	20	0.1
(1,704)	1:A:59:ARG:HB2	1:A:59:ARG:H	23	0.1
(1,704)	1:A:59:ARG:HB2	1:A:59:ARG:H	24	0.1
(1,704)	1:A:59:ARG:HB2	1:A:59:ARG:H	30	0.1
(1,549)	1:A:72:MET:HB2	1:A:72:MET:H	1	0.1
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB1	29	0.1
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB2	29	0.1
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB3	29	0.1
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB1	29	0.1
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB2	29	0.1
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB3	29	0.1
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB1	29	0.1
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB2	29	0.1
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB3	29	0.1
(1,506)	1:A:19:ILE:HD11	1:A:18:GLY:HA2	2	0.1
(1,506)	1:A:19:ILE:HD12	1:A:18:GLY:HA2	2	0.1
(1,506)	1:A:19:ILE:HD13	1:A:18:GLY:HA2	2	0.1
(1,506)	1:A:19:ILE:HD11	1:A:18:GLY:HA2	20	0.1
(1,506)	1:A:19:ILE:HD12	1:A:18:GLY:HA2	20	0.1
(1,506)	1:A:19:ILE:HD13	1:A:18:GLY:HA2	20	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,491)	1:A:27:LEU:HA	1:A:66:LEU:H	16	0.1
(1,479)	1:A:23:ALA:HA	1:A:21:ASP:HA	24	0.1
(1,475)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:20:ARG:HB2	4	0.1
(1,475)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:20:ARG:HB2	4	0.1
(1,475)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:20:ARG:HB2	4	0.1
(1,394)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:25:ILE:HG13	28	0.1
(1,394)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:25:ILE:HG13	28	0.1
(1,394)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:25:ILE:HG13	28	0.1
(1,391)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:21:ASP:HA	3	0.1
(1,391)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:21:ASP:HA	3	0.1
(1,391)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:21:ASP:HA	3	0.1
(1,391)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:21:ASP:HA	5	0.1
(1,391)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:21:ASP:HA	5	0.1
(1,391)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:21:ASP:HA	5	0.1
(1,38)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:32:ALA:HA	9	0.1
(1,38)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:32:ALA:HA	9	0.1
(1,38)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:32:ALA:HA	9	0.1
(1,38)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:50:ARG:HA	9	0.1
(1,38)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:50:ARG:HA	9	0.1
(1,38)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:50:ARG:HA	9	0.1
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD11	4	0.1
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD12	4	0.1
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD13	4	0.1
(1,239)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:62:ARG:HG3	25	0.1
(1,239)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:62:ARG:HG3	25	0.1
(1,239)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:62:ARG:HG3	25	0.1
(1,213)	1:A:30:SER:HB3	1:A:33:ASP:HA	11	0.1
(1,213)	1:A:30:SER:HB3	1:A:33:ASP:HA	19	0.1
(1,213)	1:A:30:SER:HB3	1:A:33:ASP:HA	28	0.1
(1,177)	1:A:22:LEU:HD11	1:A:24:GLY:HA2	13	0.1
(1,177)	1:A:22:LEU:HD12	1:A:24:GLY:HA2	13	0.1
(1,177)	1:A:22:LEU:HD13	1:A:24:GLY:HA2	13	0.1
(1,177)	1:A:22:LEU:HD11	1:A:24:GLY:HA2	16	0.1
(1,177)	1:A:22:LEU:HD12	1:A:24:GLY:HA2	16	0.1
(1,177)	1:A:22:LEU:HD13	1:A:24:GLY:HA2	16	0.1
(1,171)	1:A:22:LEU:HG	1:A:21:ASP:HA	24	0.1
(1,171)	1:A:22:LEU:HG	1:A:21:ASP:HA	28	0.1
(1,1701)	1:A:47:ILE:H	1:A:48:LEU:H	14	0.1
(1,1566)	1:A:68:LYS:HD2	1:A:64:LEU:H	13	0.1
(1,1566)	1:A:68:LYS:HD3	1:A:64:LEU:H	13	0.1
(1,1566)	1:A:68:LYS:HD2	1:A:64:LEU:H	13	0.1
(1,1566)	1:A:68:LYS:HD3	1:A:64:LEU:H	13	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:40:MET:HA	21	0.1
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:40:MET:HA	21	0.1
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:40:MET:HA	21	0.1
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG21	1:A:45:ARG:HE	11	0.1
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG22	1:A:45:ARG:HE	11	0.1
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG23	1:A:45:ARG:HE	11	0.1
(1,1523)	1:A:73:SER:HA	1:A:70:GLN:H	10	0.1
(1,1497)	1:A:65:THR:HG21	1:A:63:GLN:HB2	14	0.1
(1,1497)	1:A:65:THR:HG22	1:A:63:GLN:HB2	14	0.1
(1,1497)	1:A:65:THR:HG23	1:A:63:GLN:HB2	14	0.1
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:19:ILE:HB	10	0.1
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:19:ILE:HB	10	0.1
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:19:ILE:HB	10	0.1
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:19:ILE:HB	15	0.1
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:19:ILE:HB	15	0.1
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:19:ILE:HB	15	0.1
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:19:ILE:HB	16	0.1
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:19:ILE:HB	16	0.1
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:19:ILE:HB	16	0.1
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:19:ILE:HB	23	0.1
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:19:ILE:HB	23	0.1
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:19:ILE:HB	23	0.1
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:19:ILE:HB	27	0.1
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:19:ILE:HB	27	0.1
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:19:ILE:HB	27	0.1
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:19:ILE:HB	30	0.1
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:19:ILE:HB	30	0.1
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:19:ILE:HB	30	0.1
(1,1332)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:69:LEU:H	4	0.1
(1,1332)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:69:LEU:H	4	0.1
(1,1071)	1:A:36:LEU:HG	1:A:38:SER:H	13	0.1
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG21	23	0.1
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG22	23	0.1
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG23	23	0.1
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG21	23	0.1
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG22	23	0.1
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG23	23	0.1
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG21	23	0.1
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG22	23	0.1
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG23	23	0.1
(1,1037)	1:A:36:LEU:HB3	1:A:40:MET:HA	1	0.1
(1,1037)	1:A:36:LEU:HB3	1:A:40:MET:HA	4	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1037)	1:A:36:LEU:HB3	1:A:40:MET:HA	10	0.1
(1,1037)	1:A:36:LEU:HB3	1:A:40:MET:HA	12	0.1
(1,1037)	1:A:36:LEU:HB3	1:A:40:MET:HA	25	0.1
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:31:LEU:HA	4	0.1
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:31:LEU:HA	4	0.1
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:31:LEU:HA	4	0.1
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:31:LEU:HA	10	0.1
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:31:LEU:HA	10	0.1
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:31:LEU:HA	10	0.1
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:31:LEU:HA	29	0.1
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:31:LEU:HA	29	0.1
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:31:LEU:HA	29	0.1
(1,9)	1:A:16:ILE:HG21	1:A:43:GLU:H	10	0.09
(1,9)	1:A:16:ILE:HG22	1:A:43:GLU:H	10	0.09
(1,9)	1:A:16:ILE:HG23	1:A:43:GLU:H	10	0.09
(1,9)	1:A:16:ILE:HG21	1:A:42:VAL:H	10	0.09
(1,9)	1:A:16:ILE:HG22	1:A:42:VAL:H	10	0.09
(1,9)	1:A:16:ILE:HG23	1:A:42:VAL:H	10	0.09
(1,9)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:50:ARG:HE	10	0.09
(1,9)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:50:ARG:HE	10	0.09
(1,9)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:50:ARG:HE	10	0.09
(1,896)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:6:GLN:HE21	17	0.09
(1,896)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:6:GLN:HE21	17	0.09
(1,896)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:6:GLN:HE21	17	0.09
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:23:ALA:HA	4	0.09
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:25:ILE:HA	4	0.09
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:23:ALA:HA	6	0.09
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:25:ILE:HA	6	0.09
(1,844)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:11:LYS:HB2	15	0.09
(1,844)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:11:LYS:HB3	15	0.09
(1,813)	1:A:65:THR:HG21	1:A:69:LEU:H	17	0.09
(1,813)	1:A:65:THR:HG22	1:A:69:LEU:H	17	0.09
(1,813)	1:A:65:THR:HG23	1:A:69:LEU:H	17	0.09
(1,813)	1:A:65:THR:HG21	1:A:69:LEU:H	19	0.09
(1,813)	1:A:65:THR:HG22	1:A:69:LEU:H	19	0.09
(1,813)	1:A:65:THR:HG23	1:A:69:LEU:H	19	0.09
(1,813)	1:A:65:THR:HG21	1:A:69:LEU:H	24	0.09
(1,813)	1:A:65:THR:HG22	1:A:69:LEU:H	24	0.09
(1,813)	1:A:65:THR:HG23	1:A:69:LEU:H	24	0.09
(1,813)	1:A:65:THR:HG21	1:A:69:LEU:H	25	0.09
(1,813)	1:A:65:THR:HG22	1:A:69:LEU:H	25	0.09
(1,813)	1:A:65:THR:HG23	1:A:69:LEU:H	25	0.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,813)	1:A:65:THR:HG21	1:A:69:LEU:H	30	0.09
(1,813)	1:A:65:THR:HG22	1:A:69:LEU:H	30	0.09
(1,813)	1:A:65:THR:HG23	1:A:69:LEU:H	30	0.09
(1,704)	1:A:59:ARG:HB2	1:A:59:ARG:H	22	0.09
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD21	5	0.09
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD22	5	0.09
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD23	5	0.09
(1,662)	1:A:49:GLU:HA	1:A:46:GLN:HA	27	0.09
(1,568)	1:A:72:MET:HG2	1:A:69:LEU:HD21	11	0.09
(1,568)	1:A:72:MET:HG2	1:A:69:LEU:HD22	11	0.09
(1,568)	1:A:72:MET:HG2	1:A:69:LEU:HD23	11	0.09
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB1	16	0.09
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB2	16	0.09
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB3	16	0.09
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB1	16	0.09
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB2	16	0.09
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB3	16	0.09
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB1	16	0.09
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB2	16	0.09
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB3	16	0.09
(1,506)	1:A:19:ILE:HD11	1:A:18:GLY:HA2	9	0.09
(1,506)	1:A:19:ILE:HD12	1:A:18:GLY:HA2	9	0.09
(1,506)	1:A:19:ILE:HD13	1:A:18:GLY:HA2	9	0.09
(1,479)	1:A:23:ALA:HA	1:A:21:ASP:HA	8	0.09
(1,479)	1:A:23:ALA:HA	1:A:21:ASP:HA	10	0.09
(1,479)	1:A:23:ALA:HA	1:A:21:ASP:HA	27	0.09
(1,45)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:11:LYS:HE2	19	0.09
(1,45)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:11:LYS:HE3	19	0.09
(1,45)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:11:LYS:HE2	19	0.09
(1,45)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:11:LYS:HE3	19	0.09
(1,45)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:11:LYS:HE2	19	0.09
(1,45)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:11:LYS:HE3	19	0.09
(1,394)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:25:ILE:HG13	18	0.09
(1,394)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:25:ILE:HG13	18	0.09
(1,394)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:25:ILE:HG13	18	0.09
(1,391)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:21:ASP:HA	2	0.09
(1,391)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:21:ASP:HA	2	0.09
(1,391)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:21:ASP:HA	2	0.09
(1,391)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:21:ASP:HA	26	0.09
(1,391)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:21:ASP:HA	26	0.09
(1,391)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:21:ASP:HA	26	0.09
(1,38)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:32:ALA:HA	17	0.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,38)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:32:ALA:HA	17	0.09
(1,38)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:32:ALA:HA	17	0.09
(1,38)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:50:ARG:HA	17	0.09
(1,38)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:50:ARG:HA	17	0.09
(1,38)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:50:ARG:HA	17	0.09
(1,38)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:32:ALA:HA	19	0.09
(1,38)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:32:ALA:HA	19	0.09
(1,38)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:32:ALA:HA	19	0.09
(1,38)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:50:ARG:HA	19	0.09
(1,38)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:50:ARG:HA	19	0.09
(1,38)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:50:ARG:HA	19	0.09
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD11	10	0.09
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD12	10	0.09
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD13	10	0.09
(1,241)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:64:LEU:HG	3	0.09
(1,241)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:64:LEU:HG	3	0.09
(1,241)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:64:LEU:HG	3	0.09
(1,192)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HD21	26	0.09
(1,192)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HD22	26	0.09
(1,192)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HD23	26	0.09
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:74:SER:H	8	0.09
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:69:LEU:H	8	0.09
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:74:SER:H	25	0.09
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:69:LEU:H	25	0.09
(1,177)	1:A:22:LEU:HD11	1:A:24:GLY:HA2	30	0.09
(1,177)	1:A:22:LEU:HD12	1:A:24:GLY:HA2	30	0.09
(1,177)	1:A:22:LEU:HD13	1:A:24:GLY:HA2	30	0.09
(1,171)	1:A:22:LEU:HG	1:A:21:ASP:HA	11	0.09
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:9:LEU:HD21	3	0.09
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:9:LEU:HD22	3	0.09
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:9:LEU:HD23	3	0.09
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:9:LEU:HD21	3	0.09
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:9:LEU:HD22	3	0.09
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:9:LEU:HD23	3	0.09
(1,1595)	1:A:68:LYS:HB2	1:A:64:LEU:H	11	0.09
(1,1595)	1:A:68:LYS:HB3	1:A:64:LEU:H	11	0.09
(1,1595)	1:A:68:LYS:HB2	1:A:64:LEU:H	11	0.09
(1,1595)	1:A:68:LYS:HB3	1:A:64:LEU:H	11	0.09
(1,1584)	1:A:59:ARG:HG3	1:A:58:ILE:H	9	0.09
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:65:THR:HA	13	0.09
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:65:THR:HA	13	0.09
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:65:THR:HA	13	0.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:65:THR:HA	21	0.09
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:65:THR:HA	21	0.09
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:65:THR:HA	21	0.09
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:26:ASN:H	3	0.09
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:26:ASN:H	3	0.09
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:26:ASN:H	3	0.09
(1,1552)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:24:GLY:H	16	0.09
(1,1552)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:24:GLY:H	16	0.09
(1,1552)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:24:GLY:H	16	0.09
(1,1552)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:24:GLY:H	24	0.09
(1,1552)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:24:GLY:H	24	0.09
(1,1552)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:24:GLY:H	24	0.09
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:40:MET:HA	8	0.09
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:40:MET:HA	8	0.09
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:40:MET:HA	8	0.09
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:40:MET:HA	27	0.09
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:40:MET:HA	27	0.09
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:40:MET:HA	27	0.09
(1,1523)	1:A:73:SER:HA	1:A:70:GLN:H	28	0.09
(1,1494)	1:A:46:GLN:HG2	1:A:50:ARG:HD2	9	0.09
(1,1494)	1:A:46:GLN:HG2	1:A:50:ARG:HD3	9	0.09
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:46:GLN:HG2	10	0.09
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:46:GLN:HG2	10	0.09
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:46:GLN:HG2	10	0.09
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:46:GLN:HG2	28	0.09
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:46:GLN:HG2	28	0.09
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:46:GLN:HG2	28	0.09
(1,1489)	1:A:42:VAL:HA	1:A:45:ARG:HB2	28	0.09
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:19:ILE:HB	11	0.09
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:19:ILE:HB	11	0.09
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:19:ILE:HB	11	0.09
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:19:ILE:HB	29	0.09
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:19:ILE:HB	29	0.09
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:19:ILE:HB	29	0.09
(1,1332)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:69:LEU:H	12	0.09
(1,1332)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:69:LEU:H	12	0.09
(1,1332)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:69:LEU:H	23	0.09
(1,1332)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:69:LEU:H	23	0.09
(1,1316)	1:A:64:LEU:HD21	1:A:68:LYS:HB2	21	0.09
(1,1316)	1:A:64:LEU:HD21	1:A:68:LYS:HB3	21	0.09
(1,1316)	1:A:64:LEU:HD22	1:A:68:LYS:HB2	21	0.09
(1,1316)	1:A:64:LEU:HD22	1:A:68:LYS:HB3	21	0.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1316)	1:A:64:LEU:HD23	1:A:68:LYS:HB2	21	0.09
(1,1316)	1:A:64:LEU:HD23	1:A:68:LYS:HB3	21	0.09
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:57:PRO:HB3	20	0.09
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:57:PRO:HB3	20	0.09
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:57:PRO:HB3	20	0.09
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD11	1:A:51:GLU:HB2	11	0.09
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD12	1:A:51:GLU:HB2	11	0.09
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD13	1:A:51:GLU:HB2	11	0.09
(1,111)	1:A:55:VAL:HG21	1:A:49:GLU:HG3	1	0.09
(1,111)	1:A:55:VAL:HG22	1:A:49:GLU:HG3	1	0.09
(1,111)	1:A:55:VAL:HG23	1:A:49:GLU:HG3	1	0.09
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:H	13	0.09
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:H	13	0.09
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:H	13	0.09
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:31:LEU:HA	9	0.09
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:31:LEU:HA	9	0.09
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:31:LEU:HA	9	0.09
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:31:LEU:HA	12	0.09
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:31:LEU:HA	12	0.09
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:31:LEU:HA	12	0.09
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:31:LEU:HA	23	0.09
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:31:LEU:HA	23	0.09
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:31:LEU:HA	23	0.09
(1,874)	1:A:10:VAL:HG21	1:A:70:GLN:HG3	3	0.08
(1,874)	1:A:10:VAL:HG22	1:A:70:GLN:HG3	3	0.08
(1,874)	1:A:10:VAL:HG23	1:A:70:GLN:HG3	3	0.08
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:23:ALA:HA	15	0.08
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:25:ILE:HA	15	0.08
(1,847)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HD2	27	0.08
(1,847)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HD3	27	0.08
(1,813)	1:A:65:THR:HG21	1:A:69:LEU:H	13	0.08
(1,813)	1:A:65:THR:HG22	1:A:69:LEU:H	13	0.08
(1,813)	1:A:65:THR:HG23	1:A:69:LEU:H	13	0.08
(1,813)	1:A:65:THR:HG21	1:A:69:LEU:H	15	0.08
(1,813)	1:A:65:THR:HG22	1:A:69:LEU:H	15	0.08
(1,813)	1:A:65:THR:HG23	1:A:69:LEU:H	15	0.08
(1,813)	1:A:65:THR:HG21	1:A:69:LEU:H	23	0.08
(1,813)	1:A:65:THR:HG22	1:A:69:LEU:H	23	0.08
(1,813)	1:A:65:THR:HG23	1:A:69:LEU:H	23	0.08
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD11	2	0.08
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD12	2	0.08
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD13	2	0.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,787)	1:A:51:GLU:HB3	1:A:6:GLN:HE21	25	0.08
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD11	18	0.08
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD12	18	0.08
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD13	18	0.08
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD21	18	0.08
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD22	18	0.08
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD23	18	0.08
(1,704)	1:A:59:ARG:HB2	1:A:59:ARG:H	1	0.08
(1,704)	1:A:59:ARG:HB2	1:A:59:ARG:H	3	0.08
(1,704)	1:A:59:ARG:HB2	1:A:59:ARG:H	13	0.08
(1,704)	1:A:59:ARG:HB2	1:A:59:ARG:H	28	0.08
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB1	5	0.08
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB2	5	0.08
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB3	5	0.08
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB1	5	0.08
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB2	5	0.08
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB3	5	0.08
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB1	5	0.08
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB2	5	0.08
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB3	5	0.08
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB1	11	0.08
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB2	11	0.08
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB3	11	0.08
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB1	11	0.08
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB2	11	0.08
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB3	11	0.08
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB1	11	0.08
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB2	11	0.08
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB3	11	0.08
(1,499)	1:A:47:ILE:HD11	1:A:43:GLU:HG2	30	0.08
(1,499)	1:A:47:ILE:HD12	1:A:43:GLU:HG2	30	0.08
(1,499)	1:A:47:ILE:HD13	1:A:43:GLU:HG2	30	0.08
(1,491)	1:A:27:LEU:HA	1:A:66:LEU:H	30	0.08
(1,479)	1:A:23:ALA:HA	1:A:21:ASP:HA	7	0.08
(1,475)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:20:ARG:HB2	24	0.08
(1,475)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:20:ARG:HB2	24	0.08
(1,475)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:20:ARG:HB2	24	0.08
(1,38)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:32:ALA:HA	23	0.08
(1,38)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:32:ALA:HA	23	0.08
(1,38)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:32:ALA:HA	23	0.08
(1,38)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:50:ARG:HA	23	0.08
(1,38)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:50:ARG:HA	23	0.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,38)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:50:ARG:HA	23	0.08
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD21	11	0.08
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD22	11	0.08
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD23	11	0.08
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD21	23	0.08
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD22	23	0.08
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD23	23	0.08
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD11	15	0.08
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD12	15	0.08
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD13	15	0.08
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD11	16	0.08
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD12	16	0.08
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD13	16	0.08
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD11	23	0.08
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD12	23	0.08
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD13	23	0.08
(1,241)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:64:LEU:HG	21	0.08
(1,241)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:64:LEU:HG	21	0.08
(1,241)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:64:LEU:HG	21	0.08
(1,239)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:62:ARG:HG3	14	0.08
(1,239)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:62:ARG:HG3	14	0.08
(1,239)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:62:ARG:HG3	14	0.08
(1,239)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:62:ARG:HG3	27	0.08
(1,239)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:62:ARG:HG3	27	0.08
(1,239)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:62:ARG:HG3	27	0.08
(1,239)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:62:ARG:HG3	28	0.08
(1,239)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:62:ARG:HG3	28	0.08
(1,239)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:62:ARG:HG3	28	0.08
(1,221)	1:A:31:LEU:HB2	1:A:36:LEU:HB2	24	0.08
(1,213)	1:A:30:SER:HB3	1:A:33:ASP:HA	5	0.08
(1,213)	1:A:30:SER:HB3	1:A:33:ASP:HA	6	0.08
(1,213)	1:A:30:SER:HB3	1:A:33:ASP:HA	7	0.08
(1,213)	1:A:30:SER:HB3	1:A:33:ASP:HA	13	0.08
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:74:SER:H	20	0.08
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:69:LEU:H	20	0.08
(1,177)	1:A:22:LEU:HD11	1:A:24:GLY:HA2	12	0.08
(1,177)	1:A:22:LEU:HD12	1:A:24:GLY:HA2	12	0.08
(1,177)	1:A:22:LEU:HD13	1:A:24:GLY:HA2	12	0.08
(1,1710)	1:A:63:GLN:H	1:A:64:LEU:H	29	0.08
(1,171)	1:A:22:LEU:HG	1:A:21:ASP:HA	9	0.08
(1,1597)	1:A:27:LEU:HB2	1:A:27:LEU:H	15	0.08
(1,1584)	1:A:59:ARG:HG3	1:A:58:ILE:H	14	0.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:40:MET:HA	24	0.08
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:40:MET:HA	24	0.08
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:40:MET:HA	24	0.08
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG21	1:A:45:ARG:HE	16	0.08
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG22	1:A:45:ARG:HE	16	0.08
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG23	1:A:45:ARG:HE	16	0.08
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG21	1:A:45:ARG:HE	22	0.08
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG22	1:A:45:ARG:HE	22	0.08
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG23	1:A:45:ARG:HE	22	0.08
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG21	1:A:45:ARG:HE	30	0.08
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG22	1:A:45:ARG:HE	30	0.08
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG23	1:A:45:ARG:HE	30	0.08
(1,1523)	1:A:73:SER:HA	1:A:70:GLN:H	7	0.08
(1,1523)	1:A:73:SER:HA	1:A:70:GLN:H	12	0.08
(1,1498)	1:A:67:ARG:HD2	1:A:69:LEU:H	4	0.08
(1,1498)	1:A:67:ARG:HD2	1:A:69:LEU:H	6	0.08
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:19:ILE:HB	13	0.08
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:19:ILE:HB	13	0.08
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:19:ILE:HB	13	0.08
(1,1407)	1:A:42:VAL:HA	1:A:44:VAL:H	13	0.08
(1,1402)	1:A:42:VAL:HA	1:A:45:ARG:HB3	17	0.08
(1,1402)	1:A:42:VAL:HA	1:A:45:ARG:HB3	18	0.08
(1,1263)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:62:ARG:HB3	3	0.08
(1,1263)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:62:ARG:HB3	3	0.08
(1,1263)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:62:ARG:HB3	3	0.08
(1,1222)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:63:GLN:HE22	16	0.08
(1,1222)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:63:GLN:HE22	16	0.08
(1,1222)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:63:GLN:HE22	16	0.08
(1,1182)	1:A:56:LEU:HB3	1:A:57:PRO:HG2	14	0.08
(1,1182)	1:A:56:LEU:HB3	1:A:57:PRO:HB2	14	0.08
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD11	1:A:51:GLU:HB2	13	0.08
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD12	1:A:51:GLU:HB2	13	0.08
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD13	1:A:51:GLU:HB2	13	0.08
(1,1148)	1:A:54:LEU:HB2	1:A:48:LEU:HG	2	0.08
(1,1147)	1:A:54:LEU:HB2	1:A:48:LEU:HB3	20	0.08
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD21	1:A:42:VAL:H	17	0.08
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD22	1:A:42:VAL:H	17	0.08
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD23	1:A:42:VAL:H	17	0.08
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG21	24	0.08
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG22	24	0.08
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG23	24	0.08
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG21	24	0.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG22	24	0.08
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG23	24	0.08
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG21	24	0.08
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG22	24	0.08
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG23	24	0.08
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:H	29	0.08
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:H	29	0.08
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:H	29	0.08
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:31:LEU:HA	1	0.08
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:31:LEU:HA	1	0.08
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:31:LEU:HA	1	0.08
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:31:LEU:HA	5	0.08
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:31:LEU:HA	5	0.08
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:31:LEU:HA	5	0.08
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:31:LEU:HA	6	0.08
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:31:LEU:HA	6	0.08
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:31:LEU:HA	6	0.08
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:31:LEU:HA	8	0.08
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:31:LEU:HA	8	0.08
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:31:LEU:HA	8	0.08
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:31:LEU:HA	13	0.08
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:31:LEU:HA	13	0.08
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:31:LEU:HA	13	0.08
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:31:LEU:HA	25	0.08
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:31:LEU:HA	25	0.08
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:31:LEU:HA	25	0.08
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:23:ALA:HA	2	0.07
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:25:ILE:HA	2	0.07
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:23:ALA:HA	21	0.07
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:25:ILE:HA	21	0.07
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:23:ALA:HA	22	0.07
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:25:ILE:HA	22	0.07
(1,844)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:11:LYS:HB2	4	0.07
(1,844)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:11:LYS:HB3	4	0.07
(1,813)	1:A:65:THR:HG21	1:A:69:LEU:H	11	0.07
(1,813)	1:A:65:THR:HG22	1:A:69:LEU:H	11	0.07
(1,813)	1:A:65:THR:HG23	1:A:69:LEU:H	11	0.07
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD11	29	0.07
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD12	29	0.07
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD13	29	0.07
(1,769)	1:A:82:LEU:HA	1:A:82:LEU:HD11	12	0.07
(1,769)	1:A:82:LEU:HA	1:A:82:LEU:HD12	12	0.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,769)	1:A:82:LEU:HA	1:A:82:LEU:HD13	12	0.07
(1,740)	1:A:70:GLN:HA	1:A:10:VAL:HG21	2	0.07
(1,740)	1:A:70:GLN:HA	1:A:10:VAL:HG22	2	0.07
(1,740)	1:A:70:GLN:HA	1:A:10:VAL:HG23	2	0.07
(1,732)	1:A:63:GLN:HG3	1:A:60:GLU:HA	3	0.07
(1,732)	1:A:63:GLN:HG3	1:A:60:GLU:HA	22	0.07
(1,662)	1:A:49:GLU:HA	1:A:46:GLN:HA	6	0.07
(1,662)	1:A:49:GLU:HA	1:A:46:GLN:HA	17	0.07
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB1	6	0.07
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB2	6	0.07
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB3	6	0.07
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB1	6	0.07
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB2	6	0.07
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB3	6	0.07
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB1	6	0.07
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB2	6	0.07
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB3	6	0.07
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB1	17	0.07
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB2	17	0.07
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB3	17	0.07
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB1	17	0.07
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB2	17	0.07
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB3	17	0.07
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB1	17	0.07
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB2	17	0.07
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB3	17	0.07
(1,479)	1:A:23:ALA:HA	1:A:21:ASP:HA	18	0.07
(1,479)	1:A:23:ALA:HA	1:A:21:ASP:HA	29	0.07
(1,475)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:20:ARG:HB2	30	0.07
(1,475)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:20:ARG:HB2	30	0.07
(1,475)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:20:ARG:HB2	30	0.07
(1,45)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:11:LYS:HE2	8	0.07
(1,45)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:11:LYS:HE3	8	0.07
(1,45)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:11:LYS:HE2	8	0.07
(1,45)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:11:LYS:HE3	8	0.07
(1,45)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:11:LYS:HE2	8	0.07
(1,45)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:11:LYS:HE3	8	0.07
(1,45)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:11:LYS:HE2	14	0.07
(1,45)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:11:LYS:HE3	14	0.07
(1,45)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:11:LYS:HE2	14	0.07
(1,45)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:11:LYS:HE3	14	0.07
(1,45)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:11:LYS:HE2	14	0.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,45)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:11:LYS:HE3	14	0.07
(1,391)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:21:ASP:HA	7	0.07
(1,391)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:21:ASP:HA	7	0.07
(1,391)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:21:ASP:HA	7	0.07
(1,391)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:21:ASP:HA	14	0.07
(1,391)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:21:ASP:HA	14	0.07
(1,391)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:21:ASP:HA	14	0.07
(1,391)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:21:ASP:HA	30	0.07
(1,391)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:21:ASP:HA	30	0.07
(1,391)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:21:ASP:HA	30	0.07
(1,38)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:32:ALA:HA	30	0.07
(1,38)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:32:ALA:HA	30	0.07
(1,38)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:32:ALA:HA	30	0.07
(1,38)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:50:ARG:HA	30	0.07
(1,38)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:50:ARG:HA	30	0.07
(1,38)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:50:ARG:HA	30	0.07
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG21	2	0.07
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG22	2	0.07
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG23	2	0.07
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD11	1	0.07
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD12	1	0.07
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD13	1	0.07
(1,25)	1:A:52:HIS:HB2	1:A:48:LEU:HA	2	0.07
(1,25)	1:A:52:HIS:HB2	1:A:74:SER:HB3	2	0.07
(1,241)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:64:LEU:HG	12	0.07
(1,241)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:64:LEU:HG	12	0.07
(1,241)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:64:LEU:HG	12	0.07
(1,221)	1:A:31:LEU:HB2	1:A:36:LEU:HB2	18	0.07
(1,213)	1:A:30:SER:HB3	1:A:33:ASP:HA	29	0.07
(1,213)	1:A:30:SER:HB3	1:A:33:ASP:HA	30	0.07
(1,192)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HD21	14	0.07
(1,192)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HD22	14	0.07
(1,192)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HD23	14	0.07
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:74:SER:H	11	0.07
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:69:LEU:H	11	0.07
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG21	9	0.07
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG22	9	0.07
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG23	9	0.07
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG21	12	0.07
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG22	12	0.07
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG23	12	0.07
(1,1726)	1:A:80:THR:H	1:A:81:GLU:H	14	0.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1710)	1:A:63:GLN:H	1:A:64:LEU:H	26	0.07
(1,1710)	1:A:63:GLN:H	1:A:64:LEU:H	30	0.07
(1,171)	1:A:22:LEU:HG	1:A:21:ASP:HA	4	0.07
(1,171)	1:A:22:LEU:HG	1:A:21:ASP:HA	15	0.07
(1,171)	1:A:22:LEU:HG	1:A:21:ASP:HA	29	0.07
(1,1618)	1:A:58:ILE:HG12	1:A:59:ARG:HD2	30	0.07
(1,1618)	1:A:58:ILE:HG12	1:A:59:ARG:HD3	30	0.07
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:29:SER:HA	5	0.07
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:29:SER:HA	5	0.07
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:29:SER:HA	5	0.07
(1,1589)	1:A:20:ARG:HG3	1:A:67:ARG:HE	23	0.07
(1,1587)	1:A:9:LEU:HG	1:A:75:LYS:HE2	8	0.07
(1,1587)	1:A:9:LEU:HG	1:A:75:LYS:HE3	8	0.07
(1,1587)	1:A:9:LEU:HG	1:A:75:LYS:HE2	10	0.07
(1,1587)	1:A:9:LEU:HG	1:A:75:LYS:HE3	10	0.07
(1,1587)	1:A:9:LEU:HG	1:A:75:LYS:HE2	24	0.07
(1,1587)	1:A:9:LEU:HG	1:A:75:LYS:HE3	24	0.07
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG2	1:A:75:LYS:HE2	10	0.07
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG2	1:A:75:LYS:HE3	10	0.07
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG3	1:A:75:LYS:HE2	10	0.07
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG3	1:A:75:LYS:HE3	10	0.07
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG2	1:A:75:LYS:HE2	14	0.07
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG2	1:A:75:LYS:HE3	14	0.07
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG3	1:A:75:LYS:HE2	14	0.07
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG3	1:A:75:LYS:HE3	14	0.07
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG2	1:A:75:LYS:HE2	24	0.07
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG2	1:A:75:LYS:HE3	24	0.07
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG3	1:A:75:LYS:HE2	24	0.07
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG3	1:A:75:LYS:HE3	24	0.07
(1,1584)	1:A:59:ARG:HG3	1:A:58:ILE:H	30	0.07
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:65:THR:HA	15	0.07
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:65:THR:HA	15	0.07
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:65:THR:HA	15	0.07
(1,1575)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:13:VAL:H	2	0.07
(1,1575)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:13:VAL:H	2	0.07
(1,1575)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:13:VAL:H	2	0.07
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:26:ASN:H	14	0.07
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:26:ASN:H	14	0.07
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:26:ASN:H	14	0.07
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:26:ASN:H	29	0.07
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:26:ASN:H	29	0.07
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:26:ASN:H	29	0.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1552)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:24:GLY:H	7	0.07
(1,1552)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:24:GLY:H	7	0.07
(1,1552)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:24:GLY:H	7	0.07
(1,1552)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:24:GLY:H	13	0.07
(1,1552)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:24:GLY:H	13	0.07
(1,1552)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:24:GLY:H	13	0.07
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:40:MET:HA	9	0.07
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:40:MET:HA	9	0.07
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:40:MET:HA	9	0.07
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:40:MET:HA	13	0.07
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:40:MET:HA	13	0.07
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:40:MET:HA	13	0.07
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:42:VAL:HA	28	0.07
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:42:VAL:HA	28	0.07
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:42:VAL:HA	28	0.07
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG21	1:A:45:ARG:HE	10	0.07
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG22	1:A:45:ARG:HE	10	0.07
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG23	1:A:45:ARG:HE	10	0.07
(1,1523)	1:A:73:SER:HA	1:A:70:GLN:H	4	0.07
(1,1523)	1:A:73:SER:HA	1:A:70:GLN:H	9	0.07
(1,1523)	1:A:73:SER:HA	1:A:70:GLN:H	15	0.07
(1,1521)	1:A:73:SER:HA	1:A:9:LEU:HD11	28	0.07
(1,1521)	1:A:73:SER:HA	1:A:9:LEU:HD12	28	0.07
(1,1521)	1:A:73:SER:HA	1:A:9:LEU:HD13	28	0.07
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD2	8	0.07
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD3	8	0.07
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD2	8	0.07
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD3	8	0.07
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD2	8	0.07
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD3	8	0.07
(1,1498)	1:A:67:ARG:HD2	1:A:69:LEU:H	23	0.07
(1,1498)	1:A:67:ARG:HD2	1:A:69:LEU:H	27	0.07
(1,1489)	1:A:42:VAL:HA	1:A:45:ARG:HB2	19	0.07
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:19:ILE:HB	2	0.07
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:19:ILE:HB	2	0.07
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:19:ILE:HB	2	0.07
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:19:ILE:HB	14	0.07
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:19:ILE:HB	14	0.07
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:19:ILE:HB	14	0.07
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:19:ILE:HB	19	0.07
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:19:ILE:HB	19	0.07
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:19:ILE:HB	19	0.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:19:ILE:HB	24	0.07
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:19:ILE:HB	24	0.07
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:19:ILE:HB	24	0.07
(1,1429)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:39:LEU:H	16	0.07
(1,1429)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:39:LEU:H	16	0.07
(1,1429)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:39:LEU:H	16	0.07
(1,1407)	1:A:42:VAL:HA	1:A:44:VAL:H	11	0.07
(1,1407)	1:A:42:VAL:HA	1:A:44:VAL:H	21	0.07
(1,1402)	1:A:42:VAL:HA	1:A:45:ARG:HB3	10	0.07
(1,1393)	1:A:44:VAL:HA	1:A:48:LEU:HG	19	0.07
(1,1376)	1:A:12:ALA:HB1	1:A:7:ARG:HD2	20	0.07
(1,1376)	1:A:12:ALA:HB1	1:A:7:ARG:HD3	20	0.07
(1,1376)	1:A:12:ALA:HB2	1:A:7:ARG:HD2	20	0.07
(1,1376)	1:A:12:ALA:HB2	1:A:7:ARG:HD3	20	0.07
(1,1376)	1:A:12:ALA:HB3	1:A:7:ARG:HD2	20	0.07
(1,1376)	1:A:12:ALA:HB3	1:A:7:ARG:HD3	20	0.07
(1,1369)	1:A:71:GLU:HG2	1:A:72:MET:H	26	0.07
(1,1332)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:69:LEU:H	17	0.07
(1,1332)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:69:LEU:H	17	0.07
(1,1248)	1:A:61:VAL:HA	1:A:62:ARG:HB3	12	0.07
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:57:PRO:HB3	24	0.07
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:57:PRO:HB3	24	0.07
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:57:PRO:HB3	24	0.07
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HB2	13	0.07
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HG2	13	0.07
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HB2	18	0.07
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HG2	18	0.07
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HB2	21	0.07
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HG2	21	0.07
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD21	1:A:42:VAL:H	15	0.07
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD22	1:A:42:VAL:H	15	0.07
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD23	1:A:42:VAL:H	15	0.07
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD21	1:A:42:VAL:H	20	0.07
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD22	1:A:42:VAL:H	20	0.07
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD23	1:A:42:VAL:H	20	0.07
(1,1086)	1:A:39:LEU:HB2	1:A:41:GLY:H	7	0.07
(1,1049)	1:A:36:LEU:HD21	1:A:40:MET:HB3	14	0.07
(1,1049)	1:A:36:LEU:HD22	1:A:40:MET:HB3	14	0.07
(1,1049)	1:A:36:LEU:HD23	1:A:40:MET:HB3	14	0.07
(1,1037)	1:A:36:LEU:HB3	1:A:40:MET:HA	8	0.07
(1,1037)	1:A:36:LEU:HB3	1:A:40:MET:HA	19	0.07
(1,933)	1:A:57:PRO:HG3	1:A:60:GLU:H	20	0.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,9)	1:A:16:ILE:HG21	1:A:43:GLU:H	29	0.06
(1,9)	1:A:16:ILE:HG22	1:A:43:GLU:H	29	0.06
(1,9)	1:A:16:ILE:HG23	1:A:43:GLU:H	29	0.06
(1,9)	1:A:16:ILE:HG21	1:A:42:VAL:H	29	0.06
(1,9)	1:A:16:ILE:HG22	1:A:42:VAL:H	29	0.06
(1,9)	1:A:16:ILE:HG23	1:A:42:VAL:H	29	0.06
(1,9)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:50:ARG:HE	29	0.06
(1,9)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:50:ARG:HE	29	0.06
(1,9)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:50:ARG:HE	29	0.06
(1,874)	1:A:10:VAL:HG21	1:A:70:GLN:HG3	7	0.06
(1,874)	1:A:10:VAL:HG22	1:A:70:GLN:HG3	7	0.06
(1,874)	1:A:10:VAL:HG23	1:A:70:GLN:HG3	7	0.06
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:23:ALA:HA	27	0.06
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:25:ILE:HA	27	0.06
(1,846)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:11:LYS:HD2	11	0.06
(1,846)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:11:LYS:HD3	11	0.06
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:69:LEU:HD11	14	0.06
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:69:LEU:HD12	14	0.06
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:69:LEU:HD13	14	0.06
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:69:LEU:HD21	14	0.06
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:69:LEU:HD22	14	0.06
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:69:LEU:HD23	14	0.06
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:54:LEU:HD21	14	0.06
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:54:LEU:HD22	14	0.06
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:54:LEU:HD23	14	0.06
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:9:LEU:HB3	11	0.06
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG2	11	0.06
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG3	11	0.06
(1,813)	1:A:65:THR:HG21	1:A:69:LEU:H	9	0.06
(1,813)	1:A:65:THR:HG22	1:A:69:LEU:H	9	0.06
(1,813)	1:A:65:THR:HG23	1:A:69:LEU:H	9	0.06
(1,806)	1:A:65:THR:HG21	1:A:67:ARG:HB2	22	0.06
(1,806)	1:A:65:THR:HG21	1:A:67:ARG:HB3	22	0.06
(1,806)	1:A:65:THR:HG22	1:A:67:ARG:HB2	22	0.06
(1,806)	1:A:65:THR:HG22	1:A:67:ARG:HB3	22	0.06
(1,806)	1:A:65:THR:HG23	1:A:67:ARG:HB2	22	0.06
(1,806)	1:A:65:THR:HG23	1:A:67:ARG:HB3	22	0.06
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD11	1	0.06
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD12	1	0.06
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD13	1	0.06
(1,769)	1:A:82:LEU:HA	1:A:82:LEU:HD11	26	0.06
(1,769)	1:A:82:LEU:HA	1:A:82:LEU:HD12	26	0.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,769)	1:A:82:LEU:HA	1:A:82:LEU:HD13	26	0.06
(1,72)	1:A:48:LEU:HD11	1:A:6:GLN:HE21	24	0.06
(1,72)	1:A:48:LEU:HD12	1:A:6:GLN:HE21	24	0.06
(1,72)	1:A:48:LEU:HD13	1:A:6:GLN:HE21	24	0.06
(1,72)	1:A:9:LEU:HD21	1:A:6:GLN:HE21	24	0.06
(1,72)	1:A:9:LEU:HD22	1:A:6:GLN:HE21	24	0.06
(1,72)	1:A:9:LEU:HD23	1:A:6:GLN:HE21	24	0.06
(1,706)	1:A:59:ARG:HD2	1:A:59:ARG:H	5	0.06
(1,706)	1:A:59:ARG:HD3	1:A:59:ARG:H	5	0.06
(1,706)	1:A:59:ARG:HD2	1:A:59:ARG:H	14	0.06
(1,706)	1:A:59:ARG:HD3	1:A:59:ARG:H	14	0.06
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD21	3	0.06
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD22	3	0.06
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD23	3	0.06
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD21	18	0.06
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD22	18	0.06
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD23	18	0.06
(1,662)	1:A:49:GLU:HA	1:A:46:GLN:HA	26	0.06
(1,593)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:66:LEU:HA	12	0.06
(1,593)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:66:LEU:HA	12	0.06
(1,593)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:66:LEU:HA	12	0.06
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB1	3	0.06
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB2	3	0.06
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB3	3	0.06
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB1	3	0.06
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB2	3	0.06
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB3	3	0.06
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB1	3	0.06
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB2	3	0.06
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB3	3	0.06
(1,506)	1:A:19:ILE:HD11	1:A:18:GLY:HA2	23	0.06
(1,506)	1:A:19:ILE:HD12	1:A:18:GLY:HA2	23	0.06
(1,506)	1:A:19:ILE:HD13	1:A:18:GLY:HA2	23	0.06
(1,491)	1:A:27:LEU:HA	1:A:66:LEU:H	7	0.06
(1,491)	1:A:27:LEU:HA	1:A:66:LEU:H	28	0.06
(1,479)	1:A:23:ALA:HA	1:A:21:ASP:HA	3	0.06
(1,479)	1:A:23:ALA:HA	1:A:21:ASP:HA	6	0.06
(1,479)	1:A:23:ALA:HA	1:A:21:ASP:HA	17	0.06
(1,475)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:20:ARG:HB2	27	0.06
(1,475)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:20:ARG:HB2	27	0.06
(1,475)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:20:ARG:HB2	27	0.06
(1,45)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:11:LYS:HE2	23	0.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,45)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:11:LYS:HE3	23	0.06
(1,45)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:11:LYS:HE2	23	0.06
(1,45)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:11:LYS:HE3	23	0.06
(1,45)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:11:LYS:HE2	23	0.06
(1,45)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:11:LYS:HE3	23	0.06
(1,45)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:11:LYS:HE2	29	0.06
(1,45)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:11:LYS:HE3	29	0.06
(1,45)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:11:LYS:HE2	29	0.06
(1,45)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:11:LYS:HE3	29	0.06
(1,45)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:11:LYS:HE2	29	0.06
(1,45)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:11:LYS:HE3	29	0.06
(1,43)	1:A:13:VAL:HG21	1:A:17:LEU:H	15	0.06
(1,43)	1:A:13:VAL:HG22	1:A:17:LEU:H	15	0.06
(1,43)	1:A:13:VAL:HG23	1:A:17:LEU:H	15	0.06
(1,43)	1:A:13:VAL:HG21	1:A:73:SER:H	15	0.06
(1,43)	1:A:13:VAL:HG22	1:A:73:SER:H	15	0.06
(1,43)	1:A:13:VAL:HG23	1:A:73:SER:H	15	0.06
(1,43)	1:A:13:VAL:HG21	1:A:18:GLY:H	15	0.06
(1,43)	1:A:13:VAL:HG22	1:A:18:GLY:H	15	0.06
(1,43)	1:A:13:VAL:HG23	1:A:18:GLY:H	15	0.06
(1,391)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:21:ASP:HA	8	0.06
(1,391)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:21:ASP:HA	8	0.06
(1,391)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:21:ASP:HA	8	0.06
(1,391)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:21:ASP:HA	19	0.06
(1,391)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:21:ASP:HA	19	0.06
(1,391)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:21:ASP:HA	19	0.06
(1,391)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:21:ASP:HA	22	0.06
(1,391)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:21:ASP:HA	22	0.06
(1,391)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:21:ASP:HA	22	0.06
(1,38)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:32:ALA:HA	15	0.06
(1,38)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:32:ALA:HA	15	0.06
(1,38)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:32:ALA:HA	15	0.06
(1,38)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:50:ARG:HA	15	0.06
(1,38)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:50:ARG:HA	15	0.06
(1,38)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:50:ARG:HA	15	0.06
(1,241)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:64:LEU:HG	4	0.06
(1,241)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:64:LEU:HG	4	0.06
(1,241)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:64:LEU:HG	4	0.06
(1,241)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:64:LEU:HG	9	0.06
(1,241)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:64:LEU:HG	9	0.06
(1,241)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:64:LEU:HG	9	0.06
(1,241)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:64:LEU:HG	23	0.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,241)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:64:LEU:HG	23	0.06
(1,241)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:64:LEU:HG	23	0.06
(1,241)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:64:LEU:HG	27	0.06
(1,241)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:64:LEU:HG	27	0.06
(1,241)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:64:LEU:HG	27	0.06
(1,224)	1:A:31:LEU:HB2	1:A:36:LEU:HD21	30	0.06
(1,224)	1:A:31:LEU:HB2	1:A:36:LEU:HD22	30	0.06
(1,224)	1:A:31:LEU:HB2	1:A:36:LEU:HD23	30	0.06
(1,221)	1:A:31:LEU:HB2	1:A:36:LEU:HB2	20	0.06
(1,213)	1:A:30:SER:HB3	1:A:33:ASP:HA	18	0.06
(1,213)	1:A:30:SER:HB3	1:A:33:ASP:HA	21	0.06
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:74:SER:H	1	0.06
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:69:LEU:H	1	0.06
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:74:SER:H	4	0.06
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:69:LEU:H	4	0.06
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:74:SER:H	27	0.06
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:69:LEU:H	27	0.06
(1,177)	1:A:22:LEU:HD11	1:A:24:GLY:HA2	19	0.06
(1,177)	1:A:22:LEU:HD12	1:A:24:GLY:HA2	19	0.06
(1,177)	1:A:22:LEU:HD13	1:A:24:GLY:HA2	19	0.06
(1,177)	1:A:22:LEU:HD11	1:A:24:GLY:HA2	25	0.06
(1,177)	1:A:22:LEU:HD12	1:A:24:GLY:HA2	25	0.06
(1,177)	1:A:22:LEU:HD13	1:A:24:GLY:HA2	25	0.06
(1,177)	1:A:22:LEU:HD11	1:A:24:GLY:HA2	28	0.06
(1,177)	1:A:22:LEU:HD12	1:A:24:GLY:HA2	28	0.06
(1,177)	1:A:22:LEU:HD13	1:A:24:GLY:HA2	28	0.06
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG21	10	0.06
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG22	10	0.06
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG23	10	0.06
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG21	27	0.06
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG22	27	0.06
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG23	27	0.06
(1,1726)	1:A:80:THR:H	1:A:81:GLU:H	15	0.06
(1,1710)	1:A:63:GLN:H	1:A:64:LEU:H	4	0.06
(1,1710)	1:A:63:GLN:H	1:A:64:LEU:H	11	0.06
(1,171)	1:A:22:LEU:HG	1:A:21:ASP:HA	13	0.06
(1,171)	1:A:22:LEU:HG	1:A:21:ASP:HA	14	0.06
(1,171)	1:A:22:LEU:HG	1:A:21:ASP:HA	16	0.06
(1,171)	1:A:22:LEU:HG	1:A:21:ASP:HA	20	0.06
(1,171)	1:A:22:LEU:HG	1:A:21:ASP:HA	21	0.06
(1,1701)	1:A:47:ILE:H	1:A:48:LEU:H	23	0.06
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:9:LEU:HD21	14	0.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:9:LEU:HD22	14	0.06
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:9:LEU:HD23	14	0.06
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:9:LEU:HD21	14	0.06
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:9:LEU:HD22	14	0.06
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:9:LEU:HD23	14	0.06
(1,1584)	1:A:59:ARG:HG3	1:A:58:ILE:H	19	0.06
(1,1555)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:HB3	24	0.06
(1,1555)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:HB3	24	0.06
(1,1555)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:HB3	24	0.06
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:26:ASN:H	17	0.06
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:26:ASN:H	17	0.06
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:26:ASN:H	17	0.06
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:26:ASN:H	19	0.06
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:26:ASN:H	19	0.06
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:26:ASN:H	19	0.06
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:42:VAL:HA	9	0.06
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:42:VAL:HA	9	0.06
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:42:VAL:HA	9	0.06
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:42:VAL:HA	19	0.06
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:42:VAL:HA	19	0.06
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:42:VAL:HA	19	0.06
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG21	1:A:45:ARG:HE	19	0.06
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG22	1:A:45:ARG:HE	19	0.06
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG23	1:A:45:ARG:HE	19	0.06
(1,1523)	1:A:73:SER:HA	1:A:70:GLN:H	17	0.06
(1,1523)	1:A:73:SER:HA	1:A:70:GLN:H	21	0.06
(1,1523)	1:A:73:SER:HA	1:A:70:GLN:H	30	0.06
(1,1509)	1:A:72:MET:HG2	1:A:9:LEU:HD11	23	0.06
(1,1509)	1:A:72:MET:HG2	1:A:9:LEU:HD12	23	0.06
(1,1509)	1:A:72:MET:HG2	1:A:9:LEU:HD13	23	0.06
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD2	4	0.06
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD3	4	0.06
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD2	4	0.06
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD3	4	0.06
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD2	4	0.06
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD3	4	0.06
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD2	11	0.06
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD3	11	0.06
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD2	11	0.06
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD3	11	0.06
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD2	11	0.06
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD3	11	0.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1498)	1:A:67:ARG:HD2	1:A:69:LEU:H	1	0.06
(1,1498)	1:A:67:ARG:HD2	1:A:69:LEU:H	2	0.06
(1,1498)	1:A:67:ARG:HD2	1:A:69:LEU:H	12	0.06
(1,1498)	1:A:67:ARG:HD2	1:A:69:LEU:H	16	0.06
(1,1498)	1:A:67:ARG:HD2	1:A:69:LEU:H	17	0.06
(1,1498)	1:A:67:ARG:HD2	1:A:69:LEU:H	29	0.06
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:19:ILE:HB	6	0.06
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:19:ILE:HB	6	0.06
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:19:ILE:HB	6	0.06
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:19:ILE:HB	8	0.06
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:19:ILE:HB	8	0.06
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:19:ILE:HB	8	0.06
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:19:ILE:HB	20	0.06
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:19:ILE:HB	20	0.06
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:19:ILE:HB	20	0.06
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG11	21	0.06
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG12	21	0.06
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG13	21	0.06
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG11	21	0.06
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG12	21	0.06
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG13	21	0.06
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG11	21	0.06
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG12	21	0.06
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG13	21	0.06
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG11	25	0.06
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG12	25	0.06
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG13	25	0.06
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG11	25	0.06
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG12	25	0.06
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG13	25	0.06
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG11	25	0.06
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG12	25	0.06
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG13	25	0.06
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:47:ILE:HG13	28	0.06
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:47:ILE:HG13	28	0.06
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:47:ILE:HG13	28	0.06
(1,1435)	1:A:13:VAL:HG11	1:A:9:LEU:HA	3	0.06
(1,1435)	1:A:13:VAL:HG12	1:A:9:LEU:HA	3	0.06
(1,1435)	1:A:13:VAL:HG13	1:A:9:LEU:HA	3	0.06
(1,1411)	1:A:42:VAL:HG11	1:A:43:GLU:HG3	25	0.06
(1,1411)	1:A:42:VAL:HG12	1:A:43:GLU:HG3	25	0.06
(1,1411)	1:A:42:VAL:HG13	1:A:43:GLU:HG3	25	0.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1407)	1:A:42:VAL:HA	1:A:44:VAL:H	24	0.06
(1,1393)	1:A:44:VAL:HA	1:A:48:LEU:HG	9	0.06
(1,1332)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:69:LEU:H	1	0.06
(1,1332)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:69:LEU:H	1	0.06
(1,1332)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:69:LEU:H	7	0.06
(1,1332)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:69:LEU:H	7	0.06
(1,1332)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:69:LEU:H	13	0.06
(1,1332)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:69:LEU:H	13	0.06
(1,1332)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:69:LEU:H	27	0.06
(1,1332)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:69:LEU:H	27	0.06
(1,1327)	1:A:68:LYS:HD2	1:A:71:GLU:HB2	21	0.06
(1,1327)	1:A:68:LYS:HD3	1:A:71:GLU:HB2	21	0.06
(1,1263)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:62:ARG:HB3	1	0.06
(1,1263)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:62:ARG:HB3	1	0.06
(1,1263)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:62:ARG:HB3	1	0.06
(1,1220)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:62:ARG:HD2	19	0.06
(1,1220)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:62:ARG:HD2	19	0.06
(1,1220)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:62:ARG:HD2	19	0.06
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HB2	22	0.06
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HG2	22	0.06
(1,1160)	1:A:54:LEU:HD11	1:A:54:LEU:HA	26	0.06
(1,1160)	1:A:54:LEU:HD12	1:A:54:LEU:HA	26	0.06
(1,1160)	1:A:54:LEU:HD13	1:A:54:LEU:HA	26	0.06
(1,1140)	1:A:54:LEU:HB2	1:A:54:LEU:H	24	0.06
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD21	1:A:42:VAL:H	2	0.06
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD22	1:A:42:VAL:H	2	0.06
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD23	1:A:42:VAL:H	2	0.06
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD21	1:A:42:VAL:H	14	0.06
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD22	1:A:42:VAL:H	14	0.06
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD23	1:A:42:VAL:H	14	0.06
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD21	1:A:42:VAL:H	30	0.06
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD22	1:A:42:VAL:H	30	0.06
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD23	1:A:42:VAL:H	30	0.06
(1,1091)	1:A:39:LEU:HD11	1:A:39:LEU:HA	24	0.06
(1,1091)	1:A:39:LEU:HD12	1:A:39:LEU:HA	24	0.06
(1,1091)	1:A:39:LEU:HD13	1:A:39:LEU:HA	24	0.06
(1,1061)	1:A:36:LEU:HD21	1:A:38:SER:H	6	0.06
(1,1061)	1:A:36:LEU:HD22	1:A:38:SER:H	6	0.06
(1,1061)	1:A:36:LEU:HD23	1:A:38:SER:H	6	0.06
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG21	14	0.06
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG22	14	0.06
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG23	14	0.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG21	14	0.06
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG22	14	0.06
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG23	14	0.06
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG21	14	0.06
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG22	14	0.06
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG23	14	0.06
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:31:LEU:HA	11	0.06
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:31:LEU:HA	11	0.06
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:31:LEU:HA	11	0.06
(1,1016)	1:A:34:LEU:HD11	1:A:29:SER:H	16	0.06
(1,1016)	1:A:34:LEU:HD12	1:A:29:SER:H	16	0.06
(1,1016)	1:A:34:LEU:HD13	1:A:29:SER:H	16	0.06
(1,1009)	1:A:34:LEU:HD11	1:A:29:SER:HB2	9	0.06
(1,1009)	1:A:34:LEU:HD12	1:A:29:SER:HB2	9	0.06
(1,1009)	1:A:34:LEU:HD13	1:A:29:SER:HB2	9	0.06
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD11	1:A:31:LEU:HA	11	0.06
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD12	1:A:31:LEU:HA	11	0.06
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD13	1:A:31:LEU:HA	11	0.06
(1,989)	1:A:31:LEU:HB3	1:A:36:LEU:HB3	28	0.05
(1,972)	1:A:27:LEU:HD21	1:A:70:GLN:HE21	1	0.05
(1,972)	1:A:27:LEU:HD22	1:A:70:GLN:HE21	1	0.05
(1,972)	1:A:27:LEU:HD23	1:A:70:GLN:HE21	1	0.05
(1,971)	1:A:27:LEU:HD11	1:A:25:ILE:H	6	0.05
(1,971)	1:A:27:LEU:HD12	1:A:25:ILE:H	6	0.05
(1,971)	1:A:27:LEU:HD13	1:A:25:ILE:H	6	0.05
(1,971)	1:A:27:LEU:HD11	1:A:25:ILE:H	18	0.05
(1,971)	1:A:27:LEU:HD12	1:A:25:ILE:H	18	0.05
(1,971)	1:A:27:LEU:HD13	1:A:25:ILE:H	18	0.05
(1,943)	1:A:57:PRO:HD2	1:A:56:LEU:HD21	20	0.05
(1,943)	1:A:57:PRO:HD2	1:A:56:LEU:HD22	20	0.05
(1,943)	1:A:57:PRO:HD2	1:A:56:LEU:HD23	20	0.05
(1,896)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:6:GLN:HE21	27	0.05
(1,896)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:6:GLN:HE21	27	0.05
(1,896)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:6:GLN:HE21	27	0.05
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD21	2	0.05
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD22	2	0.05
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD23	2	0.05
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD21	27	0.05
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD22	27	0.05
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD23	27	0.05
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:23:ALA:HA	3	0.05
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:25:ILE:HA	3	0.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,847)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HD2	5	0.05
(1,847)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HD3	5	0.05
(1,846)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:11:LYS:HD2	28	0.05
(1,846)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:11:LYS:HD3	28	0.05
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:9:LEU:HB3	6	0.05
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG2	6	0.05
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG3	6	0.05
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:9:LEU:HB3	12	0.05
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG2	12	0.05
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG3	12	0.05
(1,813)	1:A:65:THR:HG21	1:A:69:LEU:H	18	0.05
(1,813)	1:A:65:THR:HG22	1:A:69:LEU:H	18	0.05
(1,813)	1:A:65:THR:HG23	1:A:69:LEU:H	18	0.05
(1,811)	1:A:65:THR:HG21	1:A:28:ASP:HA	13	0.05
(1,811)	1:A:65:THR:HG22	1:A:28:ASP:HA	13	0.05
(1,811)	1:A:65:THR:HG23	1:A:28:ASP:HA	13	0.05
(1,811)	1:A:65:THR:HG21	1:A:28:ASP:HA	27	0.05
(1,811)	1:A:65:THR:HG22	1:A:28:ASP:HA	27	0.05
(1,811)	1:A:65:THR:HG23	1:A:28:ASP:HA	27	0.05
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD11	6	0.05
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD12	6	0.05
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD13	6	0.05
(1,799)	1:A:51:GLU:HG2	1:A:47:ILE:HG21	1	0.05
(1,799)	1:A:51:GLU:HG2	1:A:47:ILE:HG22	1	0.05
(1,799)	1:A:51:GLU:HG2	1:A:47:ILE:HG23	1	0.05
(1,799)	1:A:51:GLU:HG3	1:A:47:ILE:HG21	1	0.05
(1,799)	1:A:51:GLU:HG3	1:A:47:ILE:HG22	1	0.05
(1,799)	1:A:51:GLU:HG3	1:A:47:ILE:HG23	1	0.05
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD11	13	0.05
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD12	13	0.05
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD13	13	0.05
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD21	13	0.05
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD22	13	0.05
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD23	13	0.05
(1,746)	1:A:70:GLN:HG2	1:A:67:ARG:HA	7	0.05
(1,732)	1:A:63:GLN:HG3	1:A:60:GLU:HA	19	0.05
(1,732)	1:A:63:GLN:HG3	1:A:60:GLU:HA	20	0.05
(1,732)	1:A:63:GLN:HG3	1:A:60:GLU:HA	23	0.05
(1,720)	1:A:63:GLN:HB3	1:A:63:GLN:HE21	15	0.05
(1,715)	1:A:63:GLN:HB3	1:A:60:GLU:HA	20	0.05
(1,711)	1:A:63:GLN:HA	1:A:30:SER:HB2	27	0.05
(1,706)	1:A:59:ARG:HD2	1:A:59:ARG:H	18	0.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,706)	1:A:59:ARG:HD3	1:A:59:ARG:H	18	0.05
(1,684)	1:A:43:GLU:HG3	1:A:39:LEU:HD21	13	0.05
(1,684)	1:A:43:GLU:HG3	1:A:39:LEU:HD22	13	0.05
(1,684)	1:A:43:GLU:HG3	1:A:39:LEU:HD23	13	0.05
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD21	6	0.05
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD22	6	0.05
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD23	6	0.05
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD21	10	0.05
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD22	10	0.05
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD23	10	0.05
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD21	12	0.05
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD22	12	0.05
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD23	12	0.05
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD21	21	0.05
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD22	21	0.05
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD23	21	0.05
(1,662)	1:A:49:GLU:HA	1:A:46:GLN:HA	4	0.05
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB1	13	0.05
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB2	13	0.05
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB3	13	0.05
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB1	13	0.05
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB2	13	0.05
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB3	13	0.05
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB1	13	0.05
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB2	13	0.05
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB3	13	0.05
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB1	18	0.05
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB2	18	0.05
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB3	18	0.05
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB1	18	0.05
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB2	18	0.05
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB3	18	0.05
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB1	18	0.05
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB2	18	0.05
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB3	18	0.05
(1,513)	1:A:25:ILE:HB	1:A:22:LEU:HD11	12	0.05
(1,513)	1:A:25:ILE:HB	1:A:22:LEU:HD12	12	0.05
(1,513)	1:A:25:ILE:HB	1:A:22:LEU:HD13	12	0.05
(1,513)	1:A:25:ILE:HB	1:A:22:LEU:HD11	30	0.05
(1,513)	1:A:25:ILE:HB	1:A:22:LEU:HD12	30	0.05
(1,513)	1:A:25:ILE:HB	1:A:22:LEU:HD13	30	0.05
(1,506)	1:A:19:ILE:HD11	1:A:18:GLY:HA2	14	0.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,506)	1:A:19:ILE:HD12	1:A:18:GLY:HA2	14	0.05
(1,506)	1:A:19:ILE:HD13	1:A:18:GLY:HA2	14	0.05
(1,499)	1:A:47:ILE:HD11	1:A:43:GLU:HG2	8	0.05
(1,499)	1:A:47:ILE:HD12	1:A:43:GLU:HG2	8	0.05
(1,499)	1:A:47:ILE:HD13	1:A:43:GLU:HG2	8	0.05
(1,499)	1:A:47:ILE:HD11	1:A:43:GLU:HG2	17	0.05
(1,499)	1:A:47:ILE:HD12	1:A:43:GLU:HG2	17	0.05
(1,499)	1:A:47:ILE:HD13	1:A:43:GLU:HG2	17	0.05
(1,491)	1:A:27:LEU:HA	1:A:66:LEU:H	29	0.05
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD11	13	0.05
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD12	13	0.05
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD13	13	0.05
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD11	19	0.05
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD12	19	0.05
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD13	19	0.05
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD11	23	0.05
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD12	23	0.05
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD13	23	0.05
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD11	26	0.05
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD12	26	0.05
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD13	26	0.05
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD11	30	0.05
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD12	30	0.05
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD13	30	0.05
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD11	5	0.05
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD12	5	0.05
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD13	5	0.05
(1,444)	1:A:47:ILE:HA	1:A:50:ARG:HB3	5	0.05
(1,43)	1:A:13:VAL:HG21	1:A:17:LEU:H	21	0.05
(1,43)	1:A:13:VAL:HG22	1:A:17:LEU:H	21	0.05
(1,43)	1:A:13:VAL:HG23	1:A:17:LEU:H	21	0.05
(1,43)	1:A:13:VAL:HG21	1:A:73:SER:H	21	0.05
(1,43)	1:A:13:VAL:HG22	1:A:73:SER:H	21	0.05
(1,43)	1:A:13:VAL:HG23	1:A:73:SER:H	21	0.05
(1,43)	1:A:13:VAL:HG21	1:A:18:GLY:H	21	0.05
(1,43)	1:A:13:VAL:HG22	1:A:18:GLY:H	21	0.05
(1,43)	1:A:13:VAL:HG23	1:A:18:GLY:H	21	0.05
(1,43)	1:A:13:VAL:HG21	1:A:17:LEU:H	24	0.05
(1,43)	1:A:13:VAL:HG22	1:A:17:LEU:H	24	0.05
(1,43)	1:A:13:VAL:HG23	1:A:17:LEU:H	24	0.05
(1,43)	1:A:13:VAL:HG21	1:A:73:SER:H	24	0.05
(1,43)	1:A:13:VAL:HG22	1:A:73:SER:H	24	0.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,43)	1:A:13:VAL:HG23	1:A:73:SER:H	24	0.05
(1,43)	1:A:13:VAL:HG21	1:A:18:GLY:H	24	0.05
(1,43)	1:A:13:VAL:HG22	1:A:18:GLY:H	24	0.05
(1,43)	1:A:13:VAL:HG23	1:A:18:GLY:H	24	0.05
(1,412)	1:A:45:ARG:HD2	1:A:58:ILE:HA	11	0.05
(1,412)	1:A:45:ARG:HD3	1:A:58:ILE:HA	11	0.05
(1,412)	1:A:45:ARG:HD2	1:A:58:ILE:HA	11	0.05
(1,412)	1:A:45:ARG:HD3	1:A:58:ILE:HA	11	0.05
(1,394)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:25:ILE:HG13	19	0.05
(1,394)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:25:ILE:HG13	19	0.05
(1,394)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:25:ILE:HG13	19	0.05
(1,391)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:21:ASP:HA	20	0.05
(1,391)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:21:ASP:HA	20	0.05
(1,391)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:21:ASP:HA	20	0.05
(1,38)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:32:ALA:HA	29	0.05
(1,38)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:32:ALA:HA	29	0.05
(1,38)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:32:ALA:HA	29	0.05
(1,38)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:50:ARG:HA	29	0.05
(1,38)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:50:ARG:HA	29	0.05
(1,38)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:50:ARG:HA	29	0.05
(1,373)	1:A:19:ILE:HB	1:A:19:ILE:H	21	0.05
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG21	3	0.05
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG22	3	0.05
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG23	3	0.05
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG21	22	0.05
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG22	22	0.05
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG23	22	0.05
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD21	16	0.05
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD22	16	0.05
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD23	16	0.05
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD21	22	0.05
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD22	22	0.05
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD23	22	0.05
(1,306)	1:A:40:MET:HB3	1:A:38:SER:H	18	0.05
(1,306)	1:A:40:MET:HB3	1:A:38:SER:H	30	0.05
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD11	14	0.05
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD12	14	0.05
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD13	14	0.05
(1,241)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:64:LEU:HG	14	0.05
(1,241)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:64:LEU:HG	14	0.05
(1,241)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:64:LEU:HG	14	0.05
(1,241)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:64:LEU:HG	20	0.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,241)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:64:LEU:HG	20	0.05
(1,241)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:64:LEU:HG	20	0.05
(1,229)	1:A:31:LEU:HA	1:A:36:LEU:HD21	6	0.05
(1,229)	1:A:31:LEU:HA	1:A:36:LEU:HD22	6	0.05
(1,229)	1:A:31:LEU:HA	1:A:36:LEU:HD23	6	0.05
(1,221)	1:A:31:LEU:HB2	1:A:36:LEU:HB2	14	0.05
(1,221)	1:A:31:LEU:HB2	1:A:36:LEU:HB2	23	0.05
(1,213)	1:A:30:SER:HB3	1:A:33:ASP:HA	2	0.05
(1,213)	1:A:30:SER:HB3	1:A:33:ASP:HA	3	0.05
(1,213)	1:A:30:SER:HB3	1:A:33:ASP:HA	9	0.05
(1,213)	1:A:30:SER:HB3	1:A:33:ASP:HA	22	0.05
(1,177)	1:A:22:LEU:HD11	1:A:24:GLY:HA2	15	0.05
(1,177)	1:A:22:LEU:HD12	1:A:24:GLY:HA2	15	0.05
(1,177)	1:A:22:LEU:HD13	1:A:24:GLY:HA2	15	0.05
(1,177)	1:A:22:LEU:HD11	1:A:24:GLY:HA2	22	0.05
(1,177)	1:A:22:LEU:HD12	1:A:24:GLY:HA2	22	0.05
(1,177)	1:A:22:LEU:HD13	1:A:24:GLY:HA2	22	0.05
(1,177)	1:A:22:LEU:HD11	1:A:24:GLY:HA2	23	0.05
(1,177)	1:A:22:LEU:HD12	1:A:24:GLY:HA2	23	0.05
(1,177)	1:A:22:LEU:HD13	1:A:24:GLY:HA2	23	0.05
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG21	3	0.05
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG22	3	0.05
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG23	3	0.05
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG21	7	0.05
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG22	7	0.05
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG23	7	0.05
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG21	15	0.05
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG22	15	0.05
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG23	15	0.05
(1,1710)	1:A:63:GLN:H	1:A:64:LEU:H	5	0.05
(1,1710)	1:A:63:GLN:H	1:A:64:LEU:H	7	0.05
(1,1710)	1:A:63:GLN:H	1:A:64:LEU:H	8	0.05
(1,1710)	1:A:63:GLN:H	1:A:64:LEU:H	18	0.05
(1,1710)	1:A:63:GLN:H	1:A:64:LEU:H	21	0.05
(1,1710)	1:A:63:GLN:H	1:A:64:LEU:H	22	0.05
(1,1710)	1:A:63:GLN:H	1:A:64:LEU:H	25	0.05
(1,171)	1:A:22:LEU:HG	1:A:21:ASP:HA	22	0.05
(1,1701)	1:A:47:ILE:H	1:A:48:LEU:H	1	0.05
(1,1701)	1:A:47:ILE:H	1:A:48:LEU:H	15	0.05
(1,1701)	1:A:47:ILE:H	1:A:48:LEU:H	28	0.05
(1,1692)	1:A:33:ASP:H	1:A:36:LEU:H	17	0.05
(1,1631)	1:A:73:SER:HB2	1:A:10:VAL:HG21	1	0.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1631)	1:A:73:SER:HB2	1:A:10:VAL:HG22	1	0.05
(1,1631)	1:A:73:SER:HB2	1:A:10:VAL:HG23	1	0.05
(1,1631)	1:A:73:SER:HB2	1:A:10:VAL:HG21	2	0.05
(1,1631)	1:A:73:SER:HB2	1:A:10:VAL:HG22	2	0.05
(1,1631)	1:A:73:SER:HB2	1:A:10:VAL:HG23	2	0.05
(1,1631)	1:A:73:SER:HB2	1:A:10:VAL:HG21	26	0.05
(1,1631)	1:A:73:SER:HB2	1:A:10:VAL:HG22	26	0.05
(1,1631)	1:A:73:SER:HB2	1:A:10:VAL:HG23	26	0.05
(1,1631)	1:A:73:SER:HB2	1:A:10:VAL:HG21	28	0.05
(1,1631)	1:A:73:SER:HB2	1:A:10:VAL:HG22	28	0.05
(1,1631)	1:A:73:SER:HB2	1:A:10:VAL:HG23	28	0.05
(1,1628)	1:A:73:SER:HB2	1:A:9:LEU:HD11	13	0.05
(1,1628)	1:A:73:SER:HB2	1:A:9:LEU:HD12	13	0.05
(1,1628)	1:A:73:SER:HB2	1:A:9:LEU:HD13	13	0.05
(1,1618)	1:A:58:ILE:HG12	1:A:59:ARG:HD2	24	0.05
(1,1618)	1:A:58:ILE:HG12	1:A:59:ARG:HD3	24	0.05
(1,1599)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:40:MET:HG2	11	0.05
(1,1599)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:40:MET:HG2	11	0.05
(1,1599)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:40:MET:HG2	11	0.05
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:29:SER:HA	18	0.05
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:29:SER:HA	18	0.05
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:29:SER:HA	18	0.05
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG2	1:A:75:LYS:HE2	23	0.05
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG2	1:A:75:LYS:HE3	23	0.05
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG3	1:A:75:LYS:HE2	23	0.05
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG3	1:A:75:LYS:HE3	23	0.05
(1,1579)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:11:LYS:HE2	19	0.05
(1,1579)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:11:LYS:HE3	19	0.05
(1,1579)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:11:LYS:HE2	19	0.05
(1,1579)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:11:LYS:HE3	19	0.05
(1,1579)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:11:LYS:HE2	19	0.05
(1,1579)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:11:LYS:HE3	19	0.05
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:65:THR:HA	5	0.05
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:65:THR:HA	5	0.05
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:65:THR:HA	5	0.05
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:65:THR:HA	10	0.05
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:65:THR:HA	10	0.05
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:65:THR:HA	10	0.05
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:65:THR:HA	16	0.05
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:65:THR:HA	16	0.05
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:65:THR:HA	16	0.05
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:65:THR:HA	19	0.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:65:THR:HA	19	0.05
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:65:THR:HA	19	0.05
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:65:THR:HA	23	0.05
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:65:THR:HA	23	0.05
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:65:THR:HA	23	0.05
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:65:THR:HA	24	0.05
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:65:THR:HA	24	0.05
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:65:THR:HA	24	0.05
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:65:THR:HA	25	0.05
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:65:THR:HA	25	0.05
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:65:THR:HA	25	0.05
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:65:THR:HA	26	0.05
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:65:THR:HA	26	0.05
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:65:THR:HA	26	0.05
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:65:THR:HA	27	0.05
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:65:THR:HA	27	0.05
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:65:THR:HA	27	0.05
(1,1575)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:13:VAL:H	10	0.05
(1,1575)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:13:VAL:H	10	0.05
(1,1575)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:13:VAL:H	10	0.05
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:26:ASN:H	2	0.05
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:26:ASN:H	2	0.05
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:26:ASN:H	2	0.05
(1,1552)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:24:GLY:H	10	0.05
(1,1552)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:24:GLY:H	10	0.05
(1,1552)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:24:GLY:H	10	0.05
(1,1552)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:24:GLY:H	17	0.05
(1,1552)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:24:GLY:H	17	0.05
(1,1552)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:24:GLY:H	17	0.05
(1,1551)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:17:LEU:H	7	0.05
(1,1551)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:17:LEU:H	7	0.05
(1,1551)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:17:LEU:H	7	0.05
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:40:MET:HA	7	0.05
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:40:MET:HA	7	0.05
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:40:MET:HA	7	0.05
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:40:MET:HA	16	0.05
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:40:MET:HA	16	0.05
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:40:MET:HA	16	0.05
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:42:VAL:HA	14	0.05
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:42:VAL:HA	14	0.05
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:42:VAL:HA	14	0.05
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:42:VAL:HA	15	0.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:42:VAL:HA	15	0.05
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:42:VAL:HA	15	0.05
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:42:VAL:HA	24	0.05
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:42:VAL:HA	24	0.05
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:42:VAL:HA	24	0.05
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:42:VAL:HA	30	0.05
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:42:VAL:HA	30	0.05
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:42:VAL:HA	30	0.05
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG21	1:A:45:ARG:HE	5	0.05
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG22	1:A:45:ARG:HE	5	0.05
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG23	1:A:45:ARG:HE	5	0.05
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG21	1:A:45:ARG:HE	17	0.05
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG22	1:A:45:ARG:HE	17	0.05
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG23	1:A:45:ARG:HE	17	0.05
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG21	1:A:45:ARG:HE	21	0.05
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG22	1:A:45:ARG:HE	21	0.05
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG23	1:A:45:ARG:HE	21	0.05
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG21	1:A:45:ARG:HE	28	0.05
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG22	1:A:45:ARG:HE	28	0.05
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG23	1:A:45:ARG:HE	28	0.05
(1,1523)	1:A:73:SER:HA	1:A:70:GLN:H	14	0.05
(1,1523)	1:A:73:SER:HA	1:A:70:GLN:H	23	0.05
(1,1523)	1:A:73:SER:HA	1:A:70:GLN:H	27	0.05
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD2	5	0.05
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD3	5	0.05
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD2	5	0.05
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD3	5	0.05
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD2	5	0.05
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD3	5	0.05
(1,1498)	1:A:67:ARG:HD2	1:A:69:LEU:H	8	0.05
(1,1498)	1:A:67:ARG:HD2	1:A:69:LEU:H	13	0.05
(1,1498)	1:A:67:ARG:HD2	1:A:69:LEU:H	22	0.05
(1,1498)	1:A:67:ARG:HD2	1:A:69:LEU:H	28	0.05
(1,1497)	1:A:65:THR:HG21	1:A:63:GLN:HB2	19	0.05
(1,1497)	1:A:65:THR:HG22	1:A:63:GLN:HB2	19	0.05
(1,1497)	1:A:65:THR:HG23	1:A:63:GLN:HB2	19	0.05
(1,1494)	1:A:46:GLN:HG2	1:A:50:ARG:HD2	30	0.05
(1,1494)	1:A:46:GLN:HG2	1:A:50:ARG:HD3	30	0.05
(1,1493)	1:A:46:GLN:HG3	1:A:50:ARG:HD2	4	0.05
(1,1493)	1:A:46:GLN:HG3	1:A:50:ARG:HD3	4	0.05
(1,1493)	1:A:46:GLN:HG3	1:A:50:ARG:HD2	29	0.05
(1,1493)	1:A:46:GLN:HG3	1:A:50:ARG:HD3	29	0.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:46:GLN:HG2	17	0.05
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:46:GLN:HG2	17	0.05
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:46:GLN:HG2	17	0.05
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:19:ILE:HB	3	0.05
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:19:ILE:HB	3	0.05
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:19:ILE:HB	3	0.05
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG11	2	0.05
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG12	2	0.05
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG13	2	0.05
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG11	2	0.05
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG12	2	0.05
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG13	2	0.05
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG11	2	0.05
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG12	2	0.05
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG13	2	0.05
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG11	6	0.05
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG12	6	0.05
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG13	6	0.05
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG11	6	0.05
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG12	6	0.05
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG13	6	0.05
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG11	6	0.05
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG12	6	0.05
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG13	6	0.05
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG11	12	0.05
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG12	12	0.05
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG13	12	0.05
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG11	12	0.05
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG12	12	0.05
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG13	12	0.05
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG11	12	0.05
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG12	12	0.05
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG13	12	0.05
(1,1447)	1:A:13:VAL:HG11	1:A:17:LEU:HG	16	0.05
(1,1447)	1:A:13:VAL:HG12	1:A:17:LEU:HG	16	0.05
(1,1447)	1:A:13:VAL:HG13	1:A:17:LEU:HG	16	0.05
(1,1402)	1:A:42:VAL:HA	1:A:45:ARG:HB3	2	0.05
(1,1402)	1:A:42:VAL:HA	1:A:45:ARG:HB3	7	0.05
(1,1402)	1:A:42:VAL:HA	1:A:45:ARG:HB3	8	0.05
(1,1402)	1:A:42:VAL:HA	1:A:45:ARG:HB3	16	0.05
(1,1402)	1:A:42:VAL:HA	1:A:45:ARG:HB3	23	0.05
(1,1393)	1:A:44:VAL:HA	1:A:48:LEU:HG	28	0.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1354)	1:A:69:LEU:HD21	1:A:67:ARG:HD3	15	0.05
(1,1354)	1:A:69:LEU:HD22	1:A:67:ARG:HD3	15	0.05
(1,1354)	1:A:69:LEU:HD23	1:A:67:ARG:HD3	15	0.05
(1,1303)	1:A:64:LEU:HB2	1:A:31:LEU:HB3	11	0.05
(1,1296)	1:A:63:GLN:HA	1:A:32:ALA:HB1	27	0.05
(1,1296)	1:A:63:GLN:HA	1:A:32:ALA:HB2	27	0.05
(1,1296)	1:A:63:GLN:HA	1:A:32:ALA:HB3	27	0.05
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:57:PRO:HB3	9	0.05
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:57:PRO:HB3	9	0.05
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:57:PRO:HB3	9	0.05
(1,1204)	1:A:58:ILE:HA	1:A:61:VAL:HB	28	0.05
(1,1195)	1:A:56:LEU:HG	1:A:56:LEU:H	14	0.05
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HB2	7	0.05
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HG2	7	0.05
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HB2	28	0.05
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HG2	28	0.05
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HB2	29	0.05
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HG2	29	0.05
(1,1172)	1:A:55:VAL:HA	1:A:57:PRO:HG3	1	0.05
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD11	1:A:51:GLU:HB2	8	0.05
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD12	1:A:51:GLU:HB2	8	0.05
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD13	1:A:51:GLU:HB2	8	0.05
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD11	1:A:51:GLU:HB2	30	0.05
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD12	1:A:51:GLU:HB2	30	0.05
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD13	1:A:51:GLU:HB2	30	0.05
(1,1161)	1:A:54:LEU:HD11	1:A:52:HIS:HB3	13	0.05
(1,1161)	1:A:54:LEU:HD12	1:A:52:HIS:HB3	13	0.05
(1,1161)	1:A:54:LEU:HD13	1:A:52:HIS:HB3	13	0.05
(1,1161)	1:A:54:LEU:HD11	1:A:52:HIS:HB3	18	0.05
(1,1161)	1:A:54:LEU:HD12	1:A:52:HIS:HB3	18	0.05
(1,1161)	1:A:54:LEU:HD13	1:A:52:HIS:HB3	18	0.05
(1,1160)	1:A:54:LEU:HD11	1:A:54:LEU:HA	17	0.05
(1,1160)	1:A:54:LEU:HD12	1:A:54:LEU:HA	17	0.05
(1,1160)	1:A:54:LEU:HD13	1:A:54:LEU:HA	17	0.05
(1,1158)	1:A:54:LEU:HB3	1:A:48:LEU:HB3	4	0.05
(1,1158)	1:A:54:LEU:HB3	1:A:48:LEU:HB3	21	0.05
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG21	15	0.05
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG22	15	0.05
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG23	15	0.05
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG21	15	0.05
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG22	15	0.05
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG23	15	0.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG21	15	0.05
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG22	15	0.05
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG23	15	0.05
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG21	25	0.05
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG22	25	0.05
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG23	25	0.05
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG21	25	0.05
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG22	25	0.05
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG23	25	0.05
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG21	25	0.05
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG22	25	0.05
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG23	25	0.05
(1,1037)	1:A:36:LEU:HB3	1:A:40:MET:HA	24	0.05
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:31:LEU:HA	22	0.05
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:31:LEU:HA	22	0.05
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:31:LEU:HA	22	0.05
(1,1016)	1:A:34:LEU:HD11	1:A:29:SER:H	11	0.05
(1,1016)	1:A:34:LEU:HD12	1:A:29:SER:H	11	0.05
(1,1016)	1:A:34:LEU:HD13	1:A:29:SER:H	11	0.05
(1,1016)	1:A:34:LEU:HD11	1:A:29:SER:H	30	0.05
(1,1016)	1:A:34:LEU:HD12	1:A:29:SER:H	30	0.05
(1,1016)	1:A:34:LEU:HD13	1:A:29:SER:H	30	0.05
(1,999)	1:A:33:ASP:HB3	1:A:35:GLY:H	6	0.04
(1,996)	1:A:33:ASP:HB2	1:A:29:SER:HB2	16	0.04
(1,972)	1:A:27:LEU:HD21	1:A:70:GLN:HE21	6	0.04
(1,972)	1:A:27:LEU:HD22	1:A:70:GLN:HE21	6	0.04
(1,972)	1:A:27:LEU:HD23	1:A:70:GLN:HE21	6	0.04
(1,972)	1:A:27:LEU:HD21	1:A:70:GLN:HE21	10	0.04
(1,972)	1:A:27:LEU:HD22	1:A:70:GLN:HE21	10	0.04
(1,972)	1:A:27:LEU:HD23	1:A:70:GLN:HE21	10	0.04
(1,972)	1:A:27:LEU:HD21	1:A:70:GLN:HE21	18	0.04
(1,972)	1:A:27:LEU:HD22	1:A:70:GLN:HE21	18	0.04
(1,972)	1:A:27:LEU:HD23	1:A:70:GLN:HE21	18	0.04
(1,971)	1:A:27:LEU:HD11	1:A:25:ILE:H	22	0.04
(1,971)	1:A:27:LEU:HD12	1:A:25:ILE:H	22	0.04
(1,971)	1:A:27:LEU:HD13	1:A:25:ILE:H	22	0.04
(1,971)	1:A:27:LEU:HD11	1:A:25:ILE:H	29	0.04
(1,971)	1:A:27:LEU:HD12	1:A:25:ILE:H	29	0.04
(1,971)	1:A:27:LEU:HD13	1:A:25:ILE:H	29	0.04
(1,97)	1:A:52:HIS:HB2	1:A:54:LEU:HB3	8	0.04
(1,939)	1:A:57:PRO:HD2	1:A:60:GLU:HG2	15	0.04
(1,939)	1:A:57:PRO:HD2	1:A:60:GLU:HG3	15	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD21	1	0.04
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD22	1	0.04
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD23	1	0.04
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD21	23	0.04
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD22	23	0.04
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD23	23	0.04
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:9:LEU:HB3	20	0.04
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG2	20	0.04
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG3	20	0.04
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:9:LEU:HB3	23	0.04
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG2	23	0.04
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG3	23	0.04
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:9:LEU:HB3	24	0.04
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG2	24	0.04
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG3	24	0.04
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:9:LEU:HB3	28	0.04
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG2	28	0.04
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG3	28	0.04
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:9:LEU:HB3	30	0.04
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG2	30	0.04
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG3	30	0.04
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD11	25	0.04
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD12	25	0.04
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD13	25	0.04
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD11	26	0.04
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD12	26	0.04
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD13	26	0.04
(1,755)	1:A:70:GLN:HG2	1:A:10:VAL:HG21	3	0.04
(1,755)	1:A:70:GLN:HG2	1:A:10:VAL:HG22	3	0.04
(1,755)	1:A:70:GLN:HG2	1:A:10:VAL:HG23	3	0.04
(1,754)	1:A:70:GLN:HG3	1:A:72:MET:H	7	0.04
(1,740)	1:A:70:GLN:HA	1:A:10:VAL:HG21	21	0.04
(1,740)	1:A:70:GLN:HA	1:A:10:VAL:HG22	21	0.04
(1,740)	1:A:70:GLN:HA	1:A:10:VAL:HG23	21	0.04
(1,732)	1:A:63:GLN:HG3	1:A:60:GLU:HA	12	0.04
(1,732)	1:A:63:GLN:HG3	1:A:60:GLU:HA	14	0.04
(1,732)	1:A:63:GLN:HG3	1:A:60:GLU:HA	25	0.04
(1,715)	1:A:63:GLN:HB3	1:A:60:GLU:HA	16	0.04
(1,715)	1:A:63:GLN:HB3	1:A:60:GLU:HA	27	0.04
(1,706)	1:A:59:ARG:HD2	1:A:59:ARG:H	3	0.04
(1,706)	1:A:59:ARG:HD3	1:A:59:ARG:H	3	0.04
(1,706)	1:A:59:ARG:HD2	1:A:59:ARG:H	11	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,706)	1:A:59:ARG:HD3	1:A:59:ARG:H	11	0.04
(1,706)	1:A:59:ARG:HD2	1:A:59:ARG:H	12	0.04
(1,706)	1:A:59:ARG:HD3	1:A:59:ARG:H	12	0.04
(1,706)	1:A:59:ARG:HD2	1:A:59:ARG:H	15	0.04
(1,706)	1:A:59:ARG:HD3	1:A:59:ARG:H	15	0.04
(1,706)	1:A:59:ARG:HD2	1:A:59:ARG:H	17	0.04
(1,706)	1:A:59:ARG:HD3	1:A:59:ARG:H	17	0.04
(1,706)	1:A:59:ARG:HD2	1:A:59:ARG:H	26	0.04
(1,706)	1:A:59:ARG:HD3	1:A:59:ARG:H	26	0.04
(1,70)	1:A:9:LEU:HD21	1:A:72:MET:H	28	0.04
(1,70)	1:A:9:LEU:HD22	1:A:72:MET:H	28	0.04
(1,70)	1:A:9:LEU:HD23	1:A:72:MET:H	28	0.04
(1,70)	1:A:9:LEU:HD21	1:A:71:GLU:H	28	0.04
(1,70)	1:A:9:LEU:HD22	1:A:71:GLU:H	28	0.04
(1,70)	1:A:9:LEU:HD23	1:A:71:GLU:H	28	0.04
(1,691)	1:A:43:GLU:HB2	1:A:47:ILE:HD11	26	0.04
(1,691)	1:A:43:GLU:HB2	1:A:47:ILE:HD12	26	0.04
(1,691)	1:A:43:GLU:HB2	1:A:47:ILE:HD13	26	0.04
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD21	26	0.04
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD22	26	0.04
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD23	26	0.04
(1,662)	1:A:49:GLU:HA	1:A:46:GLN:HA	1	0.04
(1,662)	1:A:49:GLU:HA	1:A:46:GLN:HA	3	0.04
(1,662)	1:A:49:GLU:HA	1:A:46:GLN:HA	29	0.04
(1,607)	1:A:67:ARG:HA	1:A:67:ARG:HD3	12	0.04
(1,593)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:66:LEU:HA	16	0.04
(1,593)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:66:LEU:HA	16	0.04
(1,593)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:66:LEU:HA	16	0.04
(1,593)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:66:LEU:HA	28	0.04
(1,593)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:66:LEU:HA	28	0.04
(1,593)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:66:LEU:HA	28	0.04
(1,59)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:64:LEU:HB2	26	0.04
(1,59)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:64:LEU:HB2	26	0.04
(1,59)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:64:LEU:HB2	26	0.04
(1,59)	1:A:66:LEU:HD21	1:A:64:LEU:HB2	26	0.04
(1,59)	1:A:66:LEU:HD22	1:A:64:LEU:HB2	26	0.04
(1,59)	1:A:66:LEU:HD23	1:A:64:LEU:HB2	26	0.04
(1,58)	1:A:66:LEU:HD21	1:A:10:VAL:HB	14	0.04
(1,58)	1:A:66:LEU:HD22	1:A:10:VAL:HB	14	0.04
(1,58)	1:A:66:LEU:HD23	1:A:10:VAL:HB	14	0.04
(1,58)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:43:GLU:HB2	14	0.04
(1,58)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:43:GLU:HB2	14	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,58)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:43:GLU:HB2	14	0.04
(1,58)	1:A:66:LEU:HD21	1:A:10:VAL:HB	16	0.04
(1,58)	1:A:66:LEU:HD22	1:A:10:VAL:HB	16	0.04
(1,58)	1:A:66:LEU:HD23	1:A:10:VAL:HB	16	0.04
(1,58)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:43:GLU:HB2	16	0.04
(1,58)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:43:GLU:HB2	16	0.04
(1,58)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:43:GLU:HB2	16	0.04
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB1	8	0.04
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB2	8	0.04
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB3	8	0.04
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB1	8	0.04
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB2	8	0.04
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB3	8	0.04
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB1	8	0.04
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB2	8	0.04
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB3	8	0.04
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB1	15	0.04
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB2	15	0.04
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB3	15	0.04
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB1	15	0.04
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB2	15	0.04
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB3	15	0.04
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB1	15	0.04
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB2	15	0.04
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB3	15	0.04
(1,513)	1:A:25:ILE:HB	1:A:22:LEU:HD11	18	0.04
(1,513)	1:A:25:ILE:HB	1:A:22:LEU:HD12	18	0.04
(1,513)	1:A:25:ILE:HB	1:A:22:LEU:HD13	18	0.04
(1,499)	1:A:47:ILE:HD11	1:A:43:GLU:HG2	13	0.04
(1,499)	1:A:47:ILE:HD12	1:A:43:GLU:HG2	13	0.04
(1,499)	1:A:47:ILE:HD13	1:A:43:GLU:HG2	13	0.04
(1,499)	1:A:47:ILE:HD11	1:A:43:GLU:HG2	25	0.04
(1,499)	1:A:47:ILE:HD12	1:A:43:GLU:HG2	25	0.04
(1,499)	1:A:47:ILE:HD13	1:A:43:GLU:HG2	25	0.04
(1,491)	1:A:27:LEU:HA	1:A:66:LEU:H	25	0.04
(1,479)	1:A:23:ALA:HA	1:A:21:ASP:HA	2	0.04
(1,479)	1:A:23:ALA:HA	1:A:21:ASP:HA	13	0.04
(1,479)	1:A:23:ALA:HA	1:A:21:ASP:HA	14	0.04
(1,479)	1:A:23:ALA:HA	1:A:21:ASP:HA	25	0.04
(1,475)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:20:ARG:HB2	20	0.04
(1,475)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:20:ARG:HB2	20	0.04
(1,475)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:20:ARG:HB2	20	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,475)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:20:ARG:HB2	21	0.04
(1,475)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:20:ARG:HB2	21	0.04
(1,475)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:20:ARG:HB2	21	0.04
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD11	11	0.04
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD12	11	0.04
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD13	11	0.04
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD11	28	0.04
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD12	28	0.04
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD13	28	0.04
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD11	29	0.04
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD12	29	0.04
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD13	29	0.04
(1,456)	1:A:47:ILE:HB	1:A:50:ARG:H	13	0.04
(1,45)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:11:LYS:HE2	15	0.04
(1,45)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:11:LYS:HE3	15	0.04
(1,45)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:11:LYS:HE2	15	0.04
(1,45)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:11:LYS:HE3	15	0.04
(1,45)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:11:LYS:HE2	15	0.04
(1,45)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:11:LYS:HE3	15	0.04
(1,43)	1:A:13:VAL:HG21	1:A:17:LEU:H	14	0.04
(1,43)	1:A:13:VAL:HG22	1:A:17:LEU:H	14	0.04
(1,43)	1:A:13:VAL:HG23	1:A:17:LEU:H	14	0.04
(1,43)	1:A:13:VAL:HG21	1:A:73:SER:H	14	0.04
(1,43)	1:A:13:VAL:HG22	1:A:73:SER:H	14	0.04
(1,43)	1:A:13:VAL:HG23	1:A:73:SER:H	14	0.04
(1,43)	1:A:13:VAL:HG21	1:A:18:GLY:H	14	0.04
(1,43)	1:A:13:VAL:HG22	1:A:18:GLY:H	14	0.04
(1,43)	1:A:13:VAL:HG23	1:A:18:GLY:H	14	0.04
(1,412)	1:A:45:ARG:HD2	1:A:58:ILE:HA	30	0.04
(1,412)	1:A:45:ARG:HD3	1:A:58:ILE:HA	30	0.04
(1,412)	1:A:45:ARG:HD2	1:A:58:ILE:HA	30	0.04
(1,412)	1:A:45:ARG:HD3	1:A:58:ILE:HA	30	0.04
(1,38)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:32:ALA:HA	12	0.04
(1,38)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:32:ALA:HA	12	0.04
(1,38)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:32:ALA:HA	12	0.04
(1,38)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:50:ARG:HA	12	0.04
(1,38)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:50:ARG:HA	12	0.04
(1,38)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:50:ARG:HA	12	0.04
(1,38)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:32:ALA:HA	13	0.04
(1,38)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:32:ALA:HA	13	0.04
(1,38)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:32:ALA:HA	13	0.04
(1,38)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:50:ARG:HA	13	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,38)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:50:ARG:HA	13	0.04
(1,38)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:50:ARG:HA	13	0.04
(1,38)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:32:ALA:HA	28	0.04
(1,38)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:32:ALA:HA	28	0.04
(1,38)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:32:ALA:HA	28	0.04
(1,38)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:50:ARG:HA	28	0.04
(1,38)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:50:ARG:HA	28	0.04
(1,38)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:50:ARG:HA	28	0.04
(1,373)	1:A:19:ILE:HB	1:A:19:ILE:H	12	0.04
(1,373)	1:A:19:ILE:HB	1:A:19:ILE:H	17	0.04
(1,373)	1:A:19:ILE:HB	1:A:19:ILE:H	29	0.04
(1,316)	1:A:40:MET:HB2	1:A:39:LEU:HD21	6	0.04
(1,316)	1:A:40:MET:HB2	1:A:39:LEU:HD22	6	0.04
(1,316)	1:A:40:MET:HB2	1:A:39:LEU:HD23	6	0.04
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD21	7	0.04
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD22	7	0.04
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD23	7	0.04
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD21	10	0.04
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD22	10	0.04
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD23	10	0.04
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD21	14	0.04
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD22	14	0.04
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD23	14	0.04
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD21	15	0.04
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD22	15	0.04
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD23	15	0.04
(1,306)	1:A:40:MET:HB3	1:A:38:SER:H	11	0.04
(1,297)	1:A:17:LEU:HD11	1:A:16:ILE:HA	1	0.04
(1,297)	1:A:17:LEU:HD12	1:A:16:ILE:HA	1	0.04
(1,297)	1:A:17:LEU:HD13	1:A:16:ILE:HA	1	0.04
(1,297)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:16:ILE:HA	1	0.04
(1,297)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:16:ILE:HA	1	0.04
(1,297)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:16:ILE:HA	1	0.04
(1,241)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:64:LEU:HG	10	0.04
(1,241)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:64:LEU:HG	10	0.04
(1,241)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:64:LEU:HG	10	0.04
(1,241)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:64:LEU:HG	25	0.04
(1,241)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:64:LEU:HG	25	0.04
(1,241)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:64:LEU:HG	25	0.04
(1,241)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:64:LEU:HG	26	0.04
(1,241)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:64:LEU:HG	26	0.04
(1,241)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:64:LEU:HG	26	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,239)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:62:ARG:HG3	26	0.04
(1,239)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:62:ARG:HG3	26	0.04
(1,239)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:62:ARG:HG3	26	0.04
(1,236)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:66:LEU:H	14	0.04
(1,236)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:66:LEU:H	14	0.04
(1,236)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:66:LEU:H	14	0.04
(1,229)	1:A:31:LEU:HA	1:A:36:LEU:HD21	24	0.04
(1,229)	1:A:31:LEU:HA	1:A:36:LEU:HD22	24	0.04
(1,229)	1:A:31:LEU:HA	1:A:36:LEU:HD23	24	0.04
(1,213)	1:A:30:SER:HB3	1:A:33:ASP:HA	4	0.04
(1,213)	1:A:30:SER:HB3	1:A:33:ASP:HA	10	0.04
(1,213)	1:A:30:SER:HB3	1:A:33:ASP:HA	15	0.04
(1,213)	1:A:30:SER:HB3	1:A:33:ASP:HA	17	0.04
(1,213)	1:A:30:SER:HB3	1:A:33:ASP:HA	20	0.04
(1,213)	1:A:30:SER:HB3	1:A:33:ASP:HA	24	0.04
(1,192)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HD21	29	0.04
(1,192)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HD22	29	0.04
(1,192)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HD23	29	0.04
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:74:SER:H	10	0.04
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:69:LEU:H	10	0.04
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:74:SER:H	17	0.04
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:69:LEU:H	17	0.04
(1,177)	1:A:22:LEU:HD11	1:A:24:GLY:HA2	1	0.04
(1,177)	1:A:22:LEU:HD12	1:A:24:GLY:HA2	1	0.04
(1,177)	1:A:22:LEU:HD13	1:A:24:GLY:HA2	1	0.04
(1,177)	1:A:22:LEU:HD11	1:A:24:GLY:HA2	26	0.04
(1,177)	1:A:22:LEU:HD12	1:A:24:GLY:HA2	26	0.04
(1,177)	1:A:22:LEU:HD13	1:A:24:GLY:HA2	26	0.04
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG21	8	0.04
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG22	8	0.04
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG23	8	0.04
(1,1710)	1:A:63:GLN:H	1:A:64:LEU:H	1	0.04
(1,1710)	1:A:63:GLN:H	1:A:64:LEU:H	3	0.04
(1,1710)	1:A:63:GLN:H	1:A:64:LEU:H	6	0.04
(1,1710)	1:A:63:GLN:H	1:A:64:LEU:H	9	0.04
(1,1710)	1:A:63:GLN:H	1:A:64:LEU:H	13	0.04
(1,1710)	1:A:63:GLN:H	1:A:64:LEU:H	16	0.04
(1,1710)	1:A:63:GLN:H	1:A:64:LEU:H	19	0.04
(1,1710)	1:A:63:GLN:H	1:A:64:LEU:H	27	0.04
(1,171)	1:A:22:LEU:HG	1:A:21:ASP:HA	17	0.04
(1,171)	1:A:22:LEU:HG	1:A:21:ASP:HA	26	0.04
(1,171)	1:A:22:LEU:HG	1:A:21:ASP:HA	30	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1701)	1:A:47:ILE:H	1:A:48:LEU:H	22	0.04
(1,1692)	1:A:33:ASP:H	1:A:36:LEU:H	18	0.04
(1,1628)	1:A:73:SER:HB2	1:A:9:LEU:HD11	6	0.04
(1,1628)	1:A:73:SER:HB2	1:A:9:LEU:HD12	6	0.04
(1,1628)	1:A:73:SER:HB2	1:A:9:LEU:HD13	6	0.04
(1,1599)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:40:MET:HG2	16	0.04
(1,1599)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:40:MET:HG2	16	0.04
(1,1599)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:40:MET:HG2	16	0.04
(1,1588)	1:A:7:ARG:HG2	1:A:12:ALA:H	15	0.04
(1,1588)	1:A:7:ARG:HG3	1:A:12:ALA:H	15	0.04
(1,1587)	1:A:9:LEU:HG	1:A:75:LYS:HE2	22	0.04
(1,1587)	1:A:9:LEU:HG	1:A:75:LYS:HE3	22	0.04
(1,1587)	1:A:9:LEU:HG	1:A:75:LYS:HE2	27	0.04
(1,1587)	1:A:9:LEU:HG	1:A:75:LYS:HE3	27	0.04
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:65:THR:HA	3	0.04
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:65:THR:HA	3	0.04
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:65:THR:HA	3	0.04
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:65:THR:HA	6	0.04
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:65:THR:HA	6	0.04
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:65:THR:HA	6	0.04
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:65:THR:HA	7	0.04
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:65:THR:HA	7	0.04
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:65:THR:HA	7	0.04
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:65:THR:HA	9	0.04
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:65:THR:HA	9	0.04
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:65:THR:HA	9	0.04
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:65:THR:HA	17	0.04
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:65:THR:HA	17	0.04
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:65:THR:HA	17	0.04
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:65:THR:HA	20	0.04
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:65:THR:HA	20	0.04
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:65:THR:HA	20	0.04
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:65:THR:HA	29	0.04
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:65:THR:HA	29	0.04
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:65:THR:HA	29	0.04
(1,1575)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:13:VAL:H	19	0.04
(1,1575)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:13:VAL:H	19	0.04
(1,1575)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:13:VAL:H	19	0.04
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:26:ASN:H	8	0.04
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:26:ASN:H	8	0.04
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:26:ASN:H	8	0.04
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:26:ASN:H	25	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:26:ASN:H	25	0.04
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:26:ASN:H	25	0.04
(1,1552)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:24:GLY:H	8	0.04
(1,1552)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:24:GLY:H	8	0.04
(1,1552)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:24:GLY:H	8	0.04
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:40:MET:HA	10	0.04
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:40:MET:HA	10	0.04
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:40:MET:HA	10	0.04
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:40:MET:HA	17	0.04
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:40:MET:HA	17	0.04
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:40:MET:HA	17	0.04
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:40:MET:HA	19	0.04
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:40:MET:HA	19	0.04
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:40:MET:HA	19	0.04
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:40:MET:HA	25	0.04
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:40:MET:HA	25	0.04
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:40:MET:HA	25	0.04
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:42:VAL:HA	8	0.04
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:42:VAL:HA	8	0.04
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:42:VAL:HA	8	0.04
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:42:VAL:HA	25	0.04
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:42:VAL:HA	25	0.04
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:42:VAL:HA	25	0.04
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG21	1:A:45:ARG:HE	2	0.04
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG22	1:A:45:ARG:HE	2	0.04
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG23	1:A:45:ARG:HE	2	0.04
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG21	1:A:45:ARG:HE	4	0.04
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG22	1:A:45:ARG:HE	4	0.04
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG23	1:A:45:ARG:HE	4	0.04
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG21	1:A:45:ARG:HE	25	0.04
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG22	1:A:45:ARG:HE	25	0.04
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG23	1:A:45:ARG:HE	25	0.04
(1,1539)	1:A:44:VAL:HB	1:A:48:LEU:H	18	0.04
(1,1531)	1:A:10:VAL:HG21	1:A:72:MET:H	6	0.04
(1,1531)	1:A:10:VAL:HG22	1:A:72:MET:H	6	0.04
(1,1531)	1:A:10:VAL:HG23	1:A:72:MET:H	6	0.04
(1,1531)	1:A:10:VAL:HG21	1:A:72:MET:H	24	0.04
(1,1531)	1:A:10:VAL:HG22	1:A:72:MET:H	24	0.04
(1,1531)	1:A:10:VAL:HG23	1:A:72:MET:H	24	0.04
(1,1523)	1:A:73:SER:HA	1:A:70:GLN:H	18	0.04
(1,1523)	1:A:73:SER:HA	1:A:70:GLN:H	25	0.04
(1,1517)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:7:ARG:HA	12	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1503)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:49:GLU:H	12	0.04
(1,1503)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:49:GLU:H	12	0.04
(1,1503)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:49:GLU:H	12	0.04
(1,1498)	1:A:67:ARG:HD2	1:A:69:LEU:H	5	0.04
(1,1498)	1:A:67:ARG:HD2	1:A:69:LEU:H	14	0.04
(1,1498)	1:A:67:ARG:HD2	1:A:69:LEU:H	18	0.04
(1,1498)	1:A:67:ARG:HD2	1:A:69:LEU:H	19	0.04
(1,1498)	1:A:67:ARG:HD2	1:A:69:LEU:H	20	0.04
(1,1498)	1:A:67:ARG:HD2	1:A:69:LEU:H	25	0.04
(1,1497)	1:A:65:THR:HG21	1:A:63:GLN:HB2	18	0.04
(1,1497)	1:A:65:THR:HG22	1:A:63:GLN:HB2	18	0.04
(1,1497)	1:A:65:THR:HG23	1:A:63:GLN:HB2	18	0.04
(1,1497)	1:A:65:THR:HG21	1:A:63:GLN:HB2	21	0.04
(1,1497)	1:A:65:THR:HG22	1:A:63:GLN:HB2	21	0.04
(1,1497)	1:A:65:THR:HG23	1:A:63:GLN:HB2	21	0.04
(1,1497)	1:A:65:THR:HG21	1:A:63:GLN:HB2	26	0.04
(1,1497)	1:A:65:THR:HG22	1:A:63:GLN:HB2	26	0.04
(1,1497)	1:A:65:THR:HG23	1:A:63:GLN:HB2	26	0.04
(1,1494)	1:A:46:GLN:HG2	1:A:50:ARG:HD2	26	0.04
(1,1494)	1:A:46:GLN:HG2	1:A:50:ARG:HD3	26	0.04
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:46:GLN:HG2	18	0.04
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:46:GLN:HG2	18	0.04
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:46:GLN:HG2	18	0.04
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:19:ILE:HB	5	0.04
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:19:ILE:HB	5	0.04
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:19:ILE:HB	5	0.04
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG11	1	0.04
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG12	1	0.04
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG13	1	0.04
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG11	1	0.04
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG12	1	0.04
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG13	1	0.04
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG11	1	0.04
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG12	1	0.04
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG13	1	0.04
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG11	11	0.04
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG12	11	0.04
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG13	11	0.04
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG11	11	0.04
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG12	11	0.04
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG13	11	0.04
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG11	11	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG12	11	0.04
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG13	11	0.04
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:47:ILE:HG13	23	0.04
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:47:ILE:HG13	23	0.04
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:47:ILE:HG13	23	0.04
(1,1435)	1:A:13:VAL:HG11	1:A:9:LEU:HA	13	0.04
(1,1435)	1:A:13:VAL:HG12	1:A:9:LEU:HA	13	0.04
(1,1435)	1:A:13:VAL:HG13	1:A:9:LEU:HA	13	0.04
(1,1429)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:39:LEU:H	11	0.04
(1,1429)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:39:LEU:H	11	0.04
(1,1429)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:39:LEU:H	11	0.04
(1,1423)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:39:LEU:HG	14	0.04
(1,1423)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:39:LEU:HG	14	0.04
(1,1423)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:39:LEU:HG	14	0.04
(1,1411)	1:A:42:VAL:HG11	1:A:43:GLU:HG3	17	0.04
(1,1411)	1:A:42:VAL:HG12	1:A:43:GLU:HG3	17	0.04
(1,1411)	1:A:42:VAL:HG13	1:A:43:GLU:HG3	17	0.04
(1,1407)	1:A:42:VAL:HA	1:A:44:VAL:H	1	0.04
(1,1407)	1:A:42:VAL:HA	1:A:44:VAL:H	5	0.04
(1,1407)	1:A:42:VAL:HA	1:A:44:VAL:H	16	0.04
(1,1402)	1:A:42:VAL:HA	1:A:45:ARG:HB3	1	0.04
(1,1402)	1:A:42:VAL:HA	1:A:45:ARG:HB3	4	0.04
(1,1402)	1:A:42:VAL:HA	1:A:45:ARG:HB3	5	0.04
(1,1402)	1:A:42:VAL:HA	1:A:45:ARG:HB3	6	0.04
(1,1402)	1:A:42:VAL:HA	1:A:45:ARG:HB3	14	0.04
(1,1402)	1:A:42:VAL:HA	1:A:45:ARG:HB3	20	0.04
(1,1402)	1:A:42:VAL:HA	1:A:45:ARG:HB3	25	0.04
(1,1402)	1:A:42:VAL:HA	1:A:45:ARG:HB3	27	0.04
(1,1402)	1:A:42:VAL:HA	1:A:45:ARG:HB3	29	0.04
(1,1378)	1:A:12:ALA:HB1	1:A:9:LEU:HA	8	0.04
(1,1378)	1:A:12:ALA:HB2	1:A:9:LEU:HA	8	0.04
(1,1378)	1:A:12:ALA:HB3	1:A:9:LEU:HA	8	0.04
(1,1367)	1:A:71:GLU:HA	1:A:68:LYS:HG2	13	0.04
(1,1367)	1:A:71:GLU:HA	1:A:68:LYS:HG3	13	0.04
(1,1332)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:69:LEU:H	30	0.04
(1,1332)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:69:LEU:H	30	0.04
(1,1331)	1:A:68:LYS:HG2	1:A:64:LEU:HD21	2	0.04
(1,1331)	1:A:68:LYS:HG2	1:A:64:LEU:HD22	2	0.04
(1,1331)	1:A:68:LYS:HG2	1:A:64:LEU:HD23	2	0.04
(1,1331)	1:A:68:LYS:HG3	1:A:64:LEU:HD21	2	0.04
(1,1331)	1:A:68:LYS:HG3	1:A:64:LEU:HD22	2	0.04
(1,1331)	1:A:68:LYS:HG3	1:A:64:LEU:HD23	2	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1296)	1:A:63:GLN:HA	1:A:32:ALA:HB1	3	0.04
(1,1296)	1:A:63:GLN:HA	1:A:32:ALA:HB2	3	0.04
(1,1296)	1:A:63:GLN:HA	1:A:32:ALA:HB3	3	0.04
(1,1252)	1:A:61:VAL:HA	1:A:63:GLN:HE22	2	0.04
(1,1252)	1:A:61:VAL:HA	1:A:63:GLN:HE22	5	0.04
(1,1252)	1:A:61:VAL:HA	1:A:63:GLN:HE22	7	0.04
(1,1252)	1:A:61:VAL:HA	1:A:63:GLN:HE22	9	0.04
(1,1252)	1:A:61:VAL:HA	1:A:63:GLN:HE22	24	0.04
(1,1239)	1:A:60:GLU:HB3	1:A:56:LEU:HB2	9	0.04
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:57:PRO:HB3	17	0.04
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:57:PRO:HB3	17	0.04
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:57:PRO:HB3	17	0.04
(1,1184)	1:A:56:LEU:HB3	1:A:57:PRO:HG3	14	0.04
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HB2	2	0.04
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HG2	2	0.04
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HB2	6	0.04
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HG2	6	0.04
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HB2	12	0.04
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HG2	12	0.04
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HB2	15	0.04
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HG2	15	0.04
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HB2	24	0.04
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HG2	24	0.04
(1,1172)	1:A:55:VAL:HA	1:A:57:PRO:HG3	3	0.04
(1,1172)	1:A:55:VAL:HA	1:A:57:PRO:HG3	4	0.04
(1,1172)	1:A:55:VAL:HA	1:A:57:PRO:HG3	9	0.04
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD11	1:A:51:GLU:HB2	10	0.04
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD12	1:A:51:GLU:HB2	10	0.04
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD13	1:A:51:GLU:HB2	10	0.04
(1,1147)	1:A:54:LEU:HB2	1:A:48:LEU:HB3	17	0.04
(1,1147)	1:A:54:LEU:HB2	1:A:48:LEU:HB3	23	0.04
(1,1147)	1:A:54:LEU:HB2	1:A:48:LEU:HB3	30	0.04
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD21	1:A:42:VAL:H	6	0.04
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD22	1:A:42:VAL:H	6	0.04
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD23	1:A:42:VAL:H	6	0.04
(1,1086)	1:A:39:LEU:HB2	1:A:41:GLY:H	16	0.04
(1,1061)	1:A:36:LEU:HD21	1:A:38:SER:H	20	0.04
(1,1061)	1:A:36:LEU:HD22	1:A:38:SER:H	20	0.04
(1,1061)	1:A:36:LEU:HD23	1:A:38:SER:H	20	0.04
(1,1056)	1:A:36:LEU:HD21	1:A:62:ARG:HA	18	0.04
(1,1056)	1:A:36:LEU:HD22	1:A:62:ARG:HA	18	0.04
(1,1056)	1:A:36:LEU:HD23	1:A:62:ARG:HA	18	0.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG21	7	0.04
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG22	7	0.04
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG23	7	0.04
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG21	7	0.04
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG22	7	0.04
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG23	7	0.04
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG21	7	0.04
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG22	7	0.04
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG23	7	0.04
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG21	30	0.04
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG22	30	0.04
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG23	30	0.04
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG21	30	0.04
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG22	30	0.04
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG23	30	0.04
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG21	30	0.04
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG22	30	0.04
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG23	30	0.04
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:H	1	0.04
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:H	1	0.04
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:H	1	0.04
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:31:LEU:HA	7	0.04
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:31:LEU:HA	7	0.04
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:31:LEU:HA	7	0.04
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:31:LEU:HA	24	0.04
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:31:LEU:HA	24	0.04
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:31:LEU:HA	24	0.04
(1,1016)	1:A:34:LEU:HD11	1:A:29:SER:H	7	0.04
(1,1016)	1:A:34:LEU:HD12	1:A:29:SER:H	7	0.04
(1,1016)	1:A:34:LEU:HD13	1:A:29:SER:H	7	0.04
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD11	1:A:31:LEU:HA	2	0.04
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD12	1:A:31:LEU:HA	2	0.04
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD13	1:A:31:LEU:HA	2	0.04
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD11	1:A:31:LEU:HA	21	0.04
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD12	1:A:31:LEU:HA	21	0.04
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD13	1:A:31:LEU:HA	21	0.04
(1,972)	1:A:27:LEU:HD21	1:A:70:GLN:HE21	4	0.03
(1,972)	1:A:27:LEU:HD22	1:A:70:GLN:HE21	4	0.03
(1,972)	1:A:27:LEU:HD23	1:A:70:GLN:HE21	4	0.03
(1,972)	1:A:27:LEU:HD21	1:A:70:GLN:HE21	26	0.03
(1,972)	1:A:27:LEU:HD22	1:A:70:GLN:HE21	26	0.03
(1,972)	1:A:27:LEU:HD23	1:A:70:GLN:HE21	26	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,971)	1:A:27:LEU:HD11	1:A:25:ILE:H	12	0.03
(1,971)	1:A:27:LEU:HD12	1:A:25:ILE:H	12	0.03
(1,971)	1:A:27:LEU:HD13	1:A:25:ILE:H	12	0.03
(1,97)	1:A:52:HIS:HB2	1:A:54:LEU:HB3	26	0.03
(1,968)	1:A:27:LEU:HD11	1:A:67:ARG:HA	15	0.03
(1,968)	1:A:27:LEU:HD12	1:A:67:ARG:HA	15	0.03
(1,968)	1:A:27:LEU:HD13	1:A:67:ARG:HA	15	0.03
(1,899)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:9:LEU:HD11	14	0.03
(1,899)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:9:LEU:HD12	14	0.03
(1,899)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:9:LEU:HD13	14	0.03
(1,899)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:9:LEU:HD11	14	0.03
(1,899)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:9:LEU:HD12	14	0.03
(1,899)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:9:LEU:HD13	14	0.03
(1,899)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:9:LEU:HD11	14	0.03
(1,899)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:9:LEU:HD12	14	0.03
(1,899)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:9:LEU:HD13	14	0.03
(1,880)	1:A:10:VAL:HG21	1:A:10:VAL:H	4	0.03
(1,880)	1:A:10:VAL:HG22	1:A:10:VAL:H	4	0.03
(1,880)	1:A:10:VAL:HG23	1:A:10:VAL:H	4	0.03
(1,876)	1:A:10:VAL:HG21	1:A:68:LYS:HB2	6	0.03
(1,876)	1:A:10:VAL:HG21	1:A:68:LYS:HB3	6	0.03
(1,876)	1:A:10:VAL:HG22	1:A:68:LYS:HB2	6	0.03
(1,876)	1:A:10:VAL:HG22	1:A:68:LYS:HB3	6	0.03
(1,876)	1:A:10:VAL:HG23	1:A:68:LYS:HB2	6	0.03
(1,876)	1:A:10:VAL:HG23	1:A:68:LYS:HB3	6	0.03
(1,876)	1:A:10:VAL:HG21	1:A:68:LYS:HB2	16	0.03
(1,876)	1:A:10:VAL:HG21	1:A:68:LYS:HB3	16	0.03
(1,876)	1:A:10:VAL:HG22	1:A:68:LYS:HB2	16	0.03
(1,876)	1:A:10:VAL:HG22	1:A:68:LYS:HB3	16	0.03
(1,876)	1:A:10:VAL:HG23	1:A:68:LYS:HB2	16	0.03
(1,876)	1:A:10:VAL:HG23	1:A:68:LYS:HB3	16	0.03
(1,847)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HD2	1	0.03
(1,847)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HD3	1	0.03
(1,847)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HD2	23	0.03
(1,847)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HD3	23	0.03
(1,846)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:11:LYS:HD2	22	0.03
(1,846)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:11:LYS:HD3	22	0.03
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:69:LEU:HD11	27	0.03
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:69:LEU:HD12	27	0.03
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:69:LEU:HD13	27	0.03
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:69:LEU:HD21	27	0.03
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:69:LEU:HD22	27	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:69:LEU:HD23	27	0.03
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:54:LEU:HD21	27	0.03
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:54:LEU:HD22	27	0.03
(1,83)	1:A:73:SER:HB3	1:A:54:LEU:HD23	27	0.03
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:9:LEU:HB3	10	0.03
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG2	10	0.03
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG3	10	0.03
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:9:LEU:HB3	26	0.03
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG2	26	0.03
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG3	26	0.03
(1,813)	1:A:65:THR:HG21	1:A:69:LEU:H	26	0.03
(1,813)	1:A:65:THR:HG22	1:A:69:LEU:H	26	0.03
(1,813)	1:A:65:THR:HG23	1:A:69:LEU:H	26	0.03
(1,808)	1:A:65:THR:HG21	1:A:30:SER:HA	10	0.03
(1,808)	1:A:65:THR:HG22	1:A:30:SER:HA	10	0.03
(1,808)	1:A:65:THR:HG23	1:A:30:SER:HA	10	0.03
(1,808)	1:A:65:THR:HG21	1:A:30:SER:HA	27	0.03
(1,808)	1:A:65:THR:HG22	1:A:30:SER:HA	27	0.03
(1,808)	1:A:65:THR:HG23	1:A:30:SER:HA	27	0.03
(1,808)	1:A:65:THR:HG21	1:A:30:SER:HA	28	0.03
(1,808)	1:A:65:THR:HG22	1:A:30:SER:HA	28	0.03
(1,808)	1:A:65:THR:HG23	1:A:30:SER:HA	28	0.03
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD11	20	0.03
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD12	20	0.03
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD13	20	0.03
(1,753)	1:A:70:GLN:HG2	1:A:72:MET:H	3	0.03
(1,743)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:72:MET:H	2	0.03
(1,743)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:72:MET:H	2	0.03
(1,743)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:72:MET:H	5	0.03
(1,743)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:72:MET:H	5	0.03
(1,743)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:72:MET:H	9	0.03
(1,743)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:72:MET:H	9	0.03
(1,743)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:72:MET:H	26	0.03
(1,743)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:72:MET:H	26	0.03
(1,740)	1:A:70:GLN:HA	1:A:10:VAL:HG21	13	0.03
(1,740)	1:A:70:GLN:HA	1:A:10:VAL:HG22	13	0.03
(1,740)	1:A:70:GLN:HA	1:A:10:VAL:HG23	13	0.03
(1,732)	1:A:63:GLN:HG3	1:A:60:GLU:HA	9	0.03
(1,732)	1:A:63:GLN:HG3	1:A:60:GLU:HA	27	0.03
(1,710)	1:A:63:GLN:HA	1:A:30:SER:HB3	23	0.03
(1,710)	1:A:63:GLN:HA	1:A:30:SER:HB3	26	0.03
(1,706)	1:A:59:ARG:HD2	1:A:59:ARG:H	19	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,706)	1:A:59:ARG:HD3	1:A:59:ARG:H	19	0.03
(1,706)	1:A:59:ARG:HD2	1:A:59:ARG:H	24	0.03
(1,706)	1:A:59:ARG:HD3	1:A:59:ARG:H	24	0.03
(1,70)	1:A:9:LEU:HD21	1:A:72:MET:H	2	0.03
(1,70)	1:A:9:LEU:HD22	1:A:72:MET:H	2	0.03
(1,70)	1:A:9:LEU:HD23	1:A:72:MET:H	2	0.03
(1,70)	1:A:9:LEU:HD21	1:A:71:GLU:H	2	0.03
(1,70)	1:A:9:LEU:HD22	1:A:71:GLU:H	2	0.03
(1,70)	1:A:9:LEU:HD23	1:A:71:GLU:H	2	0.03
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD21	2	0.03
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD22	2	0.03
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD23	2	0.03
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD21	4	0.03
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD22	4	0.03
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD23	4	0.03
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD21	20	0.03
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD22	20	0.03
(1,673)	1:A:43:GLU:HA	1:A:39:LEU:HD23	20	0.03
(1,662)	1:A:49:GLU:HA	1:A:46:GLN:HA	16	0.03
(1,662)	1:A:49:GLU:HA	1:A:46:GLN:HA	24	0.03
(1,607)	1:A:67:ARG:HA	1:A:67:ARG:HD3	2	0.03
(1,607)	1:A:67:ARG:HA	1:A:67:ARG:HD3	5	0.03
(1,599)	1:A:66:LEU:HA	1:A:69:LEU:H	13	0.03
(1,593)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:66:LEU:HA	7	0.03
(1,593)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:66:LEU:HA	7	0.03
(1,593)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:66:LEU:HA	7	0.03
(1,593)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:66:LEU:HA	24	0.03
(1,593)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:66:LEU:HA	24	0.03
(1,593)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:66:LEU:HA	24	0.03
(1,593)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:66:LEU:HA	26	0.03
(1,593)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:66:LEU:HA	26	0.03
(1,593)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:66:LEU:HA	26	0.03
(1,58)	1:A:66:LEU:HD21	1:A:10:VAL:HB	28	0.03
(1,58)	1:A:66:LEU:HD22	1:A:10:VAL:HB	28	0.03
(1,58)	1:A:66:LEU:HD23	1:A:10:VAL:HB	28	0.03
(1,58)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:43:GLU:HB2	28	0.03
(1,58)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:43:GLU:HB2	28	0.03
(1,58)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:43:GLU:HB2	28	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB1	12	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB2	12	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB3	12	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB1	12	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB2	12	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB3	12	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB1	12	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB2	12	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB3	12	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB1	14	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB2	14	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB3	14	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB1	14	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB2	14	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB3	14	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB1	14	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB2	14	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB3	14	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB1	21	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB2	21	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB3	21	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB1	21	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB2	21	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB3	21	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB1	21	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB2	21	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB3	21	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB1	25	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB2	25	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB3	25	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB1	25	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB2	25	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB3	25	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB1	25	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB2	25	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB3	25	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB1	26	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB2	26	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB3	26	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB1	26	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB2	26	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB3	26	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB1	26	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB2	26	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB3	26	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB1	27	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB2	27	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB3	27	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB1	27	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB2	27	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB3	27	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB1	27	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB2	27	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB3	27	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB1	30	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB2	30	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB3	30	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB1	30	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB2	30	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB3	30	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB1	30	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB2	30	0.03
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB3	30	0.03
(1,533)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:25:ILE:HA	22	0.03
(1,533)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:25:ILE:HA	22	0.03
(1,533)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:25:ILE:HA	22	0.03
(1,513)	1:A:25:ILE:HB	1:A:22:LEU:HD11	4	0.03
(1,513)	1:A:25:ILE:HB	1:A:22:LEU:HD12	4	0.03
(1,513)	1:A:25:ILE:HB	1:A:22:LEU:HD13	4	0.03
(1,506)	1:A:19:ILE:HD11	1:A:18:GLY:HA2	11	0.03
(1,506)	1:A:19:ILE:HD12	1:A:18:GLY:HA2	11	0.03
(1,506)	1:A:19:ILE:HD13	1:A:18:GLY:HA2	11	0.03
(1,506)	1:A:19:ILE:HD11	1:A:18:GLY:HA2	22	0.03
(1,506)	1:A:19:ILE:HD12	1:A:18:GLY:HA2	22	0.03
(1,506)	1:A:19:ILE:HD13	1:A:18:GLY:HA2	22	0.03
(1,499)	1:A:47:ILE:HD11	1:A:43:GLU:HG2	9	0.03
(1,499)	1:A:47:ILE:HD12	1:A:43:GLU:HG2	9	0.03
(1,499)	1:A:47:ILE:HD13	1:A:43:GLU:HG2	9	0.03
(1,499)	1:A:47:ILE:HD11	1:A:43:GLU:HG2	29	0.03
(1,499)	1:A:47:ILE:HD12	1:A:43:GLU:HG2	29	0.03
(1,499)	1:A:47:ILE:HD13	1:A:43:GLU:HG2	29	0.03
(1,491)	1:A:27:LEU:HA	1:A:66:LEU:H	5	0.03
(1,491)	1:A:27:LEU:HA	1:A:66:LEU:H	8	0.03
(1,491)	1:A:27:LEU:HA	1:A:66:LEU:H	24	0.03
(1,479)	1:A:23:ALA:HA	1:A:21:ASP:HA	5	0.03
(1,479)	1:A:23:ALA:HA	1:A:21:ASP:HA	20	0.03
(1,479)	1:A:23:ALA:HA	1:A:21:ASP:HA	23	0.03
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD11	14	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD12	14	0.03
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD13	14	0.03
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD11	20	0.03
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD12	20	0.03
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD13	20	0.03
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD11	27	0.03
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD12	27	0.03
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD13	27	0.03
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD11	29	0.03
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD12	29	0.03
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD13	29	0.03
(1,456)	1:A:47:ILE:HB	1:A:50:ARG:H	2	0.03
(1,456)	1:A:47:ILE:HB	1:A:50:ARG:H	11	0.03
(1,43)	1:A:13:VAL:HG21	1:A:17:LEU:H	26	0.03
(1,43)	1:A:13:VAL:HG22	1:A:17:LEU:H	26	0.03
(1,43)	1:A:13:VAL:HG23	1:A:17:LEU:H	26	0.03
(1,43)	1:A:13:VAL:HG21	1:A:73:SER:H	26	0.03
(1,43)	1:A:13:VAL:HG22	1:A:73:SER:H	26	0.03
(1,43)	1:A:13:VAL:HG23	1:A:73:SER:H	26	0.03
(1,43)	1:A:13:VAL:HG21	1:A:18:GLY:H	26	0.03
(1,43)	1:A:13:VAL:HG22	1:A:18:GLY:H	26	0.03
(1,43)	1:A:13:VAL:HG23	1:A:18:GLY:H	26	0.03
(1,417)	1:A:45:ARG:HD2	1:A:61:VAL:HG11	30	0.03
(1,417)	1:A:45:ARG:HD2	1:A:61:VAL:HG12	30	0.03
(1,417)	1:A:45:ARG:HD2	1:A:61:VAL:HG13	30	0.03
(1,417)	1:A:45:ARG:HD3	1:A:61:VAL:HG11	30	0.03
(1,417)	1:A:45:ARG:HD3	1:A:61:VAL:HG12	30	0.03
(1,417)	1:A:45:ARG:HD3	1:A:61:VAL:HG13	30	0.03
(1,391)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:21:ASP:HA	1	0.03
(1,391)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:21:ASP:HA	1	0.03
(1,391)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:21:ASP:HA	1	0.03
(1,391)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:21:ASP:HA	6	0.03
(1,391)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:21:ASP:HA	6	0.03
(1,391)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:21:ASP:HA	6	0.03
(1,391)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:21:ASP:HA	11	0.03
(1,391)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:21:ASP:HA	11	0.03
(1,391)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:21:ASP:HA	11	0.03
(1,391)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:21:ASP:HA	28	0.03
(1,391)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:21:ASP:HA	28	0.03
(1,391)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:21:ASP:HA	28	0.03
(1,38)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:32:ALA:HA	2	0.03
(1,38)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:32:ALA:HA	2	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,38)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:32:ALA:HA	2	0.03
(1,38)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:50:ARG:HA	2	0.03
(1,38)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:50:ARG:HA	2	0.03
(1,38)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:50:ARG:HA	2	0.03
(1,373)	1:A:19:ILE:HB	1:A:19:ILE:H	4	0.03
(1,373)	1:A:19:ILE:HB	1:A:19:ILE:H	5	0.03
(1,373)	1:A:19:ILE:HB	1:A:19:ILE:H	11	0.03
(1,373)	1:A:19:ILE:HB	1:A:19:ILE:H	27	0.03
(1,366)	1:A:17:LEU:HG	1:A:16:ILE:HG21	16	0.03
(1,366)	1:A:17:LEU:HG	1:A:16:ILE:HG22	16	0.03
(1,366)	1:A:17:LEU:HG	1:A:16:ILE:HG23	16	0.03
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG21	5	0.03
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG22	5	0.03
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG23	5	0.03
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG21	11	0.03
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG22	11	0.03
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG23	11	0.03
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG21	13	0.03
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG22	13	0.03
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG23	13	0.03
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG21	20	0.03
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG22	20	0.03
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG23	20	0.03
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG21	25	0.03
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG22	25	0.03
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG23	25	0.03
(1,360)	1:A:17:LEU:HA	1:A:19:ILE:HG21	3	0.03
(1,360)	1:A:17:LEU:HA	1:A:19:ILE:HG22	3	0.03
(1,360)	1:A:17:LEU:HA	1:A:19:ILE:HG23	3	0.03
(1,360)	1:A:17:LEU:HA	1:A:19:ILE:HG21	17	0.03
(1,360)	1:A:17:LEU:HA	1:A:19:ILE:HG22	17	0.03
(1,360)	1:A:17:LEU:HA	1:A:19:ILE:HG23	17	0.03
(1,316)	1:A:40:MET:HB2	1:A:39:LEU:HD21	7	0.03
(1,316)	1:A:40:MET:HB2	1:A:39:LEU:HD22	7	0.03
(1,316)	1:A:40:MET:HB2	1:A:39:LEU:HD23	7	0.03
(1,316)	1:A:40:MET:HB2	1:A:39:LEU:HD21	19	0.03
(1,316)	1:A:40:MET:HB2	1:A:39:LEU:HD22	19	0.03
(1,316)	1:A:40:MET:HB2	1:A:39:LEU:HD23	19	0.03
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD21	1	0.03
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD22	1	0.03
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD23	1	0.03
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD21	4	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD22	4	0.03
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD23	4	0.03
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD21	5	0.03
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD22	5	0.03
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD23	5	0.03
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD21	6	0.03
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD22	6	0.03
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD23	6	0.03
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD21	9	0.03
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD22	9	0.03
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD23	9	0.03
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD21	30	0.03
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD22	30	0.03
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD23	30	0.03
(1,306)	1:A:40:MET:HB3	1:A:38:SER:H	13	0.03
(1,297)	1:A:17:LEU:HD11	1:A:16:ILE:HA	25	0.03
(1,297)	1:A:17:LEU:HD12	1:A:16:ILE:HA	25	0.03
(1,297)	1:A:17:LEU:HD13	1:A:16:ILE:HA	25	0.03
(1,297)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:16:ILE:HA	25	0.03
(1,297)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:16:ILE:HA	25	0.03
(1,297)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:16:ILE:HA	25	0.03
(1,294)	1:A:17:LEU:HD11	1:A:36:LEU:HB2	26	0.03
(1,294)	1:A:17:LEU:HD12	1:A:36:LEU:HB2	26	0.03
(1,294)	1:A:17:LEU:HD13	1:A:36:LEU:HB2	26	0.03
(1,294)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:36:LEU:HB2	26	0.03
(1,294)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:36:LEU:HB2	26	0.03
(1,294)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:36:LEU:HB2	26	0.03
(1,294)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:36:LEU:HB2	26	0.03
(1,294)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:36:LEU:HB2	26	0.03
(1,294)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:36:LEU:HB2	26	0.03
(1,241)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:64:LEU:HG	6	0.03
(1,241)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:64:LEU:HG	6	0.03
(1,241)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:64:LEU:HG	6	0.03
(1,241)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:64:LEU:HG	8	0.03
(1,241)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:64:LEU:HG	8	0.03
(1,241)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:64:LEU:HG	8	0.03
(1,239)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:62:ARG:HG3	2	0.03
(1,239)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:62:ARG:HG3	2	0.03
(1,239)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:62:ARG:HG3	2	0.03
(1,239)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:62:ARG:HG3	10	0.03
(1,239)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:62:ARG:HG3	10	0.03
(1,239)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:62:ARG:HG3	10	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,229)	1:A:31:LEU:HA	1:A:36:LEU:HD21	4	0.03
(1,229)	1:A:31:LEU:HA	1:A:36:LEU:HD22	4	0.03
(1,229)	1:A:31:LEU:HA	1:A:36:LEU:HD23	4	0.03
(1,229)	1:A:31:LEU:HA	1:A:36:LEU:HD21	12	0.03
(1,229)	1:A:31:LEU:HA	1:A:36:LEU:HD22	12	0.03
(1,229)	1:A:31:LEU:HA	1:A:36:LEU:HD23	12	0.03
(1,229)	1:A:31:LEU:HA	1:A:36:LEU:HD21	21	0.03
(1,229)	1:A:31:LEU:HA	1:A:36:LEU:HD22	21	0.03
(1,229)	1:A:31:LEU:HA	1:A:36:LEU:HD23	21	0.03
(1,228)	1:A:31:LEU:HA	1:A:31:LEU:HD21	19	0.03
(1,228)	1:A:31:LEU:HA	1:A:31:LEU:HD22	19	0.03
(1,228)	1:A:31:LEU:HA	1:A:31:LEU:HD23	19	0.03
(1,221)	1:A:31:LEU:HB2	1:A:36:LEU:HB2	13	0.03
(1,213)	1:A:30:SER:HB3	1:A:33:ASP:HA	8	0.03
(1,213)	1:A:30:SER:HB3	1:A:33:ASP:HA	25	0.03
(1,194)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HG	20	0.03
(1,194)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HG	29	0.03
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:74:SER:H	15	0.03
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:69:LEU:H	15	0.03
(1,177)	1:A:22:LEU:HD11	1:A:24:GLY:HA2	5	0.03
(1,177)	1:A:22:LEU:HD12	1:A:24:GLY:HA2	5	0.03
(1,177)	1:A:22:LEU:HD13	1:A:24:GLY:HA2	5	0.03
(1,177)	1:A:22:LEU:HD11	1:A:24:GLY:HA2	18	0.03
(1,177)	1:A:22:LEU:HD12	1:A:24:GLY:HA2	18	0.03
(1,177)	1:A:22:LEU:HD13	1:A:24:GLY:HA2	18	0.03
(1,177)	1:A:22:LEU:HD11	1:A:24:GLY:HA2	21	0.03
(1,177)	1:A:22:LEU:HD12	1:A:24:GLY:HA2	21	0.03
(1,177)	1:A:22:LEU:HD13	1:A:24:GLY:HA2	21	0.03
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG21	1	0.03
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG22	1	0.03
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG23	1	0.03
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG21	6	0.03
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG22	6	0.03
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG23	6	0.03
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG21	23	0.03
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG22	23	0.03
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG23	23	0.03
(1,1731)	1:A:4:GLU:H	1:A:3:GLY:H	13	0.03
(1,1726)	1:A:80:THR:H	1:A:81:GLU:H	20	0.03
(1,1726)	1:A:80:THR:H	1:A:81:GLU:H	26	0.03
(1,1710)	1:A:63:GLN:H	1:A:64:LEU:H	20	0.03
(1,1710)	1:A:63:GLN:H	1:A:64:LEU:H	23	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,171)	1:A:22:LEU:HG	1:A:21:ASP:HA	25	0.03
(1,1701)	1:A:47:ILE:H	1:A:48:LEU:H	25	0.03
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:9:LEU:HD21	26	0.03
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:9:LEU:HD22	26	0.03
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:9:LEU:HD23	26	0.03
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:48:LEU:HD11	26	0.03
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:48:LEU:HD12	26	0.03
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:48:LEU:HD13	26	0.03
(1,1692)	1:A:33:ASP:H	1:A:36:LEU:H	16	0.03
(1,1646)	1:A:9:LEU:HG	1:A:9:LEU:H	7	0.03
(1,1642)	1:A:9:LEU:HD11	1:A:6:GLN:HE21	4	0.03
(1,1642)	1:A:9:LEU:HD12	1:A:6:GLN:HE21	4	0.03
(1,1642)	1:A:9:LEU:HD13	1:A:6:GLN:HE21	4	0.03
(1,1642)	1:A:9:LEU:HD11	1:A:6:GLN:HE21	21	0.03
(1,1642)	1:A:9:LEU:HD12	1:A:6:GLN:HE21	21	0.03
(1,1642)	1:A:9:LEU:HD13	1:A:6:GLN:HE21	21	0.03
(1,1631)	1:A:73:SER:HB2	1:A:10:VAL:HG21	8	0.03
(1,1631)	1:A:73:SER:HB2	1:A:10:VAL:HG22	8	0.03
(1,1631)	1:A:73:SER:HB2	1:A:10:VAL:HG23	8	0.03
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:9:LEU:HD21	18	0.03
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:9:LEU:HD22	18	0.03
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:9:LEU:HD23	18	0.03
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:9:LEU:HD21	18	0.03
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:9:LEU:HD22	18	0.03
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:9:LEU:HD23	18	0.03
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:9:LEU:HD21	21	0.03
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:9:LEU:HD22	21	0.03
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:9:LEU:HD23	21	0.03
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:9:LEU:HD21	21	0.03
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:9:LEU:HD22	21	0.03
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:9:LEU:HD23	21	0.03
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:9:LEU:HD21	22	0.03
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:9:LEU:HD22	22	0.03
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:9:LEU:HD23	22	0.03
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:9:LEU:HD21	22	0.03
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:9:LEU:HD22	22	0.03
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:9:LEU:HD23	22	0.03
(1,1595)	1:A:68:LYS:HB2	1:A:64:LEU:H	21	0.03
(1,1595)	1:A:68:LYS:HB3	1:A:64:LEU:H	21	0.03
(1,1595)	1:A:68:LYS:HB2	1:A:64:LEU:H	21	0.03
(1,1595)	1:A:68:LYS:HB3	1:A:64:LEU:H	21	0.03
(1,1589)	1:A:20:ARG:HG3	1:A:67:ARG:HE	20	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1589)	1:A:20:ARG:HG3	1:A:67:ARG:HE	24	0.03
(1,1588)	1:A:7:ARG:HG2	1:A:12:ALA:H	24	0.03
(1,1588)	1:A:7:ARG:HG3	1:A:12:ALA:H	24	0.03
(1,1587)	1:A:9:LEU:HG	1:A:75:LYS:HE2	17	0.03
(1,1587)	1:A:9:LEU:HG	1:A:75:LYS:HE3	17	0.03
(1,1587)	1:A:9:LEU:HG	1:A:75:LYS:HE2	19	0.03
(1,1587)	1:A:9:LEU:HG	1:A:75:LYS:HE3	19	0.03
(1,1585)	1:A:59:ARG:HG3	1:A:57:PRO:HB3	14	0.03
(1,1580)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:20:ARG:HD2	2	0.03
(1,1580)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:20:ARG:HD3	2	0.03
(1,1580)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:20:ARG:HD2	2	0.03
(1,1580)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:20:ARG:HD3	2	0.03
(1,1580)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:20:ARG:HD2	2	0.03
(1,1580)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:20:ARG:HD3	2	0.03
(1,1578)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:22:LEU:HA	9	0.03
(1,1578)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:22:LEU:HA	9	0.03
(1,1578)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:22:LEU:HA	9	0.03
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:65:THR:HA	1	0.03
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:65:THR:HA	1	0.03
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:65:THR:HA	1	0.03
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:65:THR:HA	8	0.03
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:65:THR:HA	8	0.03
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:65:THR:HA	8	0.03
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:65:THR:HA	12	0.03
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:65:THR:HA	12	0.03
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:65:THR:HA	12	0.03
(1,1575)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:13:VAL:H	1	0.03
(1,1575)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:13:VAL:H	1	0.03
(1,1575)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:13:VAL:H	1	0.03
(1,1575)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:13:VAL:H	14	0.03
(1,1575)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:13:VAL:H	14	0.03
(1,1575)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:13:VAL:H	14	0.03
(1,1574)	1:A:16:ILE:HG21	1:A:40:MET:HG2	6	0.03
(1,1574)	1:A:16:ILE:HG22	1:A:40:MET:HG2	6	0.03
(1,1574)	1:A:16:ILE:HG23	1:A:40:MET:HG2	6	0.03
(1,1574)	1:A:16:ILE:HG21	1:A:40:MET:HG2	19	0.03
(1,1574)	1:A:16:ILE:HG22	1:A:40:MET:HG2	19	0.03
(1,1574)	1:A:16:ILE:HG23	1:A:40:MET:HG2	19	0.03
(1,1573)	1:A:16:ILE:HG21	1:A:40:MET:HG3	27	0.03
(1,1573)	1:A:16:ILE:HG22	1:A:40:MET:HG3	27	0.03
(1,1573)	1:A:16:ILE:HG23	1:A:40:MET:HG3	27	0.03
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:26:ASN:H	7	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:26:ASN:H	7	0.03
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:26:ASN:H	7	0.03
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:26:ASN:H	20	0.03
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:26:ASN:H	20	0.03
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:26:ASN:H	20	0.03
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:26:ASN:H	21	0.03
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:26:ASN:H	21	0.03
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:26:ASN:H	21	0.03
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:26:ASN:H	26	0.03
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:26:ASN:H	26	0.03
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:26:ASN:H	26	0.03
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:26:ASN:H	27	0.03
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:26:ASN:H	27	0.03
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:26:ASN:H	27	0.03
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:42:VAL:HA	1	0.03
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:42:VAL:HA	1	0.03
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:42:VAL:HA	1	0.03
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:42:VAL:HA	5	0.03
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:42:VAL:HA	5	0.03
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:42:VAL:HA	5	0.03
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:42:VAL:HA	12	0.03
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:42:VAL:HA	12	0.03
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:42:VAL:HA	12	0.03
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:42:VAL:HA	16	0.03
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:42:VAL:HA	16	0.03
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:42:VAL:HA	16	0.03
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:42:VAL:HA	22	0.03
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:42:VAL:HA	22	0.03
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:42:VAL:HA	22	0.03
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:42:VAL:HA	23	0.03
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:42:VAL:HA	23	0.03
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:42:VAL:HA	23	0.03
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:42:VAL:HA	27	0.03
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:42:VAL:HA	27	0.03
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:42:VAL:HA	27	0.03
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG21	1:A:45:ARG:HE	14	0.03
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG22	1:A:45:ARG:HE	14	0.03
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG23	1:A:45:ARG:HE	14	0.03
(1,1534)	1:A:10:VAL:HG11	1:A:70:GLN:HE21	23	0.03
(1,1534)	1:A:10:VAL:HG12	1:A:70:GLN:HE21	23	0.03
(1,1534)	1:A:10:VAL:HG13	1:A:70:GLN:HE21	23	0.03
(1,1531)	1:A:10:VAL:HG21	1:A:72:MET:H	8	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1531)	1:A:10:VAL:HG22	1:A:72:MET:H	8	0.03
(1,1531)	1:A:10:VAL:HG23	1:A:72:MET:H	8	0.03
(1,1523)	1:A:73:SER:HA	1:A:70:GLN:H	16	0.03
(1,1523)	1:A:73:SER:HA	1:A:70:GLN:H	19	0.03
(1,1521)	1:A:73:SER:HA	1:A:9:LEU:HD11	3	0.03
(1,1521)	1:A:73:SER:HA	1:A:9:LEU:HD12	3	0.03
(1,1521)	1:A:73:SER:HA	1:A:9:LEU:HD13	3	0.03
(1,1509)	1:A:72:MET:HG2	1:A:9:LEU:HD11	7	0.03
(1,1509)	1:A:72:MET:HG2	1:A:9:LEU:HD12	7	0.03
(1,1509)	1:A:72:MET:HG2	1:A:9:LEU:HD13	7	0.03
(1,1509)	1:A:72:MET:HG2	1:A:9:LEU:HD11	16	0.03
(1,1509)	1:A:72:MET:HG2	1:A:9:LEU:HD12	16	0.03
(1,1509)	1:A:72:MET:HG2	1:A:9:LEU:HD13	16	0.03
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD2	6	0.03
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD3	6	0.03
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD2	6	0.03
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD3	6	0.03
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD2	6	0.03
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD3	6	0.03
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD2	15	0.03
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD3	15	0.03
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD2	15	0.03
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD3	15	0.03
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD2	15	0.03
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD3	15	0.03
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD2	19	0.03
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD3	19	0.03
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD2	19	0.03
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD3	19	0.03
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD2	19	0.03
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD3	19	0.03
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD2	21	0.03
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD3	21	0.03
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD2	21	0.03
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD3	21	0.03
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD2	21	0.03
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD3	21	0.03
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD2	29	0.03
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD3	29	0.03
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD2	29	0.03
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD3	29	0.03
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD2	29	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD3	29	0.03
(1,1503)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:49:GLU:H	2	0.03
(1,1503)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:49:GLU:H	2	0.03
(1,1503)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:49:GLU:H	2	0.03
(1,1498)	1:A:67:ARG:HD2	1:A:69:LEU:H	7	0.03
(1,1498)	1:A:67:ARG:HD2	1:A:69:LEU:H	15	0.03
(1,1497)	1:A:65:THR:HG21	1:A:63:GLN:HB2	11	0.03
(1,1497)	1:A:65:THR:HG22	1:A:63:GLN:HB2	11	0.03
(1,1497)	1:A:65:THR:HG23	1:A:63:GLN:HB2	11	0.03
(1,1494)	1:A:46:GLN:HG2	1:A:50:ARG:HD2	19	0.03
(1,1494)	1:A:46:GLN:HG2	1:A:50:ARG:HD3	19	0.03
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:46:GLN:HG2	11	0.03
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:46:GLN:HG2	11	0.03
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:46:GLN:HG2	11	0.03
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:19:ILE:HB	22	0.03
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:19:ILE:HB	22	0.03
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:19:ILE:HB	22	0.03
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:19:ILE:HB	26	0.03
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:19:ILE:HB	26	0.03
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:19:ILE:HB	26	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG11	3	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG12	3	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG13	3	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG11	3	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG12	3	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG13	3	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG11	3	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG12	3	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG13	3	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG11	4	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG12	4	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG13	4	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG11	4	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG12	4	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG13	4	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG11	4	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG12	4	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG13	4	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG11	5	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG12	5	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG13	5	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG11	5	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG12	5	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG13	5	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG11	5	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG12	5	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG13	5	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG11	9	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG12	9	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG13	9	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG11	9	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG12	9	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG13	9	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG11	9	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG12	9	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG13	9	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG11	10	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG12	10	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG13	10	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG11	10	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG12	10	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG13	10	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG11	10	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG12	10	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG13	10	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG11	15	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG12	15	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG13	15	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG11	15	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG12	15	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG13	15	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG11	15	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG12	15	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG13	15	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG11	17	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG12	17	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG13	17	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG11	17	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG12	17	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG13	17	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG11	17	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG12	17	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG13	17	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG11	19	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG12	19	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG13	19	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG11	19	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG12	19	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG13	19	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG11	19	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG12	19	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG13	19	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG11	29	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG12	29	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG13	29	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG11	29	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG12	29	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG13	29	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG11	29	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG12	29	0.03
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG13	29	0.03
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG11	10	0.03
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG12	10	0.03
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG13	10	0.03
(1,1447)	1:A:13:VAL:HG11	1:A:17:LEU:HG	21	0.03
(1,1447)	1:A:13:VAL:HG12	1:A:17:LEU:HG	21	0.03
(1,1447)	1:A:13:VAL:HG13	1:A:17:LEU:HG	21	0.03
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:47:ILE:HG13	1	0.03
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:47:ILE:HG13	1	0.03
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:47:ILE:HG13	1	0.03
(1,1429)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:39:LEU:H	18	0.03
(1,1429)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:39:LEU:H	18	0.03
(1,1429)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:39:LEU:H	18	0.03
(1,1423)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:39:LEU:HG	15	0.03
(1,1423)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:39:LEU:HG	15	0.03
(1,1423)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:39:LEU:HG	15	0.03
(1,1411)	1:A:42:VAL:HG11	1:A:43:GLU:HG3	8	0.03
(1,1411)	1:A:42:VAL:HG12	1:A:43:GLU:HG3	8	0.03
(1,1411)	1:A:42:VAL:HG13	1:A:43:GLU:HG3	8	0.03
(1,1411)	1:A:42:VAL:HG11	1:A:43:GLU:HG3	9	0.03
(1,1411)	1:A:42:VAL:HG12	1:A:43:GLU:HG3	9	0.03
(1,1411)	1:A:42:VAL:HG13	1:A:43:GLU:HG3	9	0.03
(1,1407)	1:A:42:VAL:HA	1:A:44:VAL:H	3	0.03
(1,1407)	1:A:42:VAL:HA	1:A:44:VAL:H	7	0.03
(1,1407)	1:A:42:VAL:HA	1:A:44:VAL:H	27	0.03
(1,1407)	1:A:42:VAL:HA	1:A:44:VAL:H	29	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1407)	1:A:42:VAL:HA	1:A:44:VAL:H	30	0.03
(1,1404)	1:A:42:VAL:HB	1:A:42:VAL:H	18	0.03
(1,1402)	1:A:42:VAL:HA	1:A:45:ARG:HB3	3	0.03
(1,1402)	1:A:42:VAL:HA	1:A:45:ARG:HB3	21	0.03
(1,1393)	1:A:44:VAL:HA	1:A:48:LEU:HG	5	0.03
(1,1393)	1:A:44:VAL:HA	1:A:48:LEU:HG	6	0.03
(1,1393)	1:A:44:VAL:HA	1:A:48:LEU:HG	7	0.03
(1,1393)	1:A:44:VAL:HA	1:A:48:LEU:HG	10	0.03
(1,1393)	1:A:44:VAL:HA	1:A:48:LEU:HG	12	0.03
(1,1393)	1:A:44:VAL:HA	1:A:48:LEU:HG	26	0.03
(1,1376)	1:A:12:ALA:HB1	1:A:7:ARG:HD2	9	0.03
(1,1376)	1:A:12:ALA:HB1	1:A:7:ARG:HD3	9	0.03
(1,1376)	1:A:12:ALA:HB2	1:A:7:ARG:HD2	9	0.03
(1,1376)	1:A:12:ALA:HB2	1:A:7:ARG:HD3	9	0.03
(1,1376)	1:A:12:ALA:HB3	1:A:7:ARG:HD2	9	0.03
(1,1376)	1:A:12:ALA:HB3	1:A:7:ARG:HD3	9	0.03
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:68:LYS:HB2	5	0.03
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:68:LYS:HB3	5	0.03
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:68:LYS:HB2	5	0.03
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:68:LYS:HB3	5	0.03
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:68:LYS:HB2	6	0.03
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:68:LYS:HB3	6	0.03
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:68:LYS:HB2	6	0.03
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:68:LYS:HB3	6	0.03
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:68:LYS:HB2	28	0.03
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:68:LYS:HB3	28	0.03
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:68:LYS:HB2	28	0.03
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:68:LYS:HB3	28	0.03
(1,1332)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:69:LEU:H	3	0.03
(1,1332)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:69:LEU:H	3	0.03
(1,1332)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:69:LEU:H	29	0.03
(1,1332)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:69:LEU:H	29	0.03
(1,1314)	1:A:64:LEU:HD21	1:A:68:LYS:HD2	29	0.03
(1,1314)	1:A:64:LEU:HD21	1:A:68:LYS:HD3	29	0.03
(1,1314)	1:A:64:LEU:HD22	1:A:68:LYS:HD2	29	0.03
(1,1314)	1:A:64:LEU:HD22	1:A:68:LYS:HD3	29	0.03
(1,1314)	1:A:64:LEU:HD23	1:A:68:LYS:HD2	29	0.03
(1,1314)	1:A:64:LEU:HD23	1:A:68:LYS:HD3	29	0.03
(1,1314)	1:A:64:LEU:HD21	1:A:68:LYS:HD2	30	0.03
(1,1314)	1:A:64:LEU:HD21	1:A:68:LYS:HD3	30	0.03
(1,1314)	1:A:64:LEU:HD22	1:A:68:LYS:HD2	30	0.03
(1,1314)	1:A:64:LEU:HD22	1:A:68:LYS:HD3	30	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1314)	1:A:64:LEU:HD23	1:A:68:LYS:HD2	30	0.03
(1,1314)	1:A:64:LEU:HD23	1:A:68:LYS:HD3	30	0.03
(1,1311)	1:A:64:LEU:HA	1:A:68:LYS:HD2	4	0.03
(1,1311)	1:A:64:LEU:HA	1:A:68:LYS:HD3	4	0.03
(1,1311)	1:A:64:LEU:HA	1:A:68:LYS:HD2	5	0.03
(1,1311)	1:A:64:LEU:HA	1:A:68:LYS:HD3	5	0.03
(1,1311)	1:A:64:LEU:HA	1:A:68:LYS:HD2	23	0.03
(1,1311)	1:A:64:LEU:HA	1:A:68:LYS:HD3	23	0.03
(1,1308)	1:A:64:LEU:HA	1:A:63:GLN:HE21	4	0.03
(1,1308)	1:A:64:LEU:HA	1:A:63:GLN:HE21	15	0.03
(1,1308)	1:A:64:LEU:HA	1:A:63:GLN:HE21	29	0.03
(1,1303)	1:A:64:LEU:HB2	1:A:31:LEU:HB3	17	0.03
(1,1285)	1:A:62:ARG:HD2	1:A:32:ALA:HB1	16	0.03
(1,1285)	1:A:62:ARG:HD2	1:A:32:ALA:HB2	16	0.03
(1,1285)	1:A:62:ARG:HD2	1:A:32:ALA:HB3	16	0.03
(1,1267)	1:A:61:VAL:HG21	1:A:60:GLU:HB3	29	0.03
(1,1267)	1:A:61:VAL:HG22	1:A:60:GLU:HB3	29	0.03
(1,1267)	1:A:61:VAL:HG23	1:A:60:GLU:HB3	29	0.03
(1,1252)	1:A:61:VAL:HA	1:A:63:GLN:HE22	3	0.03
(1,1252)	1:A:61:VAL:HA	1:A:63:GLN:HE22	11	0.03
(1,1252)	1:A:61:VAL:HA	1:A:63:GLN:HE22	12	0.03
(1,1252)	1:A:61:VAL:HA	1:A:63:GLN:HE22	14	0.03
(1,1252)	1:A:61:VAL:HA	1:A:63:GLN:HE22	15	0.03
(1,1252)	1:A:61:VAL:HA	1:A:63:GLN:HE22	29	0.03
(1,1252)	1:A:61:VAL:HA	1:A:63:GLN:HE22	30	0.03
(1,1239)	1:A:60:GLU:HB3	1:A:56:LEU:HB2	4	0.03
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:57:PRO:HB3	8	0.03
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:57:PRO:HB3	8	0.03
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:57:PRO:HB3	8	0.03
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:57:PRO:HB3	10	0.03
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:57:PRO:HB3	10	0.03
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:57:PRO:HB3	10	0.03
(1,1204)	1:A:58:ILE:HA	1:A:61:VAL:HB	29	0.03
(1,12)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:61:VAL:HG11	6	0.03
(1,12)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:61:VAL:HG12	6	0.03
(1,12)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:61:VAL:HG13	6	0.03
(1,12)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:58:ILE:HD11	6	0.03
(1,12)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:58:ILE:HD12	6	0.03
(1,12)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:58:ILE:HD13	6	0.03
(1,12)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:64:LEU:HD11	6	0.03
(1,12)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:64:LEU:HD12	6	0.03
(1,12)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:64:LEU:HD13	6	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,119)	1:A:4:GLU:HB3	1:A:5:ALA:H	29	0.03
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HB2	10	0.03
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HG2	10	0.03
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HB2	11	0.03
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HG2	11	0.03
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HB2	19	0.03
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HG2	19	0.03
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HB2	27	0.03
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HG2	27	0.03
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HB2	30	0.03
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HG2	30	0.03
(1,1172)	1:A:55:VAL:HA	1:A:57:PRO:HG3	19	0.03
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD21	11	0.03
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD22	11	0.03
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD23	11	0.03
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD21	12	0.03
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD22	12	0.03
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD23	12	0.03
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD21	22	0.03
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD22	22	0.03
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD23	22	0.03
(1,1147)	1:A:54:LEU:HB2	1:A:48:LEU:HB3	14	0.03
(1,1147)	1:A:54:LEU:HB2	1:A:48:LEU:HB3	16	0.03
(1,1108)	1:A:48:LEU:HA	1:A:52:HIS:HB3	25	0.03
(1,11)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:61:VAL:HG11	6	0.03
(1,11)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:61:VAL:HG12	6	0.03
(1,11)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:61:VAL:HG13	6	0.03
(1,11)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:58:ILE:HD11	6	0.03
(1,11)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:58:ILE:HD12	6	0.03
(1,11)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:58:ILE:HD13	6	0.03
(1,11)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:64:LEU:HD11	6	0.03
(1,11)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:64:LEU:HD12	6	0.03
(1,11)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:64:LEU:HD13	6	0.03
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD21	1:A:42:VAL:H	3	0.03
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD22	1:A:42:VAL:H	3	0.03
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD23	1:A:42:VAL:H	3	0.03
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD21	1:A:42:VAL:H	4	0.03
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD22	1:A:42:VAL:H	4	0.03
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD23	1:A:42:VAL:H	4	0.03
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD21	1:A:42:VAL:H	22	0.03
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD22	1:A:42:VAL:H	22	0.03
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD23	1:A:42:VAL:H	22	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD21	1:A:42:VAL:H	25	0.03
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD22	1:A:42:VAL:H	25	0.03
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD23	1:A:42:VAL:H	25	0.03
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD21	1:A:42:VAL:H	26	0.03
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD22	1:A:42:VAL:H	26	0.03
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD23	1:A:42:VAL:H	26	0.03
(1,1064)	1:A:36:LEU:HD21	1:A:42:VAL:H	30	0.03
(1,1064)	1:A:36:LEU:HD22	1:A:42:VAL:H	30	0.03
(1,1064)	1:A:36:LEU:HD23	1:A:42:VAL:H	30	0.03
(1,1061)	1:A:36:LEU:HD21	1:A:38:SER:H	3	0.03
(1,1061)	1:A:36:LEU:HD22	1:A:38:SER:H	3	0.03
(1,1061)	1:A:36:LEU:HD23	1:A:38:SER:H	3	0.03
(1,1061)	1:A:36:LEU:HD21	1:A:38:SER:H	4	0.03
(1,1061)	1:A:36:LEU:HD22	1:A:38:SER:H	4	0.03
(1,1061)	1:A:36:LEU:HD23	1:A:38:SER:H	4	0.03
(1,1061)	1:A:36:LEU:HD21	1:A:38:SER:H	9	0.03
(1,1061)	1:A:36:LEU:HD22	1:A:38:SER:H	9	0.03
(1,1061)	1:A:36:LEU:HD23	1:A:38:SER:H	9	0.03
(1,1056)	1:A:36:LEU:HD21	1:A:62:ARG:HA	13	0.03
(1,1056)	1:A:36:LEU:HD22	1:A:62:ARG:HA	13	0.03
(1,1056)	1:A:36:LEU:HD23	1:A:62:ARG:HA	13	0.03
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG21	20	0.03
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG22	20	0.03
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG23	20	0.03
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG21	20	0.03
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG22	20	0.03
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG23	20	0.03
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG21	20	0.03
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG22	20	0.03
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG23	20	0.03
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG21	29	0.03
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG22	29	0.03
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG23	29	0.03
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG21	29	0.03
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG22	29	0.03
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG23	29	0.03
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG21	29	0.03
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG22	29	0.03
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG23	29	0.03
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:31:LEU:HA	18	0.03
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:31:LEU:HA	18	0.03
(1,1017)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:31:LEU:HA	18	0.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD11	1:A:31:LEU:HA	6	0.03
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD12	1:A:31:LEU:HA	6	0.03
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD13	1:A:31:LEU:HA	6	0.03
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD11	1:A:31:LEU:HA	7	0.03
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD12	1:A:31:LEU:HA	7	0.03
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD13	1:A:31:LEU:HA	7	0.03
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD11	1:A:31:LEU:HA	12	0.03
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD12	1:A:31:LEU:HA	12	0.03
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD13	1:A:31:LEU:HA	12	0.03
(1,1005)	1:A:33:ASP:HB3	1:A:30:SER:H	10	0.03
(1,1001)	1:A:33:ASP:HB2	1:A:33:ASP:H	27	0.03
(1,97)	1:A:52:HIS:HB2	1:A:54:LEU:HB3	17	0.02
(1,968)	1:A:27:LEU:HD11	1:A:67:ARG:HA	28	0.02
(1,968)	1:A:27:LEU:HD12	1:A:67:ARG:HA	28	0.02
(1,968)	1:A:27:LEU:HD13	1:A:67:ARG:HA	28	0.02
(1,931)	1:A:57:PRO:HG3	1:A:60:GLU:HG2	2	0.02
(1,931)	1:A:57:PRO:HG3	1:A:60:GLU:HG3	2	0.02
(1,882)	1:A:10:VAL:HG21	1:A:70:GLN:H	11	0.02
(1,882)	1:A:10:VAL:HG22	1:A:70:GLN:H	11	0.02
(1,882)	1:A:10:VAL:HG23	1:A:70:GLN:H	11	0.02
(1,880)	1:A:10:VAL:HG21	1:A:10:VAL:H	15	0.02
(1,880)	1:A:10:VAL:HG22	1:A:10:VAL:H	15	0.02
(1,880)	1:A:10:VAL:HG23	1:A:10:VAL:H	15	0.02
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD21	6	0.02
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD22	6	0.02
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD23	6	0.02
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD21	16	0.02
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD22	16	0.02
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD23	16	0.02
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD21	24	0.02
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD22	24	0.02
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD23	24	0.02
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD21	26	0.02
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD22	26	0.02
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD23	26	0.02
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD21	29	0.02
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD22	29	0.02
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD23	29	0.02
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:23:ALA:HA	5	0.02
(1,85)	1:A:24:GLY:H	1:A:25:ILE:HA	5	0.02
(1,845)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HB2	21	0.02
(1,845)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HB3	21	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,845)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HB2	23	0.02
(1,845)	1:A:8:ASP:HB2	1:A:11:LYS:HB3	23	0.02
(1,842)	1:A:8:ASP:HA	1:A:9:LEU:H	18	0.02
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:9:LEU:HB3	4	0.02
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG2	4	0.02
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG3	4	0.02
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:9:LEU:HB3	13	0.02
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG2	13	0.02
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG3	13	0.02
(1,808)	1:A:65:THR:HG21	1:A:30:SER:HA	8	0.02
(1,808)	1:A:65:THR:HG22	1:A:30:SER:HA	8	0.02
(1,808)	1:A:65:THR:HG23	1:A:30:SER:HA	8	0.02
(1,808)	1:A:65:THR:HG21	1:A:30:SER:HA	11	0.02
(1,808)	1:A:65:THR:HG22	1:A:30:SER:HA	11	0.02
(1,808)	1:A:65:THR:HG23	1:A:30:SER:HA	11	0.02
(1,808)	1:A:65:THR:HG21	1:A:30:SER:HA	30	0.02
(1,808)	1:A:65:THR:HG22	1:A:30:SER:HA	30	0.02
(1,808)	1:A:65:THR:HG23	1:A:30:SER:HA	30	0.02
(1,785)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HB3	20	0.02
(1,785)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HB3	22	0.02
(1,785)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HB3	23	0.02
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD11	3	0.02
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD12	3	0.02
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD13	3	0.02
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD21	3	0.02
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD22	3	0.02
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD23	3	0.02
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD11	7	0.02
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD12	7	0.02
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD13	7	0.02
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD21	7	0.02
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD22	7	0.02
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD23	7	0.02
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD11	10	0.02
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD12	10	0.02
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD13	10	0.02
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD21	10	0.02
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD22	10	0.02
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD23	10	0.02
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD11	28	0.02
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD12	28	0.02
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD13	28	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD21	28	0.02
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD22	28	0.02
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD23	28	0.02
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD11	30	0.02
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD12	30	0.02
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD13	30	0.02
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD21	30	0.02
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD22	30	0.02
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD23	30	0.02
(1,778)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:6:GLN:HE21	19	0.02
(1,743)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:72:MET:H	20	0.02
(1,743)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:72:MET:H	20	0.02
(1,740)	1:A:70:GLN:HA	1:A:10:VAL:HG21	10	0.02
(1,740)	1:A:70:GLN:HA	1:A:10:VAL:HG22	10	0.02
(1,740)	1:A:70:GLN:HA	1:A:10:VAL:HG23	10	0.02
(1,740)	1:A:70:GLN:HA	1:A:10:VAL:HG21	23	0.02
(1,740)	1:A:70:GLN:HA	1:A:10:VAL:HG22	23	0.02
(1,740)	1:A:70:GLN:HA	1:A:10:VAL:HG23	23	0.02
(1,740)	1:A:70:GLN:HA	1:A:10:VAL:HG21	28	0.02
(1,740)	1:A:70:GLN:HA	1:A:10:VAL:HG22	28	0.02
(1,740)	1:A:70:GLN:HA	1:A:10:VAL:HG23	28	0.02
(1,732)	1:A:63:GLN:HG3	1:A:60:GLU:HA	1	0.02
(1,732)	1:A:63:GLN:HG3	1:A:60:GLU:HA	11	0.02
(1,706)	1:A:59:ARG:HD2	1:A:59:ARG:H	4	0.02
(1,706)	1:A:59:ARG:HD3	1:A:59:ARG:H	4	0.02
(1,706)	1:A:59:ARG:HD2	1:A:59:ARG:H	6	0.02
(1,706)	1:A:59:ARG:HD3	1:A:59:ARG:H	6	0.02
(1,706)	1:A:59:ARG:HD2	1:A:59:ARG:H	9	0.02
(1,706)	1:A:59:ARG:HD3	1:A:59:ARG:H	9	0.02
(1,706)	1:A:59:ARG:HD2	1:A:59:ARG:H	16	0.02
(1,706)	1:A:59:ARG:HD3	1:A:59:ARG:H	16	0.02
(1,706)	1:A:59:ARG:HD2	1:A:59:ARG:H	21	0.02
(1,706)	1:A:59:ARG:HD3	1:A:59:ARG:H	21	0.02
(1,700)	1:A:59:ARG:HA	1:A:62:ARG:HD2	26	0.02
(1,70)	1:A:9:LEU:HD21	1:A:72:MET:H	1	0.02
(1,70)	1:A:9:LEU:HD22	1:A:72:MET:H	1	0.02
(1,70)	1:A:9:LEU:HD23	1:A:72:MET:H	1	0.02
(1,70)	1:A:9:LEU:HD21	1:A:71:GLU:H	1	0.02
(1,70)	1:A:9:LEU:HD22	1:A:71:GLU:H	1	0.02
(1,70)	1:A:9:LEU:HD23	1:A:71:GLU:H	1	0.02
(1,70)	1:A:9:LEU:HD21	1:A:72:MET:H	25	0.02
(1,70)	1:A:9:LEU:HD22	1:A:72:MET:H	25	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,70)	1:A:9:LEU:HD23	1:A:72:MET:H	25	0.02
(1,70)	1:A:9:LEU:HD21	1:A:71:GLU:H	25	0.02
(1,70)	1:A:9:LEU:HD22	1:A:71:GLU:H	25	0.02
(1,70)	1:A:9:LEU:HD23	1:A:71:GLU:H	25	0.02
(1,70)	1:A:9:LEU:HD21	1:A:72:MET:H	26	0.02
(1,70)	1:A:9:LEU:HD22	1:A:72:MET:H	26	0.02
(1,70)	1:A:9:LEU:HD23	1:A:72:MET:H	26	0.02
(1,70)	1:A:9:LEU:HD21	1:A:71:GLU:H	26	0.02
(1,70)	1:A:9:LEU:HD22	1:A:71:GLU:H	26	0.02
(1,70)	1:A:9:LEU:HD23	1:A:71:GLU:H	26	0.02
(1,684)	1:A:43:GLU:HG3	1:A:39:LEU:HD21	21	0.02
(1,684)	1:A:43:GLU:HG3	1:A:39:LEU:HD22	21	0.02
(1,684)	1:A:43:GLU:HG3	1:A:39:LEU:HD23	21	0.02
(1,668)	1:A:49:GLU:HG2	1:A:46:GLN:HA	15	0.02
(1,662)	1:A:49:GLU:HA	1:A:46:GLN:HA	7	0.02
(1,662)	1:A:49:GLU:HA	1:A:46:GLN:HA	15	0.02
(1,66)	1:A:58:ILE:HD11	1:A:45:ARG:HE	2	0.02
(1,66)	1:A:58:ILE:HD12	1:A:45:ARG:HE	2	0.02
(1,66)	1:A:58:ILE:HD13	1:A:45:ARG:HE	2	0.02
(1,66)	1:A:58:ILE:HD11	1:A:63:GLN:HE22	2	0.02
(1,66)	1:A:58:ILE:HD12	1:A:63:GLN:HE22	2	0.02
(1,66)	1:A:58:ILE:HD13	1:A:63:GLN:HE22	2	0.02
(1,66)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:29:SER:H	2	0.02
(1,66)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:29:SER:H	2	0.02
(1,66)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:29:SER:H	2	0.02
(1,66)	1:A:58:ILE:HD11	1:A:64:LEU:H	2	0.02
(1,66)	1:A:58:ILE:HD12	1:A:64:LEU:H	2	0.02
(1,66)	1:A:58:ILE:HD13	1:A:64:LEU:H	2	0.02
(1,638)	1:A:50:ARG:HD2	1:A:50:ARG:HA	10	0.02
(1,638)	1:A:50:ARG:HD3	1:A:50:ARG:HA	10	0.02
(1,621)	1:A:67:ARG:HD3	1:A:69:LEU:H	9	0.02
(1,607)	1:A:67:ARG:HA	1:A:67:ARG:HD3	27	0.02
(1,603)	1:A:66:LEU:HA	1:A:69:LEU:HB3	13	0.02
(1,599)	1:A:66:LEU:HA	1:A:69:LEU:H	18	0.02
(1,593)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:66:LEU:HA	13	0.02
(1,593)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:66:LEU:HA	13	0.02
(1,593)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:66:LEU:HA	13	0.02
(1,593)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:66:LEU:HA	15	0.02
(1,593)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:66:LEU:HA	15	0.02
(1,593)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:66:LEU:HA	15	0.02
(1,593)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:66:LEU:HA	17	0.02
(1,593)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:66:LEU:HA	17	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,593)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:66:LEU:HA	17	0.02
(1,593)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:66:LEU:HA	20	0.02
(1,593)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:66:LEU:HA	20	0.02
(1,593)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:66:LEU:HA	20	0.02
(1,593)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:66:LEU:HA	23	0.02
(1,593)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:66:LEU:HA	23	0.02
(1,593)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:66:LEU:HA	23	0.02
(1,59)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:64:LEU:HB2	2	0.02
(1,59)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:64:LEU:HB2	2	0.02
(1,59)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:64:LEU:HB2	2	0.02
(1,59)	1:A:66:LEU:HD21	1:A:64:LEU:HB2	2	0.02
(1,59)	1:A:66:LEU:HD22	1:A:64:LEU:HB2	2	0.02
(1,59)	1:A:66:LEU:HD23	1:A:64:LEU:HB2	2	0.02
(1,58)	1:A:66:LEU:HD21	1:A:10:VAL:HB	13	0.02
(1,58)	1:A:66:LEU:HD22	1:A:10:VAL:HB	13	0.02
(1,58)	1:A:66:LEU:HD23	1:A:10:VAL:HB	13	0.02
(1,58)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:43:GLU:HB2	13	0.02
(1,58)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:43:GLU:HB2	13	0.02
(1,58)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:43:GLU:HB2	13	0.02
(1,58)	1:A:66:LEU:HD21	1:A:10:VAL:HB	15	0.02
(1,58)	1:A:66:LEU:HD22	1:A:10:VAL:HB	15	0.02
(1,58)	1:A:66:LEU:HD23	1:A:10:VAL:HB	15	0.02
(1,58)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:43:GLU:HB2	15	0.02
(1,58)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:43:GLU:HB2	15	0.02
(1,58)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:43:GLU:HB2	15	0.02
(1,577)	1:A:66:LEU:HA	1:A:64:LEU:HB2	18	0.02
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB1	20	0.02
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB2	20	0.02
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB3	20	0.02
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB1	20	0.02
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB2	20	0.02
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB3	20	0.02
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB1	20	0.02
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB2	20	0.02
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB3	20	0.02
(1,53)	1:A:59:ARG:HG2	1:A:58:ILE:H	10	0.02
(1,53)	1:A:19:ILE:HG13	1:A:67:ARG:H	10	0.02
(1,513)	1:A:25:ILE:HB	1:A:22:LEU:HD11	15	0.02
(1,513)	1:A:25:ILE:HB	1:A:22:LEU:HD12	15	0.02
(1,513)	1:A:25:ILE:HB	1:A:22:LEU:HD13	15	0.02
(1,513)	1:A:25:ILE:HB	1:A:22:LEU:HD11	19	0.02
(1,513)	1:A:25:ILE:HB	1:A:22:LEU:HD12	19	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,513)	1:A:25:ILE:HB	1:A:22:LEU:HD13	19	0.02
(1,506)	1:A:19:ILE:HD11	1:A:18:GLY:HA2	29	0.02
(1,506)	1:A:19:ILE:HD12	1:A:18:GLY:HA2	29	0.02
(1,506)	1:A:19:ILE:HD13	1:A:18:GLY:HA2	29	0.02
(1,502)	1:A:19:ILE:HD11	1:A:25:ILE:HG13	10	0.02
(1,502)	1:A:19:ILE:HD12	1:A:25:ILE:HG13	10	0.02
(1,502)	1:A:19:ILE:HD13	1:A:25:ILE:HG13	10	0.02
(1,50)	1:A:16:ILE:HG21	1:A:39:LEU:HA	22	0.02
(1,50)	1:A:16:ILE:HG22	1:A:39:LEU:HA	22	0.02
(1,50)	1:A:16:ILE:HG23	1:A:39:LEU:HA	22	0.02
(1,50)	1:A:16:ILE:HG21	1:A:36:LEU:HA	22	0.02
(1,50)	1:A:16:ILE:HG22	1:A:36:LEU:HA	22	0.02
(1,50)	1:A:16:ILE:HG23	1:A:36:LEU:HA	22	0.02
(1,491)	1:A:27:LEU:HA	1:A:66:LEU:H	12	0.02
(1,479)	1:A:23:ALA:HA	1:A:21:ASP:HA	11	0.02
(1,479)	1:A:23:ALA:HA	1:A:21:ASP:HA	22	0.02
(1,475)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:20:ARG:HB2	25	0.02
(1,475)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:20:ARG:HB2	25	0.02
(1,475)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:20:ARG:HB2	25	0.02
(1,47)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:14:ALA:H	18	0.02
(1,47)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:14:ALA:H	18	0.02
(1,47)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:14:ALA:H	18	0.02
(1,47)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:66:LEU:H	18	0.02
(1,47)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:66:LEU:H	18	0.02
(1,47)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:66:LEU:H	18	0.02
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD11	5	0.02
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD12	5	0.02
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD13	5	0.02
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD11	9	0.02
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD12	9	0.02
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD13	9	0.02
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD11	12	0.02
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD12	12	0.02
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD13	12	0.02
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD11	16	0.02
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD12	16	0.02
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD13	16	0.02
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD11	25	0.02
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD12	25	0.02
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD13	25	0.02
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD11	14	0.02
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD12	14	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD13	14	0.02
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD11	15	0.02
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD12	15	0.02
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD13	15	0.02
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD11	19	0.02
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD12	19	0.02
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD13	19	0.02
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD11	26	0.02
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD12	26	0.02
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD13	26	0.02
(1,456)	1:A:47:ILE:HB	1:A:50:ARG:H	8	0.02
(1,456)	1:A:47:ILE:HB	1:A:50:ARG:H	22	0.02
(1,456)	1:A:47:ILE:HB	1:A:50:ARG:H	30	0.02
(1,45)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:11:LYS:HE2	3	0.02
(1,45)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:11:LYS:HE3	3	0.02
(1,45)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:11:LYS:HE2	3	0.02
(1,45)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:11:LYS:HE3	3	0.02
(1,45)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:11:LYS:HE2	3	0.02
(1,45)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:11:LYS:HE3	3	0.02
(1,45)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:11:LYS:HE2	13	0.02
(1,45)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:11:LYS:HE3	13	0.02
(1,45)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:11:LYS:HE2	13	0.02
(1,45)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:11:LYS:HE3	13	0.02
(1,45)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:11:LYS:HE2	13	0.02
(1,45)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:11:LYS:HE3	13	0.02
(1,45)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:11:LYS:HE2	24	0.02
(1,45)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:11:LYS:HE3	24	0.02
(1,45)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:11:LYS:HE2	24	0.02
(1,45)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:11:LYS:HE3	24	0.02
(1,45)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:11:LYS:HE2	24	0.02
(1,45)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:11:LYS:HE3	24	0.02
(1,447)	1:A:47:ILE:HA	1:A:51:GLU:HG2	24	0.02
(1,447)	1:A:47:ILE:HA	1:A:51:GLU:HG3	24	0.02
(1,444)	1:A:47:ILE:HA	1:A:50:ARG:HB3	16	0.02
(1,43)	1:A:13:VAL:HG21	1:A:17:LEU:H	8	0.02
(1,43)	1:A:13:VAL:HG22	1:A:17:LEU:H	8	0.02
(1,43)	1:A:13:VAL:HG23	1:A:17:LEU:H	8	0.02
(1,43)	1:A:13:VAL:HG21	1:A:73:SER:H	8	0.02
(1,43)	1:A:13:VAL:HG22	1:A:73:SER:H	8	0.02
(1,43)	1:A:13:VAL:HG23	1:A:73:SER:H	8	0.02
(1,43)	1:A:13:VAL:HG21	1:A:18:GLY:H	8	0.02
(1,43)	1:A:13:VAL:HG22	1:A:18:GLY:H	8	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,43)	1:A:13:VAL:HG23	1:A:18:GLY:H	8	0.02
(1,417)	1:A:45:ARG:HD2	1:A:61:VAL:HG11	4	0.02
(1,417)	1:A:45:ARG:HD2	1:A:61:VAL:HG12	4	0.02
(1,417)	1:A:45:ARG:HD2	1:A:61:VAL:HG13	4	0.02
(1,417)	1:A:45:ARG:HD3	1:A:61:VAL:HG11	4	0.02
(1,417)	1:A:45:ARG:HD3	1:A:61:VAL:HG12	4	0.02
(1,417)	1:A:45:ARG:HD3	1:A:61:VAL:HG13	4	0.02
(1,417)	1:A:45:ARG:HD2	1:A:61:VAL:HG11	9	0.02
(1,417)	1:A:45:ARG:HD2	1:A:61:VAL:HG12	9	0.02
(1,417)	1:A:45:ARG:HD2	1:A:61:VAL:HG13	9	0.02
(1,417)	1:A:45:ARG:HD3	1:A:61:VAL:HG11	9	0.02
(1,417)	1:A:45:ARG:HD3	1:A:61:VAL:HG12	9	0.02
(1,417)	1:A:45:ARG:HD3	1:A:61:VAL:HG13	9	0.02
(1,391)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:21:ASP:HA	4	0.02
(1,391)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:21:ASP:HA	4	0.02
(1,391)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:21:ASP:HA	4	0.02
(1,391)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:21:ASP:HA	24	0.02
(1,391)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:21:ASP:HA	24	0.02
(1,391)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:21:ASP:HA	24	0.02
(1,38)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:32:ALA:HA	6	0.02
(1,38)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:32:ALA:HA	6	0.02
(1,38)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:32:ALA:HA	6	0.02
(1,38)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:50:ARG:HA	6	0.02
(1,38)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:50:ARG:HA	6	0.02
(1,38)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:50:ARG:HA	6	0.02
(1,374)	1:A:19:ILE:HB	1:A:18:GLY:H	9	0.02
(1,373)	1:A:19:ILE:HB	1:A:19:ILE:H	1	0.02
(1,373)	1:A:19:ILE:HB	1:A:19:ILE:H	7	0.02
(1,373)	1:A:19:ILE:HB	1:A:19:ILE:H	9	0.02
(1,373)	1:A:19:ILE:HB	1:A:19:ILE:H	13	0.02
(1,373)	1:A:19:ILE:HB	1:A:19:ILE:H	16	0.02
(1,373)	1:A:19:ILE:HB	1:A:19:ILE:H	19	0.02
(1,373)	1:A:19:ILE:HB	1:A:19:ILE:H	22	0.02
(1,373)	1:A:19:ILE:HB	1:A:19:ILE:H	28	0.02
(1,373)	1:A:19:ILE:HB	1:A:19:ILE:H	30	0.02
(1,366)	1:A:17:LEU:HG	1:A:16:ILE:HG21	7	0.02
(1,366)	1:A:17:LEU:HG	1:A:16:ILE:HG22	7	0.02
(1,366)	1:A:17:LEU:HG	1:A:16:ILE:HG23	7	0.02
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG21	1	0.02
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG22	1	0.02
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG23	1	0.02
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG21	4	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG22	4	0.02
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG23	4	0.02
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG21	8	0.02
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG22	8	0.02
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG23	8	0.02
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG21	12	0.02
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG22	12	0.02
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG23	12	0.02
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG21	17	0.02
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG22	17	0.02
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG23	17	0.02
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG21	23	0.02
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG22	23	0.02
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG23	23	0.02
(1,360)	1:A:17:LEU:HA	1:A:19:ILE:HG21	14	0.02
(1,360)	1:A:17:LEU:HA	1:A:19:ILE:HG22	14	0.02
(1,360)	1:A:17:LEU:HA	1:A:19:ILE:HG23	14	0.02
(1,360)	1:A:17:LEU:HA	1:A:19:ILE:HG21	16	0.02
(1,360)	1:A:17:LEU:HA	1:A:19:ILE:HG22	16	0.02
(1,360)	1:A:17:LEU:HA	1:A:19:ILE:HG23	16	0.02
(1,360)	1:A:17:LEU:HA	1:A:19:ILE:HG21	19	0.02
(1,360)	1:A:17:LEU:HA	1:A:19:ILE:HG22	19	0.02
(1,360)	1:A:17:LEU:HA	1:A:19:ILE:HG23	19	0.02
(1,319)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:48:LEU:H	11	0.02
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD21	3	0.02
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD22	3	0.02
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD23	3	0.02
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD21	26	0.02
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD22	26	0.02
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD23	26	0.02
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD21	29	0.02
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD22	29	0.02
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD23	29	0.02
(1,306)	1:A:40:MET:HB3	1:A:38:SER:H	10	0.02
(1,303)	1:A:40:MET:HB3	1:A:37:ASP:H	16	0.02
(1,297)	1:A:17:LEU:HD11	1:A:16:ILE:HA	23	0.02
(1,297)	1:A:17:LEU:HD12	1:A:16:ILE:HA	23	0.02
(1,297)	1:A:17:LEU:HD13	1:A:16:ILE:HA	23	0.02
(1,297)	1:A:17:LEU:HD21	1:A:16:ILE:HA	23	0.02
(1,297)	1:A:17:LEU:HD22	1:A:16:ILE:HA	23	0.02
(1,297)	1:A:17:LEU:HD23	1:A:16:ILE:HA	23	0.02
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD11	9	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD12	9	0.02
(1,264)	1:A:32:ALA:HA	1:A:34:LEU:HD13	9	0.02
(1,244)	1:A:31:LEU:HD21	1:A:64:LEU:HG	7	0.02
(1,244)	1:A:31:LEU:HD22	1:A:64:LEU:HG	7	0.02
(1,244)	1:A:31:LEU:HD23	1:A:64:LEU:HG	7	0.02
(1,244)	1:A:31:LEU:HD21	1:A:64:LEU:HG	11	0.02
(1,244)	1:A:31:LEU:HD22	1:A:64:LEU:HG	11	0.02
(1,244)	1:A:31:LEU:HD23	1:A:64:LEU:HG	11	0.02
(1,244)	1:A:31:LEU:HD21	1:A:64:LEU:HG	28	0.02
(1,244)	1:A:31:LEU:HD22	1:A:64:LEU:HG	28	0.02
(1,244)	1:A:31:LEU:HD23	1:A:64:LEU:HG	28	0.02
(1,241)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:64:LEU:HG	1	0.02
(1,241)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:64:LEU:HG	1	0.02
(1,241)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:64:LEU:HG	1	0.02
(1,239)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:62:ARG:HG3	11	0.02
(1,239)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:62:ARG:HG3	11	0.02
(1,239)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:62:ARG:HG3	11	0.02
(1,229)	1:A:31:LEU:HA	1:A:36:LEU:HD21	2	0.02
(1,229)	1:A:31:LEU:HA	1:A:36:LEU:HD22	2	0.02
(1,229)	1:A:31:LEU:HA	1:A:36:LEU:HD23	2	0.02
(1,201)	1:A:29:SER:HB2	1:A:30:SER:H	27	0.02
(1,195)	1:A:29:SER:HB2	1:A:34:LEU:HG	28	0.02
(1,194)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HG	5	0.02
(1,194)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HG	24	0.02
(1,193)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HD11	9	0.02
(1,193)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HD12	9	0.02
(1,193)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HD13	9	0.02
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:74:SER:H	26	0.02
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:69:LEU:H	26	0.02
(1,177)	1:A:22:LEU:HD11	1:A:24:GLY:HA2	4	0.02
(1,177)	1:A:22:LEU:HD12	1:A:24:GLY:HA2	4	0.02
(1,177)	1:A:22:LEU:HD13	1:A:24:GLY:HA2	4	0.02
(1,177)	1:A:22:LEU:HD11	1:A:24:GLY:HA2	9	0.02
(1,177)	1:A:22:LEU:HD12	1:A:24:GLY:HA2	9	0.02
(1,177)	1:A:22:LEU:HD13	1:A:24:GLY:HA2	9	0.02
(1,177)	1:A:22:LEU:HD11	1:A:24:GLY:HA2	11	0.02
(1,177)	1:A:22:LEU:HD12	1:A:24:GLY:HA2	11	0.02
(1,177)	1:A:22:LEU:HD13	1:A:24:GLY:HA2	11	0.02
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG21	16	0.02
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG22	16	0.02
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG23	16	0.02
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG21	19	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG22	19	0.02
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG23	19	0.02
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG21	21	0.02
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG22	21	0.02
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG23	21	0.02
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG21	24	0.02
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG22	24	0.02
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG23	24	0.02
(1,1731)	1:A:4:GLU:H	1:A:3:GLY:H	20	0.02
(1,1726)	1:A:80:THR:H	1:A:81:GLU:H	9	0.02
(1,1726)	1:A:80:THR:H	1:A:81:GLU:H	10	0.02
(1,1725)	1:A:80:THR:H	1:A:79:ASP:H	10	0.02
(1,1715)	1:A:67:ARG:H	1:A:67:ARG:HE	9	0.02
(1,1710)	1:A:63:GLN:H	1:A:64:LEU:H	2	0.02
(1,1710)	1:A:63:GLN:H	1:A:64:LEU:H	10	0.02
(1,1710)	1:A:63:GLN:H	1:A:64:LEU:H	15	0.02
(1,171)	1:A:22:LEU:HG	1:A:21:ASP:HA	6	0.02
(1,171)	1:A:22:LEU:HG	1:A:21:ASP:HA	8	0.02
(1,171)	1:A:22:LEU:HG	1:A:21:ASP:HA	10	0.02
(1,1701)	1:A:47:ILE:H	1:A:48:LEU:H	20	0.02
(1,1675)	1:A:21:ASP:H	1:A:20:ARG:H	7	0.02
(1,1654)	1:A:29:SER:H	1:A:28:ASP:H	10	0.02
(1,1648)	1:A:74:SER:HB3	1:A:54:LEU:HD21	30	0.02
(1,1648)	1:A:74:SER:HB3	1:A:54:LEU:HD22	30	0.02
(1,1648)	1:A:74:SER:HB3	1:A:54:LEU:HD23	30	0.02
(1,1631)	1:A:73:SER:HB2	1:A:10:VAL:HG21	16	0.02
(1,1631)	1:A:73:SER:HB2	1:A:10:VAL:HG22	16	0.02
(1,1631)	1:A:73:SER:HB2	1:A:10:VAL:HG23	16	0.02
(1,1631)	1:A:73:SER:HB2	1:A:10:VAL:HG21	20	0.02
(1,1631)	1:A:73:SER:HB2	1:A:10:VAL:HG22	20	0.02
(1,1631)	1:A:73:SER:HB2	1:A:10:VAL:HG23	20	0.02
(1,1631)	1:A:73:SER:HB2	1:A:10:VAL:HG21	27	0.02
(1,1631)	1:A:73:SER:HB2	1:A:10:VAL:HG22	27	0.02
(1,1631)	1:A:73:SER:HB2	1:A:10:VAL:HG23	27	0.02
(1,1630)	1:A:73:SER:HB3	1:A:10:VAL:HG21	19	0.02
(1,1630)	1:A:73:SER:HB3	1:A:10:VAL:HG22	19	0.02
(1,1630)	1:A:73:SER:HB3	1:A:10:VAL:HG23	19	0.02
(1,1624)	1:A:58:ILE:HD11	1:A:57:PRO:HD2	11	0.02
(1,1624)	1:A:58:ILE:HD12	1:A:57:PRO:HD2	11	0.02
(1,1624)	1:A:58:ILE:HD13	1:A:57:PRO:HD2	11	0.02
(1,1618)	1:A:58:ILE:HG12	1:A:59:ARG:HD2	7	0.02
(1,1618)	1:A:58:ILE:HG12	1:A:59:ARG:HD3	7	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1600)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:40:MET:HG3	11	0.02
(1,1600)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:40:MET:HG3	11	0.02
(1,1600)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:40:MET:HG3	11	0.02
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:9:LEU:HD21	15	0.02
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:9:LEU:HD22	15	0.02
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:9:LEU:HD23	15	0.02
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:9:LEU:HD21	15	0.02
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:9:LEU:HD22	15	0.02
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:9:LEU:HD23	15	0.02
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:9:LEU:HD21	29	0.02
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:9:LEU:HD22	29	0.02
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:9:LEU:HD23	29	0.02
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:9:LEU:HD21	29	0.02
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:9:LEU:HD22	29	0.02
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:9:LEU:HD23	29	0.02
(1,1597)	1:A:27:LEU:HB2	1:A:27:LEU:H	12	0.02
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:29:SER:HA	10	0.02
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:29:SER:HA	10	0.02
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:29:SER:HA	10	0.02
(1,1589)	1:A:20:ARG:HG3	1:A:67:ARG:HE	22	0.02
(1,1588)	1:A:7:ARG:HG2	1:A:12:ALA:H	20	0.02
(1,1588)	1:A:7:ARG:HG3	1:A:12:ALA:H	20	0.02
(1,1587)	1:A:9:LEU:HG	1:A:75:LYS:HE2	6	0.02
(1,1587)	1:A:9:LEU:HG	1:A:75:LYS:HE3	6	0.02
(1,1587)	1:A:9:LEU:HG	1:A:75:LYS:HE2	18	0.02
(1,1587)	1:A:9:LEU:HG	1:A:75:LYS:HE3	18	0.02
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG2	1:A:75:LYS:HE2	11	0.02
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG2	1:A:75:LYS:HE3	11	0.02
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG3	1:A:75:LYS:HE2	11	0.02
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG3	1:A:75:LYS:HE3	11	0.02
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG2	1:A:75:LYS:HE2	12	0.02
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG2	1:A:75:LYS:HE3	12	0.02
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG3	1:A:75:LYS:HE2	12	0.02
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG3	1:A:75:LYS:HE3	12	0.02
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG2	1:A:75:LYS:HE2	13	0.02
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG2	1:A:75:LYS:HE3	13	0.02
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG3	1:A:75:LYS:HE2	13	0.02
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG3	1:A:75:LYS:HE3	13	0.02
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG2	1:A:75:LYS:HE2	28	0.02
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG2	1:A:75:LYS:HE3	28	0.02
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG3	1:A:75:LYS:HE2	28	0.02
(1,1586)	1:A:7:ARG:HG3	1:A:75:LYS:HE3	28	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1584)	1:A:59:ARG:HG3	1:A:58:ILE:H	24	0.02
(1,1578)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:22:LEU:HA	14	0.02
(1,1578)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:22:LEU:HA	14	0.02
(1,1578)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:22:LEU:HA	14	0.02
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:65:THR:HA	4	0.02
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:65:THR:HA	4	0.02
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:65:THR:HA	4	0.02
(1,1575)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:13:VAL:H	20	0.02
(1,1575)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:13:VAL:H	20	0.02
(1,1575)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:13:VAL:H	20	0.02
(1,1574)	1:A:16:ILE:HG21	1:A:40:MET:HG2	27	0.02
(1,1574)	1:A:16:ILE:HG22	1:A:40:MET:HG2	27	0.02
(1,1574)	1:A:16:ILE:HG23	1:A:40:MET:HG2	27	0.02
(1,1567)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:57:PRO:HB3	1	0.02
(1,1567)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:57:PRO:HB3	1	0.02
(1,1567)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:57:PRO:HB3	1	0.02
(1,1555)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:HB3	26	0.02
(1,1555)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:HB3	26	0.02
(1,1555)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:HB3	26	0.02
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:26:ASN:HB3	22	0.02
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:26:ASN:HB3	22	0.02
(1,1554)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:26:ASN:HB3	22	0.02
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:26:ASN:H	1	0.02
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:26:ASN:H	1	0.02
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:26:ASN:H	1	0.02
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:26:ASN:H	10	0.02
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:26:ASN:H	10	0.02
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:26:ASN:H	10	0.02
(1,1551)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:17:LEU:H	16	0.02
(1,1551)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:17:LEU:H	16	0.02
(1,1551)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:17:LEU:H	16	0.02
(1,1551)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:17:LEU:H	17	0.02
(1,1551)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:17:LEU:H	17	0.02
(1,1551)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:17:LEU:H	17	0.02
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:40:MET:HA	5	0.02
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:40:MET:HA	5	0.02
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:40:MET:HA	5	0.02
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:42:VAL:HA	6	0.02
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:42:VAL:HA	6	0.02
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:42:VAL:HA	6	0.02
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:42:VAL:HA	13	0.02
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:42:VAL:HA	13	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:42:VAL:HA	13	0.02
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:42:VAL:HA	20	0.02
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:42:VAL:HA	20	0.02
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:42:VAL:HA	20	0.02
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:42:VAL:HA	26	0.02
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:42:VAL:HA	26	0.02
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:42:VAL:HA	26	0.02
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG21	1:A:45:ARG:HE	26	0.02
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG22	1:A:45:ARG:HE	26	0.02
(1,1545)	1:A:44:VAL:HG23	1:A:45:ARG:HE	26	0.02
(1,1531)	1:A:10:VAL:HG21	1:A:72:MET:H	5	0.02
(1,1531)	1:A:10:VAL:HG22	1:A:72:MET:H	5	0.02
(1,1531)	1:A:10:VAL:HG23	1:A:72:MET:H	5	0.02
(1,1531)	1:A:10:VAL:HG21	1:A:72:MET:H	13	0.02
(1,1531)	1:A:10:VAL:HG22	1:A:72:MET:H	13	0.02
(1,1531)	1:A:10:VAL:HG23	1:A:72:MET:H	13	0.02
(1,1523)	1:A:73:SER:HA	1:A:70:GLN:H	11	0.02
(1,1523)	1:A:73:SER:HA	1:A:70:GLN:H	29	0.02
(1,1517)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:7:ARG:HA	19	0.02
(1,1508)	1:A:72:MET:HG3	1:A:9:LEU:HD11	16	0.02
(1,1508)	1:A:72:MET:HG3	1:A:9:LEU:HD12	16	0.02
(1,1508)	1:A:72:MET:HG3	1:A:9:LEU:HD13	16	0.02
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD2	2	0.02
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD3	2	0.02
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD2	2	0.02
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD3	2	0.02
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD2	2	0.02
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD3	2	0.02
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD2	10	0.02
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD3	10	0.02
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD2	10	0.02
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD3	10	0.02
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD2	10	0.02
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD3	10	0.02
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD2	26	0.02
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD3	26	0.02
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD2	26	0.02
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD3	26	0.02
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD2	26	0.02
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD3	26	0.02
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD2	28	0.02
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD3	28	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD2	28	0.02
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD3	28	0.02
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD2	28	0.02
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD3	28	0.02
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD2	30	0.02
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:59:ARG:HD3	30	0.02
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD2	30	0.02
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:59:ARG:HD3	30	0.02
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD2	30	0.02
(1,1505)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:59:ARG:HD3	30	0.02
(1,1503)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:49:GLU:H	14	0.02
(1,1503)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:49:GLU:H	14	0.02
(1,1503)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:49:GLU:H	14	0.02
(1,1501)	1:A:49:GLU:HA	1:A:53:ASP:HB3	5	0.02
(1,1498)	1:A:67:ARG:HD2	1:A:69:LEU:H	10	0.02
(1,1498)	1:A:67:ARG:HD2	1:A:69:LEU:H	21	0.02
(1,1498)	1:A:67:ARG:HD2	1:A:69:LEU:H	24	0.02
(1,1498)	1:A:67:ARG:HD2	1:A:69:LEU:H	26	0.02
(1,1497)	1:A:65:THR:HG21	1:A:63:GLN:HB2	12	0.02
(1,1497)	1:A:65:THR:HG22	1:A:63:GLN:HB2	12	0.02
(1,1497)	1:A:65:THR:HG23	1:A:63:GLN:HB2	12	0.02
(1,1493)	1:A:46:GLN:HG3	1:A:50:ARG:HD2	17	0.02
(1,1493)	1:A:46:GLN:HG3	1:A:50:ARG:HD3	17	0.02
(1,1493)	1:A:46:GLN:HG3	1:A:50:ARG:HD2	21	0.02
(1,1493)	1:A:46:GLN:HG3	1:A:50:ARG:HD3	21	0.02
(1,1493)	1:A:46:GLN:HG3	1:A:50:ARG:HD2	24	0.02
(1,1493)	1:A:46:GLN:HG3	1:A:50:ARG:HD3	24	0.02
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:46:GLN:HG2	25	0.02
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:46:GLN:HG2	25	0.02
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:46:GLN:HG2	25	0.02
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:46:GLN:HG2	29	0.02
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:46:GLN:HG2	29	0.02
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:46:GLN:HG2	29	0.02
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:19:ILE:HB	17	0.02
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:19:ILE:HB	17	0.02
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:19:ILE:HB	17	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG11	8	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG12	8	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG13	8	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG11	8	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG12	8	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG13	8	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG11	8	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG12	8	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG13	8	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG11	16	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG12	16	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG13	16	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG11	16	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG12	16	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG13	16	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG11	16	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG12	16	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG13	16	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG11	18	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG12	18	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG13	18	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG11	18	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG12	18	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG13	18	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG11	18	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG12	18	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG13	18	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG11	20	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG12	20	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG13	20	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG11	20	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG12	20	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG13	20	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG11	20	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG12	20	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG13	20	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG11	24	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG12	24	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG13	24	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG11	24	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG12	24	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG13	24	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG11	24	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG12	24	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG13	24	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG11	27	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG12	27	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG13	27	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG11	27	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG12	27	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG13	27	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG11	27	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG12	27	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG13	27	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG11	28	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG12	28	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG13	28	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG11	28	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG12	28	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG13	28	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG11	28	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG12	28	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG13	28	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG11	30	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG12	30	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG13	30	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG11	30	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG12	30	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG13	30	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG11	30	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG12	30	0.02
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG13	30	0.02
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG11	13	0.02
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG12	13	0.02
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG13	13	0.02
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG11	17	0.02
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG12	17	0.02
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG13	17	0.02
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG11	18	0.02
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG12	18	0.02
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG13	18	0.02
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG11	19	0.02
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG12	19	0.02
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG13	19	0.02
(1,1447)	1:A:13:VAL:HG11	1:A:17:LEU:HG	3	0.02
(1,1447)	1:A:13:VAL:HG12	1:A:17:LEU:HG	3	0.02
(1,1447)	1:A:13:VAL:HG13	1:A:17:LEU:HG	3	0.02
(1,1447)	1:A:13:VAL:HG11	1:A:17:LEU:HG	24	0.02
(1,1447)	1:A:13:VAL:HG12	1:A:17:LEU:HG	24	0.02
(1,1447)	1:A:13:VAL:HG13	1:A:17:LEU:HG	24	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:47:ILE:HG13	4	0.02
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:47:ILE:HG13	4	0.02
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:47:ILE:HG13	4	0.02
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:47:ILE:HG13	11	0.02
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:47:ILE:HG13	11	0.02
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:47:ILE:HG13	11	0.02
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:47:ILE:HG13	14	0.02
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:47:ILE:HG13	14	0.02
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:47:ILE:HG13	14	0.02
(1,1435)	1:A:13:VAL:HG11	1:A:9:LEU:HA	20	0.02
(1,1435)	1:A:13:VAL:HG12	1:A:9:LEU:HA	20	0.02
(1,1435)	1:A:13:VAL:HG13	1:A:9:LEU:HA	20	0.02
(1,1435)	1:A:13:VAL:HG11	1:A:9:LEU:HA	29	0.02
(1,1435)	1:A:13:VAL:HG12	1:A:9:LEU:HA	29	0.02
(1,1435)	1:A:13:VAL:HG13	1:A:9:LEU:HA	29	0.02
(1,1429)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:39:LEU:H	13	0.02
(1,1429)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:39:LEU:H	13	0.02
(1,1429)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:39:LEU:H	13	0.02
(1,1423)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:39:LEU:HG	17	0.02
(1,1423)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:39:LEU:HG	17	0.02
(1,1423)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:39:LEU:HG	17	0.02
(1,1423)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:39:LEU:HG	20	0.02
(1,1423)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:39:LEU:HG	20	0.02
(1,1423)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:39:LEU:HG	20	0.02
(1,1423)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:39:LEU:HG	30	0.02
(1,1423)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:39:LEU:HG	30	0.02
(1,1423)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:39:LEU:HG	30	0.02
(1,1411)	1:A:42:VAL:HG11	1:A:43:GLU:HG3	1	0.02
(1,1411)	1:A:42:VAL:HG12	1:A:43:GLU:HG3	1	0.02
(1,1411)	1:A:42:VAL:HG13	1:A:43:GLU:HG3	1	0.02
(1,1411)	1:A:42:VAL:HG11	1:A:43:GLU:HG3	13	0.02
(1,1411)	1:A:42:VAL:HG12	1:A:43:GLU:HG3	13	0.02
(1,1411)	1:A:42:VAL:HG13	1:A:43:GLU:HG3	13	0.02
(1,1407)	1:A:42:VAL:HA	1:A:44:VAL:H	25	0.02
(1,1402)	1:A:42:VAL:HA	1:A:45:ARG:HB3	12	0.02
(1,1402)	1:A:42:VAL:HA	1:A:45:ARG:HB3	13	0.02
(1,1402)	1:A:42:VAL:HA	1:A:45:ARG:HB3	26	0.02
(1,1378)	1:A:12:ALA:HB1	1:A:9:LEU:HA	16	0.02
(1,1378)	1:A:12:ALA:HB2	1:A:9:LEU:HA	16	0.02
(1,1378)	1:A:12:ALA:HB3	1:A:9:LEU:HA	16	0.02
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:68:LYS:HB2	14	0.02
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:68:LYS:HB3	14	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:68:LYS:HB2	14	0.02
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:68:LYS:HB3	14	0.02
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:68:LYS:HB2	15	0.02
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:68:LYS:HB3	15	0.02
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:68:LYS:HB2	15	0.02
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:68:LYS:HB3	15	0.02
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:68:LYS:HB2	26	0.02
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:68:LYS:HB3	26	0.02
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:68:LYS:HB2	26	0.02
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:68:LYS:HB3	26	0.02
(1,1325)	1:A:67:ARG:HD2	1:A:67:ARG:HA	9	0.02
(1,1311)	1:A:64:LEU:HA	1:A:68:LYS:HD2	2	0.02
(1,1311)	1:A:64:LEU:HA	1:A:68:LYS:HD3	2	0.02
(1,1311)	1:A:64:LEU:HA	1:A:68:LYS:HD2	20	0.02
(1,1311)	1:A:64:LEU:HA	1:A:68:LYS:HD3	20	0.02
(1,1311)	1:A:64:LEU:HA	1:A:68:LYS:HD2	21	0.02
(1,1311)	1:A:64:LEU:HA	1:A:68:LYS:HD3	21	0.02
(1,1308)	1:A:64:LEU:HA	1:A:63:GLN:HE21	1	0.02
(1,1308)	1:A:64:LEU:HA	1:A:63:GLN:HE21	5	0.02
(1,1308)	1:A:64:LEU:HA	1:A:63:GLN:HE21	25	0.02
(1,1308)	1:A:64:LEU:HA	1:A:63:GLN:HE21	30	0.02
(1,1296)	1:A:63:GLN:HA	1:A:32:ALA:HB1	29	0.02
(1,1296)	1:A:63:GLN:HA	1:A:32:ALA:HB2	29	0.02
(1,1296)	1:A:63:GLN:HA	1:A:32:ALA:HB3	29	0.02
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB1	8	0.02
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB2	8	0.02
(1,1276)	1:A:62:ARG:HB3	1:A:32:ALA:HB3	8	0.02
(1,1267)	1:A:61:VAL:HG21	1:A:60:GLU:HB3	20	0.02
(1,1267)	1:A:61:VAL:HG22	1:A:60:GLU:HB3	20	0.02
(1,1267)	1:A:61:VAL:HG23	1:A:60:GLU:HB3	20	0.02
(1,1267)	1:A:61:VAL:HG21	1:A:60:GLU:HB3	24	0.02
(1,1267)	1:A:61:VAL:HG22	1:A:60:GLU:HB3	24	0.02
(1,1267)	1:A:61:VAL:HG23	1:A:60:GLU:HB3	24	0.02
(1,1260)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:41:GLY:HA2	6	0.02
(1,1260)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:41:GLY:HA2	6	0.02
(1,1260)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:41:GLY:HA2	6	0.02
(1,1252)	1:A:61:VAL:HA	1:A:63:GLN:HE22	17	0.02
(1,1252)	1:A:61:VAL:HA	1:A:63:GLN:HE22	18	0.02
(1,1252)	1:A:61:VAL:HA	1:A:63:GLN:HE22	22	0.02
(1,1252)	1:A:61:VAL:HA	1:A:63:GLN:HE22	23	0.02
(1,1246)	1:A:61:VAL:HA	1:A:64:LEU:HG	2	0.02
(1,1239)	1:A:60:GLU:HB3	1:A:56:LEU:HB2	3	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1239)	1:A:60:GLU:HB3	1:A:56:LEU:HB2	25	0.02
(1,1222)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:63:GLN:HE22	6	0.02
(1,1222)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:63:GLN:HE22	6	0.02
(1,1222)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:63:GLN:HE22	6	0.02
(1,1222)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:63:GLN:HE22	22	0.02
(1,1222)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:63:GLN:HE22	22	0.02
(1,1222)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:63:GLN:HE22	22	0.02
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:57:PRO:HB3	19	0.02
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:57:PRO:HB3	19	0.02
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:57:PRO:HB3	19	0.02
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:57:PRO:HB3	30	0.02
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:57:PRO:HB3	30	0.02
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:57:PRO:HB3	30	0.02
(1,1219)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:59:ARG:HD2	9	0.02
(1,1219)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:59:ARG:HD3	9	0.02
(1,1219)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:59:ARG:HD2	9	0.02
(1,1219)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:59:ARG:HD3	9	0.02
(1,1219)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:59:ARG:HD2	9	0.02
(1,1219)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:59:ARG:HD3	9	0.02
(1,1219)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:59:ARG:HD2	14	0.02
(1,1219)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:59:ARG:HD3	14	0.02
(1,1219)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:59:ARG:HD2	14	0.02
(1,1219)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:59:ARG:HD3	14	0.02
(1,1219)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:59:ARG:HD2	14	0.02
(1,1219)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:59:ARG:HD3	14	0.02
(1,12)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:61:VAL:HG11	8	0.02
(1,12)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:61:VAL:HG12	8	0.02
(1,12)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:61:VAL:HG13	8	0.02
(1,12)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:58:ILE:HD11	8	0.02
(1,12)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:58:ILE:HD12	8	0.02
(1,12)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:58:ILE:HD13	8	0.02
(1,12)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:64:LEU:HD11	8	0.02
(1,12)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:64:LEU:HD12	8	0.02
(1,12)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:64:LEU:HD13	8	0.02
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HB2	5	0.02
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HG2	5	0.02
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HB2	16	0.02
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HG2	16	0.02
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HB2	23	0.02
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HG2	23	0.02
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HB2	25	0.02
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HG2	25	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1172)	1:A:55:VAL:HA	1:A:57:PRO:HG3	16	0.02
(1,1172)	1:A:55:VAL:HA	1:A:57:PRO:HG3	23	0.02
(1,1172)	1:A:55:VAL:HA	1:A:57:PRO:HG3	28	0.02
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD21	16	0.02
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD22	16	0.02
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD23	16	0.02
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD21	23	0.02
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD22	23	0.02
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD23	23	0.02
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD11	1:A:51:GLU:HB2	14	0.02
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD12	1:A:51:GLU:HB2	14	0.02
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD13	1:A:51:GLU:HB2	14	0.02
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD11	1:A:51:GLU:HB2	28	0.02
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD12	1:A:51:GLU:HB2	28	0.02
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD13	1:A:51:GLU:HB2	28	0.02
(1,1158)	1:A:54:LEU:HB3	1:A:48:LEU:HB3	29	0.02
(1,1149)	1:A:54:LEU:HB3	1:A:48:LEU:HG	18	0.02
(1,1147)	1:A:54:LEU:HB2	1:A:48:LEU:HB3	15	0.02
(1,1147)	1:A:54:LEU:HB2	1:A:48:LEU:HB3	19	0.02
(1,1147)	1:A:54:LEU:HB2	1:A:48:LEU:HB3	22	0.02
(1,1108)	1:A:48:LEU:HA	1:A:52:HIS:HB3	7	0.02
(1,1108)	1:A:48:LEU:HA	1:A:52:HIS:HB3	22	0.02
(1,11)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:61:VAL:HG11	8	0.02
(1,11)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:61:VAL:HG12	8	0.02
(1,11)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:61:VAL:HG13	8	0.02
(1,11)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:58:ILE:HD11	8	0.02
(1,11)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:58:ILE:HD12	8	0.02
(1,11)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:58:ILE:HD13	8	0.02
(1,11)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:64:LEU:HD11	8	0.02
(1,11)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:64:LEU:HD12	8	0.02
(1,11)	1:A:41:GLY:HA2	1:A:64:LEU:HD13	8	0.02
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD21	1:A:42:VAL:H	1	0.02
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD22	1:A:42:VAL:H	1	0.02
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD23	1:A:42:VAL:H	1	0.02
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD21	1:A:42:VAL:H	29	0.02
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD22	1:A:42:VAL:H	29	0.02
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD23	1:A:42:VAL:H	29	0.02
(1,1091)	1:A:39:LEU:HD11	1:A:39:LEU:HA	28	0.02
(1,1091)	1:A:39:LEU:HD12	1:A:39:LEU:HA	28	0.02
(1,1091)	1:A:39:LEU:HD13	1:A:39:LEU:HA	28	0.02
(1,1071)	1:A:36:LEU:HG	1:A:38:SER:H	7	0.02
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG21	9	0.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG22	9	0.02
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG23	9	0.02
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG21	9	0.02
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG22	9	0.02
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG23	9	0.02
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG21	9	0.02
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG22	9	0.02
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG23	9	0.02
(1,1037)	1:A:36:LEU:HB3	1:A:40:MET:HA	9	0.02
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:H	12	0.02
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:H	12	0.02
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:H	12	0.02
(1,1016)	1:A:34:LEU:HD11	1:A:29:SER:H	4	0.02
(1,1016)	1:A:34:LEU:HD12	1:A:29:SER:H	4	0.02
(1,1016)	1:A:34:LEU:HD13	1:A:29:SER:H	4	0.02
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD11	1:A:31:LEU:HA	8	0.02
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD12	1:A:31:LEU:HA	8	0.02
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD13	1:A:31:LEU:HA	8	0.02
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD11	1:A:31:LEU:HA	22	0.02
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD12	1:A:31:LEU:HA	22	0.02
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD13	1:A:31:LEU:HA	22	0.02
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD11	1:A:31:LEU:HA	25	0.02
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD12	1:A:31:LEU:HA	25	0.02
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD13	1:A:31:LEU:HA	25	0.02
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD11	1:A:31:LEU:HA	30	0.02
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD12	1:A:31:LEU:HA	30	0.02
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD13	1:A:31:LEU:HA	30	0.02
(1,1000)	1:A:33:ASP:HB2	1:A:35:GLY:H	22	0.02
(1,996)	1:A:33:ASP:HB2	1:A:29:SER:HB2	12	0.01
(1,996)	1:A:33:ASP:HB2	1:A:29:SER:HB2	22	0.01
(1,972)	1:A:27:LEU:HD21	1:A:70:GLN:HE21	5	0.01
(1,972)	1:A:27:LEU:HD22	1:A:70:GLN:HE21	5	0.01
(1,972)	1:A:27:LEU:HD23	1:A:70:GLN:HE21	5	0.01
(1,972)	1:A:27:LEU:HD21	1:A:70:GLN:HE21	11	0.01
(1,972)	1:A:27:LEU:HD22	1:A:70:GLN:HE21	11	0.01
(1,972)	1:A:27:LEU:HD23	1:A:70:GLN:HE21	11	0.01
(1,972)	1:A:27:LEU:HD21	1:A:70:GLN:HE21	13	0.01
(1,972)	1:A:27:LEU:HD22	1:A:70:GLN:HE21	13	0.01
(1,972)	1:A:27:LEU:HD23	1:A:70:GLN:HE21	13	0.01
(1,972)	1:A:27:LEU:HD21	1:A:70:GLN:HE21	15	0.01
(1,972)	1:A:27:LEU:HD22	1:A:70:GLN:HE21	15	0.01
(1,972)	1:A:27:LEU:HD23	1:A:70:GLN:HE21	15	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,972)	1:A:27:LEU:HD21	1:A:70:GLN:HE21	16	0.01
(1,972)	1:A:27:LEU:HD22	1:A:70:GLN:HE21	16	0.01
(1,972)	1:A:27:LEU:HD23	1:A:70:GLN:HE21	16	0.01
(1,971)	1:A:27:LEU:HD11	1:A:25:ILE:H	15	0.01
(1,971)	1:A:27:LEU:HD12	1:A:25:ILE:H	15	0.01
(1,971)	1:A:27:LEU:HD13	1:A:25:ILE:H	15	0.01
(1,969)	1:A:27:LEU:HD21	1:A:27:LEU:HA	12	0.01
(1,969)	1:A:27:LEU:HD22	1:A:27:LEU:HA	12	0.01
(1,969)	1:A:27:LEU:HD23	1:A:27:LEU:HA	12	0.01
(1,968)	1:A:27:LEU:HD11	1:A:67:ARG:HA	4	0.01
(1,968)	1:A:27:LEU:HD12	1:A:67:ARG:HA	4	0.01
(1,968)	1:A:27:LEU:HD13	1:A:67:ARG:HA	4	0.01
(1,968)	1:A:27:LEU:HD11	1:A:67:ARG:HA	9	0.01
(1,968)	1:A:27:LEU:HD12	1:A:67:ARG:HA	9	0.01
(1,968)	1:A:27:LEU:HD13	1:A:67:ARG:HA	9	0.01
(1,968)	1:A:27:LEU:HD11	1:A:67:ARG:HA	11	0.01
(1,968)	1:A:27:LEU:HD12	1:A:67:ARG:HA	11	0.01
(1,968)	1:A:27:LEU:HD13	1:A:67:ARG:HA	11	0.01
(1,939)	1:A:57:PRO:HD2	1:A:60:GLU:HG2	22	0.01
(1,939)	1:A:57:PRO:HD2	1:A:60:GLU:HG3	22	0.01
(1,933)	1:A:57:PRO:HG3	1:A:60:GLU:H	1	0.01
(1,931)	1:A:57:PRO:HG3	1:A:60:GLU:HG2	29	0.01
(1,931)	1:A:57:PRO:HG3	1:A:60:GLU:HG3	29	0.01
(1,9)	1:A:16:ILE:HG21	1:A:43:GLU:H	8	0.01
(1,9)	1:A:16:ILE:HG22	1:A:43:GLU:H	8	0.01
(1,9)	1:A:16:ILE:HG23	1:A:43:GLU:H	8	0.01
(1,9)	1:A:16:ILE:HG21	1:A:42:VAL:H	8	0.01
(1,9)	1:A:16:ILE:HG22	1:A:42:VAL:H	8	0.01
(1,9)	1:A:16:ILE:HG23	1:A:42:VAL:H	8	0.01
(1,9)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:50:ARG:HE	8	0.01
(1,9)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:50:ARG:HE	8	0.01
(1,9)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:50:ARG:HE	8	0.01
(1,899)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:9:LEU:HD11	8	0.01
(1,899)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:9:LEU:HD12	8	0.01
(1,899)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:9:LEU:HD13	8	0.01
(1,899)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:9:LEU:HD11	8	0.01
(1,899)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:9:LEU:HD12	8	0.01
(1,899)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:9:LEU:HD13	8	0.01
(1,899)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:9:LEU:HD11	8	0.01
(1,899)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:9:LEU:HD12	8	0.01
(1,899)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:9:LEU:HD13	8	0.01
(1,899)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:9:LEU:HD11	9	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,899)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:9:LEU:HD12	9	0.01
(1,899)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:9:LEU:HD13	9	0.01
(1,899)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:9:LEU:HD11	9	0.01
(1,899)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:9:LEU:HD12	9	0.01
(1,899)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:9:LEU:HD13	9	0.01
(1,899)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:9:LEU:HD11	9	0.01
(1,899)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:9:LEU:HD12	9	0.01
(1,899)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:9:LEU:HD13	9	0.01
(1,899)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:9:LEU:HD11	22	0.01
(1,899)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:9:LEU:HD12	22	0.01
(1,899)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:9:LEU:HD13	22	0.01
(1,899)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:9:LEU:HD11	22	0.01
(1,899)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:9:LEU:HD12	22	0.01
(1,899)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:9:LEU:HD13	22	0.01
(1,899)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:9:LEU:HD11	22	0.01
(1,899)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:9:LEU:HD12	22	0.01
(1,899)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:9:LEU:HD13	22	0.01
(1,880)	1:A:10:VAL:HG21	1:A:10:VAL:H	11	0.01
(1,880)	1:A:10:VAL:HG22	1:A:10:VAL:H	11	0.01
(1,880)	1:A:10:VAL:HG23	1:A:10:VAL:H	11	0.01
(1,876)	1:A:10:VAL:HG21	1:A:68:LYS:HB2	5	0.01
(1,876)	1:A:10:VAL:HG21	1:A:68:LYS:HB3	5	0.01
(1,876)	1:A:10:VAL:HG22	1:A:68:LYS:HB2	5	0.01
(1,876)	1:A:10:VAL:HG22	1:A:68:LYS:HB3	5	0.01
(1,876)	1:A:10:VAL:HG23	1:A:68:LYS:HB2	5	0.01
(1,876)	1:A:10:VAL:HG23	1:A:68:LYS:HB3	5	0.01
(1,876)	1:A:10:VAL:HG21	1:A:68:LYS:HB2	8	0.01
(1,876)	1:A:10:VAL:HG21	1:A:68:LYS:HB3	8	0.01
(1,876)	1:A:10:VAL:HG22	1:A:68:LYS:HB2	8	0.01
(1,876)	1:A:10:VAL:HG22	1:A:68:LYS:HB3	8	0.01
(1,876)	1:A:10:VAL:HG23	1:A:68:LYS:HB2	8	0.01
(1,876)	1:A:10:VAL:HG23	1:A:68:LYS:HB3	8	0.01
(1,867)	1:A:10:VAL:HB	1:A:11:LYS:H	17	0.01
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD21	7	0.01
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD22	7	0.01
(1,862)	1:A:10:VAL:HA	1:A:9:LEU:HD23	7	0.01
(1,846)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:11:LYS:HD2	4	0.01
(1,846)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:11:LYS:HD3	4	0.01
(1,846)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:11:LYS:HD2	15	0.01
(1,846)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:11:LYS:HD3	15	0.01
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:9:LEU:HB3	2	0.01
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG2	2	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,82)	1:A:73:SER:HB2	1:A:7:ARG:HG3	2	0.01
(1,808)	1:A:65:THR:HG21	1:A:30:SER:HA	3	0.01
(1,808)	1:A:65:THR:HG22	1:A:30:SER:HA	3	0.01
(1,808)	1:A:65:THR:HG23	1:A:30:SER:HA	3	0.01
(1,808)	1:A:65:THR:HG21	1:A:30:SER:HA	21	0.01
(1,808)	1:A:65:THR:HG22	1:A:30:SER:HA	21	0.01
(1,808)	1:A:65:THR:HG23	1:A:30:SER:HA	21	0.01
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD11	4	0.01
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD12	4	0.01
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD13	4	0.01
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD11	8	0.01
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD12	8	0.01
(1,801)	1:A:65:THR:HA	1:A:31:LEU:HD13	8	0.01
(1,798)	1:A:51:GLU:HG2	1:A:50:ARG:HG2	1	0.01
(1,798)	1:A:51:GLU:HG3	1:A:50:ARG:HG2	1	0.01
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD11	6	0.01
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD12	6	0.01
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD13	6	0.01
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD21	6	0.01
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD22	6	0.01
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD23	6	0.01
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD11	11	0.01
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD12	11	0.01
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD13	11	0.01
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD21	11	0.01
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD22	11	0.01
(1,783)	1:A:52:HIS:HB3	1:A:54:LEU:HD23	11	0.01
(1,755)	1:A:70:GLN:HG2	1:A:10:VAL:HG21	2	0.01
(1,755)	1:A:70:GLN:HG2	1:A:10:VAL:HG22	2	0.01
(1,755)	1:A:70:GLN:HG2	1:A:10:VAL:HG23	2	0.01
(1,743)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:72:MET:H	13	0.01
(1,743)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:72:MET:H	13	0.01
(1,743)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:72:MET:H	21	0.01
(1,743)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:72:MET:H	21	0.01
(1,743)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:72:MET:H	24	0.01
(1,743)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:72:MET:H	24	0.01
(1,740)	1:A:70:GLN:HA	1:A:10:VAL:HG21	4	0.01
(1,740)	1:A:70:GLN:HA	1:A:10:VAL:HG22	4	0.01
(1,740)	1:A:70:GLN:HA	1:A:10:VAL:HG23	4	0.01
(1,740)	1:A:70:GLN:HA	1:A:10:VAL:HG21	17	0.01
(1,740)	1:A:70:GLN:HA	1:A:10:VAL:HG22	17	0.01
(1,740)	1:A:70:GLN:HA	1:A:10:VAL:HG23	17	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,732)	1:A:63:GLN:HG3	1:A:60:GLU:HA	4	0.01
(1,732)	1:A:63:GLN:HG3	1:A:60:GLU:HA	13	0.01
(1,732)	1:A:63:GLN:HG3	1:A:60:GLU:HA	26	0.01
(1,730)	1:A:63:GLN:HG2	1:A:60:GLU:HA	2	0.01
(1,715)	1:A:63:GLN:HB3	1:A:60:GLU:HA	13	0.01
(1,711)	1:A:63:GLN:HA	1:A:30:SER:HB2	3	0.01
(1,711)	1:A:63:GLN:HA	1:A:30:SER:HB2	14	0.01
(1,710)	1:A:63:GLN:HA	1:A:30:SER:HB3	24	0.01
(1,706)	1:A:59:ARG:HD2	1:A:59:ARG:H	7	0.01
(1,706)	1:A:59:ARG:HD3	1:A:59:ARG:H	7	0.01
(1,706)	1:A:59:ARG:HD2	1:A:59:ARG:H	10	0.01
(1,706)	1:A:59:ARG:HD3	1:A:59:ARG:H	10	0.01
(1,706)	1:A:59:ARG:HD2	1:A:59:ARG:H	20	0.01
(1,706)	1:A:59:ARG:HD3	1:A:59:ARG:H	20	0.01
(1,706)	1:A:59:ARG:HD2	1:A:59:ARG:H	23	0.01
(1,706)	1:A:59:ARG:HD3	1:A:59:ARG:H	23	0.01
(1,70)	1:A:9:LEU:HD21	1:A:72:MET:H	19	0.01
(1,70)	1:A:9:LEU:HD22	1:A:72:MET:H	19	0.01
(1,70)	1:A:9:LEU:HD23	1:A:72:MET:H	19	0.01
(1,70)	1:A:9:LEU:HD21	1:A:71:GLU:H	19	0.01
(1,70)	1:A:9:LEU:HD22	1:A:71:GLU:H	19	0.01
(1,70)	1:A:9:LEU:HD23	1:A:71:GLU:H	19	0.01
(1,691)	1:A:43:GLU:HB2	1:A:47:ILE:HD11	2	0.01
(1,691)	1:A:43:GLU:HB2	1:A:47:ILE:HD12	2	0.01
(1,691)	1:A:43:GLU:HB2	1:A:47:ILE:HD13	2	0.01
(1,662)	1:A:49:GLU:HA	1:A:46:GLN:HA	2	0.01
(1,662)	1:A:49:GLU:HA	1:A:46:GLN:HA	13	0.01
(1,638)	1:A:50:ARG:HD2	1:A:50:ARG:HA	16	0.01
(1,638)	1:A:50:ARG:HD3	1:A:50:ARG:HA	16	0.01
(1,607)	1:A:67:ARG:HA	1:A:67:ARG:HD3	4	0.01
(1,607)	1:A:67:ARG:HA	1:A:67:ARG:HD3	16	0.01
(1,607)	1:A:67:ARG:HA	1:A:67:ARG:HD3	17	0.01
(1,607)	1:A:67:ARG:HA	1:A:67:ARG:HD3	26	0.01
(1,607)	1:A:67:ARG:HA	1:A:67:ARG:HD3	29	0.01
(1,593)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:66:LEU:HA	3	0.01
(1,593)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:66:LEU:HA	3	0.01
(1,593)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:66:LEU:HA	3	0.01
(1,593)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:66:LEU:HA	4	0.01
(1,593)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:66:LEU:HA	4	0.01
(1,593)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:66:LEU:HA	4	0.01
(1,593)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:66:LEU:HA	5	0.01
(1,593)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:66:LEU:HA	5	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,593)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:66:LEU:HA	5	0.01
(1,593)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:66:LEU:HA	19	0.01
(1,593)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:66:LEU:HA	19	0.01
(1,593)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:66:LEU:HA	19	0.01
(1,59)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:64:LEU:HB2	19	0.01
(1,59)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:64:LEU:HB2	19	0.01
(1,59)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:64:LEU:HB2	19	0.01
(1,59)	1:A:66:LEU:HD21	1:A:64:LEU:HB2	19	0.01
(1,59)	1:A:66:LEU:HD22	1:A:64:LEU:HB2	19	0.01
(1,59)	1:A:66:LEU:HD23	1:A:64:LEU:HB2	19	0.01
(1,58)	1:A:66:LEU:HD21	1:A:10:VAL:HB	6	0.01
(1,58)	1:A:66:LEU:HD22	1:A:10:VAL:HB	6	0.01
(1,58)	1:A:66:LEU:HD23	1:A:10:VAL:HB	6	0.01
(1,58)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:43:GLU:HB2	6	0.01
(1,58)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:43:GLU:HB2	6	0.01
(1,58)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:43:GLU:HB2	6	0.01
(1,58)	1:A:66:LEU:HD21	1:A:10:VAL:HB	7	0.01
(1,58)	1:A:66:LEU:HD22	1:A:10:VAL:HB	7	0.01
(1,58)	1:A:66:LEU:HD23	1:A:10:VAL:HB	7	0.01
(1,58)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:43:GLU:HB2	7	0.01
(1,58)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:43:GLU:HB2	7	0.01
(1,58)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:43:GLU:HB2	7	0.01
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB1	9	0.01
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB2	9	0.01
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB3	9	0.01
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB1	9	0.01
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB2	9	0.01
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB3	9	0.01
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB1	9	0.01
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB2	9	0.01
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB3	9	0.01
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB1	23	0.01
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB2	23	0.01
(1,536)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:14:ALA:HB3	23	0.01
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB1	23	0.01
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB2	23	0.01
(1,536)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:14:ALA:HB3	23	0.01
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB1	23	0.01
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB2	23	0.01
(1,536)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:14:ALA:HB3	23	0.01
(1,531)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:22:LEU:HA	1	0.01
(1,531)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:22:LEU:HA	1	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,531)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:22:LEU:HA	1	0.01
(1,531)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:22:LEU:HA	6	0.01
(1,531)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:22:LEU:HA	6	0.01
(1,531)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:22:LEU:HA	6	0.01
(1,531)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:22:LEU:HA	10	0.01
(1,531)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:22:LEU:HA	10	0.01
(1,531)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:22:LEU:HA	10	0.01
(1,531)	1:A:25:ILE:HD11	1:A:22:LEU:HA	28	0.01
(1,531)	1:A:25:ILE:HD12	1:A:22:LEU:HA	28	0.01
(1,531)	1:A:25:ILE:HD13	1:A:22:LEU:HA	28	0.01
(1,521)	1:A:25:ILE:HB	1:A:27:LEU:HD21	22	0.01
(1,521)	1:A:25:ILE:HB	1:A:27:LEU:HD22	22	0.01
(1,521)	1:A:25:ILE:HB	1:A:27:LEU:HD23	22	0.01
(1,513)	1:A:25:ILE:HB	1:A:22:LEU:HD11	11	0.01
(1,513)	1:A:25:ILE:HB	1:A:22:LEU:HD12	11	0.01
(1,513)	1:A:25:ILE:HB	1:A:22:LEU:HD13	11	0.01
(1,513)	1:A:25:ILE:HB	1:A:22:LEU:HD11	14	0.01
(1,513)	1:A:25:ILE:HB	1:A:22:LEU:HD12	14	0.01
(1,513)	1:A:25:ILE:HB	1:A:22:LEU:HD13	14	0.01
(1,513)	1:A:25:ILE:HB	1:A:22:LEU:HD11	27	0.01
(1,513)	1:A:25:ILE:HB	1:A:22:LEU:HD12	27	0.01
(1,513)	1:A:25:ILE:HB	1:A:22:LEU:HD13	27	0.01
(1,506)	1:A:19:ILE:HD11	1:A:18:GLY:HA2	1	0.01
(1,506)	1:A:19:ILE:HD12	1:A:18:GLY:HA2	1	0.01
(1,506)	1:A:19:ILE:HD13	1:A:18:GLY:HA2	1	0.01
(1,498)	1:A:47:ILE:HD11	1:A:43:GLU:HG3	6	0.01
(1,498)	1:A:47:ILE:HD12	1:A:43:GLU:HG3	6	0.01
(1,498)	1:A:47:ILE:HD13	1:A:43:GLU:HG3	6	0.01
(1,491)	1:A:27:LEU:HA	1:A:66:LEU:H	3	0.01
(1,491)	1:A:27:LEU:HA	1:A:66:LEU:H	17	0.01
(1,49)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:43:GLU:HG3	22	0.01
(1,49)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:43:GLU:HG3	22	0.01
(1,49)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:43:GLU:HG3	22	0.01
(1,49)	1:A:16:ILE:HG21	1:A:43:GLU:HG3	22	0.01
(1,49)	1:A:16:ILE:HG22	1:A:43:GLU:HG3	22	0.01
(1,49)	1:A:16:ILE:HG23	1:A:43:GLU:HG3	22	0.01
(1,479)	1:A:23:ALA:HA	1:A:21:ASP:HA	26	0.01
(1,475)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:20:ARG:HB2	11	0.01
(1,475)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:20:ARG:HB2	11	0.01
(1,475)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:20:ARG:HB2	11	0.01
(1,475)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:20:ARG:HB2	29	0.01
(1,475)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:20:ARG:HB2	29	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,475)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:20:ARG:HB2	29	0.01
(1,469)	1:A:17:LEU:HD11	1:A:16:ILE:H	10	0.01
(1,469)	1:A:17:LEU:HD12	1:A:16:ILE:H	10	0.01
(1,469)	1:A:17:LEU:HD13	1:A:16:ILE:H	10	0.01
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD11	1	0.01
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD12	1	0.01
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD13	1	0.01
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD11	3	0.01
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD12	3	0.01
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD13	3	0.01
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD11	7	0.01
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD12	7	0.01
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD13	7	0.01
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD11	8	0.01
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD12	8	0.01
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD13	8	0.01
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD11	21	0.01
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD12	21	0.01
(1,461)	1:A:47:ILE:HG12	1:A:48:LEU:HD13	21	0.01
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD11	1	0.01
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD12	1	0.01
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD13	1	0.01
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD11	3	0.01
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD12	3	0.01
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD13	3	0.01
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD11	6	0.01
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD12	6	0.01
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD13	6	0.01
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD11	8	0.01
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD12	8	0.01
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD13	8	0.01
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD11	10	0.01
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD12	10	0.01
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD13	10	0.01
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD11	13	0.01
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD12	13	0.01
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD13	13	0.01
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD11	20	0.01
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD12	20	0.01
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD13	20	0.01
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD11	21	0.01
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD12	21	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD13	21	0.01
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD11	25	0.01
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD12	25	0.01
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD13	25	0.01
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD11	27	0.01
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD12	27	0.01
(1,460)	1:A:47:ILE:HG13	1:A:48:LEU:HD13	27	0.01
(1,453)	1:A:47:ILE:HA	1:A:50:ARG:H	8	0.01
(1,45)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:11:LYS:HE2	22	0.01
(1,45)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:11:LYS:HE3	22	0.01
(1,45)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:11:LYS:HE2	22	0.01
(1,45)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:11:LYS:HE3	22	0.01
(1,45)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:11:LYS:HE2	22	0.01
(1,45)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:11:LYS:HE3	22	0.01
(1,444)	1:A:47:ILE:HA	1:A:50:ARG:HB3	8	0.01
(1,43)	1:A:13:VAL:HG21	1:A:17:LEU:H	13	0.01
(1,43)	1:A:13:VAL:HG22	1:A:17:LEU:H	13	0.01
(1,43)	1:A:13:VAL:HG23	1:A:17:LEU:H	13	0.01
(1,43)	1:A:13:VAL:HG21	1:A:73:SER:H	13	0.01
(1,43)	1:A:13:VAL:HG22	1:A:73:SER:H	13	0.01
(1,43)	1:A:13:VAL:HG23	1:A:73:SER:H	13	0.01
(1,43)	1:A:13:VAL:HG21	1:A:18:GLY:H	13	0.01
(1,43)	1:A:13:VAL:HG22	1:A:18:GLY:H	13	0.01
(1,43)	1:A:13:VAL:HG23	1:A:18:GLY:H	13	0.01
(1,43)	1:A:13:VAL:HG21	1:A:17:LEU:H	27	0.01
(1,43)	1:A:13:VAL:HG22	1:A:17:LEU:H	27	0.01
(1,43)	1:A:13:VAL:HG23	1:A:17:LEU:H	27	0.01
(1,43)	1:A:13:VAL:HG21	1:A:73:SER:H	27	0.01
(1,43)	1:A:13:VAL:HG22	1:A:73:SER:H	27	0.01
(1,43)	1:A:13:VAL:HG23	1:A:73:SER:H	27	0.01
(1,43)	1:A:13:VAL:HG21	1:A:18:GLY:H	27	0.01
(1,43)	1:A:13:VAL:HG22	1:A:18:GLY:H	27	0.01
(1,43)	1:A:13:VAL:HG23	1:A:18:GLY:H	27	0.01
(1,417)	1:A:45:ARG:HD2	1:A:61:VAL:HG11	11	0.01
(1,417)	1:A:45:ARG:HD2	1:A:61:VAL:HG12	11	0.01
(1,417)	1:A:45:ARG:HD2	1:A:61:VAL:HG13	11	0.01
(1,417)	1:A:45:ARG:HD3	1:A:61:VAL:HG11	11	0.01
(1,417)	1:A:45:ARG:HD3	1:A:61:VAL:HG12	11	0.01
(1,417)	1:A:45:ARG:HD3	1:A:61:VAL:HG13	11	0.01
(1,417)	1:A:45:ARG:HD2	1:A:61:VAL:HG11	16	0.01
(1,417)	1:A:45:ARG:HD2	1:A:61:VAL:HG12	16	0.01
(1,417)	1:A:45:ARG:HD2	1:A:61:VAL:HG13	16	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,417)	1:A:45:ARG:HD3	1:A:61:VAL:HG11	16	0.01
(1,417)	1:A:45:ARG:HD3	1:A:61:VAL:HG12	16	0.01
(1,417)	1:A:45:ARG:HD3	1:A:61:VAL:HG13	16	0.01
(1,394)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:25:ILE:HG13	13	0.01
(1,394)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:25:ILE:HG13	13	0.01
(1,394)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:25:ILE:HG13	13	0.01
(1,394)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:25:ILE:HG13	21	0.01
(1,394)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:25:ILE:HG13	21	0.01
(1,394)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:25:ILE:HG13	21	0.01
(1,391)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:21:ASP:HA	13	0.01
(1,391)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:21:ASP:HA	13	0.01
(1,391)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:21:ASP:HA	13	0.01
(1,391)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:21:ASP:HA	16	0.01
(1,391)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:21:ASP:HA	16	0.01
(1,391)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:21:ASP:HA	16	0.01
(1,391)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:21:ASP:HA	18	0.01
(1,391)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:21:ASP:HA	18	0.01
(1,391)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:21:ASP:HA	18	0.01
(1,38)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:32:ALA:HA	11	0.01
(1,38)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:32:ALA:HA	11	0.01
(1,38)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:32:ALA:HA	11	0.01
(1,38)	1:A:47:ILE:HG21	1:A:50:ARG:HA	11	0.01
(1,38)	1:A:47:ILE:HG22	1:A:50:ARG:HA	11	0.01
(1,38)	1:A:47:ILE:HG23	1:A:50:ARG:HA	11	0.01
(1,373)	1:A:19:ILE:HB	1:A:19:ILE:H	3	0.01
(1,373)	1:A:19:ILE:HB	1:A:19:ILE:H	8	0.01
(1,373)	1:A:19:ILE:HB	1:A:19:ILE:H	10	0.01
(1,373)	1:A:19:ILE:HB	1:A:19:ILE:H	15	0.01
(1,373)	1:A:19:ILE:HB	1:A:19:ILE:H	18	0.01
(1,373)	1:A:19:ILE:HB	1:A:19:ILE:H	23	0.01
(1,373)	1:A:19:ILE:HB	1:A:19:ILE:H	25	0.01
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG21	6	0.01
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG22	6	0.01
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG23	6	0.01
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG21	19	0.01
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG22	19	0.01
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG23	19	0.01
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG21	24	0.01
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG22	24	0.01
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG23	24	0.01
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG21	30	0.01
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG22	30	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,363)	1:A:17:LEU:HG	1:A:19:ILE:HG23	30	0.01
(1,32)	1:A:27:LEU:HD11	1:A:70:GLN:HE21	22	0.01
(1,32)	1:A:27:LEU:HD12	1:A:70:GLN:HE21	22	0.01
(1,32)	1:A:27:LEU:HD13	1:A:70:GLN:HE21	22	0.01
(1,32)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:70:GLN:HE21	22	0.01
(1,32)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:70:GLN:HE21	22	0.01
(1,32)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:70:GLN:HE21	22	0.01
(1,319)	1:A:45:ARG:HB2	1:A:48:LEU:H	24	0.01
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD21	18	0.01
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD22	18	0.01
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD23	18	0.01
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD21	21	0.01
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD22	21	0.01
(1,315)	1:A:40:MET:HB3	1:A:39:LEU:HD23	21	0.01
(1,306)	1:A:40:MET:HB3	1:A:38:SER:H	19	0.01
(1,306)	1:A:40:MET:HB3	1:A:38:SER:H	21	0.01
(1,306)	1:A:40:MET:HB3	1:A:38:SER:H	26	0.01
(1,244)	1:A:31:LEU:HD21	1:A:64:LEU:HG	18	0.01
(1,244)	1:A:31:LEU:HD22	1:A:64:LEU:HG	18	0.01
(1,244)	1:A:31:LEU:HD23	1:A:64:LEU:HG	18	0.01
(1,241)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:64:LEU:HG	24	0.01
(1,241)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:64:LEU:HG	24	0.01
(1,241)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:64:LEU:HG	24	0.01
(1,239)	1:A:31:LEU:HD11	1:A:62:ARG:HG3	24	0.01
(1,239)	1:A:31:LEU:HD12	1:A:62:ARG:HG3	24	0.01
(1,239)	1:A:31:LEU:HD13	1:A:62:ARG:HG3	24	0.01
(1,229)	1:A:31:LEU:HA	1:A:36:LEU:HD21	20	0.01
(1,229)	1:A:31:LEU:HA	1:A:36:LEU:HD22	20	0.01
(1,229)	1:A:31:LEU:HA	1:A:36:LEU:HD23	20	0.01
(1,221)	1:A:31:LEU:HB2	1:A:36:LEU:HB2	9	0.01
(1,221)	1:A:31:LEU:HB2	1:A:36:LEU:HB2	17	0.01
(1,213)	1:A:30:SER:HB3	1:A:33:ASP:HA	1	0.01
(1,213)	1:A:30:SER:HB3	1:A:33:ASP:HA	14	0.01
(1,213)	1:A:30:SER:HB3	1:A:33:ASP:HA	16	0.01
(1,209)	1:A:30:SER:HB2	1:A:31:LEU:H	27	0.01
(1,196)	1:A:29:SER:HB3	1:A:33:ASP:HB2	20	0.01
(1,194)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HG	14	0.01
(1,194)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HG	19	0.01
(1,193)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HD11	8	0.01
(1,193)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HD12	8	0.01
(1,193)	1:A:29:SER:HB3	1:A:34:LEU:HD13	8	0.01
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:74:SER:H	23	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,18)	1:A:71:GLU:HA	1:A:69:LEU:H	23	0.01
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG21	5	0.01
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG22	5	0.01
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG23	5	0.01
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG21	13	0.01
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG22	13	0.01
(1,1732)	1:A:32:ALA:H	1:A:65:THR:HG23	13	0.01
(1,1725)	1:A:80:THR:H	1:A:79:ASP:H	28	0.01
(1,1724)	1:A:78:SER:H	1:A:77:GLY:H	22	0.01
(1,1710)	1:A:63:GLN:H	1:A:64:LEU:H	14	0.01
(1,1710)	1:A:63:GLN:H	1:A:64:LEU:H	24	0.01
(1,1701)	1:A:47:ILE:H	1:A:48:LEU:H	2	0.01
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:9:LEU:HD21	19	0.01
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:9:LEU:HD22	19	0.01
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:9:LEU:HD23	19	0.01
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:48:LEU:HD11	19	0.01
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:48:LEU:HD12	19	0.01
(1,17)	1:A:72:MET:HB3	1:A:48:LEU:HD13	19	0.01
(1,1692)	1:A:33:ASP:H	1:A:36:LEU:H	11	0.01
(1,1692)	1:A:33:ASP:H	1:A:36:LEU:H	15	0.01
(1,1679)	1:A:24:GLY:H	1:A:22:LEU:H	7	0.01
(1,1663)	1:A:11:LYS:H	1:A:15:HIS:H	21	0.01
(1,1646)	1:A:9:LEU:HG	1:A:9:LEU:H	16	0.01
(1,1645)	1:A:9:LEU:HD11	1:A:9:LEU:H	13	0.01
(1,1645)	1:A:9:LEU:HD12	1:A:9:LEU:H	13	0.01
(1,1645)	1:A:9:LEU:HD13	1:A:9:LEU:H	13	0.01
(1,1631)	1:A:73:SER:HB2	1:A:10:VAL:HG21	6	0.01
(1,1631)	1:A:73:SER:HB2	1:A:10:VAL:HG22	6	0.01
(1,1631)	1:A:73:SER:HB2	1:A:10:VAL:HG23	6	0.01
(1,1631)	1:A:73:SER:HB2	1:A:10:VAL:HG21	12	0.01
(1,1631)	1:A:73:SER:HB2	1:A:10:VAL:HG22	12	0.01
(1,1631)	1:A:73:SER:HB2	1:A:10:VAL:HG23	12	0.01
(1,1624)	1:A:58:ILE:HD11	1:A:57:PRO:HD2	5	0.01
(1,1624)	1:A:58:ILE:HD12	1:A:57:PRO:HD2	5	0.01
(1,1624)	1:A:58:ILE:HD13	1:A:57:PRO:HD2	5	0.01
(1,1624)	1:A:58:ILE:HD11	1:A:57:PRO:HD2	26	0.01
(1,1624)	1:A:58:ILE:HD12	1:A:57:PRO:HD2	26	0.01
(1,1624)	1:A:58:ILE:HD13	1:A:57:PRO:HD2	26	0.01
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:9:LEU:HD21	20	0.01
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:9:LEU:HD22	20	0.01
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB2	1:A:9:LEU:HD23	20	0.01
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:9:LEU:HD21	20	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:9:LEU:HD22	20	0.01
(1,1598)	1:A:70:GLN:HB3	1:A:9:LEU:HD23	20	0.01
(1,1596)	1:A:12:ALA:HA	1:A:7:ARG:HD2	29	0.01
(1,1596)	1:A:12:ALA:HA	1:A:7:ARG:HD3	29	0.01
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:29:SER:HA	11	0.01
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:29:SER:HA	11	0.01
(1,1593)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:29:SER:HA	11	0.01
(1,1592)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:30:SER:H	7	0.01
(1,1592)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:30:SER:H	7	0.01
(1,1592)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:30:SER:H	7	0.01
(1,1589)	1:A:20:ARG:HG3	1:A:67:ARG:HE	30	0.01
(1,1587)	1:A:9:LEU:HG	1:A:75:LYS:HE2	3	0.01
(1,1587)	1:A:9:LEU:HG	1:A:75:LYS:HE3	3	0.01
(1,1587)	1:A:9:LEU:HG	1:A:75:LYS:HE2	7	0.01
(1,1587)	1:A:9:LEU:HG	1:A:75:LYS:HE3	7	0.01
(1,1587)	1:A:9:LEU:HG	1:A:75:LYS:HE2	9	0.01
(1,1587)	1:A:9:LEU:HG	1:A:75:LYS:HE3	9	0.01
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:65:THR:HA	22	0.01
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:65:THR:HA	22	0.01
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:65:THR:HA	22	0.01
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:65:THR:HA	28	0.01
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:65:THR:HA	28	0.01
(1,1576)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:65:THR:HA	28	0.01
(1,1575)	1:A:66:LEU:HD11	1:A:13:VAL:H	4	0.01
(1,1575)	1:A:66:LEU:HD12	1:A:13:VAL:H	4	0.01
(1,1575)	1:A:66:LEU:HD13	1:A:13:VAL:H	4	0.01
(1,1574)	1:A:16:ILE:HG21	1:A:40:MET:HG2	30	0.01
(1,1574)	1:A:16:ILE:HG22	1:A:40:MET:HG2	30	0.01
(1,1574)	1:A:16:ILE:HG23	1:A:40:MET:HG2	30	0.01
(1,1561)	1:A:22:LEU:HD21	1:A:23:ALA:HA	1	0.01
(1,1561)	1:A:22:LEU:HD22	1:A:23:ALA:HA	1	0.01
(1,1561)	1:A:22:LEU:HD23	1:A:23:ALA:HA	1	0.01
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:26:ASN:H	30	0.01
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:26:ASN:H	30	0.01
(1,1553)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:26:ASN:H	30	0.01
(1,1552)	1:A:19:ILE:HG21	1:A:24:GLY:H	20	0.01
(1,1552)	1:A:19:ILE:HG22	1:A:24:GLY:H	20	0.01
(1,1552)	1:A:19:ILE:HG23	1:A:24:GLY:H	20	0.01
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:40:MET:HA	28	0.01
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:40:MET:HA	28	0.01
(1,1547)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:40:MET:HA	28	0.01
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:42:VAL:HA	4	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:42:VAL:HA	4	0.01
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:42:VAL:HA	4	0.01
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:42:VAL:HA	17	0.01
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:42:VAL:HA	17	0.01
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:42:VAL:HA	17	0.01
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:42:VAL:HA	21	0.01
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:42:VAL:HA	21	0.01
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:42:VAL:HA	21	0.01
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:42:VAL:HA	29	0.01
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:42:VAL:HA	29	0.01
(1,1546)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:42:VAL:HA	29	0.01
(1,1531)	1:A:10:VAL:HG21	1:A:72:MET:H	23	0.01
(1,1531)	1:A:10:VAL:HG22	1:A:72:MET:H	23	0.01
(1,1531)	1:A:10:VAL:HG23	1:A:72:MET:H	23	0.01
(1,1523)	1:A:73:SER:HA	1:A:70:GLN:H	2	0.01
(1,1523)	1:A:73:SER:HA	1:A:70:GLN:H	26	0.01
(1,1517)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:7:ARG:HA	13	0.01
(1,1517)	1:A:8:ASP:HB3	1:A:7:ARG:HA	29	0.01
(1,1503)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:49:GLU:H	21	0.01
(1,1503)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:49:GLU:H	21	0.01
(1,1503)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:49:GLU:H	21	0.01
(1,1503)	1:A:55:VAL:HG11	1:A:49:GLU:H	26	0.01
(1,1503)	1:A:55:VAL:HG12	1:A:49:GLU:H	26	0.01
(1,1503)	1:A:55:VAL:HG13	1:A:49:GLU:H	26	0.01
(1,1497)	1:A:65:THR:HG21	1:A:63:GLN:HB2	7	0.01
(1,1497)	1:A:65:THR:HG22	1:A:63:GLN:HB2	7	0.01
(1,1497)	1:A:65:THR:HG23	1:A:63:GLN:HB2	7	0.01
(1,1493)	1:A:46:GLN:HG3	1:A:50:ARG:HD2	2	0.01
(1,1493)	1:A:46:GLN:HG3	1:A:50:ARG:HD3	2	0.01
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:46:GLN:HG2	5	0.01
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:46:GLN:HG2	5	0.01
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:46:GLN:HG2	5	0.01
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:46:GLN:HG2	13	0.01
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:46:GLN:HG2	13	0.01
(1,1491)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:46:GLN:HG2	13	0.01
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:19:ILE:HB	7	0.01
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:19:ILE:HB	7	0.01
(1,1484)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:19:ILE:HB	7	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG11	7	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG12	7	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG13	7	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG11	7	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG12	7	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG13	7	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG11	7	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG12	7	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG13	7	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG11	14	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG12	14	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG13	14	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG11	14	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG12	14	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG13	14	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG11	14	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG12	14	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG13	14	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG11	22	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG12	22	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG13	22	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG11	22	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG12	22	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG13	22	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG11	22	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG12	22	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG13	22	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG11	23	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG12	23	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:13:VAL:HG13	23	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG11	23	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG12	23	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:13:VAL:HG13	23	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG11	23	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG12	23	0.01
(1,1481)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:13:VAL:HG13	23	0.01
(1,1476)	1:A:14:ALA:HB1	1:A:15:HIS:H	21	0.01
(1,1476)	1:A:14:ALA:HB2	1:A:15:HIS:H	21	0.01
(1,1476)	1:A:14:ALA:HB3	1:A:15:HIS:H	21	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG11	1	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG12	1	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG13	1	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG11	2	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG12	2	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG13	2	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG11	5	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG12	5	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG13	5	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG11	6	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG12	6	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG13	6	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG11	8	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG12	8	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG13	8	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG11	9	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG12	9	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG13	9	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG11	14	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG12	14	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG13	14	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG11	20	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG12	20	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG13	20	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG11	22	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG12	22	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG13	22	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG11	25	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG12	25	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG13	25	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG11	26	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG12	26	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG13	26	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG11	27	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG12	27	0.01
(1,1465)	1:A:14:ALA:HA	1:A:13:VAL:HG13	27	0.01
(1,1447)	1:A:13:VAL:HG11	1:A:17:LEU:HG	14	0.01
(1,1447)	1:A:13:VAL:HG12	1:A:17:LEU:HG	14	0.01
(1,1447)	1:A:13:VAL:HG13	1:A:17:LEU:HG	14	0.01
(1,1447)	1:A:13:VAL:HG11	1:A:17:LEU:HG	20	0.01
(1,1447)	1:A:13:VAL:HG12	1:A:17:LEU:HG	20	0.01
(1,1447)	1:A:13:VAL:HG13	1:A:17:LEU:HG	20	0.01
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:47:ILE:HG13	13	0.01
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:47:ILE:HG13	13	0.01
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:47:ILE:HG13	13	0.01
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:47:ILE:HG13	17	0.01
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:47:ILE:HG13	17	0.01
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:47:ILE:HG13	17	0.01
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:47:ILE:HG13	20	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:47:ILE:HG13	20	0.01
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:47:ILE:HG13	20	0.01
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG11	1:A:47:ILE:HG13	29	0.01
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG12	1:A:47:ILE:HG13	29	0.01
(1,1445)	1:A:44:VAL:HG13	1:A:47:ILE:HG13	29	0.01
(1,1435)	1:A:13:VAL:HG11	1:A:9:LEU:HA	23	0.01
(1,1435)	1:A:13:VAL:HG12	1:A:9:LEU:HA	23	0.01
(1,1435)	1:A:13:VAL:HG13	1:A:9:LEU:HA	23	0.01
(1,1435)	1:A:13:VAL:HG11	1:A:9:LEU:HA	26	0.01
(1,1435)	1:A:13:VAL:HG12	1:A:9:LEU:HA	26	0.01
(1,1435)	1:A:13:VAL:HG13	1:A:9:LEU:HA	26	0.01
(1,1427)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:42:VAL:H	11	0.01
(1,1427)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:42:VAL:H	11	0.01
(1,1427)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:42:VAL:H	11	0.01
(1,1423)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:39:LEU:HG	3	0.01
(1,1423)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:39:LEU:HG	3	0.01
(1,1423)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:39:LEU:HG	3	0.01
(1,1423)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:39:LEU:HG	8	0.01
(1,1423)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:39:LEU:HG	8	0.01
(1,1423)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:39:LEU:HG	8	0.01
(1,1423)	1:A:42:VAL:HG21	1:A:39:LEU:HG	27	0.01
(1,1423)	1:A:42:VAL:HG22	1:A:39:LEU:HG	27	0.01
(1,1423)	1:A:42:VAL:HG23	1:A:39:LEU:HG	27	0.01
(1,1411)	1:A:42:VAL:HG11	1:A:43:GLU:HG3	29	0.01
(1,1411)	1:A:42:VAL:HG12	1:A:43:GLU:HG3	29	0.01
(1,1411)	1:A:42:VAL:HG13	1:A:43:GLU:HG3	29	0.01
(1,1407)	1:A:42:VAL:HA	1:A:44:VAL:H	4	0.01
(1,1407)	1:A:42:VAL:HA	1:A:44:VAL:H	6	0.01
(1,1407)	1:A:42:VAL:HA	1:A:44:VAL:H	8	0.01
(1,1407)	1:A:42:VAL:HA	1:A:44:VAL:H	12	0.01
(1,1407)	1:A:42:VAL:HA	1:A:44:VAL:H	19	0.01
(1,1407)	1:A:42:VAL:HA	1:A:44:VAL:H	20	0.01
(1,1407)	1:A:42:VAL:HA	1:A:44:VAL:H	22	0.01
(1,1402)	1:A:42:VAL:HA	1:A:45:ARG:HB3	24	0.01
(1,1393)	1:A:44:VAL:HA	1:A:48:LEU:HG	3	0.01
(1,1393)	1:A:44:VAL:HA	1:A:48:LEU:HG	24	0.01
(1,1393)	1:A:44:VAL:HA	1:A:48:LEU:HG	27	0.01
(1,1387)	1:A:12:ALA:HB1	1:A:7:ARG:HB2	29	0.01
(1,1387)	1:A:12:ALA:HB2	1:A:7:ARG:HB2	29	0.01
(1,1387)	1:A:12:ALA:HB3	1:A:7:ARG:HB2	29	0.01
(1,1369)	1:A:71:GLU:HG2	1:A:72:MET:H	13	0.01
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:68:LYS:HB2	10	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:68:LYS:HB3	10	0.01
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:68:LYS:HB2	10	0.01
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:68:LYS:HB3	10	0.01
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:68:LYS:HB2	11	0.01
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:68:LYS:HB3	11	0.01
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:68:LYS:HB2	11	0.01
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:68:LYS:HB3	11	0.01
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:68:LYS:HB2	16	0.01
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:68:LYS:HB3	16	0.01
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:68:LYS:HB2	16	0.01
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:68:LYS:HB3	16	0.01
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:68:LYS:HB2	19	0.01
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:68:LYS:HB3	19	0.01
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:68:LYS:HB2	19	0.01
(1,1334)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:68:LYS:HB3	19	0.01
(1,1332)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:69:LEU:H	8	0.01
(1,1332)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:69:LEU:H	8	0.01
(1,1332)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:69:LEU:H	21	0.01
(1,1332)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:69:LEU:H	21	0.01
(1,1332)	1:A:68:LYS:HE2	1:A:69:LEU:H	22	0.01
(1,1332)	1:A:68:LYS:HE3	1:A:69:LEU:H	22	0.01
(1,1328)	1:A:68:LYS:HD2	1:A:65:THR:H	2	0.01
(1,1328)	1:A:68:LYS:HD3	1:A:65:THR:H	2	0.01
(1,1311)	1:A:64:LEU:HA	1:A:68:LYS:HD2	16	0.01
(1,1311)	1:A:64:LEU:HA	1:A:68:LYS:HD3	16	0.01
(1,1308)	1:A:64:LEU:HA	1:A:63:GLN:HE21	10	0.01
(1,1308)	1:A:64:LEU:HA	1:A:63:GLN:HE21	21	0.01
(1,1308)	1:A:64:LEU:HA	1:A:63:GLN:HE21	24	0.01
(1,1308)	1:A:64:LEU:HA	1:A:63:GLN:HE21	26	0.01
(1,1302)	1:A:64:LEU:HB3	1:A:31:LEU:HB3	14	0.01
(1,1302)	1:A:64:LEU:HB3	1:A:31:LEU:HB3	27	0.01
(1,1274)	1:A:62:ARG:HA	1:A:63:GLN:HE22	2	0.01
(1,1267)	1:A:61:VAL:HG21	1:A:60:GLU:HB3	8	0.01
(1,1267)	1:A:61:VAL:HG22	1:A:60:GLU:HB3	8	0.01
(1,1267)	1:A:61:VAL:HG23	1:A:60:GLU:HB3	8	0.01
(1,1267)	1:A:61:VAL:HG21	1:A:60:GLU:HB3	27	0.01
(1,1267)	1:A:61:VAL:HG22	1:A:60:GLU:HB3	27	0.01
(1,1267)	1:A:61:VAL:HG23	1:A:60:GLU:HB3	27	0.01
(1,1260)	1:A:61:VAL:HG11	1:A:41:GLY:HA2	8	0.01
(1,1260)	1:A:61:VAL:HG12	1:A:41:GLY:HA2	8	0.01
(1,1260)	1:A:61:VAL:HG13	1:A:41:GLY:HA2	8	0.01
(1,1252)	1:A:61:VAL:HA	1:A:63:GLN:HE22	6	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1252)	1:A:61:VAL:HA	1:A:63:GLN:HE22	10	0.01
(1,1252)	1:A:61:VAL:HA	1:A:63:GLN:HE22	13	0.01
(1,1252)	1:A:61:VAL:HA	1:A:63:GLN:HE22	21	0.01
(1,1252)	1:A:61:VAL:HA	1:A:63:GLN:HE22	26	0.01
(1,1252)	1:A:61:VAL:HA	1:A:63:GLN:HE22	28	0.01
(1,1248)	1:A:61:VAL:HA	1:A:62:ARG:HB3	11	0.01
(1,1239)	1:A:60:GLU:HB3	1:A:56:LEU:HB2	17	0.01
(1,1239)	1:A:60:GLU:HB3	1:A:56:LEU:HB2	21	0.01
(1,1239)	1:A:60:GLU:HB3	1:A:56:LEU:HB2	27	0.01
(1,1222)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:63:GLN:HE22	21	0.01
(1,1222)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:63:GLN:HE22	21	0.01
(1,1222)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:63:GLN:HE22	21	0.01
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:57:PRO:HB3	13	0.01
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:57:PRO:HB3	13	0.01
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:57:PRO:HB3	13	0.01
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:57:PRO:HB3	27	0.01
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:57:PRO:HB3	27	0.01
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:57:PRO:HB3	27	0.01
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:57:PRO:HB3	29	0.01
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:57:PRO:HB3	29	0.01
(1,1221)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:57:PRO:HB3	29	0.01
(1,1220)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:62:ARG:HD2	17	0.01
(1,1220)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:62:ARG:HD2	17	0.01
(1,1220)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:62:ARG:HD2	17	0.01
(1,1219)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:59:ARG:HD2	19	0.01
(1,1219)	1:A:58:ILE:HG21	1:A:59:ARG:HD3	19	0.01
(1,1219)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:59:ARG:HD2	19	0.01
(1,1219)	1:A:58:ILE:HG22	1:A:59:ARG:HD3	19	0.01
(1,1219)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:59:ARG:HD2	19	0.01
(1,1219)	1:A:58:ILE:HG23	1:A:59:ARG:HD3	19	0.01
(1,1203)	1:A:56:LEU:HD21	1:A:54:LEU:HA	14	0.01
(1,1203)	1:A:56:LEU:HD22	1:A:54:LEU:HA	14	0.01
(1,1203)	1:A:56:LEU:HD23	1:A:54:LEU:HA	14	0.01
(1,1184)	1:A:56:LEU:HB3	1:A:57:PRO:HG3	29	0.01
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HB2	3	0.01
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HG2	3	0.01
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HB2	17	0.01
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HG2	17	0.01
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HB2	20	0.01
(1,1183)	1:A:56:LEU:HB2	1:A:57:PRO:HG2	20	0.01
(1,1172)	1:A:55:VAL:HA	1:A:57:PRO:HG3	15	0.01
(1,1172)	1:A:55:VAL:HA	1:A:57:PRO:HG3	25	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1172)	1:A:55:VAL:HA	1:A:57:PRO:HG3	30	0.01
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD21	3	0.01
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD22	3	0.01
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD23	3	0.01
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD21	10	0.01
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD22	10	0.01
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD23	10	0.01
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD21	13	0.01
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD22	13	0.01
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD23	13	0.01
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD21	18	0.01
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD22	18	0.01
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD23	18	0.01
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD21	19	0.01
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD22	19	0.01
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD23	19	0.01
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD21	27	0.01
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD22	27	0.01
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD23	27	0.01
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD21	28	0.01
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD22	28	0.01
(1,1168)	1:A:54:LEU:HG	1:A:56:LEU:HD23	28	0.01
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD11	1:A:51:GLU:HB2	17	0.01
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD12	1:A:51:GLU:HB2	17	0.01
(1,1163)	1:A:54:LEU:HD13	1:A:51:GLU:HB2	17	0.01
(1,1162)	1:A:54:LEU:HD11	1:A:52:HIS:HB2	1	0.01
(1,1162)	1:A:54:LEU:HD12	1:A:52:HIS:HB2	1	0.01
(1,1162)	1:A:54:LEU:HD13	1:A:52:HIS:HB2	1	0.01
(1,1161)	1:A:54:LEU:HD11	1:A:52:HIS:HB3	3	0.01
(1,1161)	1:A:54:LEU:HD12	1:A:52:HIS:HB3	3	0.01
(1,1161)	1:A:54:LEU:HD13	1:A:52:HIS:HB3	3	0.01
(1,1161)	1:A:54:LEU:HD11	1:A:52:HIS:HB3	6	0.01
(1,1161)	1:A:54:LEU:HD12	1:A:52:HIS:HB3	6	0.01
(1,1161)	1:A:54:LEU:HD13	1:A:52:HIS:HB3	6	0.01
(1,1161)	1:A:54:LEU:HD11	1:A:52:HIS:HB3	7	0.01
(1,1161)	1:A:54:LEU:HD12	1:A:52:HIS:HB3	7	0.01
(1,1161)	1:A:54:LEU:HD13	1:A:52:HIS:HB3	7	0.01
(1,1161)	1:A:54:LEU:HD11	1:A:52:HIS:HB3	10	0.01
(1,1161)	1:A:54:LEU:HD12	1:A:52:HIS:HB3	10	0.01
(1,1161)	1:A:54:LEU:HD13	1:A:52:HIS:HB3	10	0.01
(1,1161)	1:A:54:LEU:HD11	1:A:52:HIS:HB3	11	0.01
(1,1161)	1:A:54:LEU:HD12	1:A:52:HIS:HB3	11	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1161)	1:A:54:LEU:HD13	1:A:52:HIS:HB3	11	0.01
(1,1161)	1:A:54:LEU:HD11	1:A:52:HIS:HB3	28	0.01
(1,1161)	1:A:54:LEU:HD12	1:A:52:HIS:HB3	28	0.01
(1,1161)	1:A:54:LEU:HD13	1:A:52:HIS:HB3	28	0.01
(1,1161)	1:A:54:LEU:HD11	1:A:52:HIS:HB3	30	0.01
(1,1161)	1:A:54:LEU:HD12	1:A:52:HIS:HB3	30	0.01
(1,1161)	1:A:54:LEU:HD13	1:A:52:HIS:HB3	30	0.01
(1,1158)	1:A:54:LEU:HB3	1:A:48:LEU:HB3	2	0.01
(1,1147)	1:A:54:LEU:HB2	1:A:48:LEU:HB3	7	0.01
(1,1147)	1:A:54:LEU:HB2	1:A:48:LEU:HB3	9	0.01
(1,1147)	1:A:54:LEU:HB2	1:A:48:LEU:HB3	25	0.01
(1,111)	1:A:55:VAL:HG21	1:A:49:GLU:HG3	9	0.01
(1,111)	1:A:55:VAL:HG22	1:A:49:GLU:HG3	9	0.01
(1,111)	1:A:55:VAL:HG23	1:A:49:GLU:HG3	9	0.01
(1,1108)	1:A:48:LEU:HA	1:A:52:HIS:HB3	9	0.01
(1,1108)	1:A:48:LEU:HA	1:A:52:HIS:HB3	12	0.01
(1,1108)	1:A:48:LEU:HA	1:A:52:HIS:HB3	23	0.01
(1,1103)	1:A:40:MET:HG3	1:A:40:MET:H	19	0.01
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD21	1:A:42:VAL:H	10	0.01
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD22	1:A:42:VAL:H	10	0.01
(1,1095)	1:A:39:LEU:HD23	1:A:42:VAL:H	10	0.01
(1,1071)	1:A:36:LEU:HG	1:A:38:SER:H	11	0.01
(1,1071)	1:A:36:LEU:HG	1:A:38:SER:H	15	0.01
(1,1071)	1:A:36:LEU:HG	1:A:38:SER:H	17	0.01
(1,1064)	1:A:36:LEU:HD21	1:A:42:VAL:H	3	0.01
(1,1064)	1:A:36:LEU:HD22	1:A:42:VAL:H	3	0.01
(1,1064)	1:A:36:LEU:HD23	1:A:42:VAL:H	3	0.01
(1,1061)	1:A:36:LEU:HD21	1:A:38:SER:H	1	0.01
(1,1061)	1:A:36:LEU:HD22	1:A:38:SER:H	1	0.01
(1,1061)	1:A:36:LEU:HD23	1:A:38:SER:H	1	0.01
(1,1056)	1:A:36:LEU:HD21	1:A:62:ARG:HA	10	0.01
(1,1056)	1:A:36:LEU:HD22	1:A:62:ARG:HA	10	0.01
(1,1056)	1:A:36:LEU:HD23	1:A:62:ARG:HA	10	0.01
(1,1056)	1:A:36:LEU:HD21	1:A:62:ARG:HA	12	0.01
(1,1056)	1:A:36:LEU:HD22	1:A:62:ARG:HA	12	0.01
(1,1056)	1:A:36:LEU:HD23	1:A:62:ARG:HA	12	0.01
(1,1052)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:41:GLY:HA2	11	0.01
(1,1052)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:41:GLY:HA2	11	0.01
(1,1052)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:41:GLY:HA2	11	0.01
(1,1052)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:41:GLY:HA2	18	0.01
(1,1052)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:41:GLY:HA2	18	0.01
(1,1052)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:41:GLY:HA2	18	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG21	6	0.01
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG22	6	0.01
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG23	6	0.01
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG21	6	0.01
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG22	6	0.01
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG23	6	0.01
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG21	6	0.01
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG22	6	0.01
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG23	6	0.01
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG21	11	0.01
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG22	11	0.01
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG23	11	0.01
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG21	11	0.01
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG22	11	0.01
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG23	11	0.01
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG21	11	0.01
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG22	11	0.01
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG23	11	0.01
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG21	17	0.01
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG22	17	0.01
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD11	1:A:44:VAL:HG23	17	0.01
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG21	17	0.01
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG22	17	0.01
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD12	1:A:44:VAL:HG23	17	0.01
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG21	17	0.01
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG22	17	0.01
(1,1050)	1:A:36:LEU:HD13	1:A:44:VAL:HG23	17	0.01
(1,1047)	1:A:36:LEU:HD21	1:A:44:VAL:HG21	26	0.01
(1,1047)	1:A:36:LEU:HD21	1:A:44:VAL:HG22	26	0.01
(1,1047)	1:A:36:LEU:HD21	1:A:44:VAL:HG23	26	0.01
(1,1047)	1:A:36:LEU:HD22	1:A:44:VAL:HG21	26	0.01
(1,1047)	1:A:36:LEU:HD22	1:A:44:VAL:HG22	26	0.01
(1,1047)	1:A:36:LEU:HD22	1:A:44:VAL:HG23	26	0.01
(1,1047)	1:A:36:LEU:HD23	1:A:44:VAL:HG21	26	0.01
(1,1047)	1:A:36:LEU:HD23	1:A:44:VAL:HG22	26	0.01
(1,1047)	1:A:36:LEU:HD23	1:A:44:VAL:HG23	26	0.01
(1,1037)	1:A:36:LEU:HB3	1:A:40:MET:HA	7	0.01
(1,1037)	1:A:36:LEU:HB3	1:A:40:MET:HA	23	0.01
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:H	2	0.01
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:H	2	0.01
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:H	2	0.01
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:H	7	0.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model	Violation (Å)
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:H	7	0.01
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:H	7	0.01
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:H	8	0.01
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:H	8	0.01
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:H	8	0.01
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:H	11	0.01
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:H	11	0.01
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:H	11	0.01
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:H	18	0.01
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:H	18	0.01
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:H	18	0.01
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD21	1:A:33:ASP:H	22	0.01
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD22	1:A:33:ASP:H	22	0.01
(1,1028)	1:A:34:LEU:HD23	1:A:33:ASP:H	22	0.01
(1,1009)	1:A:34:LEU:HD11	1:A:29:SER:HB2	8	0.01
(1,1009)	1:A:34:LEU:HD12	1:A:29:SER:HB2	8	0.01
(1,1009)	1:A:34:LEU:HD13	1:A:29:SER:HB2	8	0.01
(1,1009)	1:A:34:LEU:HD11	1:A:29:SER:HB2	11	0.01
(1,1009)	1:A:34:LEU:HD12	1:A:29:SER:HB2	11	0.01
(1,1009)	1:A:34:LEU:HD13	1:A:29:SER:HB2	11	0.01
(1,1009)	1:A:34:LEU:HD11	1:A:29:SER:HB2	15	0.01
(1,1009)	1:A:34:LEU:HD12	1:A:29:SER:HB2	15	0.01
(1,1009)	1:A:34:LEU:HD13	1:A:29:SER:HB2	15	0.01
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD11	1:A:31:LEU:HA	10	0.01
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD12	1:A:31:LEU:HA	10	0.01
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD13	1:A:31:LEU:HA	10	0.01
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD11	1:A:31:LEU:HA	15	0.01
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD12	1:A:31:LEU:HA	15	0.01
(1,1008)	1:A:34:LEU:HD13	1:A:31:LEU:HA	15	0.01
(1,1005)	1:A:33:ASP:HB3	1:A:30:SER:H	2	0.01
(1,1005)	1:A:33:ASP:HB3	1:A:30:SER:H	3	0.01
(1,1000)	1:A:33:ASP:HB2	1:A:35:GLY:H	7	0.01

9 Dihedral angle restraints analysis

No dihedral angle restraints found