AS - TP 4 Réseaux convolutifs (1D)

Nicolas Baskiotis - Benjamin Piwowarski 2019-2020

Introduction (brève, cf cours)

Un réseau convolutif (CNN pour "Convolutional Neural Network") est un type d'architectures essentiellement utilisé pour la classification séquences (1D), d'images (2D) ou, en général, de données présentant des symétries. Dans les cas les plus standards, ces symétries font que la façon d'étudier un individu est invariant par rapport à une translation. Par exemple, détecter une bouche dans une image ne dépend pas de la position de cette bouche dans l'image; pour le texte, détecter que l'on parle d'un animal roux ne dépend pas non plus de la position de cet extrait dans le texte.

Dans la suite de ce TP, nous allons faire des expériences avec des CNN en 1D pour classifier des séquences mais le principe de fonctionnement est général.

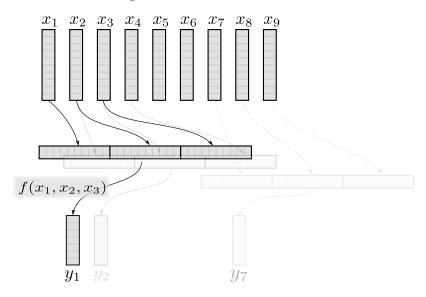


FIGURE 1 – Une convolution 1D (avec $f(x_1, x_2, x_3) = (x_1 \oplus x_2 \oplus x_3)A + b$) ou un opérateur de pooling (ex. pour le max-pooling : $f(x_1, x_2, x_3) = (\max_{i=1...3} x_{i1}, \ldots, \max_{i=1...3} x_{id})$)

En 1D (figure ??), la convolution peut être vu comme une transformation linéaire qui porte sur kernel_size=3 éléments de la séquence (3 dans la figure) répétée en se déplaçant de stride=1 éléments à chaque fois.

Chaque transformation linéaire transforme un vecteur de taille kernel_size × in_channels en un vecteur de taille out_channels où in_channels est la dimension des données en entrée, et out_channels la dimension en sortie. Cette dimension en sortie peut être vu comme le nombre de filtres sur des séquences de

taille kernel_size. Dans ce TP, vous utiliserez le module torch.nn.Conv1d de PyTorch qui implémente ces convolutions de manière efficace.

Une autre couche commune dans les CNNs correspond à un opérateur de *pooling*. Son fonctionnement est similaire à l'opérateur de convolution en tout point sauf sur la fonction utilisée pour transformer. Pour le pooling, il s'agit d'une agrégation qui est effectuée au niveau de chaque composante des vecteurs d'entrée; par exemple, le *max-pooling* renvoie le maximum (torch.nn.MaxPool1d).

L'interaction entre l'opérateur de convolution et de max-pooling est la suivante :

- 1. La convolution permet de détecter un ensemble de motifs (par exemple, "un bon film", "très bon film" ou bien "un film déplorable") sur des séquences courtes (ici 3 mots);
- 2. Le max-pooling permet résumer l'information capturée par les filtres sur une sous-séquence de taille plus grande. Par exemple, un max-pooling de taille 5 et de stride 2 va résumer les détections pour les sous-séquences (y_1, \ldots, y_7) , puis (y_3, \ldots, y_9) , etc.

Il est ensuite possible de répéter ces opérations un certain nombre de fois, afin de détecter des motifs de taille et complexité croissante. Par exemple, on peut détecter "j' ai beaucoup"/"j' ai énormément"/"ai pas beaucoup" et "ce film"/"cet acteur" (4 filtres) sur la première couche de convolution. La seconde couche de convolution va combiner les informations pour détecter un jugement sur un film ou un acteur.

La dernière couche est généralement un maximum global (sur chaque composante de sortie), suivie d'un classifieur linéaire.

Préparation des données et sous-mots

Le pré-traitement des textes repose sur une étape de segmentation où le texte est découpé en unités linguistiques. Pendant longtemps le niveau choisi était le mot (= chaîne alphanumérique entourée d'espace); depuis quelques années, des alternatives ont été (ré)explorées avec les nouveaux modèles neuronaux.

Une des segmentations les plus efficaces à l'heure actuelle est le découpage en n-grammes variables (subword units) popularisé par le Byte-Pair Encoding (BPE) en 2016. Ces segmentations ont l'avantage d'avoir un vocabulaire fixe qui couvre au mieux le jeu de données, et permet d'éviter le problème des mots inconnus.

Par exemple, "You should got David Carr of Third Day to do it" sera segmenté en "_You", "_should", "a", "_got", "_D", "av", "id", "_C", "ar", "r", "_of", "_Th", "ir", "d", "_Day", "_to", "_do", "_it" où les séquences fréquentes (ex. You, should) sont extraites directement alors que des séquences moins fréquentes (ex. David, Carr) sont segmentées en plusieurs parties.

Afin de vous faciliter la tâche, vous pourrez charger les donnés pré-traitées directement sur le site avec un vocabulaire de 1000 tokens. Vous pourrez par la suite essayer de changer cet hyper-paramètre.

Exo 2 : Détection de sentiments

Les données utilisées proviennent de Sentiment 140. Les classes sont 0 = negative, 2 = neutral, 4 = positive (convertis en 0, 1 et 2 dans les données pré-traitées).

Après avoir inspecté le type de données, vous proposerez des architectures convolutives que vous comparerez au niveau du taux de bonne classification; vous aurez pris soin de mesurer la performance d'un algorithme trivial qui renvoie systématiquement la classe majoritaire et rapporterez la performance relative à ce modèle.

Exo 3 : Étude du comportement d'un CNN

Afin d'étudier ce que fait le CNN, nous allons nous intéresser à la dernière couche avant le maximum global; plus particulièrement, nous allons chercher les sous-séquences (dans le jeu de *train*) qui activent le plus chaque filtre de sortie.

Exemple Pour cela, il faut tout d'abord déterminer à quelle position (dans le texte) correspond chaque sortie. Par exemple, si on considère une convolution avec une taille de noyau 3 et un stride de 1, alors la 1ème sortie correspondra au texte entre les positions 1 et 3, la 2ème à celui entre les positions 2 et 4, etc. Si on ajoute un max-pooling (noyau de taille 2, stride 2), alors la 1ère sortie correspond au texte entre les positions 1 et 5, la 2ème aux positions 3 et 7, etc.

Formule de récurrence Il faut maintenant généraliser. Pour cela, nous allons considér que chaque opération est définie seulement par la taille du noyau w (kernel width) et le déplacement s (stride), et nous intéresser à deux valeurs qui caractérisent l'ensemble des transformations : (1) la longueur des entrées correspondant à une sortie l, et (2) le déplacement m dans les entrées correspondant à un déplacement unitaire dans les sorties. Donner la formule de récurrence qui permet, étant donné l_i , m_i de déterminer l_{i+1} et m_{i+1} sachant w_{i+1} et s_{i+1} .

Sous-séquences saillantes Une fois ce calcul fait, donnez la formule qui étant donné la position j de sortie, permet de déterminer les indices correspondant dans la séquence d'entrée. Finalement, parcourez les données du jeu de train, et trouvez les sous-séquences qui activent le plus chaque caractéristique de sortie.