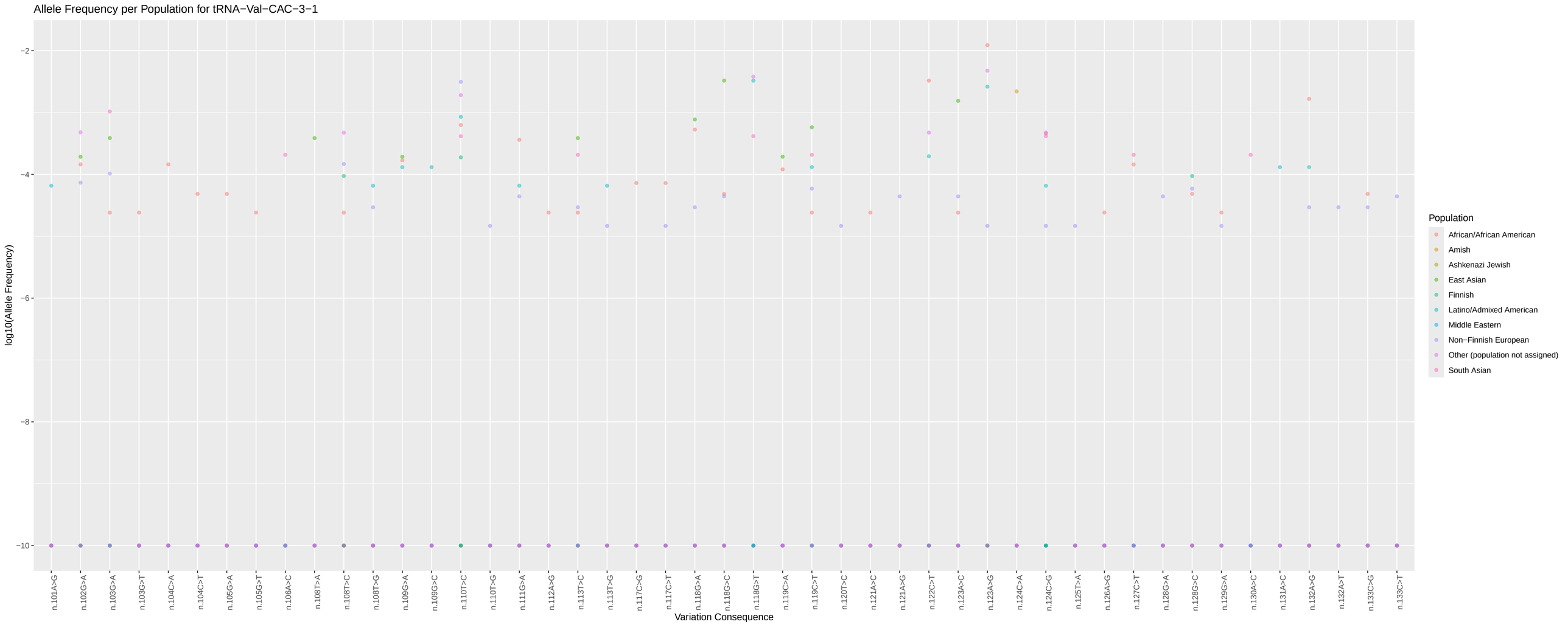
Allele Frequency per Population for tRNA−Val−CAC−3−1
log10(Allele Frequency)
−2
−4
−6
−8
−10
n.101A>G
n.102G>A
n.103G>A
n.103G>T
n.104C>A
n.104C>T
n.105G>A
n.105G>T
n.106A>C
n.108T>A
n.108T>C
n.108T>G
n.109G>A
n.109G>C
n.110T>C
n.110T>G
n.111G>A
n.112A>G
n.113T>C
n.113T>G
n.117C>G
n.117C>T
n.118G>A
n.118G>C
n.118G>T
n.119C>A
n.119C>T
n.120T>C
n.121A>C
n.121A>G
n.122C>T
n.123A>C
n.123A>G
n.124C>A
n.124C>G
n.125T>A
n.126A>G
n.127C>T
n.128G>A
n.128G>C
n.129G>A
n.130A>C
n.131A>C
n.132A>G
n.132A>T
n.133C>G
n.133C>T
Variation Consequence
Population
African/African American
Amish
Ashkenazi Jewish
East Asian
Finnish
Latino/Admixed American
Middle Eastern
Non−Finnish European
Other (population not assigned)
South Asian