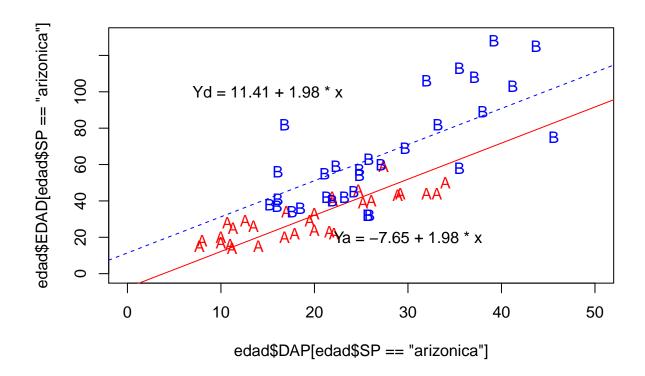
Clase 6.R

Usuario

2019-08-09

```
#NGAO
#Clase 6
#la clase es una mezcla entre regresion y analisis de varianza
library(repmis)
## Registered S3 method overwritten by 'R.oo':
    throw.default R.methodsS3
##
edad <- source_data("https://www.dropbox.com/s/nxoijhgmutuho0s/datos_control_Rascon.csv?dl=1")
## Downloading data from: https://www.dropbox.com/s/nxoijhgmutuho0s/datos_control_Rascon.csv?dl=1
## SHA-1 hash of the downloaded data file is:
## 5db2352e6fda9922f4feda0950294d01ac4f7861
head(edad)
    arbol DAP EDAD
                           SP
## 1
       1 27.4 59 arizonica
## 2
        2 19.5 29 arizonica
## 3
       3 20.0 24 arizonica
        4 22.0 40 arizonica
## 4
## 5
        5 34.0 50 arizonica
## 6
        6 33.1 44 arizonica
str(edad)
## 'data.frame': 60 obs. of 4 variables:
## $ arbol: int 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 ...
## $ DAP : num 27.4 19.5 20 22 34 33.1 32 10 14 11 ...
## $ EDAD : int 59 29 24 40 50 44 44 17 15 16 ...
## $ SP : chr "arizonica" "arizonica" "arizonica" "arizonica" ...
#str, de que tipo de variables estan compuestos los datos
#Identificar columna SP como factor
edad$SP <- factor(edad$SP)</pre>
str(edad)
## 'data.frame':
                   60 obs. of 4 variables:
## $ arbol: int 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 ...
## $ DAP : num 27.4 19.5 20 22 34 33.1 32 10 14 11 ...
## $ EDAD : int 59 29 24 40 50 44 44 17 15 16 ...
## $ SP
         : Factor w/ 2 levels "arizonica", "durangensis": 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 ...
# Separar por factores -----
ariz <- subset(edad, SP == "arizonica")</pre>
```

```
ariz.lm <- lm(ariz$EDAD ~ ariz$DAP)</pre>
summary(ariz.lm)
##
## Call:
## lm(formula = ariz$EDAD ~ ariz$DAP)
## Residuals:
       \mathtt{Min}
                1Q Median
                                   3Q
                                           Max
## -12.3601 -4.5512 0.1622 4.3527 17.6786
##
## Coefficients:
              Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
##
## (Intercept) 5.3330
                           3.3199
                                  1.606 0.119
                                   8.229 5.89e-09 ***
## ariz$DAP
                1.3134
                           0.1596
## ---
## Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
## Residual standard error: 6.752 on 28 degrees of freedom
## Multiple R-squared: 0.7075, Adjusted R-squared: 0.697
## F-statistic: 67.72 on 1 and 28 DF, p-value: 5.888e-09
dura <- subset(edad, SP == "durangensis")</pre>
# Regresion 2 factores -----
cov.edad <- lm(edad$EDAD ~ edad$DAP + edad$SP)</pre>
summary(cov.edad)
##
## Call:
## lm(formula = edad$EDAD ~ edad$DAP + edad$SP)
## Residuals:
              1Q Median
                               3Q
## -30.844 -8.515 -1.731 7.473 38.741
## Coefficients:
##
                     Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
                     -7.6573 5.2903 -1.447
## (Intercept)
                                                   0.153
## edad$DAP
                       1.9861
                                  0.2342
                                          8.480 1.10e-11 ***
## edad$SPdurangensis 19.0629
                                  4.2942
                                          4.439 4.19e-05 ***
## ---
## Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
##
## Residual standard error: 15.03 on 57 degrees of freedom
## Multiple R-squared: 0.7269, Adjusted R-squared: 0.7174
## F-statistic: 75.87 on 2 and 57 DF, p-value: < 2.2e-16
plot(edad$DAP[edad$SP == "arizonica"], edad$EDAD[edad$SP == "arizonica"],
    col= "red", pch = "A", xlim=c(0,50), ylim=c(0,130))
abline(cov.edad$coefficients[1], cov.edad$coefficients[2], col="red")
```



#Ho no existen diferencias significativas entre las lineas de regresion
#H1 existen diferencias significativas entre las lineas de regresion

#se acepta la H1 es decir que existen diferencias significativas para las
#lineas de regresion entre ambas especies