

Clase_0.R

Usuario

2019-08-08

```
#Nallely Aguirre
#05/08/2019
#Clase 0

# pasos básicos -----

2+2

## [1] 4
a <- 2

a * a

## [1] 4
a + 5

## [1] 7

# importar datos -----

diametro <- c(12, 8.6, 9.2, 7.7, 12.9, 11.7, 9.7, 14.2,
             11.8, 14.3, 12.5)

diametro

## [1] 12.0  8.6  9.2  7.7 12.9 11.7  9.7 14.2 11.8 14.3 12.5
#Medidas de tendencia central

mean(diametro)

## [1] 11.32727

median(diametro)

## [1] 11.8
#Medidas de dispersión

sd(diametro)

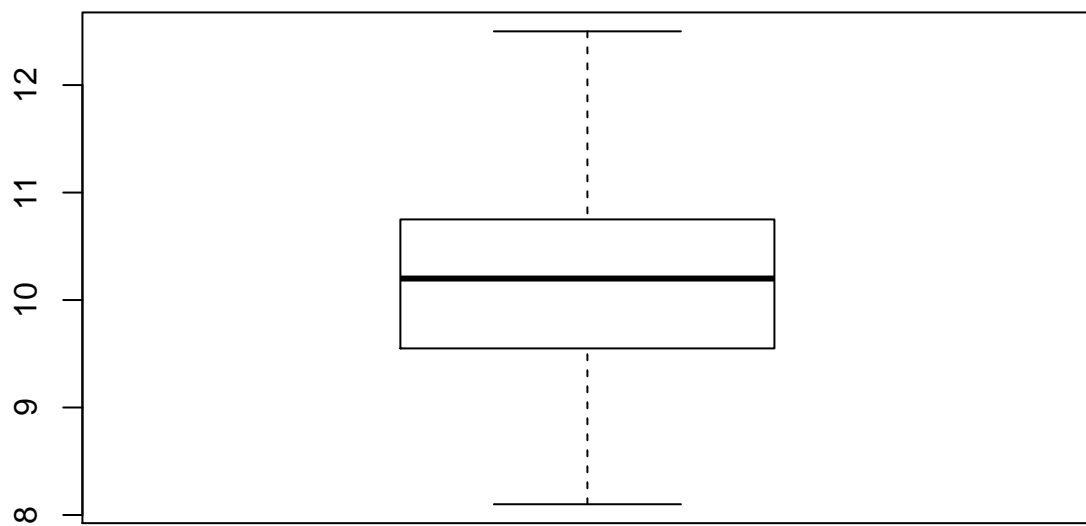
## [1] 2.22535

var(diametro)

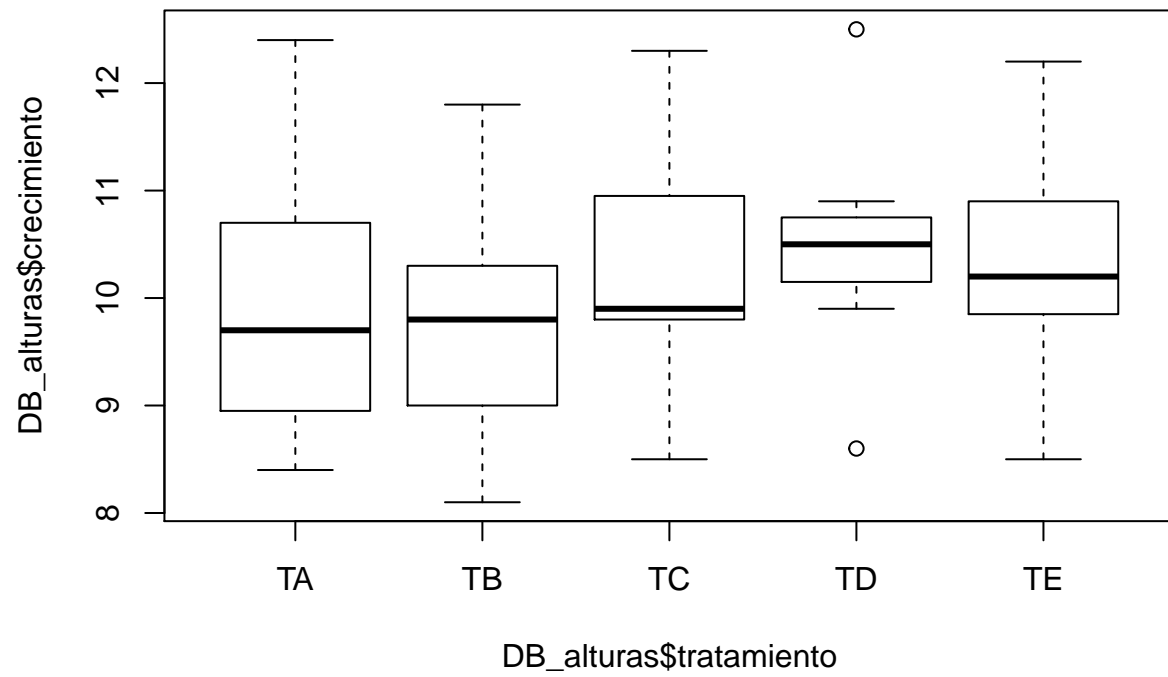
## [1] 4.952182

# Importar datos -----

DB_alturas <- read.csv("C:/MCF202-2019/MCF202/Datos/alturas.csv")
boxplot(DB_alturas$crecimiento)
```

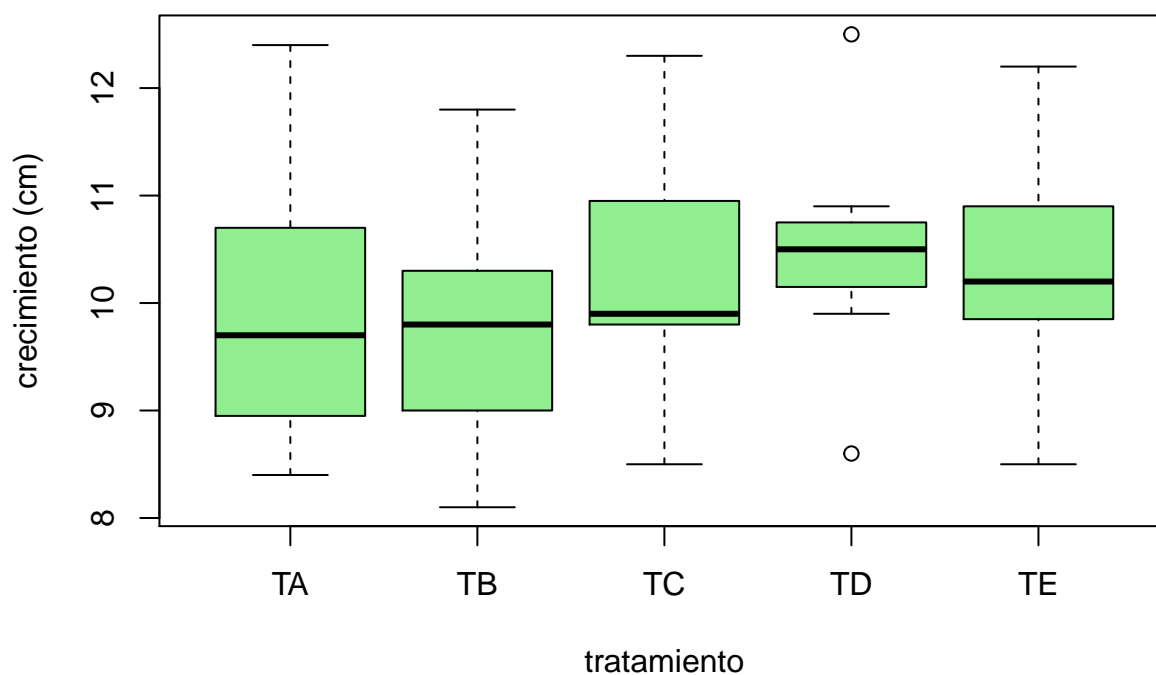


```
boxplot(DB_alturas$crecimiento ~ DB_alturas$tratamiento)
```



```
boxplot(DB_alturas$crecimiento ~ DB_alturas$tratamiento,
        col="lightgreen",
        xlab= "tratamiento",
        ylab = "crecimiento (cm)",
        main = "efectos del fertilizante")
```

efectos del fertilizante



```
mean(DB_alturas$crecimiento)
```

```
## [1] 10.17429
```

```
# Restricciones -----
```

```
sum(DB_alturas$crecimiento < mean(DB_alturas$crecimiento))
```

```
## [1] 17
```

```
TratA <- DB_alturas[!(DB_alturas$tratamiento == "TA"),]
```

```
mean(TratA$crecimiento)
```

```
## [1] 10.225
```

```
# Submuestra -----
```

```
T.mean <- subset(DB_alturas, crecimiento >= mean(DB_alturas$crecimiento))
```

```
boxplot(T.mean$crecimiento ~ T.mean$tratamiento)
```

