# «Подготовка данных для публикации в Глобальной информационной системе о биоразнообразии GBIF»

10 октября 2020 г., Екатеринбург

## Лекция 3. Таксономический справочник GBIF Backbone

#### Иван Чадин

Институт биологии Коми научного центра Уральского отделения Российской академии наук

# Видовые названия – базовый идентификатор для данных о биологическом разнообразии

**DAOPA CCCP** 

Секция 10. Sesbanella Bge. Astrag. geront. I (1868) 4. — Многолетники, с длиниыми ст., опушенные простыми волосками; прлет. свободные, травянистые; л. непарноперистые, с увядающими чрш. Цв. в рыхлых кистях, расположенных на пазушных цветоносах; чшч. колокольчатая; дл. длинее ф. и равна крл.; стлб. над рац. бороздчатый. Бобы на длинной ножке, удлиненные, черепичатые, вздутые, на спинке глубоко борозд-

чатые, полудвугнездные. Западная Тибетско-Гималайская секция с 1 видом в Ср. Азии. 17. A. badachschanicus Boriss. in Fl. Tadzhik. V (1937) 654.—

А. бадахшанский. 2. Ст. 10-30 (40) см да., извилистые, частично распростертые б. м. густо и отгопыренно беловолосистые; праст. травянистые, широкоокругаме, 2-3 (4) мм дл., с обенх сторон коротко волосистые; л. 1-2.5 см дл. без явственного чош. и с волосистой осью; лч. 8—13-парные, сближенные, обратнояйцевидные, 3-5 мм дл., ок. 2 мм шир., тупые и вмемчатые, сверху почти голые, снизу седовато-волосистые. Цветоносы 3—4 см дл., б. м. пушистые; кисти короткие, рыхлые, 4—8-цветковые; прицв. ланцетные, ок. 1.5 мм дл., по краю ресничатые; цвн. ок. 2 мм дл., слегка коротко беловолосистые; чшч. (колокольчатая) 4—5 мм дл., рыхло и коротко беловолосистая, зубцы ее яйцевидно-ланцетные, в 3-4 раза короче трубки; вн. красный; ф. ок. 11 мм да., пас. его округавя, ок. 7—8 мм шир.; ноготок 2—3 мм дл.; крл. 12—13 мм дл., пле. их ланцетные, островатые, ок. 1.5 мм шир., в 3 раза даиннее ноготка; ад. равна кра., плс. ее округло-горбатая, почти треугольная, коротко заостренная, в 2-2.5 раза данинее ноготка; зв. на ножке ок. 4 мм да.; стаб. под рац. бородчатий. Бобы на ножке, вдвое превышающей чич., серповидные, ок. 20 мм дл., ок. 3 мм шир., к обоим концам суженные, вздутые, на брюшке килеватые, на спинке глубокобороздчатые, перепончатые, рассеяню, мелко и оттопыренно беловолосистые, почти двугнездные. Цв. VI;

По долинам гориых рек, нередко на галечниках.—Ср. Азия: Пам.-Ал. (басс. верхи. Пянджа). Эндем. Описан из окрести. перев. Ямг. Тип в Ленинграде.

Секция 11. Севавтим Косh, Syn. Fl. Germ. (1843) 199. — Многолетники, с развитыми ст., опущенные простыми белыми и черными, реже только белыми, волосками; праст. листовидиме, свободные, редко друг с другом сросшиеся; л. непариоперистые с увядающими чрш. Цв. желтые или беловатые, в рыхлых кистях, расположенных на б. м. длинных цветоносах, поникающие; чшч. трубчато-колокольчатая; крл. короче ф. и длинее лд. Бобы повисающие, на длинной тонкой ножке, тонкоперспончатые,



Объяснение к табл. П

#### Примеры иных базовых идентификаторов: серии и номера документов

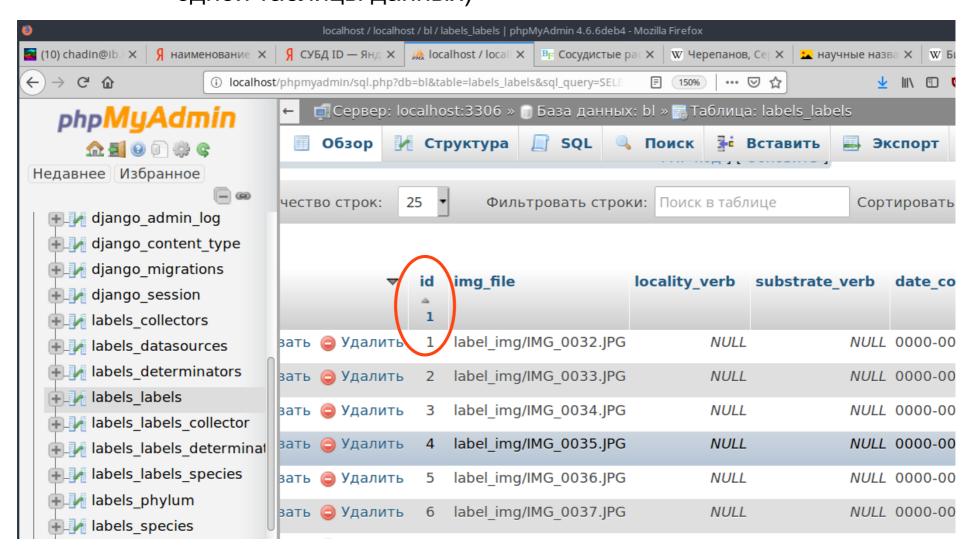
мужской



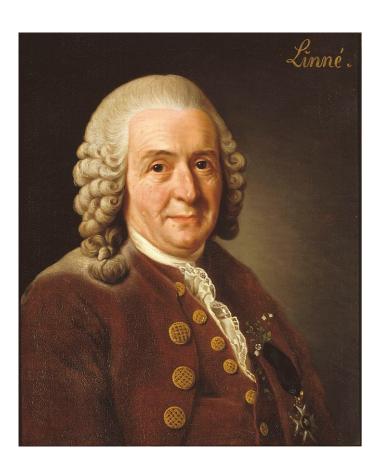
10 ЯНВАРЯ 2011 ГОДА

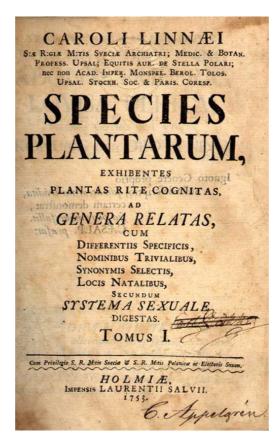


# Примеры иных базовых идентификаторов: ключевые поля в базах данных (как правило, это целое число, уникальное в пределах одной таблицы данных)



# Биномиа́льная номенклатура — компромис между краткостью названия и хранением описания вида в его названиии





SYSTEMA
NATURE

REGNA TRIA NATURE,

SECUNDUM
CLASSES, ORDINES,
GENERA, SPECIES,
CUM
CHARACTERIBUS, DIFFERENTIIS.
STNONTMIS, LOGIS.

TOMUS I.

EDITIO DECIMA, REFORMATA.

Cum Privilegie Sia Ria Milis Svecia.

HOLMIE,

IMPENSIS DIRECT. LAURENTII SALVII, 1758.

CAROLI LINNÆI

Equitis De Stella Polari,

ARCHIATRI REGII, MED. & BOTAN. PROFESS. UPSAL.;

ACAD. UPSAL. HOLMENS. PETROPOL. BEROL. IMPER.

LOND. MONSPEL. TOLOS. FLORENT. SOC.

Карл Линней 1707-1778

1753

1758

### Биологическая номенклатура. Проблемы

#### Синонимия

Номенклатурные требования



Новые таксономические гипотезы

### Биологическая номенклатура. Проблемы

#### Различное написание одного имени

Опечатки, ошибки Сознательный выбор

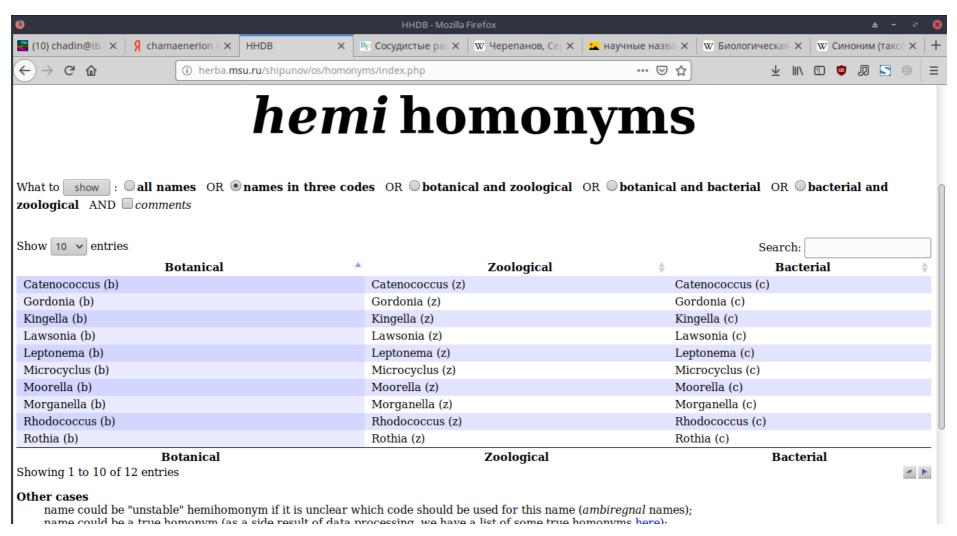
Chamaenerion angustifolium (L.) Scop. Helix aspersa Müller 1774

Chameneryon angustipholium (L.) Scop. Helix aspersa O. F. Müller 1774

### Биологическая номенклатура. Проблемы

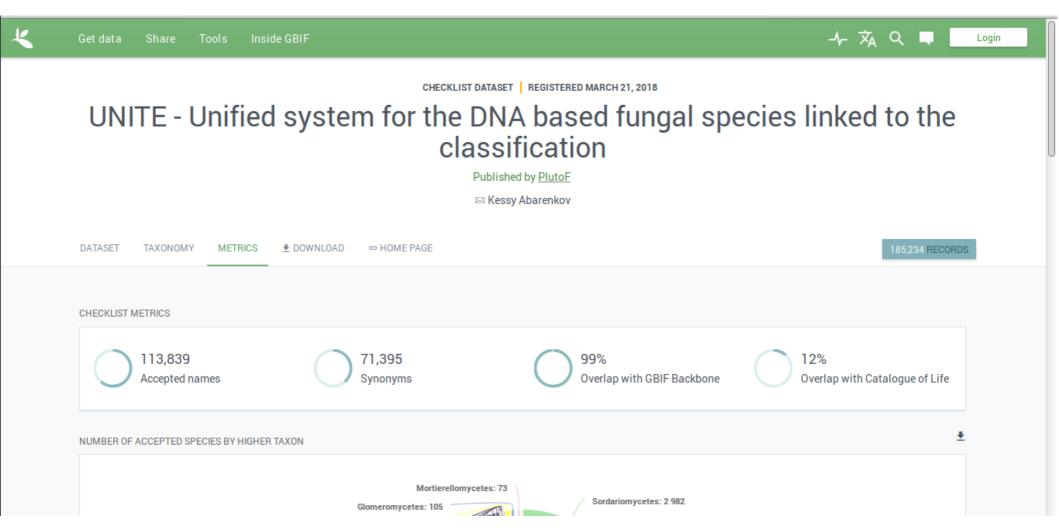
#### Омонимия

1000 общих видовых названий для растений и животных



### Теоретические проблемы концепции вида

#### ДНК-виды



https://www.gbif.org/dataset/61a5f178-b5fb-4484-b6d8-9b129739e59d/metrics

### Теоретические проблемы концепции вида

#### ДНК-виды



Communication and identification of DNA based fungal species

Run Analysis

Search Pages

Resources

Statistics

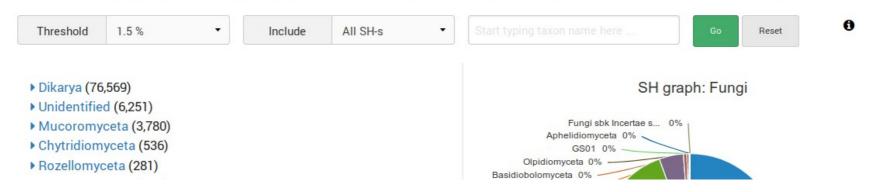
Notes and News

Workbench

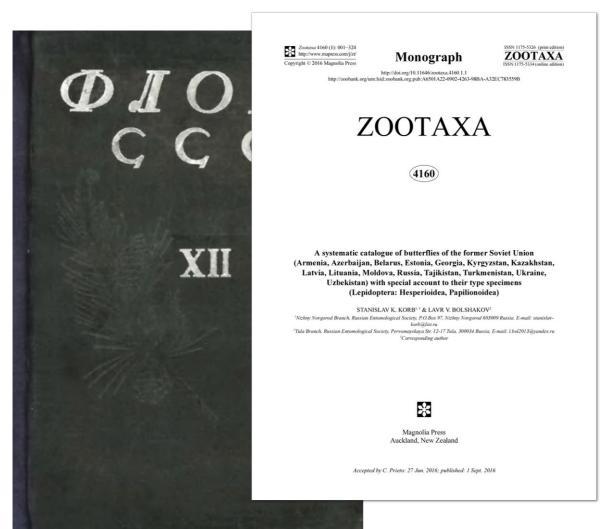


Current version: 8.0; Last updated: 2018-12-08 (read more)

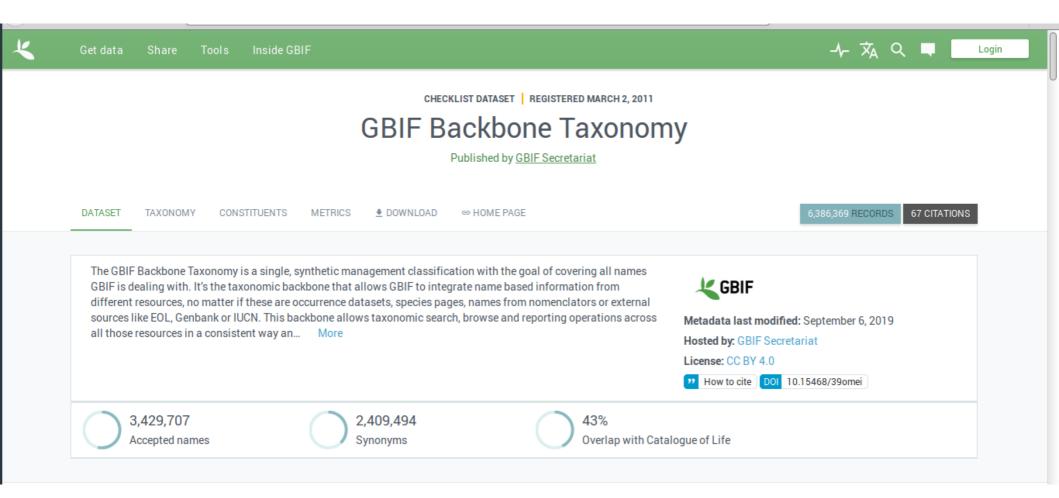
Number of ITS sequences (UNITE+INSD): 817 130; Number of UNITE fungal Species Hypotheses with DOIs at 1.5% threshold: 87 551 (more statistics)



# Основа для выбора корректных названий — монографические сводки (checklists)









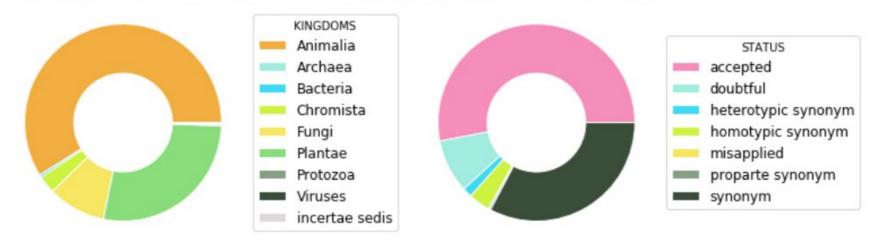
https://www.gbif.org/news/2UfGq1L6iXbSu0ElamvVIH/gbif-introduces-new-version-of-the-backbone-taxonomy

#### What is the GBIF Backbone taxonomy?

The Backbone taxonomy is actually a GBIF dataset. But not just any dataset, it is probably the most important dataset for GBIF. On its page, it is defined as

a single synthetic management classification with the goal of covering all names GBIF is dealing with.

The newest version (September 2019) contains 6,586,578 names. Most of these names are animals. Plus, a large part of these names are actually synonyms (see pie charts below).



If you are interested, I suggest that you browse our web interface or check out the Species API

https://data-blog.gbif.org/post/gbif-backbone-taxonomy/

#### Why does GBIF need a backbone?

The backbone is needed to organize the data available on GBIF. Without it, we wouldn't be able to do any taxonomic search and it would be difficult to generate consistent statistics and maps.

As you can imagine, not everyone uses the same classifications or names. This results in considerable variations in higher taxa and a large number of synonyms. The backbone aims to bring all these names together and organize them.

#### How is the backbone generated?

The backbone is built from other checklists. These include:

- 55 authority checklists,
- a checklist generated from the type specimens shared on GBIF,
- two large sources for stable Operational Taxonomic Units (OTUs): iBOL Barcode Index Numbers and the UNITE Species Hypothesis identifiers,
- and any checklist shared by PLAZI.org on GBIF (currently 27,054 but not all these were available when the backbone was generated).

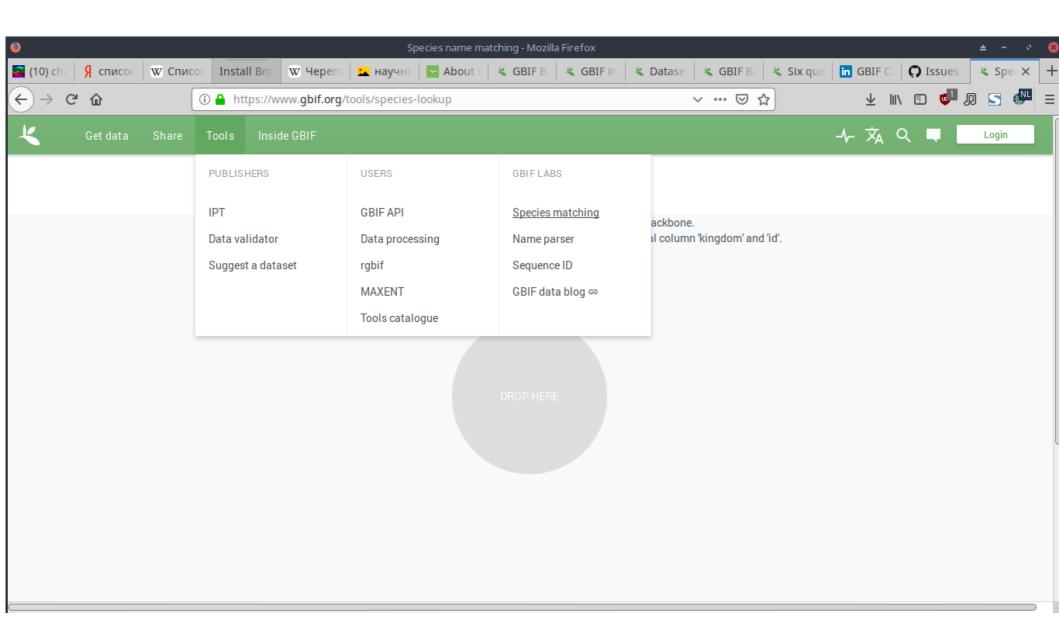
These checklists are ordered by priority starting with the Catalogue of Life. This order is crucial as it shapes the taxonomy.

Note that many sequence-based occurrences have no Latin names but are named using species hypotheses (UNITE: fungi) or Barcode Index Numbers (iBOL: primarly animals). This is why adding these two major sources of stable OTUs to the latest backbone taxonomy significantly improves GBIF's indexing functionality for sequence-based biodiversity data.

Most of the assembly process is automated and the curation happens in the source checklists prior to that. Before reading the rest of my explanation, check out my little illustrated summary (e.g. the

https://data-blog.gbif.org/post/gbif-backbone-taxonomy/

# Проверить свой набор данных до публикации. Species matching https://www.gbif.org/tools/species-lookup



# Результаты проверки. Species matching https://www.gbif.org/tools/species-lookup

Флаг	Значение	Пример
Taxon match fuzzy	Название таксона в вашем наборе данных имеет небольшие отличия от таксона в GBIF	Pelagodes antiquadrarius and Pelagodes antiquadraria
Taxon Match higherrank	Не удалось найти таксон из вашего набора данных в GBIF, но нашелся таксон более высокого ранга	Hylatomus pileatus and Hylatomus
Taxon match none	Нет никаких совпадений	Flagellate

# Что делать, если вы получили «Taxon match none»

Добавьте дополнительные ранги классификации

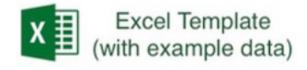
Уберите дополнительные ранги классификации (оставьте только видовое название и название царства)

Создайте свой список видов

Ждите

# Представление таксономической информации в наборе данных





Populate it and upload it to the IPT. Try to augment it with as many DwC terms as you can.

#### Required DwC fields:

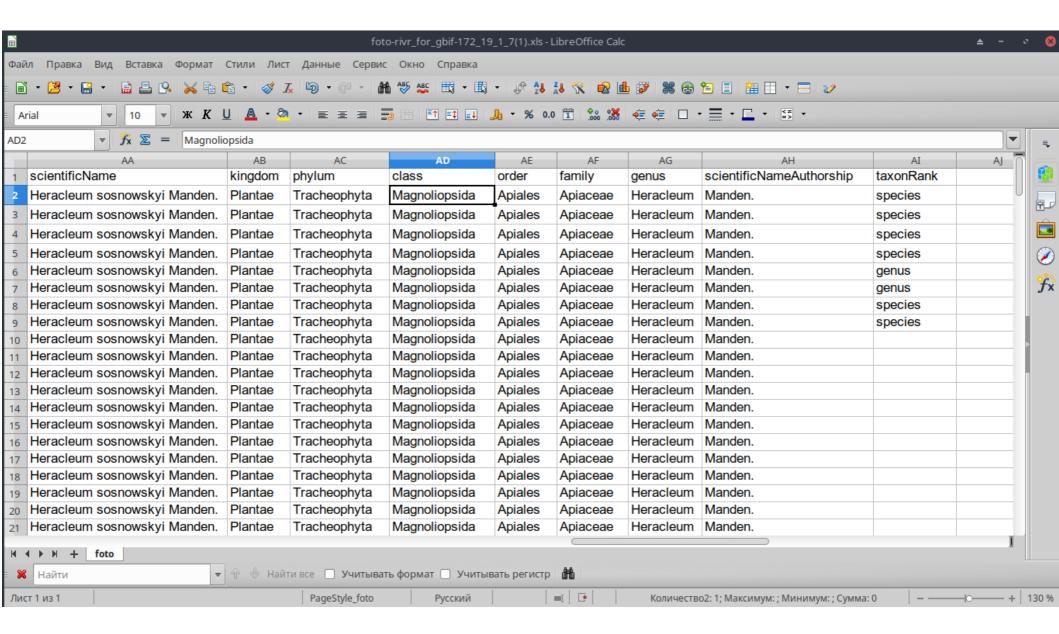
- occurrenceID
- basisOfRecord
- scientificName
- eventDate

#### Recommended DwC fields:

- taxonRank to substantiate scientificName
- kingdom and other higher taxonomy if possible
- decimalLatitude & decimalLongitude & geodeticDatum to provide a specific point location
- countryCode
- individualCount / organismQuantity & organismQuantityType to record the quantity of a species occurrence

https://github.com/gbif/ipt/wiki/occurrenceData#templates

# Представление таксономической информации в наборе данных



#### **Checklist Data**

#### Required DwC fields:

- taxonID
- scientificName
- taxonRank

#### Recommended DwC fields:

- kingdom and other higher taxonomy if possible
- parentNameUsageID in situations where a taxonomy is meant to be published
- acceptedNameUsageID in situations where a taxonomy is meant to be published

https://github.com/gbif/ipt/wiki/checklistData#templates

Демонстрация шаблона в Excel