

Análisis de Supervivencia

Estimación no paramétrica

Sergio M. Nava Muñoz

2025-06-01

Table of contents

1	Estimación no paramétrica	1
1.1	General Data Layout	1
1.2	III. Características Generales de las Curvas de Kaplan-Meier . .	8
1.3	Justificación Matemática de la Fórmula KM	9
1.4	La función de distribución acumulada empírica (FDAE)	10
1.5	Ejemplo en R: FDAE	11
1.6	Estimador de Kaplan-Meier	12
1.7	Ejemplo en R: Kaplan-Meier	13
1.8	Comparación conceptual	14
1.9	Ejemplo: Ensayo clínico con cáncer	14
1.10	Representación gráfica del seguimiento	15
1.11	Programación en R	15
1.12	Conjunto de datos <code>gastricXelox</code> de la biblioteca <code>asaaur</code>	19
1.13	Ejercicio	20
1.14	Comparación entre grupos	22
1.15	Prueba Log-Rank	23
1.16	Modelo de riesgos proporcionales de Cox	23
1.17	Supuestos del modelo de Cox	24
1.18	Actividad práctica guiada	24

1 Estimación no paramétrica

1.1 General Data Layout

Table 1: Esquema General de Datos con Subíndices

No. Indiv.	t	d	X_1	X_2	...	X_p
1	t_1	d_1	X_{11}	X_{12}	...	X_{1p}
2	t_2	d_2	X_{21}	X_{22}	...	X_{2p}

No. Indiv.	t	d	X_1	X_2	...	X_p
...
n	t_n	d_n	X_{n1}	X_{n2}	...	X_{np}

Table 2: Disposición alternativa de los datos ordenados

Tiempos de fallo ordenados $t_{(f)}$	Núm. de fallos m_f	Censurados en $[t_{(f)}, t_{(f+1)}), q_f$	Conjunto de riesgo $R(t_{(f)})$
$t_{(0)}$	m_0	q_0	$R(t_{(0)})$
$t_{(1)}$	m_1	q_1	$R(t_{(1)})$
$t_{(2)}$	m_2	q_2	$R(t_{(2)})$
...
$t_{(k)}$	m_k	q_k	$R(t_{(k)})$

i Disposición alternativa de los datos ordenados

Una disposición alternativa de los datos se muestra a continuación. Esta organización es la base sobre la cual se derivan las curvas de supervivencia de Kaplan-Meier.

- La primera columna de la tabla presenta los tiempos de supervivencia ordenados de menor a mayor.
- La segunda columna muestra el conteo de fallos en cada uno de los tiempos de fallo distintos.
- La tercera columna presenta los conteos de censura, denotados por q_f , correspondientes a las personas censuradas en el intervalo de tiempo que inicia en el tiempo de fallo $t_{(f)}$ y termina justo antes del siguiente tiempo de fallo, $t_{(f+1)}$.
- La última columna muestra el conjunto de riesgo, que representa el grupo de individuos que han sobrevivido al menos hasta el tiempo $t_{(f)}$.

i Ejemplo: Tiempos de remisión (semanas) para dos grupos de pacientes con leucemia

Grupo 1 ($n = 21$) — *Tratamiento*

6, 6, 6, 7, 10,
13, 16, 22, 23,
6⁺, 9⁺, 10⁺, 11⁺,
17⁺, 19⁺, 20⁺,

25⁺, 32⁺, 32⁺,

34⁺, 35⁺

Grupo 2 ($n = 21$) — *Placebo*

1, 1, 2, 2, 3,

4, 4, 5, 5,

8, 8, 8, 8,

11, 11, 12, 13,

15, 17, 22, 23

Nota: el símbolo ⁺ denota observaciones censuradas.

Grupo	# Fallos	# Censurados	Total
Grupo 1	9	12	21
Grupo 2	21	0	21

Estadísticos descriptivos:

- \bar{T}_1 (ignorando censuras): 17.1
- \bar{T}_2 : 8.6

Table 4: Grupo 1 (tratamiento): Tiempos de fallo ordenados

$t_{(f)}$	n_f	m_f	q_f
0	21	0	0
6	21	3	1
7	18	1	1
10	17	1	2
13	15	1	0
16	11	1	3
22	7	1	0
23	2	1	5
>23	—	—	—

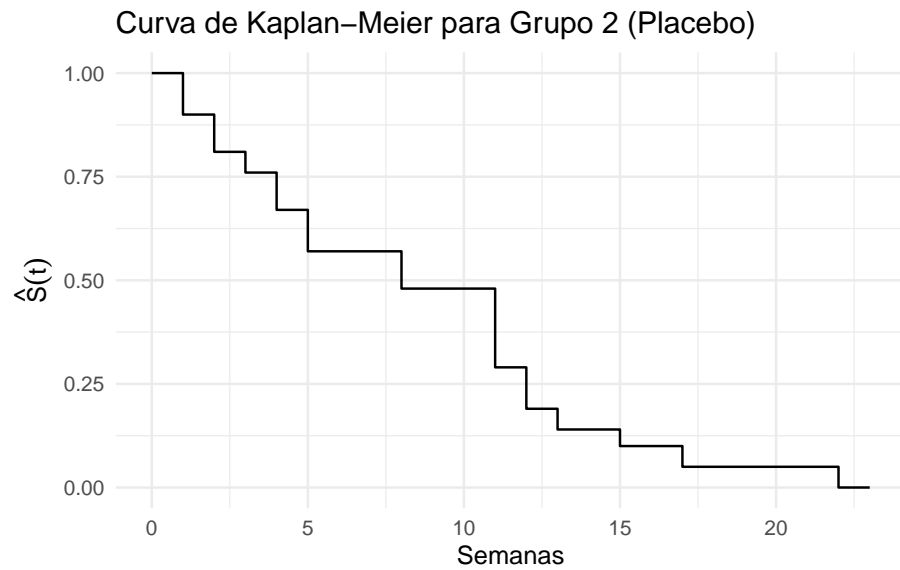
Table 5: Grupo 2 (placebo): Tiempos de fallo ordenados

$t_{(f)}$	n_f	m_f	q_f
0	21	0	0
1	21	2	0
2	19	2	0
3	17	1	0
4	16	2	0
5	14	2	0

$t_{(f)}$	n_f	m_f	q_f
8	12	4	0
11	8	2	0
12	6	2	0
13	4	1	0
15	3	1	0
17	2	1	0
22	1	1	0
23	1	1	0

Table 6: Grupo 2 (placebo): Estimación de la función de supervivencia empírica (Kaplan-Meier)

$t_{(f)}$	n_f	m_f	q_f	$\hat{S}(t_{(f)})$
0	21	0	0	1.00
1	21	2	0	0.90
2	19	2	0	0.81
3	17	1	0	0.76
4	16	2	0	0.67
5	14	2	0	0.57
8	12	4	0	0.48
11	8	2	0	0.29
12	6	2	0	0.19
13	4	1	0	0.14
15	3	1	0	0.10
17	2	1	0	0.05
22	1	1	0	0.00
23	1	1	0	0.00



i Interpretación

- $\hat{S}(t_{(f)}) = \frac{\text{Número de sujetos sobrevivientes después de } t_{(f)}}{21}$
- No hay censura en el Grupo 2.
- Se utilizó el método de Kaplan-Meier para estimar la función de supervivencia.

i Ejemplo: Cálculo de la función de supervivencia empírica

Table 7: Grupo 2 (placebo): Estimación de la función de supervivencia empírica (Kaplan-Meier)

$t_{(f)}$	n_f	m_f	q_f	$\hat{S}(t_{(f)})$
0	21	0	0	1.00
1	21	2	0	0.90
2	19	2	0	0.81
3	17	1	0	0.76
4	16	2	0	0.67
5	14	2	0	0.57
8	12	4	0	0.48
11	8	2	0	0.29

12	6	2	0	0.19
13	4	1	0	0.14
15	3	1	0	0.10
17	2	1	0	0.05
22	1	1	0	0.00
23	1	1	0	0.00

Sea $\hat{S}(4)$ la probabilidad estimada de supervivencia más allá de la semana 4:

$$\hat{S}(4) = 1 \times \frac{19}{21} \times \frac{17}{19} \times \frac{16}{17} \times \frac{14}{16} = \frac{14}{21} = 0.67$$

Esto equivale a:

- $\Pr(T > t_{(0)}) = \frac{21}{21} = 1$
- $\Pr(T > t_{(1)} \mid T \geq t_{(1)}) = \frac{19}{21}$
- $\Pr(T > t_{(2)} \mid T \geq t_{(2)}) = \frac{19}{19}$
- $\Pr(T > t_{(3)} \mid T \geq t_{(3)}) = \frac{16}{17}$
- $\Pr(T > t_{(4)} \mid T \geq t_{(4)}) = \frac{14}{16}$

Donde 16 es el número de individuos en riesgo en la semana 4.

Para $t = 8$:

$$\hat{S}(8) = 1 \times \frac{19}{21} \times \frac{17}{19} \times \frac{16}{17} \times \frac{14}{16} \times \frac{12}{14} \times \frac{8}{12} = \frac{8}{21}$$

Fórmula KM:

$$\hat{S}(t) = \prod_{t_{(j)} \leq t} \left(1 - \frac{d_j}{n_j}\right)$$

donde d_j es el número de eventos (fallos) en $t_{(j)}$ y n_j el número en riesgo.

1.1.1 Tabla (Grupo 1 – Tratamiento)

Table 8: Grupo 1 (tratamiento): estimación inicial de la curva de supervivencia empírica

$t_{(f)}$	n_f	m_f	q_f	$\hat{S}(t_{(f)})$
0	21	0	0	1
6	21	3	1	18/21
.				.
.				.
.				.
.				.

$t_{(f)}$	n_f	m_f	q_f	$\hat{S}(t_{(f)})$
.				.
.				.

Table 9: Grupo 1 (tratamiento): Estimación paso a paso de la función de supervivencia KM

$t_{(f)}$	n_f	m_f	q_f	$\hat{S}(t_{(f)})$
0	21	0	0	1
6	21	3	1	$18/21 = 0.8571$
7	17	1	1	$0.8571 \times 16/17 = 0.8067$
10	15	1	2	$0.8067 \times 14/15 = 0.7529$
13	12	1	1	$0.7529 \times 11/12 = 0.6902$
16	11	1	2	$0.6902 \times 10/11 = 0.6275$
22	7	1	1	$0.6275 \times 6/7 = 0.5378$
23	6	1	1	$0.5378 \times 5/6 = 0.4482$

i Cálculo de otras estimaciones de supervivencia

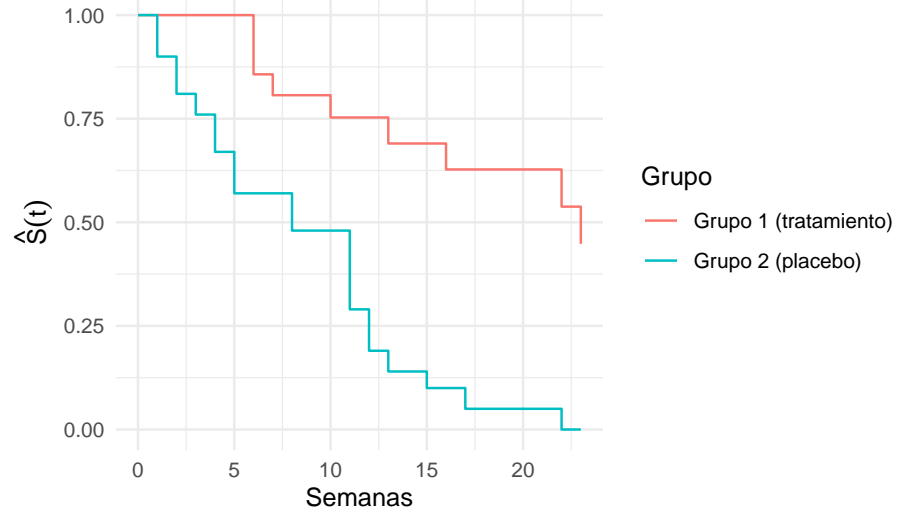
Las demás estimaciones de supervivencia se calculan multiplicando la estimación en el tiempo de fallo inmediatamente anterior por una fracción.

Por ejemplo:

- La fracción es $\frac{18}{21}$ para sobrevivir más allá de la semana 6, porque 21 sujetos permanecen hasta la semana 6 y 3 de ellos no sobreviven más allá de esa semana.
- La fracción es $\frac{16}{17}$ para sobrevivir más allá de la semana 7, ya que 17 personas permanecen hasta la semana 7 y 1 de ellas no sobrevive más allá de esa semana.

Las demás fracciones se calculan de manera similar.

Curvas de Kaplan–Meier para los Grupos de Tratamiento



1.2 III. Características Generales de las Curvas de Kaplan-Meier

1.2.1 Fórmula general de KM

$$\hat{S}(t_{(f)}) = \hat{S}(t_{(f-1)}) \times \Pr(T > t_{(f)} \mid T \geq t_{(f)})$$

1.2.2 Fórmula producto-límite (KM)

$$\hat{S}(t_{(f)}) = \prod_{i=1}^f \Pr(T > t_{(i)} \mid T \geq t_{(i)})$$

1.2.3 Ejemplo

Table 10: Grupo 1 (tratamiento): Estimación paso a paso de la función de supervivencia KM

$t_{(f)}$	n_f	m_f	q_f	$\hat{S}(t_{(f)})$
0	21	0	0	1
6	21	3	1	$18/21 = 0.8571$
7	17	1	1	$0.8571 \times 16/17 = 0.8067$
10	15	1	2	$0.8067 \times 14/15 = 0.7529$
13	12	1	1	$0.7529 \times 11/12 = 0.6902$
16	11	1	2	$0.6902 \times 10/11 = 0.6275$

$t_{(f)}$	n_f	m_f	q_f	$\hat{S}(t_{(f)})$
22	7	1	1	$0.6275 \times 6/7 = 0.5378$
23	6	1	1	$0.5378 \times 5/6 = 0.4482$

1.2.3.1 Para $t = 10$:

$$\hat{S}(10) = 0.8067 \times \frac{14}{15} = 0.7529$$

También se puede expresar como:

$$\hat{S}(10) = \frac{18}{21} \times \frac{16}{17} \times \frac{14}{15}$$

1.2.3.2 Para $t = 16$:

$$\hat{S}(16) = 0.6902 \times \frac{10}{11} = 0.6274$$

O bien:

$$\hat{S}(16) = \frac{18}{21} \times \frac{16}{17} \times \frac{14}{15} \times \frac{11}{12} \times \frac{10}{11}$$

1.3 Justificación Matemática de la Fórmula KM

Sea:

- $A = \{T \geq t_{(f)}\}$
- $B = \{T > t_{(f)}\}$

Entonces:

$$\Pr(A \cap B) = \Pr(B) = \hat{S}(t_{(f)})$$

Dado que no hay fallos en $t_{(f-1)} < T < t_{(f)}$:

$$\Pr(A) = \Pr(T \geq t_{(f-1)}) = \hat{S}(t_{(f-1)})$$

Y por la regla de la probabilidad condicional:

$$\Pr(B \mid A) = \Pr(T > t_{(f)} \mid T \geq t_{(f)})$$

Por lo tanto, usando $\Pr(A \cap B) = \Pr(A) \cdot \Pr(B \mid A)$:

$$\hat{S}(t_{(f)}) = \hat{S}(t_{(f-1)}) \cdot \Pr(T > t_{(f)} \mid T \geq t_{(f)})$$

1.4 La función de distribución acumulada empírica (FDAE)

Dada una muestra de tiempos de falla sin censura:

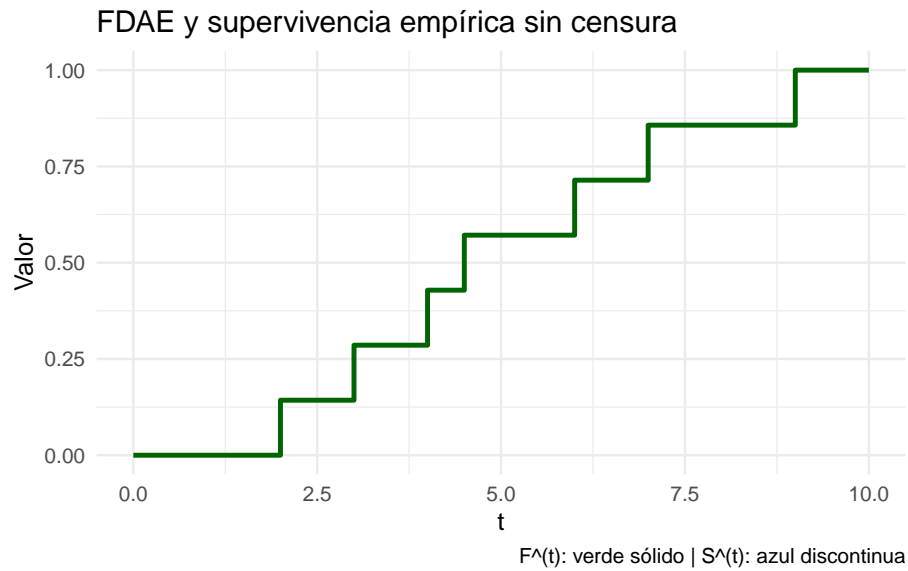
$$\hat{F}(t) = \frac{\#\{T_i \leq t\}}{n}$$

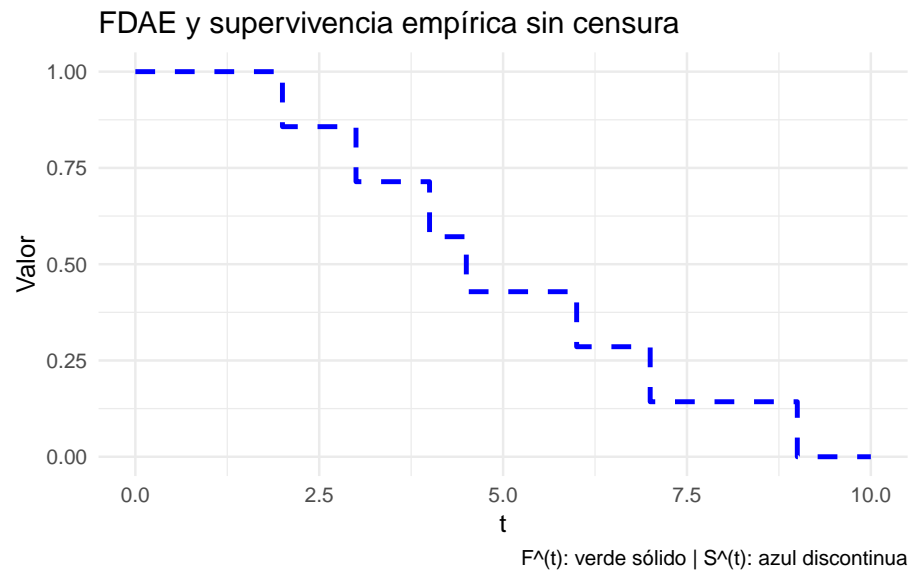
Es un estimador escalonado, que da saltos en cada observación.

La función de supervivencia empírica se define como:

$$\hat{S}(t) = 1 - \hat{F}(t)$$

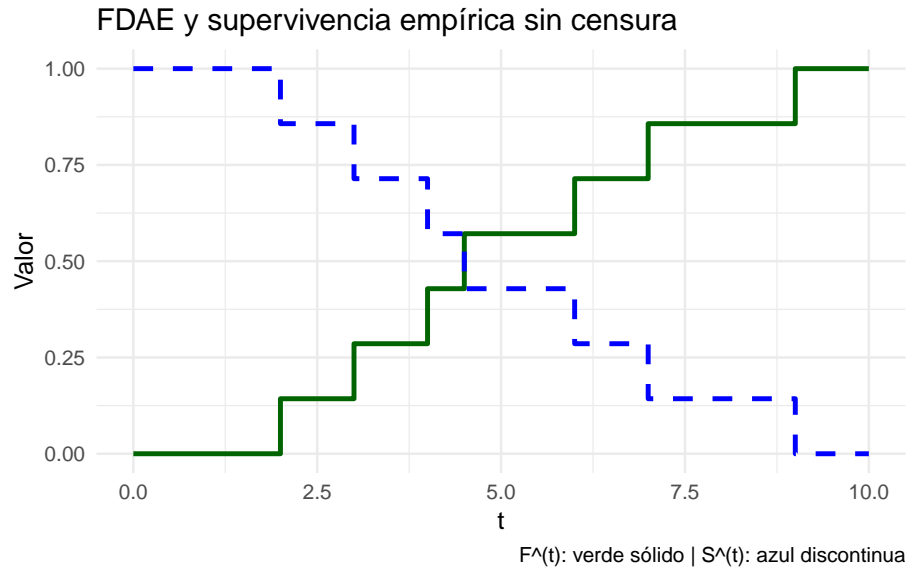
Limitación: no puede manejar adecuadamente datos censurados.





1.5 Ejemplo en R: FDAE

t	F_hat	S_hat
0.0	0.0000000	1.0000000
2.0	0.1428571	0.8571429
3.0	0.2857143	0.7142857
4.0	0.4285714	0.5714286
4.5	0.5714286	0.4285714
6.0	0.7142857	0.2857143
7.0	0.8571429	0.1428571
9.0	1.0000000	0.0000000
10.0	1.0000000	0.0000000



1.6 Estimador de Kaplan-Meier

Cuando hay censura, la FDAE no es válida. Kaplan-Meier estima la función de supervivencia como:

$$\hat{S}(t) = \prod_{t_i \leq t} \left(1 - \frac{d_i}{n_i}\right)$$

donde:

- d_i : número de eventos en el tiempo t_i
- n_i : número de individuos en riesgo justo antes de t_i

Es un estimador escalonado que **ajusta el denominador** cuando hay censura.

Table 12: Comparación entre FDAE, Supervivencia Empírica y Kaplan-Meier

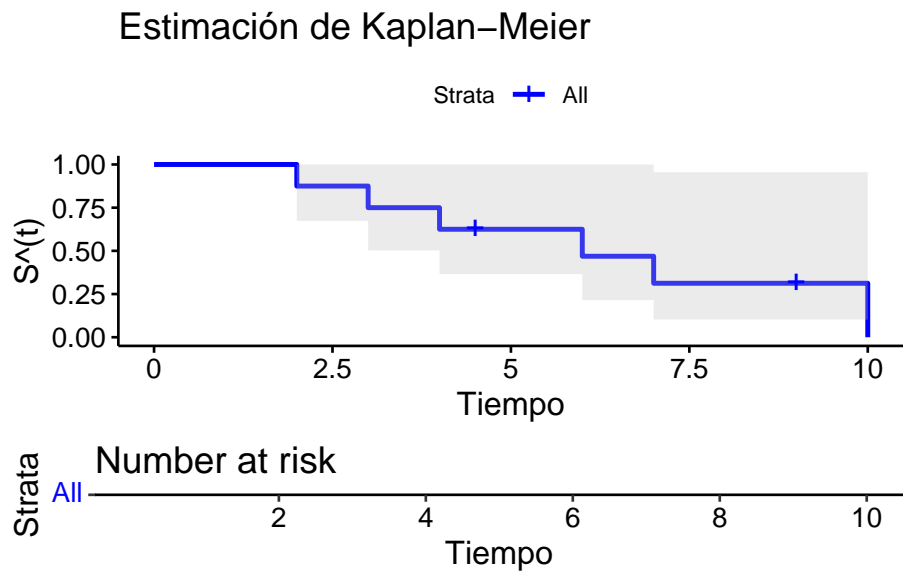
tiempo	status	FDAE	S_empirica	Kaplan_Meier
2.0	1	0.1667	0.8333	0.8750
3.0	1	0.3333	0.6667	0.7500
4.0	1	0.5000	0.5000	0.6250
4.5	0	0.5000	0.5000	0.6250
6.0	1	0.6667	0.3333	0.4688

tiempo	status	FDAE	S_empirica	Kaplan_Meier
7.0	1	0.8333	0.1667	0.3125
9.0	0	0.8333	0.1667	0.3125
10.0	1	1.0000	0.0000	0.0000

1.7 Ejemplo en R: Kaplan-Meier

Table 13: Tabla de tiempos y estatus de censura

ID	tiempo	evento
Ind 1	2.0	1
Ind 2	3.0	1
Ind 3	4.0	1
Ind 4	4.5	0
Ind 5	6.0	1
Ind 6	7.0	1
Ind 7	9.0	0
Ind 8	10.0	1



```
Call: survfit(formula = surv_obj ~ 1, data = datos)

time n.risk n.event survival std.err lower 95% CI upper 95% CI
```

2	8	1	0.875	0.117	0.673	1.000
3	7	1	0.750	0.153	0.503	1.000
4	6	1	0.625	0.171	0.365	1.000
6	4	1	0.469	0.187	0.215	1.000
7	3	1	0.312	0.178	0.102	0.955
10	1	1	0.000	NaN	NA	NA

1.8 Comparación conceptual

Característica	FDAE	Kaplan-Meier
Usa solo eventos		
Maneja censura		
Escalonada		
Basada en conteos simples		(ajusta denominadores)

1.9 Ejemplo: Ensayo clínico con cáncer

paciente	entrada	fin	evento
1	2000	2007	0
2	2000	2006	1
3	2001	2007	0
4	2002	2007	0
5	2002	2004	1
6	2002	2006	1

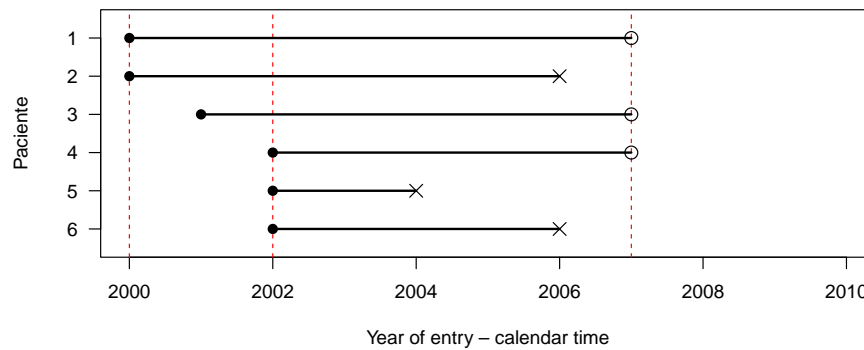


Figure 1: Reclutamiento y seguimiento

1.10 Representación gráfica del seguimiento

Table 16: Ejemplo

paciente	tiempo	status
1	7	0
2	6	1
3	6	0
4	5	0
5	2	1
6	4	1

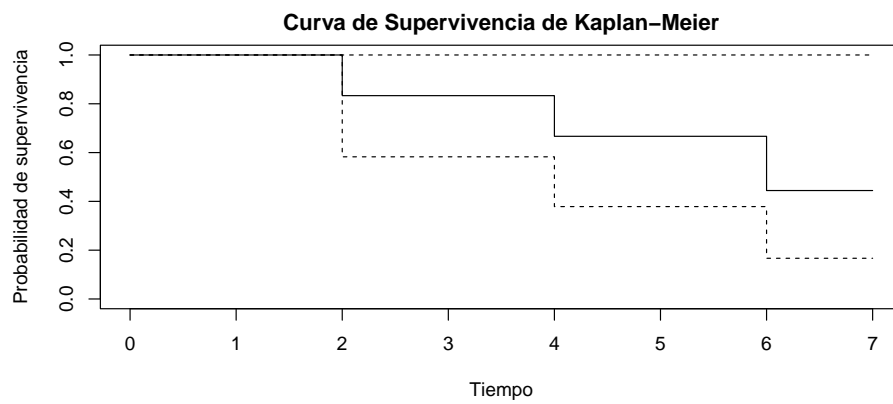
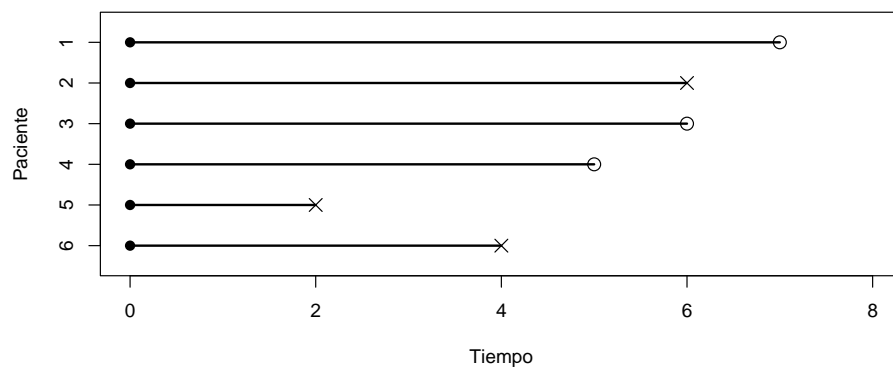
- Círculo abierto = censura
- X = evento (muerte)

1.11 Programación en R

- Librería `survival`:

```
library(survival)
Surv(tiempo, status)
```

- Este objeto puede usarse en:
 - `Surv()` codifica la información de tiempo y censura.
 - `survfit()` ajusta curvas de supervivencia (Kaplan-Meier).



– `coxph()` para modelos de Cox

1.11.1 La función `Surv()` de `survival`

```
library(survival)

# Censura derecha
tiempos <- c(5, 8, 12, 3, 10)
evento <- c(1, 0, 1, 1, 0) # 1 = evento, 0 = censurado

datos <- Surv(tiempos, evento)
datos
```

```
[1] 5 8+ 12 3 10+
```

- Crea un objeto de clase `Surv`.
- Es la base para ajustar modelos de supervivencia.

1.11.2 Visualizando `Surv()` con tipos de censura

```
# Censura izquierda
tiempos <- c(5, 8, 12, 3, 10)
evento <- c(1, 0, 1, 1, 0)
Surv(tiempos, evento, type = "left")
```

```
[1] 5 8- 12 3 10-
```

```
# Censura por intervalo
inferior <- c(2, 6, 7, 5, 1)
superior <- c(4, 6, 9, 6, 3)
evento <- c(3, 0, 3, 0, 3) # 3 = intervalo
Surv(inferior, superior, type = "interval2")
```

```
[1] [2, 4] 6 [7, 9] [5, 6] [1, 3]
```

1.11.3 Ajuste con `survfit()`

```
library(survival)

# Datos con censura derecha
tiempos <- c(5, 8, 12, 3, 10)
evento <- c(1, 0, 1, 1, 0)
datos <- Surv(tiempos, evento)
print(datos)
```

```
[1] 5 8+ 12 3 10+
```

```
modelo <- survfit(datos ~ 1) # sin covariables
summary(modelo)
```

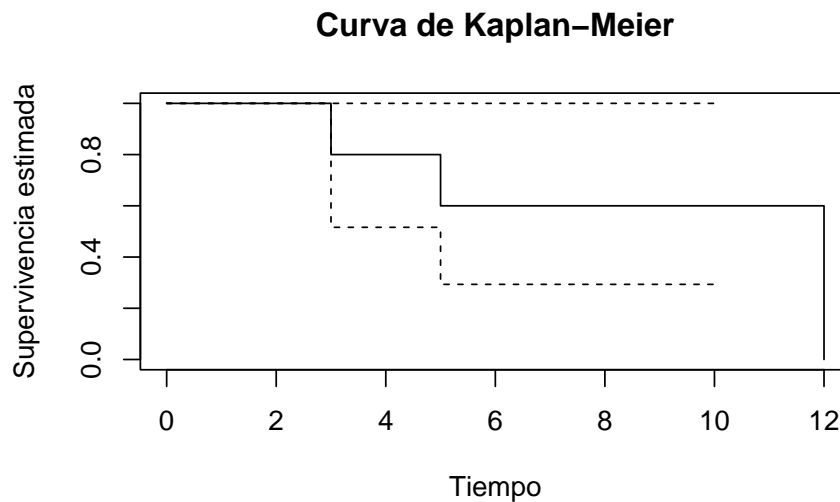
Call: `survfit(formula = datos ~ 1)`

time	n.risk	n.event	survival	std.err	lower 95% CI	upper 95% CI
3	5	1	0.8	0.179	0.516	1
5	4	1	0.6	0.219	0.293	1
12	1	1	0.0	NaN	NA	NA

- `survfit()` ajusta una curva de Kaplan-Meier.

1.11.4 Graficando la curva de supervivencia

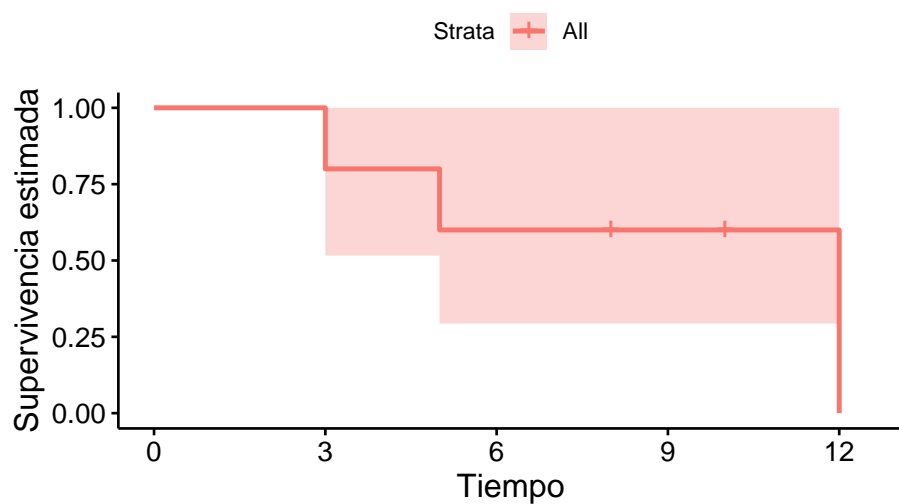
```
plot(modelo, xlab = "Tiempo", ylab = "Supervivencia estimada",
      main = "Curva de Kaplan-Meier")
```



Puedes usar `ggsurvplot()` del paquete `survminer` para una mejor presentación visual.

```
survminer::ggsurvplot(modelo, data=datos, xlab = "Tiempo", ylab = "Supervivencia estimada",
                       title = "Curva de Kaplan-Meier")
```

Curva de Kaplan–Meier



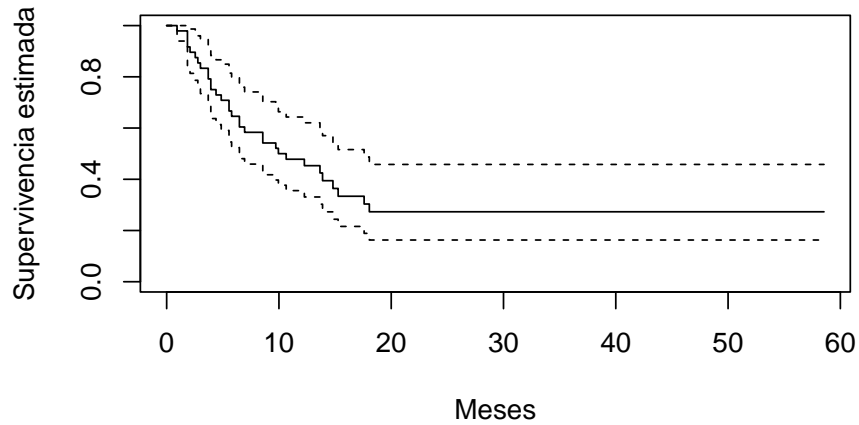
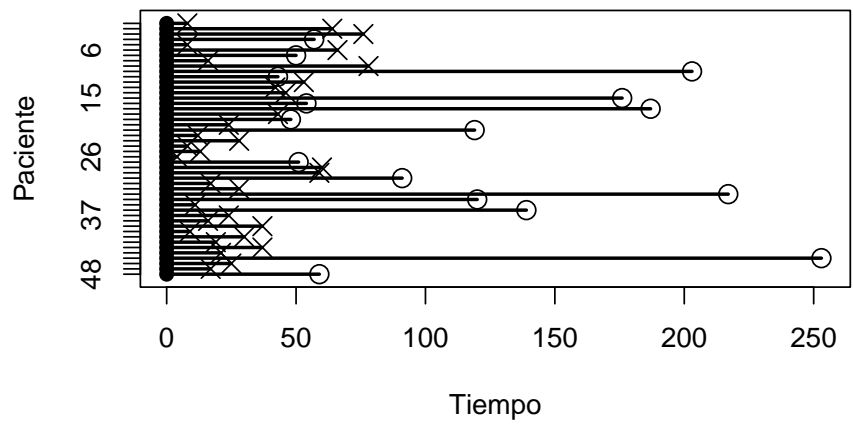
1.12 Conjunto de datos `gastricXelox` de la biblioteca `asauro`

```
library(asauro)
data("gastricXelox")
```

Table 17: Ejemplo

paciente	tiempo	status
1	8	1
2	64	1
3	76	1
4	57	0
5	8	1
6	66	1

- Tiempo: semanas hasta progresión o muerte
- `delta` = 1 si hubo evento, 0 si censurado
- Los datos se desordenaron para este ejemplo

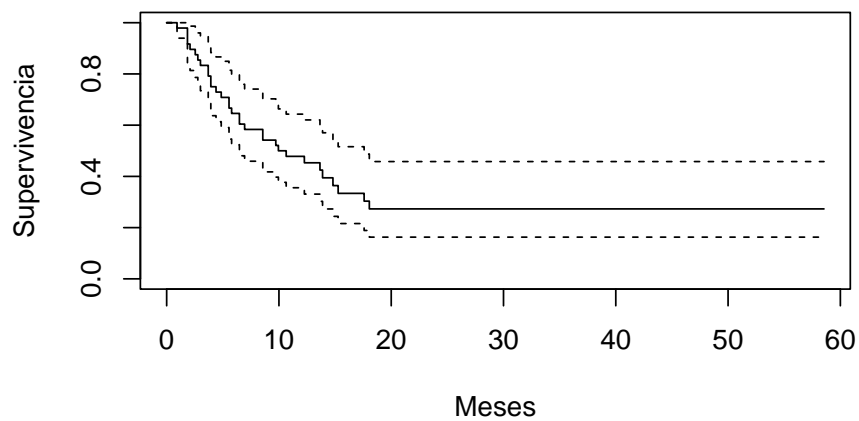


1.13 Ejercicio

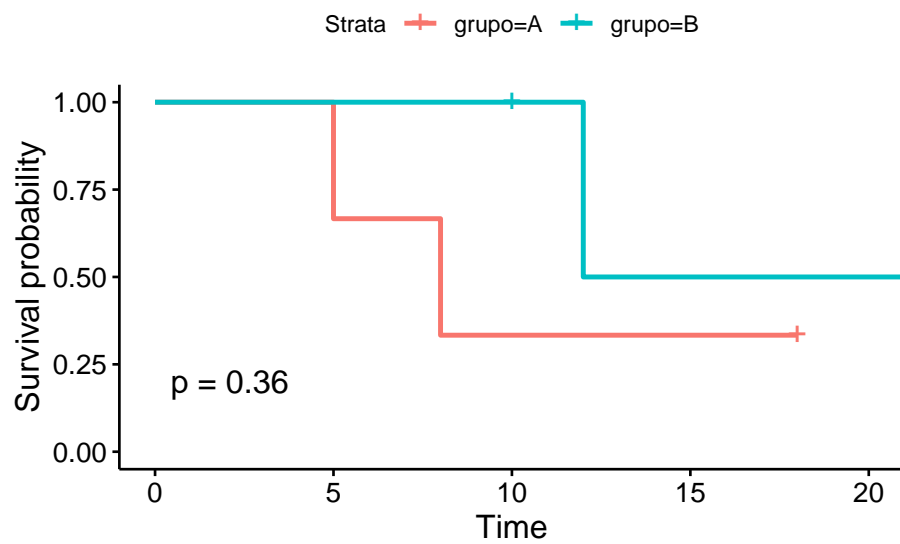
- Usar R para:
 - Estimar la curva de supervivencia de `gastricXelox`
 - Obtener la mediana de supervivencia
 - Graficar con intervalo de confianza

Call: survfit(formula = Surv(timeMonths, delta) ~ 1, data = gastricXelox)

time	n.risk	n.event	survival	std.err	lower 95% CI	upper 95% CI
0.926	48	1	0.979	0.0206	0.940	1.000
1.851	47	3	0.917	0.0399	0.842	0.998
2.083	44	1	0.896	0.0441	0.813	0.987
2.545	43	1	0.875	0.0477	0.786	0.974
2.777	42	1	0.854	0.0509	0.760	0.960
3.008	41	1	0.833	0.0538	0.734	0.946
3.702	40	2	0.792	0.0586	0.685	0.915
3.934	38	2	0.750	0.0625	0.637	0.883
4.397	36	1	0.729	0.0641	0.614	0.866
4.860	35	1	0.708	0.0656	0.591	0.849
5.554	34	2	0.667	0.0680	0.546	0.814
5.785	32	1	0.646	0.0690	0.524	0.796
6.479	31	2	0.604	0.0706	0.481	0.760
6.942	29	1	0.583	0.0712	0.459	0.741
8.562	28	2	0.542	0.0719	0.418	0.703
9.719	26	1	0.521	0.0721	0.397	0.683
9.950	25	1	0.500	0.0722	0.377	0.663
10.645	23	1	0.478	0.0722	0.356	0.643
12.264	19	1	0.453	0.0727	0.331	0.620
13.653	16	1	0.425	0.0735	0.303	0.596
13.884	14	1	0.394	0.0742	0.273	0.570
14.810	13	1	0.364	0.0744	0.244	0.544
15.273	12	1	0.334	0.0742	0.216	0.516
17.587	11	1	0.303	0.0734	0.189	0.487
18.050	10	1	0.273	0.0720	0.163	0.458



1.14 Comparación entre grupos



Note: La p -value corresponde a la prueba log-rank para igualdad de curvas.

1.15 Prueba Log-Rank

Call:

```
survdifff(formula = Surv(tiempo, evento) ~ grupo, data = datos.df)
```

	N	Observed	Expected	(O-E) ² /E	(O-E) ² /V
grupo=A	3	2	1.23	0.477	0.825
grupo=B	3	2	2.77	0.212	0.825

Chisq= 0.8 on 1 degrees of freedom, p= 0.4

Salida típica:

	N	Observed	Expected	(O-E) ² /E	(O-E) ² /V
grupo= A	3	2.0	1.2	0.533	0.60
grupo= B	3	1.0	1.8	0.356	0.60

1.16 Modelo de riesgos proporcionales de Cox

Call:

```
coxph(formula = Surv(tiempo, evento) ~ grupo, data = datos.df)
```

n= 6, number of events= 4

	coef	exp(coef)	se(coef)	z	Pr(> z)
grupoB	-1.073	0.342	1.235	-0.869	0.385

	exp(coef)	exp(-coef)	lower .95	upper .95
grupoB	0.342	2.924	0.03036	3.851

Concordance= 0.727 (se = 0.136)

Likelihood ratio test= 0.81 on 1 df, p=0.4

Wald test = 0.75 on 1 df, p=0.4

Score (logrank) test = 0.83 on 1 df, p=0.4

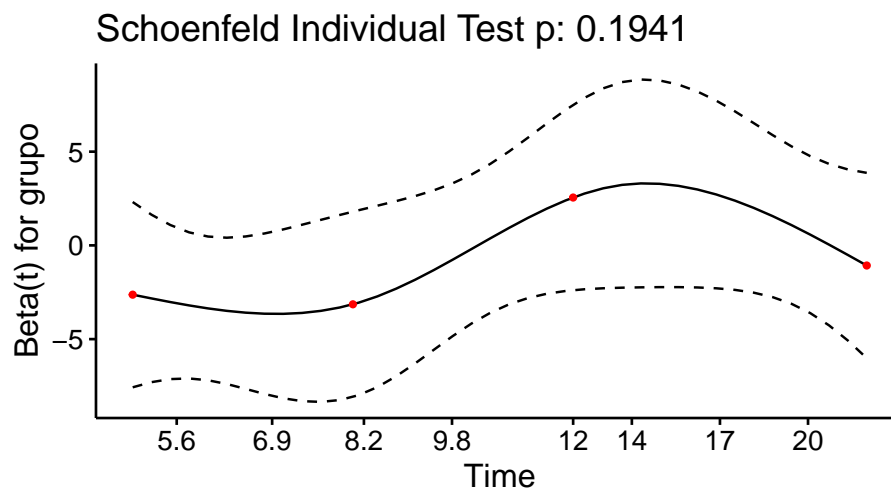
Salida relevante:

	coef	exp(coef)	se(coef)	z	Pr(> z)
grupoB	-0.847	0.429	1.155	-0.733	0.463

Interpretación: - HR = 0.429 indica que grupo B tiene menor riesgo relativo, pero no es significativo.

1.17 Supuestos del modelo de Cox

Global Schoenfeld Test p: 0.1941



Note: El test de `cox.zph()` evalúa el supuesto de proporcionalidad de riesgos.

1.18 Actividad práctica guiada

Datos: `lung` del paquete `survival`.

Pasos:

1. Cargar datos con `data(lung)`
2. Crear objeto `Surv(time, status)`
3. Estimar curvas por `sex`
4. Probar igualdad con log-rank
5. Ajustar modelo de Cox con covariables
6. Evaluar supuestos

Note: Proporcionales la estructura base y pídeles completar la interpretación.