

---

# **Manuel d'utilisation**

PhenoEPO

Application de  
base de données

Réalisé par :  
ROS Yann

Sous la direction de :

THAVAUD Muriel  
ROUMET Pierre  
RANWEZ Vincent

<b>I) Insérer des données</b>	<b>3</b>
Insérer un csv essai	3
Insérer des données sur le traitement des essais	3
Création d'une station	4
Création d'un champ	4
Insertion de stade(s)	4
Création d'un type de traitement	5
Insertion de géotypes	5
Insertion de	5
Insertion de	5
<b>II ) Templates CSV</b>	<b>6</b>
CSV de type essai	6
CSV de type traitement	7
CSV de type stade	7
CSV de type UE	7
CSV de type géotype	7
CSV de type phénotype	8

# I) Insérer des données

## 1. Insérer un csv essai

Afin d'insérer des données sur un ou plusieurs essais, il vous faudra au préalable avoir préparé un csv de type essai (cf : section II) Templates csv page : ). Ensuite, rendez vous sur une page où vous pourrez apercevoir la liste des stations. Tous liens parlant d'insertion d'essai vous amènent directement sur cette dernière. Depuis l'onglet insertion, ou depuis la page d'accueil, puis en sélectionnant insertion d'essais. Vous aurez à choisir la station dans laquelle se situent les données. (NB : si votre station n'est pas dans la base vous pourrez en créer une cf : section création d'une station). De la même manière, vous aurez à choisir le champ correspondant.

Plusieurs cas sont observables :

- Vous n'avez pas de champs dans la base :
  - Si vous n'avez pas connaissance d'un champ dans cette station vous pouvez insérez un essai directement dans la station.
  - Sinon, vous pouvez en créer un en cliquant sur ajouter un champ à la base.(cf : section création d'un champ).
- Vous avez déjà un ou plusieurs champ(s) dans la base :
  - Si le champ désiré existe déjà vous avez juste à le sélectionner.
  - Sinon vous pouvez également en créer un.

Une fois ces étapes terminés, il vous faudra sélectionner le csv dans votre ordinateur via le bouton parcourir. Une fois sélectionné, cliquez sur "envoyer", si votre csv est correctement rempli les données seront enregistrées dans la base.

## 2. Insérer des données sur le traitement des essais

### 3. Insérer des données phénotypiques sur un essai

Avant quelconque insertion sur les traitements, assurez vous d'avoir correctement rempli vos différents csv (cf: section template csv).

Dans cette section plusieurs cas sont observables, nous allons les traiter un à un et il vous suffira de vous rendre dans celui que vous désirez effectuer tout en suivant les instructions.

Cas :

- Vous souhaitez insérer les données sur le traitement juste après avoir inséré un csv de type essai :
  - Cliquer sur "insérer les traitements", une page va s'afficher et va générer plusieurs sections.
  - Dans le csv de type essai, vous avez renseigné plusieurs "références ITK", le nombre de références différentes que vous avez introduites a déterminé le nombre de sections qui se sont affichés.

- Vous devrez, par référence, cliquer sur le bouton parcourir et sélectionner le csv correspondant.
- Vous souhaitez insérer des données sur un essai enregistré au préalable :
  - Il vous faudra retrouver l'essai via la liste des essais (cf: retrouver un essai) et cliquer sur le bouton ajouter des traitements.
  - Une insertion d'un csv de type traitement vous sera demandée.
  - Une fois cette étape validée il vous suffira de cliquer sur envoyer.

Dans les deux cas des vérifications sont effectuées automatiquement, en cliquant sur envoyer, les données seront analysées et plusieurs cas se dessinent :

- Vous avez correctement rempli les csv, les données sont enregistrées.
- Vous avez fait une ou plusieurs erreurs sur les stades (ils n'existent pas dans la base ou ils sont mal écrits), une page va s'afficher vous indiquant pour quels stades il y a une erreur et une insertion csv de type stade (cf : section 5) insertion de stades) vous sera demandé, une fois effectuée vous reviendrez sur la page de l'insertion des traitements.
- Vous avez fait une ou plusieurs erreurs sur les types de traitements, une page va s'afficher vous indiquant de remplir les données manquantes.

## 4. Création d'une station

Vous pourrez effectuer une insertion d'une station depuis la liste des stations ou depuis l'onglet "insertion". La création d'une station se fait sans csv, il vous suffit de remplir les données sur la station de cliquer sur envoyer pour que les données soient enregistrées dans la base. Vous pourrez la voir dans la liste des stations.

## 5. Création d'un champ

Pour pouvoir insérer un champ et ses informations vous pourrez depuis l'onglet insertion cliquer sur "insérer un champ" ou depuis la liste des stations choisir une station et y créer un nouveau champ.

La création d'un champ se fait en deux temps, vous devez choisir la station où se situe le champ, puis cliquer sur "insérer un nouveau champ". Un formulaire va s'afficher demandant les informations sur le champ. Après remplissage il vous suffira de cliquer sur envoyer pour les données soient correctement enregistrées dans la base.

## 6. Insertion de stade(s)

Pour insérer des stades, il vous faudra préparer un csv de type "stade" (cf: section II) templates CSV 3) CSV de type stade). Vous pourrez les insérer depuis : l'onglet insertion, la liste des stades (un bouton vous est proposé afin d'insérer un stade), ou après une insertion de traitements qui s'est mal déroulée.

Il vous suffit de sélectionner le fichier csv correspondant via le bouton “parcourir” et de cliquer sur “envoyer” pour que l’ensemble des stades (code / description) soient enregistrés dans la base de données.

## 7. Création d’un type de traitement

Vous pouvez insérer un nouveau type de traitement via : l’onglet insertion, l’onglet liste des intrants qui propose un bouton permettant d’insérer un nouveau type d’intrant. Après avoir cliqué sur l’un de ces liens une page comprenant un formulaire s’affiche et il vous suffira de remplir les informations et de cliquer sur le bouton “envoyer” pour que ces dernières soient correctement enregistrées dans la base.

## 8. Insertion de génotypes

Afin d’insérer des données sur de nouveau génotypes, vous devez vous rendre soit, dans l’onglet insertion et sélectionner “insérer des génotypes”, soit dans la liste des génotypes et cliquer sur le bouton “insérer des génotypes”. Après clic sur l’un de ces liens, vous vous trouverez sur une page qui requiert l’insertion d’un fichier csv de type “génotype”. Afin de connaître les modalités de remplissage de ce csv, veuillez vous rendre à la section II) 5) CSV de type génotype.

## 9. Insertion de

## 10. Insertion de

## II ) Templates CSV

Pour l'ensemble des csv que vous allez remplir veuillez à bien enregistrer votre fichier en utilisant le type UTF 8 ou Unicode 8. La base est entièrement générée avec cet encodage et permet une portabilité générale. Ne pas effectuer cette action peut causer des problèmes au niveau des caractères dans la base de données et ainsi créer de potentiels conflits. Il faudra également omettre de rentrer des unités (ex : Kg/h). Ces informations sont déjà enregistrées dans la base. Les noms de colonnes importent peu, il s'agit simplement d'un repère pour l'utilisateur, néanmoins leur ordre est très important.

### 1. CSV de type essai

Dans ce csv, vous pouvez insérer plusieurs essais dans le même fichier (même s'ils possèdent des itinéraires techniques différents). Néanmoins un csv de type essai ne pourra comporter que sur un champ ou une station (si la station ne comporte pas de champs connus de l'utilisateur). Il faudra impérativement reproduire le type de fichier avec les colonnes suivantes :

nbPlanches	nbPassages	longueurPlanche	largeurPlanche	Latitude	Longitude	referenceITK
------------	------------	-----------------	----------------	----------	-----------	--------------

Avec "nbPlanches" le nombre de planches, "nbPassages" le nombre de passages, "longueurPlanche" la longueur d'une planche, "largeurPlanche" la largeur d'une planche, "Latitude" et "Longitude" les coordonnées géographiques de l'essai et "référenceITK" un indice (lettre, mot, chiffre aucune importance) pour indiquer par la suite à quel itinéraire technique l'essai fera référence.

Exemple :

	A	B	C	D	E	F	G	H
1	nbPl	nbPa	longPl	largPl	nbL	latitude	longitude	refITK
2	1	2	3	3	5	45,12	46,12	1
3	2	5	8	9	4	48,123	19,123	1
4	1	2	8	6	5	15,123	51	2
5								

Dans ce csv on peut voir 3 essais différents. On comprends à l'aide de la colonne "refITK" que le premier et le second essai auront le même itinéraire technique comme c'est le cas lors de l'insertion de blocs différents avec des traitement communs.

## 2. CSV de type traitement

## 3. CSV de type stade

Dans ce csv, vous pouvez insérer un nombre indéfini de stades. Vous devrez insérer un csv ayant des colonnes identiques au tableau suivant :

CodeStade	Description_stade

Exemple :

	A	B
1	Code stade	Description_stade
2	Z00	Semence sèche
3	Z01	Début de l'imbibition de la graine
4	Z03	Imbibition complète
5	Z05	La radicule sort de la graine
6	Z06	Elongation de la radicule et apparition des poils absorbants
7	Z07	Le coléoptile sort de la graine

Il faudra faire attention au fait que des codes de stades puissent déjà exister dans la base. Néanmoins l'application prend en compte le fait que cela puisse arriver, les données erronées ne seront pas enregistrées et vous serez prévenus si une telle erreur venait à se produire.

## 4. CSV de type UE

## 5. CSV de type génotype

Dans ce CSV vous pouvez insérer autant de génotypes que souhaité, il faudra que les colonnes de ce fichier soient similaires aux suivantes :

RéférenceGenotype	Groupe_Génotype	Espece

Exemple :

	A	B	C
1	RefGeno	Groupe	Espece
2	EL4X_101	set_EPO_180	Blé dur
3	EL4X_102	set_EPO_450	Blé dur
4	EL4X_104	set_EPO_180	Blé dur
5	EL4X_105	set_EPO_450	Blé dur
6	EL4X_106	set_EPO_450	Blé dur

Il faut faire attention à ce que le groupe de génotypes existe bien dans la base et à contrario que la référence introduite dans le fichier n'existe pas dans la base. Néanmoins l'application prend en compte que ce genre d'erreur puisse se produire, les données erronées ne seront pas enregistrées et vous serez prévenus des actions effectuées.

## 6. CSV de type phénotype