CỘNG HÒA XÃ HỘI CHỦ NGHĨA VIỆT NAM

Độc Lập – Tự do – Hạnh Phúc

BÁO CÁO ĐÔ ÁN 3

Môn: Cơ Sở Trí Tuệ Nhân Tạo

Tên đề tài: Máy học

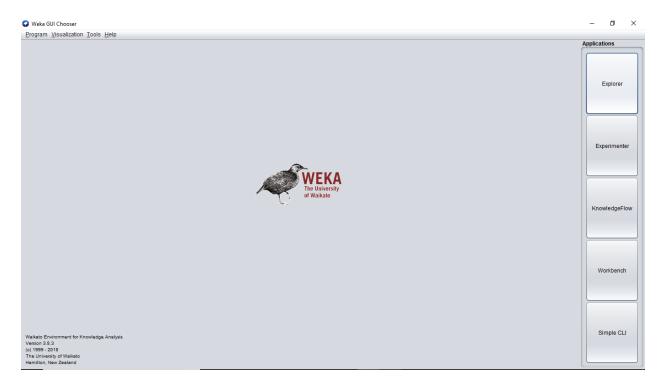


Thực hiện: 1612286 Nguyễn Hồng Khang 1612778 Nguyễn Anh Tuấn

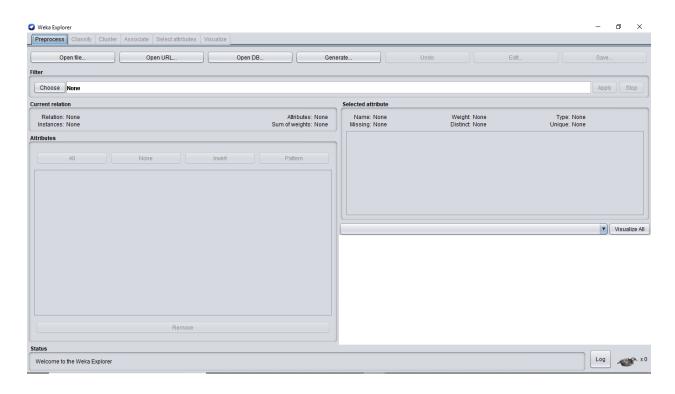
1. Tìm hiểu công cụ Weka:

- a. Những điểm ưu việt của Weka:
 - Hỗ trợ nhiều thuật toán máy học và khai thác dữ liệu.
 - Mã nguồn mở
 - Độc lập với môn trường làm việc (do sử dụng JVM)
 - Dễ sử dụng, kiến trúc dạng thư viện dễ dàng cho việc xây dựng ứng dụng thực nghiệm.
 - Thư viện của Weka có hơn 500 lớp và tổ chức thành 10 package. Có thể sử dụng các lớp này trực tiếp trên phần mềm hoặc sử dụng các thư viện này để phát triển các ứng dụng.
- b. Các môi trường chính của Weka:
 - Explorer: cung cấp môi trường để khảo sát dữ liệu
 - Experimenter: môi trường để tiến hành các thực nghiệm và kiểm chứng mô hình học
 - Knowledflow: tương tự như Explorer nhưng có giao diện kéo thả. Có hỗ trợ incremental learning
 - SimpleCLI: cung cấp giao diện dòng lệnh để thực thi Weka

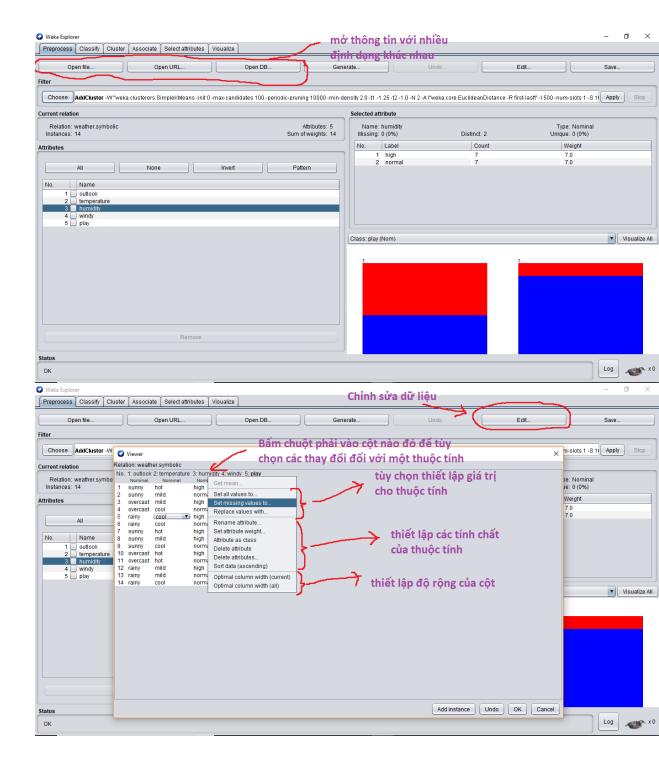
Chúng ta chủ yếu sử dụng trong môi trường Explorer để thao tác với gần như đầy đủ các tính năng của Weka

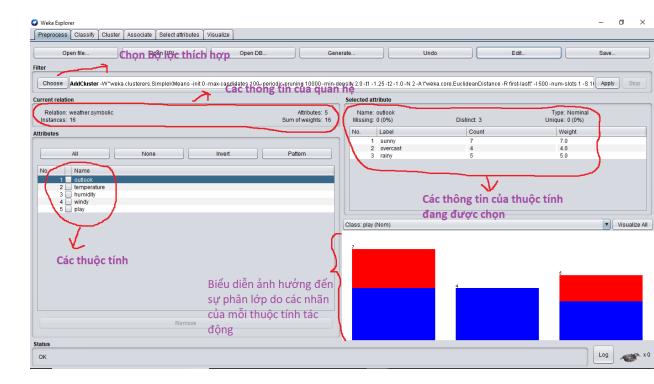


c. Các chức năng chính trong môi trường Explorer:

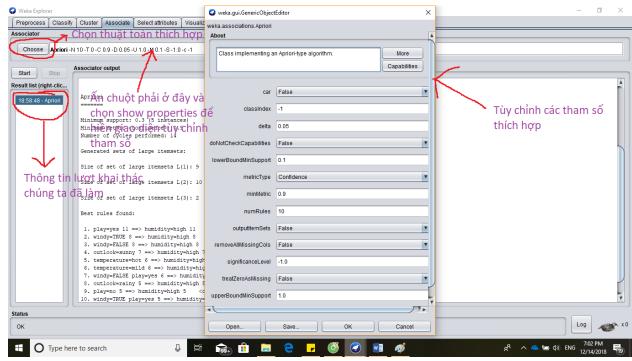


- Tiền xử lý (Preprocessing): Để xử lý dữ liệu trước khi sử dụng các tính năng khác. Tính năng này giúp chúng ta có thể đọc dữ liệu dưới nhiều hình thức, hiệu chỉnh dữ liệu, biểu diễn thông tin về tập dữ liệu, lưu trữ dữ liệu.

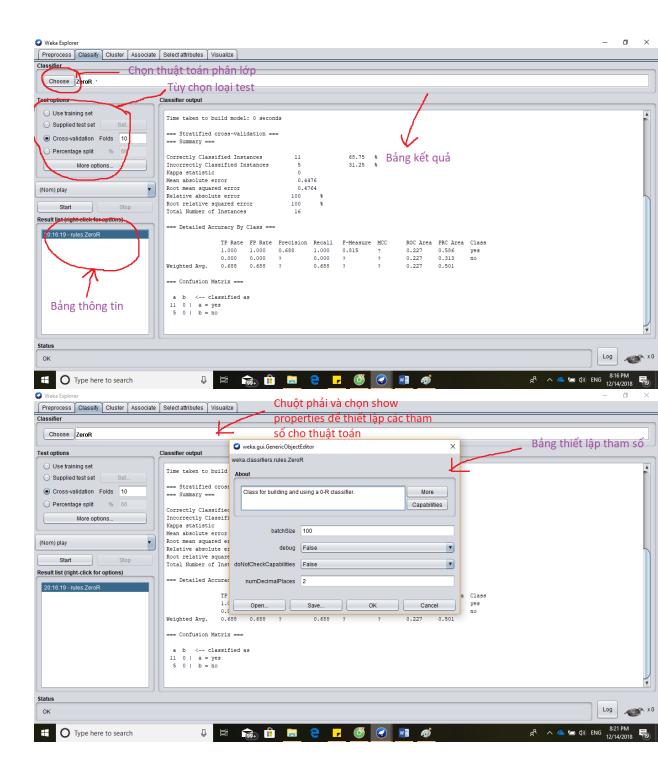


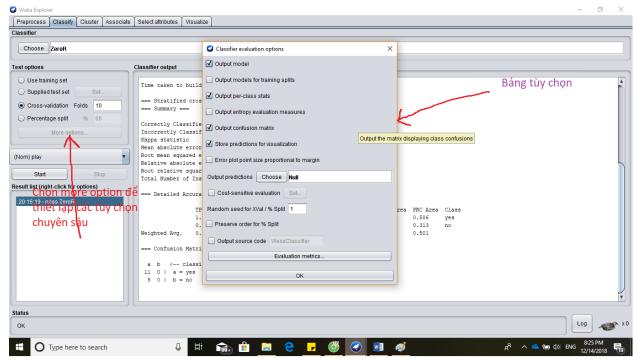


- Khai thác luật kết hợp (Associate): Là chức năng giúp người dung khai thác luật kết hợp từ một tập dữ liệu đã cho. Chương trình cho phép sử dụng nhiều thuật toán khác nhau để khai báo luật kết hợp như là: Apriori, PredictApriori, Tertius.

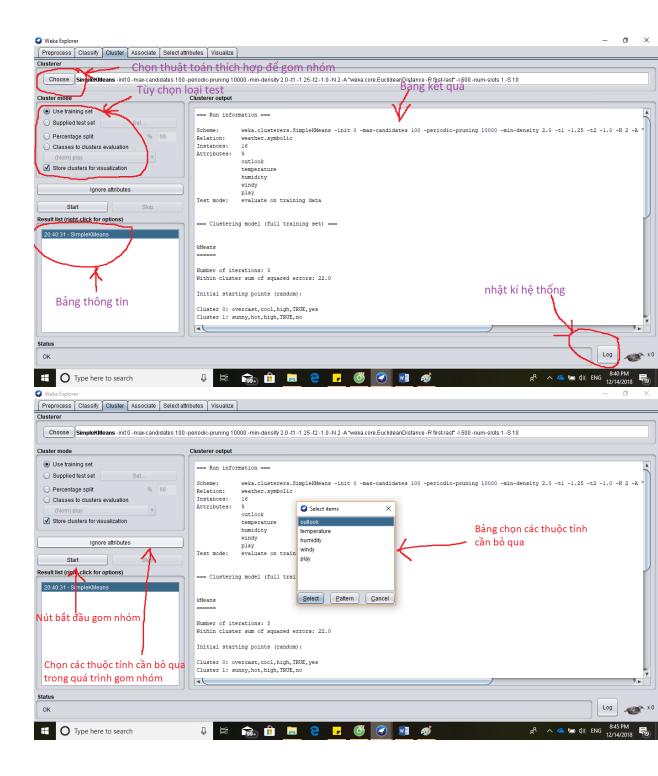


- Phân lớp (Classify): là chức năng giúp người dùng huấn luyện và kiểm chứng các mô hình phân lớp và thực hiện hồi quy. Phần mềm cung cấp nhiều thuật toán khác nhau như Cây quyết định, NaiveBayes.





- Gom nhóm (Cluster): Là chức năng giúp người dùng gom nhóm dữ liệu từ một tập dữ liệu đã cho. Weka sẽ hổ trợ các thuật tóa như DBScan, SimpleKmeans,...



2. Sử dụng Weka để chạy thuật toán ID3:

Số mẫu: Total Number of Instances 101

Tên và ý nghĩa các thuộc tính:

Animal name: Tên động vật (mỗi tên đều độc nhất)

Hair: lông (có hoặc không)

Feathers: lông vũ (Có hoặc không)

Eggs: Đẻ trứng (Có hoặc không)

Milk: Cho sửa (Có hoặc không)

Airborne: Bay được (Có hoặc không)

Aquatic: Sống dưới nước (Có hoặc không)

Predator: Là động vật săn mồi (Có hoặc không)

Toothed: răng (Có hoặc không)

Backbone: xương sống (Có hoặc không)

Breathes: Thở (Có hoặc không)

Venomous: Có độc (Có hoặc không)

Fins: Có vây (Có hoặc không)

Legs: Số chân(0,2,4,5,6,8)

Tail: Đuôi (Có hoặc không)

Domestic: thuần hóa (Có hoặc không)

Catsize: (Có hoặc không)

Type: Phân lớp (1,2,3,4,5,6,7)

Loại phân lớp:

- 1: Mammal(Động vật có vú)

- 2: Fish(Cá)

- 3: Bird(Chim)

- 4: Arthopod(Động vật chân khớp)

- 5: Insect(Côn trùng)
- 6: Amphibian(Động vật lưỡng cư)
- 7: Reptile(Động vật bò sát)

Id3:

```
=== Classifier model (full training set) ===
Id3
legs = 0
| fins = 0
| | toothed = 0: Arthopod
| | toothed = 1: Reptile
| fins = 1
  | eggs = 0: Mammal
| | eggs = 1: Fish
legs = 2
| hair = 0: Bird
| hair = 1: Mammal
legs = 4
| hair = 0
| | aquatic = 0: Reptile
| | aquatic = 1
| | toothed = 0: Arthopod
| | | toothed = 1: Amphibian
| hair = 1: Mammal
legs = 5: Arthopod
legs = 6
| aquatic = 0: Insect
| aquatic = 1: Arthopod
legs = 8: Arthopod
```

5 Mẫu:

- o 1. NameIsSecret, 1,0,0,1,0,0,0,1,1,1,0,0,4,1,0,1,?
- o 2. NameIsSecret, 0, 1, 1, 0, 1, 0, 0, 0, 1, 1, 0, 0, 2, 1, 1, 0, ?
- o 3. NameIsSecret,0,0,1,0,0,0,1,1,1,1,1,0,0,1,0,0,?
- o 4. NameIsSecret,0,0,1,0,0,1,1,1,1,0,0,1,0,1,0,0,?
- o 5. NameIsSecret,0,0,1,0,0,1,1,1,1,1,0,0,4,1,0,0,?

Kết quả predict:

=== Predictions on user test set ===

```
inst# actual predicted error prediction
1    1:? 1:Mammal    1
2    1:? 3:Bird    1
3    1:? 7:Reptile    1
4    1:? 2:Fish    1
5    1:? 6:Amphibian    1
```

_

3. Chạy thử các thuật toán khác:

1. Naïve Bayes:

Kết quả chạy trong file NaïveBayes.txt

2. BFTree:

Kết quả chạy trong file BFTree.txt

```
Best-First Decision Tree
milk=(1): Mammal(41.0/0.0)
milk! = (1)
| feathers=(1): Bird(20.0/0.0)
| feathers!=(1)
| | fins=(1): Fish(13.0/0.0)
| | fins!=(1)
| | backbone=(1)
| | | aquatic=(1): Amphibian(4.0/1.0)
  | | aquatic!=(1): Reptile(4.0/0.0)
| | backbone!=(1)
| | | legs=(6)|(2)
| | | | aquatic=(1): Arthopod(2.0/0.0)
| | | | aquatic!=(1): Insect(8.0/0.0)
| | | legs!=(6)|(2): Arthopod(8.0/0.0)
Size of the Tree: 15
Number of Leaf Nodes: 8
Time taken to build model: 0.03 seconds
```

3. SimpleCART:

Kết quả chạy trong file simpleCART.txt

Time taken to build model: 0.13 seconds