

## CONTRIBUTEURS

### ACT-3114 Apprentissage statistique en actuariat

**aut., cre.** Alec James van Rassel

**ctb.** Alexis Picard

**ctb.** Gabriel Lord

**src.** Marie-Pier Côté

## Fonctions R

### Dupliqués et niveaux

Commande	Utilité	Résultat	Exemple
<code>duplicated()</code>	identifie les dupliqués	retourne un vecteur booléen identifiant les dupliqués	<pre>duplicated(c(1, 1, 2, 4, 6, 4)) ## [1] FALSE TRUE FALSE FALSE FALSE TRUE</pre>
<code>unique()</code>	extrais les valeurs uniques	retourne un vecteur contenant les valeurs uniques du vecteur donné en argument	<pre>unique(c(1, 1, 2, 4, 6, 4)) ## [1] 1 2 4 6</pre>
<code>dplyr::distinct()</code>	exclure les lignes dupliquées d'une base de données	retourne la BD conservant la première occurrence de dupliqués	<pre>data %&gt;%   distinct()</pre>
<code>levels()</code>	identifie les niveaux d'un facteur	retourne une list des niveaux du facteur	<pre>fac &lt;- factor(x = c("one", "two", "two")) levels(fac) ## [1] "one" "two"</pre>
<code>droplevels()</code>	identifie les niveaux d'un facteur non utilisés	retourne le facteur en enlevant les niveaux sans observations	<pre>fac_filt &lt;- fac[-1] droplevels(fac_filt) ## [1] two two ## Levels: two</pre>
<code>which()</code>	identifie la <b>position</b> d'objets rencontrant la condition	retourne les indices des objets	<pre>data_wt &lt;- c(76, 87, NA, 47, 55, 42, 666, NA) which(is.na(data_wt)) ## [1] 3 8</pre>

## Agrégation

**table()** et **prop.table()** Retourne un tableau de fréquence et de proportion.

À 2 dimensions, il faut s'assurer d'avoir les mêmes dimensions pour les 2 vecteurs.

À 3 dimensions, la fonction retourne un tableau par niveau du troisième argument.

**prop.table()** s'enchaîne à une table et ne pas être utilisé directement.

L'argument **margin** spécifie la dimension sur laquelle sommer (1 pour les rangées, 2 pour les colonnes).

```
facto <- factor(x = c("deux", "two", "one", "one", "un", "deux"))
table(facto)
```

```
## facto
## deux one two un
##      2   2   1   1
```

```
age <- c(18, 20, 19, 18, 20)
weight <- c(200, 150, 175, 190, 220)
table(age, weight)
```

```
##      weight
## age  150 175 190 200 220
##  18    0   0   1   1   0
##  19    0   1   0   0   0
##  20    1   0   0   0   1
```

```
table(age, weight) %>%
  prop.table(margin = 1)
```

```
##      weight
## age  150 175 190 200 220
##  18 0.0 0.0 0.5 0.5 0.0
##  19 0.0 1.0 0.0 0.0 0.0
##  20 0.5 0.0 0.0 0.0 0.5
```

**aggregate()** Calcule une fonction par groupe pour une base de données.

Il faut faire attention à la fonction donnée en argument. Si l'on veut calculer une moyenne et la BD contient des facteurs, la fonction retourne NA pour cette colonne avec un message d'erreur.

Il faut donner l'argument à **by** en forme de liste même si nous n'avons qu'une seule variable par laquelle grouper.

```
BD <- data.frame(age = c(18, 20, 19, 18, 20),
                 weight = c(200, 150, 175, 190, 220))
sex <- factor(c("F", "F", "H", "F", "H"))
student <- as.factor(c(T, F, T, T, F))
aggregate(x = BD, by = list(sex), FUN = median)
```

```
##   Group.1 age weight
## 1      F 18.0  190.0
## 2      H 19.5  197.5

aggregate(x = BD, by = list(sex, student), FUN = median)

##   Group.1 Group.2 age weight
## 1      F   FALSE  20   150
## 2      H   FALSE  20   220
## 3      F    TRUE  18   195
## 4      H    TRUE  19   175
```

Modifications de variables

Commande	Utilité	Résultat	Exemple
			<code>tolower(c("ALec", "JAmES"))</code>
<code>tolower()</code> et <code>toupper()</code>	convertis les chaînes de caractères en minuscules et majuscules	retourne le vecteur avec les chaînes de caractères modifiées	<code>## [1] "alec" "james"</code> <code>toupper(c("ALec", "JAmES"))</code> <code>## [1] "ALEC" "JAMES"</code>

element_text()			
Paramètre	Description	Possibilités	Exemple
face	type de police	"plain", "italic", "bold"	face = "plain"
colour	couleur du texte		colour = "blue"
size	taille du texte	pts	size = 8
angle	angle du texte	de 0 à 360 degrés	angle = 90
hjust et vjust	justification du text se- lon l'aire du graphique (et non selon les axes)	entre 0 et 1	hjust = 0.5

## Fonctions R pour l'ajustement de modèles

caret::train()			
Paramètre	Description	Possibilités	Exemple
form	formule du modèle		
data	jeu de données		data = dataset
method	famille de modèle à entraîner	Adaboost.M1, gbm (boosting), rf (forêt aléatoire), rpart (CART)	method = "gbm"
preProcess	permet de transformer les données avant l'entraînement. Les données doivent être une matrice ou un tableau.		preProcess = "scale"
tuneLength	Nombre maximal de combinaisons des paramètres à tester dans l'optimisation.		tuneLength = 8
tuneGrid	Grille d'hyperparamètres à tester au lieu d'une recherche aléatoire.		tuneGrid = expand.grid( maxdepth = c(3, 5, 7), mfinal = c(10, 50, 100), coflearn = "Freund")
metric	Critère à utiliser pour choisir le modèle optimal.	"Accuracy" (classification), "ROC" (Classification), "RSME" (régression)	metric = "ROC"
trControl	Spécifie les paramètres d'entraînement.	habituellement, on le définit séparément.	trControl = trControlObjet

caret::trainControl()			
Paramètre	Description	Possibilités	Exemple
method	méthode de rééchantillonnage	"cv" (validation croisée), "rcv" (validation croisée multiple), "LGOCV" (leave-group-out CV alias, échantillon de validation aléatoire)	method = "LGOC"
p	Proportion des données à utiliser par itération de l'entraînement.	chiffre.	p = 0.6
number	Nombre de plis (cv) ou de groupes d'entraînement (LGOCV).	chiffre.	number = 2
repeats	Nombre d'itérations complètes de l'entraînement (pour la validation croisée répétée rcv)	chiffre.	repeats = 4
summaryFunction	Précise le type de problème pour afficher les mesures de performance pertinentes.	twoClassSummary pour une classification binaire.	summaryFunction = "twoClassSummary"
classProbs	Si vrai, le modèle retourne la probabilité d'être dans chacune des classes ainsi que la prévision.	Booléen.	classProbs = TRUE
search	Spécifie la méthode de création de la grille d'hyperparamètres.	"grid" ou "random".	search = "grid"

rpart::rpart()			
Paramètre	Description	Possibilités	Exemple
formula	formule du modèle		
data	jeu de données		data = dataset
method	Spécifie le type d'arbre à entraîner.	typiquement, "class" pour la classification et "anova" pour la régression. Il y a aussi l'option "poisson" parmi d'autres.	method = "class"
weights	Facteurs de pondération des observations du jeu de données.	Vecteur appliqué aux <b>rangées</b> ; si un chiffre, sera appliqué à toutes les rangées.	weights =
cost	Spécifie un vecteur de coûts associés à chaque variable dans la séparation des données. Par exemple, on peut pénaliser une variable qu'on désire seulement utiliser si le pouvoir prédictif est très grand.	Vecteur appliqué aux <b>colonnes</b> ; si un chiffre, sera appliqué à toutes les colonnes.	cost =
control	Permet de spécifier les paramètres d'entraînement avec la fonction rpart.control().	Typiquement défini séparément.	control = rpart.controlObjet



rpart::rpart.control()			
Paramètre	Description	Possibilités	Exemple
cp	Paramètre de complexité.	Poser $cp = 0$ implique aucune pénalité.	$cp = 0.01$
maxdepth	Profondeur (nombre de branches) maximal de l'arbre.	Chiffre.	$maxdepth = 12$
minbucket	Nombre minimal d'observations dans une feuille de l'arbre.	Chiffre.	$minbucket = 5$
minsplit	Nombre minimal d'observations dans un nœud pour qu'une séparation des données soit tentée.	Chiffre.	$minsplit = 20$

randomForest::randomForest()			
Paramètre	Description	Possibilités	Exemple
formula	formule du modèle		
data	jeu de données		data = dataset
mtry	Nombre de variables explicatives à considérer à chaque séparation.	Habituellement l'arrondi de la racine du nombre de variables en classification ou le tiers du nombre en régression.	mtry = 7
sampsize	Nombre d'observations dans les sous-échantillons.	Chiffre.	sampsize = 0.5
ntree	Nombre d'arbres dans la forêt.	Chiffre.	ntree = 300
nodesize	Nombre minimal d'observations dans une feuille de l'arbre	Chiffre.	nodesize = 5
importance	Si vrai, calcule l'importance des variables.	Booléen.	importance = TRUE

`mod.iml ← Predictor$new(modeleTrain)` puis `FeatureImp$new(mod.iml, loss = "METRIC", compare = "difference", n.repetitions = 5)` Importance des variables selon l'erreur de classification "METRIC" (e.g., "mse") que l'on peut ensuite visualiser.

`FeatureEffect$new(mod.iml, "variable1", method = "pdp", grid.size = X)` Graphique de dépendance partielle univariée (PDP).

`FeatureEffect$new(mod.iml, feature = c("variable1", "variable2"), method = "pdp", grid.size = X)` Graphique de dépendance partielle bivariée (PDP).

**NOTE** Si l'on remplace `method = "pdp"` par `method = "ice"` on obtient un graphique d'espérance conditionnelle individuelle (ICE).

`Interaction$new(mod.iml, "variableImp")` Statistique H de Friedman pour quantifier les interactions entre la variable la plus importante et les autres.