1. 執行環境

• Jupyter Notebook

2. 程式語言&版本

語言: Python版本: 3.6.6

3. 執行方式

打開 cmd, cd 到檔案位置

C:\Users\hp>cd C:\Users\hp\Desktop\IR\assignment\HW4

再輸入以下指令,即可執行並顯示 output:

C:\Users\hp\Desktop\IR\assignment\HW4>python3_r07725044_HW4.py

藍色部分填入 python. exe 及其路徑,或是如上圖輸入在 python 開啟的指令, python3 是我在環境變數下設定 python 3.6.6 版本的指令

(在環境變數先加入 python. exe 的 path, 再更改檔名為 python3. exe, 即可直接啟動)

紅色填入檔名 HW4_r07725044.py

得到 output:

在當前目錄下會產出名爲 8. txt、13. txt、20. txt 的檔案,是分群後的結果

此外還會產生一個名爲 matrix. dat 的檔案,是記錄文件之間相似度的 matrix

4. 作業處理邏輯説明

1. 前處理

● Import 套件

將所有要用的套件 import , 用途如註解

```
#用以定義dictionary的資料結構
from collections import defaultdict
#同作業一,斷出term的
import nltk
import string
# from collections import Counter
from nltk.stem.porter import PorterStemmer #import porter algorithm的套件
from nltk.corpus import stopwords
#打開文檔並讀取
import glob
import re
import os
import operator
import sys
#random select
import random
#計算用的sqrt () log ()
import math
#csv寫入
import csv
#矩陣用
import numpy as np
#計算程式運行時間
import time
```

● 加入前幾次作業的 function

將 document 轉換成 term 的 function

計算 term frequency 的 function :

```
def TF(string):
   tf = defaultdict(int) #建立Dictionary的資料結構,以term作爲key,頻率做value,e.g. 'word': 3
   #hw1的方式產出term
   res = nltk.word_tokenize(string)
   porter = PorterStemmer()
   stemmer = [ porter.stem(element) for element in res] #stemming
   stop = set(stopwords.words('english'))
   final = []
   for s in stemmer:
       if s not in stop:
          if s.isalpha():
                               #判斷是否為英文字母
              final.append(s)
   for t in final:
                             #將斷出來的字統計為term的次數
       tf[t] += 1
   return tf
```

計算各文件之間的相似度:

```
def cosine(d1, d2): #傳入數值,為document id,這次作業以 1,2為計算對象
   path = 'tfidf' #讀取 d1, d2 兩份文件的位置
   #將document id 轉馬對應的檔名
   xfile = str(d1) + '.txt'
   yfile = str(d2) + '.txt
   #定義存取兩個文件的 unit vector
   X = \{\}
   y = \{\}
   c = 1
   #打開第一份文件讀取
   fix = os.path.join(path, xfile)
   with open(fix, 'r') as fx:
      for line in fx:
                     #由於在儲存時,將 first line作爲該column的title,因此霜從 second line讀
         if c <= 2:
             c +=1
             continue
          (key, val) = line.split() #讀取 term index 和 normalize過後的 tfidf
          x[key] = val
   #第二份文件的處理,同第一份文件
   cou = 1
   fiy = os.path.join(path, yfile)
   with open(fiy, 'r') as fy:
      for line in fy:
         if cou <= 2:
             cou +=1
             continue
          (key, val) = line.split()
          y[key] = val
   summ = 0.0 #用以累加個內積的值
   #以第一份文件找第二份文件有無對應到的term
   for s in x:
      if s not in y: #若 x存在一 term是 y沒有的,則將這個 term設給 y : 值為 0 , 方便之後做內積
         y[s] = 0
      summ = summ + float(x[s])*float(y[s]) #unit vector內積,極爲 2 documents的相似度
   return summ
```

● 建立各文件之間相似度的 matrix

運用 cosine similarity 的方法,建立文件之間相似度關係的 matrix,值為 0~1,若是文件對自己本身的關係,則設爲負無限大, 如此一來不會在 argmax 的時候取到

```
start time = time.time()
matrix = np.zeros((1095, 1095))
I = []
#建立矩陣
for n in range(0, 1095):
   matrix[n][i] = float('-inf')
      else:
         y = i + 1
         matrix[n][i] = cosine(x, y) #index從0開始,要記得加一
   I.append(1) #存有哪些
print(matrix)
print("time of building matrix: ")
print("--- %s seconds ---" % (time.time() - start_time))
      -inf 0.20113796 0.30104544 ... 0.03777052 0.02942304 0.0497299 ]
[0.20113796
             -inf 0.20126398 ... 0.02986856 0.01167086 0.02317333]
[0.30104544 0.20126398
                        -inf ... 0.04507046 0.02447444 0.04011235]
[0.03777052 0.02986856 0.04507046 ...
                                      -inf 0.13256605 0.02298185]
[0.02942304 0.01167086 0.02447444 ... 0.13256605 -inf 0.01967375]
[0.0497299 0.02317333 0.04011235 ... 0.02298185 0.01967375
--- 1593.7882721424103 seconds ---
```

matrix.dump("matrix.dat") #存入本地端

2. Clustering

• Hierachical Clustering + Complete Link

Argmax 的 function:

2個 cluster 必須都是 available 的,才能被取值

```
#取最大值
def arg(mtx, I):
    maxima = float('-inf')

for x in range(0, 1095):
    for y in range(0, 1095):
        if (I[x] + I[y]) == 2 and x != y and mtx[x][y] > maxima:
            maxima = mtx[x][y]
        re = [x, y]

return re[0], re[1]
```

Clustering

```
def HAC_CompleteLink(k):
   I = [1] * 1095
   A = [] #結果 List
   K = 1095 - k
   #加載鄭立好的 matrix
   matrix = np.load("matrix.dat")
   #clusterina
   for k in range(0, K):
       #取最大值的 2個 cluster
       x, y = arg(matrix, I)
       sets = set([x, y]) #存成 set
       flag = True #看 結果List 有沒有可以合并的,合并成功改成 false
       concat = [] # 合并成功的結果
delete = [] # 原本參與合并的要删掉
       for item in A:
          if len(item.intersection(sets)) > 0: #有交集的item記錄下來
              temp = item.union(sets)
              concat.append(temp)
              delete.append(item)
              flag = False
       if flag: #沒有合并成功,加人新的 pair
          A.append(sets)
                  #合并成功就加入合并结果,并把原本參與合并的item删除
          for dlt in delete:
             A.remove(dlt)
          add = set()
           for con in concat:
             add = add.union(con)
          A.append(add)
       #更新cluster之間的距離
       for j in range(0, 1095):
          matrix[x][j] = min(matrix[x][j], matrix[y][j])
          matrix[j][x] = min(matrix[j][x], matrix[j][y])
       #標記為巴被合并
       I[y] = 0
  return A
```

取出最大值的兩個對應的 cluster,把編號較大的合并進小的,且用 set 的資料結構,將包含 2 個 cluster 其中的任意一個的 cluster 全部合并,最後更新 cluster 之間的相似度關係,使用 complete link 所以取最小相似度,再更新被合并的 cluster 為 not available

Call function and save result

儲存至 file 的 function:

因爲前面的資料結構是以 0 為開始的,所以所有編號要加 1 才是正確的文件編號,每個 cluster 中間隔 1 行

```
#分群結果存入 file

def save(clusters):
    filename = str(len(clusters)) + '.txt'
    file = open(filename, "wt")
    for c in clusters:
        for doc in sorted(c):
            file.write(str(doc + 1) + '\n')
        file.write('\n')
    file.close()
```

呼叫 function,分别分出 8 群、13 群、20 群:

```
cluster8 = HAC_CompleteLink(8)
save(cluster8)

cluster13 = HAC_CompleteLink(13)
save(cluster13)

cluster20 = HAC_CompleteLink(20)
save(cluster20)
```

最後當前目錄會產生出3個以群數為命名的檔案,就是分群結果

- 8.txt
- 13.txt
- 20.txt