

מעבדה 3 בבינה מלאכותית

נושא:

Multi-Dimensional 0-1 Knapsack

רלקסציה של תכנות לינארי

מגישים:

318401015 (א) יובל אלפסי,

316315332 (ב) אילן גודיק,

מנחה:

מר שי בושניסקי

תאריך הגשה:

22 לאפריל 2016



תוכן עיניינים

חלק א: Branch & Bound

- שאלה 1 – עמוד __ – דיווח זמן ריצה
- שאלה 2 – עמוד __ – שיטות בחירה ושיטות שרידות
- שאלה 3 – עמוד __ – פונקציית מרחק בין גנים
- שאלה 4 – עמוד __ – אבחון מינימום מקומי
- שאלה 5 – עמוד __ – היחלצות ממינימום מקומי
- שאלה 6 – עמוד __ – בחינת ההשפעה על האלגוריתם הגנטי
- שאלה 7 – עמוד __ – חזית פרטו אופטימל

חלק ב: Genetic MD-Knapsack

חלק ג: ניתוחים וסטטיסטיקה

Multi-Dimensional 0-1 Knapsack

עלינו לפתור את בעיית השק הרב מימדית.

נתונים מספר שקים ומספר מוצרים. לכל שק ישנה קיבולת ולכל מוצר יש את ערכו ואת משקלו בכל שק. עבור כל עצם עלינו להחליט האם ניקח אותו או לא. אם ניקח אותו – הוא יתפוס מקום בכל השקים, בהתאם למשקלו בכל שק. עלינו למקסם את סכום ערכי המוצרים שלקחנו בעוד שלא חרגנו מקיבולת כל השקים.

הפיתרון הטריטוריאלי לבעיה – ניסיון כל האופציות האפשריות לבחירה. סיבוכיות זמן – אקספוננציאלית.

מדובר בבעיית NP קשה.

במעבדה זו נסקור מספר גישות לפתרון הבעיה ונציע רעיונות נוספים לפתרונה.

1. פתרון הבעיה בעזרת Branch & Bound

אפשר למדל את הבעיה כמרחב חיפוש עם בחירות בינאריות בכל שלב – האם לקחת את החפץ או לא.

מעל מרחב זה אפשר להפעיל שיטות חיפוש, בנוסף לPruning של תתי עצים.

מימשנו את אלגוריתם Branch & Bound בשפה F#, ופירוט נוסף יבוא בהמשך.

2. פתרון הבעיה בעזרת אלגוריתם גנטי

אפשר למדל את הבעיה כחיפוש מחרוזת בינארית הממקסמת ערך Fitness – הערך הכולל של החפצים שנבחרו.

אנחנו הוספנו את בעיית Genetic Framework שבנינו במהלך שתי המעבדות הקודמות, Scala + Java.

Branch and Bound for MD-Knapsack

השתמשנו באלגוריתם בגישת Branch and Bound לפתרון בעיית MD-Knapsack כפי שהוצג במעבדה עם שי.

אלגוריתם זה הוא אלגוריתם חיפוש במרחב מצבים בצורת עץ, אך בנוסף לשיטת חיפוש רגילה על העץ, אנחנו שומרים על הפתרון הטוב ביותר שהגענו אליו עד כה, נותנים חסם עליון לכל תת עץ שעוברים עליו, ואם חסם עליון זה קטן מערכו של פתרון שהגענו אליו כבר, נקטום את תת עץ זה, ולא נחפש שם.

לשם גיזום מוקדם יותר, אנחנו מחשבים את הערך גם של צמתים פנימיים ללא החפצים שעוד לא בחרנו אם לקחת או לא, ומחשיבים אותם כפתרונות אפשריים.

```
member x.ShouldPrune (bestPrice : int, pruning : Solution -> int) : bool =  
    pruning x < bestPrice
```

מבנה מרחב החיפוש:

כל צומת פנימי בעץ מייצג פתרון חלקי לבעיה – אילו חפצים לקחנו ואילו לא.

ברמה ה*n* בעץ, נבחר האם לקחת את החפץ ה*n* או לא – שמאלה מייצג לקחת, וימין מייצג לא לקחת.

ייצוג הבעיה:

```
type Knapsack(capacity : int)  
  
type Item(price : int, constraints : Dictionary<Knapsack, int>)  
    // Weight in each sack  
  
type KnapsackProblem(name : string, items : Item array,  
    knapsacks : Knapsack array, optimal : int)  
  
type Solution(itemsTaken : BitArray, prob : KnapsackProblem, openBits : int)
```

בדיקת תקינות פתרון: האם משקלי כל החפצים אינם חורגים מקיבולות כל השקים.

```
member x.IsValid =  
    knapsacks |> Array.forall (  
        fun knapsack ->  
            let mutable sumOfConstraints = 0  
            for i = 0 to items.Length - 1 do  
                if itemsTaken.[i] then  
                    sumOfConstraints <- sumOfConstraints + items.[i].ConstraintOf knapsack  
            sumOfConstraints < knapsack.Capacity)
```

היוריסטיקות לחסמים עליונים:

1. שק לא חסום

עבור צומת פנימי בעץ ברמה ה*i* – החלטנו עד כה אילו מ*i* האיברים הראשונים לוקחים ואילו לא, ועבור שאר האיברים, שעוד לא החלטנו עבורם, היוריסטיקה זו מניחה שקיבולת השק אינסופית, ולכן החסם העליון יהיה הערך שמתקבל אם כן ניקח את כל שאר האיברים שעוד לא החלטנו לגביהם, בנוסף לאיברים שכבר לקחנו. אם חסם עליון זה נמוך מתוצאה שכבר קיבלנו, נקטום את תת העץ.

```
let unboundedKnapsackUpperBound (sol : Solution) =  
    let mutable restPotentialPrice = 0  
    for i = sol.OpenBits to sol.Prob.Items.Length - 1 do  
        restPotentialPrice <- restPotentialPrice + sol.Prob.Items.[i].Price  
    sol.Price + restPotentialPrice
```

2. שק חסום עם מילוי שברי

חסם זה הוא חסם עליון יותר הדוק מאשר "שק לא חסום", והוא פועל באופן הבא:

לכל שק, נמין את כל החפצים ע"י ה'צפיפות' שלהם:

$$density = \frac{value}{weight}$$

נבחר את כל החפצים לפי סדר הצפיפות שלהם, כל עוד יש עוד מקום בשק,

ועבור החפץ האחרון, שלא נכנס לשק, ההיוריסטיקה תבחר "חלק שברי" ממנו:

$$density \cdot remainingWeight$$

זהו חסם עליון, מכיוון שתמיד כדאי יותר לקחת את החפצים שיש להם צפיפות גבוהה יותר, אם לא הייתה לנו המגבלה של בחירת חפצים שלמים.

בנוסף, כאשר יש לנו פתרון עם התאמה מדויקת של חפצים שלמים, היוריסטיקה זו מהווה גם חסם תחתון לבעיה.

אפוא, כל שק ניתן למלא עד למחיר מקסימאלי כלשהו, כל מחיר כזה מהווה חסם עליון. ניקח את חסם עליון מינימאלי, מכיוון שאם לא ניתן להשיג ערך טוב ממה שהשגנו עד כה בגלל אחד השקים, לא ניתן יהיה להשיג אותו בפרט עם יותר מגבלות, של שאר השקים.

```
let upperBoundFractional (sol : Solution) : int =  
    sol.Prob.Knapsacks  
    |> Seq.ofArray  
    |> Seq.map (fun k -> fractionedFilledKnapsack sol k)  
    |> Seq.min
```

קוד למציאת חלק שברי

```
let fractionedFilledKnapsack (sol : Solution) (knapsack : Knapsack) : int =
    let openedBits = sol.OpenBits
    let items = sol.Prob.Items
        |> Array.skip openedBits
        |> Array.sortBy (fun item ->
            (float32 <| item.ConstraintOf knapsack) / (float32 item.Price))
        // Descending order of density.
    let length = items.Length
    let mutable index = 0
    let mutable filled = 0
    let mutable totalPrice = 0
    for i = 0 to openedBits - 1 do
        if sol.ItemsTaken.[i] then
            filled <- filled + sol.Prob.Items.[i].ConstraintOf knapsack
    while index < length && filled < knapsack.Capacity do
        let constr = items.[index].ConstraintOf knapsack
        // Fractional Part
        if filled + constr > knapsack.Capacity then
            let price = float32 <| items.[index].Price
            let rest = float32 <| knapsack.Capacity - filled
            let percent = rest / (float32 constr)
            totalPrice <- totalPrice + int32 (percent * price)
            index <- length
        // Whole Part
        else
            filled <- filled + constr
            totalPrice <- totalPrice + items.[index].Price
            index <- index + 1
    sol.Price + totalPrice
```

שיטות חיפוש על העץ

1. DFS – חיפוש לעומק

ישנה עדיפות להתקדם קודם לכיוון ה"לקחת מוצר" מאשר לכיוון ה"לא לקחת מוצר".

מימשנו בעזרת מחסנית, על מנת להימנע ממחסנית הקריאה לפונקציות, לשם שיפור ביצועים – הכנסת רק הדברים הרלוונטיים למחסנית.

```
let dfs upperBoundFunc (endTime : DateTime) (prob : KnapsackProblem) :  
    Solution * DateTime option =  
let startingSolution = Solution.Empty prob  
let mutable bestSolution = startingSolution  
let mutable maybeFindingTime : DateTime option = None  
let solutionsToBranch = new Stack<Solution>()  
solutionsToBranch.Push (startingSolution)  
while DateTime.Now < endTime && solutionsToBranch.Count > 0 do  
    let sol = solutionsToBranch.Pop()  
    let openedBits = sol.OpenBits  
    let nextIndex = sol.OpenBits  
    if sol.Price > bestSolution.Price then  
        bestSolution <- sol  
        if bestSolution.Price = sol.Prob.Optimal then  
            maybeFindingTime <- Some(DateTime.Now)  
    if openedBits < sol.Prob.Items.Length then  
        let with1, with0 = sol.Branch  
        if with0.IsValid && not <|  
            with0.ShouldPrune (bestSolution.Price, upperBoundFunc)  
        then solutionsToBranch.Push with0  
        if with1.IsValid && not <|  
            with1.ShouldPrune (bestSolution.Price, upperBoundFunc)  
        then solutionsToBranch.Push with1  
(bestSolution, maybeFindingTime)
```

2. BFS - חיפוש Best First Search

נחזק תור עדיפויות ממנו נפתח בכל שלב את הצומת בעל Fractional Upper Bound הטוב ביותר, ונכניס את ילדיו. גם כאן נגזום צמתים שערכם נמוך מהערך הטוב ביותר עד כה.

מכיוון שככל הנראה לא נגיע לעלים בדרך זו, אך צריך בכל מקרה לתת פתרונות טובים בשביל חסמים עליונים. לכן אנו רצים מכל צומת שפותחים עד לעלה, באופן חמדני, ואת צומת זה נבחן – האם הוא הטוב ביותר עד כה. שיטה זו נתנה שיפור משמעותי על גבי DFS פשוט.

השתמשנו בערימה בינארית לצורך תור העדיפויות. השווינו ביצועים בין ערימה בינארית, ערימה בינומית וערימת פיבונאצ'י. ערימה בינארית הייתה הכי מהירה גם במקרים גדולים.

```
let bestFirst upperBoundFunc (endTime : DateTime) (prob : KnapsackProblem) :  
    Solution * DateTime option =  
    let priority s = 1.0 / (float <| partialDensity s)  
    let startingSolution = Solution.Empty prob  
    let mutable bestSolution = startingSolution  
    let mutable maybeFindingTime : DateTime option = None  
    let solutionsToBranch = new Priority_Queue.BinaryHeap<Solution>()  
    solutionsToBranch.Enqueue(startingSolution, priority startingSolution)  
    while DateTime.Now < endTime && solutionsToBranch.Count > 0 do  
        let sol = solutionsToBranch.Dequeue()  
        let openedBits = sol.OpenBits  
        let nextIndex = openedBits  
        let greedyLeaf = runToLeaf bestSolution.Price upperBoundFunc sol  
        if greedyLeaf.Price > bestSolution.Price then  
            bestSolution <- greedyLeaf  
            if bestSolution.Price = greedyLeaf.Prob.Optimal then  
                maybeFindingTime <- Some(DateTime.Now)  
        if openedBits < sol.Prob.Items.Length then  
            let with1, with0 = sol.Branch  
            if with0.IsValid && not <|  
                with0.ShouldPrune (bestSolution.Price, upperBoundFunc)  
            then solutionsToBranch.Enqueue(with0, priority with0)  
            if with1.IsValid && not <|  
                with1.ShouldPrune (bestSolution.Price, upperBoundFunc)  
            then solutionsToBranch.Enqueue(with1, priority with1)  
    (bestSolution, maybeFindingTime)  
  
let rec runToLeaf (bestPrice : int) (upperBoundFunc) (sol : Solution) : Solution =  
    if sol.OpenBits = sol.Prob.Items.Length then  
        sol  
    else  
        let with1, with0 = sol.Branch  
        [with0; with1]  
        |> List.where (fun i -> i.IsValid)  
        |> List.where (fun i -> not (i.ShouldPrune(bestPrice, upperBoundFunc)))  
        |> List.sortByDescending partialDensity  
        |> List.tryHead  
        |> fun x -> match x with  
            | None -> sol  
            | Some a -> runToLeaf bestPrice upperBoundFunc a
```


מיון החפצים:

נמיון את החפצים ע"פ היוריסטיקה, וכך קודם נחפש בתתי העצים של החפצים עם ההיוריסטיקה הטובה יותר, ונקבל גיזומים טובים יותר.

חשבנו רבות על היוריסטיקת מיון. כמובן שיש לקחת בחשבון את יחס המחיר למשקל מבין כל השקים עבור כל מוצר, אך ישנה בעיה של רב מימדיות. כל מוצר משפיע רבות על שאר המוצרים. אם יש הרבה מוצרים שתופסים מקום משק אצי כדאי לקחת יותר מוצרים שתופסים קצת מהשק הזה.

היוריסטיקת המיון שלנו היא

$$\frac{value_{item}}{avg \left\{ \frac{weight_{item,sack}}{capacity_{sack}} \right\}}$$

כך, אם הערך של המוצר גבוה יותר, והמשקל הסגולי (הצפיפות) שלו גבוהה יותר, ההיוריסטיקה תהיה גבוהה יותר ונבחר אותו מוקדם יותר במיון ובעץ החיפוש.

```
let runSorted alg upperBoundFunc (problem : KnapsackProblem) =  
  let itemHeuristicValue (item : Item) =  
    let avgConstraint =  
      problem.Knapsacks |> Array.averageBy (fun k ->  
        let cons = double <| item.ConstraintOf k  
        let capacity = double <| k.Capacity  
        cons / capacity)  
      (double item.Price) / avgConstraint  
  
  let sortedItems = problem.Items |> Array.sortByDescending (itemHeuristicValue)  
  let newProblem = KnapsackProblem(problem.Name, sortedItems,  
    problem.Knapsacks, problem.Optimal)  
  runAlg alg upperBoundFunc newProblem
```

המיון משפר בהרבה מאוד גם את הDFS וגם את הBFS.

ללא המיון האלגוריתם היה מוצא בערך 50% מהפתרון האופטימלי, ועם מיון אנחנו מוצאים 100% מהפתרון האופטימלי בבעיית הSENTO1 בשנייה אחת.

Branch & Bound Analysis

השוואה בין DFS וBFS (המורכב לרוחב)

BFS יותר טוב מDFS רק כאשר אנו לא משתמשים בSorting, ובמקרים אלה, BFS ללא Sorting מגיע לתוצאות טובות מאוד, קצת פחות מאשר DFS/BFS עם Sorting.

השוואה בין Unbounded וFractional Upper Bound:

ישנו שיפור משמעותי מאוד באופן בלתי תלוי בשאר הקונפיגורציות.

בDFS Unsorted, השיפור בא לידי ביטוי בקפיצה מ9 בעיות שמגיעים אליהם לאופטימום אל 24 בעיות שמגיעים אליהם לאופטימום.

כמו כן בDFS Sorted, השיפור בא לידי ביטוי בקפיצה מ26 בעיות שמגיעים אליהם לאופטימום אל 34 בעיות שמגיעים אליהם לאופטימום.

השוואה בין Sorted וUnsorted:

ישנו שיפור מאוד משמעותי, באופן בלתי תלוי בשאר הקונפיגורציות.

בDFS Unbounded ישנה קפיצה מ9 ל26, ובDFS Fractional יש קפיצה מ24 ל34.

בBFS Unbounded ישנה קפיצה מ10 ל35 ובBFS Fractional ישנה קפיצה מ15 ל35.

סיכום תוצאות הניסויים עבור שניית ריצה אחת:

:DFS Unsorted Unbounded

- 100% מהאופטימלי: 9/55
- $>90\%$ מהאופטימלי: 27/55
- המינימום הוא 55% עבור PET7.

:DFS Unsorted Fractional

- 100% מהאופטימלי: 24/55
- $>90\%$ מהאופטימלי: 42/55
- רק 3 בעיות $<80\%$ מהאופטימלי, מינימום 64%: SENTO1, SENTO2, PET7

:BFS Unsorted Unbounded

- 100% מהאופטימלי: 10/55
- כל השאר מתפלגים אחיד עד ל50%

:BFS Unsorted Fractional

- 100% מהאופטימלי: 15/55
- כל השאר מתפלגים אחיד עד ל50%

הערה:

אם ניתן שנייה וחצי לBFS Unsorted, התוצאות יהיו כמעט כמו של הSorted בDFS וBFS, 34 בעיות עבורם מצאנו פתרון אופטימלי.

:DFS Sorted Unbounded

- 100% מהאופטימלי: 26/55
- כל השאר מעל 95%

:DFS Sorted Fractional

- 100% מהאופטימלי: 34/55
- כל השאר מעל 99%

:BFS Sorted Unbounded

- 100% מהאופטימלי: 35/55
- מעל 98%: 51/55
- כל השאר מעל 90%

:BFS Sorted Fractional

אותו הדבר כמו BFS Sorted Unbounded.

פתרון Multi-Dimensional Knapsack בעזרת המנוע הגנטי

ייצוג הבעיה: BitSet

לשם ייצוג פתרון לבעיה, מימשנו BitSet המייצג את החפצים שנבחרו.

כל הפעולות הגנטיות מבוצעות על BitSet זה.

הBitSet מיוצג ע"י מערך של Longים באורך 64 ביטים כל אחד.

Mating: One Point Crossover

מימשנו זאת בין BitSets ע"י Mask בבילוק של נקודת החציה ולקיחת הביטים המתאימים מאומץ, העתקת הבילוקים לפני נקודת החציה מאובילוקים אחרי נקודת החציה מץ, ולאחר מכן Trim.

Mutation:

מוטציה של ביט במיקום אקראי בBitSet, ולאחר מכן תיקון התוצאה – Trim.

איבר אקראי:

ייצוג Longים אקראיים (זוהי הפעולה הפרימיטיבית בPRNG שאחנו משתמשים בו: XorShift128+), וניקוי הביטים בבילוק האחרון, בהתאם לכמות הבילוקים המתבקשת. לאחר מכן מבוצע Trim.

Trim:

כל הפעולות הגנטיות יכולות לייצר גנים לא תקינים – שלא מקיימים את התנאים של כל השקים.

לשם כך, אנו עושים לאחר כל פעולה גנטית את הפעולה Trim:

- הוצא איבר אקראי מהפתרון.
 - אם הפתרון תקין בשק הנוכחי, עבור לשק הבא.
- בכך אנו משיגים שכל החפצים נכנסים לתוך כל השקים.

Fitness:

$$1 - \frac{\sum value}{Optimum \sum Value}$$

מטריקה: Hamming Distance

ממומש ע"י PopCount (ספירת הביטים הדולקים) על XOR של שתי BitSets.

Taken Items:

מעבר לייצוג דואלי – מערך של כל האינדקסים של האיברים שנלקחו לפתרון.

ממומש ע"י lowestBitSet מהיר על BitSet.

בנוסף, על מנת להימנע מהקצאות, אנו תמיד רושמים את התוצאה לתוך IntBuffer יחיד לכל ריצה / Thread.

המעבר לייצוג זה קריטי לשם פעולה יעילה של Trim – בחירת איבר אקראי מתוך כל האיברים שנבחרו לפתרון.

בנוסף זה תורם לחישוב קל של הערך הכולל של פתרון.

מימוש:

נציג את המימוש כמעט בכללותו, על מנת להדגים את כל מה שנדרש על מנת להוסיף בעיה חדשה למנוע הגנטי שפיתחנו.

1. ייצוג הבעיה:

```
case class Sack(capacity: Int, itemWeights: Array[Int])
case class MDKnapsackInstance(name: String, values: Array[Int],
                               sacks: Array[Sack], optimum: Int)
```

ומימוש של BitSet לשם ייצוג פתרונות אפשריים לבעיה:

```
public final class BitSet implements Serializable, Cloneable {

    private final long[] bits;
    public final int numBits;

    public BitSet(int numBits) {
        this.numBits = numBits;
        int numLongs = numBits >>> 6;
        if ((numBits & 0x3F) != 0) {
            numLongs++;
        }
        bits = new long[numLongs];
    }

    public BitSet(int numBits, long[] bits) {
        this.numBits = numBits;
        this.bits = bits;
    }

    public boolean get(int index) {
        return (bits[index >>> 6] & 1L << (index & 0x3F)) != 0L;
    }

    public void set(int index) {
        bits[index >>> 6] |= 1L << (index & 0x3F);
    }

    public void clear(int index) {
        bits[index >>> 6] &= ~(1L << (index & 0x3F));
    }
}
```

.2 Genetic:

מימוש כל הפעולות הגנטיות.

```
class GeneticMDKnapsack(instance: MDKnapsackInstance, rand: Random)
    extends Genetic[BitSet] {

    val itemsBuffer =
        new IntBuffer(instance.values.length)

    override def fitness(gene: BitSet): Double = {
        1 - instance.value(gene, itemsBuffer).toDouble / instance.optimum
    }

    override def score(gene: Gene[BitSet]): Double = {
        instance.value(gene.gene, itemsBuffer)
    }

    override def randomElement(rand: Random): BitSet = {
        val items = BitSet.randomBitSet(instance.values.length, rand)
        instance.trim(items, itemsBuffer, rand)
    }

    override def mate(x: BitSet, y: BitSet): BitSet = {
        val offspring = MDKnapsack.mate(x, y, instance, rand)
        instance.trim(offspring, itemsBuffer, rand)
    }

    override def mutate(items: BitSet): BitSet = {
        val i = rand.nextInt(instance.values.length)
        items.set(i)
        instance.trim(items, itemsBuffer, rand)
    }

    override def metric(): Metric[BitSet] = new Metric[BitSet] {
        override def distance(x: BitSet, y: BitSet): Double = {
            BitSet.hammingDistance(x, y).toDouble / x.numBits
        }
    }
}
```

מימושי הפעולות הגנטיות בפועל:

```
public static BitSet randomBitSet(int numBits, Random rand) {
    int numLongs = numBits >>> 6;
    if ((numBits & 0x3F) != 0) {
        numLongs++;
    }
    long[] bits = new long[numLongs];
    for (int i = 0; i < numLongs; i++) {
        bits[i] = rand.nextLong();
    }
    // Clear all the irrelevant bits in the last block.
    // For canonicity of representation.
    if ((numBits & 0x3F) != 0) {
        bits[numLongs - 1] &= (1L << (numBits & 0x3F)) - 1L;
    }
    return new BitSet(numBits, bits);
}

public int lowestBit() {
    int lowestBit = 0;
    for (int i = 0; i < bits.length; i++) {
        int index = Long.numberOfTrailingZeros(bits[i]);
        lowestBit += index;
        if (index != 64 && lowestBit < numBits) return lowestBit;
    }
    return -1;
}

// Crossover operation, @i being the number of bits of @x to be copied.
// The rest are from @y.
public static BitSet crossOver(BitSet x, BitSet y, int i) {
    if (x.numBits != y.numBits) {
        throw new IllegalArgumentException("The BitSets must have the same size");
    }
    int crossoverBlock = i >>> 6;
    int crossoverIndex = i & 0x1F;
    long bx = x.bits[crossoverBlock];
    long by = y.bits[crossoverBlock];
    long crossoverMask = (1 << crossoverIndex) - 1;
    long newCrossoverBlock = (crossoverMask & bx) | (~crossoverMask & by);
    long[] newBits = new long[x.bits.length];
    System.arraycopy(x.bits, 0, newBits, 0, crossoverBlock);
    newBits[crossoverBlock] = newCrossoverBlock;
    System.arraycopy(y.bits, crossoverBlock + 1,
        newBits, crossoverBlock + 1,
        y.bits.length - (crossoverBlock + 1));
    return new BitSet(x.numBits, newBits);
}

public static int hammingDistance(BitSet x, BitSet y) {
    if (x.numBits != y.numBits) {
        throw new IllegalArgumentException("The BitSets must have the same size");
    }
    int distance = 0;
    for (int i = 0; i < x.bits.length; i++) {
        distance += Long.bitCount(x.bits[i] ^ y.bits[i]);
    }
    return distance;
}
```

מימוש הפעולות: Trim & Taken Items

```
public static void takenItems(BitSet items, IntBuffer takenItemsBuffer)
{
    takenItemsBuffer.clear();
    BitSet cloned_items = items.clone();
    int i = cloned_items.lowestBit();
    while (i != -1) {
        takenItemsBuffer.add(i);
        cloned_items.clear(i);
        i = cloned_items.lowestBit();
    }
}

public static void trim(BitSet items, Sack[] sacks,
                        IntBuffer takenItemsBuffer,
                        Random rand) {
    // Trim to each sack at a time.
    for (Sack sack : sacks) {
        // Inside, because it changes,
        // and weightOfItems requires the correct one.
        takenItems(items, takenItemsBuffer);

        int[] itemWeights = sack.itemWeights();
        // Contains the correct values,
        // because we just calculated them w/ takenItems.
        int weightInSack = weightOfItems(takenItemsBuffer,
                                          itemWeights);
        int sackCapacity = sack.capacity();
        while (weightInSack > sackCapacity) {
            int dropIndex =

            takenItemsBuffer.get(rand.nextInt(takenItemsBuffer.size()));
            if (items.get(dropIndex)) {
                items.clear(dropIndex);
                weightInSack -= itemWeights[dropIndex];
            }
        }
    }
}
```


3. Genetic Metadata

לשם הוספת בעיה חדשה למנוע הגנטי יש לתת את הMetadata לבעייה, הכוללת את שם הבעיה, וערכי ברירת מחדל (אפשר גם להשמיט ולקבל את הערכים הרגילים, חובה לממש רק שם ואת הייצוג הפרמטרי לבעייה בgenetic).

```
class MDKnapsackMetadata(instance:MDKnapsackInstance) extends
GeneticMetadata[BitSet]{
  override def name: String = "Multi-Dimensional Knapsack"

  override def defaultMaxTime: Double = 2.0
  override def defaultPrintEvery: Int = 1000

  override def genetic: Parametric[Genetic[BitSet]] =
    Parametric.point {
      new GeneticMDKnapsack(instance, rand)
    }

  // To be overwritten to provide problem-specific defaults.
  override def intNamesDefaults: Map[String, Int] = Map(
    "Population Size" -> 216
  )

  override def intsNamesMax: Map[String, Int] = Map(
    "Population Size" -> 512
  )

  override def doubleNamesDefaults: Map[String, Double] = Map(
    "Elitism Rate" -> 0.34,
    "Gene Similarity Threshold" -> 0.025,
    "Local Optimum: Elitism Rate" -> 0.525,
    "Local Optimum: Hyper Mutation Rate" -> 0.52,
    "Local Optimum: Immigrants Rate" -> 0.074,
    "Local Optimum: Top Ratio" -> 0.064,
    "Mutation Rate" -> 0.624,
    "Top Ratio" -> 0.988
  )

  // Use Deduplication by default for MD-Knapsack.
  override def defaultEngine: Parametric[GeneticEngine] = {
    val normalGeneration = for {
      selectionStrategy <- topSelection
      mutationStrategy <- mutation
      elitism <- elitism
    } yield new Generation(selectionStrategy, mutationStrategy,
      Array(elitism), new DeduplicatedConstruction,
      fitnessMappings = Array())

    val localOptimaGeneration = for {
      selectionStrategy <- topSelection
      mutationStrategy <- hyperMutation
      elitism <- elitism
      immigrants <- randomImmigrantsElitism
    } yield new Generation(selectionStrategy, mutationStrategy,
      Array(elitism, immigrants), new DeduplicatedConstruction,
      fitnessMappings = Array())

    geneticEngine(geneSimilarity, normalGeneration, localOptimaGeneration)
  }
}
```

שיפור המנוע הגנטי

:Survival Selection

כעת ניתן לבחור כל תת קבוצה של $\{Elitism, Random Immigrants\}$.

ממומש כנגד ממשק של "שים גן חדש/ישן בדור הבא"

וזה מאפשר:

:Deduplication of Genes

מניעת כפילויות של גנים באוכלוסייה.

דבר זה היה מאוד קריטי עבור תוצאות טובות ב-MD-Knapsack, כמפורט באנליזה של MD-Knapsack, ללא Deduplication אנחנו לא מצליחים להגיע לפתרונות האופטימליים רוב הזמן.

בחירת מנוע ברירת מחדל Per בעייה:

אפשרנו לבחור מנוע גנטי ברירת מחדל הספציפי לבעייה.

לדוגמא עבור MD-Knapsack בחרנו להוסיף Deduplication, וב-Baldwin בחרנו מנוע פשוט ללא Features נוספים כגון התמודדות עם מינימום לוקאלי ועוד, בכדי לשחזר את הניסוי המקורי כמה שיותר.

:Meta Genetic Algorithm

עבור בעיית MD-Knapsack היה מאוד משמעותי היכולת של האלגוריתם המטא-גנטי לעשות אופטימיזציה גם כאשר לא מגיעים לפתרון אופטימלי:

אם הגענו לפתרון אופטימלי, ה-Fitness יהיה בטווח של $[0, 0.5]$ בהתאם לכמות הזמן שלקח להגיע לפתרון האופטימלי.

אם לא הגענו לפתרון האופטימלי, ה-Fitness יהיה בטווח של $[0.5, 1]$ בהתאם ל-Fitness שהאלגוריתם הגנטי מלמטה הצליח להגיע אליו בתום מכסת הזמן שלו.

בכך, האלגוריתם המטא-גנטי יכול לפעול למען שיפור ה-Fitness שניתן להגיע אליו, ובסופו של דבר מצליח להגיע לאופטימלי ולעבור את סף ה-0.5 הקריטי, ולשפר זמן התכנסות משם.

רעיונות להמשך

- ניתן לעשות Monte Carlo Tree Search על MD-Knapsack, על מנת לעשות חיפוש חכם יותר על מרחב האפשרויות במקום מעבר חסר ידע על העץ, וזה בצירוף Cutoffs שעשינו Branch&Bound.
- אנו חושבים ש-Simulated Annealing יכולה להיות גישה טובה מאוד לשם האלגוריתם ה-Meta Genetic.
- זיהוי אופטימום לוקאלי ע"י זיהוי חזרת אותו האופטימום בהרבה דורות שיפור מאוד, מאוד משמעותית את אחוזי תוצאות ההתכנסות ב-MD-Knapsack ($\sim 45\%$ ל-88% ב-PET7), אך מפאת מגבלת הזמן לא נצרך מימוש זה במעבדה 3 וגם בדו"ח. נעשה זאת בהמשך.

Genetic MD-Knapsack Analysis

עם Deduplication:

- מצאנו את האופטימום בכל הבעיות
- אך לא בכל ההרצות האינדיבידואליות של האלגוריתם הגנטי

רעיון הנובע מכך:

- ניתן להריץ כמה 'נישות' של האלגוריתם הגנטי – כמה הרצות נפרדות של האלגוריתם הגנטי, שניתן לקדם כל אחת מהן בדורות בנפרד (אפשר גם במקביל), ובכך להעלות את הסיכוי שבמסכת זמן ספציפית נקבל את הפתרון האופטימלי אם התכנסנו לאוכלוסייה טובה מתוך האקראיות לפחות באחד מההרצות.
- בנוסף ניתן לשתף גנים בין נישות וכו'.

אחוזי הצלחה:

- ל 41/55 מהבעיות יש 100% הצלחה – מגיעים לאופטימום בכל ההרצות.
- ל 7/55 מהבעיות יש >90% הצלחה.
- הבעיות הכי בעייתיות:
- SENTO2, HP2: 75% אחוזי הצלחה
- WEING7: 60% אחוזי הצלחה
- PET7: 45% אחוזי הצלחה

זמני ריצה בהרצות מוצלחות: (זמן התכנסות מקסימלי)

- עבור 34/55 מהבעיות: < 80 ms
- עבור 46/55 מהבעיות: < 180 ms
- לכל היותר 550 ms עבור הבעיות הבעייתיות

כאשר לא הגענו לפתרון האופטימלי

- הרוב המוחלט של הבעיות במרחק של פחות מ-0.5% מהאופטימלי
- לכל היותר במרחק של 2% מהאופטימלי
- 0.01% מרחק מהאופטימלי עבור WEING7

ללא Deduplication:

ישנן הרבה פחות בעיות עבורן משיגים 100% הצלחה.

בעיות רבות בטווח של 30%-60%

הבעיות הקשות, WEING7, PET7, SENTO2 הם באיזור של 1%-10% הצלחה.

הדבר נובע מכך שהגן של המינימום הלוקאלי מתחיל להתרבות, ונוצר מצב שהוא משתלט על רוב האוכלוסייה העליונה, ולא נותן הזדמנות בכלל לגנים אחרים להיכנס לרבייה.

שאלה 3 – סיכום תוצאות

תוצאות הניסויים על הבעיות בעזרת האלגוריתם הגנטי

מצאנו את הפתרון האופטימלי לכל הבעיות, אך לא תמיד.

לכן ניתחנו את אחוזי הצלחה – כמה ריצות מתוך כלל הריצות הצליחו להתכנס לאופטימום. בנוסף עקבנו אחר התוצאה שהגענו אליה בכישלונות, ומה המרחק שלהם מהפתרון האופטימלי.

ניתן זמן מקסימלי של שנייה אחת לכל בעייה. אך לפי מה שניתן לראות בעמודת Avg Success Timen, נתינת זמן נוסף לא תוביל להגעה לפתרון, כי אנחנו נכנסים למינימום לוקאלי שאנחנו לא מצליחים לצאת ממנו, למרות כל המנגנונים להתמודדות עם מינימום לוקאלי.

הטבלה המלאה עם נתונים נוספים מצורפת לדו"ח זה בפורמט csv.

הטבלה ממויינת לפי אחוזי הצלחה, ולאחר מכן ע"פ זמן ההתכנסות.

Problem name	Success Rate	Avg success time (ms)	Avg Success Iterations	Success Score	Avg Failure score	Avg Failure Percent of best
PET7	0.46	337.49	654.85	16537	16467	99.574
WEING7	0.6	527.33	769.22	1095445	1095354	99.992
WEING8	0.68	120.30	485.19	624319	619366	99.207
SENTO2	0.74	521.47	238.36	8722	8712	99.884
HP2	0.74	176.28	617.39	3186	3117	97.828
PET6	0.81	67.07	164.80	10618	10601	99.844
WEISH23	0.83	327.15	679.88	8344	8341	99.964
PB2	0.89	111.60	391.89	3186	3124	98.048
PB7	0.92	240.29	231.71	1035	1034	99.903
HP1	0.94	32.65	129.95	3418	3404	99.595
SENTO1	0.95	376.84	286.61	7772	7761	99.858
PB1	0.96	26.32	114.04	3090	3076	99.547
WEISH26	0.97	165.29	307.77	9584	9580	99.958
WEISH24	0.98	347.55	496.11	10220	10215	99.951
WEISH25	1	282.66	476.01	9939	9939	100
WEISH30	1	256.46	352.86	11191	11191	100
WEISH18	1	171.55	284.71	9580	9580	100
WEISH29	1	168.16	319.17	9410	9410	100
WEISH28	1	154.01	283.17	9492	9492	100
WEISH27	1	119.08	214.42	9819	9819	100
WEISH21	1	115.88	245.23	9074	9074	100
WEISH20	1	114.05	222.93	9450	9450	100
WEISH22	1	103.01	209.80	8947	8947	100
WEISH17	1	81.03	138.68	8633	8633	100
WEISH14	1	78.22	213.41	6954	6954	100

Problem name	Success Rate	Avg success time (ms)	Avg Success Iterations	Success Score	Avg Failure score	Avg Failure Percent of best
WEISH16	1	69.28	177.91	7289	7289	100
WEISH19	1	63.16	162.60	7698	7698	100
PB6	1	59.51	109.58	776	776	100
WEISH15	1	55.36	152.93	7486	7486	100
WEISH11	1	37.48	140.01	5643	5643	100
WEISH10	1	33.78	107.02	6339	6339	100
PB5	1	33.38	118.80	2139	2139	100
WEISH13	1	30.27	99.91	6159	6159	100
WEISH12	1	29.52	95.88	6339	6339	100
WEISH06	1	24.98	82.44	5557	5557	100
WEISH08	1	23.34	73.72	5605	5605	100
PET5	1	22.80	51.03	12400	12400	100
WEISH07	1	22.63	76.91	5567	5567	100
WEISH09	1	13.76	56.73	5246	5246	100
WEISH02	1	11.17	49.83	4536	4536	100
PET4	1	9.07	29.96	6120	6120	100
WEISH01	1	8.43	38.45	4554	4554	100
WEISH03	1	8.07	39.98	4115	4115	100
WEING6	1	7.77	55.68	130623	130623	100
WEING1	1	7.59	48.59	141278	141278	100
WEING2	1	6.98	50.64	130883	130883	100
WEING4	1	6.92	46.93	119337	119337	100
PB4	1	6.50	40.73	95168	95168	100
WEISH05	1	6.37	33.13	4514	4514	100
WEISH04	1	5.73	30.53	4561	4561	100
WEING5	1	5.69	47.11	98796	98796	100
WEING3	1	4.87	41.97	95677	95677	100
PET3	1	3.25	9.59	4015	4015	100
PET2	1	0.58	1.52	87061	87061	100

ניתוח הזמן והמקום של האלגוריתמים

Branch & Bound

האלגוריתם של Branch and Bound רץ בזמן אקספוננציאלי במקרה הגרוע – כמעט כל ה- 2^n האפשרויות לבחירות החפצים. כל שיש לנו זו היוריסטיקה שלפעמים עוזרת ולעיתים לא. מבחינת סיבוכיות מקום – באלגוריתם ה-DFS סיבוכיות המקום הינה $O(\#items)$ – כעומק עץ מרחב החיפוש, כלומר לינארי עם גודל הבעיה. לעומת זאת, עבור אלגוריתם ה-BFS, ניתן להגיע לסיבוכיות מקום אקספוננציאלית, מכיוון שאנחנו מפתחים חזית של פתרונות חלקיים, ובמקרה הגרוע ביותר החזית שלנו תתקדם לפי רמות, וכשנגיע לרמה לפני האחרונה, אנו מחזיקים את כל העלים, ומספר העלים שווה ל- 2^n . למרות זאת, במבחן המציאות האלגוריתם לא לקח יותר מדי מקום. ה-RAM שהתוכנית לקחה נותר סביר (לכל היותר 200MB כולל המקביליות $\times 4$).

אם כן, מבחינת סיבוכיות מקום – ה-DFS קומפקטי במקום בעוד שה-BFS עלול לתפוס כמות מקום אקספוננציאלית.

מבחינת סיבוכיות זמן – כל שיש בידינו זו היוריסטיקה. מדובר בבעיה NP קשה ולכן לא נצליח בבעיה כמו שלנו לפתור אותה היטב **תמיד** באופן דטרמיניסטי. הבעיה תיפתר במהרה עבור מקרים של מספר עצמים קטן, אך עבור מספר עצמים גדול – לא מובטח לנו פתרון טוב.

מדוע ה-BFS לא תמיד הרבה יותר טוב מ-DFS?
כאשר מדובר כבר בהיוריסטיקות טובות, ה-Gain שלנו מ-BFS קטן, אך המחיר שלו בזמן ריצה ובמקום גבוה מאוד ביחס ל-DFS, ולכן הכדאיות נמוכה יותר.

הגישות האלגוריתמיות של Branch & Bound אינם סקאלאביליים למדי. הם עשויים לקחת זמן ריצה אקספוננציאלי. לצורך שיפור ביצועים באה לטובתנו ההיוריסטיקה של ה-Bound וקטימת ערכים שערכם הפוטנציאלי כבר ידוע כלא מספיק – אך עדיין, זמן הריצה עשוי להישאר אקספוננציאלי, ובמקרים גדולים מספיק, ה-BFS וה-DFS פשוט לא יצליחו להתמודד עם הבעיה.

Genetic MD-Knapsack

סיבוכיות המקום של האלגוריתם קבועה, ותלויה רק בגודל האוכלוסיה שנבחר. זמן הריצה של האלגוריתם תחרותי מאוד, לכל היותר 550 ms לקבלת פתרון אופטימלי עבור קבוצת הבעיות הנתונה. הצלחנו לפתור את כל בעיות הדוגמא, שגודלם מגיע גם למעל 100 פריטים. לכן אנו מאמינים שגישה זו סקלבילית מאוד גם לגדלי בעיות גדולות יותר.

נתוני הניסויים עבור Branch & Bound

התוצאה הטובה ביותר שהאלגוריתם הגיע אליה תוך שנייה אחת

Name	Percent of Optimum							
	DFS not sorted Bounded	DFS not sorted Unbounded	DFS sorted Bounded	DFS sorted Unbounded	BFS sorted Bounded	BFS sorted Unbounded	BFS not sorted Bounded	BFS not sorted Unbounded
FLEI	100	100	100	100	100	100	100	99.21
HP1	99.53	99.09	99.53	99.53	98.1	98.45	98.51	98.51
HP2	94.41	87.76	99.34	99.09	93.44	94.19	97.96	97.96
PB1	99.48	99	99.48	99.48	98.45	98.45	97.73	97.73
PB2	94.41	91.81	99.34	99.09	93.44	94.19	97.96	97.96
PB4	100	100	100	100	100	100	100	100
PB5	100	100	100	100	100	100	100	100
PB6	98.2	98.2	100	100	90.59	90.59	90.46	90.46
PB7	80.58	80.58	100	100	99.03	99.03	95.17	95.17
PET2	100	100	100	100	100	100	100	100
PET3	100	100	100	100	100	100	100	100
PET4	99.84	99.84	99.84	99.84	99.84	99.84	99.84	99.84
PET5	99.84	93.55	99.84	99.84	99.84	99.84	99.84	99.84
PET6	98.11	75.61	99.48	99.46	98.55	98.55	99.34	99.34
PET7	66.17	55.43	99.57	99.18	98.95	98.95	98.01	98.01
SENT01	62.39	56.36	100	98.94	98.65	98.65	99.07	99.07
SENT02	79.63	77.72	100	99.99	99.71	99.71	97.58	97.58
WEING1	100	98.58	100	100	100	100	100	100
WEING2	100	97.35	100	100	100	100	100	100
WEING3	100	95.57	100	100	100	100	100	100
WEING4	100	99.69	100	100	100	100	100	100
WEING5	100	91.18	100	100	100	100	100	100
WEING6	99.7	96.74	99.7	99.7	99.7	99.7	99.7	99.7
WEING7	99.97	99.95	99.97	99.97	99.75	99.75	99.96	99.96
WEING8	91.81	80.92	99.48	99.48	96.83	96.83	90.49	93.43

Name	Percent of Optimum							
	DFS not sorted Bounded	DFS not sorted Unbounded	DFS sorted Bounded	DFS sorted Unbounded	BFS sorted Bounded	BFS sorted Unbounded	BFS not sorted Bounded	BFS not sorted Unbounded
WEISH01	100	100	100	100	100	100	100	100
WEISH02	99.54	99.54	99.54	99.54	99.54	99.54	99.54	99.54
WEISH03	100	100	100	100	100	100	100	100
WEISH04	100	100	100	100	100	100	100	100
WEISH05	100	100	100	100	100	100	100	100
WEISH06	100	91.4	100	100	100	100	100	100
WEISH07	100	92.99	100	100	100	100	100	100
WEISH08	100	90.88	100	100	100	100	100	100
WEISH09	100	73.39	100	100	100	100	100	100
WEISH10	100	87.14	100	100	100	100	100	100
WEISH11	100	91.62	100	100	100	100	100	100
WEISH12	100	86.07	100	100	100	100	100	100
WEISH13	100	88.24	100	98.85	100	100	100	100
WEISH14	96.61	84.27	100	100	100	100	100	100
WEISH15	99.63	62.73	99.63	99.06	99.63	99.63	99.63	99.63
WEISH16	100	81.7	100	100	100	100	100	100
WEISH17	100	88.01	100	99.9	100	100	100	100
WEISH18	82.6	78.18	99.93	99.53	99.93	99.93	99.5	99.5
WEISH19	93.27	77.1	100	98.39	100	100	97.25	98.44
WEISH20	94.81	76.24	100	99.66	100	100	100	100
WEISH21	96.46	74.13	100	98.5	100	100	100	100
WEISH22	84.56	69.93	99.8	99.56	99.8	99.8	99.68	99.68
WEISH23	89.02	73.32	100	95.41	100	100	99.62	99.62
WEISH24	83.23	76.86	100	98.91	100	100	100	100
WEISH25	96.5	75.33	100	99.71	100	100	100	100
WEISH26	87.46	64.16	100	98.23	100	100	100	100
WEISH27	85.18	65.23	100	100	100	100	100	100
WEISH28	87.97	66.53	100	96.28	100	100	100	100
WEISH29	88.51	66.78	100	96.29	100	100	99.64	99.64
WEISH30	87.94	67.44	99.96	98.61	99.96	99.96	99.96	99.96

זמן התכנסות של האלגוריתם לפתרון, לכל היותר שנייה אחת

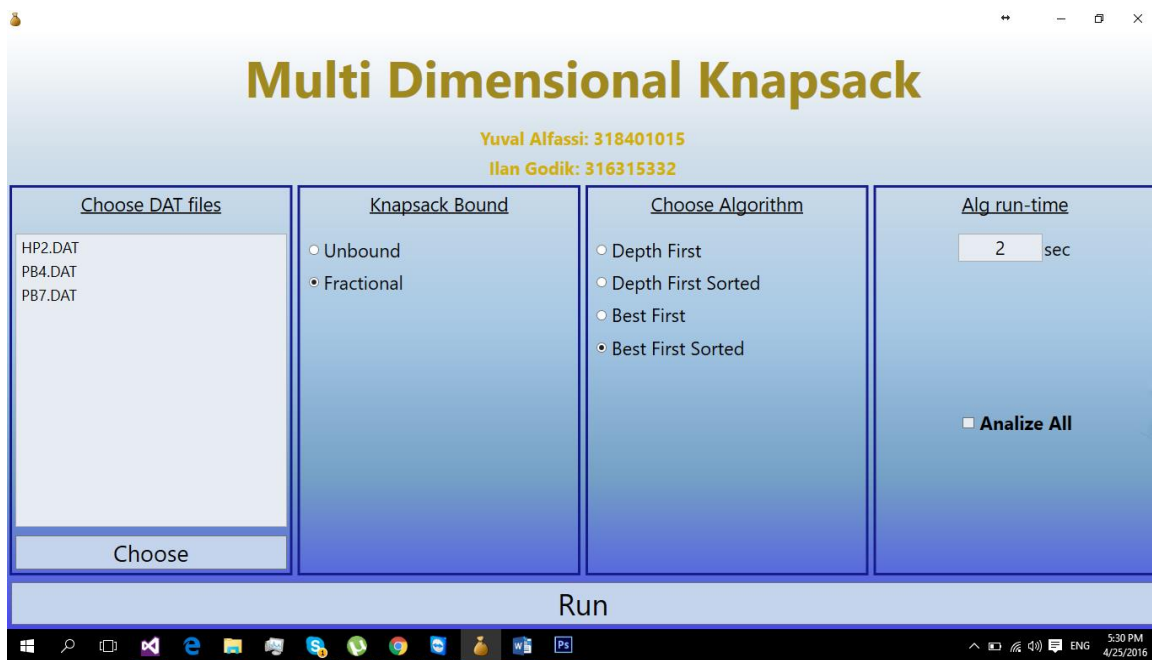
Name	Percent of Optimum							
	DFS not sorted Bounded	DFS not sorted Unbounded	DFS sorted Bounded	DFS sorted Unbounded	BFS sorted Bounded	BFS sorted Unbounded	BFS not sorted Bounded	BFS not sorted Unbounded
FLEI	0.281	0.417	0.125	0.154	0.353	0.129	0.832	FALSE
HP1	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE
HP2	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE
PB1	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE
PB2	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE
PB4	0.004	0.095	0.022	0.103	0.033	0.027	0.304	0.204
PB5	0.141	0.476	0.073	0.113	0.223	0.147	0.917	0.868
PB6	FALSE	FALSE	0.049	0.018	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE
PB7	FALSE	FALSE	0.23	0.6	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE
PET2	0.001	0.001	0.001	0	0.003	0.002	0.003	0.003
PET3	0.006	0.006	0.001	0.002	0.002	0.001	0.03	0.051
PET4	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE
PET5	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE
PET6	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE
PET7	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE
SENT01	FALSE	FALSE	0.589	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE
SENT02	FALSE	FALSE	0.887	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE
WEING1	0.081	FALSE	0.002	0.007	0.007	0.003	0.001	0.001
WEING2	0.214	FALSE	0.002	0.003	0.001	0.001	0.015	0.012
WEING3	0.051	FALSE	0.001	0.003	0.004	0.003	0.041	0.128
WEING4	0.04	FALSE	0	0	0.008	0.014	0.026	0.037
WEING5	0.043	FALSE	0.001	0.001	0.001	0	0.01	0.01
WEING6	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE
WEING7	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE
WEING8	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE

Name	Percent of Optimum							
	DFS not sorted	DFS not sorted	DFS sorted	DFS sorted	BFS sorted	BFS sorted	BFS not sorted	BFS not sorted
	Bounded	Unbounded	Bounded	Unbounded	Bounded	Unbounded	Bounded	Unbounded
WEISH01	0.016	0.223	0.001	0.001	0.016	0.008	0.088	0.235
WEISH02	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE
WEISH03	0.024	0.132	0.002	0.021	0.053	0.014	0.035	0.028
WEISH04	0.012	0.079	0.001	0.001	0.013	0.009	0.002	0.001
WEISH05	0.014	0.094	0.001	0	0.001	0.001	0.012	0.01
WEISH06	0.186	FALSE	0.009	0.023	0.096	0.071	0.502	0.475
WEISH07	0.146	FALSE	0.002	0.001	0.106	0.033	0.048	0.091
WEISH08	0.135	FALSE	0.002	0.001	0.043	0.025	0.103	0.057
WEISH09	0.058	FALSE	0.002	0.001	0.003	0.002	0.004	0.002
WEISH10	0.416	FALSE	0.006	0.043	0.004	0.003	0.835	0.777
WEISH11	0.334	FALSE	0.007	0.112	0.064	0.027	0.291	0.286
WEISH12	0.658	FALSE	0.003	0.01	0.004	0.002	0.666	0.501
WEISH13	0.456	FALSE	0.007	FALSE	0.053	0.027	0.494	0.282
WEISH14	FALSE	FALSE	0.004	0.002	0.006	0.003	0.406	0.306
WEISH15	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE
WEISH16	0.404	FALSE	0.006	0.027	0.114	0.421	0.424	0.304
WEISH17	0.391	FALSE	0.024	FALSE	0.008	0.006	0.637	0.139
WEISH18	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE
WEISH19	FALSE	FALSE	0.02	FALSE	0.195	0.121	FALSE	FALSE
WEISH20	FALSE	FALSE	0.013	FALSE	0.008	0.005	0.011	0.008
WEISH21	FALSE	FALSE	0.013	FALSE	0.008	0.005	0.94	0.994
WEISH22	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE
WEISH23	FALSE	FALSE	0.078	FALSE	0.277	0.322	FALSE	FALSE
WEISH24	FALSE	FALSE	0.189	FALSE	0.187	0.216	0.495	0.5
WEISH25	FALSE	FALSE	0.043	FALSE	0.22	0.182	0.447	0.523
WEISH26	FALSE	FALSE	0.069	FALSE	0.011	0.008	0.684	0.649
WEISH27	FALSE	FALSE	0.011	0.051	0.275	0.18	0.345	0.367
WEISH28	FALSE	FALSE	0.053	FALSE	0.023	0.008	0.018	0.013
WEISH29	FALSE	FALSE	0.212	FALSE	0.014	0.008	FALSE	FALSE
WEISH30	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE

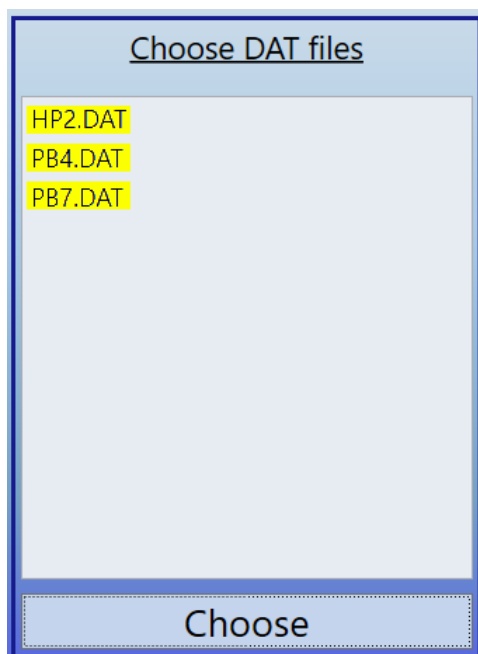
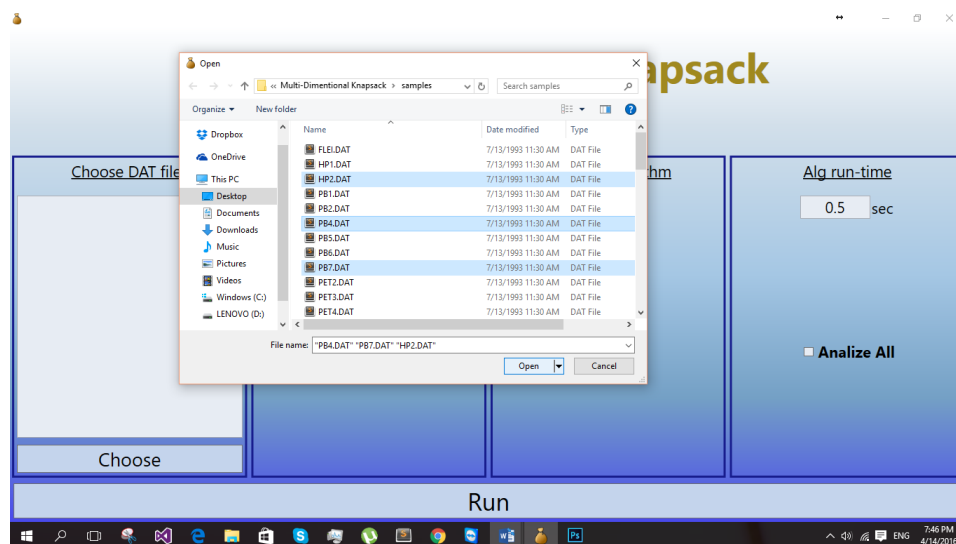
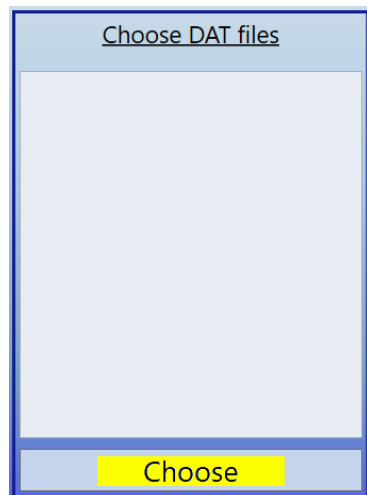
User Interface for Branch & Bound והוראות הרצה

מיקום תכנית ההרצה:

Name	Date modified	Type	Size
Arction.DirectX.dll	4/12/2016 1:51 AM	Application extens...	566 KB
FSharp.Charting.dll	4/12/2016 3:40 PM	Application extens...	485 KB
FSharp.Charting.pdb	4/12/2016 3:40 PM	Program Debug D...	490 KB
FSharp.Charting.xml	4/12/2016 3:40 PM	XML Document	180 KB
FSharp.Core.dll	6/19/2015 6:07 PM	Application extens...	1,471 KB
FSharp.Core.xml	6/19/2015 5:50 PM	XML Document	692 KB
GuiMDKnapsack.exe	4/14/2016 3:42 PM	Application	742 KB
GuiMDKnapsack.exe.config	4/14/2016 2:07 AM	XML Configuratio...	1 KB
GuiMDKnapsack.pdb	4/14/2016 3:42 PM	Program Debug D...	34 KB
GuiMDKnapsack.vshost.exe	4/14/2016 6:30 PM	Application	23 KB
GuiMDKnapsack.vshost.exe.config	4/14/2016 2:07 AM	XML Configuratio...	1 KB
GuiMDKnapsack.vshost.exe.manifest	10/30/2015 9:19 AM	MANIFEST File	1 KB
MDKnapsack.exe	4/14/2016 3:42 PM	Application	53 KB
MDKnapsack.pdb	4/14/2016 3:42 PM	Program Debug D...	76 KB
MDKnapsack.xml	4/14/2016 3:42 PM	XML Document	1 KB
Priority Queue.dll	4/12/2016 2:25 PM	Application extens...	12 KB
Priority Queue.pdb	4/12/2016 2:25 PM	Program Debug D...	28 KB



תחילה, יש לבחור קובץ/קבצי DAT להרצה ואנליזה המכילים בעיית multiple dimensional knapsack בפורמט שניתן:



לאחר מכן, יש לבחור פרמטרים להרצת הבעיה: האם לבחור היוריסטיקה של חסם על השק או היוריסטיקה של שק לא מוגבל, האם יש לעשות BFS, DFS והאם יש למיין, וכמו כן, כמה זמן מקצים לריצת כל אלגוריתם.

The screenshot shows a Windows desktop with a web browser displaying the "Multi Dimensional Knapsack" application. The interface is divided into four main sections:

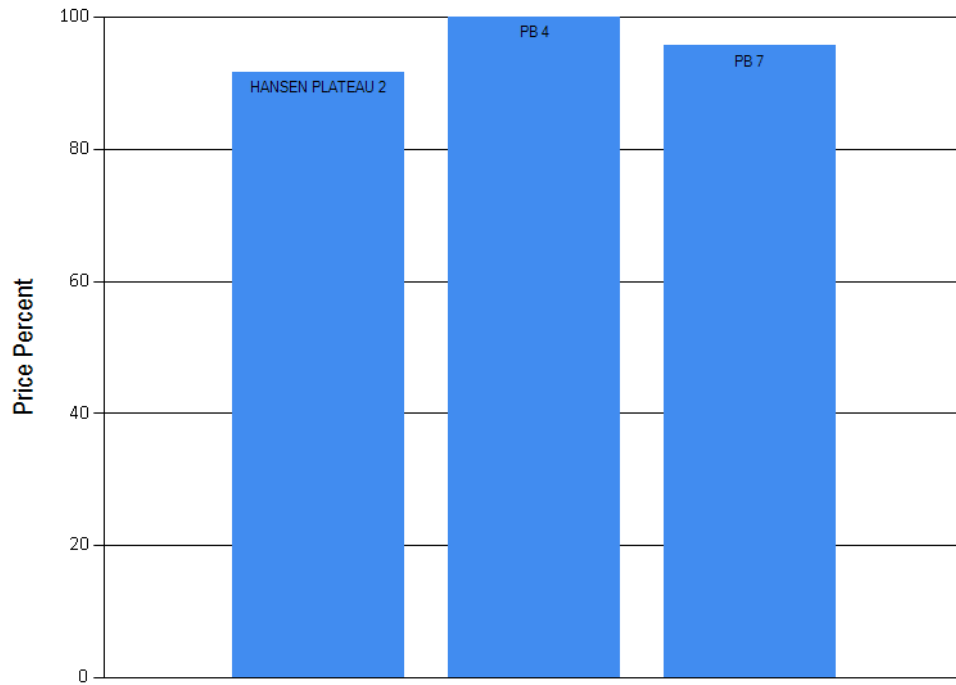
- Choose DAT files:** A list of files (HP2.DAT, PB4.DAT, PB7.DAT) with a "Choose" button below.
- Knapsack Bound:** Radio buttons for "Unbound" and "Fractional".
- Choose Algorithm:** Radio buttons for "Depth First", "Depth First Sorted", "Best First", and "Best First Sorted".
- Alg run-time:** A text input field containing "2" followed by "sec", and a checkbox labeled "Analyze All".

Below these sections is a large "Run" button. The Windows taskbar at the bottom shows the time as 5:11 PM on 4/25/2016.

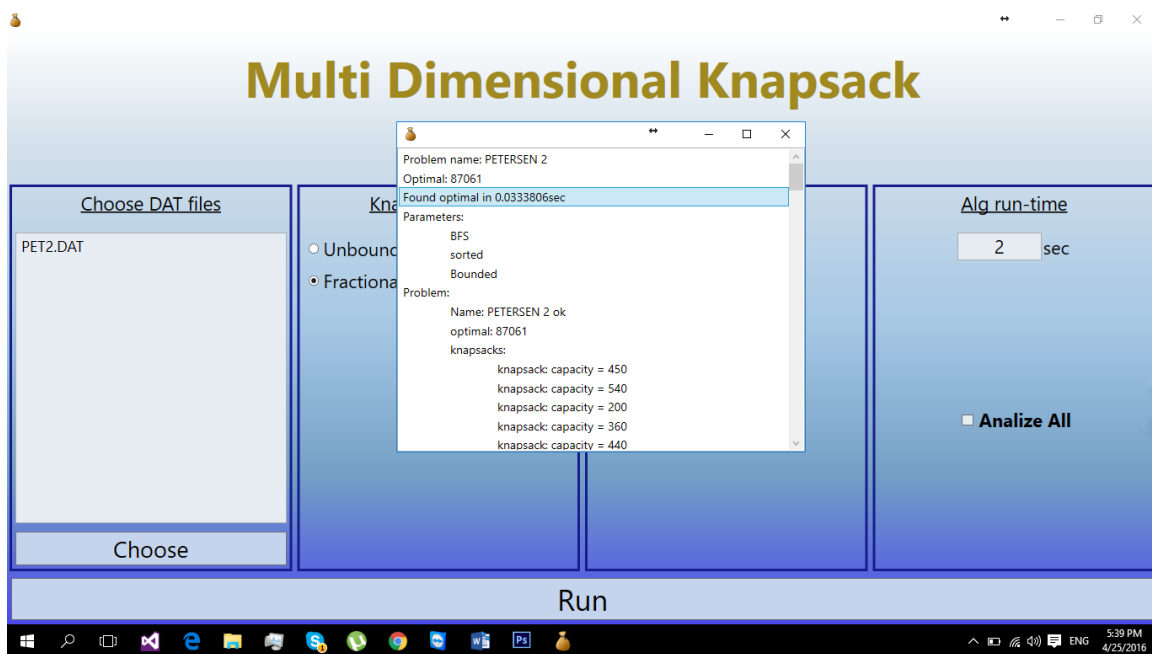
ואז להריץ:

A single rectangular button with the text "Run" in the center.

התוצאה: השוואה בין הבעיות מבחינת לאיזה אחוז מהפתרון האופטימאלי הם הצליחו להגיע.
 בדוגמא – עבור PB4 האלגוריתם הספיק להגיע בזמן שהוקצב לו לבערך 95% מהאופטימאלי,
 בעוד שעבור PB7 הגענו רק ל-80% מהאופטימאלי.



אם נריץ רק עבור קובץ DAT אחד, ניראה את המידע על הבעיה, מה הפיתרון המוצע שהגענו אליו – איזה מוצרים לקחת ואיזה לא:



בנוסף, על ידי לחיצה על Analyze all, תעשה אנליזה על קובץ ה-DAT הראשון שנבחר לפי כל קומבינציה אפשרית של פרמטרים לבעיה:

