

## Week eight report

J'ai fait un script python qui permet de récupérer les informations contenues dans les fichiers de sortie de Gctree : l'abondance dans le fichier .count et l'arborescence dans le fichier .nk. Ce script génère un fichier au format JSON avec toutes ces informations et permet de visualiser l'arbre avec l'abondance des clonotypes. Sur cette visualisation, j'ai changé la représentation des branches pour qu'elles soient linéaire cependant cela provoque un chevauchement des branches par endroit.

L'utilisateur peut également décider de cacher des niveaux de profondeur de l'arbre pour plus de lisibilité cependant il subsiste quelques problèmes concernant l'affichage des branches. Je travaille maintenant sur la sélection de plusieurs nœuds pour permettre l'affichage de leurs séquences.

Concernant la représentation circulaire, il est maintenant possible d'afficher l'arbre des clonotypes à droite lorsque l'on clique et il disparaît lorsque l'on retourne sur le répertoire des clones. Sur la page principale on peut visualiser un diagramme de l'abondance des clones en fonction d'un seuil déterminé par l'utilisateur.