### Архивация FASTQ файлов

Подгузов Никита Кравченко Дмитрий Бойкий Дмитрий

Руководитель: Пржибельский Андрей Дмитриевич

Санкт-Петербургский Академический университет

25 мая 2015 года

### Цели и задачи

• Задача: максимально сжать входной FASTQ-файл

### Цели и задачи

- Задача: максимально сжать входной FASTQ-файл
- Цели: изучить уже известные алгоритмы сжатия, придумать какие-то эвристики к ним

• Биологические данные, набор ридов — маленьких фрагментов длиной от 25 до 20000 символов, кусочков генома

- Биологические данные, набор ридов маленьких фрагментов длиной от 25 до 20000 символов, кусочков генома
- При считывании возможны ошибки

- Биологические данные, набор ридов маленьких фрагментов длиной от 25 до 20000 символов, кусочков генома
- При считывании возможны ошибки
- Состоит из блоков данных

#### Блок данных

```
@EAS54_6_R1_2_1_540_792
TTGGCAGGCCAAGGCCGATGGATCA
+
;;;;;;;;7;;;-;;;3;83
```

- Биологические данные, набор ридов маленьких фрагментов длиной от 25 до 20000 символов, кусочков генома
- При считывании возможны ошибки
- Состоит из блоков данных

### Блок данных

```
@EAS54_6_R1_2_1_540_792
TTGGCAGGCCAAGGCCGATGGATCA
+
;;;;;;;;7;;;-;;;3;83
```

• Большой размер входного файла (10 Mb – 100 Gb)



### Пути решения

Два типа алгоритмов сжатия:

### Пути решения

Два типа алгоритмов сжатия:

Оповарный метод

### Пути решения

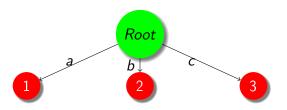
Два типа алгоритмов сжатия:

- Оповарный метод
- Метод энтропийного сжатия

• Тип: словарный

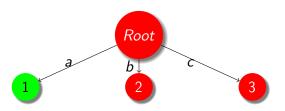
- Тип: словарный
- Для быстрого поиска ранее встреченных подстрок используется бор

s = abacaba



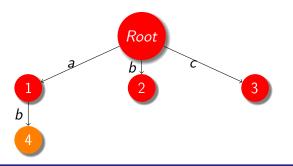
вывод

s = abacaba



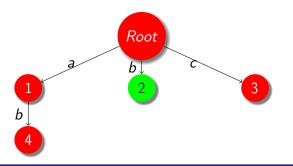
вывод

s = abacaba



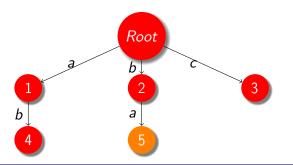
#### вывод

s = abacaba



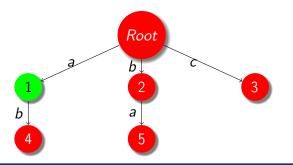
#### вывод

s = abacaba



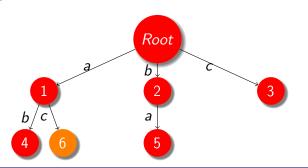
#### вывод

s = abacaba



#### вывод

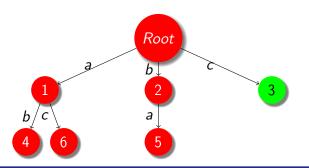
s = abacaba



#### вывод

1 2 **1** 

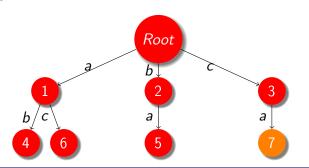
s = abacaba



вывод

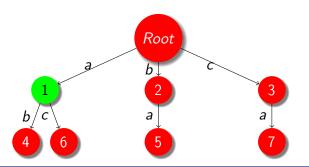
1 2 1

s = abacaba



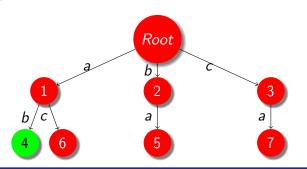
вывод

s = abacaba



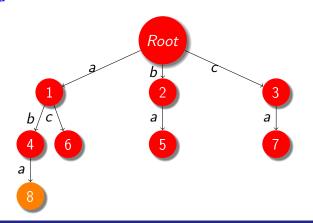
вывод

s = abacaba



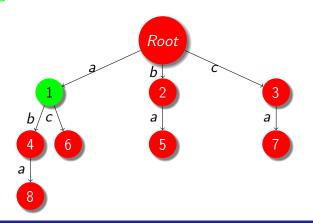
вывод

s = abacaba



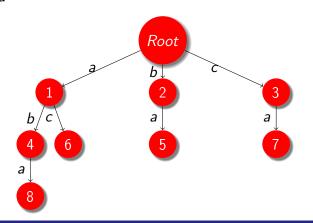
вывод

s = abacaba



вывод

s = abacaba



вывод

Проблема: из-за большого объема данных надо чистить бор Способы:

Оставить бор неизменяемым, как только заполнится первый раз

- Оставить бор неизменяемым, как только заполнится первый раз
- Полное очищение бора при его заполнении

- Оставить бор неизменяемым, как только заполнится первый раз
- Полное очищение бора при его заполнении
- 🗿 Множество, в котором хранятся встречаемости вершин.

- Оставить бор неизменяемым, как только заполнится первый раз
- Полное очищение бора при его заполнении
- Множество, в котором хранятся встречаемости вершин.
- Очищение какой-то части бора (например, 50%) при его заполнении

- Оставить бор неизменяемым, как только заполнится первый раз
- Полное очищение бора при его заполнении
- 🗿 Множество, в котором хранятся встречаемости вершин.
- Очищение какой-то части бора (например, 50%) при его заполнении
- Каждое константное количество шагов очищать бор на константное количество вершин

• Тип: частотный

- Тип: частотный
- Алгоритм

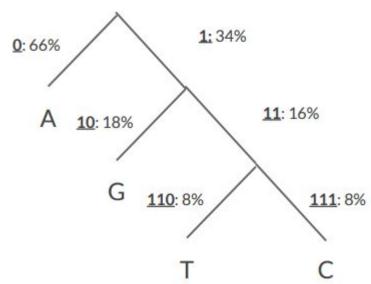
- Тип: частотный
- Алгоритм
  - Подсчёт встречаемости каждого символа

- Тип: частотный
- Алгоритм
  - Подсчёт встречаемости каждого символа
  - Построение дерева

# Алгоритм Хаффмана

- Тип: частотный
- Алгоритм
  - Подсчёт встречаемости каждого символа
  - Построение дерева
  - Сопоставление символов и кодов

# Алгоритм Хаффмана



• Разделение файла на 4 части

- Разделение файла на 4 части
- Применение разных алгоритмов к разным частям

- Разделение файла на 4 части
- Применение разных алгоритмов к разным частям
- Удаление ненужных веток в боре (алгоритм LZW)

- Разделение файла на 4 части
- Применение разных алгоритмов к разным частям
- Удаление ненужных веток в боре (алгоритм LZW)
- Кодирование разностей между Quality

Проект написан на C++ (Google Style)

- Проект написан на C++ (Google Style)
- Для удобства работы в команде использовался git

- Проект написан на C++ (Google Style)
- Для удобства работы в команде использовался git
- Тестирование на реальных данных (см. результаты ниже)

- Проект написан на C++ (Google Style)
- Для удобства работы в команде использовался git
- Тестирование на реальных данных (см. результаты ниже)
- Ссылка на исходники: https://github.com/SPbAU-BI1/FASTQ

# Результаты

Archiver	input file size (MB)	output file size (MB)	compression rate
our	63.50	20.65	0.31
gz	63.50	24.29	0.38
zip	63.50	24.29	0.38
rar	63.50	21.53	0.34
bzip2	63.50	19.10	0.30

Вопросы?