

人工智能技术与应用

第三章 监督学习

- 3.1 k近邻分类
- 3.2 回归分析
- 3.3 Logistic回归
- 3.4 支持向量机
- 3.5 决策树
- 3.6 集成学习
 - 3.6.1 集成学习
 - 3.6.2 Bagging
 - 3.6.3 随机森林
 - 3.6.4 Boosting
 - 3.6.5 硬投票与软投票
 - 3.6.6 处理不平衡数据集



回顾决策树

- 决策树非常容易过拟合,导致对新数据的泛化能力差
 - 一 拟合局部数据,而没有对整个数据分布的大局观。
 - 换一角度,可认为模型训练的是数据的一个子集。若用不同的训练子集, 训练出多个不同的树,聚合多个不同决策树的预测,泛化性能会提高吗?
- 通过组合多个学习器来提升泛化性能的技术称为**集成学习** (ensemble learning)。

3.6.1 集成学习 | 影响集成效果的因素

在两类问题中,假定训练了3个分类器(C_1,C_2,C_3),在三个测试样本中的表现如下图所示,其中 $\sqrt{$ 表示分类正确, \times 号表示分类错误,集成的结果通过多数投票机制产生。

	测试例1	测试例2	测试例3
$\overline{C_1}$			×
C_2	×	$\sqrt{}$	$\sqrt{}$
C_3	$\sqrt{}$	×	$\sqrt{}$
集成	$\sqrt{}$	$\sqrt{}$	

	测试例1	测试例2	测试例3
C_1	$\sqrt{}$		×
C_2	$\sqrt{}$	$\sqrt{}$	×
C_3	$\sqrt{}$	$\sqrt{}$	×
集成			×

	测试例1	测试例2	测试例3
C_1		×	×
\mathcal{C}_2	×	$\sqrt{}$	×
C_3	×	×	$\sqrt{}$
集成	×	×	×

(a) 集成提升性能

3个66.6%精度的不同分类器

(b) 集成不起作用

3个分类器没差别

(c) 集成起负作用

3个33.3%精度的不同分类器

表明: 集成个体好而不同, 效果好。

3.6.1 集成学习 | 影响集成效果的因素

1. 好而不同:

- **好** : 一定的 "准确性", 即个体学习器不能太坏。至少是泛化性能够高于随机猜测的**弱学习器**。
- 不同:要有"多样性",即个体学习器间要有差异,彼此错误不相关。当各学习器尽可能相互独立时,集成的效果最优。

2. 多样性:

• 使用不同的学习算法 (模型)

这会增加它们犯不同类型错误的机会, 从而提升集成的准确率。

• 在不同的训练集随机子集或特征子集上训练

可以是训练样本的随机子集,也可以是特征集合的随机子集,或两者都进行。

3.6.1 集成学习 | 集成学习分类

- 关键问题: 如何生成个体学习器? 怎样对它们进行集成?
- 根据个体学习器的生成方式, 集成学习大致分为两类:
 - ① 个体间不存在强依赖关系,可同时生成的并行化方法。

bagging法: 多个个体学习器独立进行学习的方法。

典型算法,如随机森林

② 个体间存在强依赖关系,必须 串行 生成的 序列化 方法。

boosting法: 多个个体学习器(常为弱学习器)依次进行学习的方法。

典型算法,如AdaBoost、梯度boosting中的XGBoost

3.6.2 bagging | bagging的基本思想

bagging (bootstrap aggregating) bootstrap聚合基本思想:

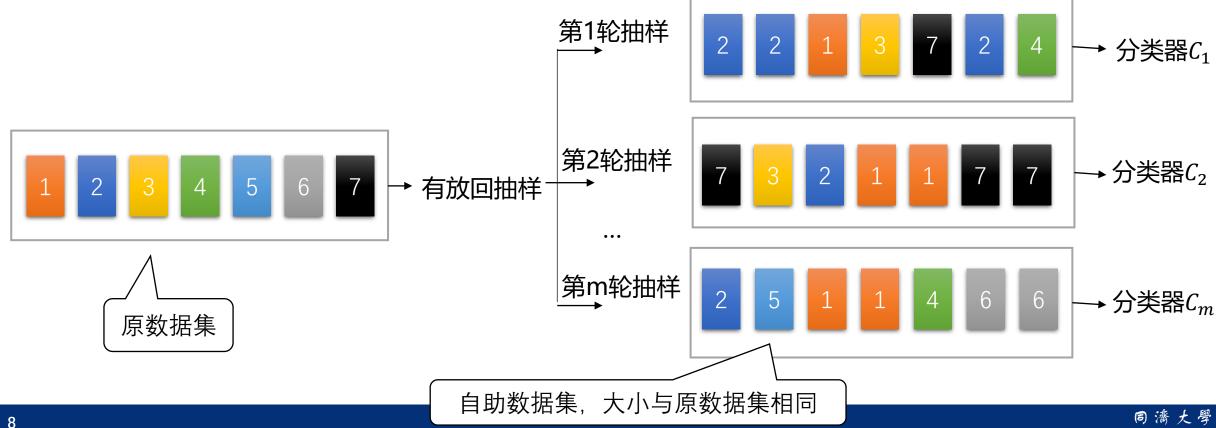
并行

为获得差异尽可能大的个体学习器(一般是同种类型),对训练集 随机采样得到不同的训练子集,分别训练出不同的个体学习器。然后, 聚合所有个体学习器的预测,对新样本做出预测。分类问题用投票法聚合,回归问题用平均法来聚合。

随机采样时将样本放回, 称为自助采样 (bootstrap)。基于自助采样的聚合集成, 称为bagging。若采样时样本不放回, 则称为pasting。

bagging 示例

有7个不同的训练样本(索引1~7)。在每轮bagging抽样中有放回地随 机抽取样本。然后用每个bootstrap样本集拟合一个分类器——通常是一 棵未经剪枝的决策树。



3.6.2 bagging | 自助采样

问题: 1000个样本的数据集,用自助法采样1000次,原数据集

中约有多少样本出现在采样集中?

回答: 大约有630个

假设初始数据集D中有n个样本,用**自助法**采样n次得采样集 D_i 。 D中有的样本在采样集 D_i 里多次出现,有的则从未出现。一个样本在n次采样中始终不被采到的概率为 $(1-\frac{1}{n})^n$,且

$$\lim_{n \to \infty} (1 - \frac{1}{n})^n = \frac{1}{e} \approx 0.368$$

多样性!

因此,初始数据集D中约有63.2%的样本出现在采样集 D_i 中。

3.6.2 bagging | 基本流程

bagging的基本流程:

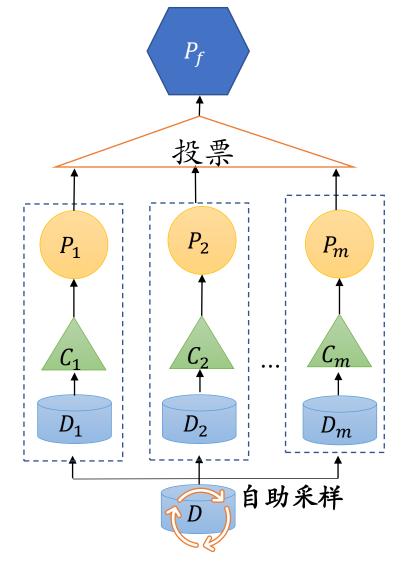
首先,对原训练集用bootstrap,获得m个自助数据集。

然后,用每个自助数据集 D_i 独立地训练个体学习器 C_i 。

最后,将新数据输入每个个体学习器,做出预测。最终**结果由多数投票**(分类)或取平均(回归)决定。

说明: 预先确定待训练的个体学习器数目, 如 m 个

优点: 所有个体学习器的训练和预测可以并行!



bagging在训练集的不同随机 样本上并行训练多个学习器

3.6.2 bagging | 特点

bagging特点:

- 个体学习器是同类型的
- 个体学习器不存在强依赖关系
- 并行化生成
- 自助采样法
- 算法时间复杂度低 训练一个bagging集成,与直接使用个体学习器的复杂度同阶。
- 从偏差-方差分解的角度看,bagging主要关注**降低方差**。 它在未剪枝的决策树、神经网络等易受样本扰动的学习器上效果更明显。

3.6.2 bagging | sklearn中的bagging

Sklearn.ensemble提供了BaggingClassifier 元估计器,可进行bagging集成分类。 也提供了BaggingRegressor用于回归。

参数:

- estimator: 个体学习器类型。默认None,此时个体学习器为决策树。默认^{未剪枝}
- n_estimators: 个人学习器数目, 默认10个。
- max_samples: 从X中抽取出多少样本用于训练每个个体分类器。若int,则是抽取的样本数目;若float,则抽取"max_samples*X.shape[0]"个样本。
- max_features: 从X中抽取出多少特征用于训练每个个体分类器。
- n_jobs: 用多少CPU内核进行训练和预测。默认为None,即1。-1表示使用所有可用内核。

例3.19 红酒分类

- (1) 下载并读取UCI红酒数据 https://archive.ics.uci.edu/ml/machine-learning-databases/wine/wine.data
- (2) 创建一个单棵决策树(不剪枝);再创建一个包含<mark>500个</mark>决策树分类器的 bagging集成分类器,每次随机<mark>自助采样80%</mark>训练样本,用<mark>所有CPU内核</mark>。
- (3) 在红酒数据上分别训练集成分类器、单棵决策树,比较两模型分类性能。

Data	columns (total 14 columns):		
#	Column	Non-Null Count	Dtype
0	Class label	178 non-null	int64
1	Alcohol	178 non-null	float64
2	Malic acid	178 non-null	float64
3	Ash	178 non-null	float64
4	Alcalinity of ash	178 non-null	float64
5	Magesium	178 non-null	int64
6	Total phenols	178 non-null	float64
7	Flavanoids	178 non-null	float64
8	Nonflavanoid phenols	178 non-null	float64
9	Proanthocyanins	178 non-null	float64
10	Color intensity	178 non-null	float64
11	Hue	178 non-null	float64
12	OD280/OD315 of diluted wines	178 non-null	float64
13	Proline	178 non-null	int64

例3.19 红酒分类 | 代码

(1) 下载并读取UCI红酒数据

```
import pandas as pd
df_wine = pd.read_csv('https://archive.ics.uci.edu/ml/machine-
learning-databases/wine/wine.data', header = None)
df wine.columns = ['Class label','Alcohol',
                    'Malic acid', 'Ash', 'Alcalinity of ash',
                   'Magesium', 'Total phenols', 'Flavanoids',
                   'Nonflavanoid phenols', 'Proanthocyanins',
                   'Color intensity', 'Hue',
                   'OD280/OD315 of diluted wines', 'Proline']
```

```
# 拆分数据
```

(2) 分别创建单棵决策树、bagging集成分类器

```
from sklearn.tree import DecisionTreeClassifier
from sklearn.ensemble import BaggingClassifier
tree = DecisionTreeClassifier(criterion = 'entropy',
                              random_state = 1,
                              max depth = None)
bag_clf = BaggingClassifier(estimator=tree,
                            n_estimators = 500,
                            max_samples = 0.8,
                            n_{jobs} = -1)
```

(3) 训练并评估两个模型

```
from sklearn.metrics import accuracy_score
bag_clf.fit(X_train,y_train)
tree.fit(X_train,y_train)
y_tree_pred = tree.predict(X_test)
y_bag_pred = bag_clf.predict(X_test)
print('决策树训练准确率',tree.score(X_train,y_train))
print('决策树测试准确率',accuracy_score(y_test,y_tree_pred))
print('bagging训练准确率',bag_clf.score(X_train,y_train))
print('bagging测试准确率',accuracy_score(y_test,y_bag_pred))
```

3.6.3 随机森林

随机森林 (Random Forest, 简称**RF**) 是个体学习器都为**决策树**的特殊bagging 算法, 其特殊之处在于<mark>拟合单棵树时也使用了特征集合的随机子集</mark>。

其算法有四步:

- 1. 使用自助法从训练数据集抽取n个样本。
- 2. 用上述抽取的样本训练一棵决策树。在每个节点上:
 - a. 不放回地随机选取d个特征。Scikit-learn中 $d = \sqrt{m}$,m是特征总数
 - b. 根据目标函数的要求, 例如最大信息增益, 选择最佳特征分裂节点。
- 3. 重复步骤1和步骤2 k次。
- 4. 给定一样本, 收集每棵树对该样本的预测标签, 投票决定最终预测标签。

随机选d个特征

随机抽n个样本

不需要所有特征来确定一个常点上的最佳划分特征。

3.6.3 随机森林 随机森林特点

随机森林特点:

- 随机采样样本和随机采样特征,得到多个不相关的单个决策树。
- 简单、容易实现、计算开销小(RF的训练效率优于bagging)。
- 在很多现实任务中展现出强大的性能,被誉为"代表集成学习技术水平的方法"。
- RF的收敛性与bagging相似。而随着个体学习器数目的增加,随机森林通常会收敛更低的泛化误差。

3.6.3 随机森林 | Scikit-learn中的随机森林分类器

sklearn.ensemble中提供了RandomForestClassifier估计器,是随机森林分类器。 也提供了RandomForestRegressor用于回归。

```
RandomForestClassifier(n_estimators=100, max_depth=None, max_features='sqrt', max_samples=None, min_samples_leaf=1, n_jobs=None, random state=None, ...)
```

参数:

- n_estimators: 森林中决策树的个数。int, 默认值100。通常树越多性能越好, 但计算成本也会增加。
- max_depth: 树深度。默认None, 表示不限制树的生长。
- max_features: 在每个节点上随机采样的特征数量。默认为sqrt(n_features)。
- max_samples: 若bootstrap为True,每个学习器训练时自助采样集的大小。默认None, 表示采样集大小为X.shape[0]。
- min_samples_leaf: 叶节点上允许的最小样本数。

属性: feature_importances_ 基于不纯度的特征重要性。

例3.19 红酒分类 (续1)

(4) 创建一个随机森林分类器,集成500棵树,令随机自助采样比为0.8,利用所有CPU内核来训练。评估其分类性能。

```
from sklearn.ensemble import RandomForestClassifier
rf_clf = RandomForestClassifier(n_estimators=500,
          max_samples = 0.8, n_jobs = -1, random_state=1)
rf_clf.fit(X_train,y_train)
y rf_pred = rf_clf.predict(X_test)
print('RF训练准确率',rf_clf.score(X_train,y_train))
print('RF测试准确率',accuracy_score(y_test,y_rf_pred))
```

RF训练准确率 1.0

3.6.4 boosting

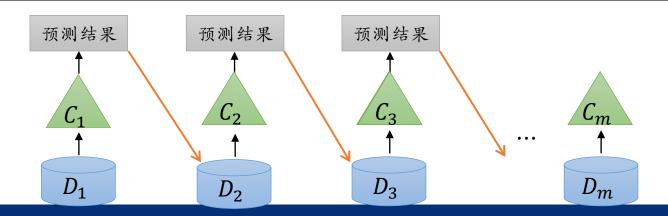
提升法(boosting)是一种依次训练多个学习器的集成学习技术,每个学习器都试图纠正前序学习器中的错误。

- 与bagging一样,boosting可用于任何监督学习算法。但在使用弱学习器作为个体学习器时,boosting最有效。弱学习器是指比随机猜测略好的预测模型,如决策树桩(是只有一个划分的决策树)。
- 根据纠正前序模型错误方式的不同, boosting分两类:
 - AdaBoost (Adaptive Boosting的简称)
 - 梯度boosting (Gradient Boosting)
- 从偏差-方差分解的角度看,boosting主要关注降低偏差。

3.6.4 boosting | AdaBoost的工作原理

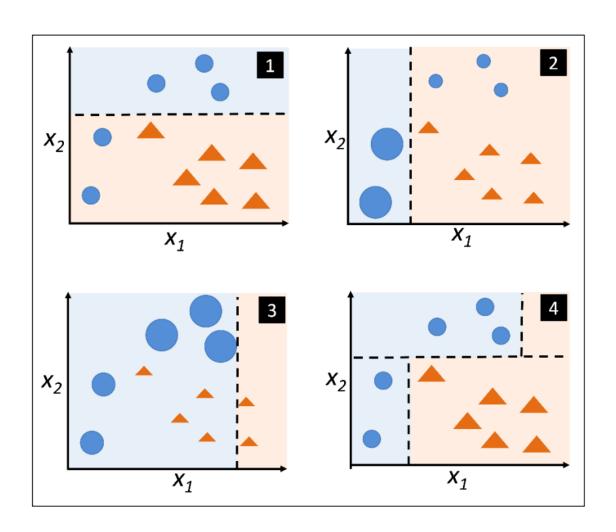
AdaBoost思想:新学习器对其<mark>前序学习器的纠正</mark>是通过更多地关注前序 学习器欠拟合的训练实例来实现的。

- 1. 先从原始训练集 D_1 训练出一个基学习器 C_1 ,并使用该基学习器对训练集进行预测。
- 2. <u>增加预测错误的训练实例的相对权重</u>,使得先前基学习器做错的训练样本在后续 受到更多关注。
- 3. 基于调整后的样本分布 D_2 (同 D_1 但调整了权重)来训练下一个基学习器 C_2 ;如此重复进行,直到基学习器数目达到事先指定的值m,最终将这m个基学习器进行m权组合。



缺点: 无法并行

AdaBoost 示例



一个两类数据集

- 1. 从图1开始,所有训练样本具有相同的权重。用该训练集训练**决策树桩**(决策边界为虚线),来对两类样本分类。有两个圆形样本被分错。
- 在图2中,对分错的两个圆形样本分配更大的权重, 并降低正确分类样本的权重。下一个决策树桩将更 关注具有较大权重的训练样本,即难分的训练样本。 图2训得的弱分类器(图2中虚线)把三个圆形样 本分错。
- 3. 随后这三个样本被赋予较大的权重,如图3,再训一个决策树桩(图3中虚线)。
- 4. 假设这里的AdaBoost仅含三轮的boosting。最后,通过加权多数投票机制,将三个在不同权重的训练 子集上训得的弱学习器组合起来。如图4所示。

3.6.4 boosting | Scikit-learn中的AdaBoost分类器

sklearn.ensemble中提供了多种用于分类和回归任务的boosting元估计器,

包括: AdaBoostClassifier、AdaBoostRegressor、GradientBoostingClassifier、GradientBoostingRegressor。

```
AdaBoostClassifier(estimator=None, n_estimators=50, learning_rate=1.0, random_state=None)
```

参数:

- · estimator: 基学习器。<mark>默认值的基学习器是用max_depth=1初始的决策树分类器</mark>。以是其^{他类型}
- n estimator: 终止提升的最大学习器个数。int, 默认50个。
- learning_rate: 学习率,用于调整每个分类器的贡献。float,取值[0.0,inf],默认值1。

创建一个基分类器是决策树的AdaBoost分类器clf, 提升到有50个分类器为止 from sklearn.ensemble import AdaBoostClassifier clf=AdaBoostClassifier(n_estimators=50,random_state=1)

例 3.19 红酒分类 (续2)

(5) 创建一个AdaBoost分类器,集成500棵树,令其基分类器为决策树桩。评估其分类性能。

```
from sklearn.ensemble import AdaBoostClassifier
ada_clf=AdaBoostClassifier(n_estimators=500,random_state=42)
ada_clf.fit(X_train,y_train)
y_ada_pred = ada_clf.predict(X_test)
print('AdaBoost树桩训练准确率',ada_clf.score(X_train,y_train))
print('AdaBoost树桩测试准确率',accuracy_score(y_test,y_ada_pred))
```

AdaBoost树桩训练准确率 0.9788732394366197 AdaBoost树桩测试准确率 0.916666666666666

3.6.4 boosting | 梯度提升法

梯度提升 (Gradient Boosting) 法

- 依次训练弱学习器来组合成一个强学习器,是一个序贯过程。
- 与AdaBoost非常相似,只是在纠正前序模型的错误方面不同。后续模型不是根据样本的分类准确性对样本进行权重调整,而是将损失函数梯度下降方向作为优化目标。
- 梯度boosting法中,树常比决策树桩深,最大深度通常为3~6。
- 一梯度boosting既可用于分类,也可用于回归。
- 最著名的XGBoost。常用的还有LightGBM和CatBoost。

3.6.4 boosting | sklearn中的梯度提升回归树

sklearn.ensemble中的**GradientBoostingRegressor**是用于回归的GB元估计器。它允许优化任意可微损失函数。GradientBoostingClassifier是用于分类的GB元估计器。

```
GradientBoostingRegressor(loss='squared_error',
    learning_rate=0.1, n_estimators=100, max_depth=3,
    n_iter_no_change=None, random_state=None,...)
```

参数:

- loss: *{'squared_error', 'absolute_error', 'huber', 'quantile'},*默认为*'squared_error',* 待优化的损失函数。
- learning_rate: *float, default=0.1* 学习率,调整每棵树的贡献。
- n_estimators: *int, default=100* 基回归器个数。较大通常会带来更好的性能。
- max_depth: int, default=3 单个回归器的最大深度。它限制了树中节点数。调整此参数以获得最佳性能。

属性: n_estimators_: int,通过提前停止选择的个体学习器数量(若n_iter_no_change 被指定). 否则为n_estimators.

例3.20 气温预测

(1) 读取温度数据weather.csv,对分类变量Description进行编码。 取其中Temperature_c为目标,其余为特征数据。

注意: 个体学习器为决策树时,序数编码效果好于one-hot编码。 单一特征序数编码可用LabelEncoder也可用OrdinalEncoder.

(2) 创建一个梯度提升回归器,包含1000个决策树,最大树深为4,学习率为0.1,连续10次没有提升就终止。

在温度数据上训练该回归器,输出其训练得分和测试得分。显示树数量。

例3.20 气温预测 | 代码

(1) 读取温度数据

```
import pandas as pd
from sklearn.preprocessing import LabelEncoder
df = pd.read_csv('weather.csv')
df['Description']=LabelEncoder().fit_transform(df['Description'])
```

```
# 随机打乱数据
from sklearn.utils import shuffle

df_shuffled = shuffle(df, random_state=42)

X = df_shuffled.drop('Temperature_c', axis=1) # 获取X

y = df_shuffled['Temperature_c'] # 获取y

from sklearn.model_selection import train_test_split

X_train, X_test, y_train, y_test = train_test_split(X, y, test_size=0.33, random_state=42)
```

例3.20 气温预测 | 代码

(2) 训练一个梯度提升回归模型

print(f"梯度提升树在训练集得分{GBTR.score(X_train,y_train):0.4f}")
print(f"梯度提升树在测试集得分{GBTR.score(X_test,y_test):0.4f}")

梯度提升树在训练集得分0.9026 梯度提升树在测试集得分0.8949

1 GBTR.n_estimators_ # 通过提前停止选择的树数量

3.6.4 boosting | XGBoost

- · 梯度boosting是一个序贯过程,训练慢。
- XGBoost (Extreme Gradient Boosting)
 - 是一个优化的分布式梯度提升库。高效、灵活、可移植。
 - XGBoost 提供了一种**并行树提升**,可以快速准确地解决许多数据科学问题。相同的代码在主要的分布式环境(Hadoop、SGE、MPI)上运行,可以解决超过数十亿个实例的问题。
 - 在完成多任务时性能表现良好,往往优于大多数其他监督学习算法。
 - 可以处理缺失值。从1.5版本开始,XGBoost的Python包支持特征是分类变量。
 - 有适用于Scikit-learn包的接口。https://xgboost.readthedocs.io/en/stable/python/index.html
 - 安装: pip install xgboost

3.6.4 boosting | XGBoost

适用于Scikit-learn的API主要有:

- xgboost.XGBRegressor 元估计器, 用于回归。
- xgboost.XGBClassifier 元估计器, 用于分类。



3.6.4 boosting | XGBoost

xgboost.XGBRegressor 元估计器,用于回归

XGBRegressor(n_estimators=**100**, gamma=0, learning_rate=0.3, max_depth=**6**, random_state=None,...)

参数• n_estimators: int, 梯度提升树的数目, 也是提升的轮次。默认100。• max_depth: int,基学习器的最大深度。默认6。• gamma: 节点用来改善损失函数 (MSE) 的最小划分量。gamma越大,算法越保守,可防止过拟合。• learning_rate:学习率,取值0~1,通常介于0.01~0.1。防止过拟合。较小的值通常更好,但模型训练需要更长时间。默认0.3。• booster: 指定基学习器,默认为'gbtree',可选'gblinear'(线性回归), 'dart'(带有dropout 的提升树)• subsample:每个决策树随机抽样的比例,设置为1即可使用训练集中的所有样本。默认为1。方法• <xgb模型名>.fit(X,y,eval_set=None)、<xgb模型名>.predict(X)、<xgb模型名>.score(X,y)• <xgb模型名>.save_model(文件名): 将模型保存为json文件。• <xgb模型名>.load_model(文件名): 从文件载入模型。属性• feature_importances_: 数组,形状 [n_features]。返回特征对决策的相对重要性。

例3.20 气温预测 (续)

- (3) 重新划分数据集,留出20%做测试,剩余80%中的20%做验证。
- (4) 创建一个XGBOOST回归器,包含<mark>1000个</mark>决策树,最大树深为6, 学习率为0.01,gamma为10。

训练并验证该回归器,观察验证损失。输出该模型的训练得分和测试得分。

- (5) 用横条图显示各个属性的相对重要度。
- (6) 以"weather_xgb.json"保存模型,以备后用。 加载模型,取测试集前4个样本,用该模型预测。

例3.20 气温预测 (续) | 代码

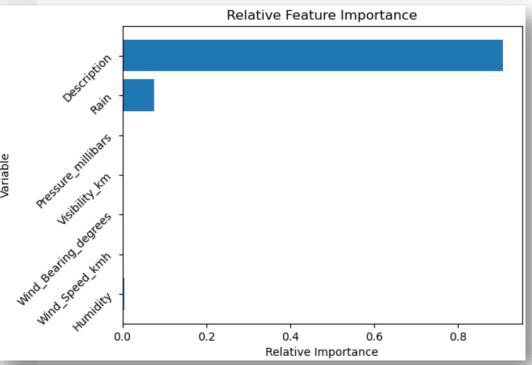
(3) 重新划分数据集,20%留作测试,剩余80%中的20%做验证

(4) 训练并验证XGBRegressor模型,输出测试集得分

```
import xgboost as xgb
xgbr = xgb.XGBRegressor(n_estimators=1000,
                       learning_rate=0.01,
                       gamma=10,
                       max_depth=6,
                       random state=42)
xgbr.fit(X_train, y_train, eval_set=[(X_val, y_val)])
print(f"xgboost在训练集得分{xgbr.score(X_train,y_train):0.4f}")
print(f"xgboost在测试集得分{xgbr.score(X_test,y_test):0.4f}")
           xgboost在训练集得分0.9291
           xgboost在测试集得分0.8986
```

(5) 画出属性相对重要度

```
import matplotlib.pyplot as plt
import numpy as np
n_features=X_train.shape[1] # 特征数目
plt.barh(range(n_features),
         xgbr.feature_importances_,
         align='center')
feature_names = X.columns
plt.yticks(np.arange(n_features),
           feature_names,
           rotation=45)
plt.title('Relative Feature Importance')
plt.xlabel('Relative Importance')
plt.ylabel('Variable')
plt.show()
```



(6) 保存模型到文件中

```
xgbr.save_model('weather_xgb.json')
```

加载被保存的模型,来预测数据

```
loaded_model = xgb.XGBRegressor()
loaded_model.load_model('weather_xgb.json')
y_pred = loaded_model.predict(X_test[:4])
print('预测结果:',y_pred)
```

预测结果: [11.760563 6.656265 -2.8080163 12.033995]

3.6.4 boosting | XGBoost

xgboost.XGBClassifier 元估计器,用于分类

参数	• n_estimators: int, 梯度提升树的数目,也是提升的轮次。默认100。 • max_depth: int,基学习器的最大深度。默认6。根据数据集规模,较大的值可能得到较好的效果。 • gamma: 节点用来改善损失函数 (MSE) 的最小划分量。gamma越大,算法越保守,可防止过拟合。 • booster: 指定基学习器,默认为'gbtree',可选'gblinear'(线性回归),'dart'(带有dropout 的提升树) • learning_rate:学习率,取值0~1,通常介于0.01~0.1。防止过拟合。默认0.3。 • subsample:每个决策树随机抽样的比例,设置为1即可使用训练集中的所有样本。默认为1。 • use_label_encoder: bool,将弃用,建议设为False。 • scale_pos_weight 当类高度不平衡时,很有用。可设为:负实例的和/正实例的和。默认为1 • eval_metric:在验证集上观察模型的性能指标。默认指标是根据目标函数选择(RMSE用于回归,Logloss用于分类)
方法	 <xgb模型名>.fit(X,y,eval_set=None)、 <xgb模型名>.predict(X)、 <xgb模型名>.score(X,y)</xgb模型名></xgb模型名></xgb模型名> <xgb模型名>.save_model(文件名): 将模型保存为json文件。</xgb模型名> <xgb模型名>.load_model(文件名): 从文件载入模型。</xgb模型名>
属性	• feature_importances_: 数组,形状 [n_features]。返回特征对决策的相对重要性。

例3.21 蘑菇类别预测

蘑菇数据集

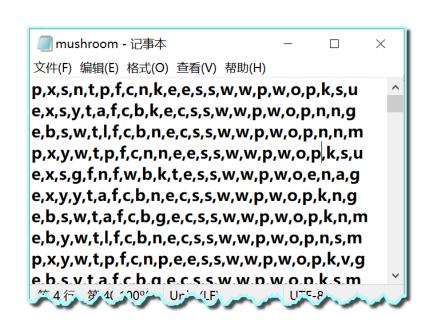
包含8124个样本,分两类(有毒p、无毒e),有22个特征,为菌盖颜色、菌盖形状、菌盖表面形状、气味、菌褶等。

下载网址: https://archive.ics.uci.edu/ml/datasets/Mushroom

比较RF、Adaboost、xgboost在蘑菇数据集上的表现

- (1) 用数据集的10%训练并测试RF、Adaboost、xgboost 3个集成模型, 分别输出RF和XGBoost的分类性能报告,并画出混淆矩阵。
 - (2) 画出Adaboost的验证曲线。

非数值的、取值为类型的分类变量,怎么处理? 在个体学习器为决策树的情况下,用标签编码



第一步: 数据预处理

读入数据文件(csv)后,进行预处理数据。

1) 对分类变量分别做编码转换

用sklearn.preprocessing的**OrdinalEncoder**。

2) 拆分成特征和标签。

载入数据

```
mushrooms=pd.read_csv('mushroom.data',header=None)
mushrooms.columns=['class','cap-shape','cap-surface','cap-
color','ruises','odor','gill-attachment','gill-spacing','gill-size','gill-
color','stalk-shape','stalk-root','stalk-surface-above-ring','stalk-surface-
below-ring','stalk-color-above-ring','stalk-color-below-ring','veil-
type','veil-color','ring-number','ring-type','spore-print-
color','population','habitat']
```

数据预处理

```
#序数编码
from sklearn.preprocessing import OrdinalEncoder
enc=OrdinalEncoder()
mushrooms_ = enc.fit_transform(mushrooms)
```

OrdinalEncoder() 用介于0和n_class-1之间的值对数据进行序数编码

拆分成特征和标签

X=mushrooms_[:,1:]

y=mushrooms_[:,0]

划分数据集,取出10%用于训练和验证模型

第二步: RF模型训练与评估

from sklearn.ensemble import RandomForestClassifier

RF = RandomForestClassifier(n_estimators=10,random_state=1)
RF.fit(X_train,y_train)

```
from sklearn import metrics
y_pred=RF.predict(X_test)
print('RF模型在测试集上的分类性能: ')
print(metrics.classification_report(y_test,y_pred))
```

RF模型在测试集	上的分类性能: precision	recall	f1-score	support	
0 1	1.00 1.00	1.00 1.00	1.00 1.00	3777 3535	
accuracy macro avg weighted avg	1.00 1.00	1.00	1.00 1.00 1.00	7312 7312 7312	

```
# 画出RF混淆矩阵
import matplotlib.pyplot as plt
import seaborn as sns;sns.set()
mat = metrics.confusion_matrix(y_test,y_pred)
sns.heatmap(mat,square=True,annot=True,fmt='d',cbar=False)
plt.xlabel('true label')
plt.ylabel('predicted label')
```

3777

3529

true label

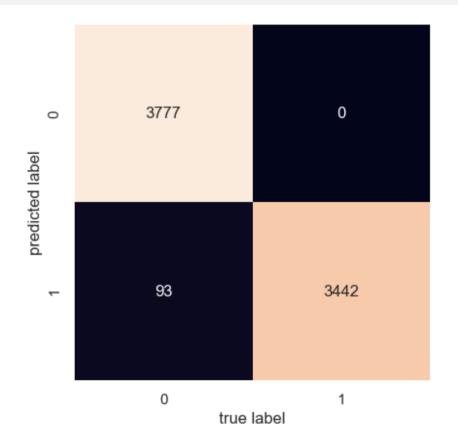
predicted label

第三步: XGBoost模型训练与评估

```
import xgboost as xgb
xgbc = xgb.XGBClassifier(n_estimators=1000,
                         learning_rate=0.01,
                         use_label_encoder = False,
                         gamma=10,
                         max_depth=4,
                         random_state=42)
xgbc.fit(X_train, y_train)
ypred = xgbc.predict(X_test)
print('XGBoost的分类性能报告\n',metrics.classification_report(y_test,ypred))
```

XGBoost的分类性能报告							
	precision	recall	f1-score	support			
0	0.98	1.00	3777				
1	1.00	0.97	0.99	3535			
accuracy			0.99	7312			
macro avg	0.99	0.99	0.99	7312			
weighted avg	0.99	0.99	0.99	7312			

```
# 函出XGBoost混淆矩阵
mat = metrics.confusion_matrix(y_test,ypred)
sns.heatmap(mat,square=True,annot=True,fmt='d',cbar=False)
plt.xlabel('true label')
plt.ylabel('predicted label')
```



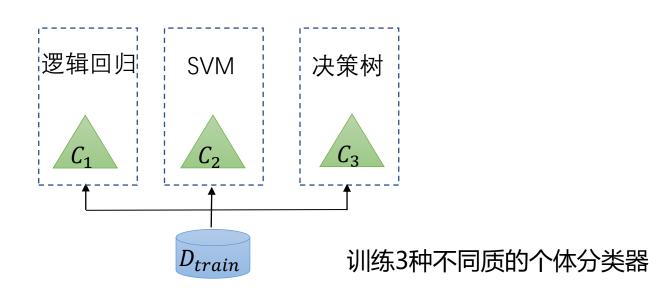
第四步: AdaBoost的模型验证

```
from sklearn.model_selection import validation_curve
from sklearn.ensemble import AdaBoostClassifier
import numpy as np
degree = [1,5,10,15] # 基分类器个数
train_score, val_score = validation_curve(AdaBoostClassifier(), X_train, y_train,
                               param_name='n_estimators',param_range=degree,cv=7)
plt.plot(degree,np.median(train_score,1),'b',label='AdaBoost training score')
plt.plot(degree,np.median(val_score,1),'r',label='AdaBoost validation score')
plt.legend(loc='best')
                                                      1.0
plt.ylim(0,1.01)
plt.xlabel('The maximum number of estimators')
plt.ylabel('score')
```

3.6.5 硬投票与软投票

思考:如果想为一个任务训练一个集成分类器,其中各个体分类器是不同质的,如逻辑回归分类器、SVM分类器、决策树分类器。如何集成呢?

最简单方法是聚合每个分类器的预测,将得票最多的结果作为预测类别。这种大多数投票分类器被称为**硬投票分类器**。若各分类器都能估算出类别的概率,可计算各类别概率之和,取和最大时的类别,则称为**软投票分类器**。



3.6.5 硬投票与软投票 | sklearn中的投票分类器

sklearn.ensemble提供了VotingClassifier类,实现了"软/硬投票分类器"。

VotingClassifier(estimators, voting='hard', ...)

参数:

- estimators:元组(str, estimator)的列表。调用该VotingClassifier的fit方法,将拟合那些原始估计器的克隆(存储在类属性self.estimators 中)
- voting: {'hard', 'soft'}, default='hard'。若 "hard', 则用各estimator预测的类标签。若 "soft",根据<mark>各estimator预测概率</mark>之和的 argmax, 作为集成预测的类标签。

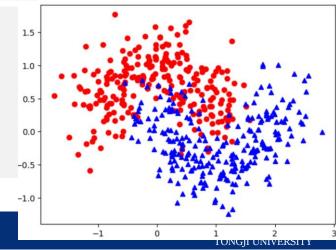
例3.22 投票分类器

为two moons数据集创建一个集成硬投票分类器和一个软投票分类器,个体分类器由1个逻辑回归分类器,1个SVM分类器,1个决策树分类器构成。比较集成前后、以及硬投票和软投票分类器的性能。

```
from sklearn.datasets import make_moons
from sklearn.ensemble import VotingClassifier
from sklearn.linear_model import LogisticRegression
from sklearn.svm import SVC
from sklearn.tree import DecisionTreeClassifier
```

X, y = make_moons(n_samples=500, noise=0.30, random_state=42)

```
colors = ["r", "b"]
markers = ("o", "^")
for idx in (0, 1):
   plt.plot(X[:, 0][y == idx], X[:, 1][y == idx],
        color=colors[idx], marker=markers[idx], linestyle="none")
```



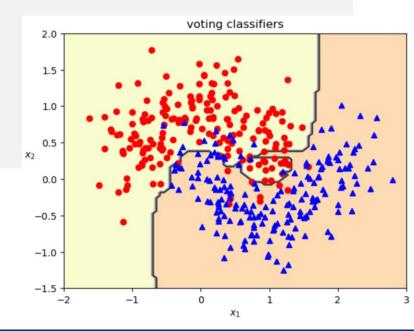
1.硬投票

分别输出个体分类器的分类准确率

for name, clf in voting_clf.named_estimators_.items(): print(name, "=", clf.score(X_test, y_test))

输出硬投票分类器的准确率 print('voting_clf =',**voting_clf.score**(X_test, y_test))

lr = 0.864
tree = 0.856
svc = 0.896
voting_clf = 0.904



```
# 2. 软投票

voting_clf.voting = "soft"

voting_clf.named_estimators["svc"].probability = True # 默认False, 此时SVC不启用概率估计

voting_clf.fit(X_train, y_train)

voting_clf.score(X_test, y_test)
```

0.912

通常,软投票法的表现比硬投票法更好。因为它给予那些高度自信的投票更高的权重。

3.6.6 处理不平衡数据集

处理不平衡数据集是机器学习领域中的一个常见问题, 存在多种优化策略:

1. 重采样技术:

- **过采样**:增加少数类样本的数量,可使用**SMOTE** (Synthetic Minority Oversampling Technique) 等技术合成新的少数类样本。
- **欠采样**:减少多数类样本的数量,可随机删除或使用如Tomek Links、ENN (Edited Nearest Neighbours)等策略选择性地删除样本。

2. 算法层面:

- **代价敏感学习**:在训练过程中为不同类别的样本赋予不同的误分类代价,使模型更加关注少数类样本。
- 集成学习:使用如随机森林、梯度提升树等集成方法,通过多个基学习器的组合来提高少数类的识别率。
- 3. 数据生成: 使用生成对抗网络(GAN)等技术合成与少数类分布相似的合成数据。

0 0 0

GA-SMOTE 算法

- **GA-SMOTE** (Genetic Algorithm Synthetic Minority Over-sampling Technique) 是一种结合了遗传算法(Genetic Algorithm, **GA**) 和**SMOTE** 的改进算法,用于处理不平衡数据集中的分类问题。通过遗传算法的选择、交叉和变异操作,来优化SMOTE算法生成的合成样本。
- 在GA-SMOTE算法中,首先使用选择操作来有区别地选择少数类样本。然后,通过交叉和变异操作来控制合成样本的质量。这种结合使得GA-SMOTE能够在合成样本的整体效果上表现得更好,有效提高分类算法在不平衡数据集上的分类性能。

GA-SMOTE 算法步骤

GA-SMOTE算法的主要步骤:

- 1. **选择**:从少数类样本中选择个体,以有区别的方式进行,确保多样性。
- 2. 交叉:通过交叉操作生成新的样本,这些样本是原有样本的组合。
- **3. 变异**:对生成的新样本进行变异操作,以引入新的遗传信息,增加样本的多样性。

1/4 import numpy as np
from sklearn.datasets import make_classification
from sklearn.neighbors import NearestNeighbors
from sklearn.model_selection import train_test_split
from sklearn.ensemble import RandomForestClassifier
from sklearn.metrics import classification_report

生成不平衡数据集

```
X, y = make_classification(n_classes=2, class_sep=2, weights=[0.1, 0.9], n_informative=3, n_redundant=1, flip_y=0, n_features=20, n_clusters_per_class=1, n_samples=1000, random_state=42)
```

#数据集划分为训练集和测试集

X_train, X_test, y_train, y_test = train_test_split(X, y, test_size=0.3, random_state=42)

2/4 # 简化版的GA-SMOTE算法框架

class GASMOTE:

```
def __init__(self, X_minority, k=5, N=2, pop_size=20, generations=10, cross_prob=0.8, mutation_prob=0.2):
    self.X_minority = X_minority # 少数类样本
    self.k = k # k近邻数量
    self.N = N # 采样倍率
    self.pop_size = pop_size # 种群大小
    self.generations = generations # 遗传代数
    self.cross_prob = cross_prob # 交叉概率
    self.mutation_prob = mutation_prob # 变异概率
    self.synthetic_samples = [] # 存储生成的合成样本
```

def fit(self):

```
# 初始化种群(这里简化为随机选择少数类样本作为初始种群)
# 遗传算法流程
return np.array(self.synthetic_samples) # 返回生成的合成样本
```

def fit(self): population = [self.X_minority[np.random.randint(0, len(self.X_minority))] for _ in range(self.pop_size)] # 初始化种群 for gen in range(self.generations): 3/4 selected_parents = [population[np.random.randint(0, self.pop_size)] for _ in range(self.pop_size)] # 选择操作 offspring = Π # 遗传算法流程 fit()详解 for i in range(0, self.pop_size, 2): #!交叉操作 parent1, parent2 = selected parents[i], selected parents[i+1] if np.random.rand() < self.cross prob: crossover point = np.random.randint(1, len(parent1)-1) child1 = np.concatenate((parent1[:crossover point], parent2[crossover point:])) child2 = np.concatenate((parent2[:crossover point], parent1[crossover point:])) offspring.extend([child1, child2]) else: offspring.extend([parent1, parent2]) for i in range(len(offspring)): if np.random.rand() < self.mutation prob: #!变异操作 mutation point = np.random.randint(0, len(offspring[i])) offspring[i][mutation_point] = np.random.rand() nn = NearestNeighbors(n neighbors=self.k) nn.fit(offspring) #使用SMOTE算法生成合成样本 for sample in offspring: distances, indices = nn.kneighbors([sample], return distance=True) nearest_neighbors = offspring[indices[0][0]] for in range(self.N): nn idx = np.random.randint(0, self.k) dif = nearest neighbors[nn idx] - sample gap = np.random.rand() synthetic_sample = sample + gap * dif self.synthetic samples.append(synthetic sample)

population = offspring # 更新种群 return np.array(self.synthetic_samples) # 返回生成的合成样本

4/4

```
#使用GA-SMOTE算法生成合成样本
gasmote = GASMOTE(X_{train}[y_{train} == 0], k=5, N=2, pop_size=20, generations=10)
synthetic_samples = gasmote.fit()
# 将生成的合成样本添加到训练集中
X_train_balanced = np.vstack((X_train, synthetic_samples))
y_train_balanced = np.hstack((y_train, [0] * len(synthetic_samples))) # 假设生成的合成样本都属于少数类
# 训练分类器并评估性能
clf = RandomForestClassifier(random_state=42)
clf.fit(X_train_balanced, y_train_balanced)
y_pred = clf.predict(X_test)
print(classification_report(y_test, y_pred))
```



集成学习:

- 集成学习是一种可应用于任何监督学习算法的技术。
- 当每个个体学习略优于随机猜测时,通常集成效果好于个体。
- bagging 利用自助采样训练模型,投票(或平均)聚合
- 随机森林 针对决策树的bagging实现
- boosting 依次训练弱学习器来组合成一个强学习器。
- XGBoost 高效的梯度boosting



8.1 预测泰坦尼克号幸存者

titanic数据共有两个文件:

- train.csv是训练集,样本类别(Survived)已标注;
- test.csv是测试集,无标注信息,是需要用你创建的模型来预测的数据。

Train.csv是892行(含表头)、12列的数据表。特征如下:

PassengerId	Survived	Pclass	Name	Sex	Age	SibSp	Parch	Ticket	Fare	Cabin	Embarked
乘客ID	1表示幸 存,0表示 遇难	舱位 等级	乘客姓名	乘客性别	乘客年龄	兄弟姐妹 同在船上 的数量	同船的 父辈人 数	乘客票号	乘客的体 热指标	乘客所 在的船 舱号	乘客登船的港口

1. 数据预处理

- 1) 提取Survived列的数据作为目标向量
- 2) 丢弃无用的特征数据{ 'Name ', 'Ticket', 'Cabin', 'Passengerld'}
- 3) 对数据进行转换
- 2. 用titanic 数据集train.csv,创建一棵预剪枝决策树(设置max_depth为4),评估该树,可视化这棵树。 用该树预测test.csv中的幸存者。
- 3. 创建随机森林分类器, 令n_estimators验证范围为[1,5,10,20,30,40,50,60,70,80,90,100], 计算训练得分和验证得分,并画出集成分类器的验证曲线。保存模型到文件中。



作业八 8.2 预测电信客户流失

根据电信客户信息(telco-churn.csv),建立一个模型,预测哪些客户会流失。 该数据来自IBM,包含多个字段:费用、使用期限、流量信息以及一个表明客户是 否会流失的变量(churn)等。

- (1) 读入数据,删去不必要的变量customerID
- (2) 将TotalCharges由字符串转换为数值。提示:
 data['TotalCharges'] = pd.to_numeric(data['TotalCharges'],errors='coerce')
 说明:若errors设为"coerce",无效的解析将设置为NaN。
- (3) 将所有分类变量进行有序编码。
- (4) 随机打乱数据。拆分出X, y。8:2 划分数据集为训练集和测试集。
- (5) 训练一个XGBoost模型,令其有1000棵树,学习率为0.01,max_depth=4,输出测试集的分类性能报告。保存模型为json文件。