df.plot(x ='date', y='Ecuador') In [13]: <AxesSubplot:xlabel='date'> Out[13]: 12500 Ecuador 10000 7500 5000 2500 0 -2500-5000-7500150 50 100 200 250 0 300 date Modelo basado en probabilidad Para realizar un estimacion del factor de crecimiento de los casos de Covid 19 en Ecuador calculamos la mediana, con esto obtenemo el valor medio de crecimiento de un conjunto de datos, con esto podemos obtener un factor de crecimiento o taza de crecimiento de los nuevos casos. filtro = df["Ecuador"][61:] # Filtro los datos que se empezo a tener cas In [14]: #Obtenemos la mediana media = filtro.mean() mediana = filtro.median() print(mediana) print(media) 670.0 709.6988847583643 De la ecuación de la recta y = mX + b nuestra pendiente «m» es el coeficiente y el término independiente «b» In [15]: #Vamos a comprobar: # según la media y la mediana podemos obtener la taza de crecieminto y p redicir su comportamiento. # Cargamos los datos de total de casos url = 'https://covid.ourworldindata.org/data/ecdc/total_cases.csv' df_t = pd.read_csv(url) FMT = '%Y - %m - %d'date = df_t['date'] df_t['date'] = date.map(lambda x : (datetime.strptime(x, FMT) - datetim e.strptime("2020-01-01", FMT)).days) df_t = df_t.loc[:,['date','Ecuador']] #Selecciono las columnas de analis is y = list(df_t.iloc [:, 1]) # Total casos x = list(df_t.iloc [:, 0]) # Dias #Realizamos un ejemplo de prediccion prediccion_siguiente = int(y[-1] + mediana) print(prediccion_siguiente) 191579 In [16]: # Quiero predecir cuántos "Casos" voy a obtener de aqui a 10 dias. for i in range(x[-1], x[-1]+10): x.append(i) y.append(int(y[-1] + mediana))plt.plot(x[61:], y[61:]) plt.show() 200000 175000 150000 125000 100000 75000 50000 25000 100 150 200 250 300 350 50 **Practica** 1. Comparar el modelo de predicion matematico vs probabilidad. 2. Retroceder un semana y comparar el modelo matematico vs probabilidad vs reales. Solo cargan los datos para generar los modelos menos 7 dias. **Modelo Polinomial** In [18]: df = pd.read_csv('ecuador-covid-data.csv').fillna(0) # poniendo datos na n a cero ndf= df.loc[(df['location'] == 'Ecuador') & (df['total cases'] != 0)] # filtrando por pais y no ceros ndf1=ndf[['date','total_cases']] x=np.arange(1,len(ndf1)+1,1, dtype='float') # arreglo de x lo creo para simular el numero del dia y el numero de casos y=np.array(ndf1.values[:,1], dtype='float') fun_pol = np.poly1d(np.polyfit(x, y, 4)) print(fun_pol) y_pred=fun_pol(x) plt.scatter(x, y) plt.plot(x, y_pred, c='black',lw=3) plt.show() $2.738e-05 \times -0.01672 \times +4.591 \times +186.9 \times -3242$ 175000 150000 125000 100000 75000 50000 25000 0 50 100 200 150 250 **Modelo Probabilistico** In [20]: xp = xyp = ydf_p = pd.read_csv('ecuador-covid-data.csv').fillna(0) # poniendo datos nan a cero df1_p= df_p.loc[(df_p['location'] == 'Ecuador') & (df_p['total_cases'] ! = 0)] # filtrando por pais y no ceros df2_p=df1_p[['date','total_cases']] media = df2_p.values[:,1].mean() mediana = np.median(df2_p.values[:,1]) # Quiero predecir cuántos "Casos" voy a obtener de aqui a menos 7 dias. for i in range(int(xp[-1]), int(xp[-1])): xp=np.append(xp,(i+1)) yp=np.append(yp,yp[-1] + mediana) #valorProbabilistico=y[319] plt.plot(xp, yp) plt.show() 175000 150000 125000 100000 75000 50000 25000 0 50 100 150 200 250 In [21]: plt.scatter(x, y) plt.plot(x, y_pred, c='gold',lw=3) for i in range(int(xp[-1]), int(xp[-1])): xp=np.append(xp,(i+1)) yp=np.append(yp,yp[-1] + mediana)valorProbabilistico=yp[234] plt.plot(xp[61:], yp[61:]) plt.show() 175000 150000 125000 100000 75000 50000 25000 0 50 100 150 200 250 Retroceder una semana para la comparacion de los modelos In [22]: $xp_7 = xp$ $yp_7 = yp$ for i in range(int(xp_7[-1]), int(xp_7[-1]-7)): $xp_7=np.append(xp_7,(i+1))$ $yp_7=np.append(yp_7,yp_7[-1] + mediana)$ inicio = $len(xp_7)-10$ fin=len(xp_7) for i in range(inicio,fin): dinin=y_pred[i] dfi=yp_7[i] real=y[i] ",real) Probabilistico Polinomial 158270.0 158729.35309380828 159614.0 159719.66631003536 160713.67807945036 161635.0 161711.44218307146 162178.0 162713.01305903812 163192.0 164908.0 163718.44580261086 164727.79616617138 166302.0 165741.12055922273 167147.0 166758.47604838907 168192.0 169194.0 167779.9203574156 167779.9203574156 Datos Hace 7 dias: 169194.0 169194.0 Analisis Al momento de analizar nuestros datos el modelo probabilistico no es el mas adecuado para hacer la prediccion debido a que realiza saltos mas grandes, mientras que el probabilistico el error es mas bajo ya que este se basa en un mediana de los datos. Conclusion Se puede ver que el modelo probabilistico existen un poco mas de error debido a que los datos se presentan de manera incierta y esto hace que la predicion se vea un poco afectada. El Modelo Polinomial es el que se aproxima mas a nuestra predicion. In []:

Covid-19 infección en Ecuador. Modelos

Implementacion de un modelo probabilistico de infección por el virus Covid-19

modelos para comprender mejor la evolución de la infección.

Importar las librerias para el analasis

from datetime import datetime,timedelta

from scipy.optimize import curve_fit

from scipy.optimize import fsolve

from sklearn import linear model

import matplotlib.pyplot as plt

from sklearn.metrics import mean_squared_error

0: UserWarning: loaded more than 1 DLL from .libs:

G62EMASZI6NYURL6JBKM4EVBGM7.gfortran-win_amd64.dll

LVVQ7VESDPUVUADXEVJOBGHJPAY.gfortran-win_amd64.dll

0.0

0.0

0.0

0.0

0.0

185.0

200.0

0.0

214.0

228.0

warnings.warn("loaded more than 1 DLL from .libs:\n%s" %

url = 'https://covid.ourworldindata.org/data/ecdc/new_cases.csv'

NaN

NaN

NaN

NaN

NaN

744.0

644.0

656.0

645.0

545.0

Expresar las fechas en numero de dias desde el 01 Enero

df = df.loc[:,['date','Ecuador']] #Selecciono las columnas de analasis

df['date'] = date.map(lambda x : (datetime.strptime(x, FMT) - datetime.s

Se realiza un análisis probabilistico simple del crecimiento de la infección en Python y el

Se crea modelos de series temporales del número total de personas infectadas hasta la

C:\ProgramData\Anaconda3\lib\site-packages\numpy_distributor_init.py:3

C:\ProgramData\Anaconda3\lib\site-packages\numpy\.libs\libopenblas.NOIJJ

C:\ProgramData\Anaconda3\lib\site-packages\numpy\.libs\libopenblas.PYQHX

World Afghanistan Albania Algeria Andorra Angola Anguilla

0.0

0.0

0.0

0.0

0.0

1133.0

1025.0

1085.0

NaN

2102.0

NaN

NaN

NaN

NaN

NaN

47.0

77.0

106.0

76.0

60.0

NaN

NaN

NaN

NaN

NaN

141.0

108.0

79.0

NaN

266.0

Antigua

Barbuda

NaN

NaN

NaN

NaN

NaN

0.0

0.0

0.0

0.0

0.0

and

NaN

NaN

NaN

NaN

NaN

1.0

0.0

1.0

0.0

0.0

fecha (es decir, las personas realmente infectadas más las personas que han sido

infectadas). Estos modelos tienen parámetros , que se estimarán por ajuste de

probabilisticos

probabilidad.

import pandas as pd

import numpy as np

%matplotlib inline

In [10]: # Actualizar los datos (URL)

df = pd.read_csv(url)

27

0

0

17

0

561704

649666

549900

616139

552296

trptime("2020-01-01", FMT)).days)

Ecuador

0.0

0.0

0.0

0.0

0.0

492.0

794.0

908.0

1396.0

1375.0

date

2019-

12-31

2020-

01-01

2020-

01-02

2020-

01-03

2020-

01-04

2020-

11-25

2020-

11-26

2020-

11-27

2020-

11-28

2020-

335 rows × 216 columns

FMT = '%Y - %m - %d'

date

-1

0

1

2

3

329

330

331

332

333

335 rows × 2 columns

date = df['date']

330

331

332

333

334

df

0

1

2

3

4

330

331

332

333

334

In [11]:

Out[11]:

df

Out[10]:

In [1]: